

Visualisation avec R

Laurent Rouvière

2 octobre 2022

Table des matières

1 Présentation du cours	2
2 Rstudio, quarto et packages R	10
3 Objets R	11
4 Gérer des données	17
4.1 Importer des données	17
4.2 Manipuler les données avec Dplyr	22
5 Visualiser des données	29
5.1 Graphes conventionnels	29
5.2 Visualisation avec ggplot2	32
6 Cartes	41
6.1 ggmap	42
6.2 Contours shapefile contours avec sf	44
6.3 Cartes interactives avec leaflet	49
7 Quelques outils de visualisation dynamiques	54
7.1 rAmCharts et plotly	54
7.2 Graphes avec visNetwork	57
7.3 Tableau de bord avec flexdashboard	59

1 Présentation du cours

Présentation

- *Enseignant* : Laurent Rouvière, laurent.rouviereuniv-rennes2.fr
 - *Recherche* : statistique non paramétrique, apprentissage statistique.
 - *Enseignement* : statistique et probabilités (Université, école d'ingénieur, formation continue).
 - *Consulting* : énergie (ERDF), finance, marketing.
- *Prérequis* : bases en programmation, probabilités et statistique.
- *Objectifs* : comprendre et utiliser les outils R classiques en data science, plus particulièrement en visualisation :
 - importer et assembler des tables, manipuler des individus et des variables.
 - visualiser des données, statique et dynamique
 - créer des applications web

Documents de cours

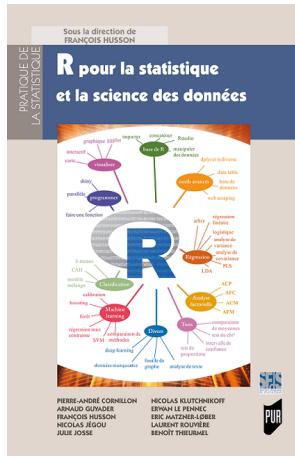
- *Slides* disponibles à l'url https://lrouviere.github.io/page_perso/visualisationR.html
- *Tutoriel* : compléments de cours et exercices disponibles à l'url https://lrouviere.github.io/TUTO_VISU_R/

Ressources

- Le *net* : de nombreux tutoriels
- Livre : *R pour la statistique et la science des données*, PUR

Pourquoi R ?

- De plus en plus de *données*, dans de plus en plus de *domaines* (énergie, santé, sport, économie....)
- La *science des données* contient tous les outils qui permettent d'*extraire de l'information* à partir de données. Elle comprend :



- l'importation de données
 - la manipulation
 - la visualisation
 - le choix et l'entraînement de modèles
 - la visualisation de modèles (ils sont de plus en plus complexes...)
 - la restitution et la visualisation des résultats (applications web)

Remarque importante

- Toutes ces notions peuvent être réalisées avec R.
 - R (data scientits) et Python (informaticiens) font partie des outils les plus utilisés en sciences des données.

Quelques mots sur R

- R est un *logiciel libre et gratuit*.
 - Il est distribué par le CRAN (Comprehensive R Archive Network) à l'url suivante :
<https://www.r-project.org>.
 - Tous les statisticiens (notamment) *peuvent contribuer* en créant des fonctions et en les distribuant à la communauté (*packages*).

Conséquence

- Le logiciel est **toujours à jour**.
- Une des principales raisons de son succès.

Exemple : Les Iris de Fisher

```
> data(iris)
> summary(iris)
  Sepal.Length   Sepal.Width    Petal.Length    Petal.Width
Min.   :4.300   Min.   :2.000   Min.   :1.000   Min.   :0.100
1st Qu.:5.100  1st Qu.:2.800  1st Qu.:1.600  1st Qu.:0.300
Median :5.800  Median :3.000  Median :4.350  Median :1.300
Mean   :5.843  Mean   :3.057  Mean   :3.758  Mean   :1.199
3rd Qu.:6.400  3rd Qu.:3.300  3rd Qu.:5.100  3rd Qu.:1.800
Max.   :7.900  Max.   :4.400  Max.   :6.900  Max.   :2.500
Species
setosa   :50
versicolor:50
virginica:50
```

Objectifs

La problématique

Expliquer *species* par les autres variables.

- Species est *variable qualitative*.
- Confronté à un problème de *classification supervisée*.

Manipulation des données

```
> apply(iris[,1:4],2,mean)
Sepal.Length  Sepal.Width  Petal.Length  Petal.Width
      5.843333   3.057333   3.758000   1.199333
> apply(iris[,1:4],2,var)
Sepal.Length  Sepal.Width  Petal.Length  Petal.Width
     0.6856935  0.1899794  3.1162779  0.5810063
```

Remarque

Non informatif pour le problème (expliquer Species).

Manipulation avec dplyr

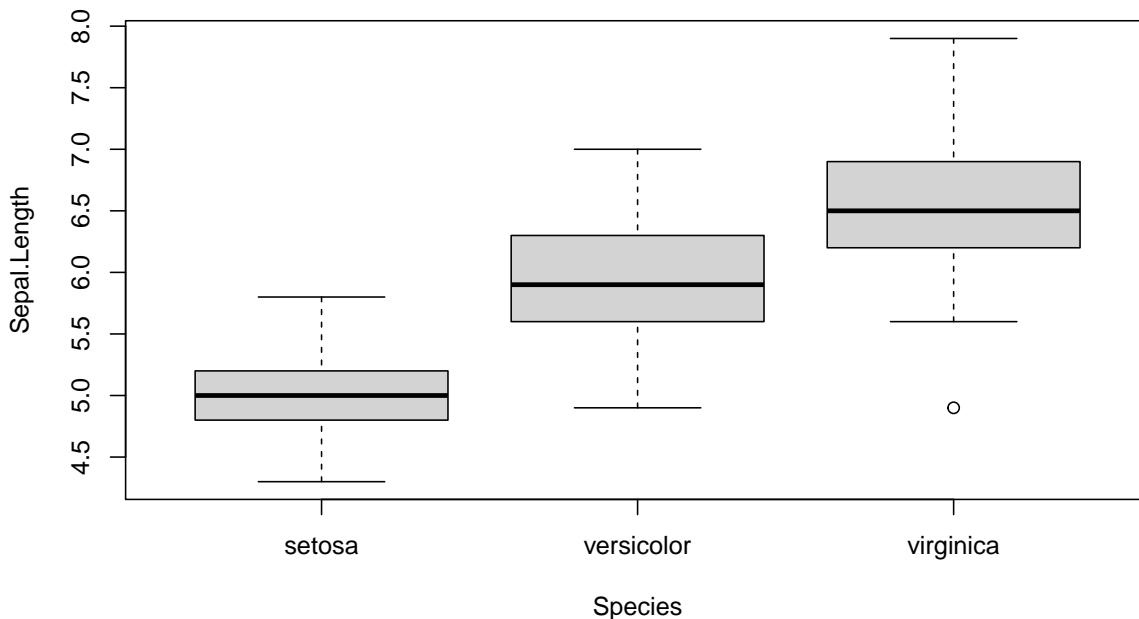
- **dplyr** est un package de **tidyverse** qui permet de faciliter la manipulation des données, notamment en terme de **syntaxe**.

```
> library(dplyr)
> iris |> group_by(Species) |> summarise_all(mean)
# A tibble: 3 x 5
  Species     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
  <fct>        <dbl>       <dbl>       <dbl>       <dbl>
1 setosa      5.01        3.43        1.46       0.246
2 versicolor   5.94        2.77        4.26       1.33 
3 virginica    6.59        2.97        5.55       2.03
```

- *Plus intéressant* : nous obtenons les moyennes pour **chaque espèce**.

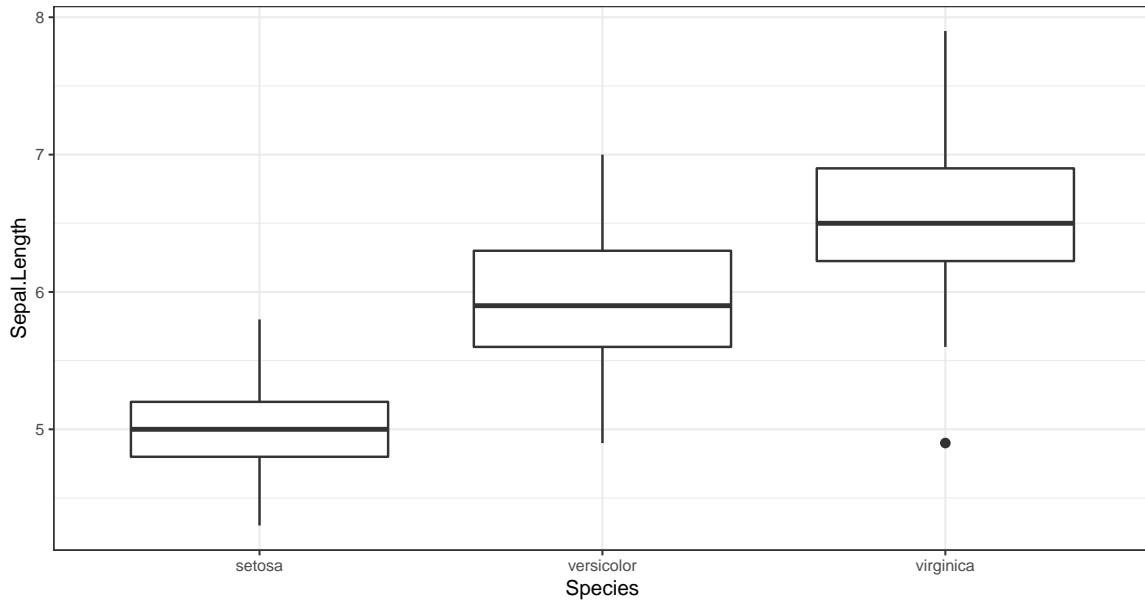
Visualisation

```
> boxplot(Sepal.Length~Species,data=iris)
```



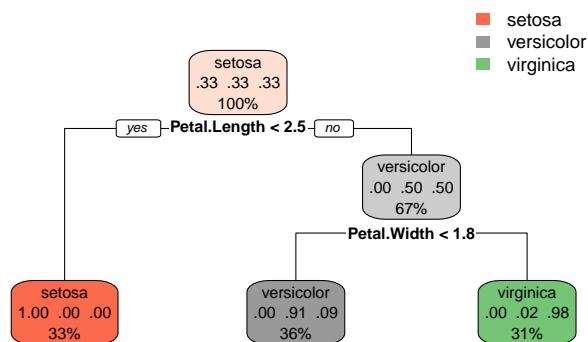
Visualisation avec ggplot2

```
> library(ggplot2)
> ggplot(iris)+aes(x=Species,y=Sepal.Length)+geom_boxplot()
```



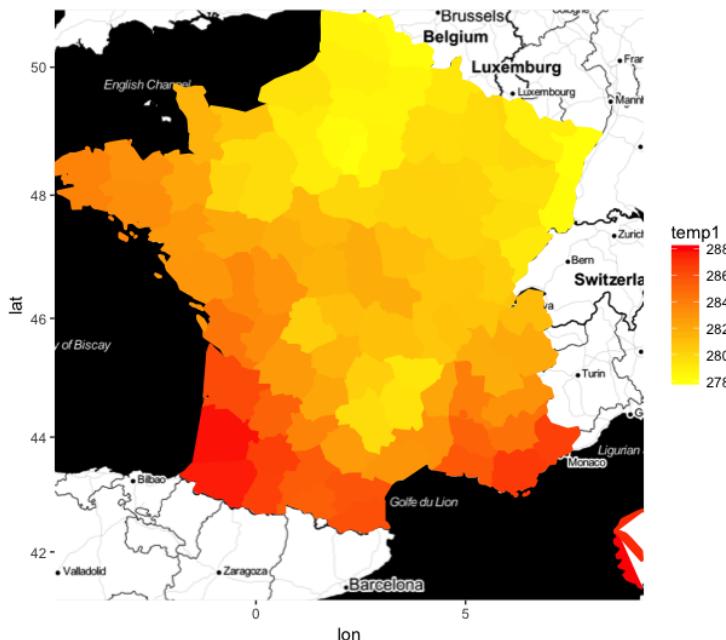
Un modèle d'arbre

```
> library(rpart)
> tree <- rpart(Species~,data=iris)
> library(rpart.plot)
> rpart.plot(tree)
```



Carte avec ggmap

- *Objectif*: visualiser les températures en france pour une date donnée.

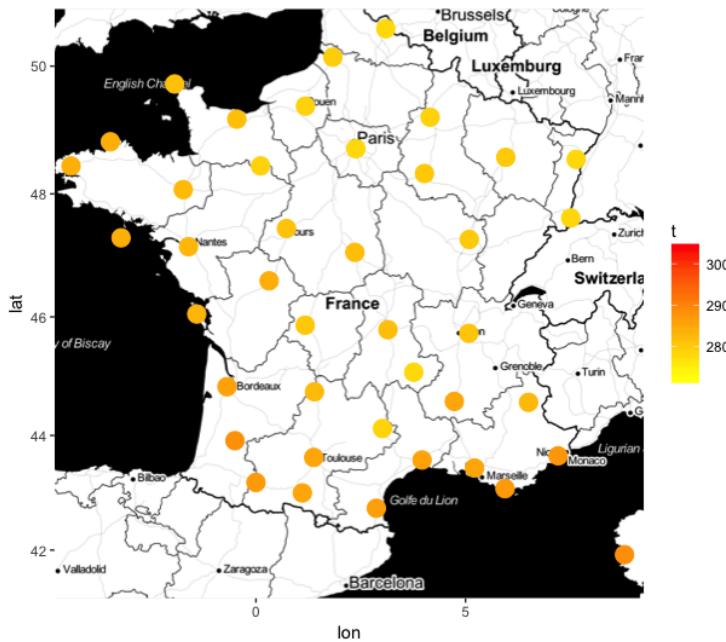


Chargement des données + fond de carte

- Données téléchargées sur le site de meteofrance (temperatures d'à peu près 60 stations).

```
> donnees <- fread("https://donneespubliques.meteofrance.fr/
+                     donnees_libres/Txt/Synop/synop_2017082815.csv")
> station <- fread("https://donneespubliques.meteofrance.fr/
+                     donnees_libres/Txt/Synop/postesSynop.csv")
> fond <- get_map("France", maptype="toner", zoom=6)
> ggmap(fond)+geom_point(data=D,
+                         aes(y=Latitude, x=Longitude, color=t), size=5)+
+                         scale_color_continuous(low="yellow", high="red")
```

Une première carte



Modèle de prévision

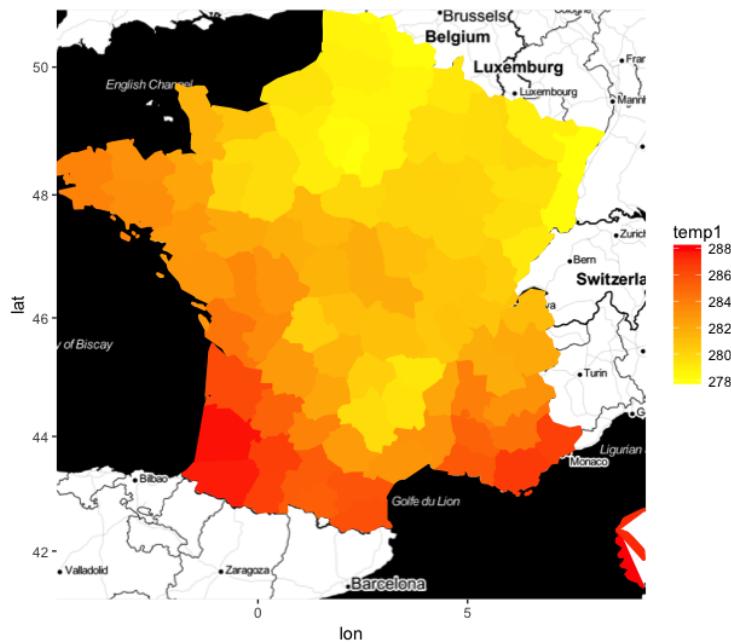
- Algorithme de *plus proche voisins* pour estimer la température sur toutes les longitudes et latitudes du territoires.

```
> library(FNN)
> mod <- knn.reg(train=D[,.Latitude,Longitude],y=D[,t],
+                   test=Test1[,.Latitude,Longitude],k=1)$pred
```

- Visualisation avec *ggmap*.

```
> library(ggmap)
> ggmap(fond)+geom_polygon(data=Test5,
+   aes(y=Latitude,x=Longitude,
+   fill=temp1,color=temp1,group=dept),size=1)+
+   scale_fill_continuous(low="yellow",high="red")+
+   scale_color_continuous(low="yellow",high="red")
```

La carte finale



Application web avec shiny

- *Shiny* est un package R qui permet la création de pages web interactives.
- Exemples :
 - Graphiques descriptifs pour un jeu de données : https://lrouviere.shinyapps.io/DESC_APP/
 - Visualisation des *stations velib* à Rennes : <https://lrouviere.shinyapps.io/velib/>

Dans cette partie

- Logiciel R
 - *Environnement Rstudio* et reporting *quarto*
 - *Objets R*
 - *Manipuler* des données (*dplyr*)
- Visualisation

- *Graphe statique* avec `ggplot`
- *Cartographie*
 - * `statique` avec `ggmap` et `sf`
 - * `dynamique` avec `leaflet`
- *Visualisation dynamique*
 - * `graphes standards` avec `rAmCharts` et `plotly`
 - * `réseaux` avec `visNetwork`
 - * `tableaux de bord` avec `flexdashboard`
- *Application web* avec `shiny`

2 Rstudio, quarto et packages R

Rstudio

- **RStudio** est une *interface* facilitant l'utilisation de R.
- Également *libre et gratuit* : <https://www.rstudio.com>.

L'écran est divisé en 4 parties :

- **Console** : pour entrer les commandes et visualiser les sorties.
- **Workspace and History** : visualiser l'historique des objets créés.
- **Files Plots...** : voir les répertoires et fichiers dans l'environnement de travail, les graphes de sortie, installer les packages...
- **Script** : éditeur pour entrer les commandes R et les commentaires. Penser à *régulièrement sauvegarder ce fichier* !

Quarto

Fichier Quarto

- Successeur de `Rmarkdown`
- Un fichier **Quarto (.qmd)** permet de produire un document de travail.
- Il contient le `code`, les `sorties` et des `commentaires` sur le travail réalisé.
- Il produit des `rapports de très bonne qualité` sous différents formats (documents, diaporama, etc...).

- Ce diaporama est réalisé avec *quarto*.
- *Recherche Reproductible* : en cliquant sur un bouton, on peut ré-exécuter tout le code du fichier et exporter les résultats sous un format rapport.
- *Documents dynamiques* : possibilité d'exporter le rapport final dans différents formats : html, pdf, rtf, slides, notebook...

Packages

- *Ensemble de programmes R* qui complètent et améliorent les fonctions de **R**.
- Un package est généralement dédié à des *méthodes ou domaines d'application spécifiques*.
- Plus de **18 000** packages actuellement.
- Contribue au *succès* de R (**toujours à jour**).

2 phases

- Installation: `install.packages(package.name)` (une seule fois).
- Chargement: `library(package.name)` (chaque fois).
- On peut aussi utiliser le bouton **package** dans Rstudio.

3 Objets R

Numérique et caractères

- Numérique (facile)

```
> x <- pi
> x
[1] 3.141593
> is.numeric(x)
[1] TRUE
```

- Caractères

```
> b <- "X"
> paste(b,1:5,sep="")
[1] "X1" "X2" "X3" "X4" "X5"
```

Vecteurs

- *Création*: `c`, `seq`, `rep`

```
> x1 <- c(1,3,4)
> x2 <- 1:5
> x3 <- seq(0,10,by=2)
> x4 <- rep(x1,3)
> x5 <- rep(x1,3,each=3)
```

- *Extraction*: `[]`

```
> x3[c(1,3,4)] # pareil que x3[x1]
[1] 0 4 6
```

Logique

- *Vrai ou Faux*

```
> 1<2
[1] TRUE
> 1==2
[1] FALSE
> 1!=2
[1] TRUE
```

- Souvent utile pour *sélectionner des composantes* d'un vecteur

```
> x <- 1:3
> test <- c(TRUE,FALSE,TRUE)
> x[test]
[1] 1 3
```

```
> size <- runif(5,150,190) #5 tailles générées aléatoirement entre 150 and 190
> size
[1] 178.8362 185.0309 180.4393 185.4450 168.2592
```

Problème

Sélectionner les tailles plus grandes que 174.

```

> size>174
[1] TRUE TRUE TRUE TRUE FALSE
> size[size>174]
[1] 178.8362 185.0309 180.4393 185.4450

```

Facteurs

- Pour représenter les *variables qualitatives* :

```

> x1 <- factor(c("a","b","b","a","a"))
> x1
[1] a b b a a
Levels: a b
> levels(x1)
[1] "a" "b"

```

Variable mal définie

- On suppose que les données sont *codées* : 0=homme, 1=femme

```

> X <- c(1,1,0,0,1)
> summary(X)
   Min. 1st Qu. Median    Mean 3rd Qu.    Max.
     0.0      0.0     1.0     0.6      1.0     1.0

```

- Problème* : R interprète X comme un vecteur *continu* \implies cela peut générer des problèmes dans l'étude statistique.

- Solution :

```

> X <- as.factor(X)
> levels(X) <- c("man","woman")
> X
[1] woman woman man   man   woman
Levels: man woman
> summary(X)
  man woman
    2      3

```

Matrice

- Création

```
> m <- matrix(1:4,nrow=2,byrow=TRUE)
> m
[,1] [,2]
[1,]    1    2
[2,]    3    4
```

- Extraction

```
> m[1,2]
> m[1,] #Première ligne
> m[,2] #Seconde colonne
```

Liste

- Permet de regrouper *plusieurs objets* de *differents types* dans un même objet :

```
> mylist <- list(vector=1:5,mat=matrix(1:8,nrow=2))
> mylist
$vector
[1] 1 2 3 4 5

$mat
[,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]    1    3    5    7
[2,]    2    4    6    8
```

- Extraction:

```
> mylist[[1]]
> mylist$vector
> mylist[["vector"]]
```

Dataframe

- Objets pour représenter des *données* dans **R**.

```
> name <- c("Paul","Mary","Steven","Charlotte","Peter")
> sex <- c(0,1,0,1,0)
> size <- c(180,165,168,170,175)
> data <- data.frame(name,sex,size)
> data
  name sex size
1  Paul   0  180
2  Mary   1  165
3 Steven   0  168
4 Charlotte  1  170
5  Peter   0  175
```

```
> summary(data)
      name          sex         size
Length:5      Min.   :0.0   Min.   :165.0
Class :character  1st Qu.:0.0   1st Qu.:168.0
Mode  :character  Median :0.0   Median :170.0
                  Mean   :0.4   Mean   :171.6
                  3rd Qu.:1.0   3rd Qu.:175.0
                  Max.   :1.0   Max.   :180.0
```

Problème 1

sex est interprété comme une *variable continue*. C'est une **variable qualitative**.

Solution

Il faut la convertir en *facteur*.

```
> data$sex <- as.factor(data$sex)
> levels(data$sex) <- c("man", "woman")
> summary(data)
      name          sex         size
Length:5      man   :3   Min.   :165.0
Class :character woman:2   1st Qu.:168.0
Mode  :character                   Median :170.0
                           Mean   :171.6
                           3rd Qu.:175.0
                           Max.   :180.0
```

Problème 2

name est interprété comme une *variable*. C'est plutôt un *identifiant*.

```

> row.names(data) <- data$name
> data <- data[,-1] #suppression de la colonne name
> data
      sex size
Paul     man 180
Mary    woman 165
Steven   man 168
Charlotte woman 170
Peter    man 175

```

Conclusion

Il est crucial de toujours vérifier que les données sont correctement interprétées par R (avec **summary** ou **mode** par exemple).

Tibbles

- Un *tibble* est une version moderne du dataframe, qui conserve les avantages et supprime les inconvénients (selon les créateurs du tibble).
- C'est la version dataframe du *tidyverse* (nécessité de charger ce package).
- *Deux différences notables :*
 - les variables qualitatives sont par défaut des caractères (et non des facteurs) ;
 - pas de rownames.

Exemple : data frame

```

> name <- c("Paul","Mary","Steven","Charlotte","Peter")
> sex <- c(0,1,0,1,0)
> size <- c(180,165,168,170,175)
> age <- c("old","young","young","old","old")
> data <- data.frame(sex,size,age)
> rownames(data) <- name
> summary(data)
      sex          size         age
Min.   :0.0   Min.   :165.0   Length:5
1st Qu.:0.0   1st Qu.:168.0   Class  :character
Median :0.0   Median :170.0   Mode   :character
Mean   :0.4   Mean   :171.6
3rd Qu.:1.0   3rd Qu.:175.0
Max.   :1.0   Max.   :180.0

```

Example : tibble

```
> library(tidyverse)
> data1 <- tibble(name,sex,size,age)
> #data1 <- column_to_rownames(data1,var="name")
> summary(data1)
  name           sex          size         age
Length:5      Min.   :0.0   Min.   :165.0  Length:5
Class :character  1st Qu.:0.0  1st Qu.:168.0  Class :character
Mode  :character  Median :0.0   Median :170.0  Mode  :character
                  Mean   :0.4   Mean   :171.6
                  3rd Qu.:1.0   3rd Qu.:175.0
                  Max.   :1.0   Max.   :180.0
```

dataframe vs tibbles

Principale différence : **pas de facteur** dans les tibbles (par défaut).

4 Gérer des données

4.1 Importer des données

- Les données sont généralement contenues dans des *fichiers* avec les individus en ligne et les variables en colonnes.
- Les fonctions *read.table* et *read.csv* permettent d'**importer des données** à partir de fichiers **.txt** et **.csv**.

```
> data <- read.table("file",...)
> data <- read.csv("file",...)
```

- ... correspondent à un ensemble d'**options** souvent très *importantes* car les fichiers de données contiennent **toujours des spécificités** (données manquantes, noms de variables...)
- Fichiers **.xls** : on pourra les *convertir* en **.csv** ou utiliser des packages spécifiques.

Indiquer le chemin

- Le **fichier des données** doit être placé dans le **dossier de travail**. Sinon, il faut indiquer le **chemin** à **read.table**.
- **Exemple:** importer le fichier **data.csv** enregistré dans **~/lectureR/Part1** :
 - Changement du répertoire de travail

```
> setwd("~/lectureR/Part1")
> df <- read.csv("data.csv",...)
```
 - Spécification du chemin dans **read.csv**

```
> df <- read.csv("~/lecture_R/Part1/data.csv",...)
```
 - Utilisation de la fonction **file.path**

```
> path <- file.path("~/lecture_R/Part1/", "data.csv")
> df <- read.csv(path,...)
```

Quelques options importantes

Il y a plusieurs **options importantes** dans **read.table** et **read.csv** :

- **sep** : le caractère de **séparation** (espace, virgule...)
- **dec** : le caractère pour le **séparateur décimal** (virgule, point...)
- **header** : logique pour indiquer si le **nom des variables** est spécifié à la première ligne du fichier
- **row.names** : vecteurs des **identifiants** (si besoin)
- **na.strings** : vecteur de caractères pour identifier les **données manquantes**.
- ...

Exemple

- Fichier **data_imp.txt**

```
name;size;age
John;174;32
Peter;?;28
Mary;165.5;NA
```

Caractéristiques

- 3 variables (ou plutôt 2...)

- Première ligne = nom des variables
- Données manquantes = NA, ?

Un premier essai

```
> path <- file.path("./data/", "data_imp.txt")
```

```
> df <- read.table(path)
> summary(df)
  V1
Length:4
Class :character
Mode :character
```

Problème

R lit quatre lignes et une colonne !

Solution

```
> df <- read.table(path, header=TRUE, sep=";", dec=".",
+                     na.strings = c("NA", "?"), row.names = 1)
> df
      size age
John   174.0 32
Peter    NA  28
Mary   165.5 NA
> summary(df)
      size          age
Min.   :165.5  Min.   :28
1st Qu.:167.6  1st Qu.:29
Median :169.8  Median :30
Mean   :169.8  Mean   :30
3rd Qu.:171.9  3rd Qu.:31
Max.   :174.0  Max.   :32
NA's    :1       NA's   :1
```

Package `readr`

- Version *tidyverse* pour l'importation.
- Il contient `read_table` et `read_csv` à la place de `read.table` et `read.csv` (underscores à la place des points).
- Dans *Rstudio*, on peut lire des données avec `readr` en cliquant sur **Import Dataset** (pas toujours efficace pour des données complexes).

Autres outils importations

- `readxl` : fichier au format Excel.
- `sas7bdat` : importation depuis SAS.
- `foreign` : formats SPSS ou STATA
- `jsonlite` : format JSON
- `rvest` : webscrapping

Concaténer des données

- L'information utile pour une analyse provient (souvent) de *plusieurs tableaux de données*.
- Besoin de *correctement assembler ces tables* avant l'étude statistique.
- **Fonctions R standard** : `rbind`, `cbind`, `cbind.data.frame`, `merge`...
- **Fonctions R tidyverse**: `bind_rows`, `bind_cols`, `left_join`, `inner_join`.

Un exemple avec 2 tables

```
> df1
# A tibble: 4 x 2
  name   nation
  <chr> <chr>
1 Peter  USA
2 Mary   GB
3 John   Aus
```

```

4 Linda USA
> df2
# A tibble: 3 x 2
  name    age
  <chr> <dbl>
1 John     35
2 Mary     41
3 Fred     28

```

Objectif

Un tableau de données avec 3 colonnes : name, nation et age.

bind_rows

```

> bind_rows(df1,df2)
# A tibble: 7 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr> <dbl>
1 Peter  USA      NA
2 Mary   GB       NA
3 John   Aus      NA
4 Linda  USA      NA
5 John   <NA>    35
6 Mary   <NA>    41
7 Fred   <NA>    28

```

⇒ *Mauvais* choix ici (2 lignes pour certains individus).

full_join

```

> full_join(df1,df2)
# A tibble: 5 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr> <dbl>
1 Peter  USA      NA
2 Mary   GB       41
3 John   Aus      35
4 Linda  USA      NA
5 Fred   <NA>    28

```

⇒ *tous les individus sont conservés* (NA sont ajoutés pour les quantités non mesurées.)

left_join

```
> left_join(df1,df2)
# A tibble: 4 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Peter  USA      NA
2 Mary   GB       41
3 John   Aus      35
4 Linda  USA      NA
```

⇒ seuls les individus du *premier tableau (gauche)* sont conservés.

inner_join

```
> inner_join(df1,df2)
# A tibble: 2 x 3
  name   nation   age
  <chr> <chr>   <dbl>
1 Mary   GB       41
2 John   Aus      35
```

⇒ on garde les individus pour lesquels **nation** et **age** sont mesurés.

Conclusion

- Plusieurs possibilités pour assembler des données.
- Important de faire le **bon choix** en fonction du contexte.

4.2 Manipuler les données avec Dplyr

- **dplyr** est un package efficace pour *transformer et résumer* des tableaux de données.
- Il propose une **syntaxe claire** (basée sur une *grammaire*) permettant de manipuler les données.

- Par exemple, pour calculer la moyenne de *Sepal.Length* de l'espèce *setosa*, on utilise généralement

```
> mean(iris[iris$Species=="setosa",]$Sepal.Length)
[1] 5.006
```

- La même chose en **dplyr** s'obtient avec

```
> library(dplyr)
> iris |> filter(Species=="setosa") |>
+   summarise(mean(Sepal.Length))
#> #> #> #> mean(Sepal.Length)
#> #> #> #> 1 5.006
```

Grammaire dplyr

dplyr propose une *grammaire* dont les principaux **verbes** sont :

- select()** : sélectionner des colonnes (variables)
- filter()** : filtrer des lignes (individus)
- arrange()** : ordonner des lignes
- mutate()** : créer des nouvelles colonnes (nouvelles variables)
- summarise()** : calculer des résumés numériques (ou résumés statistiques)
- group_by()** : effectuer des opérations pour des groupes d'individus

Penser à consulter la **cheat sheet**.

Select

But

Sélectionner des **variables**.

```
> df <- select(iris,Sepal.Length,Petal.Length)
> head(df)
#> #> Sepal.Length Petal.Length
#> #> 1 5.1 1.4
#> #> 2 4.9 1.4
#> #> 3 4.7 1.3
#> #> 4 4.6 1.5
#> #> 5 5.0 1.4
#> #> 6 5.4 1.7
```

Filter

But

Filtrer des individus.

```
> df <- filter(iris, Species=="versicolor")
> head(df)
  Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width   Species
1          5.1         3.5          1.4         0.2  versicolor
2          4.9         3.0          1.4         0.3  versicolor
3          4.7         3.2          1.3         0.2  versicolor
4          4.6         3.1          1.5         0.2  versicolor
5          4.8         3.4          1.6         0.2  versicolor
6          4.8         3.0          1.4         0.2  versicolor
```

Arrange

But

Ordonner des individus en fonction d'une variable.

```
> df <- arrange(iris, Sepal.Length)
> head(df)
  Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
1          4.3         3.0          1.4         0.2  setosa
2          4.4         3.4          1.3         0.2  setosa
3          4.3         3.0          1.1         0.1  setosa
4          4.4         3.2          1.3         0.2  setosa
5          4.3         3.1          1.5         0.1  setosa
6          4.4         3.0          1.4         0.2  setosa
```

Mutate

But

Définir des nouvelles variables dans le jeu de données.

```

> df <- mutate(iris,diff_petal=Petal.Length-Petal.Width)
> head(select(df,Petal.Length,Petal.Width,diff_petal))
#> #> Petal.Length Petal.Width diff_petal
#> #> 1       1.4        0.2      1.2
#> #> 2       1.4        0.2      1.2
#> #> 3       1.3        0.2      1.1
#> #> 4       1.5        0.2      1.3
#> #> 5       1.4        0.2      1.2
#> #> 6       1.7        0.4      1.3

```

Summarise

But

Calculer des résumés statistiques.

```

> summarise(iris,mean=mean(Petal.Length),var=var(Petal.Length))
#> #>   mean     var
#> #> 1 3.758 3.116278

```

Summarise_all et summarise_at

On peut également calculer des résumés pour des groupes de variables :

- *summarize_all* : toutes les variables du tibble

```

> iris1 <- select(iris,-Species)
> summarise_all(iris1,mean)
#> #>   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
#> #> 1       5.843333    3.057333     3.758     1.199333

```

- *summarize_at* : choisir les variables du tibble

```

> summarise_at(iris,1:3,mean)
#> #>   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length
#> #> 1       5.843333    3.057333     3.758

```

group_by

But

Faire des opérations pour des groupes de données.

```
> summarise(group_by(iris,Species),mean(Petal.Length))
# A tibble: 3 x 2
  Species      `mean(Petal.Length)` 
  <fct>          <dbl>
1 setosa         1.46
2 versicolor     4.26
3 virginica      5.55
```

L'opérateur pipe |>

- L'opérateur pipe |> permet d'*enchaîner les commandes* pour une syntaxe plus claire.
- Par exemple,

```
> mean(iris[iris$Species=="setosa","Sepal.Length"])
[1] 5.006
```

ou (un peu plus lisible)

```
> df1 <- iris[iris$Species=="setosa",]
> df2 <- df1$Sepal.Length
> mean(df2)
[1] 5.006
```

- ou (un peu plus lisible avec **dplyr**)

```
> df1 <- filter(iris,Species=="setosa")
> df2 <- select(df1,Sepal.Length)
> summarize(df2,mean(Sepal.Length))
  mean(Sepal.Length)
1             5.006
```

Pas satisfaisant

Création de deux objets **dataframe** (inutiles) pour un calcul "simple".

- Avec le **pipe**, on **décompose** et **enchaîne** les opérations:

1. Les données

```
> iris
```

2. On filtre les individus **setosa**

```
> iris |> filter(Species=="setosa")
```

3. On garde la variable d'intérêt

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |> select(Sepal.Length)
```

4. On calcule la moyenne

```
> iris |> filter(Species=="setosa") |>  
+   select(Sepal.Length) |> summarize_all(mean)  
Sepal.Length  
1      5.006
```

Plus généralement

- L'opérateur pipe `|>` applique l'*objet de droite* en considérant que le premier argument est l'*objet de gauche* (non symétrique).

```
> X <- as.numeric(c(1:10, "NA"))  
> mean(X,na.rm = TRUE)  
[1] 5.5
```

ou, de façon équivalente,

```
> X |> mean(na.rm=TRUE)  
[1] 5.5
```

Reformater les données

- Certaines analyses statistiques nécessitent un *format particulier* pour les données.
- Un exemple jouet

```
> df <- iris |> group_by(Species) |> summarize_all(mean)  
> head(df)  
# A tibble: 3 x 5  
  Species     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width  
    <fct>        <dbl>       <dbl>        <dbl>       <dbl>  
1 setosa      5.01        3.43       1.46       0.246
```

2	versicolor	5.94	2.77	4.26	1.33
3	virginica	6.59	2.97	5.55	2.03

pivot_longer

- Assembler des colonnes en lignes avec *pivot_longer* (anciennement *gather*) :

```
> df1 <- df |> pivot_longer(-Species,names_to="variable",
+                               values_to="valeur")
> head(df1)
# A tibble: 6 x 3
  Species   variable     valeur
  <fct>    <chr>      <dbl>
1 setosa   Sepal.Length 5.01
2 setosa   Sepal.Width  3.43
3 setosa   Petal.Length 1.46
4 setosa   Petal.Width  0.246
5 versicolor Sepal.Length 5.94
6 versicolor Sepal.Width  2.77
```

Remarque

Même information avec un format différent.

pivot_wider

- Décomposer une ligne en plusieurs colonnes avec *pivot_wider* (anciennement *spread*).

```
> df1 |> pivot_wider(names_from=variable,values_from=valeur)
# A tibble: 3 x 5
  Species   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
  <fct>      <dbl>       <dbl>      <dbl>       <dbl>
1 setosa     5.01        3.43       1.46       0.246
2 versicolor 5.94        2.77       4.26       1.33
3 virginica  6.59        2.97       5.55       2.03
```

Separate

- Séparer* une colonne en plusieurs.

```
> df <- tibble(date=as.Date(c("01/03/2015","05/18/2017",
+                           "09/14/2018")), "%m/%d/%Y"), temp=c(18,21,15))
```

```

> df1 <- df |> separate(date,into = c("year","month","day"))
> df1
# A tibble: 3 x 4
  year   month day     temp
  <chr> <chr> <chr> <dbl>
1 2015   01    03      18
2 2017   05    18      21
3 2018   09    14      15

```

Unite

- *Assembler* des colonnes.

```

> df2 <- df1 |> unite(date,year,month,day,sep="/")
> df2
# A tibble: 3 x 2
  date     temp
  <chr> <dbl>
1 2015/01/03    18
2 2017/05/18    21
3 2018/09/14    15

```

- On peut retransformer `date` en objet `Date`:

```

> df2 |> mutate(date1=as.Date(date))
# A tibble: 3 x 3
  date     temp date1
  <chr> <dbl> <date>
1 2015/01/03    18 2015-01-03
2 2017/05/18    21 2017-05-18
3 2018/09/14    15 2018-09-14

```

5 Visualiser des données

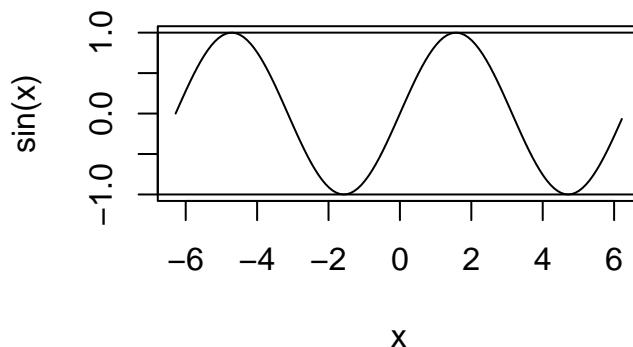
5.1 Graphes conventionnels

- *Visualisation* : cruciale à **toutes les étapes** d'une étude statistique.
- **R** Permet de créer un **très grand nombre** de type de graphes.
- On propose une (courte) présentation des *graphes classiques*,
- suivie par les graphes *ggplot*.

La fonction plot

- Fonction *générique* pour représenter (presque) tous les types de données.
- Pour un *nuage de points*, il suffit de renseigner un vecteur pour l'axe des x, et un autre vecteur pour celui des y.

```
> x <- seq(-2*pi,2*pi,by=0.1)
> plot(x,sin(x),type="l",xlab="x",ylab="sin(x)")
> abline(h=c(-1,1))
```



Graphes classiques pour visualiser des variables

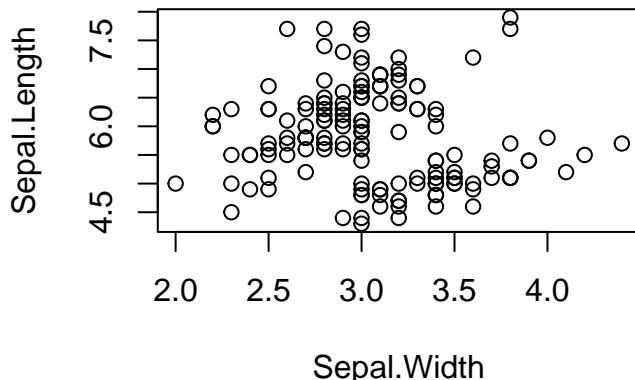
- Histogramme pour une variable *continue*, diagramme en barre pour une variable *qualitative*.
- Nuage de points pour 2 variables continues.
- Boxplot pour une distribution continue.

Constat (*positif*)

Il existe une fonction R pour toutes les représentations.

Nuage de points sur un jeu de données

```
> plot(Sepal.Length~Sepal.Width,data=iris)
```



```
> #pareil que
> plot(iris$Sepal.Width,iris$Sepal.Length)
```

Histogramme (variable continue)

```
> hist(iris$Sepal.Length,col="red")
```

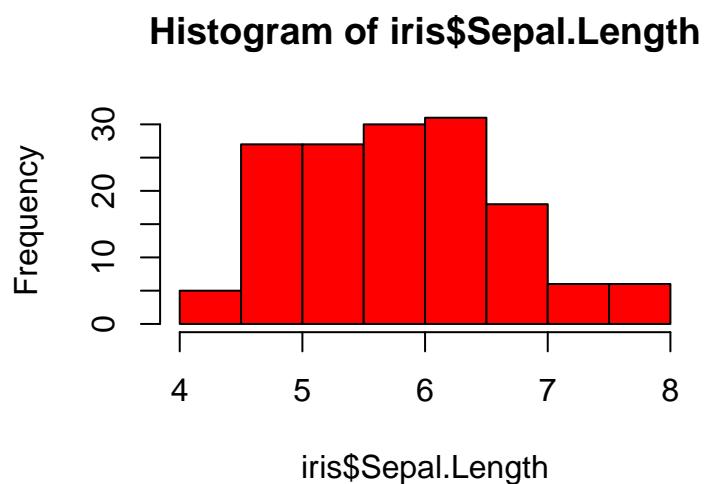
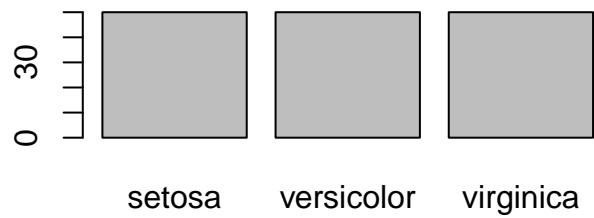


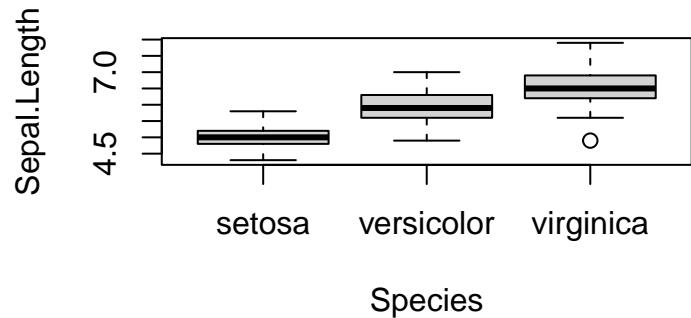
Diagramme en barres (variable qualitative)

```
> barplot(table(iris$Species))
```



Boxplot (distribution)

```
> boxplot(Sepal.Length~Species,data=iris)
```



5.2 Visualisation avec ggplot2

- *ggplot2* permet de faire des graphes R en s'appuyant sur une **grammaire des graphiques** (équivalent de **dplyr** pour manipuler les données).
- Les graphes produits sont *de très bonnes qualités* (pas toujours le cas avec les graphes conventionnels).
- La *grammaire ggplot* permet d'obtenir des **graphes "complexes"** avec une **syntaxe claire et lisible**.

Assembler des couches

Pour un tableau de données fixé, un graphe est défini comme une succession de **couches**. Il faut toujours spécifier :

- les *données*
- les *variables* à représenter
- le *type de représentation* (nuage de points, boxplot...).

Les graphes ggplot sont construits à partir de ces couches. On indique

- les données avec `ggplot`
- les variables avec `aes` (aesthetics)
- le type de représentation avec `geom_`

La grammaire

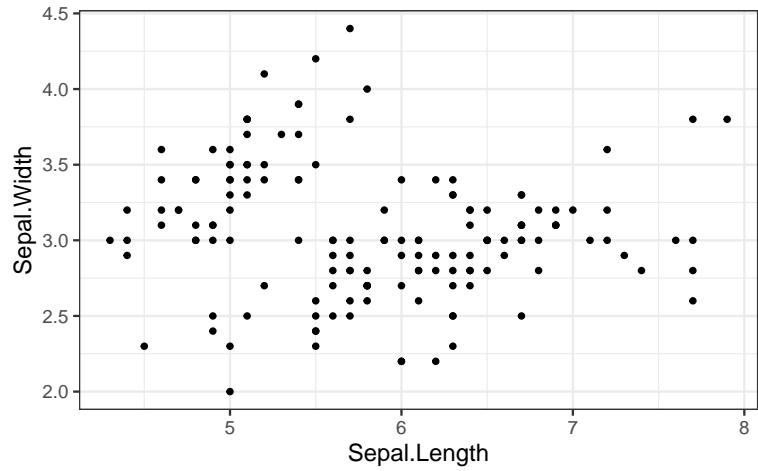
Les principaux *verbes* sont

- **Data (ggplot)** : les *données*, un dataframe ou un tibble.
- **Aesthetics (aes)** : façon dont les *variables* doivent être représentées.
- **Geometrics (geom_...)** : *type* de représentation.
- **Statistics (stat_...)** : spécifier les *transformations* des données.
- **Scales (scale_...)** : modifier certains *paramètres du graphe* (changer de couleurs, de taille...).

Tous ces éléments sont séparés par un `+`.

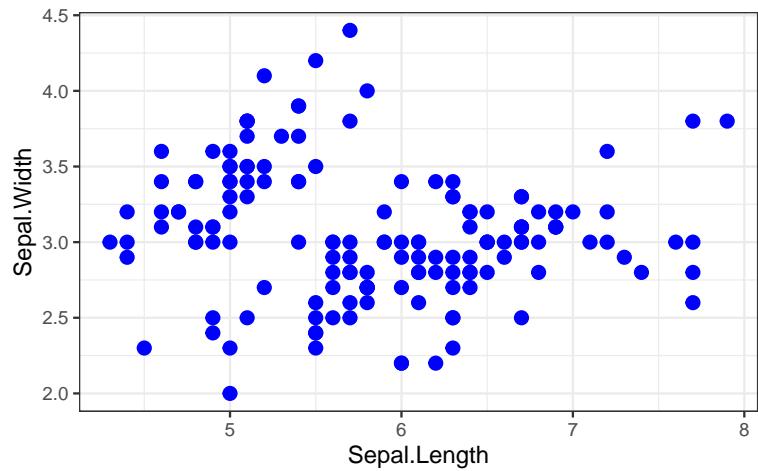
Un premier exemple

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+geom_point()
```



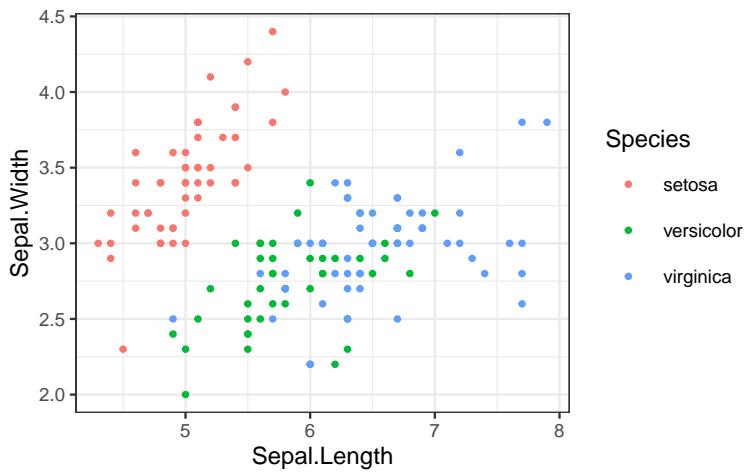
Couleur et taille

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+  
+   geom_point(color="blue",size=2)
```



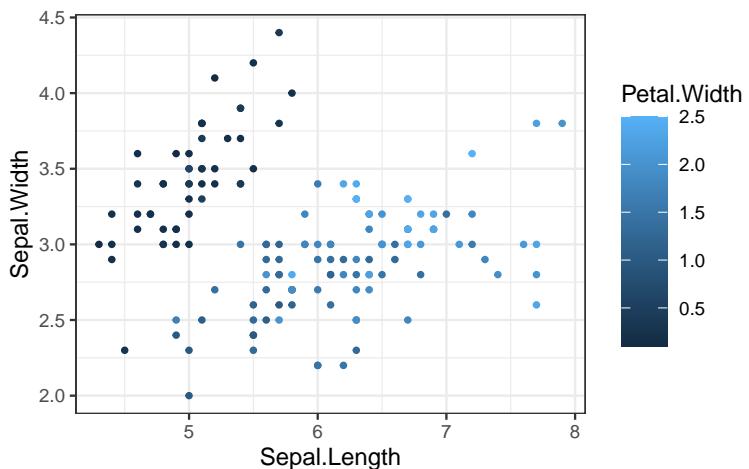
Couleur avec une variable qualitative

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,  
+   color=Species)+geom_point()
```



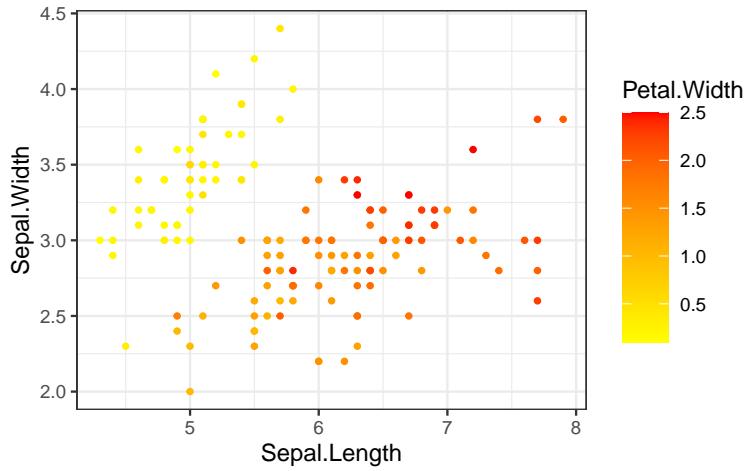
Couleur avec une variable continue

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,
+                     color=Petal.Width)+geom_point()
```



Changer la couleur

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width,
+                     color=Petal.Width)+geom_point()+
+                     scale_color_continuous(low="yellow",high="red")
```



Histogramme

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length)+geom_histogram(fill="red")
```

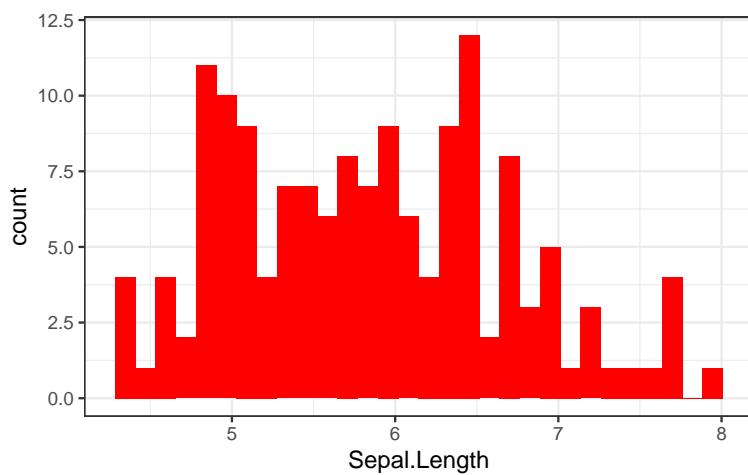
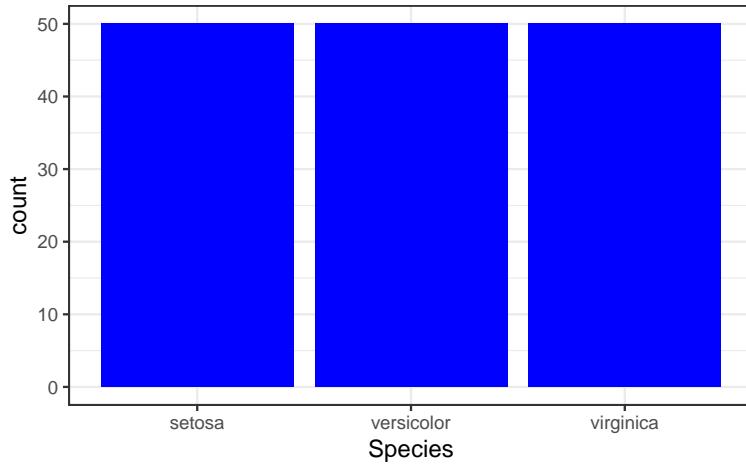


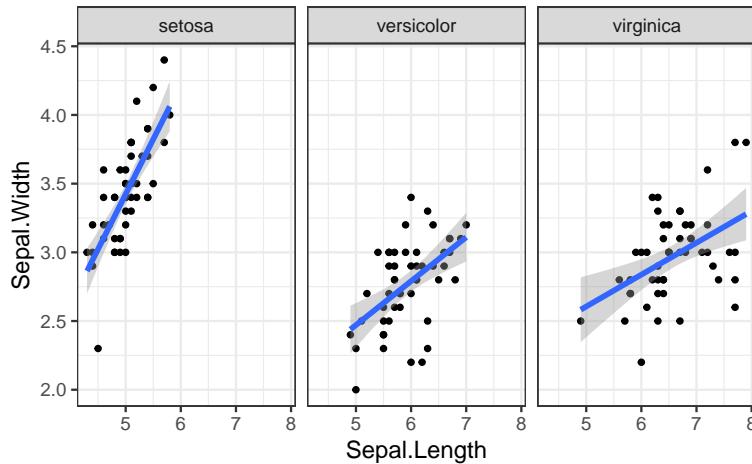
Diagramme en barres

```
> ggplot(iris)+aes(x=Species)+geom_bar(fill="blue")
```



Facetting (plus compliqué)

```
> ggplot(iris)+aes(x=Sepal.Length,y=Sepal.Width)+geom_point()+
+     geom_smooth(method="lm")+facet_wrap(~Species)
```



Combiner ggplot et dplyr

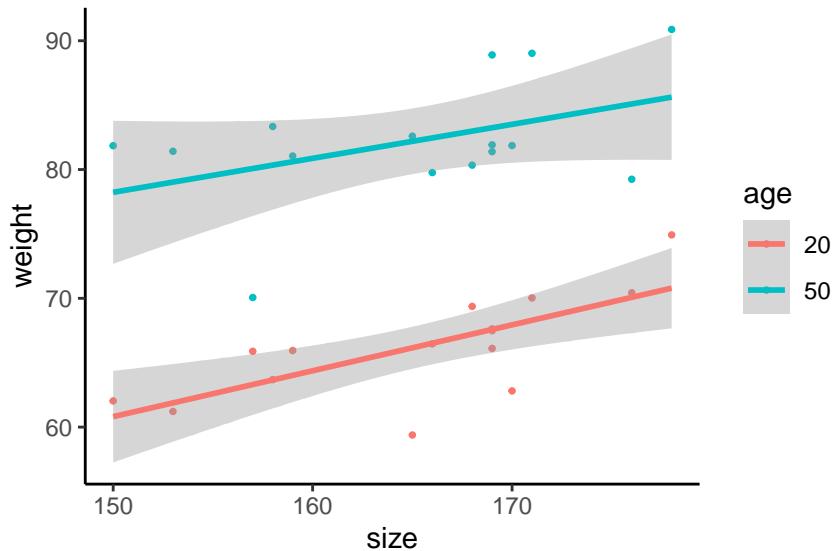
- Souvent important de *construire un bon jeu de données* pour obtenir *un bon graphe*.
- Par exemple

```

> head(df)
# A tibble: 6 x 3
  size weight.20 weight.50
  <dbl>    <dbl>    <dbl>
1 153     61.2     81.4
2 169     67.5     81.4
3 168     69.4     80.3
4 169     66.1     81.9
5 176     70.4     79.2
6 169     67.6     88.9

```

Objectif



Etape dplyr

- Assembler les colonnes `weight.M` et `weight.W` en une colonne `weight` :

```

> df1 <- df %>% pivot_longer(-size,names_to="age",values_to="weight")
> df1 %>% head()
# A tibble: 6 x 3
  size age      weight
  <dbl> <chr>    <dbl>
1 153 weight.20  61.2
2 153 weight.50  81.4
3 169 weight.20  67.5
4 169 weight.50  81.4

```

```

5   168 weight.20  69.4
6   168 weight.50  80.3
> df1 <- df1 %>% mutate(age=recode(age,
+   "weight.20"="20","weight.50"="50"))

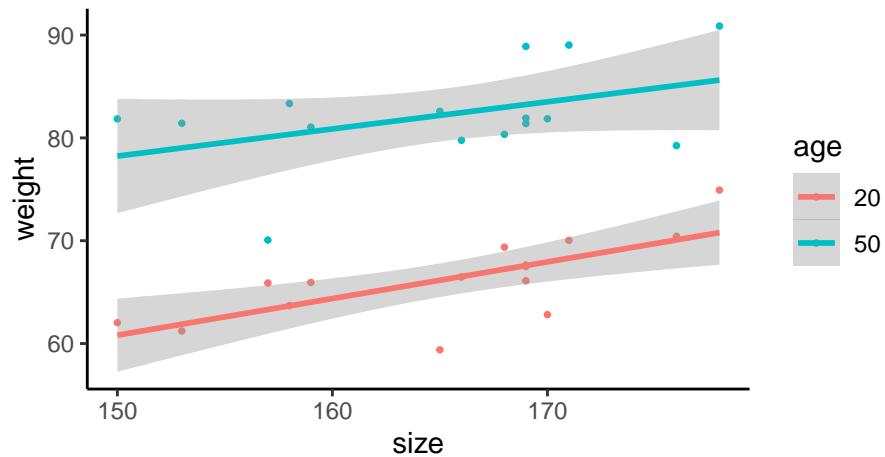
```

Etape ggplot

```

> ggplot(df1)+aes(x=size,y=weight,color=age)+
+   geom_point() +geom_smooth(method="lm") +theme_classic()

```



Statistics

- Certains graphes nécessitent de calculer des *indicateurs* à partir des données.
- **Exemple de l'histogramme** : compter le nombre d'observations (ou la densité) dans chaque classe.

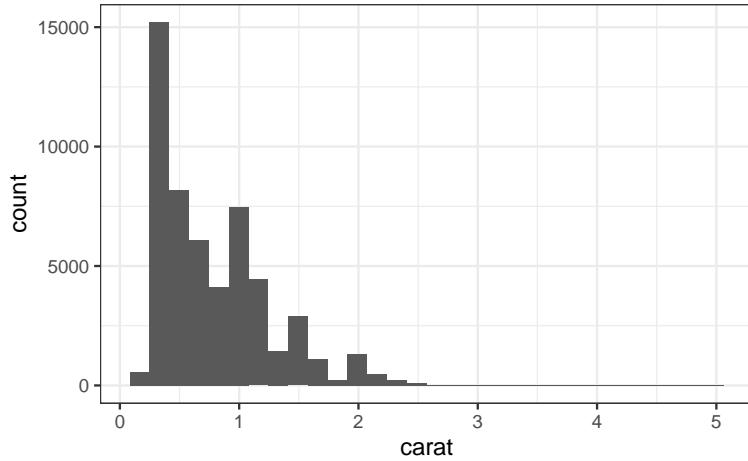
Conséquence

geom_histogram fait appel à la fonction stat_bin pour calculer ces indicateurs.

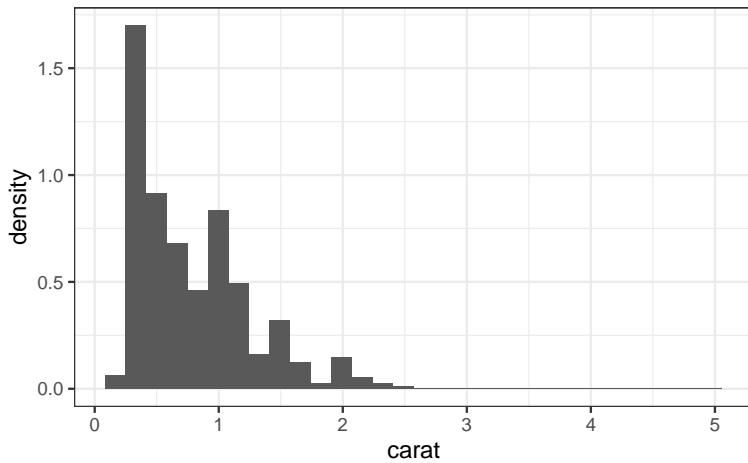
```
> geom_histogram(...,stat = "bin",...)
```

Visualiser une autre statistique

```
> ggplot(diamonds)+aes(x=carat)+  
+   geom_histogram()
```



```
> ggplot(diamonds)+  
+   aes(x=carat,y=after_stat(density))+  
+   geom_histogram()
```

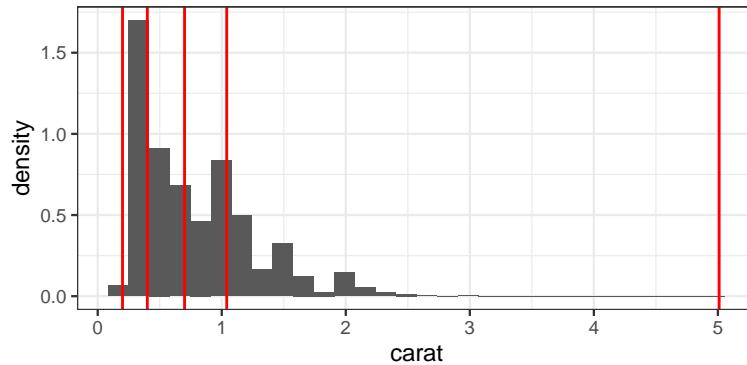


```
> #ou  
> #ggplot(diamonds)+aes(x=carat,  
> #                      y=..density..)+  
> #  geom_histogram()
```

stat_summary

- D'une façon générale, **stat_summary** permet de calculer *n'importe quel indicateur* nécessaire au graphe.

```
> ggplot(diamonds)+aes(x=carat)+  
+   geom_histogram(aes(y=after_stat(density)))+  
+   stat_summary(aes(y=0,xintercept=after_stat(x)),  
+                 fun="quantile",geom="vline",  
+                 orientation = "y",color="red")
```



Compléments : quelques démos

```
> demo(image)  
> example(contour)  
> demo(persp)  
> library("lattice");demo(lattice)  
> example(wireframe)  
> library("rgl");demo(rgl)  
> example(persp3d)  
> demo(plotmath);demo(Hershey)
```

6 Cartes

Introduction

- De nombreuses applications nécessitent des *cartes* pour *visualiser* des *données* ou les résultats d'un *modèle*.

- De nombreux packages R : ggmap, RgoogleMaps, maps...
- Dans cette partie : *ggmap*, *sf* (cartes statiques) et *leaflet* (cartes dynamiques).

6.1 ggmap

Syntaxe

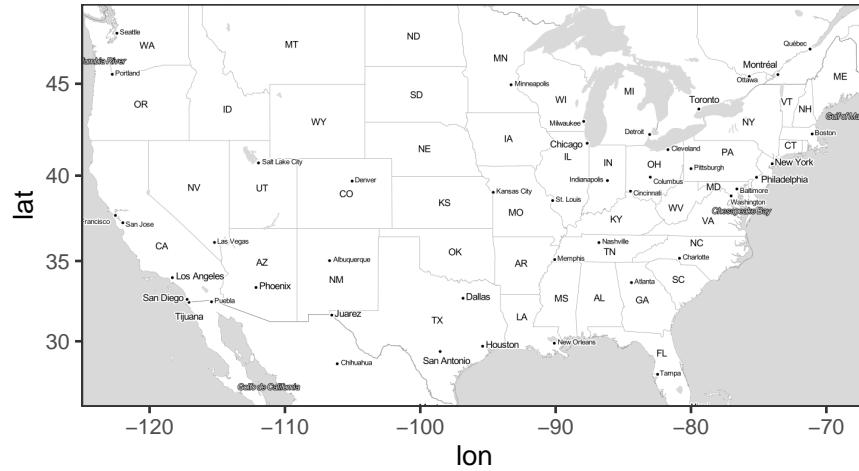
- Proche de *ggplot*...
- Au lieu de

```
> ggplot(data)+...
```
- on utilise

```
> ggmap(backgroundmap)+...
```

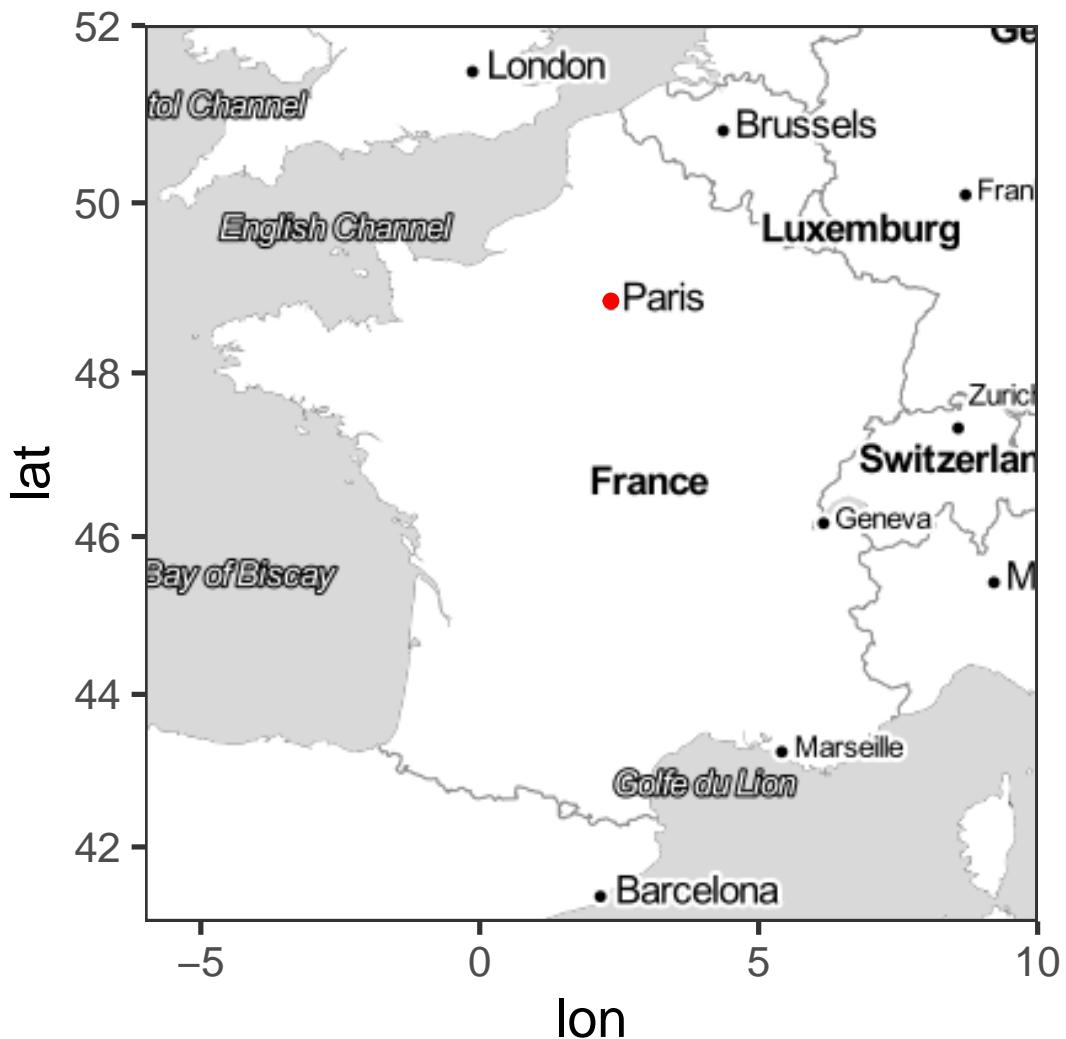
Fonds de carte ggmap

```
> library(ggmap)
> us <- c(left = -125, bottom = 25.75, right = -67, top = 49)
> map <- get_stamenmap(us, zoom = 5, maptype = "toner-lite")
> ggmap(map)
```



Ajouts avec ggplot

```
> fr <- c(left = -6, bottom = 41, right = 10, top = 52)
> fond <- get_stamenmap(fr, zoom = 5,"toner-lite")
> Paris <- data.frame(lon=2.351499,lat=48.85661)
> ggmap(fond)+geom_point(data=Paris,aes(x=lon,y=lat),color="red")
```



6.2 Contours shapefile contours avec sf

Le package sf

- *Ggmap* : bien pour des cartes “simples” (fond et quelques points).
- *Pas suffisant* pour des représentations plus complexes (colorier des pays à partir de variables).
- *sf* permet de gérer des *objets spécifiques à la cartographie* : notamment les différents systèmes de coordonnées et leurs projections en 2d (latitudes-longitudes, World Geodesic System 84...)
- Fonds de carte au format *shapefile* (contours = polygones)
- Compatible avec *ggplot* (verbe `geom_sf`).

Références

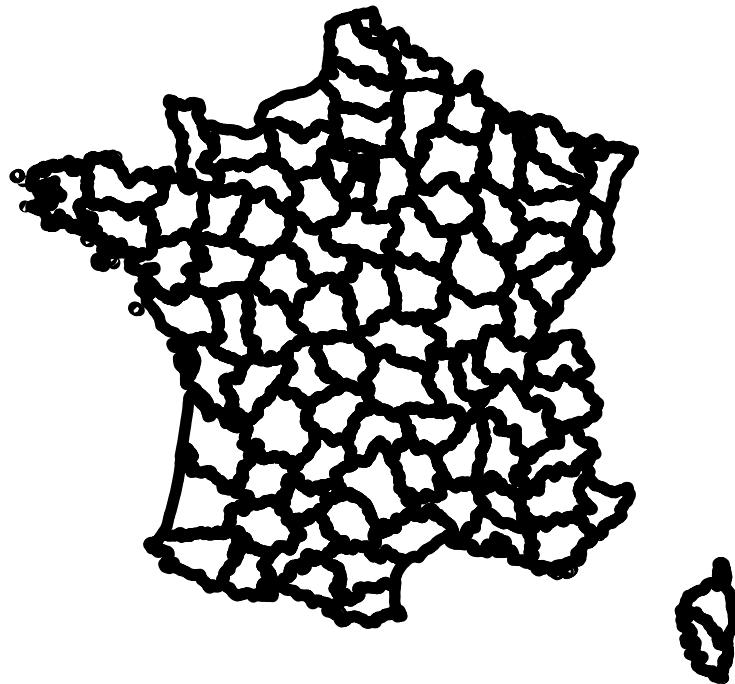
- <https://statnmap.com/fr/2018-07-14-initiation-a-la-cartographie-avec-sf-et-compagnie/>
- Vignettes sur le cran : <https://cran.r-project.org/web/packages/sf/index.html>
- Un tutoriel très complet (un peu technique) : <https://r-spatial.github.io/sf/articles/>

Exemple

```
> library(sf)
> dpt <- read_sf("./data/dpt")
> dpt[1:5,3]
Simple feature collection with 5 features and 1 field
Geometry type: MULTIPOLYGON
Dimension:     XY
Bounding box:  xmin: 644570 ymin: 6290136 xmax: 1022851 ymax: 6997000
Projected CRS: RGF93 v1 / Lambert-93
# A tibble: 5 x 2
  NOM_DEPT                                geometry
  <chr>                                     <MULTIPOLYGON [m]>
1 AIN           (((919195 6541470, 918932 6541203, 918628 6540523, 91~)
2 AISNE         (((735603 6861428, 735234 6861392, 734504 6861270, 73~)
3 ALLIER        (((753769 6537043, 753554 6537318, 752879 6538099, 75~)
4 ALPES-DE-HAUTE-PROVENCE (((992638 6305621, 992263 6305688, 991610 6306540, 99~)
5 HAUTES-ALPES   (((1012913 6402904, 1012577 6402759, 1010853 6402931, ~
```

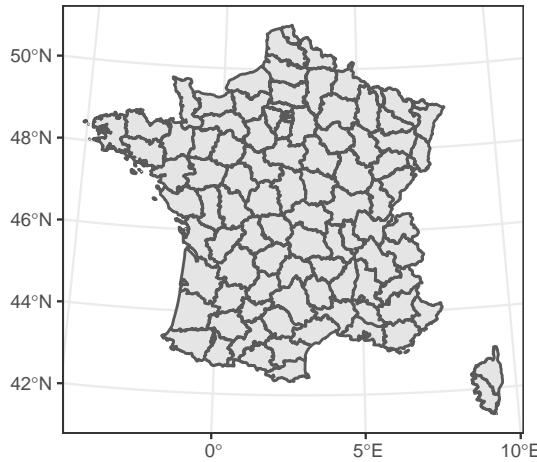
Visualisation avec plot

```
> plot(st_geometry(dpt))
```



Visualisation ggplot

```
> ggplot(dpt)+geom_sf()
```



Ajouter des points sur le graphe

- Définir des coordonnées avec *st_point*

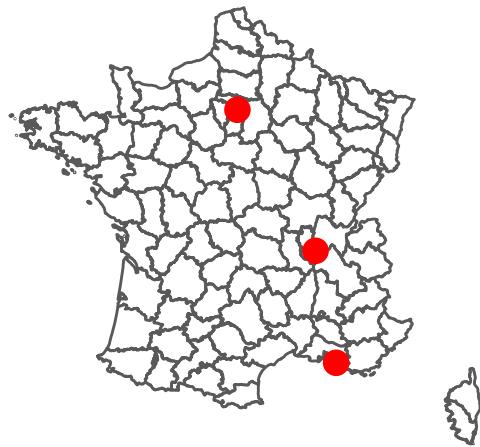
```
> point <- st_sf(st_point(c(2.351462,48.85670)),
+                  st_point(c(4.832011,45.75781)),
+                  st_point(c(5.369953,43.29617)))
```

- Spécifier le *système de coordonnées* (4326 pour lat-lon)

```
> st_crs(point) <- 4326 #coord sont des long/lat
> point
Geometry set for 3 features
Geometry type: POINT
Dimension:      XY
Bounding box:  xmin: 2.351462 ymin: 43.29617 xmax: 5.369953 ymax: 48.8567
Geodetic CRS:  WGS 84
POINT (2.351462 48.8567)
POINT (4.832011 45.75781)
POINT (5.369953 43.29617)
```

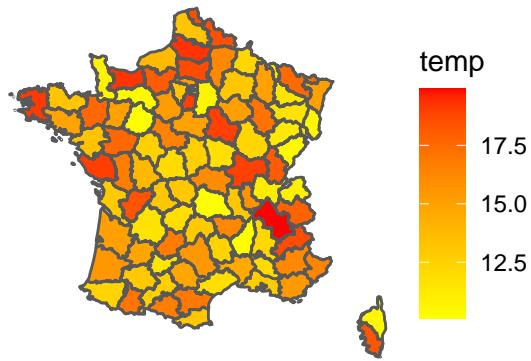
Étape ggplot

```
> ggplot(dpt) + geom_sf(fill="white")+
+   geom_sf(data=point,color="red",size=4)+theme_void()
```



Colorier des polygones

```
> set.seed(1234)
> dpt1 <- dpt %>% mutate(temp=runif(96,10,20))
> ggplot(dpt1) + geom_sf(aes(fill=temp)) +
+   scale_fill_continuous(low="yellow",high="red")+
+   theme_void()
```



Compléments : la classe geometry

- Une des forces de `sf` est la classe `geometry` qu'il propose.
- C'est cette classe qui conduit la représentation avec `plot` ou `geom_sf` :
 - `point` ou `multipoint` \Rightarrow points pour localiser un lieu
 - `polygon` ou `multipolygon` \Rightarrow contours pour représenter des frontières.

- Quelques fonctions utiles :
 - **st_point** et **st_multipoint** : créer des points ou suite de points
 - **st_sfc** : créer une liste d'objets **sf**
 - **st_geometry** : extraire, modifier, remplacer, créer le geometry d'un objet
 - **st_crs** : spécifier le système de coordonnées d'un geometry
 - **st_cast** : transformer le type de geometry (passer d'un **MULTIPOINTS** à plusieurs **POINTS** par exemple)
 - ...

- Création d'un objet **sf** (simple feature)

```
> b1 <- st_point(c(3,4))
> b1
POINT (3 4)
> class(b1)
[1] "XY"    "POINT" "sfg"
```

- Création d'un objet **sfc** ("liste" d'objets sf)

```
> b2 <- st_sfc(st_point(c(1,2)),st_point(c(3,4)))
> b2
Geometry set for 2 features
Geometry type: POINT
Dimension:     XY
Bounding box:  xmin: 1 ymin: 2 xmax: 3 ymax: 4
CRS:           NA
POINT (1 2)
POINT (3 4)
> class(b2)
[1] "sfc_POINT" "sfc"
```

- Extraction, ajout, remplacement d'un **geometry**

```
> class(dpt)
[1] "sf"          "tbl_df"       "tbl"        "data.frame"
> b3 <- st_geometry(dpt)
> b3
Geometry set for 96 features
Geometry type: MULTIPOLYGON
Dimension:     XY
Bounding box:  xmin: 99226 ymin: 6049647 xmax: 1242375 ymax: 7110524
```

```
Projected CRS: RGF93 v1 / Lambert-93
First 5 geometries:
MULTIPOLYGON (((919195 6541470, 918932 6541203, ...
MULTIPOLYGON (((735603 6861428, 735234 6861392, ...
MULTIPOLYGON (((753769 6537043, 753554 6537318, ...
MULTIPOLYGON (((992638 6305621, 992263 6305688, ...
MULTIPOLYGON (((1012913 6402904, 1012577 640275...
> class(b3)
[1] "sfc_MULTIPOLYGON" "sfc"
```

6.3 Cartes interactives avec leaflet

Fonds de carte

- *Leaflet* est une des librairies open-source JavaScript les plus populaires pour faire des cartes interactives.
- *Documentation*: [here](#)

```
> library(leaflet)
> leaflet() %>% addTiles()
```



Différents styles de fonds de carte

```
> Paris <- c(2.35222,48.856614)
> leaflet() %>% addTiles() %>%
+   setView(lng = Paris[1], lat = Paris[2],zoom=12)
```



```
> leaflet() %>% addProviderTiles("Stamen.Toner") %>%
+   setView(lng = Paris[1], lat = Paris[2], zoom = 12)
```



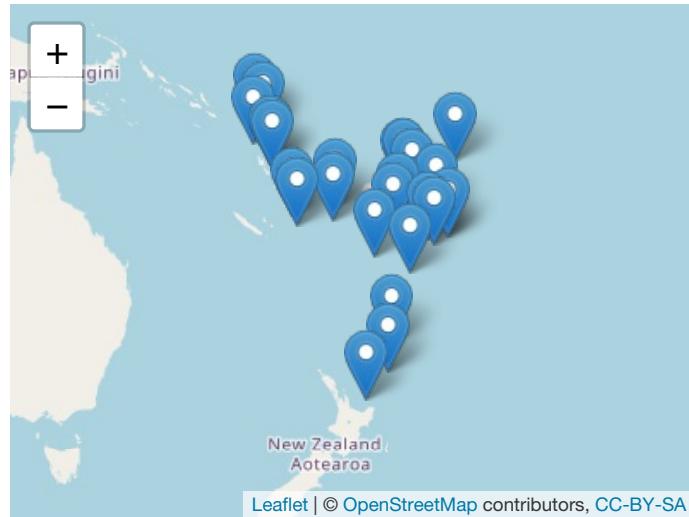
Avec des données

- Localiser 1000 séismes près des Fiji

```
> data(quakes)
> head(quakes)
  lat    long depth mag stations
1 -20.42 181.62   562 4.8      41
2 -20.62 181.03   650 4.2      15
3 -26.00 184.10     42 5.4      43
4 -17.97 181.66   626 4.1      19
5 -20.42 181.96   649 4.0      11
6 -19.68 184.31   195 4.0      12
```

Séismes avec une magnitude plus grande que 5.5

```
> quakes1 <- quakes %>% filter(mag>5.5)
> leaflet(data = quakes1) %>% addTiles() %>%
+   addMarkers(~long, ~lat, popup = ~as.character(mag))
```

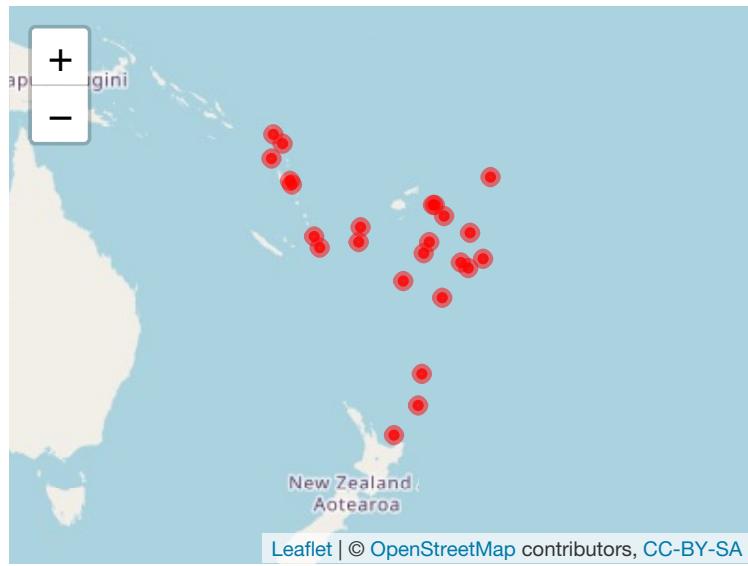


Remarque

La magnitude apparaît lorsqu'on clique sur un marker.

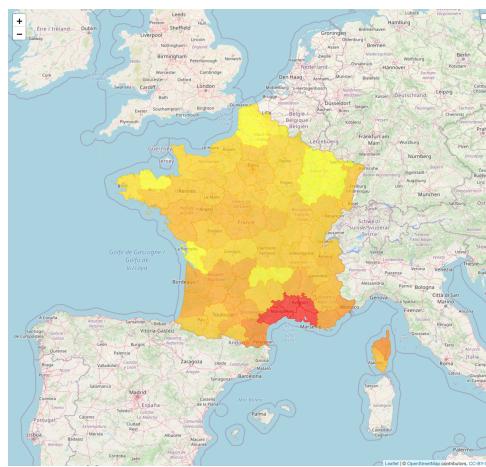
addCircleMarkers

```
> leaflet(data = quakes1) %>% addTiles() %>%
+   addCircleMarkers(~long, ~lat, popup=~as.character(mag),
+                   radius=3, fillOpacity = 0.8, color="red")
```



Colorier polygones en combinant leaflet et sf

```
> leaflet() %>% addTiles() %>%
+   addPolygons(data = dpt2,color=~pal1(t_prev),fillOpacity = 0.6,
+               stroke = TRUE,weight=1,
+               popup=~paste(as.character(NOM_DEPT),
+                           as.character(t_prev),sep=" : "))
```



7 Quelques outils de visualisation dynamiques

Des packages R

- Graphiques classiques avec *rAmCharts* et *plotly*.
- Graphes avec *visNetwork*.
- Tableaux de bord avec *flexdashboard*.

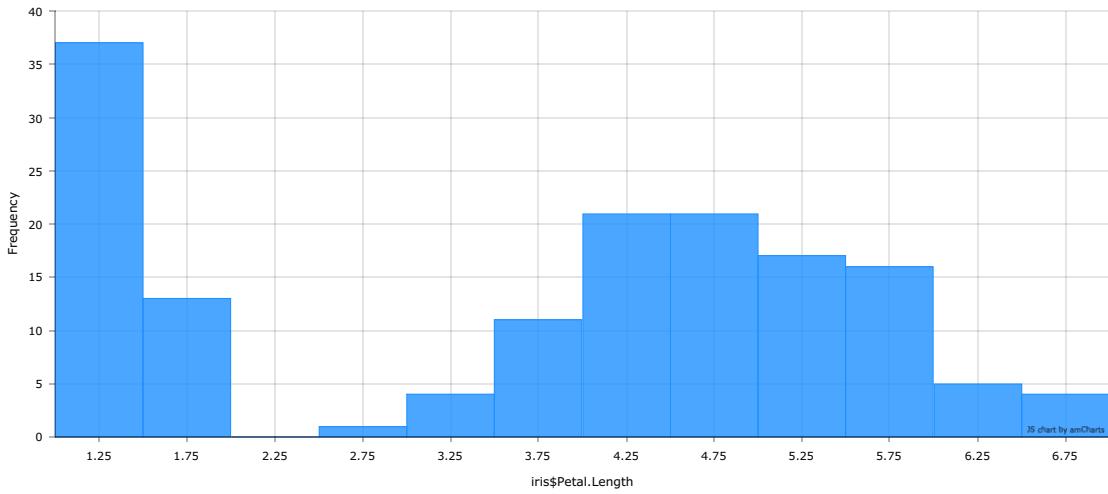
7.1 rAmCharts et plotly

rAmCharts

- *User-friendly* pour des graphes standards (nuages de points, séries chronologiques, histogrammes...).
- Il suffit d'utiliser la fonction R classique avec le préfixe **prefix am**.
- *Exemples* : `amPlot`, `amHist`, `amBoxplot`.
- *Références*: https://datastorm-open.github.io/introduction_ramcharts/

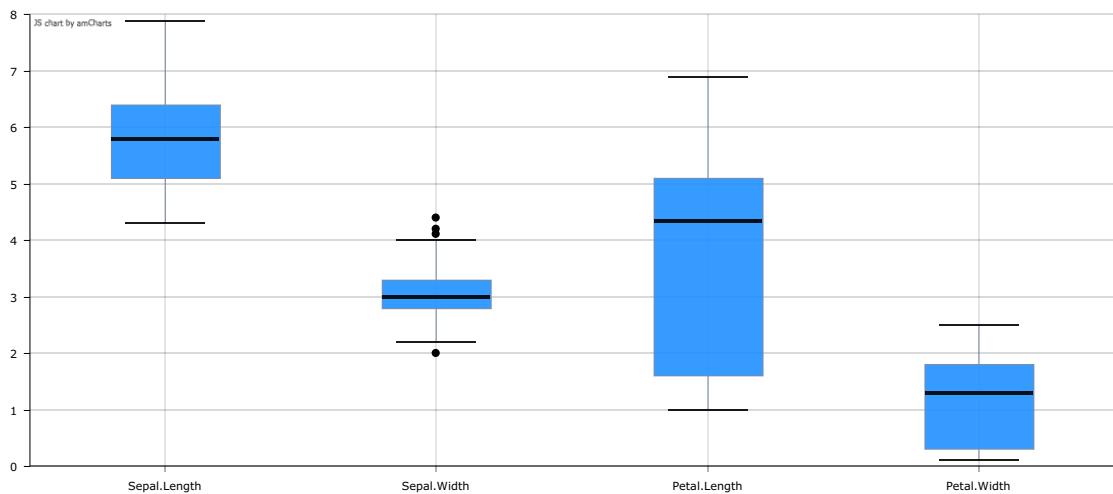
rAmCharts Histogramme

```
> library(rAmCharts)
> amHist(iris$Petal.Length)
```



rAmcharts Boxplot

```
> amBoxplot(iris)
```



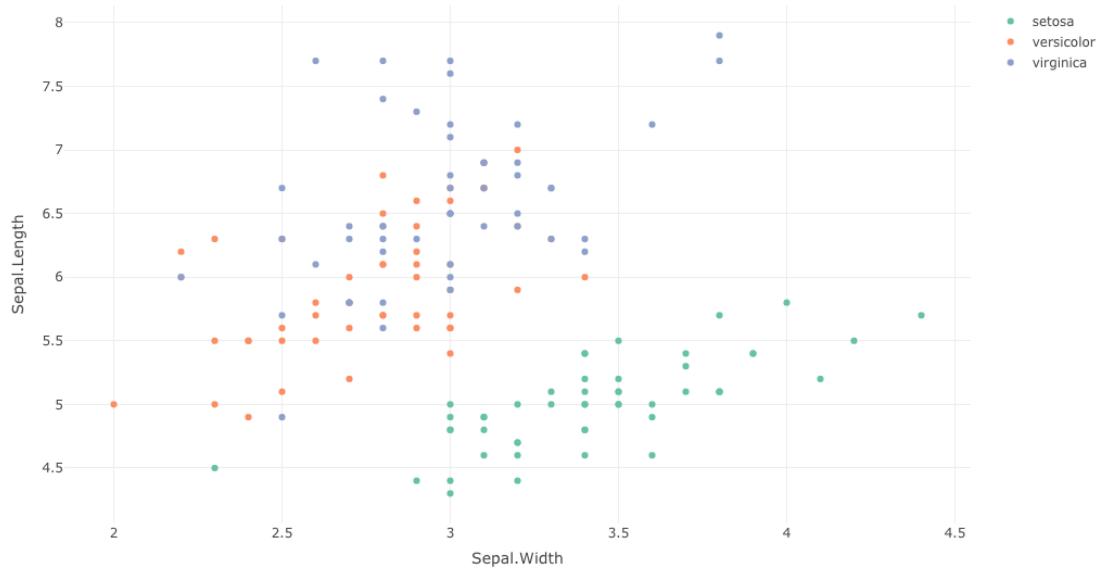
Plotly

- Package **R** pour créer des *graphes interactifs* à partir de la librairie open source **Javascript plotly.js**.

- La syntaxe se décompose en *3 parties* :
 - données et variables (`plot_ly`) ;
 - type de représentation (`add_trace`, `add_markers...`) ;
 - options (axes, titres...) (`layout`).
- Références: <https://plot.ly/r/reference/>

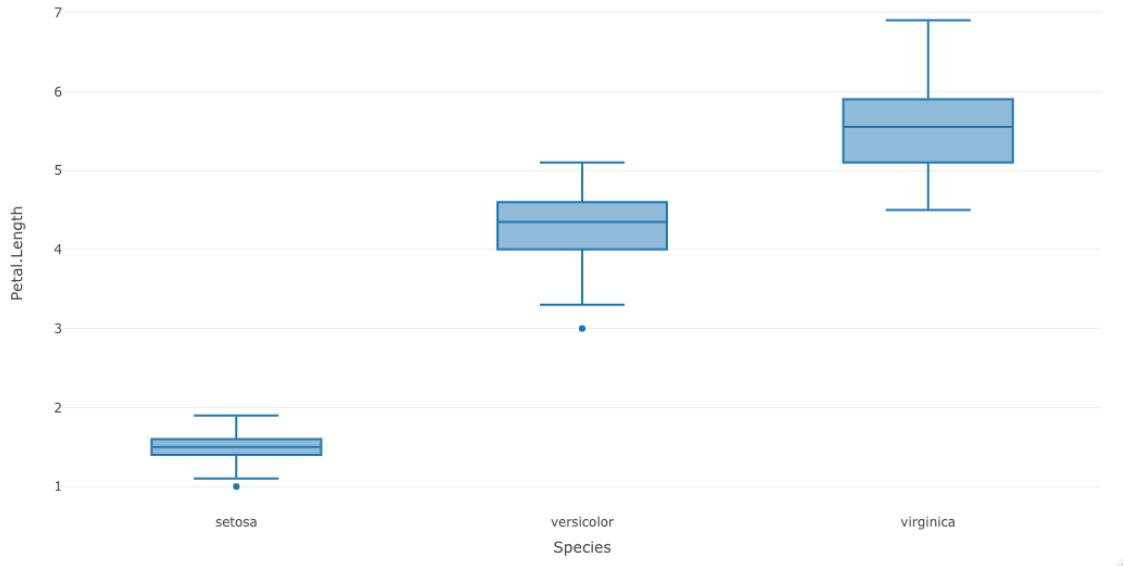
Nuage de points

```
> library(plotly)
> iris %>% plot_ly(x=~Sepal.Width,y=~Sepal.Length,color=~Species) %>%
+   add_markers(type="scatter")
```



Plotly boxplot

```
> iris %>% plot_ly(x=~Species,y=~Petal.Length) %>% add_boxplot()
```



7.2 Graphes avec visNetwork

Connexions entre individus

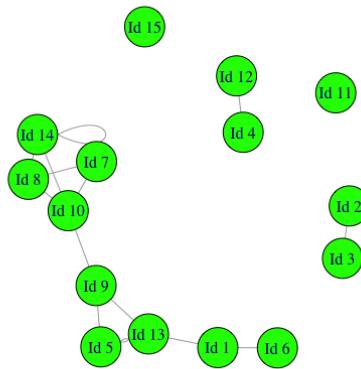
- De nombreux jeux de données peuvent être visualisés avec des *graphes*, notamment lorsque l'on souhaite étudier des *connexions* entre individus (génétique, réseaux sociaux, système de recommandation...)
- Un individu = *un nœud* et une connexion = *une arête*.

```
> set.seed(123)
> nodes <- data.frame(id = 1:15, label = paste("Id", 1:15))
> edges <- data.frame(from = trunc(runif(15)*(15-1))+1,
+                       to = trunc(runif(15)*(15-1))+1)
> head(edges)
  from to
1     5 13
2    12  4
3     6  1
4    13  5
5    14 14
6     1 13
```

Graphe statique : le package igraph

- *Références* : <http://igraph.org/r/>, <http://kateto.net/networks-r-igraph>

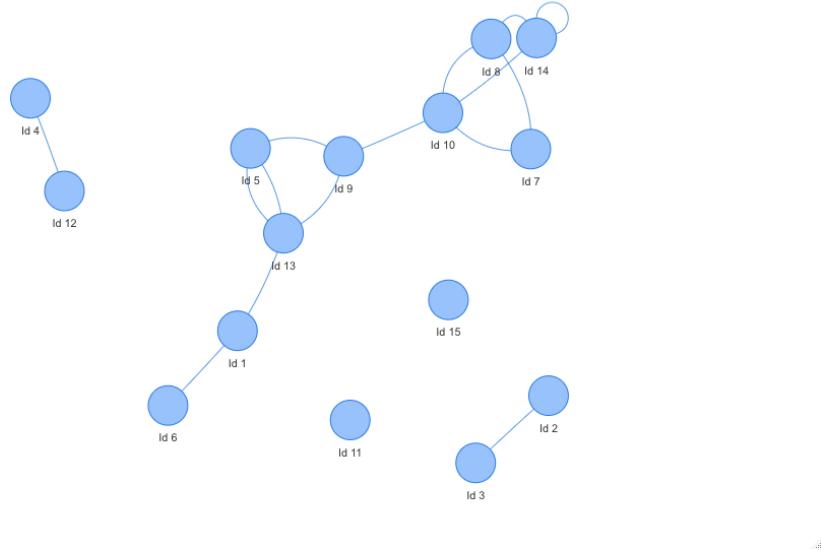
```
> library(igraph)
> net <- graph_from_data_frame(d=edges, vertices=nodes, directed=F)
> plot(net,vertex.color="green",vertex.size=25)
```



Graph dynamique : le package visNetwork

- *Référence* : <https://datastorm-open.github.io/visNetwork/interaction.html>

```
> library(visNetwork)
> visNetwork(nodes,edges)
```



7.3 Tableau de bord avec flexdashboard

- Juste un outil... mais *un outil important* en science des données
- Permet *d'assembler des messages importants* sur des données et/ou modèles
- *Package* : flexdashboard
- *Syntaxe* : simple... juste du Rmarkdown
- *Référence* : <https://rmarkdown.rstudio.com/flexdashboard/>

Header

```
---
```

```
title: "My title"
```

```
output:
```

```
  flexdashboard::flex_dashboard:
    orientation: columns
    vertical_layout: fill
    theme: default
```

```
---
```

- Le thème par défaut peut être remplacé par d'*autres thèmes* (cosmo, bootstrap, cerulean...) (voir [ici](#)). Il suffit d'ajouter

```
theme: yetি
```

Flexdashboard | code

```
Descriptive statistics
=====
Column {data-width=650}
-----
### Dataset
```{r}
DT::datatable(df, options = list(pageLength = 25))
```
Column {data-width=350}
-----
### Correlation matrix
```{r}
cc <- cor(df[,1:11])
mat.cor <- corrplot::corrplot(cc)
```
### Histogram
```{r}
amHist(df$max03)
```

```

Flexdashboard | dashboard

