Monte Carlo: Rozwiązywanie równania Poissona na siatce metodą błądzenia przypadkowego

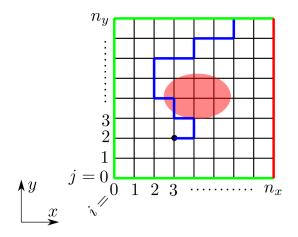
6 marca 2024

1 Wstęp

Naszym zadaniem jest znaleźć rozwiązanie równania Poissona opisującego rozkład potencjału elektrycznego

$$\nabla^2 V(\vec{r}) = -\frac{\rho(\vec{r})}{\epsilon} \tag{1}$$

Problem rozwiążemy na siatce dwiema metodami: (a) relaksacji oraz (b) Monte Carlo. Wynik uzyskany metodą relaksacji potraktujemy jako "dokładny" i do niego porównamy wynik z MC. Problem definiujemy na siatce kwadratowej w 2D, geometrię przedstawia rys.1



Rysunek 1: Siatka węzłów na której szukamy rozwiązania równania Poissona. Na lewym, górnym i dolnym brzegu narzucony jest warunek Dirichleta, a na prawym brzegu (czerwony) warunek Neumanna. Kolorem niebieskim zaznaczono przykładową ścieżkę (łańcuch Markowa), który kończy się (absorpcja) na brzegu z warunkiem Dirichleta.

Definiujemy siatkę równo
odległych węzłów $\Delta_x=\Delta_y=\Delta,$ a położenie na siatce określamy następująco

$$x = x_i = \Delta \cdot i, \qquad i = 0, 1, 2, \dots, n_x \tag{2}$$

$$y = y_j = \Delta \cdot j, \qquad j = 0, 1, 2, \dots, n_y$$
 (3)

Gestość ładunku określa wyrażenie

$$\rho(x,y) = \rho_{max} \exp\left[-\frac{\left(\vec{r} - \frac{\vec{r}_{max}}{2}\right)^2}{2\sigma_{\rho}^2}\right]$$
(4)

$$\vec{r}_{max} = [x_{max}, y_{max}] = [\Delta \cdot n_x, \Delta \cdot n_y] \tag{5}$$

Wprowadzamy warunki brzegowe:

• Dirichleta: lewy (L), górny (T) i dolny (B) brzeg

$$V(0,y) = V_L \sin\left(\frac{\pi y}{y_{max}}\right) \tag{6}$$

$$V(x,0) = V_B \sin\left(\frac{\pi x}{x_{max}}\right) \tag{7}$$

$$V(x, y_{max}) = V_T \sin\left(\frac{\pi x}{x_{max}}\right) \tag{8}$$

• Neumanna: prawy brzeg

$$\left. \frac{\partial V}{\partial x} \right|_{x = x_{max}} = 0 \tag{9}$$

Te informacje wystarczą aby znaleźć rozkład potencjału wewnątrz układu. Wartości parametrów: ϵ , Δ , n_x , n_y , ρ_{max} , σ_{ρ} , V_L , V_B , V_T zostaną podane w sekcji 2

1.1 Metoda relaksacji

Aby sprawdzić czy otrzymane rozwiązanie MC jest poprawne, porównamy je z rozwiązaniem uzyskanym metodą nadrelaksacji. Najpierw dyskretyzujemy równanie różniczkowe w 2D

$$\frac{\partial^2 V(x,y)}{\partial x^2} + \frac{\partial^2 V(x,y)}{\partial y^2} = -\frac{\rho(x,y)}{\epsilon}$$
(10)

zastępując pochodne ilorazami różnicowymi zdefiniowanymi na siatce

$$\frac{V_{i+1,j} - 2V_{i,j} + V_{i-1,j}}{\Delta^2} + \frac{V_{i,j+1} - 2V_{i,j} + V_{i,j-1}}{\Delta^2} = -\frac{\rho_{i,j}}{\epsilon}$$
(11)

a następnie element centralny $V_{i,j}$ wyrażamy za pomocą pozostałych wyrazów i dodajemy parametr relaksacyjny ω

$$V_{i,j}^{new} = (1 - \omega)V_{i,j} + \frac{\omega}{4} \left(V_{i+1,j} + V_{i-1,j} + V_{i,j+1} + V_{i,j-1} + \frac{\Delta^2}{\epsilon} \rho_{i,j} \right)$$
(12)

po obliczeniu prawej strony równania modyfikujemy wartość potencjału w punkcie (relaksacja punktowa). Do kontroli zbieżności rozwiązania wykorzystamy funkcjonał energii, który powinien osiągać minimum dla dokładnego potencjału

$$F = \int \left(\frac{1}{2}\vec{E}^2 - \rho V\right) d^2r, \qquad \vec{E} = -\nabla V \tag{13}$$

Wyznaczając wartość F w kolejnych iteracjach, proces relaksacji kończymy po osiągnięciu minimum co sprowadza się do spełnienia warunku

$$\left| \frac{F^{(k+1)} - F^{(k)}}{F^{(k+1)}} \right| < tol, \qquad (np. \ tol = 10^{-6})$$
 (14)

Do wyznaczenia potencjału metodą relaksacji można posłużyć się poniższym pseudokodem

```
inicjalizacja parametrów:
                          n_x, n_y, \Delta, \epsilon,
                          \omega = 1.8, tol = 10^{-6}, itmax = 10^4
                                 F_{old} = 0, F_{new} = 0
tworzymy tablice:
                                 V[n_x+1][n_y+1], \rho[n_x+1][n_y+1]
inicjalizacja tablic:
                                 V_{i,j} = 0 (i = 0, 1, \dots, n_x; j = 0, 1, \dots, n_y)
                                 \rho_{i,j} = \rho(x,y)
WB Dirichleta:
                            for (j=0; j<=ny; j++) V_{0,j} = \text{wz\'or}(6)
                            for(i=0; i<=nx;i++){
                                          V_{i,0} = \text{wz\'or}(7)
                                          V_{i,ny} = \text{wz\'or}(8)
                              }
for(it=1; it<itmax; it++){</pre>
              for (i=1; i< n_x; i++)
                 for (j=1; j < n_y; j++)
                            V_{i,j} = (1 - \omega)V_{i,j} + \frac{\omega}{4} \left[ V_{i+1,j} + V_{i-1,j} + V_{i,j+1} + V_{i,j-1} + \frac{\Delta^2}{\epsilon} \rho_{i,j} \right]
          WB: Neumanna
          for (j=1; j<ny;j++) V_{n_x,j}=V_{n_x-1,j}
           Sprawdzamy warunek zbieznosci potencjalu - liczymy funkcjonal
          F_{old} = F_{new}
          F_{new} = 0
          for(i=1; i<n_x; i++){
                 for (j=1; j < n_u; j++) {
                            E_x = (V_{i+1,j} - V_{i-1,j})/(2\Delta)
                            E_y = (V_{i,j+1} - V_{i,j-1})/(2\Delta)
F_{new} = F_{new} + (E_x^2 + E_y^2)/2 - \rho_{i,j} \cdot V_{i,j}
          if\left(\left|\frac{F_{new}-F_{old}}{F_{new}}\right| < tol\right) break
}
```

Tablicę z wartościami potencjału zachowujemy do porównania z wynikami MC.

1.2 MC: metoda błądzenia przypadkowego na siatce

Do rozwiązania równania Poissona zastosujemy metodę w wersji podanej na wykładzie. Zatem dla każdego punktu na siatce (poza brzegami) generujemy ciąg N łańcuchów Markowa. Każdy łańcuch

próbkuje rozkład gęstości i jeśli dotrze do brzegu z warunkiem Dirichleta (x_{end}, y_{end}) tam zostaje zaabsorbowany dając wkład do rozwiązania. Na brzegu z warunkiem Neumanna, wędrowiec może się od niego odbić lub poruszać wzdłuż brzegu z odpowiednimi prawdopodobieństwami. Rozwiązanie konstruujemy uśredniając infomacje pochodzące od wędrowców startujących z wybranego węzła (x_0, y_0) dla którego chcemy znaleźć potencjał. Matematycznie problem formułujemy następująco

$$V(x_0, y_0) = \frac{1}{N} \sum_{l=1}^{N} V^{(l)}(x_{end}, y_{end}) \Big|_{\substack{boundary \\ Dirichlet}} + \frac{1}{N} \sum_{l=1}^{N} \left(\sum_{p=1}^{d_l - 1} \frac{\Delta^2 \rho_{i_p, j_p}}{4\epsilon} \right)$$
(15)

gdzie: d_l to długość l-tego łańcucha, a wyrażenie możemy zapisać w bardziej zwięzłej postaci

$$V(x_0, y_0) = \frac{1}{N} \sum_{l=1}^{N} \Delta V_l$$
 (16)

$$\Delta V_l = V^{(l)}(x_{end}, y_{end}) \Big|_{\substack{boundary \\ Dirichlet}} + \sum_{p=1}^{d_l-1} \frac{\Delta^2 \rho_{i_p, j_p}}{4\epsilon}$$
(17)

Wzory (16) i (17) wykorzystamy do znalezienia oszacowania wartości średniej w dowolnie wybranym węźle (i_0, j_0) oraz odchylenia standardowego

$$\overline{V_{i_0,j_0}} = \frac{1}{N} \sum_{l=1}^{N} \Delta V_l \tag{18}$$

$$\overline{V_{i_0,j_0}^2} = \frac{1}{N} \sum_{l=1}^{N} (\Delta V_l)^2 \tag{19}$$

$$\sigma_{\overline{V_{i_0,j_0}}} = \sqrt{\frac{\overline{V_{i_0,j_0}^2} - (\overline{V_{i_0,j_0}})^2}{N}}$$
(20)

Uwaga: we wzorach (18) i (19) wartość N oznacza liczbę łańcuchów, które zostały zaabsorbowane na brzegu z warunkiem Dirichleta. Liczba generowanych łańcuchów może być większa, lecz ze względu na skończoną długość pojedynczego łańcucha jeśli nie dotrze on do brzegu określonej liczbie kroków to jest kasowany i nie daje wkładu do wyniku końcowego.

Do znalezienia potencjału metodą MC można wykorzystać poniższy pseudokod. Wykorzystamy w nim możliwość blokowania węzłów (tablica elementów $B_{i,j}$), dla których został już wyznaczony potencjał co oznacza modyfikację warunku brzegowego Dirichleta:

- $B_{i,j} = 1$ to WB Dirichleta (absorpcja)
- $B_{i,j} = 0$ brak absorpcji

MONTE CARLO

inicjalizacja parametrów:

$$n_x$$
, n_y , Δ , ϵ
$$N_{chains}$$
 <- maksymalna liczba łańcuchów n_{length} <- maksymalna długość łańcucha

tworzymy tablice:

```
V[n_x + 1][n_y + 1]
                         \sigma_V[n_x+1][n_y+1] <- tablica odchyleń std potencjału
                         \rho[n_x + 1][n_y + 1]
                         B[n_x+1][n_y+1] <- wskaźnik WB Dirichleta
                         S[n_x+1][n_y+1] <- tablica łańcuchów zakończonych absorpcją
inicjalizacja tablic:
                         V_{i,j} = 0 \ (i = 0, 1, \dots, n_x; j = 0, 1, \dots, n_y)
                         B_{i,j} = 0 \ (i = 0, 1, \dots, n_x; j = 0, 1, \dots, n_y)
                         \rho_{i,j} = \rho(x,y)
WB Dirichleta:
                     for (j=0; j \le ny; j++) {
                                V_{0,j} = \text{wz\'or}(6)
                                B_{0,i} = 1
                     }
                     for(i=0; i<=nx;i++){
                                V_{i,0} = \text{wz\'or}(7)
                                V_{i,ny} = \text{wz\'or}(8)
                                B_{i,0} = 1
                                B_{i,ny} = 1
potencjał wyznaczamy dla każdego węzła (i_0,j_0) w tablicy:
for (i_0=1; i_0 < n_x; i_0++) {
 for (j_0 = 1; j_0 < n_y; j_0 + +) {
          sum\_V_1=0 <-wkłady do V_{i_0,j_0}
          sum\_V_2 = 0 <-wkłady do \overline{V_{i_0,j_0}^2}
                        <-rzeczywista liczba zaabsorbowanych łańcuchów</pre>
          k_{chains}=0
     dla węzła generujemy N łańcuchów:
          for (N=1; N<=N_{chains}; N++) {
                     i = i_0
                                <-każdy łańcuch startuje z tego samego węzła
                     j = j_0
                                <-akumulujemy wkłady od gęstości ładunku
                     g = 0
              tworzymy pojedynczy łańcuch:
                     for (n=1; n \le n_{length}; n++) {
                         błądzenie:
                                U_1 \sim U(0,1)
                                m=floor(4U_1) //m=\{0,1,2,3\}
                                if(m==0) i--;
                                else if (m==1) i++;
                                else if (m==2) j--;
                                else if (m==3) j++;
                         odbicie na prawym brzegu:
                                if(i==(n_x+1))i=n_x-1
                         absorpcja - WB Dirichleta - kończymy łańcuch:
                                if (B_{i,j} == 1) {
                                           dV = V_{i,j} + g
                                                                \leftarrow wzór(17)
                                           sum_V_1 = sum_V_1 + dV \leftarrow wzór(18)
                                        sum_{V_2} = sum_{V_2} + (dV)^2 < - wzór(19)
```

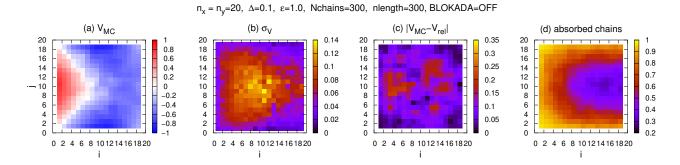
```
k_{chains} ++ <- \text{liczba zaabsorbowanych wędrowców} \text{break}  <- \text{kończymy łańcuch} \} \text{wklad od gęstości gdy brak absorpcji:} g = g + \frac{\rho_{i,j}\Delta^2}{4\epsilon} \} // \text{n} \} // \text{N} \text{liczymy wartość średnią i odchylenie std:} V_1 = \frac{sum_-V_1}{k_{chains}} V_2 = \frac{sum_-V_2}{k_{chains}} V_{10,j0} = V_1 <- \text{zachowujemy wartość potencjału w tablicy} \sigma_{V_{10},j_0} = \sqrt{\frac{V_2 - (V_1)^2}{k_{chains}}} <- \text{zachowujemy odchylenie std} B_{i_0,j_0} = 0/1 <- \text{modyfikacja warunku Dirichleta} S_{i_0,j_0} = \frac{k_{chains}}{N_{chains}} <- \text{procent zaabsorbowanych łańcuchów} \} // j_0 \} // j_0
```

2 Zadania do wykonania

- 1. Przyjmujemy wartości parametrów: $n_x=n_y=30,\,\Delta=0.1,\,V_L=1,\,V_T=V_B=-1,\,\epsilon=1,\,x_{max}=\Delta\cdot n_x,\,y_{max}=\Delta\cdot n_y,\,\rho_{max}=1,\,\sigma_\rho=x_{max}/10$
- 2. Zaimplementować metodę nadrelaksacji i wyznaczyć potencjał, przyjąć warunek zakończenia $tol=10^{-6}$, maksymalną liczbę iteracji $itmax=10^4$, parametr relaksacji $\omega=1.8$. Potencjał zachować w tablicy V_{rel} do porównania z wynikami MC.
- 3. Zaimplementować metodę MC, następnie wyznaczyć rozkład potencjału, odchylenia standardowego oraz procent zaabsorbowanych łańcuchów dla każdego węzła w układzie oraz poniższych zestawów parametrów:
 - $N_{chains} = 100, n_{length} = 100, B_{i_0,j_0} = 0$ (nie blokujemy węzłów z wyznaczonym potencjałem)
 - $N_{chains} = 100, n_{length} = 100, B_{i_0,j_0} = 1$ (blokujemy węzły po wyznaczeniu w nich potencjału)
 - $N_{chains} = 300, n_{length} = 300, B_{i_0,j_0} = 1$ (blokujemy węzły po wyznaczeniu w nich potencjału)
- 4. Po wykonaniu obliczń dla każdego przypadku proszę sporządzić mapy 2D:
 - potencjału $V_{MC}(x,y)$ (z metody MC)

- różnicy potencjałów dla metod MC i nadrelaksacji $\left|V_{MC}(x,y)-V_{rel}(x,y)\right|$
- $\bullet\,$ rozkładu odchylenia standardowego znalezionego potencjału $\sigma_{V_{MC}}(x,y)$
- \bullet tablicy S(x,y) czyli ułamka zaabsorbowanych łańcuchów
- 5. W raporcie proszę przeanalizować zmiany potencjału V_{MC} dla trzech przypadków, wielkość błędu $|V_{MC}(x,y) V_{rel}(x,y)|$ porównać z rozkładem odchylenia standardowego $\sigma_{V_{MC}}(x,y)$, określić wpływ liczby zaabsorbowanych łańcuchów na dokładność wyniku (w których punktach mapy liczba zaabsorbowanych łańcuchów jest duża a w których mała?). Proszę skomentować wpływ blokady w węzłach, w których wyznaczono potencjał na wynik końcowy oraz wydajność metody.

3 Przykładowe wyniki



Rysunek 2: Przykładowe wyniki uzyskane dla $n_x = n_y = 20$ przy założeniu, że punkty w których znaleziono potencjał nie są blokowane ($B_{i_0,j_0} = 0$ w pseudokodzie MC). Rysunek (d) pokazuje procent łańcuchów Markowa S(x,y), które zakończyły się na brzegu z warunkiem Dirichleta dając wkład do rozwiązania (pozostałe zostały skasowane).