

Algorithmen für schwierige Probleme

December 5, 2024

Contents

1	3-SAT und Vertex Cover	2
1.1	Vertex Cover	2
1.2	SAT	3
2	Probabilistische Algorithmen	4
2.1	Min-Cut	4
2.2	All pairs shortest paths (APSP)	5
2.3	Boolean Product Witness	7
2.4	Perfektes Matching auf bipartiten Graphen	9
2.5	Perfektes Matching auf allgemeinen Graphen	10
2.6	Perfektes Matching finden	10
2.7	Rot-Blau-perfektes Matching	11
2.8	Probabilistische Algorithmen in exponentieller Zeit	12
2.8.1	3-Färbbarkeit	12
2.8.2	Random Walk Algorithmus für 3-SAT	13
3	Approximationsalgorithmen	14
3.1	Max-Cut	14
3.2	Max- k -SAT	15
3.3	0-1 Rucksackproblem	16

1 3-SAT und Vertex Cover

1.1 Vertex Cover

Definition 1.1. Ein Vertex Cover für einen Graphen G ist eine Teilmenge $C \subseteq V$ der Knoten, sodass $\forall e = (u, v) \in E$ gilt $u \in C$ oder $v \in C$.

Definition 1.2. Für zwei Probleme A, B schreiben wir $A \preceq B$, wenn man A effizient auf B transformieren kann.

Satz 1.3. *Der Greedy Algorithmus, der immer den Knoten höchsten Grades wählt, kann beliebig schlechte Ergebnisse liefern.*

Satz 1.4. *Der folgende Algorithmus liefert eine 2-Faktor-Approximation an das optimale Vertex Cover.*

1. setze $C = \emptyset$
2. WHILE $E \neq \emptyset$
3. wähle eine Kante (u, v)
4. setze $V = V \setminus \{u, v\}$, $E = E \setminus \{e = (u, v) \mid (u, v) \in E\}$ und $C = C \cup \{u, v\}$.

Satz 1.5. *Der folgenden Ansatz benutzt außerdem einen Parameter k als Eingabe und entscheidet, ob es ein Vertex Cover der Größe $\leq k$ gibt.*

1. FUNCTION $VCover(G, C, l)$
2. if $E = \emptyset$ return True
3. if $l = k$ return False
4. Wähle eine Kante (u, v) in G
5. if $VCover(G \setminus \{u\}, C \cup \{u\}, l + 1)$
6. return True
7. else return $VCover(G \setminus \{v\}, C \cup \{v\}, l + 1)$

Die Laufzeit ist offensichtlich $2^k \mathcal{O}(n)$.

1.2 SAT

Eine Formel F ist in KNF gegeben, also als Konjunktion von Disjunktionen von Literalen. Eine Belegung ist eine Funktion, die jeder Variable einen Wert zuweist. Eine partielle Belegung weist nur einer Teilmenge aller Variablen Werte zu und lässt die restlichen undefiniert.

Lemma 1.6. *Reduktion von 3-Färbbarkeit auf SAT.*

Für einen Graphen G wollen wir eine Formel F konstruieren. Zunächst definieren wir die Menge der Variablen von F als

$$VAR = \{x_v^1, x_v^2, x_v^3 : v \in V\}$$

für drei verschiedene Farben. In einer Lösung muss jeder Knoten eine Farbe bekommen, d.h wir brauchen die $|V|$ Klauseln

$$(x_v^1 \vee x_v^2 \vee x_v^3)$$

Außerdem dürfen zwei benachbarte Knoten nicht dieselbe Farbe bekommen, das heißt, es ergeben sich die $3|E|$ Klauseln

$$(\neg x_v^1 \vee \neg x_w^1) \wedge (\neg x_v^2 \vee \neg x_w^2) \wedge (\neg x_v^3 \vee \neg x_w^3)$$

Satz 1.7. *Der folgende Backtracking Algorithmus bietet einen guten Ansatz, um eine Formel F auf Erfüllbarkeit zu überprüfen.*

1. *FUNCTION* $search(F, \alpha$ partielle Belegung)
2. *if* α belegt alle Variablen: *return* $\alpha(F)$
3. *if* α belegt eine Klausel mit 0: *return False*
4. *if* $search(F, \alpha 0) = \text{True}$: *return True*
5. *else*: *return* $search(F, \alpha 1)$

Dieser Algorithmus kann sogar noch weiter verbessert werden, indem zuerst nach Klauseln mit nur einem Literal gesucht wird und dann diese belegt werden. Wenn diese nicht existieren, wird nach Klauseln mit zwei Literalen gesucht und diese werden belegt. Erst dann wird eine beliebige Klausel (bzw. ein beliebiges Literal) gewählt. Die Laufzeit ist beschränkt durch $\mathcal{O}(7^{\frac{n}{3}})$.

Das Erfüllbarkeitsproblem, in dem jede Klausel aus maximal zwei Variablen besteht, wird 2-SAT genannt. Dieses Problem kann in polynomieller Zeit gelöst werden.

Satz 1.8. *Im folgenden wird ein probabilistischer Algorithmus für 2-SAT eingeführt.*

1. $\alpha := (0, 0, \dots, 0)$
2. *for* $i = 0$ *to* $f(F)$
3. *if* $\alpha(F) = 1$: *return* *True*
4. wähle eine zufällige Klausel C mit $\alpha(C) = 0$
5. wähle ein zufälliges Literal x aus C
6. setze $\alpha(x) = \overline{\alpha(x)}$

Die Funktion $f : F \mapsto n \in \mathbb{N}$ wird später definiert.

Ist F unerfüllbar, so funktioniert der Algorithmus korrekt. Ist F erfüllbar, so findet der Algorithmus eine erfüllende Belegung mit Wahrscheinlichkeit $p \geq \frac{1}{2}$.

Ist α^* eine erfüllende Belegung und α eine beliebige andere Belegung, mit Hamming-Abstand i zu α^* , so definieren wir uns $T(i)$ als die erwartete Anzahl an Bit-Flips, die nötig sind, um α in eine erfüllende Belegung zu transformieren. Man kann sehen, dass $T(n) = n^2$. Die erwartete Anzahl an Bitflips ist also $\mathcal{O}(n^2)$. Wählt man nun $f(F) = 2n^2$, so ist die Erfolgswahrscheinlichkeit von $\frac{1}{2}$ garantiert.

2 Probabilistische Algorithmen

2.1 Min-Cut

Dieses Problem ist in P. Eine effiziente Lösung ist durch den Ford-Fulkerson Algorithmus mithilfe dem Max-Flow/Min-Cut Lemmas möglich. Im Folgenden wird ein effizienter probabilistischer Algorithmus besprochen.

1. WHILE $|V| > 2$ DO
2. wähle $(u, v) \in_R E$
3. kontrahiere (u, v)
4. ENDWHILE

Satz 2.1. *Der Algorithmus hat Laufzeit $\mathcal{O}(n^2(\log n)^2)$. Der Algorithmus findet immer einen Schnitt. Der Algorithmus benötigt für jede Instanz $n - 1$ Schritte. Für einen gegebenen minimalen Schnitt C ist die Wahrscheinlichkeit, dass der Algorithmus C findet ist $\geq \frac{2}{n(n-1)}$. Es genügen also $\mathcal{O}(n^2)$ Wiederholungen für eine konstant kleine Fehlerwahrscheinlichkeit.*

In jedem Schritt des Algorithmus wird gehofft, dass keine Kante e aus dem minimal cut C gezogen wird. Im letzten Schritt beträgt die Fehlerwahrscheinlichkeit dafür aber $\frac{2}{3}$. Um dem entgegen zu wirken, ist die Idee, den Algorithmus ein wenig umzubauen. Nach etwa $n \left(\frac{\sqrt{2}-1}{\sqrt{2}} \right)$ Schritten wird der bisher erzeugte Teilgraph H von G bestimmt. Für diesen Graphen wird der Algorithmus zwei separate Male ausgeführt und der kleinere der beiden Cuts wird gewählt. Eine Kontraktion ist in $\mathcal{O}(n)$ mithilfe der Adjazenzmatrix möglich, also wird die Laufzeit

$$T(n) = \underbrace{\left(1 - \frac{1}{\sqrt{2}}\right)n}_{\text{Anzahl Runden}} \cdot \underbrace{cn}_{\text{Laufzeit Kontraktion}} + \underbrace{2T\left(\frac{n}{\sqrt{2}}\right)}_{\text{Laufzeit Rekursion}}$$

Mittels Master-Theorem lässt sich die Laufzeit bestimmen als $T(n) = \mathcal{O}(n^2 \log n)$. Die Wahrscheinlichkeit, dass C nun die ersten $n \left(1 - \frac{1}{\sqrt{2}}\right)$ Schritte überlebt, ist nun $\approx \frac{1}{2}$. Mittels induktivem Einsetzen kann überprüft werden, dass die Erfolgswahrscheinlichkeit $p(n) \geq \frac{1}{\log n}$ ist. Es genügen daher $\log n$ Wiederholungen für eine konstante Fehlerwahrscheinlichkeit. Die gesamte Laufzeit ist daher $\mathcal{O}(n^2(\log n)^2)$.

2.2 All pairs shortest paths (APSP)

Wird jeder Pfad explizit ausgegeben, so kann die Ausgabe sehr groß sein. Man kann leicht ein Beispiel konstruieren, wo die gesamte Länge aller kürzesten Pfade $\Omega(n^3)$ ist. In diesem Fall wäre ein effizienter Algorithmus rein akademisch, da die Ausgabe ohnehin hohe Laufzeit benötigt.

Definition 2.2. Das Problem wird gelöst mithilfe der Shortest Path Matrix $S \in \mathbb{R}^{n \times n}$. Diese ist definiert als $S_{i,j} = k \in V$, wenn k Nachbar von i in einem kürzesten $i - j$ Pfad ist. Bemerke, dass S nicht eindeutig ist, da es mehrere kürzeste Wege geben kann. Mittels Dijkstra kann diese Matrix in $\mathcal{O}(n^3)$ berechnet werden.

Der folgende Algorithmus berechnet S indem Matrizenmultiplikation verwendet wird. Sei $MM(n)$ die beste bekannte Laufzeit für Matrixmultiplikation, dann ist die Laufzeit von dem Algorithmus $\mathcal{O}(MM(n) \log^2 n)$.

Definition 2.3. Wir definieren die Distanzmatrix D mittels $d_{i,j}$ = Länge eines kürzesten $i - j$ -Pfades. Wir schreiben $\delta(G)$ für den Durchmesser eines Graphen.

Lemma 2.4. Für die Adjazenzmatrix eines Graphen G , $u, v \in V$ und $k \in \mathbb{N}$ ist A^k die Matrix aller k -Pfade. In anderen Worten $a_{u,v}^k$ ist die Anzahl der $u - v$ -Pfade der Länge k .

Für $Z = A^2$ kann man einen Graphen G' mit Kanten E' definieren, sodass

$$E' = E \cup \{(i, j) \mid d_{i,j} = 2\}$$

Die Adjazenzmatrix ist dann A' gegeben durch

$$a'_{i,j} = \begin{cases} 0, & i = j \vee (z_{i,j} = 0 \wedge a_{i,j} = 0) \\ 1, & \text{sonst} \end{cases}$$

Es folgt, dass A' in $MM(n)$ berechnet werden kann.

Es ist nun klar, dass falls $\delta(G) \leq 2$, dann ist $D = 2A' - A$.

Lemma 2.5. Für alle $i, j \in V$ gilt $d_{i,j}$ gerade $\Rightarrow d_{i,j} = 2d'_{i,j}$ und $d_{i,j}$ ungerade $\Rightarrow d_{i,j} = 2d'_{i,j} - 1$.

Lemma 2.6. Für alle $i, j \in V$ und $\forall k \in N(i)$ ist $d_{i,j} - 1 \leq d_{k,j} \leq d_{i,j} + 1$ und $\exists k \in N(i)$ sodass $d_{i,j} - 1 = d_{k,j}$.

Lemma 2.7. $\forall i, j \in V$ gilt $\forall k \in N(i)$, dass $d_{i,j}$ gerade $\Rightarrow d'_{k,j} \geq d'_{i,j}$ und $d_{i,j}$ ungerade $\Rightarrow d'_{k,j} \leq d'_{i,j}$ und $\exists k \in N(i)$ sodass $d'_{k,j} < d'_{i,j}$.
Insbesondere folgt $d_{i,j}$ gerade $\Rightarrow \sum_{k \in N(i)} d'_{k,j} \geq d(i) \cdot d'_{i,j}$ und $d_{i,j}$ ungerade $\Rightarrow \sum_{k \in N(i)} d'_{k,j} < d(i) \cdot d'_{i,j}$.
Weiter kann man sehen, dass $\sum_{k \in N(i)} d'_{k,j} = (A \cdot D')_{i,j}$.

Der Algorithmus zur Berechnung der D Matrix (genannt *APD*, all pairs distance) ist nun

Funktion APD(A Adjazenzmatrix von G):

1. $Z = A^2$
2. Berechne A'
3. if $\forall i, j \in V$, $i \neq j$ gilt $a'_{i,j} = 1$ then return $D = 2A' - A$
4. $D' = APD(A')$

5. $F = A \cdot D'$
6. for each $(i, j) \in V \times V$:
7. if $f_{i,j} \geq d'_{i,j} - 1$ then $d_{i,j} = 2d'_{i,j}$
8. else $d_{i,j} = 2d'_{i,j} - 1$
9. return D

Bezeichne $T(n, k)$ die Laufzeit des Algorithmus für einen Graphen auf n Knoten mit Durchmesser k . Wir wissen, dass $T(n, 2) = MM(n)$. Außerdem ist

$$T(n, k) = MM(n) + \mathcal{O}(n^2) + T\left(n, \left\lceil \frac{k}{2} \right\rceil\right) + MM(n) = \mathcal{O}(MM(n) \cdot \log(n))$$

2.3 Boolean Product Witness

Seien $A, B \in \{0, 1\}^{n \times m}$.

Definition 2.8. Wir definieren $A \odot B = C$ durch

$$c_{i,j} = \bigvee_{k=1}^n a_{i,k} \wedge b_{k,j}$$

Die BPW Matrix ist definiert durch

$$w_{i,j} = \begin{cases} 0, & c_{i,j} = 0 \\ k, & c_{i,j} = 1 \text{ und } a_{i,k} \wedge b_{k,j} = 1 \end{cases}$$

Im zweiten Fall heißt $w_{i,j} = k$ ein Zeuge. Außerdem definiert man die Matrix \hat{A} durch $\hat{a}_{i,k} = k a_{i,k}$. Diese kann in $\mathcal{O}(n^2)$ berechnet werden.

Gibt es für (i, j) genau einen Zeugen, so gilt

$$(\hat{A} \cdot B)_{i,j} = k$$

Sei nun $w > 0$ die Anzahl der Zeugen für eine Position (i, j) . Sei außerdem $r = 2^s$ für ein $s \in \mathbb{N}$, sodass

$$\frac{n}{2} \leq r \cdot w \leq n$$

Unter Gleichverteilung werden nun zufällig r Elemente aus $\{1, \dots, n\}$ gezogen und daraus die Menge R erstellt. Es gilt dann

$$\mathbb{P}[\text{in } R \text{ gibt es genau einen Zeugen für } (i, j)] = p = \frac{w \binom{n-w}{r-1}}{\binom{n}{r}}$$

Lemma 2.9. $p \geq \frac{1}{2^e}$

Definition 2.10. Wir definieren B^R als die Matrix, die aus B gewonnen wird, wenn alle Zeilen z mit $z \notin R$ auf 0 gesetzt werden.

Falls es in R genau einen Zeugen l für A, B gibt, so gilt $(\hat{A}B^R)_{i,j} = l$. Auf dieser Basis kann nun ein Algorithmus zur Lösung des BPW Problems konstruiert werden.

1. $W = -A \cdot B$
2. for $t = 0$ to $\lfloor \log n \rfloor$
3. $r = 2^t$
4. for $l = 1$ to $\lceil 2e \log n \rceil$
5. wähle $R \in_R \{1, \dots, n\}$ mit $|R| = r$
6. Berechne \hat{A} , B^R und $Z = \hat{A}B^R$.
7. for (i, j)
8. if $w_{i,j} < 0$ and $z_{i,j}$ ist Zeuge then $w_{i,j} = z_{i,j}$
9. endfor
10. endfor
11. endfor
12. for (i, j) finde Zeuge $w_{i,j}$

Die Laufzeit des Algorithmus ist beschränkt auf $\mathcal{O}(MM(n) \cdot \log^2 n)$. Mit dieser Überlegung kann nun das APSP Problem gelöst werden. Dafür ist anzumerken, dass für $j \in N_G(i)$ gilt, dass die Distanz zu k $d_{i,k} = d_{j,k} + s$ für $s \in \{-1, 0, 1\}$ erfüllt.

1. $D = APD(A)$
2. for $s \in \{0, 1, 2\}$
3. Berechne $D^{(s)}$ via $d_{i,j}^{(s)} = 1 \Leftrightarrow d_{i,j} = s - 1 \pmod 3$
4. $W^{(s)} = BPW(A, D^{(s)})$
5. endfor
6. Berechne S via $s_{i,j} = w_{i,j}^{d_{i,j} \pmod 3}$

Die Gesamtkomplexität des Algorithmus ist $\mathcal{O}(MM(n) \log^2 n)$.

2.4 Perfektes Matching auf bipartiten Graphen

Das Problem ist effizient deterministisch zu lösen, aber Algorithmen sind üblicherweise sehr kompliziert. Wir stellen daher stattdessen einen einfachen probabilistischen Algorithmus vor.

Definition 2.11. Sei $G = (V_1 \cup V_2, E)$ ein bipartiter Graph mit $|V_1| = |V_2| = n$. Man definiert die $n \times n$ Bipartitionsmatrix A_G durch

$$A_G = \begin{cases} x_{i,j}, & (i,j) \in E \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}$$

Die Determinante D der Matrix wird wie üblich bestimmt als

$$\det(A) = \sum_{\pi \in S_n} \text{sgn}(\pi) \prod_{i=1}^n a_{i,\pi(i)}$$

Es ist offensichtlich, dass $\det(A_G)$ ein Polynom in den $x_{i,j}$ ist.

Satz 2.12. *Es gibt ein perfektes Matching in $G \Leftrightarrow \det(A_G) \neq 0$.*

Zu bestimmen, ob die Determinante der Matrix das Null-Polynom ist, kann im Allgemeinen sehr aufwändig sein. Ein probabilistischer Ansatz ist es, zufällige Werte in das Polynom einzusetzen und zu überprüfen, ob die Funktion 0 ausgibt. Dabei hilft das folgende Lemma.

Lemma 2.13. *Sei g ein Polynom mit m Variablen und $\text{Grad} \leq d$. Dann hat $p \leq mdM^{m-1}$, wenn die Parameter $a_1, \dots, a_m \in \{0, 1, \dots, M-1\}$.*

Für das Polynom der Determinanten gilt $m \leq n^2, d = 1$. Der Algorithmus zum Überprüfen, ob das Polynom dem Nullpolynom entspricht, besteht nun daraus, zufällige Werte für die $x_{i,j}$ zu wählen und die Determinante der daraus entstandenen Matrix zu berechnen.

1. Berechne A_G
2. belege $x_{i,j} \in_R \{0, \dots, M-1\}$ für alle i, j
3. setze diese Werte in A_G ein und bezeichne das Resultat als A'_G
4. if $\det(A'_G) \neq 0$: es gibt perfektes Matching
5. else: es gibt (wahrscheinlich) kein perfektes Matching

Der Algorithmus hat eine Fehlerwahrscheinlichkeit $\leq \frac{n^2}{M}$. Wählt man $M = 2n^2$, so ist die Fehlerwahrscheinlichkeit $\leq \frac{1}{2}$.

2.5 Perfektes Matching auf allgemeinen Graphen

Aus offensichtlichen Gründen gehen wir davon aus, dass n gerade ist.

Definition 2.14. Wir definieren wieder eine leicht veränderte Adjazenzmatrix

$$(A_G)_{i,j} = \begin{cases} 0, & (i,j) \notin E \\ x_{i,j}, & (i,j) \in E \wedge i < j \\ -x_{i,j}, & (i,j) \in E \wedge j < i \end{cases}$$

Ein Matching ist dann eine Permutation π mit $\pi^2 = id$ und $\pi(i) \neq i$. Die Idee ist nun, wieder über die Determinante der Matrix zu argumentieren. Es gilt

$$\det(A_G) = \sum_{\pi \in S_n} \text{sgn}(\pi) \prod_{i=1}^n a_{i,\pi(i)}$$

Es gilt wieder das selbe Resultat wie für bipartite Graphen.

Lemma 2.15. G hat ein perfektes Matching $\Leftrightarrow \det(A_G) \neq 0$.

Es ist klar, dass der Algorithmus für bipartite Graphen dann auch für allgemeine Graphen funktioniert.

2.6 Perfektes Matching finden

Mit den vorherigen Teilen kann nun bestimmt werden, ob in einem Graphen ein Matching existiert. Ein solches zu finden, benötigt aber zunächst einige Überlegungen.

Definition 2.16. Sei $S = \{x_1, \dots, x_n\}$ eine endliche Menge. $F = \{S_1, \dots, S_k\}$ sodass $S_j \subseteq S$ heißt Mengensystem. Es ist klar, dass $|F| \leq 2^n$

Sei $w : S \rightarrow \{1, 2, \dots, 2n\}$ eine Funktion die jedem Element aus S ein Gewicht zuordnet. $w(S_j)$ sei eine verkürzte Schreibweise für $\sum_{x \in S_j} w(x)$.

Lemma 2.17 (Isolierungslemma). *Ist w zufällig und unter Gleichverteilung gewählt, so ist*

$$\mathbb{P}[\exists! S_i \in F : w(S_i) \text{ minimal}] \geq \frac{1}{2}$$

Die Idee ist nun, mit diesem Lemma einen Algorithmus zur Bestimmung eines perfekten Matchings in bipartiten Graphen zu konstruieren. Auf Existenz eines perfekten Matchings können wir bereits überprüfen.

Sei nun $G = (U \cup V, E)$ ein bipartiter Graph mit perfektem Matching und $|U| = |V|$.

Wir staten die Kanten mit Gewichten w in $\{1, 2, \dots, 2m\}$ aus. Im Rahmen des Lemmas sein $S = E$ und F die Menge der perfekten Matchings. Wir definieren $A \in \mathbb{R}^{n \times n}$ mit

$$a_{i,j} = \begin{cases} 1, & (u_i, v_j) \in E \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}$$

Daraus definieren wir eine zweite Matrix B mit

$$b_{i,j} = \begin{cases} 2^{w_{i,j}}, & (u_i, v_j) \in E \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}$$

Lemma 2.18. *Falls G genau ein perfektes Matching mit minimalem Gewicht w hat, so ist $\det(B) \neq 0$ und 2^w ist die größte Zweierpotenz die $\det(B)$ teilt.*

Lemma 2.19. *Gibt es in G genau ein perfektes Matching M minimalen Gewichts w , dann gilt*

$$(u_i, v_j) \in M \Leftrightarrow \frac{\det(B_{i,j})}{2^w} \bmod 2 = 0$$

Dabei ist $B_{i,j}$ die Matrix B mit 0 an der Stelle (i, j) .

Der Algorithmus ist nun klar. Man überprüft einfach für jede Kante, ob das obige Lemma erfüllt ist. Wenn ja, wird sie in das Matching aufgenommen.

2.7 Rot-Blau-perfektes Matching

Das folgende Problem kann mit einem probabilistischen Algorithmus effizient gelöst werden. Ein polynomieller deterministischer Algorithmus ist hingegen nicht bekannt.

Gegeben sei ein bipartiter Graph $G = (U \cup V, E)$ mit $|U| = |V| = n$ und mit einer Färbung c der Kanten $c : E \rightarrow \{r, b\}$, jede Kante ist also rot oder blau. Außerdem gibt es ein $k \leq n$. Die Frage ist nun, gibt es ein perfektes Matching mit genau k roten Kanten? Die Idee ist wieder, das Isolationslemma zu verwenden. Dafür wählen wir $S = E$ und F als die Menge der perfekten Matchings mit genau k roten Kanten. Weiter definieren wir uns $f : E \rightarrow \{p, 2p\}$ durch

$$f(e) = \begin{cases} 2p, & c(e) = r \\ p, & c(e) = b \end{cases}$$

wobei $p = 3n^3$. Daraus wird nun wieder eine Matrix gebaut, $B \in \mathbb{R}^{n \times n}$ mit

$$b_{i,j} = \begin{cases} 2^{w_{i,j} + f((i,j))}, & (i, j) \in E \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}$$

Für ein perfektes Matching σ mit genau k roten Kanten gilt nun

$$\prod_{i=1}^n b_{i,\sigma(i)} = 2^{w(\sigma)+(n+k)p} \leq 2^{n \cdot 2m+(n+k)p} \leq 2^{2n^3+(n+k)p} \leq 2^{(n+k+1)p}$$

Es folgt, dass die Terme in $\det(B)$, die ein perfektes Matching mit mehr als k roten Kanten implizieren, diesen Term nicht annullieren können. Es gibt außerdem höchstens $n!$ viele perfekte Matchings mit weniger als k roten Kanten. Die Summe solcher Terme ist kleiner als $2^{n^2+(n+k-1)p+2n^3}$ was wiederum kleiner als $2^{w(\sigma)+(n+k)p}$ ist. Diese Summe kann den Term also auch nicht annullieren.

Der Algorithmus wählt die Gewichtsfunktion w zufällig und berechnet $\det(B)$. Das ist eine Summe von Zweierpotenzen. Der Algorithmus gibt aus, dass es ein perfektes Matching mit k roten Kanten gibt, genau dann, wenn in dieser Summe eine Zweierpotenz 2^r vorkommt, sodass $2^{(k+1)p} < 2^r < 2^{(k+n)p}$.

Interessant an diesem Problem ist, dass es ein NP Problem ist. Das heißt, man kann es probabilistisch zwar effizient lösen, ein deterministischer, polynomieller Algorithmus ist aber nicht bekannt.

2.8 Probabilistische Algorithmen in exponentieller Zeit

2.8.1 3-Färbbarkeit

Das Problem ist NP-vollständig. Wir werden zeigen, dass es einen probabilistischen Algorithmus mit Laufzeit $\mathcal{O}(p(n)c^n) := \mathcal{O}^*(c^n)$ gibt.

Die Idee des Algorithmus ist es, das Graphenproblem in ein SAT Problem umzuschreiben. Für jeden Knoten $v \in V$ und jede Farbe $j \in \{1, 2, 3\}$ wählen wir eine boole'sch Variable $x_{v,j}$, die 1 ist, genau dann, wenn v Farbe j bekommt. In der Formel F_G gibt es nun zwei Arten von Klauseln.

1. $\forall v \in V: (x_{v,1} \vee x_{v,2} \vee x_{v,3})$
2. $\forall (u, v) \in E: (\overline{x_{v,1}} \vee \overline{x_{u,1}}) \wedge (\overline{x_{v,2}} \vee \overline{x_{u,2}}) \wedge (\overline{x_{v,3}} \vee \overline{x_{u,3}})$

Eine erfüllende Belegung der Formel impliziert nun eine Färbung des Graphen.

Der Algorithmus wählt für jeden Knoten v eine Farbe j , die für v ausgeschlossen wird. D.h. v wird nicht mit j gefärbt und $x_{v,j} = 0$. Die Klauseln von Typ 1 werden dadurch reduziert auf zwei Literale und dadurch ist F_G reduziert auf eine Formel in der Familie 2-SAT. Diese lässt sich effizient lösen. Wir berechnen nun die Wahrscheinlichkeit, dass die reduzierte Formel F_G lösbar ist, wenn gegeben ist, dass G 3-färbbar ist. Sei f eine korrekte 3-Färbung für G . Die Wahrscheinlichkeit, dass der Algorithmus für einen beliebigen Knoten v genau die Farbe $f(v)$ ausschließt, ist $\frac{1}{3}$. Die Wahrscheinlichkeit, dass kein

Knoten seine Farbe verliert, ist also $\left(\frac{2}{3}\right)^n$. Um die Wahrscheinlichkeit für einen Fehler gering zu halten, wird der Algorithmus einfach l mal wiederholt. Bei $l = 100 \left(\frac{3}{2}\right)^n$ ist der Fehlerwahrscheinlichkeit $\leq 2^{-100}$. Die Laufzeit ist demnach $\mathcal{O}(p(n) \left(\frac{3}{2}\right)^n) = O^*\left(\left(\frac{3}{2}\right)^n\right)$.

2.8.2 Random Walk Algorithmus für 3-SAT

Der folgende Algorithmus versucht, 3-SAT zu lösen.

1. beginne mit einer zufälligen Belegung α
2. if $\alpha(F) \neq 1$, dann wähle eine Klausel C , sodass $\alpha(C) = 0$
3. wähle ein Literal u_l in C und verändere α , sodass u_l erfüllt (und damit C erfüllt)
4. wiederhole n mal
5. wenn α nicht zu einer erfüllenden Belegung umgewandelt werden konnte, wähle eine neue
6. wiederhole t mal

Sei α_0 eine erfüllende Belegung, die Hamming-Distanz p zur initialen Belegung α hat. Dann transformiert der random walk α in α_0 mit Wahrscheinlichkeit 3^{-p} . Wird die Laufzeit nun aber verlängert auf (zum Beispiel) $3p$ Schritte, dann dürfen p Schritte des random walks falsch sein, wenn dafür $2p$ richtig sind. Die Wahrscheinlichkeit, dass α_0 gefunden wird, ist damit $\binom{3p}{2p} \left(\frac{1}{3}\right)^{2p} \left(\frac{2}{3}\right)^p \approx 2^{-p}$. Man kann zeigen, dass die Annahme $p = \frac{n}{3}$ optimal ist. Deswegen wird im Algorithmus der random walk auf eine Länge von $n = 3p$ beschränkt.

Zur weiteren Untersuchung definieren wir

- E_1 ist das Zufallsereignis, dass $d(\alpha_0, \alpha) = \frac{n}{3}$
- E_2 ist das Zufallsereignis, dass der Algorithmus $\frac{2n}{3}$ Schritte in die richtige und $\frac{n}{3}$ Schritte in die falsche Richtung macht.

Es gilt dann, dass die Erfolgswahrscheinlichkeit $\geq \mathbb{P}[E_1 \wedge E_2]$ ist. Es gilt

$$\mathbb{P}[E_1] = \binom{n}{\frac{n}{3}} \cdot 2^{-n}$$

und

$$\mathbb{P}[E_2] = \binom{n}{\frac{n}{3}} \left(\frac{1}{3}\right)^{\frac{2n}{3}} \left(\frac{2}{3}\right)^{\frac{n}{3}}$$

Damit sieht man, dass die Erfolgswahrscheinlichkeit $\geq \frac{1}{q(n)} \left(\frac{3}{4}\right)^n$ ist. Wählt man $t = 20 \cdot \left(\frac{4}{3}\right)^n$, so ergibt sich insgesamt eine Fehlerwahrscheinlichkeit von $\leq e^{-20}$. Die Laufzeit ist $\mathcal{O}^*\left(\left(\frac{4}{3}\right)^n\right)$.

3 Approximationsalgorithmen

Sei P ein Problem und X eine Menge von Instanzen. Für $x \in X$ nennen wir S_x die Menge der Lösungen für x . Auf der Menge $S = \bigcup_{x \in X} S_x$ definieren wir die Kostenfunktion m . Gesucht ist $opt(x)$ der minimale (bzw. maximale) Wert einer Lösung für alle Instanzen x .

Definition 3.1. A ist ein ε -Approximationsalgorithmus, wenn

$$m(A(x)) \geq (1 - \varepsilon)opt(x)$$

für Maximierungsprobleme und

$$m(A(x)) \leq \frac{1}{1 - \varepsilon}opt(x)$$

Definition 3.2 ((F)PTAS). Ein Approximationsalgorithmus A für ein Problem P ist ein PTAS, wenn A mit Eingaben x und ε eine ε -approximative Lösung für x produziert und die Laufzeit polynomiell in $|x|$ ist. Hängt die Laufzeit zusätzlich von $\frac{1}{\varepsilon}$ ab, so ist A ein FPTAS.

3.1 Max-Cut

Gegeben $G = (V, E)$. Finde $C \subset V$, sodass

$$m(C) = |\{(u, v) \mid u \in C, v \notin C\}|$$

maximal. Das Entscheidungsproblem ist NP-vollständig.

Definition 3.3. Sei $C \subseteq V$ und $v \in V$. Dann definieren wir

$$C \Delta \{v\} = \begin{cases} C \setminus \{v\}, & v \in C \\ C \cup \{v\}, & v \notin C \end{cases}$$

Damit können wir einen Algorithmus bauen.

1. $C = \emptyset$

2. while $\exists v \in V$ mit $m(C\Delta v) > m(C)$

3. $C = C\delta\{v\}$

4. end

Lemma 3.4. *Die Laufzeit ist $\mathcal{O}(n^4)$. Die gefundene Lösung C erfüllt $|C| \leq \frac{1}{2}opt$.*

3.2 Max- k -SAT

Sei $F = C_1 \wedge \dots \wedge C_m$ eine Formel in der jede Klausel genau k Literale hat. Finde eine Belegung $\alpha : Var(F) \rightarrow \{0, 1\}$, die

$$m(\alpha) = |\{C_i \mid \alpha(C_i) = 1\}|$$

maximiert. Wir geben einen Algorithmus mit Approximationsfaktor $\varepsilon = \frac{1}{2^k}$ an.

Sei dafür $a \in_R \{0, 1\}^n$ eine zufällige Belegung. Wir definieren $f(F)$ als die erwartete Anzahl an Klauseln die eine zufällige Belegung erfüllt. Dafür definieren wir die Zufallsvariable

$$X_i = \begin{cases} 1, & \alpha \text{ erfüllt } C_i \\ 0, & \text{sonst} \end{cases}$$

Offensichtlich ist $\mathbb{P}[X_i] = \mathbb{P}[\alpha(C_i) = 1] = 1 - \frac{1}{2^{|C_i|}} = 1 - \frac{1}{2^k}$. Wir schließen

$$f(F) = m \left(1 - \frac{1}{2^k} \right)$$

Dieser Wert lässt sich aber auch anders bestimmen. Sei $\#(F, \alpha)$ die Anzahl der Klauseln in F die von α erfüllt werden. Sei $\bar{a} = (a_2, a_3, \dots, a_n)$.

$$\begin{aligned} f(F) &= \sum_{\alpha \in \{0,1\}^n} \mathbb{P}[a = \alpha] \cdot \#(F, \alpha) = \sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[a = 0\alpha] \cdot \#(F, 0\alpha) + \sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[a = 1\alpha] \cdot \#(F, 1\alpha) \\ &= \frac{1}{2} \left(\sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[\bar{a} = \alpha] \cdot \#(F, 0\alpha) + \sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[\bar{a} = \alpha] \cdot \#(F, 1\alpha) \right) \\ &= \frac{1}{2} \sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[\bar{a} = \alpha] \cdot (\#(F, 0\alpha) + \#(F, 1\alpha)) \leq \sum_{\alpha \in \{0,1\}^{n-1}} \mathbb{P}[\bar{a} = \alpha] \cdot \#(F|_{x_1=0}, \alpha) = f(F|_{x_1=0}) \end{aligned}$$

Das motiviert den Algorithmus

1. for $i = 1$ to n

2. $p_0 = f(F|_{x_i=0})$, $p_1 = f(F|_{x_i=1})$

3. if $p_0 \geq p_1$: $F = F|_{x_i=0}$
4. else: $F = F|_{x_i=1}$
5. endif
6. endfor

3.3 0-1 Rucksackproblem

Wir betrachten eine Menge an n Objekten i , die jeweils mit einem Gewicht g_i und einem Wert v_i ausgestattet sind. Wir bezeichnen mit G die Größe des Rucksacks. Für eine bestimmte Instanz x des Problems bezeichne S_x die Menge aller Lösungen. Wir beginnen mit einem Approximationsalgorithmus für $\varepsilon = \frac{1}{2}$.

Der Greedy-Algorithmus sortiert die Elemente nach ihrem Kosten-Nutzen-Verhältnis

$$\frac{v_1}{g_1} \geq \frac{v_2}{g_2} \geq \dots \geq \frac{v_n}{g_n}$$

Ist i das erste Objekt, das nicht mehr zum Rucksack ergänzt werden kann, wenn die ersten $i - 1$ Elemente gewählt wurden, dann wähle die bessere der beiden Lösungen $S_1 = \{1, 2, \dots, i - 1\}, S_2 = \{i\}$. Es ist nicht schwer zu sehen, dass der Algorithmus eine $\frac{1}{2}$ -Faktor Approximation erreicht.

Für das Problem existiert außerdem ein FPTAS. Dieser basiert auf einem Ansatz der dynamischen Programmierung. Hierbei kann die Zielfunktion $w(i, h)$ rekursiv wie folgt bestimmt werden

$$w(i, h) = \begin{cases} 0, & h = 0 \\ w(i - 1, h), & g_i > h \\ \max\{w(i - 1, h), w(i - 1, h - g_i) + v_i\} & g_i \leq h \end{cases}$$

Auf diesem Ansatz aufbauend, kann man sich eine Art duale Formulierung des Problems vorstellen. Dabei wird die Funktion

$$g(i, h) = \min_{S \subseteq \{1, 2, \dots, i\}} \left\{ \sum_{i \in S} g_i \mid \sum_{i \in S} v_i \geq h \right\}$$

die sich wiederum rekursiv ermitteln lässt

$$g(i, h) = \begin{cases} 0, & h = 0 \\ \infty, & \sum_{j=1}^i v_j < h \\ \min\{g(i - 1, h), g(i - 1, h - v_i) - g_i\}, & \text{sonst} \end{cases}$$

Die Tabellengröße ist dabei $n^2 v_{\max}$.

Mit diesem Ansatz lässt sich nun ein FPTAS formulieren. Dafür werden zunächst die Werte v_i binär gerundet. Das heißt, wir definieren

$$v'_i = 2^b \lceil \frac{v_i}{2^b} \rceil$$

Hierbei ist b eine Konstante. Die Transformation wirkt sich auf die Binärdarstellung von v_i so aus, dass die letzten b Stellen auf 0 gesetzt werden. Führt man nun den obigen Algorithmus auf die Werte $(\frac{v'_1}{2^b}, \frac{v'_2}{2^b}, \dots, \frac{v'_n}{2^b})$ aus, so ist die Laufzeit nun durch $n^2 \frac{v_{\max}}{2^b}$ beschränkt. Wir bezeichnen

$$m(A(x)) = \sum_{i \in S'} v_i$$

die vom Algorithmus gefundene Lösung und

$$opt(x) = \sum_{i \in S} v_i$$

die optimale Lösung. Es gilt dann

$$F = \frac{opt(x) - m(A(x))}{m(A(x))} \leq \frac{n \cdot 2^b}{v_{\max}} \leq \varepsilon$$

Für den FPTAS wird nun b so gewählt, dass

$$2^b \leq \frac{\varepsilon v_{\max}}{n} < 2^{b+1}$$