# 统计学与 R 语言

第 14 讲 描述性统计

张敬信

2022年4月9日

哈尔滨商业大学

1

## 一. (样本) 统计量

- 1. 数据位置的统计量
- (1) 均值 (Mean)

均值, 度量数据分布的中心位置:

$$\bar{x} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} x_i$$

#### (2) 中位数 (Median)

**中位数**,是位于最中间的那个数据,比中位数大和小的数据各占观测值的一半。 先将数据从小到大排序为:  $x_{(1)},\cdots,x_{(n)}$ ,然后计算:

$$x_{0.5} = \left\{ \begin{array}{ll} x_{\left(\frac{n+1}{2}\right)}, & n \text{ 为奇数} \\ \frac{1}{2} \left(x_{\left(\frac{n}{2}\right)} + x_{\left(\frac{n}{2}+1\right)}\right), & n \text{ 为偶数} \end{array} \right.$$

中位数的优点是具有稳健性,即不受个别极端数据的影响。一般来说,正态分布的数据用均值描述,偏态分布的数据最好是用中位数描述。比如,人均工资有被平均了的感觉,中位数工资才是更合适的中间收入。

#### (3) 分位数 (Quantile)

中位数是 0.5 分位数,位于 0.5 位置的数。

0.25 分位数, 称为下四分位数 (Q1), 是位于 0.25 那个位置的数, 即比它小的数占比是 0.25, 比它大的数占比是 0.75.

0.75 分位数, 称为上四分位数 (Q3).

更一般地,p **分位数**,是位于 p 位置的数,即比它小的数占比是 p,比它大的数占比是 1-p.或者说 np 的数比它小,n(1-p) 的数比它大。

#### (4) **众数** (Mode)

**众数**,是观测值中出现次数最多的数,对应分布的最高峰。众数常用于分类数据,即出现频数最高的值。

#### R 实现:

- mean(x): 计算数值向量 x 的均值
- median(x): 计算数值向量 x 的中位数
- quantile(x, p): 计算数值向量 x的 p分位数
- rstatix::get\_mode(x): 计算向量 x 的众数

## 2. 数据分散程度的统计量

(1) 极差 (Range)

极差, 就是数据中的最大值和最小值之差。

(2) 四分位距 (Interquartile Range)

四分位距, 是上下四分位数之差, 即

$$IQR=Q3-Q1$$

#### (3) 样本方差 (Variance)

$$s^2 = \frac{1}{n-1} \sum_{i=1}^n |x_i - \bar{x}|^2$$

注意,分母除的是 n-1, 这是为了保证用样本方差估计总体方差时,得到的是无偏估计。

这个 n-1 也是自由度,在统计学中,几乎所有方法、所有统计量都会涉及自由度。**自由度**,是计算样本统计量时能够自由取值的数值的个数。

总体方差公式(除以 n)时,是 n 个样本自由地从总体里抽取。但是样本方差公式时多了一个约束条件,它们的和除以 n 必须等于样本均值  $\bar{x}$ ,所以自由度n 减去 1 个约束条件对自由度的损失,等于 n-1.

不同统计方法的自由度都不一样,但基本原则是每估计 1 个参数,就需要消耗 1 个自由度。

以回归分析为例,若有 m 个自变量,则需要估计 m+1 个参数(包含截距项),所以模型的 F 检验用到的自由度是 n-(m+1). 这意味着只剩下 n-(m+1) 个可以自由取值的数值用来估计模型误差。

### (4) 样本标准差 (Standard Deviation)

样本方差的平方根即为标准差 8. 标准差的量纲与原数据一致。

#### (5) 变异系数 (Coefficient of Variation)

变异系数,是将标准差占均值的百分比,可用于比较不同量纲数据的分散性:

$$c_v = \frac{s}{\bar{x}} \quad (\%)$$

#### R 实现:

- max(x)-min(x): 计算数值向量 x 的极差
- IQR(x): 计算数值向量 x 的四分位距
- var(x): 计算数值向量 x 的样本方差
- sd(x): 计算数值向量 x 的样本标准差
- 100\*sd(x)/mean(x): 计算数值向量 x 的变异系数

### 3. 数据分布形状的统计量

(1) 偏度 (Skewness)

偏度,刻画数据是否对称的指标:

$$SK = \frac{n}{(n-1)(n-2)} \sum_{i=1}^{n} \left(\frac{x_i - \bar{x}}{s}\right)^3$$

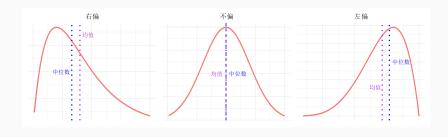


图 1: 数据的三种偏态

关于均值对称的数据不偏,其偏度为 0; 右拖尾的数据是右偏,其偏度为正; 左拖尾的数据是左偏,其偏度为负。

#### (2) 峰度 (Kurtosis)

#### 峰度, 刻画数据是否尖峰的指标:

$$K = \frac{n(n+1)}{(n-1)(n-2)(n-3)} \sum_{i=1}^{n} \left(\frac{x_i - \bar{x}}{s}\right)^4 - \frac{3(n-1)^2}{(n-2)(n-3)}$$

峰度是以标准正态分布为基准,标准正态分布的峰度为 0; 尖峰薄尾的分布峰度为正; 平峰厚尾的分布峰度为负。

datawizard 包提供了 skewness() 和 kurtosis()函数分别计算偏度和峰度。

• 很多包提供了同时对多个变量进行(分组)描述汇总所有常见统计量的函数,其中 tidy 风格的是 rstatix::get\_summary\_stats()和 dlookr::describe().

```
library(rstatix)
iris %>%
 group by(Species) %>%
 get summary stats(type = "full")
#> # A tibble: 12 x 14
q3
   <fct> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#>
#> 1 setosa Petal.Le~ 50 1 1.9 1.5 1.4 1.58 @
#> 2 setosa Petal.Wi~ 50 0.1 0.6 0.2 0.2 0.3 0
#> 3 setosa Sepal.Le~ 50 4.3 5.8 5 4.8 5.2 6
#> # ... with 9 more rows, and 2 more variables: se <dbl>, ci
```

## 二. 统计图

描述统计是从不同方面对数据做了概要,想要进一步了解和探索数据,离不开绘制统计图。不同类型的数据,适用不同类型的统计图。

### 1. 分类数据的统计图

(1) 条形图 (Histogram)

**条形图**是最常用的类别比较图,是用竖直(或水平)的条形展示分类变量的分布(频数),条形的高度代表频数。

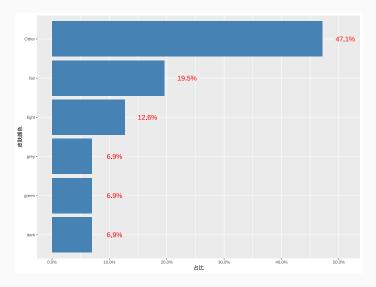
- geom\_bar(): 对原始数据绘制条形图
- geom\_col(): 对汇总频数/频率的数据用绘制条形图

### 以 starwars 数据集 skin\_color 绘制条形图为例:

- •用  $fct_{lump}()$  将频数  $\leq 5$  的类别做了合并
- 分组汇总, 计算各组频数和频率
- 绘制条形图,将分类变量 skin\_color 按频率做了因子重排序,实现了对"条形"排序
- 在条形旁边增加文字注释,标记该条形所占百分比
- 翻转坐标轴,变成水平条形图

```
df = starwars %>%
 mutate(skin_color = fct_lump(skin_color, n = 5)) %>%
 count(skin_color, sort = TRUE) %>%
 mutate(p = n / sum(n))
df
#> # A tibble: 6 x 3
#> <fct> <int> <dbl>
#> 1 Other 41 0.471
#> 2 fair 17 0.195
#> 3 light 11 0.126
#> # ... with 3 more rows
```

```
ggplot(df, aes(fct_reorder(skin_color, p), p)) +
  geom col(fill = "steelblue") +
  # 同 geom bar(stat = "identity")
  scale v continuous(labels = scales::percent) +
  labs(x = " 皮肤颜色", v = " 占比") +
  geom text(aes(v = p + 0.04,
               label = str_c(round(p*100,1), "%")).
            size = 5, color = "red") +
  coord flip()
```



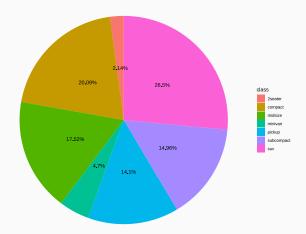
### (2) 饼图

**饼图**,是用每个扇形的圆心角大小表示每部分所量所占的比例,注意饼图很难去精确比较不同部分的大小。

Hadley 认为饼图可以通过极坐标变换得到,没有提供绘制饼图的几何对象, 另外从展示分类数据角度来说,饼图也不是一个好的选择。

#### • 提供一个绘制饼图的模板:

```
# 先准备绘制饼图的数据
piedat = mpg %>%
 group by(class) %>%
 summarize(n = n(),
          labels = str_c(round(100*n/nrow(.), 2), "%"))
piedat
#> # A tibble: 7 x 3
#> class n labels
#> <chr> <int> <chr>
#> 1 2seater 5 2.14%
#> 2 compact 47 20.09%
#> 3 midsize 41 17.52%
#> # ... with 4 more rows
```

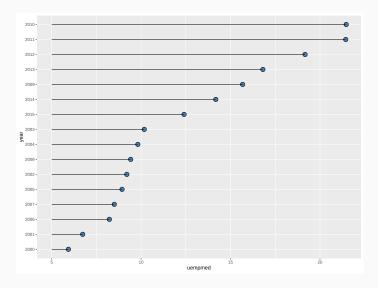


## (3) Cleveland 点图

x 轴是分类变量,每一类对应一个类均值或频数 (y 值),画一个原点;并根据 y 值大小对 x 轴类别排序。适合展示多类别之间的比较。

通常再做一次坐标翻转,横线可加可不加。

```
economics %>%
  group by(vear = lubridate::vear(date)) %>%
  summarise(uempmed = mean(uempmed)) %>%
  filter(year >= 2000) %>%
  ggplot(aes(reorder(year, uempmed), uempmed)) +
  geom point(size = 4, shape = 21,
             fill = "steelblue", color = "black") +
  geom segment(aes(xend = ..x.., vend = 5)) +
  xlab("year") +
  coord flip()
```



### 2. 连续数据的统计图

### (1) 直方图

连续数据常用直方图来展示变量取值的分布,利用直方图可以估计总体的概率密度。

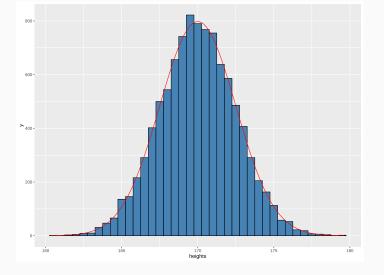
将变量取值的范围分成若干区间。直方图是用面积而不是用高度来表示数,总面积是 100%.每个区间矩形的面积恰是落在该区间内的百分数(频率),所以

矩形的高 = 频率/区间长度 = 密度

特别地,若区间是等长的,则"矩形的高"就是频率。注意: 直方图矩形之间是没有间隔的。

用 geom\_histogram()绘制直方图。频率直方图与概率密度曲线正好搭配,因为频率直方图的条形宽度趋于 0,就是概率密度曲线。

若想绘制频数直方图 + 概率密度曲线,就需要对密度做一个放大:条形宽度 \* 样本数倍。



注:若想在同一张图上叠加多个直方图,以对比分类变量不同水平的概率分布, 更适合用 geom\_freqpoly()绘制频率多边形图;函数 geom\_density()绘制核密度估计曲线。

#### (2) 箱线图

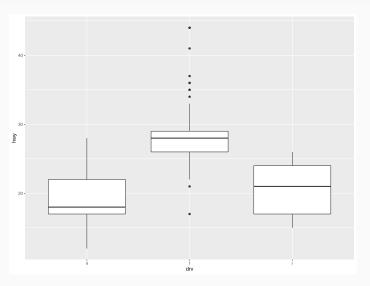
#### 箱线图, 是在一条数轴上:

- 以数据的上下四分位数 (Q1-Q3) 为界画一个矩形盒子 (中间 50% 的数据落在盒内);
- 在数据的中位数位置画一条线段为中位线;
- 默认延长线为盒长的 1.5 倍, 之外的点认为是异常值。

箱线图的主要应用就是,剔除数据的异常值、判断数据的偏态和尾重、可视化组间差异。

用 geom\_boxplot()绘制箱线图,例如比较不同 drv 下,hwy的组间差异:

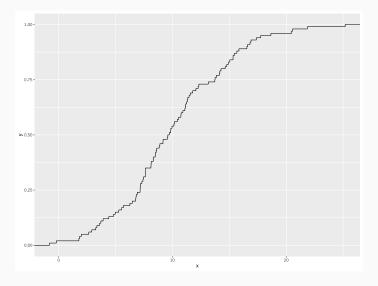
```
ggplot(mpg, aes(x = drv, y = hwy)) +
geom_boxplot() # 水平翻转加图层 coord_flip()
```



### (3) 经验累积分布图

经验累积分布函数,定义为小于等于 x 的数据点占总数据的比例。即若 x 是 第 k 大的观测值,则小于等于 x 的数据比例为 k/n.

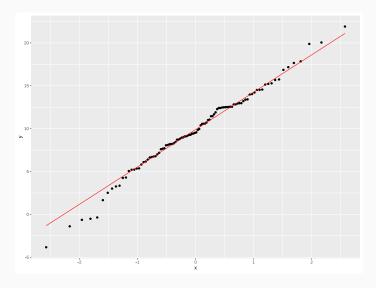
```
tibble(x = rnorm(100, 10, 5)) %>%
  ggplot(aes(x)) +
  stat_ecdf(geom = "step")
```



## (4) Q-Q **图**

判断数据是否近似服从正态分布,散点大体落在直线上,说明服从正态分布。

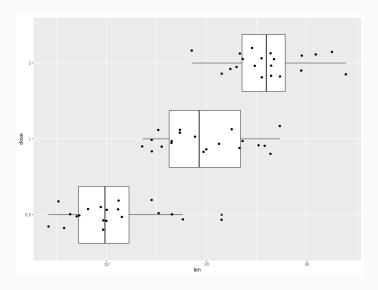
```
tibble(x = rnorm(100, 10, 5)) %>%
  ggplot(aes(sample = x)) +
  stat_qq() +
  stat_qq_line(color = "red")
```



## (5) 带状图

自变量是分类变量,对每一类下的连续变量绘制散点图 (在一条线上),再对散点加一个**抖散** (jitter):

```
ToothGrowth %>%
  mutate(dose = factor(dose)) %>%
  ggplot(aes(dose, len)) +
  geom_boxplot() +
  geom_jitter(position = position_jitter(0.2)) +
  coord_flip()
```



## 三. 列联表

对分类变量做描述统计,通常是计算各水平值出现的频数和占比,得到**列联表** (交叉表)。用 table()可以实现,但功能很弱还不够 tidy.

janitor 包提供了更强大的 tabyl()函数,可以生成一个、两个、三个变量的列联表,再结合 adorn\_\*()函数,可以很方便地按想要的格式添加行列合计、占比等。

• 一维列联表,添加合计行:

```
library(janitor)
mpg %>%
 tabyl(drv) %>%
                              #添加合计行
 adorn totals("row") %>%
                              # 设置百分比格式
 adorn pct formatting()
#>
     drv
          n percent
#>
      4 103 44.0%
      f 106 45.3%
#>
#>
      r 25 10.7%
#>
   Total 234 100.0%
```

• 二维列联表,添加列占比和频数

```
mpg %>%
 tabyl(drv, cyl) %>%
                                     #添加列占比
 adorn_percentages("col") %>%
                                     # 设置百分比格式
  adorn pct formatting(digits = 2) %>%
                                     #添加频数
 adorn ns()
#>
   dry
                           5
                                      6
                                                 8
#> 4 28.40% (23) 0.00% (0) 40.51% (32) 68.57% (48)
     f 71.60% (58) 100.00% (4) 54.43% (43) 1.43% (1)
#>
#>
     r 0.00% (0) 0.00% (0) 5.06% (4) 30.00% (21)
```

注: 三维列联表是针对 3 个分类变量, 结果就像多维数组的"分页"。

另外,还有很多包能将描述性统计、回归模型的结果变成规范的表格样式,代表性的是 gtsummary包;实验设计(表)在科研、生产中应用广泛,各种常用的实验设计,可以用 DoE.base包实现。

本篇主要参阅(张敬信, 2022), (冯国双, 2018), (贾俊平, 2018), (Chang, 2018), (Chang, 2018), 以及包文档, 模板感谢(黄湘云, 2021), (谢益辉, 2021).

# 参考文献

Chang, W. (2018). R Graphics Cookbook. O'Reilly, 2 edition.

冯国双 (2018). 白话统计. 电子工业出版社, 北京, 1 edition.

张敬信 (2022). R 语言编程:基于 tidyverse. 人民邮电出版社,北京.

谢益辉 (2021). rmarkdown: Dynamic Documents for R.

贾俊平 (2018). 统计学. 中国人民大学出版社, 北京, 7 edition.

黄湘云 (2021). Github: R-Markdown-Template.