

Introduction à R

Laurent Rouvière

21 mars 2023

Présentation du cours

Présentation

- **Enseignant** : Laurent Rouvière, laurent.rouviere@univ-rennes2.fr
 - **Recherche** : statistique non paramétrique, apprentissage statistique.
 - **Enseignement** : statistique et probabilités (Université, école d'ingénieur, formation continue).
 - **Consulting** : énergie (ERDF), finance, marketing, sport.

Présentation

- **Enseignant** : Laurent Rouvière, laurent.rouviere@univ-rennes2.fr
 - **Recherche** : statistique non paramétrique, apprentissage statistique.
 - **Enseignement** : statistique et probabilités (Université, école d'ingénieur, formation continue).
 - **Consulting** : énergie (ERDF), finance, marketing, sport.
- **Prérequis** : bases en programmation, probabilités et statistique.

Présentation

- **Enseignant** : Laurent Rouvière, laurent.rouviere@univ-rennes2.fr
 - **Recherche** : statistique non paramétrique, apprentissage statistique.
 - **Enseignement** : statistique et probabilités (Université, école d'ingénieur, formation continue).
 - **Consulting** : énergie (ERDF), finance, marketing, sport.
- **Prérequis** : bases en programmation, probabilités et statistique.
- **Objectifs** : comprendre et utiliser les outils R classiques en datascience, plus particulièrement en visualisation :
 - importer et assembler des tables, manipuler des individus et des variables.
 - calculer des indicateurs statistiques
 - visualiser des données

Documents de cours

- Slides disponibles à l'url

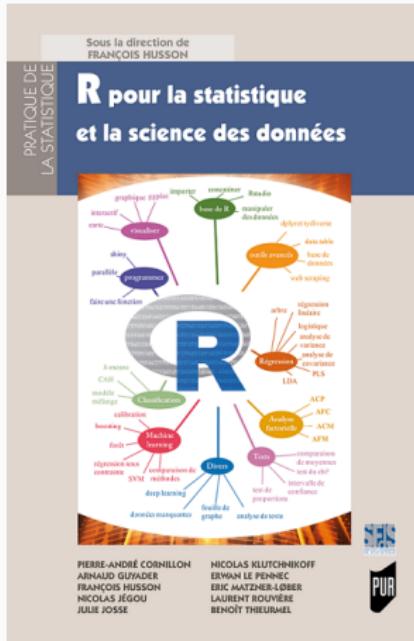
https://lrouviere.github.io/page_perso/visualisationR.html

Documents de cours

- **Slides** disponibles à l'url
https://lrouviere.github.io/page_perso/visualisationR.html
- **Tutoriel** : compléments de cours et exercices disponibles à l'url
https://lrouviere.github.io/TUTO_VISU_R/

Ressources

- Le **net** : de nombreux tutoriels
- Livre : **R pour la statistique et la science des données**, PUR



Pourquoi R ?

- De plus en plus de **données**, dans de plus en plus de **domaines** (énergie, santé, sport, économie....)
- La **science des données** contient tous les outils qui permettent d'**extraire de l'information** à partir de données. Elle comprend :

Pourquoi R ?

- De plus en plus de **données**, dans de plus en plus de **domaines** (énergie, santé, sport, économie....)
- La **science des données** contient tous les outils qui permettent d'**extraire de l'information** à partir de données. Elle comprend :
 - l'importation de données
 - la manipulation
 - la visualisation
 - le choix et l'entraînement de modèles
 - la visualisation de modèles (ils sont de plus en plus complexes...)
 - la restitution et la visualisation des résultats (applications web)

Pourquoi R ?

- De plus en plus de **données**, dans de plus en plus de **domaines** (énergie, santé, sport, économie....)
- La **science des données** contient tous les outils qui permettent d'**extraire de l'information** à partir de données. Elle comprend :
 - l'importation de données
 - la manipulation
 - la visualisation
 - le choix et l'entraînement de modèles
 - la visualisation de modèles (ils sont de plus en plus complexes...)
 - la restitution et la visualisation des résultats (applications web)

Remarque importante

- Toutes ces notions peuvent être réalisées avec **R**.
- **R** (data scientits) et **Python** (informaticiens) font partie des outils les plus utilisés en sciences des données.

Quelques mots sur R

- R est un logiciel libre et gratuit.

Quelques mots sur R

- R est un logiciel libre et gratuit.
- Il est distribué par le CRAN (Comprehensive R Archive Network) à l'url suivante : <https://www.r-project.org>.

Quelques mots sur R

- R est un logiciel libre et gratuit.
- Il est distribué par le CRAN (Comprehensive R Archive Network) à l'url suivante : <https://www.r-project.org>.
- Tous les statisticiens (notamment) peuvent contribuer en créant des fonctions et en les distribuant à la communauté (packages).

Quelques mots sur R

- R est un logiciel libre et gratuit.
- Il est distribué par le CRAN (Comprehensive R Archive Network) à l'url suivante : <https://www.r-project.org>.
- Tous les statisticiens (notamment) peuvent contribuer en créant des fonctions et en les distribuant à la communauté (packages).

Conséquence

- Le logiciel est toujours à jour.
- Une des principales raisons de son succès.

Exemple : Les Iris de Fisher

```
> data(iris)
> summary(iris)

  Sepal.Length      Sepal.Width       Petal.Length      Petal.Width      
Min.   :4.300   Min.   :2.000   Min.   :1.000   Min.   :0.100  
1st Qu.:5.100  1st Qu.:2.800  1st Qu.:1.600  1st Qu.:0.300  
Median :5.800  Median :3.000  Median :4.350  Median :1.300  
Mean   :5.843  Mean   :3.057  Mean   :3.758  Mean   :1.199  
3rd Qu.:6.400  3rd Qu.:3.300  3rd Qu.:5.100  3rd Qu.:1.800  
Max.   :7.900  Max.   :4.400  Max.   :6.900  Max.   :2.500 

  Species    
setosa    :50  
versicolor:50  
virginica :50  
```

Objectifs

La problématique

Expliquer **Species** par les autres variables.

Objectifs

La problématique

Expliquer **Species** par les autres variables.

- **Species** est **variable qualitative**.
- Confronté à un problème de **classification supervisée**.

Manipulation des données

```
> apply(iris[,1:4],2,mean)
Sepal.Length  Sepal.Width Petal.Length  Petal.Width
      5.843333     3.057333     3.758000     1.199333
> apply(iris[,1:4],2,var)
Sepal.Length  Sepal.Width Petal.Length  Petal.Width
      0.6856935    0.1899794    3.1162779    0.5810063
```

Manipulation des données

```
> apply(iris[,1:4],2,mean)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
      5.843333     3.057333     3.758000     1.199333
> apply(iris[,1:4],2,var)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
      0.6856935    0.1899794    3.1162779    0.5810063
```

Remarque

Non informatif pour le problème (expliquer Species).

Manipulation avec dplyr

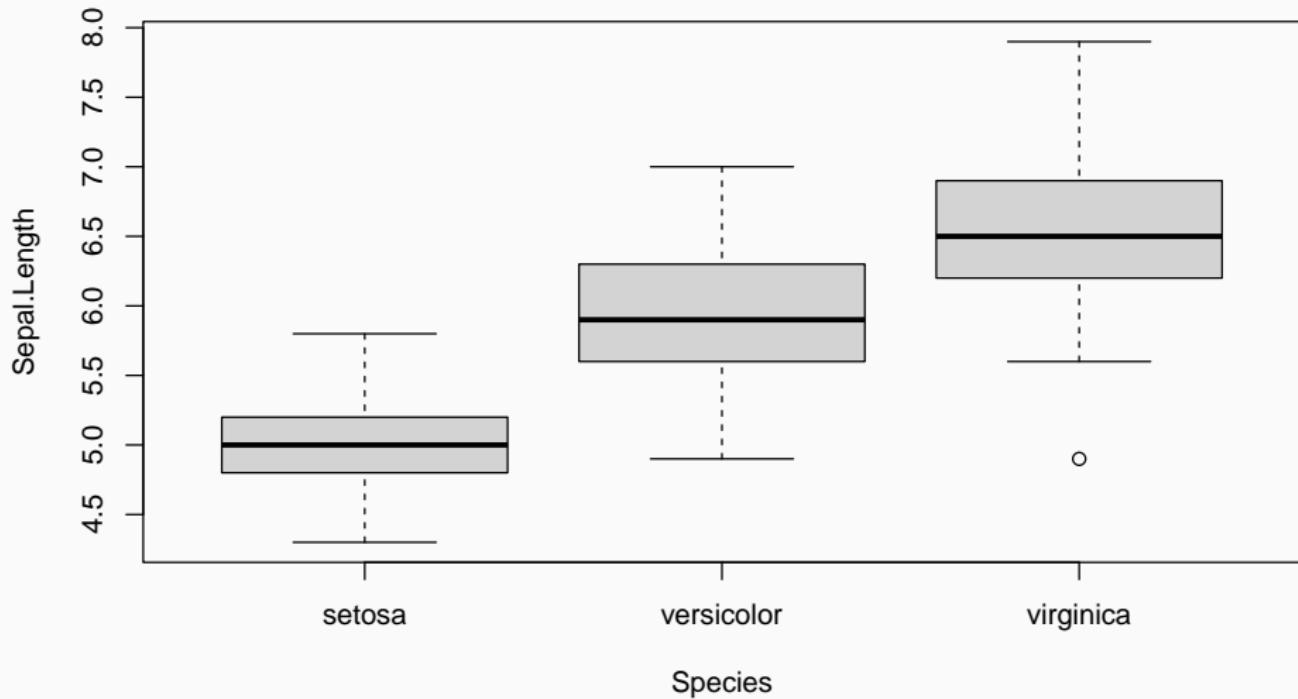
- dplyr est un package de tidyverse qui permet de faciliter la manipulation des données, notamment en terme de syntaxe.

```
> library(dplyr)
> iris |> group_by(Species) |> summarise_all(mean)
# A tibble: 3 x 5
  Species     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
  <fct>          <dbl>       <dbl>        <dbl>       <dbl>
1 setosa         5.01        3.43        1.46        0.246
2 versicolor     5.94        2.77        4.26        1.33 
3 virginica      6.59        2.97        5.55        2.03
```

- Plus intéressant : nous obtenons les moyennes pour chaque espèce.

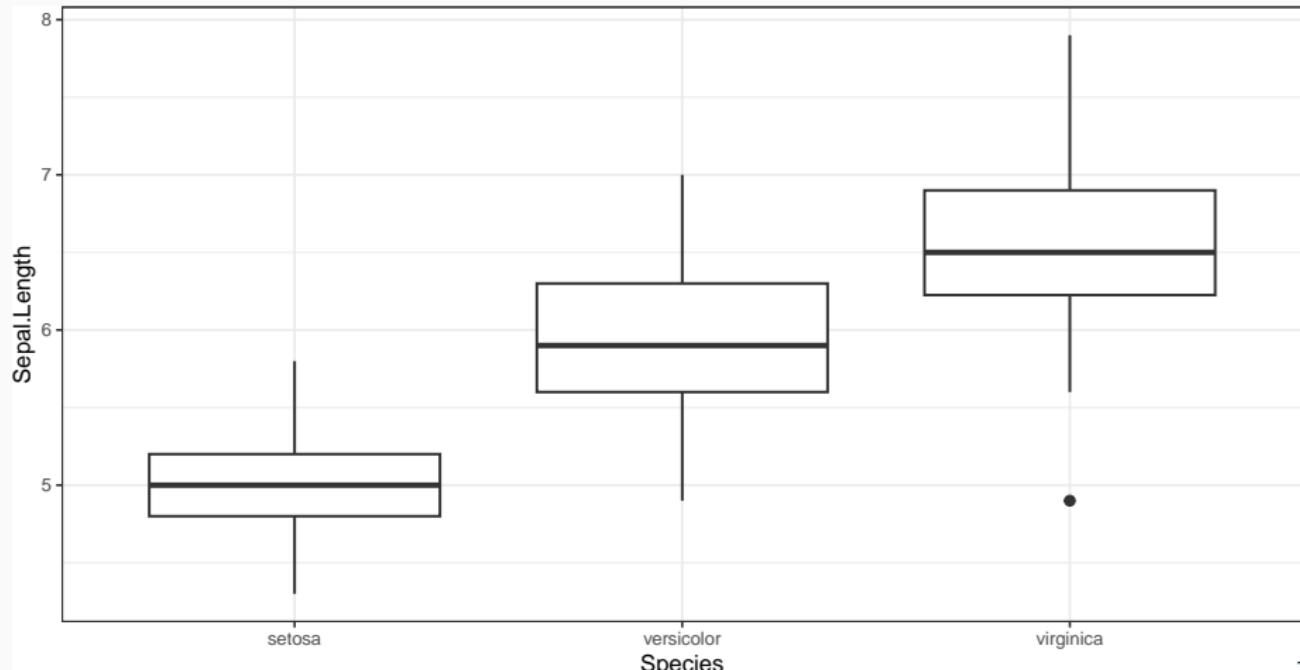
Visualisation

```
> boxplot(Sepal.Length~Species,data=iris)
```



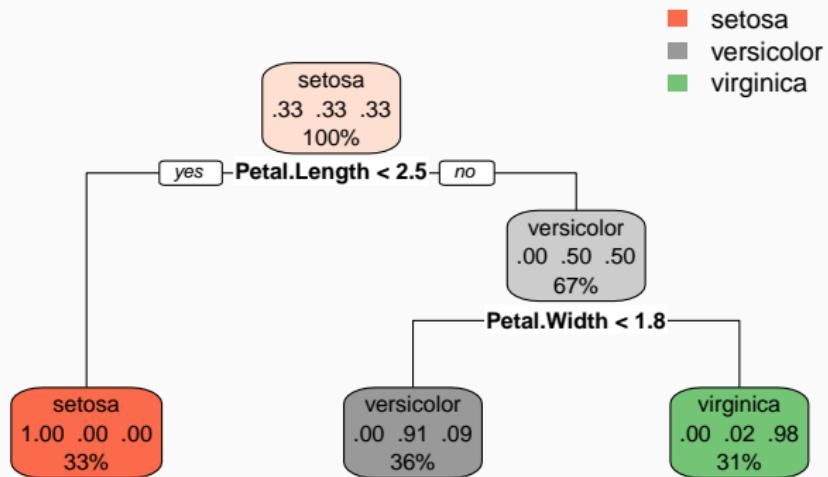
Visualisation avec ggplot2

```
> library(ggplot2)  
> ggplot(iris)+aes(x=Species,y=Sepal.Length)+geom_boxplot()
```



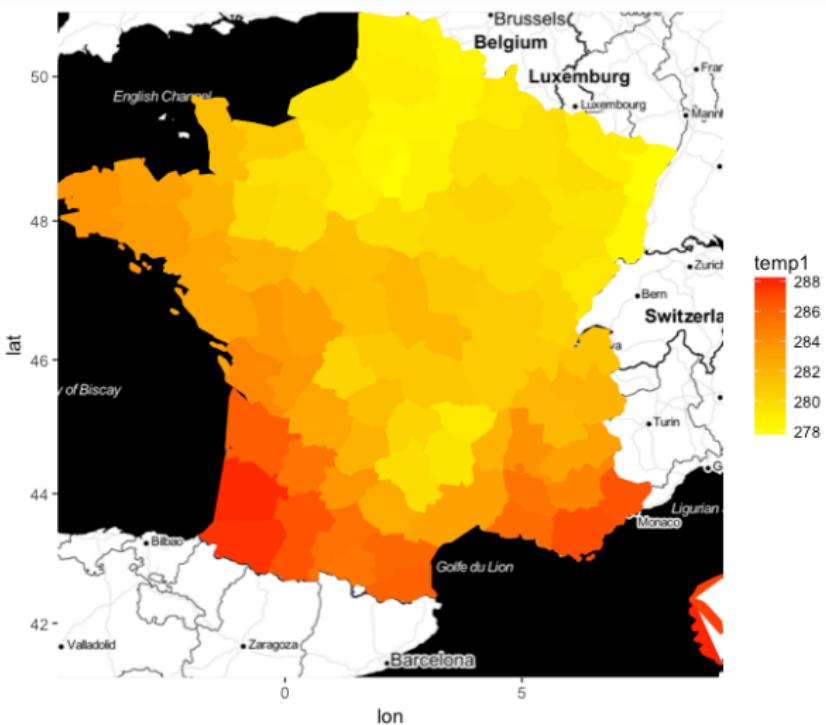
Un modèle d'arbre

```
> library(rpart)
> tree <- rpart(Species~., data=iris)
> library(rpart.plot)
> rpart.plot(tree)
```



Carte avec ggmap

- **Objectif** : visualiser les températures en france pour une date donnée.

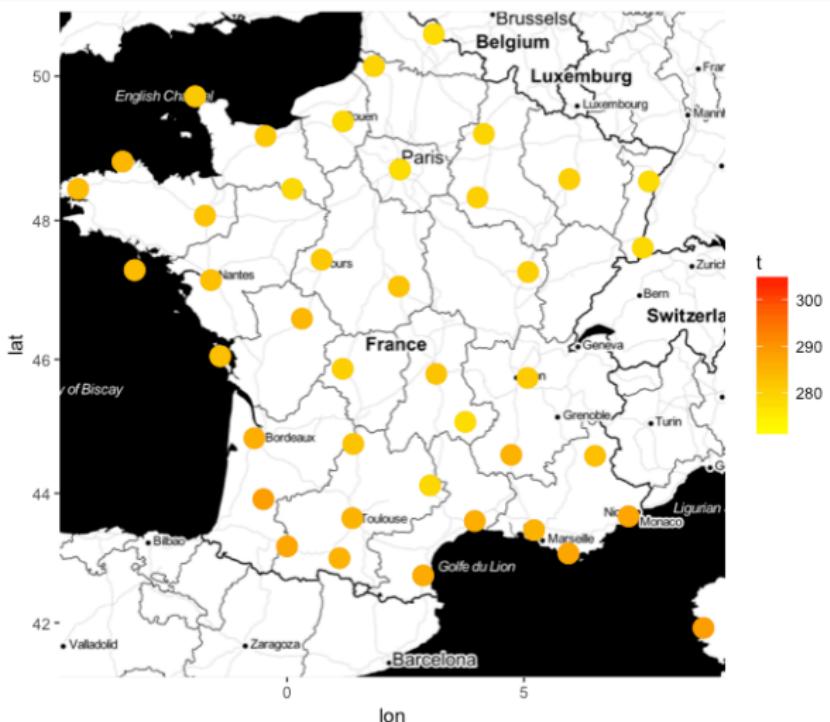


Chargement des données + fond de carte

- Données téléchargées sur le site de meteofrance (températures d'à peu près 60 stations).

```
> donnees <- fread("https://donneespubliques.meteofrance.fr/  
+                      donnees_libres/Txt/Synop/synop.2017082815.csv")  
> station <- fread("https://donneespubliques.meteofrance.fr/  
+                      donnees_libres/Txt/Synop/postesSynop.csv")  
> fond <- get_map("France",maptype="toner",zoom=6)  
> ggmap(fond)+geom_point(data=D,  
+    aes(y=Latitude,x=Longitude,color=t),size=5)+  
+    scale_color_continuous(low="yellow",high="red")
```

Une première carte



Modèle de prévision

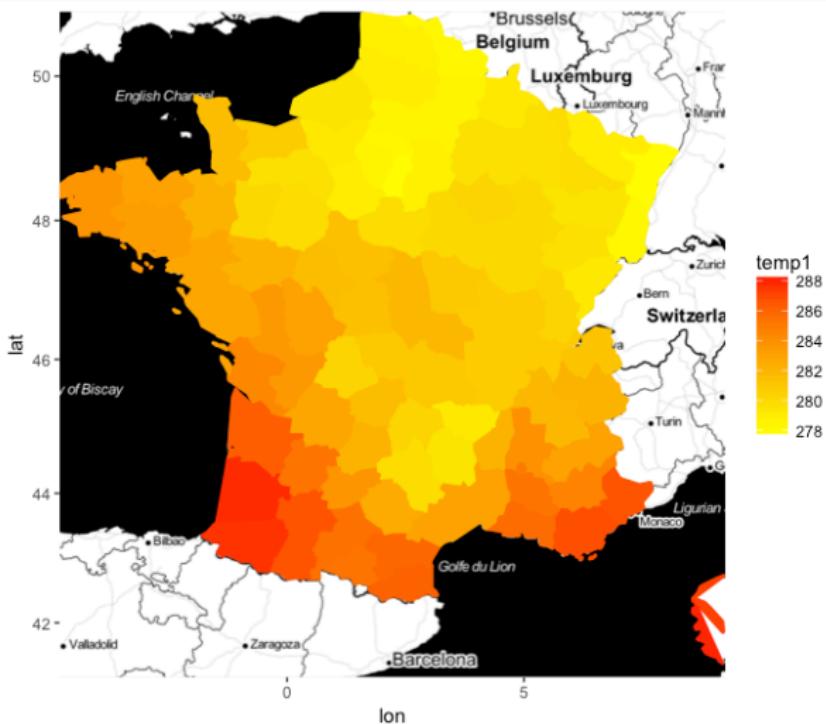
- **Algorithme** de **plus proche voisins** pour estimer la température sur toutes les longitudes et latitudes du territoires.

```
> library(FNN)
> mod <- knn.reg(train=D[,.Latitude,Longitude],y=D[,t],
+                  test=Test1[,.Latitude,Longitude]),k=1)$pred
```

- Visualisation avec **ggmap**.

```
> library(ggmap)
> ggmap(fond)+geom_polygon(data=Test5,
+   aes(y=Latitude,x=Longitude,
+   fill=temp1,color=temp1,group=dept),size=1)+
+   scale_fill_continuous(low="yellow",high="red")+
+   scale_color_continuous(low="yellow",high="red")
```

La carte finale



Application web avec shiny

- Shiny est un package R qui permet la création de pages web interactives.
- Exemples :
 - Graphiques descriptifs pour un jeu de données :
https://lrouviere.shinyapps.io/DESC_APP/
 - Visualisation des stations velib à Rennes :
<https://lrouviere.shinyapps.io/velib/>

Dans cette partie

- Logiciel R
 - Environnement Rstudio et reporting **quarto**
 - Objets R
 - Manipuler des données (**dplyr**)
- Visualisation
 - Graphe statique avec **ggplot2**
 - Cartographie
 - **statique** avec **ggmap** et **sf**
 - **dynamique** avec **leaflet**
 - **Visualisation dynamique**
 - **graphes standards** avec **rAmCharts** et **plotly**
 - **réseaux** avec **visNetwork**
 - **tableaux de bord** avec **flexdashboard**
 - Application web avec **shiny**

Rstudio, quarto et packages R

Rstudio

- **RStudio** est une interface facilitant l'utilisation de R.
- Également libre et gratuit : <https://www.rstudio.com>.

Rstudio

- **RStudio** est une interface facilitant l'utilisation de R.
- Également libre et gratuit : <https://www.rstudio.com>.

L'écran est divisé en 4 parties :

- **Console** : pour entrer les commandes et visualiser les sorties.
 - **Workspace and History** : visualiser l'historique des objets créés.
 - **Files Plots...** : voir les répertoires et fichiers dans l'environnement de travail, les graphes de sortie, installer les packages...
 - **Script** : éditeur pour entrer les commandes R et les commentaires.
- Penser à régulièrement sauvegarder ce fichier !

Quarto

Fichier Quarto

- Successeur de Rmarkdown
- Un fichier Quarto (.qmd) permet de produire un document de travail.
- Il contient le code, les sorties et des commentaires sur le travail réalisé.
- Il produit des rapports de très bonne qualité sous différents formats (documents, diaporama, etc...).
- Ce diaporama est réalisé avec quarto.

Fichier Quarto

- Successeur de Rmarkdown
 - Un fichier Quarto (.qmd) permet de produire un document de travail.
 - Il contient le code, les sorties et des commentaires sur le travail réalisé.
 - Il produit des rapports de très bonne qualité sous différents formats (documents, diaporama, etc...).
 - Ce diaporama est réalisé avec quarto.
-
- Recherche Reproductible : en cliquant sur un bouton, on peut ré-exécuter tout le code du fichier et exporter les résultats sous un format rapport.
 - Documents dynamiques : possibilité d'exporter le rapport final dans différents formats : html, pdf, rtf, slides, notebook...

Packages

- Ensemble de programmes R qui complètent et améliorent les fonctions de R.
- Un package est généralement dédié à des méthodes ou domaines d'application spécifiques.
- Plus de 19 000 packages actuellement.
- Contribue au succès de R (toujours à jour).

Packages

- Ensemble de programmes R qui complètent et améliorent les fonctions de R.
- Un package est généralement dédié à des méthodes ou domaines d'application spécifiques.
- Plus de 19 000 packages actuellement.
- Contribue au succès de R (toujours à jour).

2 phases

- Installation: `install.packages(package.name)` (une seule fois).
- Chargement: `library(package.name)` (chaque fois).

Packages

- Ensemble de programmes R qui complètent et améliorent les fonctions de R.
- Un package est généralement dédié à des méthodes ou domaines d'application spécifiques.
- Plus de 19 000 packages actuellement.
- Contribue au succès de R (toujours à jour).

2 phases

- Installation: `install.packages(package.name)` (une seule fois).
- Chargement: `library(package.name)` (chaque fois).
- On peut aussi utiliser le bouton package dans Rstudio.

L'approche tidyverse

- Meta package dont les packages partagent la même philosophie, grammaire et structures de données :
 - `readr` : lire les données
 - `dplyr`, `tidyverse` : manipuler les données
 - `stringr` : chaînes de caractères
 - `forcats` : facteurs (variables qualitatives)
 - `ggplot2` : visualiser les données
 - `purrr` : programmer
 - ...
- Doc : <https://www.tidyverse.org>

L'approche tidyverse

- Meta package dont les packages partagent la même philosophie, grammaire et structures de données :
 - `readr` : lire les données
 - `dplyr`, `tidyverse` : manipuler les données
 - `stringr` : chaînes de caractères
 - `forcats` : facteurs (variables qualitatives)
 - `ggplot2` : visualiser les données
 - `purrr` : programmer
 - ...
- Doc : <https://www.tidyverse.org>
- Livre : R for data science, Wickham et Grolemund, 2017.
<https://r4ds.had.co.nz/index.html>

L'approche tidyverse

- Meta package dont les package partagent la même philosophie, grammaire et structures de données :
 - `readr` : lire les données
 - `dplyr`, `tidyverse` : manipuler les données
 - `stringr` : chaînes de caractères
 - `forcats` : facteurs (variables qualitatives)
 - `ggplot2` : visualiser les données
 - `purrr` : programmer
 - ...
- Doc : <https://www.tidyverse.org>
- Livre : R for data science, Wickham et Grolemund, 2017.
<https://r4ds.had.co.nz/index.html>
- La part d'utilisateurs qui utilise ces outils ne cesse de croître.

Objets R

Numérique et caractères

- Numérique (facile)

```
> x <- pi  
> x  
[1] 3.141593  
> is.numeric(x)  
[1] TRUE  
> exp(x)  
[1] 23.14069
```

Vecteurs

- **Création:** `c`, `seq`, `rep`

```
> x1 <- c(1,3,4)
> x2 <- 1:5
> x3 <- seq(0,10,by=2)
> x4 <- rep(x1,3)
> x5 <- rep(x1,3,each=3)
```

- **Extraction:** `[]`

```
> x3[c(1,3,4)] # pareil que x3[x1]
[1] 0 4 6
```

Caractères

- Avec des guillemets

```
> b <- "X"  
> bb <- c("X", "Y", "Z")  
> bb[c(1,3)]  
[1] "X" "Z"
```

- Quelques fonctions utiles

```
> paste(b, 1:5, sep = "")  
[1] "X1" "X2" "X3" "X4" "X5"  
> substr("livre", 2, 5)  
[1] "ivre"
```

Caractères avec **stringr**

- Combiner plusieurs chaînes :

```
> str_c(b,1:5,sep="-") # proche de paste  
[1] "X-1" "X-2" "X-3" "X-4" "X-5"
```

Caractères avec `stringr`

- Combiner plusieurs chaînes :

```
> str_c(b,1:5,sep="-") # proche de paste  
[1] "X-1" "X-2" "X-3" "X-4" "X-5"
```

- Autres fonctions :

```
> nom <- c("Marie","Pierre","Paul")  
> str_length(nom)  
[1] 5 6 4  
> str_sub(nom,1,2) # proche de substr  
[1] "Ma" "Pi" "Pa"  
> str_detect(nom,"Mr")  
[1] FALSE FALSE FALSE  
> str_detect(nom,"[Mr]")  
[1] TRUE TRUE FALSE  
> str_replace(nom,"[Mr]","?")  
[1] "?arie" "Pie?re" "Paul"
```

Logique

- Vrai ou Faux

```
> 1<2  
[1] TRUE  
> 1==2  
[1] FALSE  
> 1!=2  
[1] TRUE
```

Logique

- Vrai ou Faux

```
> 1<2  
[1] TRUE  
> 1==2  
[1] FALSE  
> 1!=2  
[1] TRUE
```

- Souvent utile pour sélectionner des composantes d'un vecteur

```
> x <- 1:3  
> test <- c(TRUE, FALSE, TRUE)  
> x[test]  
[1] 1 3
```

```
> size <- runif(5,150,190) #5 tailles générées aléatoirement entre 150 and 190
> size
[1] 178.8362 185.0309 180.4393 185.4450 168.2592
```

Problème

Sélectionner les tailles plus grandes que 174.

```
> size <- runif(5,150,190) #5 tailles générées aléatoirement entre 150 and 190
> size
[1] 178.8362 185.0309 180.4393 185.4450 168.2592
```

Problème

Sélectionner les tailles plus grandes que 174.

```
> size>174
[1] TRUE TRUE TRUE TRUE FALSE
> size[size>174]
[1] 178.8362 185.0309 180.4393 185.4450
```

Facteurs

- Pour représenter les variables qualitatives :

```
> x1 <- factor(c("a", "b", "b", "a", "a"))
> x1
[1] a b b a a
Levels: a b
> levels(x1)
[1] "a" "b"
```

Variable mal définie

- On suppose que les données sont codées : 0=homme, 1=femme

```
> X <- c(1,1,0,0,1)
```

```
> summary(X)
```

Min.	1st Qu.	Median	Mean	3rd Qu.	Max.
0.0	0.0	1.0	0.6	1.0	1.0

Variable mal définie

- On suppose que les données sont codées : 0=homme, 1=femme

```
> X <- c(1,1,0,0,1)
```

```
> summary(X)
```

Min.	1st Qu.	Median	Mean	3rd Qu.	Max.
0.0	0.0	1.0	0.6	1.0	1.0

- Problème : R interprète X comme un vecteur continu \Rightarrow cela peut générer des problèmes dans l'étude statistique.

Variable mal définie

- On suppose que les données sont **codées** : 0=homme, 1=femme

```
> X <- c(1,1,0,0,1)
> summary(X)
  Min. 1st Qu. Median      Mean 3rd Qu.      Max.
  0.0     0.0     1.0     0.6     1.0     1.0
```

- **Problème** : R interprète X comme un vecteur **continu** \Rightarrow cela peut générer des **problèmes** dans l'étude statistique.
- **Solution** :

```
> X <- as.factor(X)
> levels(X) <- c("man", "woman")
> X
[1] woman woman man     man     woman
Levels: man woman
> summary(X)
  man woman
    2      3
```

Facteurs avec `forcats`

- Exemple

```
> mois <- c("Dec", "Apr", "Jan", "Mar", "Apr")
> fct(mois)
[1] Dec Apr Jan Mar Apr
Levels: Dec Apr Jan Mar
```

Facteurs avec `forcats`

- Exemple

```
> mois <- c("Dec", "Apr", "Jan", "Mar", "Apr")
> fct(mois)
[1] Dec Apr Jan Mar Apr
Levels: Dec Apr Jan Mar
```

⇒ les **levels** sont ordonnés par ordre d'apparition.

- Autres fonctions :

```
> fct_relevel(mois,c("Jan","Mar","Apr","Dec"))
[1] Dec Apr Jan Mar Apr
Levels: Jan Mar Apr Dec
> fct_recode(mois,"decembre"="Dec","janvier"="Jan")
[1] decembre Apr      janvier Mar      Apr
Levels: Apr decembre janvier Mar
```

- Compter :

```
> fct_count(mois)
# A tibble: 4 x 2
  f          n
  <fct> <int>
1 Apr        2
2 Dec        1
3 Jan        1
4 Mar        1
```

- Renommer

```
> sexe <- c(0,1,0,0,1)
> fct_recode(as.character(sexe), "woman"="1", "man"="0")
[1] man   woman man   man   woman
Levels: man woman
```

Matrice

- Crédation

```
> m <- matrix(1:4,nrow=2,byrow=TRUE)
> m
     [,1] [,2]
[1,]    1    2
[2,]    3    4
```

- Extraction

```
> m[1,2]
> m[1,] #Première ligne
> m[,2] #Seconde colonne
```

Liste

- Permet de regrouper plusieurs objets de différents types dans un même objet :

```
> mylist <- list(vector=1:5,mat=matrix(1:8,nrow=2))
> mylist
$vector
[1] 1 2 3 4 5

$mat
[,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]    1    3    5    7
[2,]    2    4    6    8
```

- Extraction:

```
> mylist[[1]]
> mylist$vector
> mylist[["vector"]]
```

Dataframe

- Objets pour représenter des données dans R.

```
> name <- c("Paul", "Mary", "Steven", "Charlotte", "Peter")
> sex <- c(0,1,0,1,0)
> size <- c(180,165,168,170,175)
> data <- data.frame(name, sex, size)
> data

  name sex size
1  Paul   0   180
2  Mary   1   165
3 Steven   0   168
4 Charlotte   1   170
5 Peter   0   175
```

```
> summary(data)
```

	name	sex	size
Length:	5	Min. :0.0	Min. :165.0
Class :	character	1st Qu.:0.0	1st Qu.:168.0
Mode :	character	Median :0.0	Median :170.0
		Mean :0.4	Mean :171.6
		3rd Qu.:1.0	3rd Qu.:175.0
		Max. :1.0	Max. :180.0

```
> summary(data)
```

	name	sex	size
Length:	5	Min. :0.0	Min. :165.0
Class :	character	1st Qu.:0.0	1st Qu.:168.0
Mode :	character	Median :0.0	Median :170.0
		Mean :0.4	Mean :171.6
		3rd Qu.:1.0	3rd Qu.:175.0
		Max. :1.0	Max. :180.0

Problème 1

sex est interprété comme une variable continue. C'est une variable qualitative.

Solution

Il faut la convertir en **facteur**.

```
> data$sex <- as.factor(data$sex)
> levels(data$sex) <- c("man", "woman")
> summary(data)

      name           sex        size
Length:5          man :3   Min.   :165.0
Class :character woman:2   1st Qu.:168.0
Mode  :character                   Median :170.0
                           Mean   :171.6
                           3rd Qu.:175.0
                           Max.   :180.0
```

Solution

Il faut la convertir en **facteur**.

```
> data$sex <- as.factor(data$sex)
> levels(data$sex) <- c("man", "woman")
> summary(data)

      name           sex        size
Length:5          man :3   Min.   :165.0
Class :character woman:2   1st Qu.:168.0
Mode  :character                   Median :170.0
                           Mean   :171.6
                           3rd Qu.:175.0
                           Max.   :180.0
```

Problème 2

name est interprété comme une **variable**. C'est plutôt un **identifiant**.

```
> row.names(data) <- data$name  
> data <- data[,-1] #suppression de la colonne name  
> data
```

	sex	size
Paul	man	180
Mary	woman	165
Steven	man	168
Charlotte	woman	170
Peter	man	175

Conclusion

Il est **crucial** de toujours vérifier que les données sont **correctement interprétées** par **R** (avec **summary** ou **mode** par exemple).

Tibbles

- Un **tibble** est une version **moderne** du dataframe, qui conserve les avantages et supprime les inconvénients (selon les créateurs du tibble).
- C'est la version dataframe du **tidyverse** (nécessité de charger ce package).
- Deux différences notables :
 - les variables **qualitatives** sont par défaut des **caractères** (et non des facteurs) ;
 - pas de **rownames** par défaut (possibilité de les définir en convertissant le tibble en dataframe).

Exemple : data frame

```
> name <- c("Paul", "Mary", "Steven", "Charlotte", "Peter")
> sex <- c(0, 1, 0, 1, 0)
> size <- c(180, 165, 168, 170, 175)
> age <- c("old", "young", "young", "old", "old")
> data <- data.frame(sex, size, age)
> rownames(data) <- name
> data
```

	sex	size	age
Paul	0	180	old
Mary	1	165	young
Steven	0	168	young
Charlotte	1	170	old
Peter	0	175	old

Exemple : tibble

```
> data1 <- tibble(name,sex,size,age)
> #data2 <- column_to_rownames(data1,var="name")
> data1
# A tibble: 5 x 4
  name      sex   size age
  <chr>    <dbl> <dbl> <chr>
1 Paul        0     180 old
2 Mary        1     165 young
3 Steven      0     168 young
4 Charlotte   1     170 old
5 Peter       0     175 old
```

dataframe vs tibbles

Principale différence : **pas de facteur dans les tibbles** (par défaut), ni de rownames.

Gérer des données

Gérer des données

Importer des données

- Les données sont généralement contenues dans des **fichiers** avec les individus en ligne et les variables en colonnes.

- Les données sont généralement contenues dans des **fichiers** avec les individus en ligne et les variables en colonnes.
- Les fonctions `read.table` et `read.csv` permettent d'**importer des données** à partir de fichiers **.txt** et **.csv**.

- Les données sont généralement contenues dans des **fichiers** avec les individus en ligne et les variables en colonnes.
- Les fonctions `read.table` et `read.csv` permettent d'**importer des données** à partir de fichiers **.txt** et **.csv**.
- Le package `readr` du **tidyverse** propose des fonctions du même style dans l'esprit **tidy**, par exemple

```
> data <- read_table("file",...)  
> data <- read_csv("file",...)
```

- Les données sont généralement contenues dans des **fichiers** avec les individus en ligne et les variables en colonnes.
- Les fonctions `read.table` et `read.csv` permettent d'**importer des données** à partir de fichiers **.txt** et **.csv**.
- Le package `readr` du **tidyverse** propose des fonctions du même style dans l'esprit **tidy**, par exemple

```
> data <- read_table("file",...)  
> data <- read_csv("file",...)
```

- ... correspondent à un ensemble d'**options** souvent très **importantes** car les fichiers de données contiennent **toujours des spécificités** (données manquantes, noms de variables...)

- Les données sont généralement contenues dans des **fichiers** avec les individus en ligne et les variables en colonnes.
- Les fonctions `read.table` et `read.csv` permettent d'**importer des données** à partir de fichiers **.txt** et **.csv**.
- Le package `readr` du **tidyverse** propose des fonctions du même style dans l'esprit **tidy**, par exemple

```
> data <- read_table("file",...)  
> data <- read_csv("file",...)
```

- ... correspondent à un ensemble d'**options** souvent très **importantes** car les fichiers de données contiennent **toujours des spécificités** (données manquantes, noms de variables...)
- Fichiers **.xls** : on pourra les **convertir** en **.csv** ou utiliser des packages spécifiques ou utiliser les fonctions `read_xls` ou `read_excel` du package `readxl`.

Indiquer le chemin

- Le **fichier des données** doit être placé dans le **répertoire de travail**. Sinon, il faut indiquer le **chemin** à **read.table**.
- **Exemple:** importer le fichier **data.csv** enregistré dans **~/lectureR/Part1** :
- Changement du répertoire de travail

```
> setwd("~/lectureR/Part1")
> df <- read_csv("data.csv",...)
```

Indiquer le chemin

- Le **fichier des données** doit être placé dans le **répertoire de travail**.
Sinon, il faut indiquer le **chemin** à **read.table**.
- **Exemple:** importer le fichier **data.csv** enregistré dans
~/lectureR/Part1 :
- Changement du répertoire de travail

```
> setwd("~/lectureR/Part1")
> df <- read_csv("data.csv",...)
```

- Spécification du chemin dans **read_csv**

```
> df <- read_csv("~/lecture_R/Part1/data.csv",...)
```

Indiquer le chemin

- Le **fichier des données** doit être placé dans le **répertoire de travail**.
Sinon, il faut indiquer le **chemin** à **read.table**.
- **Exemple:** importer le fichier **data.csv** enregistré dans
~/lectureR/Part1 :
- Changement du répertoire de travail

```
> setwd("~/lectureR/Part1")
> df <- read_csv("data.csv",...)
```

- Spécification du chemin dans **read_csv**

```
> df <- read_csv("~/lecture_R/Part1/data.csv",...)
```

- Utilisation de la fonction **file.path**

```
> path <- file.path("~/lecture_R/Part1/", "data.csv")
> df <- read_csv(path,...)
```

Le package `readr`

- Il propose plusieurs fonctions à utiliser en fonction du **contexte** :
 - `read_delim` : permet de spécifier explicitement le **séparateur de champ** ;

Le package `readr`

- Il propose plusieurs fonctions à utiliser en fonction du **contexte** :
 - `read_delim` : permet de spécifier explicitement le **séparateur de champ** ;
 - `read_csv` : lorsque le séparateur est la **virgule** ;

Le package `readr`

- Il propose plusieurs fonctions à utiliser en fonction du **contexte** :
 - `read_delim` : permet de spécifier explicitement le **séparateur de champ** ;
 - `read_csv` : lorsque le séparateur est la **virgule** ;
 - `read_csv2` : lorsque le séparateur est le **point virgule** ;

Le package `readr`

- Il propose plusieurs fonctions à utiliser en fonction du **contexte** :
 - `read_delim` : permet de spécifier explicitement le **séparateur de champ** ;
 - `read_csv` : lorsque le séparateur est la **virgule** ;
 - `read_csv2` : lorsque le séparateur est le **point virgule** ;
 - `read_tsv` : lorsque le séparateur est la **tabulation** ;

Le package `readr`

- Il propose plusieurs fonctions à utiliser en fonction du **contexte** :
 - `read_delim` : permet de spécifier explicitement le **séparateur de champ** ;
 - `read_csv` : lorsque le séparateur est la **virgule** ;
 - `read_csv2` : lorsque le séparateur est le **point virgule** ;
 - `read_tsv` : lorsque le séparateur est la **tabulation** ;
 - `read_table`, `read_table2`... voir <https://readr.tidyverse.org>.

Quelques options importantes

Plusieurs **options importantes** sont proposées dans la fonction de **readr** :

- **col_names** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier

Quelques options importantes

Plusieurs **options importantes** sont proposées dans la fonction de **readr** :

- **col_names** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier
- **na** : vecteur de caractères pour identifier les **données manquantes**

Quelques options importantes

Plusieurs **options importantes** sont proposées dans la fonction de **readr** :

- **col_names** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier
- **na** : vecteur de caractères pour identifier les **données manquantes**
- **code_select** : spécifier les colonnes à lire
- **skip** : nombre de lignes à retirer avant de lire le fichier
- ...

Exemple

- Fichier **data_imp.txt**

```
name;size;age
John;174;32
Peter;?;28
Mary;165.5;NA
```

Exemple

- Fichier `data_imp.txt`

```
name;size;age
John;174;32
Peter;?;28
Mary;165.5;NA
```

Caractéristiques

- 3 variables (ou plutôt 2...)
- Première ligne = nom des variables
- Données manquantes = NA, ?

Un premier essai

```
> path <- file.path("./data/", "data_imp.txt")
```

```
> tbl <- read_csv(path)
```

```
> tbl
```

```
# A tibble: 3 x 1
```

```
`name;size;age`
```

```
<chr>
```

```
1 John;174;32
```

```
2 Peter;?;28
```

```
3 Mary;165.5;NA
```

Un premier essai

```
> path <- file.path("./data/", "data_imp.txt")
```

```
> tbl <- read_csv(path)
```

```
> tbl
```

```
# A tibble: 3 x 1
```

```
`name;size;age`
```

```
<chr>
```

```
1 John;174;32
```

```
2 Peter;?;28
```

```
3 Mary;165.5;NA
```

Problème

R lit trois lignes et **une** colonne ! On n'a **pas** utilisé le bon délimiteur !

Solution

- On choisit `read_delim` avec les bonnes options :

```
> tbl <- read_delim(path,delim=";",na=c("NA","?"),
+                     locale = locale(decimal_mark = "."))
> tbl
# A tibble: 3 x 3
  name    size    age
  <chr> <dbl> <dbl>
1 John     174     32
2 Peter     NA      28
3 Mary    166.     NA
```

Solution

- On choisit `read_delim` avec les bonnes options :

```
> tbl <- read_delim(path,delim=";",na=c("NA","?"),
+                     locale = locale(decimal_mark = "."))
> tbl
# A tibble: 3 x 3
  name    size    age
  <chr> <dbl> <dbl>
1 John     174     32
2 Peter     NA      28
3 Mary     166.     NA
```

- On peut compléter en spécifiant les identifiants (on perd la classe **tibble** dans ce cas là) :

```
> (tbl1 <- column_to_rrownames(tbl,var="name"))
   size age
John  174.0 32
Peter  NA   28
Mary  165.5 NA
```

Vérifier l'importation

- Cela peut s'effectuer avec les fonctions suivantes :

```
> summary(tbl)
```

	name	size	age
Length:	3	Min. :165.5	Min. :28
Class :	character	1st Qu.:167.6	1st Qu.:29
Mode :	character	Median :169.8	Median :30
		Mean :169.8	Mean :30
		3rd Qu.:171.9	3rd Qu.:31
		Max. :174.0	Max. :32
	NA's :1	NA's :1	NA's :1

```
> glimpse(tbl)
```

Rows: 3

Columns: 3

\$ name <chr> "John", "Peter", "Mary"

\$ size <dbl> 174.0, NA, 165.5

\$ age <dbl> 32, 28, NA

```
> spec(tbl)
cols(
  name = col_character(),
  size = col_double(),
  age = col_double()
)
```

```
> spec(tbl)
cols(
  name = col_character(),
  size = col_double(),
  age = col_double()
)
```

Remarque

Dans **Rstudio**, on peut lire des données avec **readr** en cliquant sur **Import Dataset** (pas toujours efficace pour des données complexes).

Gérer des données

Annexe : les fonctions `read.table` et `read.csv`

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans `read.table` et `read.csv` :

- **sep** : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans `read.table` et `read.csv` :

- `sep` : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)
- `dec` : le caractère pour le **séparateur décimal** (virgule, point...)

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans `read.table` et `read.csv` :

- **sep** : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)
- **dec** : le caractère pour le **séparateur décimal** (virgule, point...)
- **header** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans `read.table` et `read.csv` :

- **sep** : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)
- **dec** : le caractère pour le **séparateur décimal** (virgule, point...)
- **header** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier
- **row.names** : vecteurs des **identifiants** (si besoin)

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans `read.table` et `read.csv` :

- **sep** : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)
- **dec** : le caractère pour le **séparateur décimal** (virgule, point...)
- **header** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier
- **row.names** : vecteurs des **identifiants** (si besoin)
- **na.strings** : vecteur de caractères pour identifier les **données manquantes**.
- ...

Exemple

- Fichier **data_imp.txt**

```
name;size;age
John;174;32
Peter;?;28
Mary;165.5;NA
```

Exemple

- Fichier **data_imp.txt**

```
name;size;age
John;174;32
Peter;?;28
Mary;165.5;NA
```

Caractéristiques

- 3 variables (ou plutôt 2...)
- Première ligne = nom des variables
- Données manquantes = NA, ?

Un premier essai

```
> path <- file.path("./data/", "data_imp.txt")
```

```
> df <- read.table(path)
```

```
> summary(df)
```

V1

Length:4

Class :character

Mode :character

Un premier essai

```
> path <- file.path("./data/", "data_imp.txt")
```

```
> df <- read.table(path)
```

```
> summary(df)
```

V1

Length:4

Class :character

Mode :character

Problème

R lit quatre lignes et une colonne !

Solution

```
> df <- read.table(path,header=TRUE,sep=";",dec=".",
+                     na.strings = c("NA","?"),row.names = 1)
> df
  size age
John  174.0 32
Peter    NA  28
Mary   165.5 NA
> summary(df)
  size          age
Min.   :165.5   Min.   :28
1st Qu.:167.6   1st Qu.:29
Median :169.8   Median :30
Mean   :169.8   Mean   :30
3rd Qu.:171.9   3rd Qu.:31
Max.   :174.0   Max.   :32
NA's   :1        NA's   :1
```

Gérer des données

Base de données avancées

- Les méthodes précédentes permettent de travailler avec des tables relativement **simples** :
 - format tableau ;
 - peu volumineuse.
- Les données étant de plus en plus **nombreuses et complexes**, il n'est **pas toujours possible** d'utiliser ces méthodes.

Exemple

- Données **trop volumineuses** \Rightarrow impossible d'importer la base complète.

- Les méthodes précédentes permettent de travailler avec des tables relativement **simples** :
 - format tableau ;
 - peu volumineuse.
- Les données étant de plus en plus **nombreuses et complexes**, il n'est **pas toujours possible** d'utiliser ces méthodes.

Exemple

- Données **trop volumineuses** \Rightarrow impossible d'importer la base complète.
- **Autres formats** adaptés aux données complexes (JSON par exemple).

Le package DBI

- Interface de communication entre R et différentes bases de données de type SQL.
- Doc : <https://dbi.r-dbi.org>.
- Permet de se connecter à une base sans la lire entièrement.
- L'utilisateur pourra faire ses requêtes et importer les résultats.

Exemple

- Une base de données au format SQLite : **LEveloSTAR.sqlite3**.

Exemple

- Une base de données au format SQLite : LEveloSTAR.sqlite3.
- Connexion à la base :

```
> library(DBI)
> con <- dbConnect(RSQLite::SQLite(),
+                     dbname = "data/LEveloSTAR.sqlite3")
> dbListTables(con)
[1] "Etat"      "Topologie" "left"       "tbl_left"
```

- \Rightarrow 4 tables

- On peut lire la table (enfin juste en lire une partie...) avec

```
> tbl(con, "Etat") |> select(1:5)
# Source:   SQL [?? x 5]
# Database: sqlite 3.40.1 [/Users/laurent/Google Drive/LAURENT/COURS/SN

      id nom           latitude longitude etat
      <int> <chr>          <dbl>     <dbl> <chr>
1      1 République      48.1    -1.68 En fonctionnement
2      2 Mairie           48.1    -1.68 En fonctionnement
3      3 Champ Jacquet    48.1    -1.68 En fonctionnement
4     10 Musée Beaux-Arts  48.1    -1.67 En fonctionnement
5     12 TNB              48.1    -1.67 En fonctionnement
6     14 Laënnec          48.1    -1.67 En fonctionnement
7     17 Charles de Gaulle 48.1    -1.68 En fonctionnement
8     20 Pont de Nantes    48.1    -1.68 En fonctionnement
9     22 Oberthur          48.1    -1.66 En fonctionnement
10    25 Office de Tourisme 48.1    -1.68 En fonctionnement
# ... with more rows
```

- Si on veut la récupérer pour faire des développements sur notre machine ou serveur, on utilise la fonction `collect`

```
> tbl(con, "Etat") |> collect() |> select(1:5)
# A tibble: 83 x 5
   id nom           latitude longitude etat
   <int> <chr>        <dbl>     <dbl> <chr>
 1 1 République      48.1      -1.68 En fonctionnement
 2 2 Mairie          48.1      -1.68 En fonctionnement
 3 3 Champ Jacquet   48.1      -1.68 En fonctionnement
 4 10 Musée Beaux-Arts 48.1      -1.67 En fonctionnement
 5 12 TNB             48.1      -1.67 En fonctionnement
 6 14 Laënnec         48.1      -1.67 En fonctionnement
 7 17 Charles de Gaulle 48.1      -1.68 En fonctionnement
 8 20 Pont de Nantes   48.1      -1.68 En fonctionnement
 9 22 Oberthur         48.1      -1.66 En fonctionnement
10 25 Office de Tourisme 48.1      -1.68 En fonctionnement
# ... with 73 more rows
```

API et JSON

- JavaScript Object Notation.
- Format proposé par de nombreuses bases sur le web.
- On peut fréquemment y accéder via une interface de programmation applicative (API).

Un exemple : le vélo star à Rennes

L'**URL** permettant d'obtenir les données est composée de **3 parties** :

- nom de **domaine** : <https://data.rennesmetropole.fr/>

Un exemple : le vélo star à Rennes

L'**URL** permettant d'obtenir les données est composée de **3 parties** :

- nom de **domaine** : <https://data.rennesmetropole.fr/>
- chemin d'accès à l'**API** : api/records/1.0/search/

Un exemple : le vélo star à Rennes

L'**URL** permettant d'obtenir les données est composée de **3 parties** :

- nom de **domaine** : <https://data.rennesmetropole.fr/>
- chemin d'accès à l'**API** : api/records/1.0/search/
- la **requête**, elle même composée de plusieurs parties :
 - jeu de données à utiliser :
?dataset=etat-des-stations-le-velo-star-en-temps-reel
 - liste de facettes séparées par des esperluettes & :
&facet=nom&facet=etat&...

Importation

```
> url <- paste0(  
+   "https://data.rennesmetropole.fr/api/records/1.0/search/",  
+   "?dataset=etat-des-stations-le-velo-star-en-temps-reel",  
+   "&q=&facet=nom",  
+   "&facet=etat",  
+   "&facet=nombremplacementsactuels",  
+   "&facet=nombremplacementsdisponibles",  
+   "&facet=nombrevelosdisponibles"  
+ )
```

```
> ll <- jsonlite::fromJSON(url)
> tbl <- ll$records$fields |> as_tibble()
> tbl |> select(3:5)
# A tibble: 10 x 3
  nom           nombreemplacementsactuels idstation
  <chr>          <int> <chr>
1 Sainte-Anne            24  5505
2 Saint-Georges Piscine    18  5509
3 Musée Beaux-Arts         16  5510
4 Bonnets Rouges           24  5514
5 Charles de Gaulle        24  5517
6 Colombier                  24  5519
7 Pont de Nantes             20  5520
8 Oberthur                     29  5522
9 Auberge de Jeunesse        29  5537
10 Croix Saint-Hélier            20  5540
```

Autres outils importations

- **readxl** : fichier au format Excel.
- **sas7bdat** : importation depuis SAS.
- **foreign** : formats SPSS ou STATA
- **jsonlite** : format JSON
- **rvest** : webscrapping

Gérer des données

Fusion de tables

Concaténer des données

- L'information utile pour une analyse provient (souvent) de plusieurs tableaux de données.

Concaténer des données

- L'information utile pour une analyse provient (souvent) de plusieurs tableaux de données.
- Besoin de correctement assembler ces tables avant l'étude statistique.

Concaténer des données

- L'information utile pour une analyse provient (souvent) de plusieurs tableaux de données.
- Besoin de correctement assembler ces tables avant l'étude statistique.
- Fonctions R standard : rbind, cbind, cbind.data.frame, merge...
- Fonctions R tidyverse : bind_rows, bind_cols, left_join, inner_join.

Un exemple avec 2 tables

```
> df1
# A tibble: 4 x 2
  name   nation
  <chr> <chr>
1 Peter  USA
2 Mary   GB
3 John   Aus
4 Linda  USA
> df2
# A tibble: 3 x 2
  name     age
  <chr> <dbl>
1 John      35
2 Mary      41
3 Fred      28
```

Un exemple avec 2 tables

```
> df1  
# A tibble: 4 x 2  
  name   nation  
  <chr> <chr>  
1 Peter  USA  
2 Mary   GB  
3 John   Aus  
4 Linda  USA  
> df2  
# A tibble: 3 x 2  
  name     age  
  <chr> <dbl>  
1 John      35  
2 Mary      41  
3 Fred      28
```

Objectif

Un tableau de données avec **3 colonnes** : name, nation et age.

bind_rows

```
> bind_rows(df1,df2)
# A tibble: 7 x 3
  name nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter USA       NA
2 Mary  GB        NA
3 John  Aus       NA
4 Linda USA       NA
5 John  <NA>     35
6 Mary  <NA>     41
7 Fred  <NA>     28
```

bind_rows

```
> bind_rows(df1,df2)
# A tibble: 7 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter  USA       NA
2 Mary   GB        NA
3 John   Aus       NA
4 Linda  USA       NA
5 John   <NA>     35
6 Mary   <NA>     41
7 Fred   <NA>     28
```

⇒ Mauvais choix ici (2 lignes pour certains individus).

full_join

```
> full_join(df1,df2)
# A tibble: 5 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter  USA       NA
2 Mary   GB        41
3 John   Aus       35
4 Linda  USA       NA
5 Fred   <NA>      28
```

full_join

```
> full_join(df1,df2)
# A tibble: 5 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter  USA       NA
2 Mary   GB        41
3 John   Aus       35
4 Linda  USA       NA
5 Fred   <NA>     28
```

⇒ tous les individus sont conservés (NA sont ajoutés pour les quantités non mesurées.)

left_join

```
> left_join(df1,df2)
# A tibble: 4 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter  USA       NA
2 Mary   GB        41
3 John   Aus       35
4 Linda  USA       NA
```

⇒ seuls les individus du **premier tableau (gauche)** sont conservés.

inner_join

```
> inner_join(df1,df2)
# A tibble: 2 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Mary   GB        41
2 John   Aus       35
```

⇒ on garde les individus pour lesquels **nation** et **age** sont mesurés.

inner_join

```
> inner_join(df1,df2)
# A tibble: 2 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Mary   GB        41
2 John   Aus       35
```

⇒ on garde les individus pour lesquels **nation** et **age** sont mesurés.

Conclusion

- Plusieurs possibilités pour assembler des données.
- Important de faire le **bon choix** en fonction du contexte.

Gérer des données

Manipuler les données avec Dplyr

- `dplyr` est un package du `tidyverse` efficace pour transformer et résumer des tableaux de données.
- Il propose une **syntaxe claire** (basée sur une `grammaire`) permettant de manipuler les données.

- `dplyr` est un package du `tidyverse` efficace pour transformer et résumer des tableaux de données.
- Il propose une **syntaxe claire** (basée sur une `grammaire`) permettant de manipuler les données.
- Par exemple, pour calculer la moyenne de `Sepal.Length` de l'espèce `setosa`, on utilise généralement

- **dplyr** est un package du **tidyverse** efficace pour **transformer et résumer** des tableaux de données.
- Il propose une **syntaxe claire** (basée sur une **grammaire**) permettant de manipuler les données.
- Par exemple, pour calculer la moyenne de **Sepal.Length** de l'espèce **setosa**, on utilise généralement

```
> mean(iris[iris$Species=="setosa",]$Sepal.Length)  
[1] 5.006
```

- **dplyr** est un package du **tidyverse** efficace pour **transformer et résumer** des tableaux de données.
- Il propose une **syntaxe claire** (basée sur une **grammaire**) permettant de manipuler les données.
- Par exemple, pour calculer la moyenne de **Sepal.Length** de l'espèce **setosa**, on utilise généralement

```
> mean(iris[iris$Species=="setosa",]$Sepal.Length)  
[1] 5.006
```

- La même chose en **dplyr** s'obtient avec

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |>  
+   summarise(Moy_SL=mean(Sepal.Length))  
Moy_SL  
1 5.006
```

Grammaire dplyr

dplyr propose une **grammaire** dont les principaux **verbes** sont :

- `select()` : sélectionner des colonnes (variables)
- `filter()` : filtrer des lignes (individus)
- `arrange()` : ordonner des lignes
- `mutate()` : créer des nouvelles colonnes (nouvelles variables)
- `summarise()` : calculer des résumés numériques (ou résumés statistiques)
- `group_by()` : effectuer des opérations pour des groupes d'individus

Penser à consulter la **cheat sheet**.

Select

But

Sélectionner des variables.

```
> df <- select(iris,Sepal.Length,Petal.Length)
> head(df)
  Sepal.Length Petal.Length
1          5.1         1.4
2          4.9         1.4
3          4.7         1.3
4          4.6         1.5
5          5.0         1.4
6          5.4         1.7
```

Filter

But

Filtrer des individus.

```
> df <- filter(iris,Species=="versicolor")
> head(df)

  Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width      Species
1          7.0        3.2         4.7        1.4 versicolor
2          6.4        3.2         4.5        1.5 versicolor
3          6.9        3.1         4.9        1.5 versicolor
4          5.5        2.3         4.0        1.3 versicolor
5          6.5        2.8         4.6        1.5 versicolor
6          5.7        2.8         4.5        1.3 versicolor
```

Arrange

But

Ordonner des **individus** en fonction d'une variable.

```
> df <- arrange(iris, Sepal.Length)
> head(df)

Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
1          4.3        3.0       1.1        0.1  setosa
2          4.4        2.9       1.4        0.2  setosa
3          4.4        3.0       1.3        0.2  setosa
4          4.4        3.2       1.3        0.2  setosa
5          4.5        2.3       1.3        0.3  setosa
6          4.6        3.1       1.5        0.2  setosa
```

Mutate

But

Définir des **nouvelles variables** dans le jeu de données.

```
> df <- mutate(iris,diff_petal=Petal.Length-Petal.Width)
> head(select(df,Petal.Length,Petal.Width,diff_petal))
  Petal.Length Petal.Width diff_petal
1          1.4         0.2       1.2
2          1.4         0.2       1.2
3          1.3         0.2       1.1
4          1.5         0.2       1.3
5          1.4         0.2       1.2
6          1.7         0.4       1.3
```

Summarise

But

Calculer des résumés statistiques.

```
> summarise(iris, mean=mean(Petal.Length), var=var(Petal.Length))  
  mean      var  
1  3.758  3.116278
```

Summarise_all et summarise_at

On peut également calculer des résumés pour des groupes de variables :

- `summarize_all` : toutes les variables du tibble

```
> iris1 <- select(iris,-Species)
> summarise_all(iris1,mean)
  Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
1      5.843333     3.057333       3.758      1.199333
```

Summarise_all et summarise_at

On peut également calculer des résumés pour des groupes de variables :

- `summarize_all` : toutes les variables du tibble

```
> iris1 <- select(iris,-Species)
> summarise_all(iris1,mean)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
1      5.843333    3.057333        3.758     1.199333
```

- `summarize_at` : choisir les variables du tibble

```
> summarise_at(iris,1:3,mean)
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length
1      5.843333    3.057333        3.758
```

group_by

But

Faire des opérations pour des groupes de données.

```
> summarise(group_by(iris,Species),mean(Petal.Length))  
# A tibble: 3 x 2  
  Species      `mean(Petal.Length)`  
  <fct>            <dbl>  
1 setosa           1.46  
2 versicolor       4.26  
3 virginica        5.55
```

L'opérateur pipe |>

- L'opérateur de **chaînage** ou **pipe** |> permet d'enchaîner les **commandes** pour une syntaxe plus claire.
- Par exemple,

```
> mean(iris[iris$Species=="setosa", "Sepal.Length"])
[1] 5.006
```

ou (un peu plus lisible)

```
> df1 <- iris[iris$Species=="setosa",]
> df2 <- df1$Sepal.Length
> mean(df2)
[1] 5.006
```

- ou (encore un peu plus lisible avec **dplyr**)

```
> df1 <- filter(iris,Species=="setosa")
> df2 <- select(df1,Sepal.Length)
> summarize(df2,mean(Sepal.Length))
  mean(Sepal.Length)
1           5.006
```

- ou (encore un peu plus lisible avec **dplyr**)

```
> df1 <- filter(iris,Species=="setosa")
> df2 <- select(df1,Sepal.Length)
> summarize(df2,mean(Sepal.Length))
  mean(Sepal.Length)
1             5.006
```

Pas satisfaisant

Création de deux objets **dataframe** (inutiles) pour un calcul "simple".

- Avec le **pipe**, on **décompose** et **enchaîne** les opérations:
 1. Les données

```
> iris
```

- Avec le **pipe**, on **décompose** et **enchaîne** les opérations:

1. Les données

```
> iris
```

2. On filtre les individus **setosa**

```
> iris |> filter(Species=="setosa")
```

3. On garde la variable d'intérêt

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |> select(Sepal.Length)
```

3. On garde la variable d'intérêt

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |> select(Sepal.Length)
```

4. On calcule la moyenne

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |>  
+   select(Sepal.Length) |> summarize_all(mean)  
Sepal.Length  
1      5.006
```

Plus généralement

- L'opérateur pipe |> applique l'**objet de droite** en considérant que le premier argument est l'**objet de gauche** (non symétrique).

```
> X <- as.numeric(c(1:10, "NA"))
> mean(X,na.rm = TRUE)
[1] 5.5
```

ou, de façon équivalente,

Plus généralement

- L'opérateur pipe |> applique l'**objet de droite** en considérant que le premier argument est l'**objet de gauche** (non symétrique).

```
> X <- as.numeric(c(1:10, "NA"))
> mean(X,na.rm = TRUE)
[1] 5.5
```

ou, de façon équivalente,

```
> X |> mean(na.rm=TRUE)
[1] 5.5
```

Gérer des données

Quelques fonctions utiles de `tidyverse`

Le package `tidyverse`

- Il propose un ensemble de fonctions qui aident à obtenir des données (**tibble**) propres.
- Souvent utile avec **dplyr** pour manipuler les données et **ggplot** pour les visualiser.

Reformater les données

- Certaines analyses statistiques nécessitent un **format particulier** pour les données.
- Un exemple jouet

```
> df <- iris |> group_by(Species) |> summarize_all(mean)
> head(df)
# A tibble: 3 x 5
  Species     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
  <fct>          <dbl>        <dbl>        <dbl>        <dbl>
1 setosa         5.01         3.43         1.46        0.246
2 versicolor     5.94         2.77         4.26        1.33 
3 virginica      6.59         2.97         5.55        2.03
```

pivot_longer

- Assembler des colonnes en lignes avec `pivot_longer` (anciennement `gather`) :

```
> df1 <- df |> pivot_longer(-Species,names_to="variable",
+                               values_to="valeur")
> head(df1)

# A tibble: 6 x 3
  Species     variable     valeur
  <fct>      <chr>       <dbl>
  1 setosa     Sepal.Length 5.01
  2 setosa     Sepal.Width  3.43
  3 setosa     Petal.Length 1.46
  4 setosa     Petal.Width  0.246
  5 versicolor Sepal.Length 5.94
  6 versicolor Sepal.Width  2.77
```

Remarque

Même information avec un `format long`.

pivot_wider

- Décomposer une ligne en plusieurs colonnes avec `pivot_wider` (anciennement `spread`).

```
> df1 |> pivot_wider(names_from=variable,values_from=valeur)
# A tibble: 3 x 5
  Species      Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
  <fct>          <dbl>       <dbl>        <dbl>       <dbl>
1 setosa         5.01        3.43        1.46       0.246
2 versicolor     5.94        2.77        4.26       1.33 
3 virginica      6.59        2.97        5.55       2.03
```

Separer une colonne en plusieurs

- Fonctions `separate_wider_delim`, `separate_wider_position` et `separate_wider_regex`. Par exemple

```
> (df <- tibble(date=as.Date(c("01/03/2015","05/18/2017",
+ "09/14/2018"),"%m/%d/%Y"),temp=c(18,21,15)))
# A tibble: 3 x 2
  date      temp
  <date>    <dbl>
1 2015-01-03     18
2 2017-05-18     21
3 2018-09-14     15
```

Separer une colonne en plusieurs

- Fonctions `separate_wider_delim`, `separate_wider_position` et `separate_wider_regex`. Par exemple

```
> (df <- tibble(date=as.Date(c("01/03/2015","05/18/2017",
+ "09/14/2018"),"%m/%d/%Y"),temp=c(18,21,15)))
# A tibble: 3 x 2
  date      temp
  <date>    <dbl>
1 2015-01-03     18
2 2017-05-18     21
3 2018-09-14     15
```

```
> (df1 <- df |> separate_wider_delim(date,delim="-",
+                                         names=c("year","month","day")))
# A tibble: 3 x 4
  year month day      temp
  <chr> <chr> <chr> <dbl>
1 2015   01    03      18
2 2017   05    18      21
3 2018   09    14      15
```

Assembler des colonnes

- `unite` permet de faire l'opération inverse :

```
> df1 |> unite(date,year,month,day,sep="/") |>
+   mutate(date1=lubridate::as_date(date))

# A tibble: 3 x 3
  date      temp date1
  <chr>    <dbl> <date>
1 2015/01/03     18 2015-01-03
2 2017/05/18     21 2017-05-18
3 2018/09/14     15 2018-09-14
```

Visualiser des données

Visualiser des données

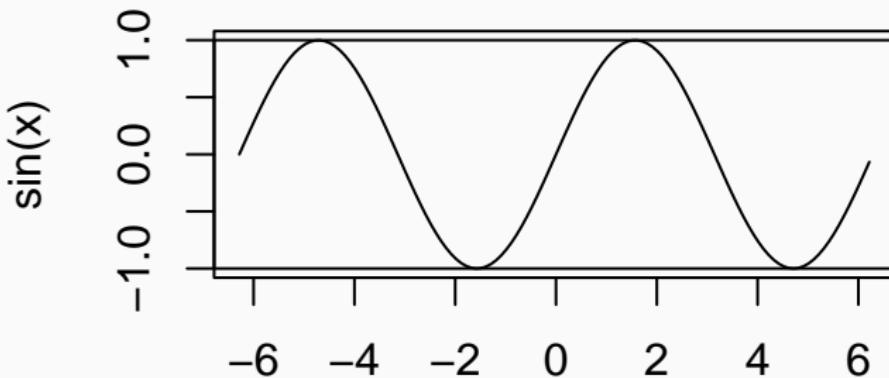
Graphes conventionnels

- **Visualisation** : cruciale à **toutes les étapes** d'une étude statistique.
- **R** Permet de créer un **très grand nombre** de type de graphes.
- On propose une (courte) présentation des **graphes classiques**,
- suivie par les graphes **ggplot**.

La fonction `plot`

- Fonction **générique** pour représenter (presque) **tous les types de données**.
- Pour un **nuage de points**, il suffit de renseigner un **vecteur** pour l'axe des **x**, et un autre vecteur pour celui des **y**.

```
> x <- seq(-2*pi,2*pi,by=0.1)
> plot(x,sin(x),type="l",xlab="x",ylab="sin(x)")
> abline(h=c(-1,1))
```



Graphes classiques pour visualiser des variables

- Histogramme pour une variable **continue**, diagramme en barre pour une variable **qualitative**.
- Nuage de points pour 2 variables continues.
- Boxplot pour une distribution continue.

Graphes classiques pour visualiser des variables

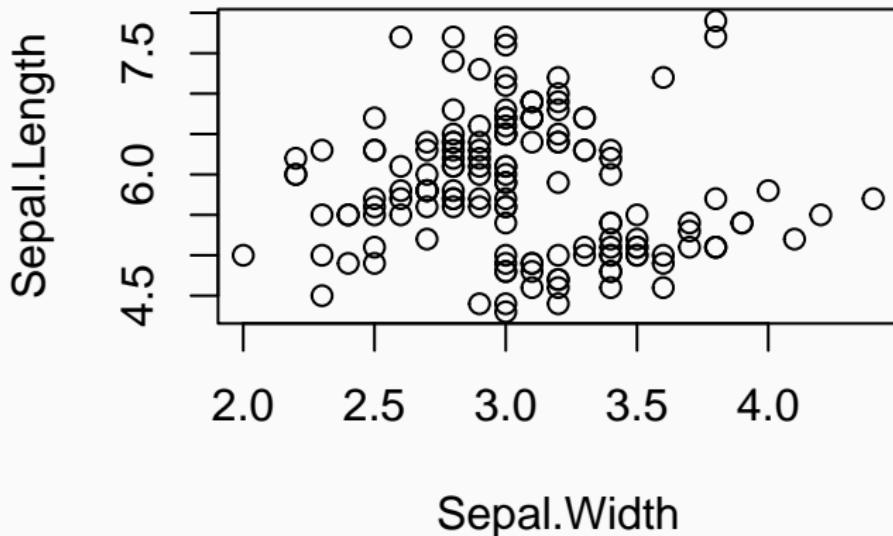
- Histogramme pour une variable **continue**, diagramme en barre pour une variable **qualitative**.
- Nuage de points pour 2 variables continues.
- Boxplot pour une distribution continue.

Constat (positif)

Il existe une **fonction R** pour toutes les représentations.

Nuage de points sur un jeu de données

```
> plot(Sepal.Length~Sepal.Width, data=iris)
```



```
> #pareil que  
> plot(iris$Sepal.Width,iris$Sepal.Length)
```

Histogramme (variable continue)

```
> hist(iris$Sepal.Length, col="red")
```

Histogram of iris\$Sepal.Length

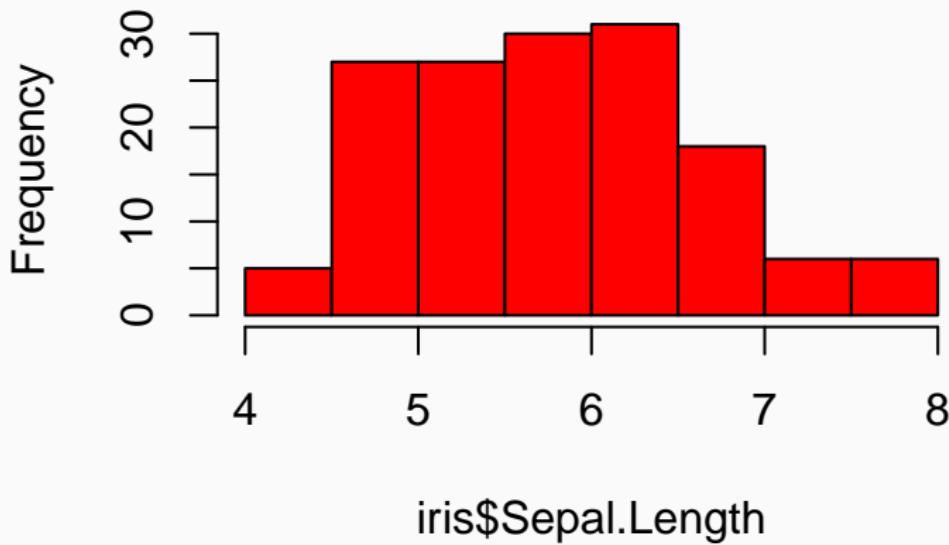
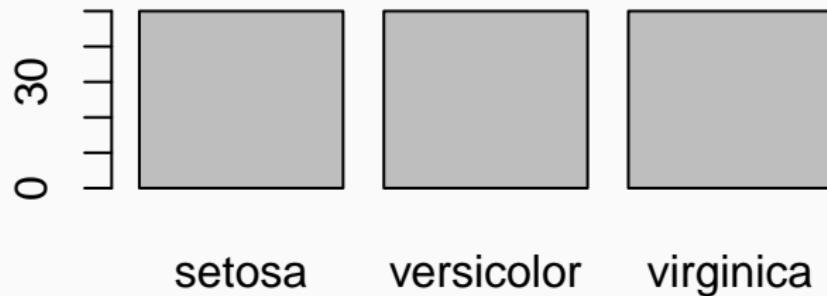


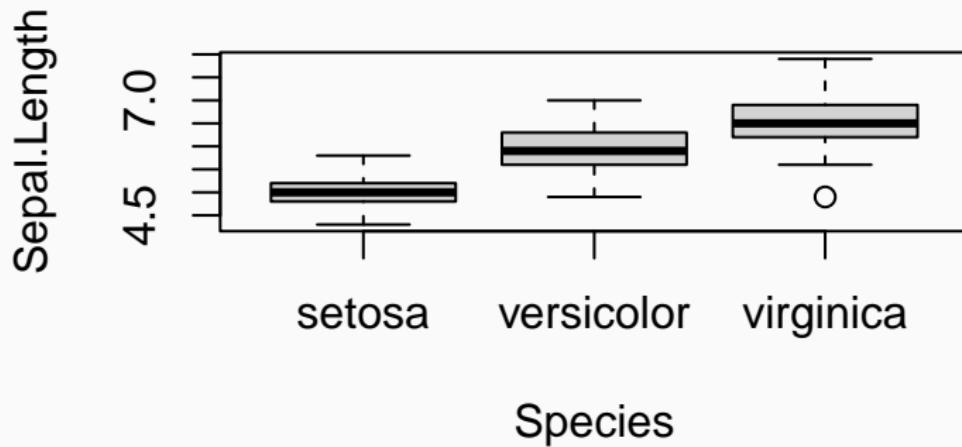
Diagramme en barres (variable qualitative)

```
> barplot(table(iris$Species))
```



Boxplot (distribution)

```
> boxplot(Sepal.Length~Species,data=iris)
```



Visualiser des données

Visualisation avec ggplot2

- `ggplot2` permet de faire des graphes **R** en s'appuyant sur une **grammaire des graphiques** (équivalent de `dplyr` pour manipuler les données).
- Les graphes produits sont **de très bonnes qualités** (pas toujours le cas avec les graphes conventionnels).
- La **grammaire ggplot2** permet d'obtenir des **graphes "complexes"** avec une **syntaxe claire et lisible**.

Remarque

Aujourd'hui la plupart des **graphes statiques** faits dans les tutoriels, livres, applications... sont fait avec `ggplot2`.

Assembler des couches

Pour un tableau de données fixé, un graphe est défini comme une succession de **couches**. Il faut toujours spécifier :

- les **données**
- les **variables** à représenter
- le **type de représentation** (nuage de points, boxplot...).

Assembler des couches

Pour un tableau de données fixé, un graphe est défini comme une succession de **couches**. Il faut toujours spécifier :

- les **données**
- les **variables** à représenter
- le **type de représentation** (nuage de points, boxplot...).

Les graphes ggplot sont construits à partir de ces couches. On indique

- les données avec **ggplot**
- les variables avec **aes** (aesthetics)
- le type de représentation avec **geom_**

La grammaire

Les principaux **verbes** sont

- **Data** (ggplot) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.

La grammaire

Les principaux **verbes** sont

- **Data** (`ggplot`) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.
- **Aesthetics** (`aes`) : façon dont les **variables** doivent être représentées.

La grammaire

Les principaux **verbes** sont

- **Data** (`ggplot`) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.
- **Aesthetics** (`aes`) : façon dont les **variables** doivent être représentées.
- **Geometrics** (`geom_...`) : **type** de représentation.

La grammaire

Les principaux **verbes** sont

- **Data** (`ggplot`) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.
- **Aesthetics** (`aes`) : façon dont les **variables** doivent être représentées.
- **Geometries** (`geom_...`) : **type** de représentation.
- **Statistics** (`stat_...`) : spécifier les **transformations** des données.

La grammaire

Les principaux **verbes** sont

- **Data** (`ggplot`) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.
- **Aesthetics** (`aes`) : façon dont les **variables** doivent être représentées.
- **Geometries** (`geom_...`) : **type** de représentation.
- **Statistics** (`stat_...`) : spécifier les **transformations** des données.
- **Scales** (`scale_...`) : modifier certains **paramètres du graphe** (changer de couleurs, de taille...).

La grammaire

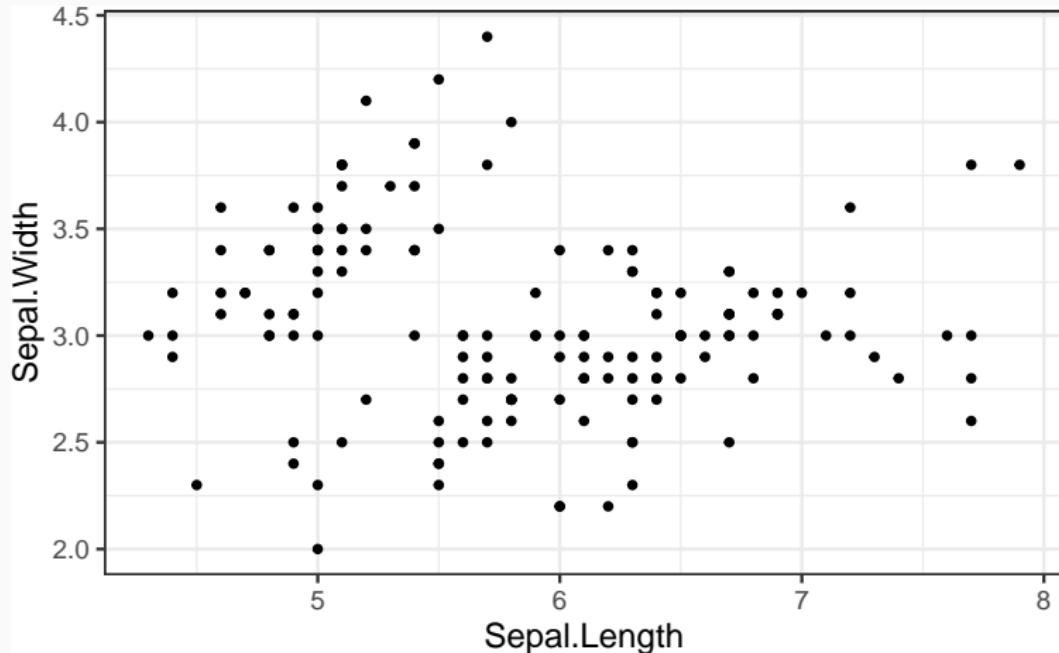
Les principaux **verbes** sont

- **Data** (`ggplot`) : les **données**, un **dataframe** ou un **tibble**.
- **Aesthetics** (`aes`) : façon dont les **variables** doivent être représentées.
- **Geometries** (`geom_...`) : **type** de représentation.
- **Statistics** (`stat_...`) : spécifier les **transformations** des données.
- **Scales** (`scale_...`) : modifier certains **paramètres du graphe** (changer de couleurs, de taille...).

Tous ces éléments sont **séparés par un +**.

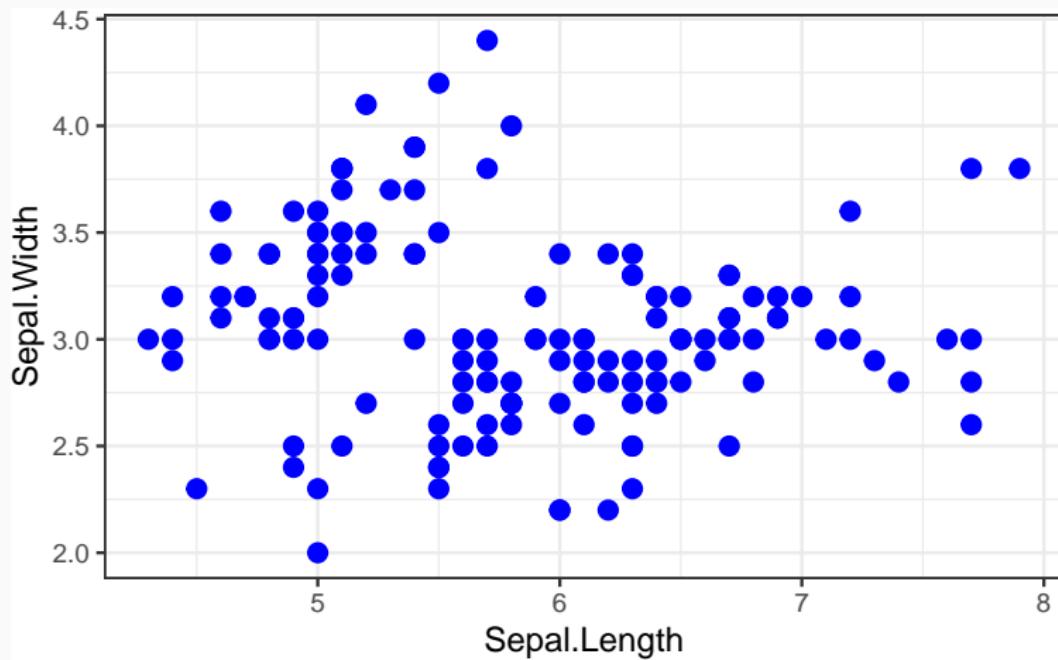
Un premier exemple

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+geom_point()
```



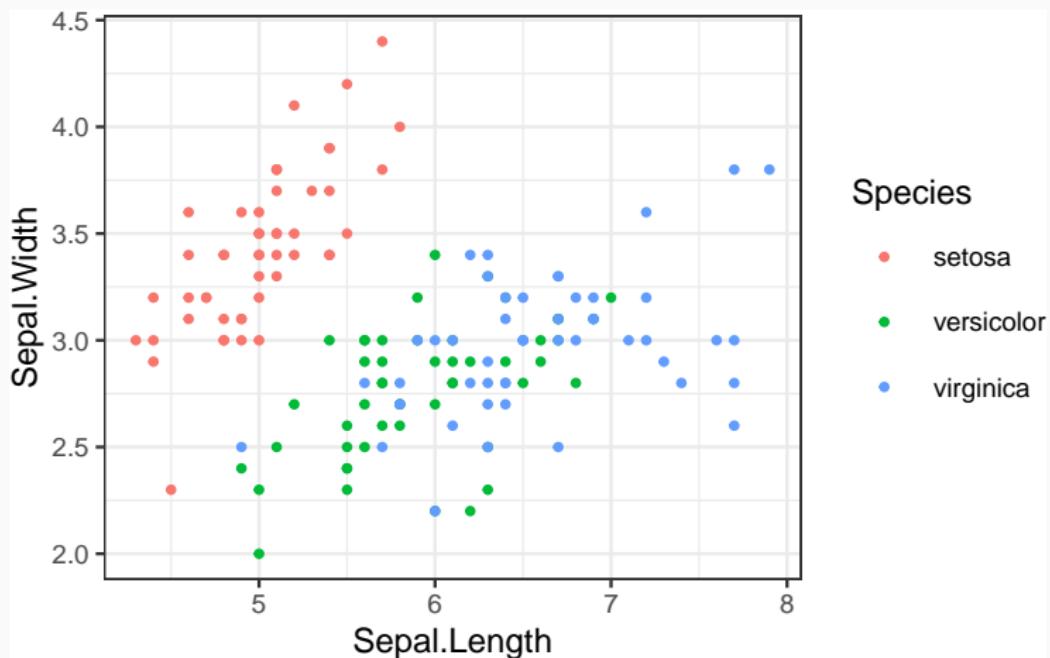
Couleur et taille

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+  
+   geom_point(color="blue",size=2)
```



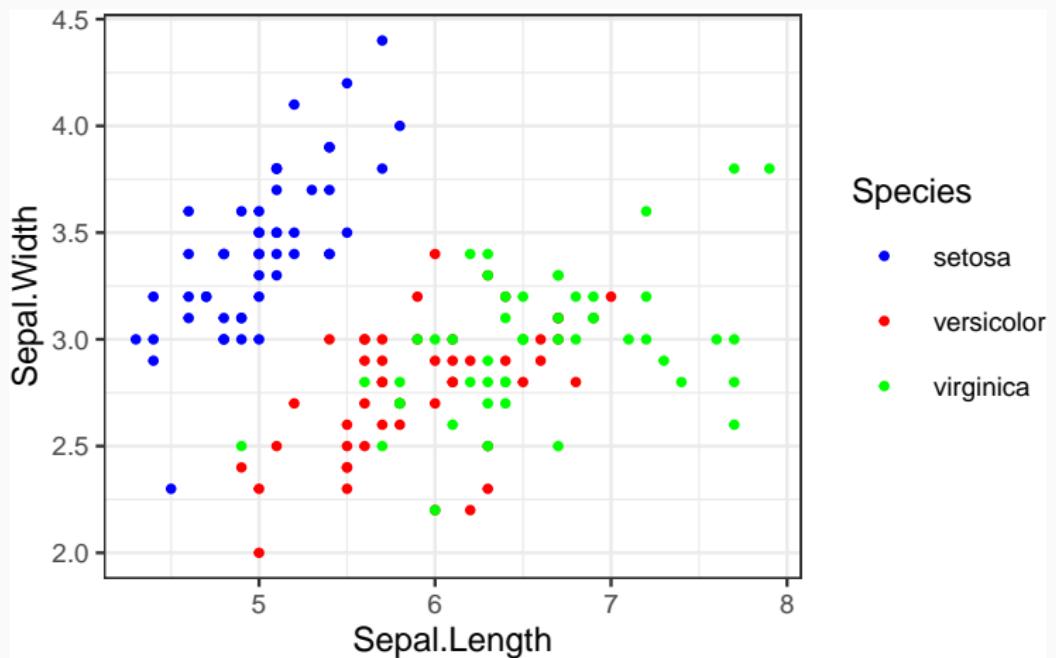
Couleur avec une variable qualitative

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,  
+                     color=Species)+geom_point()
```



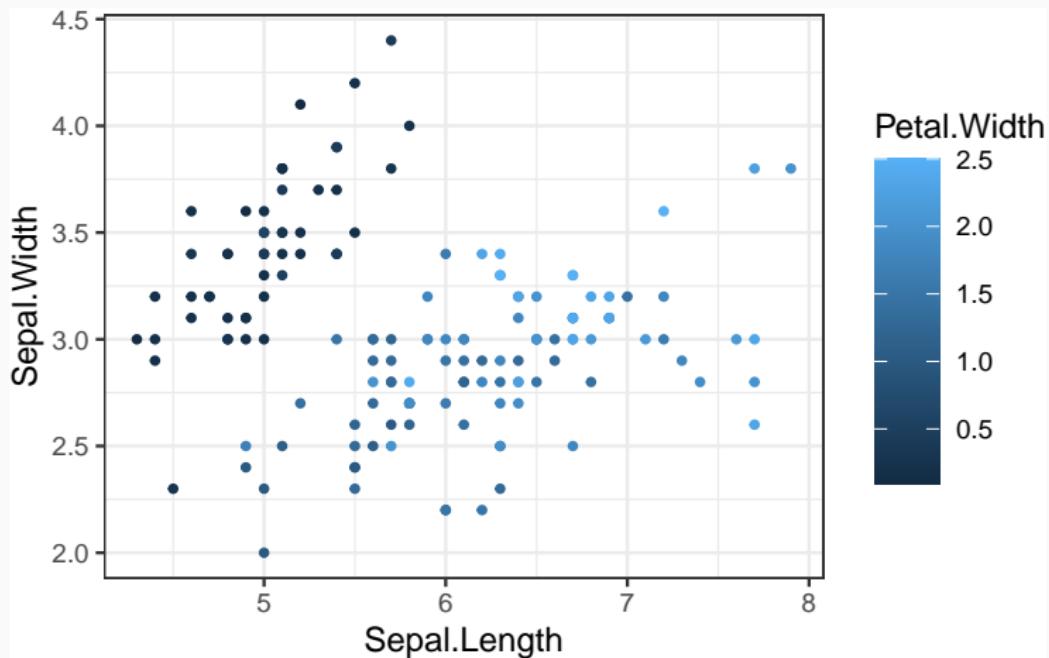
Changer la couleur

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,  
+                     color=Species)+geom_point()  
+   scale_color_manual(values=c("setosa"="blue","virginica"="green",  
+                           "versicolor"="red"))
```



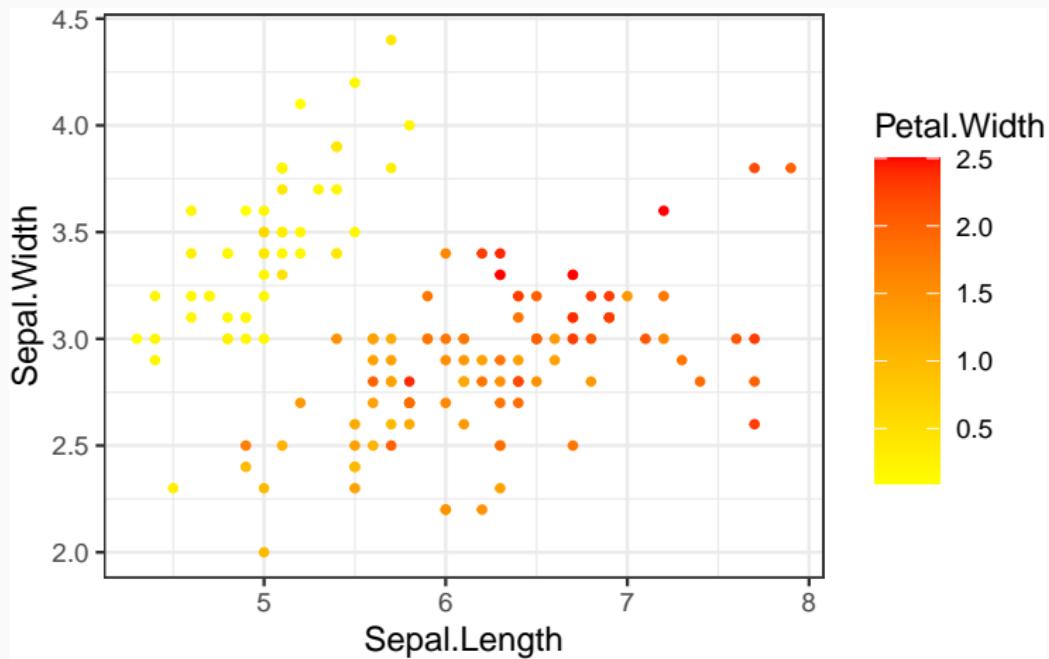
Couleur avec une variable continue

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,  
+                     color=Petal.Width)+geom_point()
```



Changer la couleur

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,  
+                     color=Petal.Width)+geom_point()  
+     scale_color_continuous(low="yellow",high="red")
```



Histogramme

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length)+geom_histogram(fill="red")
```

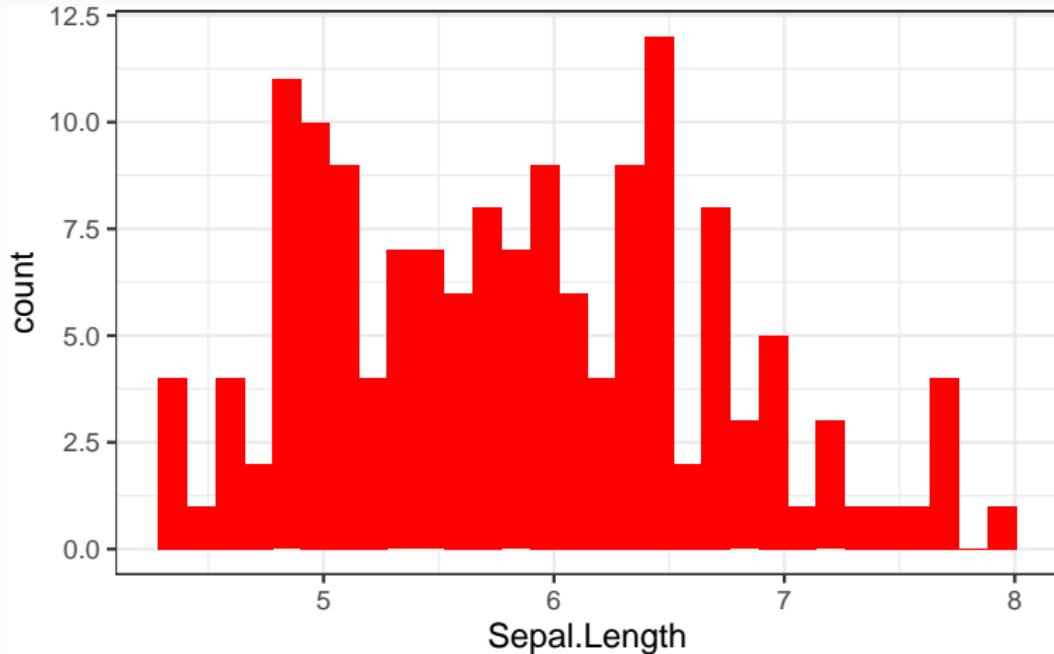
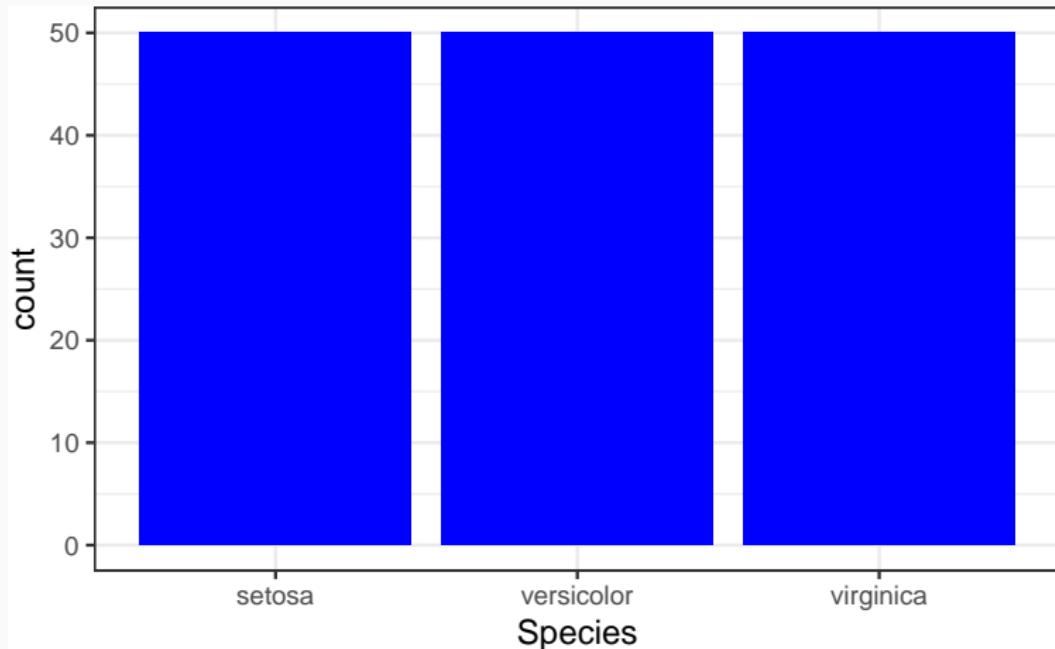


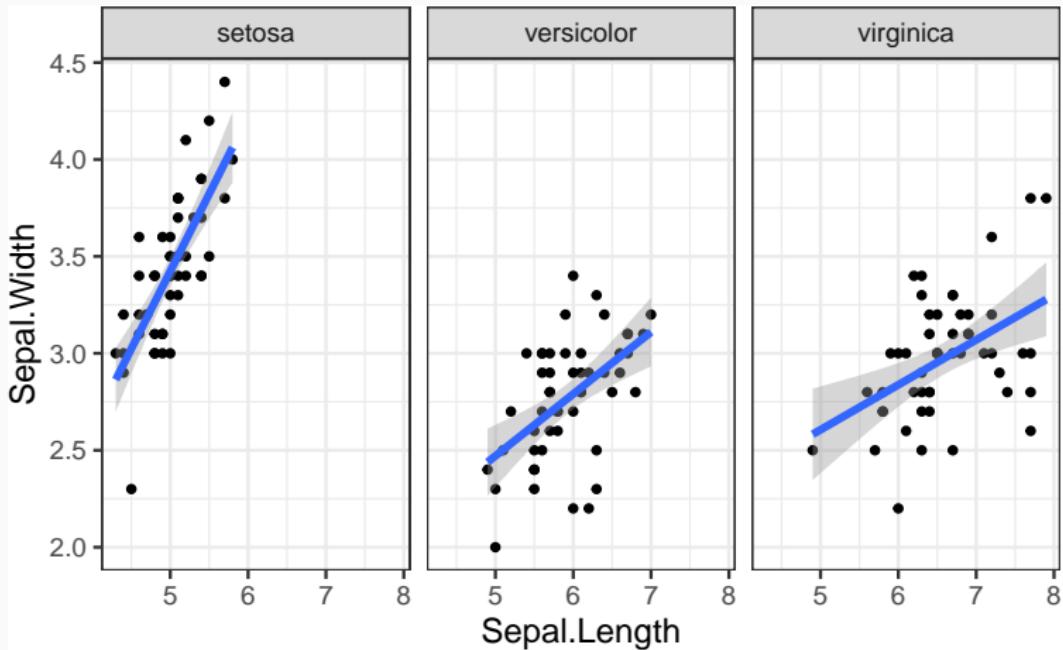
Diagramme en barres

```
> ggplot(iris)+aes(x=Species)+geom_bar(fill="blue")
```



Facetting (plus compliqué)

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+geom_point()+
+   geom_smooth(method="lm")+facet_wrap(~Species)
```

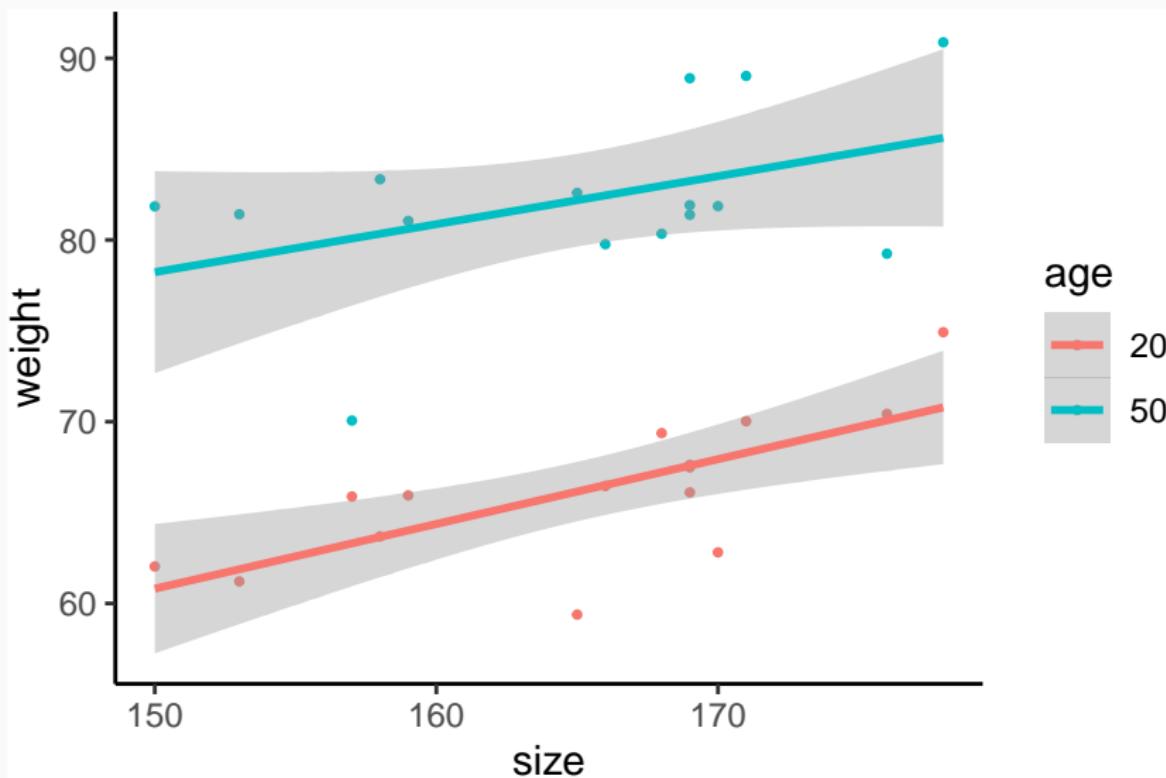


Combiner ggplot2 et dplyr-tidyr

- Souvent important de construire un bon jeu de données pour obtenir un bon graphe.
- Par exemple

```
> head(df)
# A tibble: 6 x 3
  size weight.20 weight.50
  <dbl>     <dbl>     <dbl>
1   153      61.2     81.4
2   169      67.5     81.4
3   168      69.4     80.3
4   169      66.1     81.9
5   176      70.4     79.2
6   169      67.6     88.9
```

Objectif



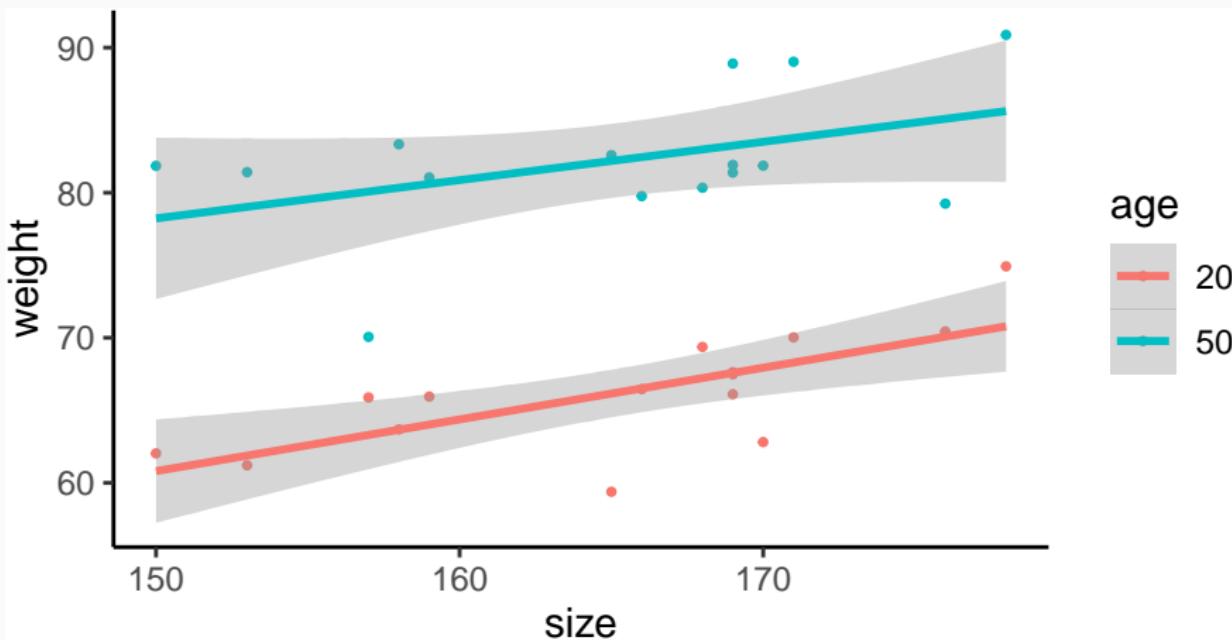
Etape **tidyR**

- Assembler les colonnes **weight.M** et **weight.W** en une colonne **weight** :

```
> df1 <- df |> pivot_longer(-size, names_to="age", values_to="weight")
> df1 |> head()
# A tibble: 6 x 3
  size age      weight
  <dbl> <chr>    <dbl>
1 153 weight.20   61.2
2 153 weight.50   81.4
3 169 weight.20   67.5
4 169 weight.50   81.4
5 168 weight.20   69.4
6 168 weight.50   80.3
> df1 <- df1 |> mutate(age=recode(age,
+ "weight.20"="20", "weight.50"="50"))
```

Etape ggplot2

```
> ggplot(df1)+aes(x=size,y=weight,color=age)+  
+   geom_point() + geom_smooth(method="lm") + theme_classic()
```



Statistics

- Certains graphes nécessitent de calculer des **indicateurs** à partir des données.

Statistics

- Certains graphes nécessitent de calculer des **indicateurs** à partir des données.
- **Exemple de l'histogramme** : compter le nombre d'observations (ou la densité) dans chaque classe.

Statistics

- Certains graphes nécessitent de calculer des **indicateurs** à partir des données.
- Exemple de l'**histogramme** : compter le nombre d'observations (ou la densité) dans chaque classe.

Conséquence

geom_histogram fait appel à la fonction stat_bin pour calculer ces indicateurs.

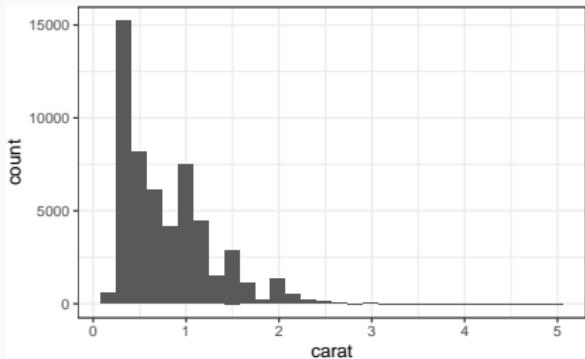
```
> geom_histogram(...,stat = "bin",...)
```

```
help(stat_bin)
Computed variables
count
number of points in bin

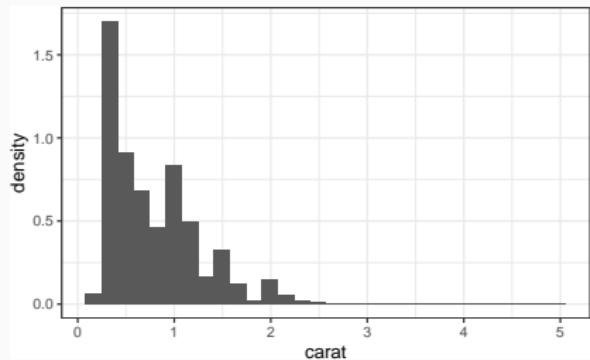
density
density of points in bin, scaled to integrate to 1
```

Visualiser une autre statistique

```
> ggplot(diamonds)+aes(x=carat)+  
+   geom_histogram()
```



```
> ggplot(diamonds)+  
+   aes(x=carat,y=after_stat(density))  
+   geom_histogram()
```

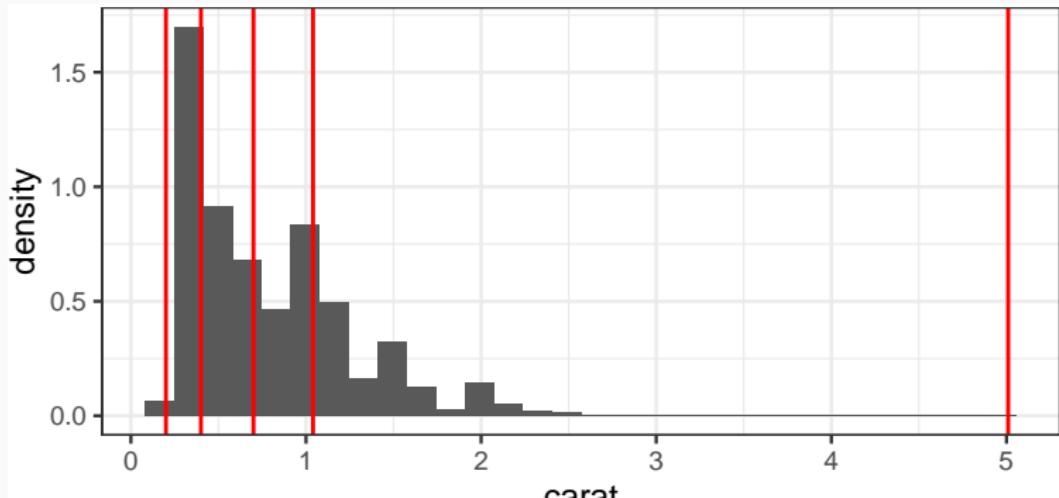


```
> #ou  
> #ggplot(diamonds)+aes(x=carat,  
> #                                     y=..density..  
> #   geom_histogram()
```

stat_summary

- D'une façon générale, stat_summary permet de calculer **n'importe quel indicateur** nécessaire au graphe.

```
> ggplot(diamonds)+aes(x=carat)+  
+   geom_histogram(aes(y=after_stat(density)))+  
+   stat_summary(aes(y=0,xintercept=after_stat(x)),  
+                 fun="quantile",geom="vline",  
+                 orientation = "y",color="red")
```

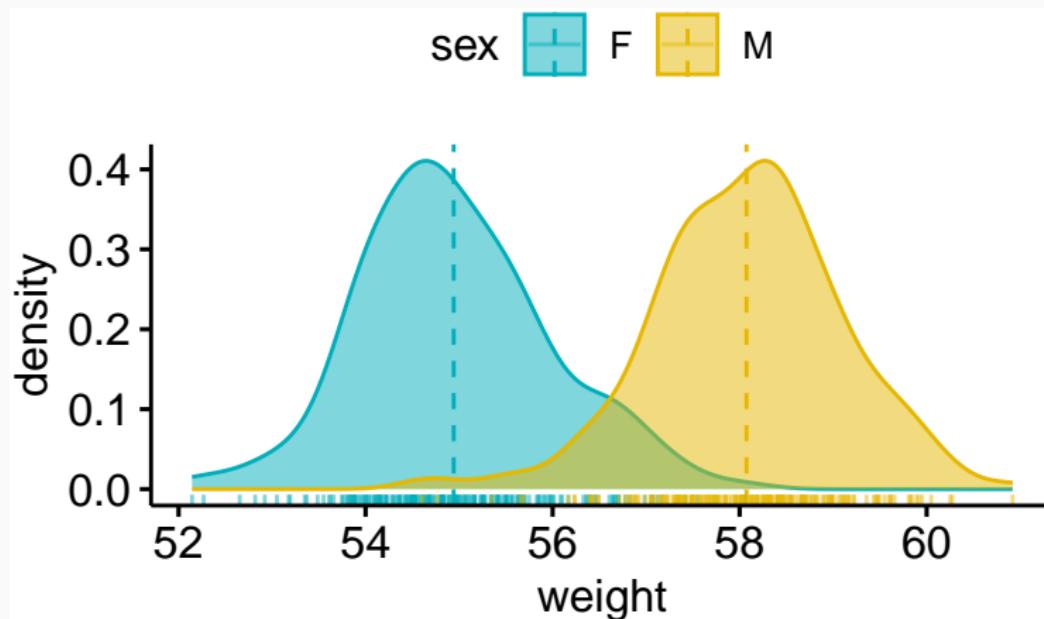


ggpubr

- Permet de faire des graphes ggplot relativement simples avec une **syntaxe simplifiée** (notamment sans l'utilisation de aes).
- Voir <https://rpkgs.datanovia.com/ggpubr/>

```
> head(wdata, 4)
   sex    weight
1   F  53.79293
2   F  55.27743
3   F  56.08444
4   F  52.65430
```

```
> library(ggpubr)
> ggdensity(wdata, x = "weight",
+   add = "mean", rug = TRUE,
+   color = "sex", fill = "sex",
+   palette = c("#00AFBB", "#E7B800"))
```



Compléments : quelques démos

```
> demo(image)
> example(contour)
> demo(persp)
> library("lattice");demo(lattice)
> example(wireframe)
> library("rgl");demo(rgl)
> example(persp3d)
> demo(plotmath);demo(Hershey)
```

Programmer en R

Programmer en R

Structures de contrôle

Boucles for

- Syntaxe :

```
> for (i in vecteur){  
+   expr1  
+   expr2  
+   ...  
+ }
```

- Exemple :

```
> for (i in 1:3){print(i)}  
[1] 1  
[1] 2  
[1] 3  
> for (i in c("lundi","mardi","mercredi")){print(i)}  
[1] "lundi"  
[1] "mardi"  
[1] "mercredi"
```

Condition while

- Syntaxe :

```
> while (condition) {expression}
```

- Exemple :

```
> i <- 1
> while (i<=3) {
+   print(i)
+   i <- i+1
+
[1] 1
[1] 2
[1] 3
```

Condition if else

- Syntaxe :

```
> if (condition){  
+   expr1  
+   ...  
+ } else {  
+   expre2  
+   ...  
+ }
```

- Exemple :

```
> a <- -2  
> if (a>0){  
+   a <- a+1  
+ } else {  
+   a <- a-1  
+ }  
> print(a)  
[1] -3
```

switch

- Syntaxe :
- Exemple :

```
> X <- matrix(0,nrow = 5,ncol = 5)
> switch(class(X)[1],
+         "matrix"=print("X est une matrice"),
+         "data.frame"=print("X est un data.frame"),
+         "numeric"=print("X est de classe numérique"))
[1] "X est une matrice"
```

Écrire une fonction

- **Syntaxe :**

```
> mafonct <- function(param1,param2,...){  
+   expr1  
+   expr2  
+   return(...)  
+ }
```

- **Exemple :**

```
> factorielle <- function(n){  
+   return(prod(1:n))  
+ }  
> factorielle(5)  
[1] 120
```

Améliorer sa fonction

- Ajout de `stop` et `warning`

```
> factorielle <- function(n){  
+   if (n<=0) stop("l'entier doit être strictement positif")  
+   if (ceiling(n) != n) warning(paste("arrondi de",n,"en",ceiling(n)))  
+   return(prod(1:ceiling(n)))  
+ }
```

Améliorer sa fonction

- Ajout de `stop` et `warning`

```
> factorielle <- function(n){  
+   if (n<=0) stop("l'entier doit être strictement positif")  
+   if (ceiling(n) != n) warning(paste("arrondi de",n,"en",ceiling(n)))  
+   return(prod(1:ceiling(n)))  
+ }
```

- Test :

```
> factorielle(-2)  
Error in factorielle(-2): l'entier doit être strictement positif
```

Améliorer sa fonction

- Ajout de `stop` et `warning`

```
> factorielle <- function(n){  
+   if (n<=0) stop("l'entier doit être strictement positif")  
+   if (ceiling(n) != n) warning(paste("arrondi de",n,"en",ceiling(n)))  
+   return(prod(1:ceiling(n)))  
+ }
```

- Test :

```
> factorielle(-2)  
Error in factorielle(-2): l'entier doit être strictement positif
```

```
> factorielle(5.8)  
Warning in factorielle(5.8): arrondi de 5.8 en 6  
[1] 720  
> factorielle(5)  
[1] 120
```

Programmer en R

Les fonctions map

- Fonctions du package **purrr** du **tidyverse** qui permettent d'appliquer des **fonctions** à des **listes**, et donc notamment à des colonnes de **tibble**.

- Fonctions du package **purrr** du **tidyverse** qui permettent d'appliquer des **fonctions** à des **listes**, et donc notamment à des colonnes de **tibble**.
- Version améliorée des fonction **apply**.
- Exemple

```
> set.seed(1234)
> tbl <- tibble(age=runif(5,20,50),taille=runif(5,150,180))
```

Fonctions map

- Appliquer une fonction à des colonnes :

```
> tbl |> map(mean)
```

```
$age
```

```
[1] 36.97743
```

```
$taille
```

```
[1] 162.3762
```

Fonctions map

- Appliquer une fonction à des colonnes :

```
> tbl |> map(mean)
```

```
$age
```

```
[1] 36.97743
```

```
$taille
```

```
[1] 162.3762
```

- Renvoyer un vecteur :

```
> tbl |> map_dbl(mean)
```

```
age      taille
```

```
36.97743 162.37615
```

Fonctions map

- Appliquer une fonction à des colonnes :

```
> tbl |> map(mean)
```

```
$age
```

```
[1] 36.97743
```

```
$taille
```

```
[1] 162.3762
```

- Renvoyer un vecteur :

```
> tbl |> map_dbl(mean)
```

```
age      taille
```

```
36.97743 162.37615
```

Autres fonctions

map_int, map_chr, map_lgl, map_dfc...

Fonctions map2

- Pour appliquer des fonctions à des **paires** d'éléments de **listes** :

```
> tbl2 <- tibble(age=runif(5,20,50),taille=runif(5,150,180))
> map2_dfc(tbl,tbl2,function(d1,d2) mean(rbind(d1,d2)))
# A tibble: 1 x 2
  age  taille
  <dbl> <dbl>
1 36.7   162.
```

Autres fonctions

map2_int, map2_chr, map2_lgl, map2_dfc...

Les fonctions anonymes

- Permettent de faciliter la syntaxe. Peut se faire avec une **formule** :

```
> map2_dfc(tbl,tbl2,~mean(rbind(.x,.y)))  
# A tibble: 1 x 2  
  age   taille  
  <dbl>  <dbl>  
1 36.7   162.
```

Les fonctions anonymes

- Permettent de faciliter la syntaxe. Peut se faire avec une **formule** :

```
> map2_dfc(tbl,tbl2,~mean(rbind(.x,.y)))  
# A tibble: 1 x 2  
  age   taille  
  <dbl> <dbl>  
1 36.7  162.
```

- Ou de la façon suivante pour mieux **expliciter les arguments** :

```
> map2_dfc(tbl,tbl2,\(a, b) mean(rbind(a,b)))  
# A tibble: 1 x 2  
  age   taille  
  <dbl> <dbl>  
1 36.7  162.
```

Pipes et fonctions anonymes

- Les pipes `|>` (de la distribution de R) et `%>%` de `dplyr` sont quasi similaires
- On note une **différence** lorsqu'on les utilise avec des **fonctions anonymes** :

```
> tbl %>% .[1,1]
+ tbl |> .[1,1]
Error: function '[' not supported in RHS call of a pipe
```

- On peut corriger en spécifiant les paramètres de la **fonction anonyme** :

```
> tbl |> (\(x) x[1,1])()
# A tibble: 1 x 1
  age
  <dbl>
1 23.4
```

Cartes

Introduction

- De nombreuses applications nécessitent des **cartes** pour **visualiser** des **données** ou les résultats d'un **modèle**.
- De **nombreux packages R** : ggmap, RgoogleMaps, maps...
- Dans cette partie : **ggmap**, **sf** (cartes **statiques**) et **leaflet** (cartes **dynamiques**).

Cartes

ggmap

Syntaxe

- Proche de `ggplot`...

Syntaxe

- Proche de `ggplot`...
- Au lieu de

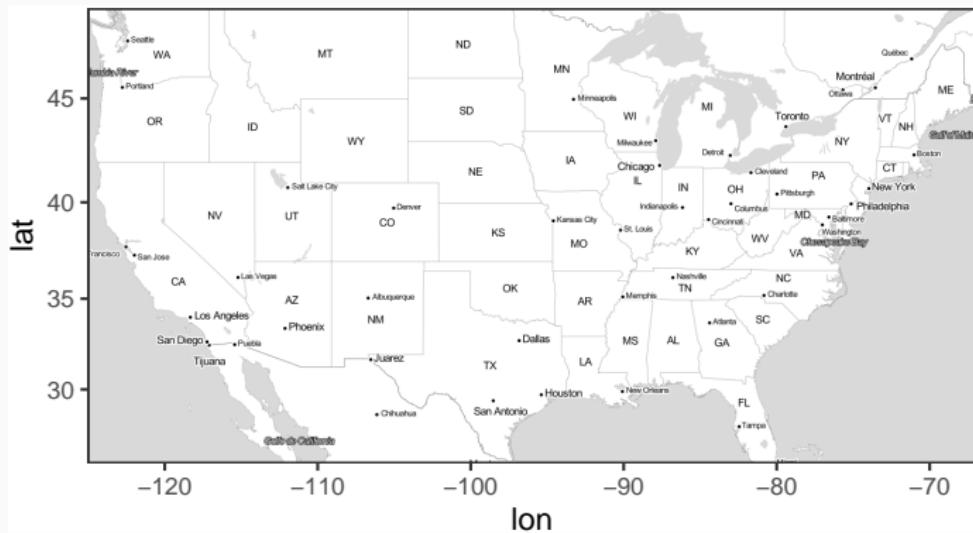
```
> ggplot(data)+...
```

- on utilise

```
> ggmap(backgroundmap)+...
```

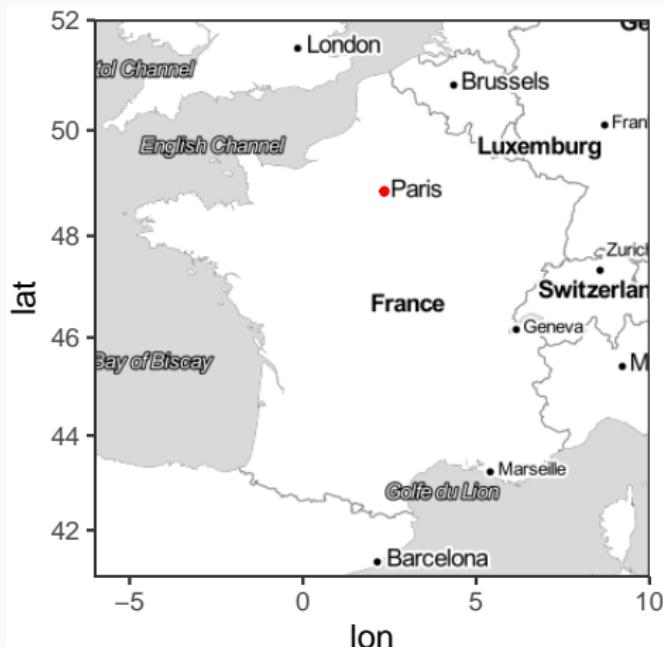
Fonds de carte ggmap

```
> library(ggmap)
> us <- c(left = -125, bottom = 25.75, right = -67, top = 49)
> map <- get_stamenmap(us, zoom = 5, maptype = "toner-lite")
> ggmap(map)
```



Ajouts avec ggplot

```
> fr <- c(left = -6, bottom = 41, right = 10, top = 52)
> fond <- get_stamenmap(fr, zoom = 5,"toner-lite")
> Paris <- data.frame(lon=2.351499,lat=48.85661)
> ggmap(fond)+geom_point(data=Paris,aes(x=lon,y=lat),color="red")
```



Cartes

Contours shapefile contours avec sf

Le package sf

- **Ggmap** : bien pour des cartes “simples” (fond et quelques points).
- **Pas suffisant** pour des **représentations plus complexes** (colorier des pays à partir de variables).

Le package sf

- **Ggmap** : bien pour des cartes “simples” (fond et quelques points).
- Pas suffisant pour des **représentations plus complexes** (colorier des pays à partir de variables).
- **sf** permet de gérer des **objets spécifiques à la cartographie** : notamment les différents **systèmes de coordonnées** et **leurs projections en 2d** (latitudes-longitudes, World Geodesic System 84...)
- Fonds de carte au format **shapefile** (**contours = polygones**)
- Compatible avec **ggplot** (verbe **geom_sf**).

Références

- <https://statnmap.com/fr/2018-07-14-initiation-a-la-cartographie-avec-sf-et-compagnie/>
- Vignettes sur le cran :
<https://cran.r-project.org/web/packages/sf/index.html>
- Un tutoriel très complet (un peu technique) :
<https://r-spatial.github.io/sf/articles/>

Exemple

```
> library(sf)
> dpt <- read_sf("./data/dpt")
> dpt[1:5,3]
Simple feature collection with 5 features and 1 field
Geometry type: MULTIPOLYGON
Dimension:      XY
Bounding box:   xmin: 644570 ymin: 6290136 xmax: 1022851 ymax: 6997000
Projected CRS: RGF93 v1 / Lambert-93
# A tibble: 5 x 2
  NOM_DEPT                                geom
  <chr>                                     <MULTIPOLYGON>
1 AIN           (((919195 6541470, 918932 6541203, 918628 6540523,
2 AISNE         (((735603 6861428, 735234 6861392, 734504 6861270,
3 ALLIER        (((753769 6537043, 753554 6537318, 752879 6538099,
4 ALPES-DE-HAUTE-PROVENCE (((992638 6305621, 992263 6305688, 991610 6306540,
5 HAUTES-ALPES    (((1012913 6402904, 1012577 6402759, 1010853 6402904))
```

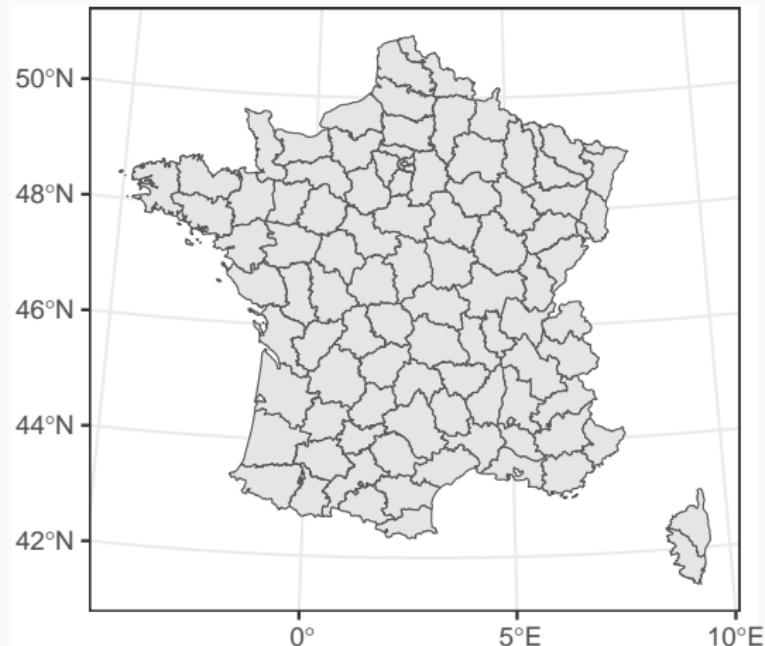
Visualisation avec plot

```
> plot(st_geometry(dpt))
```



Visualisation ggplot

```
> ggplot(dpt)+geom_sf()
```



Ajouter des points sur le graphe

- Définir des coordonnées avec `st_point`

```
> point <- st_sfc(st_point(c(2.351462,48.85670)),  
+                   st_point(c(4.832011,45.75781)),  
+                   st_point(c(5.369953,43.29617)))
```

Ajouter des points sur le graphe

- Définir des coordonnées avec `st_point`

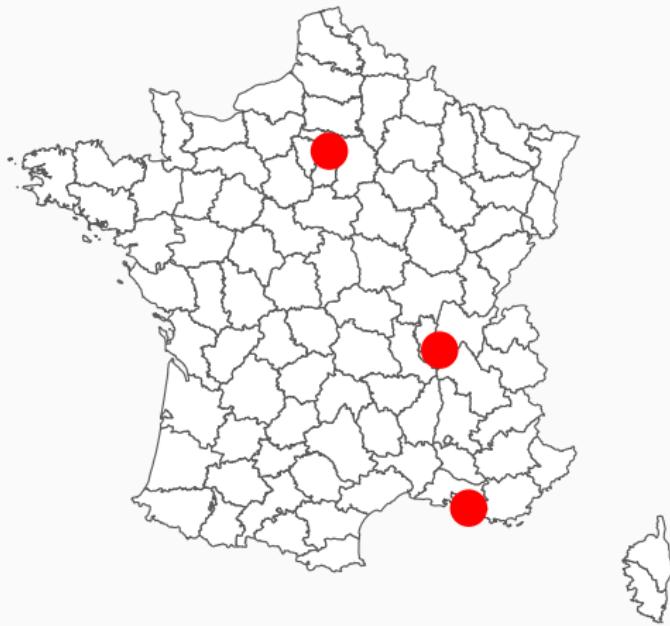
```
> point <- st_sfc(st_point(c(2.351462,48.85670)),  
+                   st_point(c(4.832011,45.75781)),  
+                   st_point(c(5.369953,43.29617)))
```

- Spécifier le `système de coordonnées` (4326 pour lat-lon)

```
> st_crs(point) <- 4326 #coord sont des long/lat  
> point  
Geometry set for 3 features  
Geometry type: POINT  
Dimension:      XY  
Bounding box:   xmin: 2.351462 ymin: 43.29617 xmax: 5.369953 ymax: 48.85670  
Geodetic CRS:   WGS 84  
POINT (2.351462 48.8567)  
POINT (4.832011 45.75781)  
POINT (5.369953 43.29617)
```

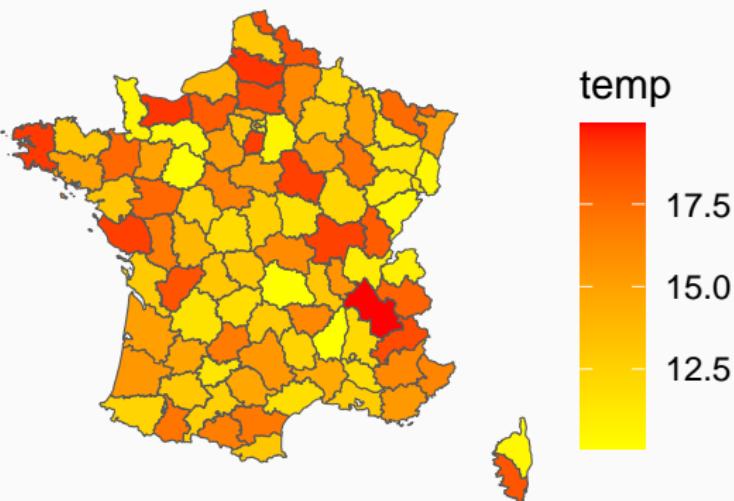
Étape ggplot

```
> ggplot(dpt) + geom_sf(fill="white")+
+   geom_sf(data=point,color="red",size=4)+theme_void()
```



Colorier des polygones

```
> set.seed(1234)
> dpt1 <- dpt |> mutate(temp=runif(96,10,20))
> ggplot(dpt1) + geom_sf(aes(fill=temp)) +
+   scale_fill_continuous(low="yellow",high="red")+
+   theme_void()
```



Compléments : la classe `geometry`

- Une des forces de `sf` est la classe `geometry` qu'il propose.

Compléments : la classe `geometry`

- Une des forces de `sf` est la classe `geometry` qu'il propose.
- C'est cette classe qui conduit la représentation avec `plot` ou `geom_sf` :
 - `point` ou `multipoint` \Rightarrow points pour localiser un lieu
 - `polygon` ou `multipolygon` \Rightarrow contours pour représenter des frontières.

Compléments : la classe `geometry`

- Une des forces de `sf` est la classe `geometry` qu'il propose.
- C'est cette classe qui conduit la représentation avec `plot` ou `geom_sf` :
 - `point` ou `multipoint` \Rightarrow points pour localiser un lieu
 - `polygon` ou `multipolygon` \Rightarrow contours pour représenter des frontières.
- Quelques fonctions utiles :
 - `st_point` et `st_multipoint` : créer des points ou suite de points
 - `st_sfc` : créer une liste d'objets `sf`
 - `st_geometry` : extraire, modifier, remplacer, créer le geometry d'un objet
 - `st_crs` : spécifier le système de coordonnées d'un geometry
 - `st_cast` : transformer le type de geometry (passer d'un `MULTIPOINTS` à plusieurs `POINTS` par exemple)
 - ...

- Création d'un objet **sf** (simple feature)

```
> b1 <- st_point(c(3,4))
> b1
POINT (3 4)
> class(b1)
[1] "XY"    "POINT" "sfg"
```

- Création d'un objet **sfc** ("liste" d'objets sf)

```
> b2 <- st_sfc(st_point(c(1,2)),st_point(c(3,4)))
> b2
Geometry set for 2 features
Geometry type: POINT
Dimension:      XY
Bounding box:   xmin: 1 ymin: 2 xmax: 3 ymax: 4
CRS:            NA
POINT (1 2)
POINT (3 4)
> class(b2)
[1] "sfc_POINT" "sfc"
```

- Extraction, ajout, remplacement d'un **geometry**

```
> class(dpt)
[1] "sf"          "tbl_df"       "tbl"          "data.frame"
> b3 <- st_geometry(dpt)
> b3
Geometry set for 96 features
Geometry type: MULTIPOLYGON
Dimension:      XY
Bounding box:  xmin: 99226 ymin: 6049647 xmax: 1242375 ymax: 7110524
Projected CRS: RGF93 v1 / Lambert-93
First 5 geometries:
MULTIPOLYGON (((919195 6541470, 918932 6541203, ...
MULTIPOLYGON (((735603 6861428, 735234 6861392, ...
MULTIPOLYGON (((753769 6537043, 753554 6537318, ...
MULTIPOLYGON (((992638 6305621, 992263 6305688, ...
MULTIPOLYGON (((1012913 6402904, 1012577 640275...
> class(b3)
[1] "sfc_MULTIPOLYGON" "sfc"
```

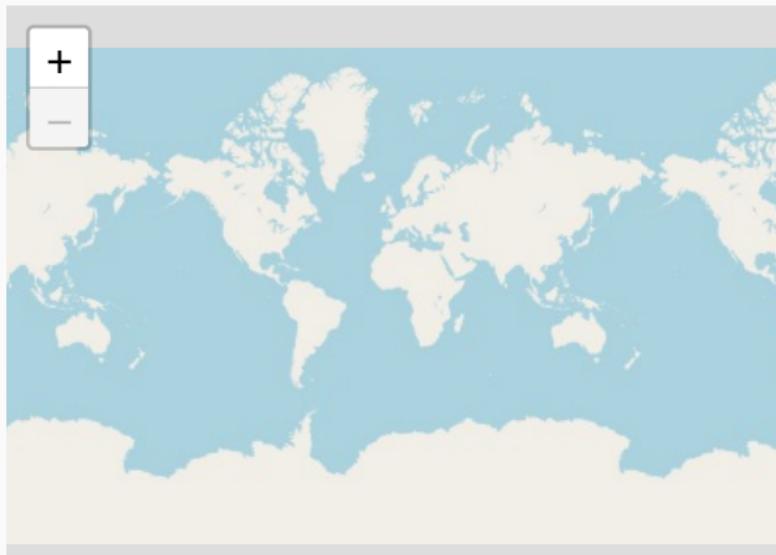
Cartes

Cartes interactives avec leaflet

Fonds de carte

- Leaflet est une des librairies open-source JavaScript les plus populaires pour faire des cartes interactives.
- Documentation: [here](#)

```
> library(leaflet)  
> leaflet() |> addTiles()
```



Différents styles de fonds de carte

```
> Paris <- c(2.35222,48.856614)  
> leaflet() |> addTiles() |>  
+   setView(lng = Paris[1], lat = Paris[2],zoom=12)
```



```
> leaflet() |> addProviderTiles("Stamen.Toner") |>  
+   setView(lng = Paris[1], lat = Paris[2], zoom = 12)
```



Avec des données

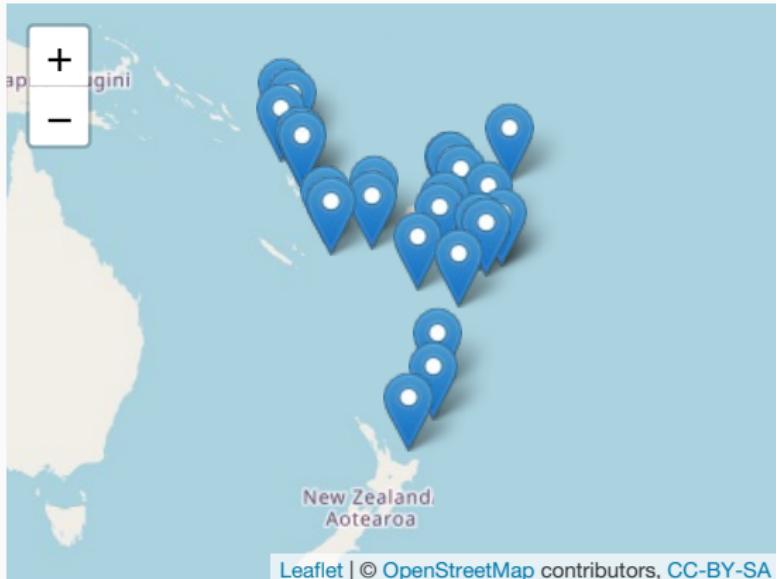
- Localiser 1000 séismes près des Fiji

```
> data(quakes)
> head(quakes)

  lat    long depth mag stations
1 -20.42 181.62   562 4.8      41
2 -20.62 181.03   650 4.2      15
3 -26.00 184.10    42 5.4      43
4 -17.97 181.66   626 4.1      19
5 -20.42 181.96   649 4.0      11
6 -19.68 184.31   195 4.0      12
```

Séismes avec une magnitude plus grande que 5.5

```
> quakes1 <- quakes |> filter(mag>5.5)
> leaflet(data = quakes1) |> addTiles() |>
+   addMarkers(~long, ~lat, popup = ~as.character(mag))
```



Remarque

La magnitude apparaît lorsqu'on clique sur un marker.

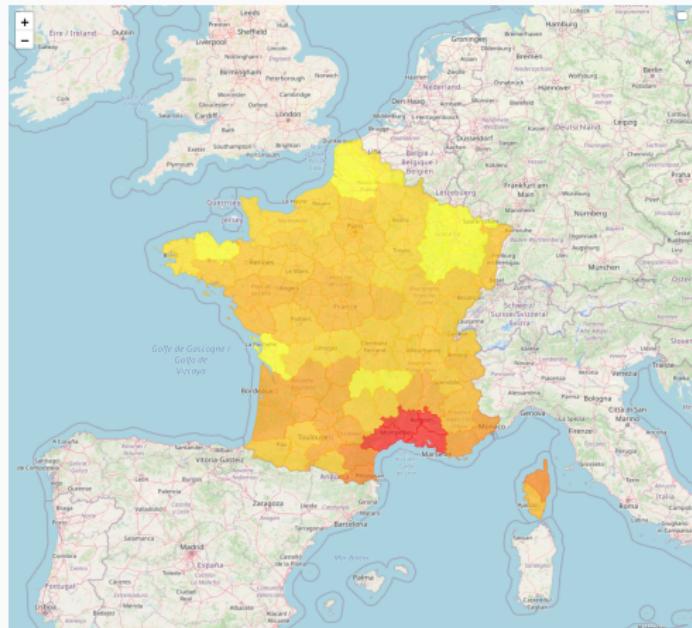
addCircleMarkers

```
> leaflet(data = quakes1) |> addTiles() |>  
+   addCircleMarkers(~long, ~lat, popup=~as.character(mag),  
+                     radius=3,fillOpacity = 0.8,color="red")
```



Colorier polygones en combinant leaflet et sf

```
> leaflet() |> addTiles() |>  
+   addPolygons(data = dpt2,color=~pal1(t_prev),fillOpacity = 0.6,  
+                 stroke = TRUE,weight=1,  
+                 popup=~paste(as.character(NOM_DEPT),  
+                               as.character(t_prev),sep=" : "))
```



Quelques outils de visualisation dynamiques

Des packages R

- Graphiques classiques avec `rAmCharts` et `plotly`.
- Graphes avec `visNetwork`.
- Tableaux de bord avec `flexdashboard`.

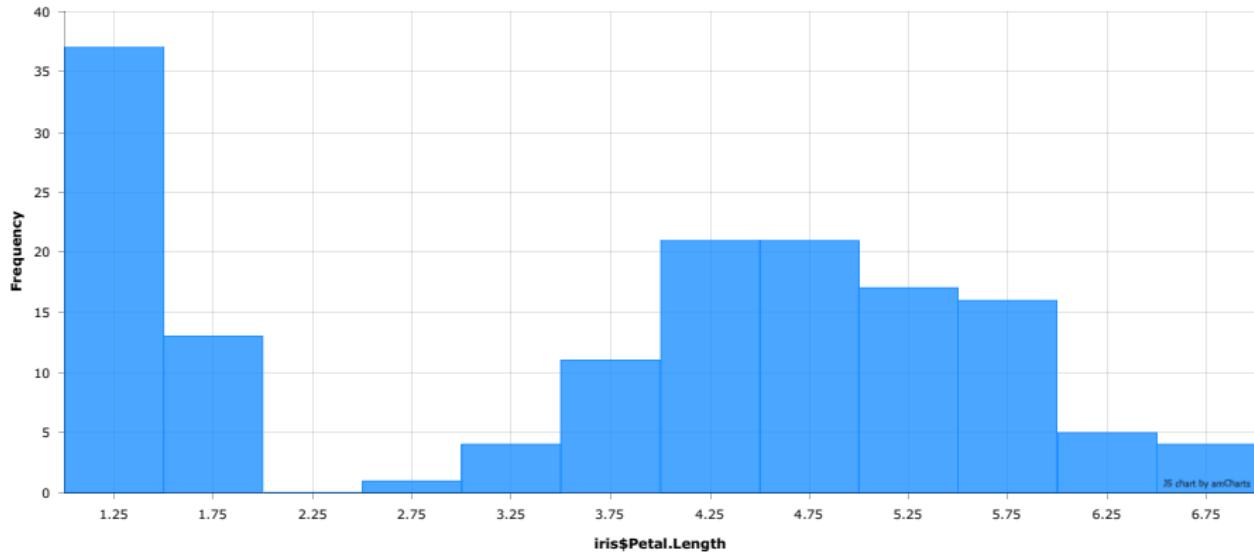
Quelques outils de visualisation dynamiques

rAmCharts et plotly

- User-friendly pour des graphes standards (nuages de points, séries chronologiques, histogrammes...).
- Il suffit d'utiliser la fonction **R** classique avec le préfixe **prefix am**.
- Exemples : **amPlot**, **amHist**, **amBoxplot**.
- Références:
https://datastorm-open.github.io/introduction_ramcharts/

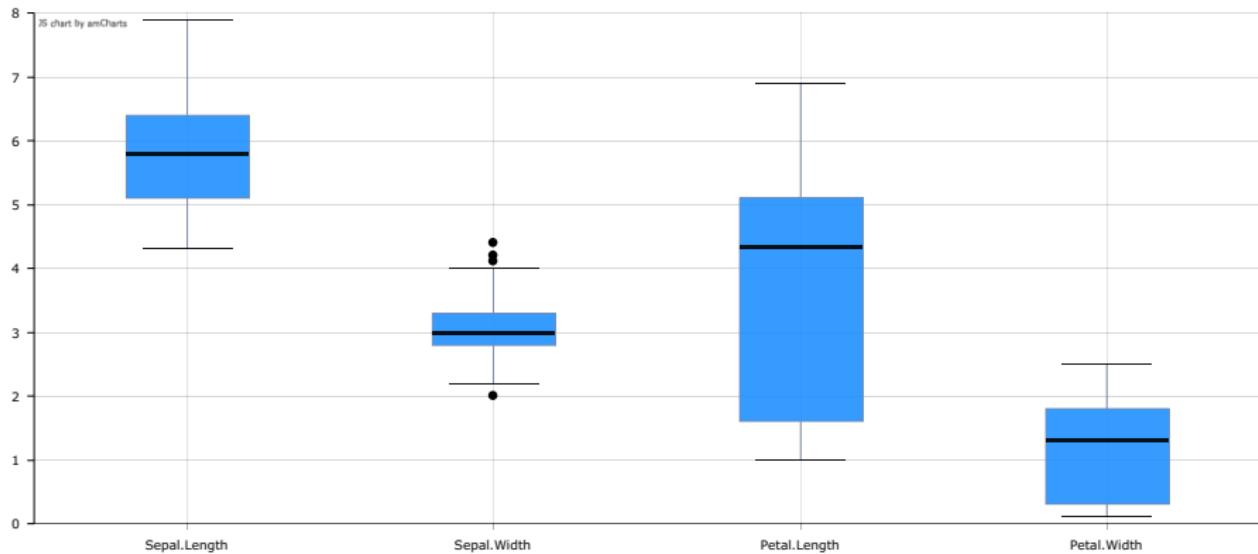
rAmCharts Histogramme

```
> library(rAmCharts)
> amHist(iris$Petal.Length)
```



rAmcharts Boxplot

```
> amBoxplot(iris)
```

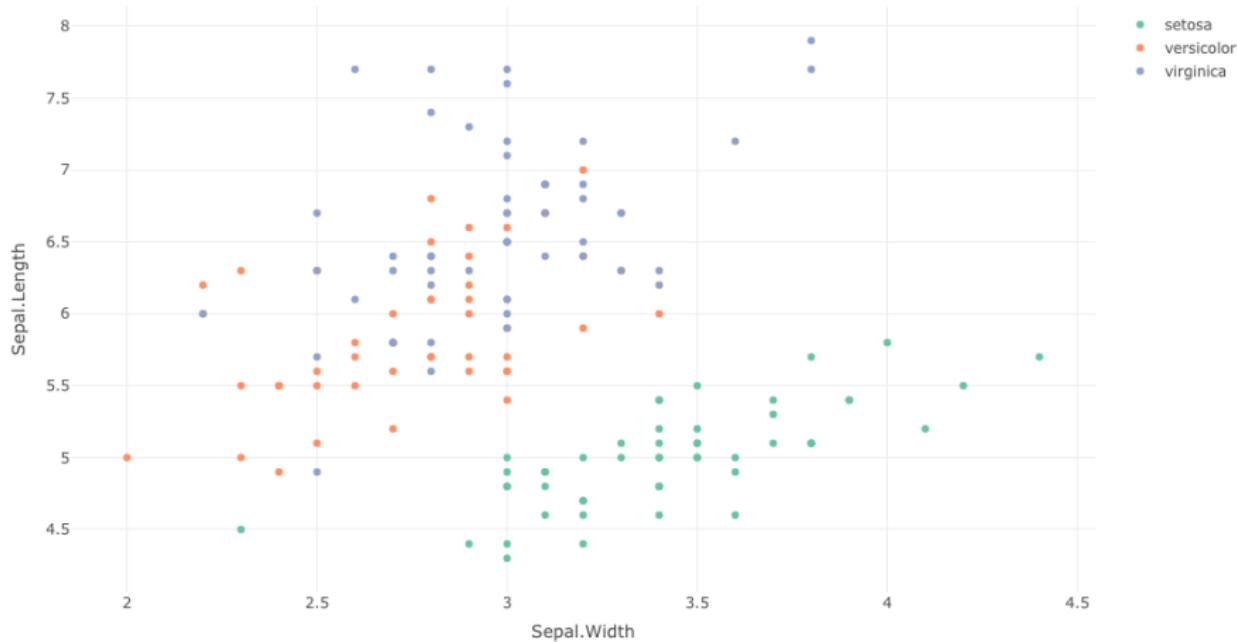


Plotly

- Package **R** pour créer des **graphes interactifs** à partir de la librairie open source **Javascript plotly.js**.
- La syntaxe se décompose en **3 parties** :
 - données et variables (**plot_ly**) ;
 - type de représentation (**add_trace, add_markers...**) ;
 - options (axes, titres...) (**layout**).
- Références: <https://plot.ly/r/reference/>

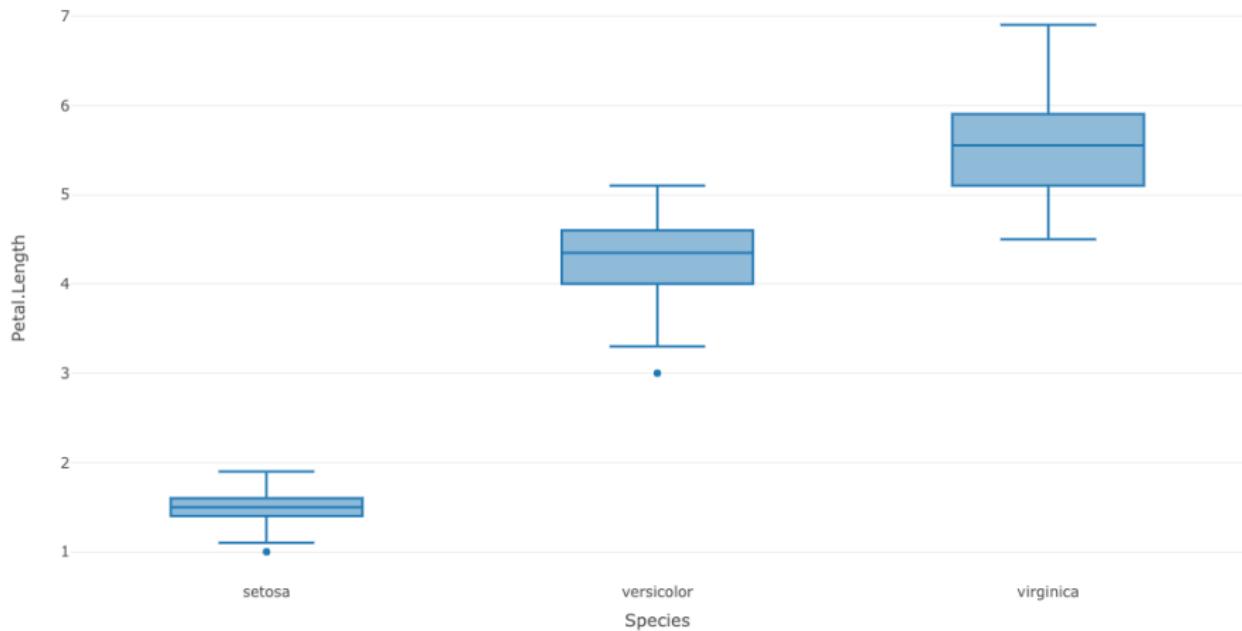
Nuage de points

```
> library(plotly)  
> iris |> plot_ly(x=~Sepal.Width,y=~Sepal.Length,color=~Species) |>  
+   add_markers(type="scatter")
```



Plotly boxplot

```
> iris |> plot_ly(x=~Species,y=~Petal.Length) |> add_boxplot()
```



Quelques outils de visualisation dynamiques

Graphes avec visNetwork

Connexions entre individus

- De nombreux jeux de données peuvent être visualisés avec des **graphes**, notamment lorsque l'on souhaite étudier des **connexions** entre individus (génétique, réseaux sociaux, système de recommandation...)

Connexions entre individus

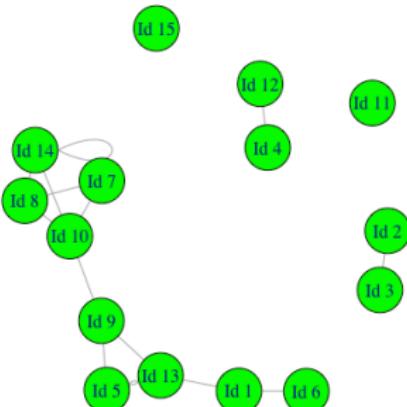
- De nombreux jeux de données peuvent être visualisés avec des **graphes**, notamment lorsque l'on souhaite étudier des **connexions** entre individus (génétique, réseaux sociaux, système de recommandation...)
- Un individu = **un nœud** et une connexion = **une arête**.

```
> set.seed(123)
> nodes <- data.frame(id = 1:15, label = paste("Id", 1:15))
> edges <- data.frame(from = trunc(runif(15)*(15-1))+1,
+                       to = trunc(runif(15)*(15-1))+1)
> head(edges)
   from to
1     5 13
2    12  4
3     6  1
4    13  5
5    14 14
6     1 13
```

Graphe statique : le package igraph

- Références : <http://igraph.org/r/>,
<http://kateto.net/networks-r-igraph>

```
> library(igraph)
> net <- graph_from_data_frame(d=edges, vertices=nodes, directed=F)
> plot(net,vertex.color="green",vertex.size=25)
```

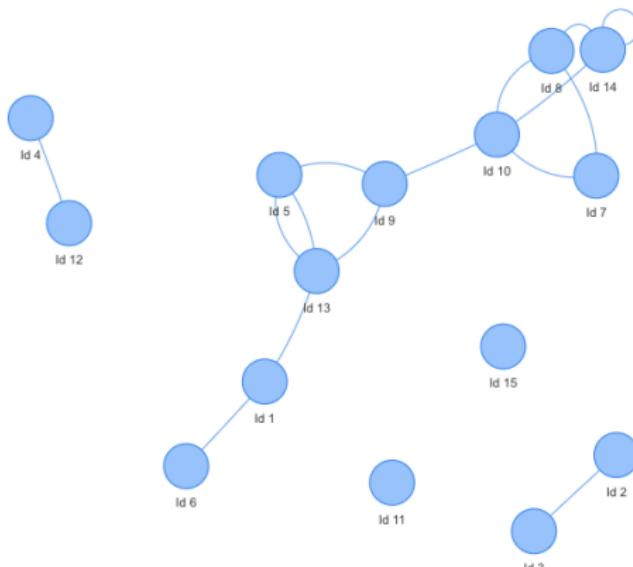


Graph dynamique : le package visNetwork

- Référence :

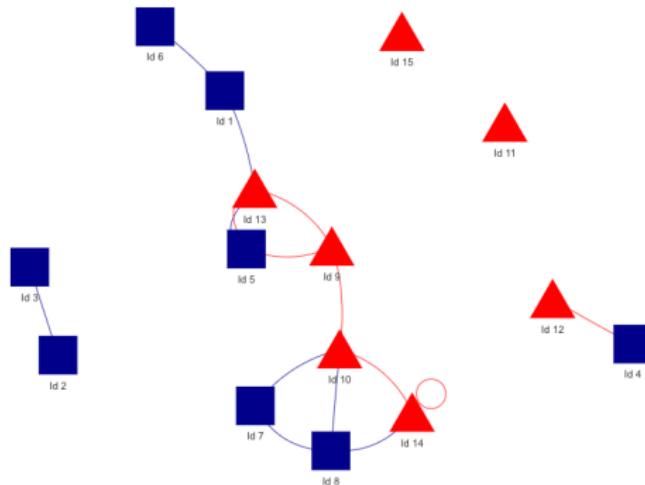
<https://datastorm-open.github.io/visNetwork/interaction.html>

```
> library(visNetwork)
> visNetwork(nodes, edges)
```



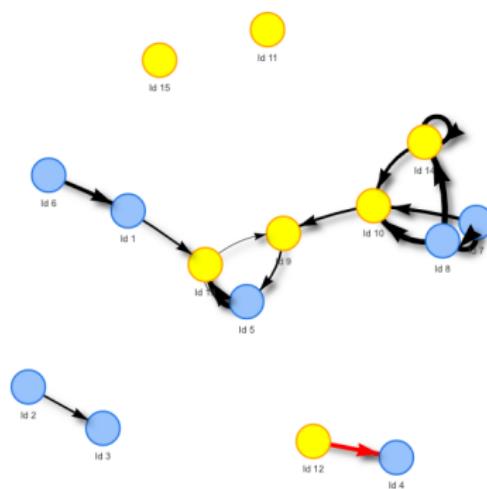
Nodes color

```
> nodes$group <- c(rep("A",8),rep("B",7))  
> visNetwork(nodes,edges) |>  
+   visGroups(groupname = "A", color = "darkblue",  
+             shape = "square") |>  
+   visGroups(groupname = "B", color = "red",  
+             shape = "triangle")
```



Edges width

```
> edges$width <- round(runif(nrow(edges), 1, 10))
> visNetwork(nodes,edges) |>
+   visEdges(shadow = TRUE,
+             arrows = list(to = list(enabled = TRUE)),
+             color = list(color = "black", highlight = "red"))
```



Quelques outils de visualisation dynamiques

Tableau de bord avec flexdasboard

- Juste un outil... mais **un outil important** en science des données
- Permet **d'assembler des messages importants** sur des données et/ou modèles

- Juste un outil... mais **un outil important** en science des données
- Permet **d'assembler des messages importants** sur des données et/ou modèles
- **Package** : flexdashboard
- **Syntaxe** : simple... juste du **Rmarkdown**
- **Référence** : <https://rmarkdown.rstudio.com/flexdashboard/>

Header

```
----  
title: "My title"  
output:  
  flexdashboard::flex_dashboard:  
    orientation: columns  
    vertical_layout: fill  
    theme: default  
----
```

- Le thème par défaut peut être remplacé par d'**autres thèmes** (cosmo, bootstrap, cerulean...) (voir [ici](#)). Il suffit d'ajouter

```
theme: yeti
```

Flexdashboard | code

Descriptive statistics

```
=====
```

Column {data-width=650}

Dataset

```
```{r}
```

```
DT::datatable(df, options = list(pageLength = 25))
```

```
```
```

Column {data-width=350}

Correlation matrix

```
```{r}
```

```
cc <- cor(df[,1:11])
```

```
mat.cor <- corrplot::corrplot(cc)
```

```
```
```

Histogram

```
```{r}
```

```
amHist(df$max03)
```

```
```
```

Flexdashboard | dashboard

Linear models to predict ozone concentrations Descriptive statistics Full linear model Selecting a simple linear model Selecting a linear model

Dataset Show 25 entries

| | maxO3 | T9 | T12 | T15 | Ne9 | Ne12 | Ne15 | Vx9 | Vx12 | Vx15 | maxO3v | vent | pluie |
|----------|-------|------|------|------|-----|------|------|---------|---------|---------|--------|-------|-------|
| 20010601 | 87 | 15.6 | 18.5 | 18.4 | 4 | 4 | 8 | 0.6946 | -1.7101 | -0.6946 | 84 | Nord | Sec |
| 20010602 | 82 | 17 | 18.4 | 17.7 | 5 | 5 | 7 | -4.3301 | -4 | -3 | 87 | Nord | Sec |
| 20010603 | 92 | 15.3 | 17.6 | 19.5 | 2 | 5 | 4 | 2.9544 | 1.8794 | 0.5209 | 82 | Est | Sec |
| 20010604 | 114 | 16.2 | 19.7 | 22.5 | 1 | 1 | 0 | 0.9848 | 0.3473 | -0.1736 | 92 | Nord | Sec |
| 20010605 | 94 | 17.4 | 20.5 | 20.4 | 8 | 8 | 7 | -0.5 | -2.9544 | -4.3301 | 114 | Ouest | Sec |
| 20010606 | 80 | 17.7 | 19.8 | 18.3 | 6 | 6 | 7 | -5.6382 | -5 | -6 | 94 | Ouest | Pluie |
| 20010607 | 79 | 16.8 | 15.6 | 14.9 | 7 | 8 | 8 | -4.3301 | -1.8794 | -3.7588 | 80 | Ouest | Sec |
| 20010610 | 79 | 14.9 | 17.5 | 18.9 | 5 | 5 | 4 | 0 | -1.0419 | -1.3892 | 99 | Nord | Sec |
| 20010611 | 101 | 16.1 | 19.6 | 21.4 | 2 | 4 | 4 | -0.766 | -1.0261 | -2.2981 | 79 | Nord | Sec |
| 20010612 | 106 | 18.3 | 21.9 | 22.9 | 5 | 6 | 8 | 1.2856 | -2.2981 | -3.9392 | 101 | Ouest | Sec |
| 20010613 | 101 | 17.3 | 19.3 | 20.2 | 7 | 7 | 3 | -1.5 | -1.5 | -0.8682 | 106 | Nord | Sec |
| 20010614 | 90 | 17.6 | 20.3 | 17.4 | 7 | 6 | 8 | 0.6946 | -1.0419 | -0.6946 | 101 | Sud | Sec |
| 20010615 | 72 | 18.3 | 19.6 | 19.4 | 7 | 5 | 6 | -0.8682 | -2.7362 | -6.8944 | 90 | Sud | Sec |
| 20010616 | 70 | 17.1 | 18.2 | 18 | 7 | 7 | 7 | -4.3301 | -7.8785 | -5.1962 | 72 | Ouest | Pluie |
| 20010617 | 83 | 15.4 | 17.4 | 16.6 | 8 | 7 | 7 | -4.3301 | -2.0521 | -3 | 70 | Nord | Sec |
| 20010618 | 88 | 15.9 | 19.1 | 21.5 | 6 | 5 | 4 | 0.5209 | -2.9544 | -1.0261 | 83 | Ouest | Sec |
| 20010620 | 145 | 21 | 24.6 | 26.9 | 0 | 1 | 1 | -0.342 | -1.5321 | -0.684 | 121 | Ouest | Sec |
| 20010621 | 81 | 16.2 | 22.4 | 23.4 | 8 | 3 | 1 | 0 | 0.3473 | -2.5712 | 145 | Nord | Sec |
| 20010622 | 121 | 19.7 | 24.2 | 26.9 | 2 | 1 | 0 | 1.5321 | 1.7321 | 2 | 81 | Est | Sec |
| 20010623 | 146 | 23.6 | 28.6 | 28.4 | 1 | 1 | 2 | 1 | -1.9284 | -1.2155 | 121 | Sud | Sec |
| 20010624 | 121 | 20.4 | 25.2 | 27.7 | 1 | 0 | 0 | 0 | -0.5209 | 1.0261 | 146 | Nord | Sec |
| 20010625 | 146 | 27 | 32.7 | 33.7 | 0 | 0 | 0 | 2.9544 | 6.5778 | 4.3301 | 121 | Est | Sec |
| 20010626 | 108 | 24 | 23.5 | 25.1 | 4 | 4 | 0 | -2.5712 | -3.8567 | -4.6985 | 146 | Sud | Sec |
| 20010627 | 83 | 19.7 | 22.9 | 24.8 | 7 | 6 | 6 | -2.5981 | -3.9392 | -4.924 | 108 | Ouest | Sec |
| 20010628 | 57 | 20.1 | 22.4 | 22.8 | 7 | 6 | 7 | -5.6382 | -3.8302 | -4.5963 | 83 | Ouest | Pluie |

Showing 1 to 25 of 112 entries

Previous 1 2 3 4 5 Next

Correlation matrix

Histogram