# Numerisk Lineær Algebra F2021 Notesæt 15

#### Andrew Swann

6. april 2021

Sidst ændret: 6. april 2021. Versionskode: cc54286.

## Indhold

Indhold Figurer			1	
			1	
15	Fort	pedring af Gram-Schmidt	2	
	15.1	Numeriske problemer for klassisk Gram-Schmidt	2	
	15.2	Den forbedrede Gram-Schmidt proces	5	
	15.3	Klassisk kontra forbedret Gram-Schmidt	6	
	15.4	Flops	11	
Python indeks			13	
Indeks		13		
Fi	gu	rer		
15.1	Kl	assisk kontra forbedret Gram-Schmidt	10	
			1	

### 15 Forbedring af Gram-Schmidt

## 15.1 Numeriske problemer for klassisk Gram-Schmidt

Lad os betragte det følgende eksempel i python. Vi begynder med følgende vektorer i  $\mathbb{R}^4$ :

$$u_0 = \begin{bmatrix} 1 \\ s \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}, \quad u_1 = \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ s \\ 0 \end{bmatrix}, \quad u_2 = \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ 0 \\ s \end{bmatrix}$$

og vælger s til at være tæt på 0.

Vi udfører den klassiske Gram-Schmidt proces, med forventningen at det giver en ortonormal samling v0, v1, v2.

```
>>> def proj_på(v, u):
...     return np.vdot(v,u) / np.vdot(v,v) * v
...
>>> v0 = u0 / np.linalg.norm(u0)
>>> w1 = u1 - proj_på(v0, u1)
>>> v1 = w1 / np.linalg.norm(w1)
>>> w2 = u2 - proj_på(v0, u2) - proj_på(v1, u2)
>>> v2 = w2 / np.linalg.norm(w2)
>>> q = np.hstack([v0, v1, v2])
```

Så har vi dannet en matrix q med søjler v0, v1, v2. Vi kan se om v0, v1, v2 er faktisk ortonormal eller ej, ved at beregne Grammatricen for q:

På diagonalen får vi pæne tal tæt på 1, så v0, v1, v2 er enhedsvektorer. Desuden er de andre indre produkter med v0 af den samme størrelsesorden som s, men de er skuffende langt væk fra machine epsilon. Det værste problem er dog  $\langle v1, v2 \rangle$ , som burde være 0, men er tæt på 1/2. Det vil sige vinklen mellem v1 og v2 er

```
>>> np.arccos(np.vdot(v1,v2) \
... / (np.linalg.norm(v1)*np.linalg.norm(v2))) \
... * 360/(2*np.pi)
59.9999999999999
```

omtrent 60°, så de er meget langt fra at være vinkelret på hinanden. Dette er udtryk for at den klassiske Gram-Schmidt proces er numerisk ustabil.

Lad os bytte rundt på vores operationer ovenfor:

```
>>> v0 = u0 / np.linalg.norm(u0)
>>> w1 = u1 - proj_på(v0, u1)
>>> x2 = u2 - proj_på(v0, u2)
>>> v1 = w1 / np.linalg.norm(w1)
>>> w2 = x2 - proj_på(v1, x2)
>>> v2 = w2 / np.linalg.norm(w2)
```

Her har vi delt dannelsen af  $w_2$  op i to trin

```
\begin{split} w_2 &= u_2 - \operatorname{pr}_{v_0}(u_2) - \operatorname{pr}_{v_1}(u_2) \\ &= (u_2 - \operatorname{pr}_{v_0}(u_2)) - \operatorname{pr}_{v_1}(u_2 - \operatorname{pr}_{v_0}(u_2)) \\ &= x_2 - \operatorname{pr}_{v_1}(x_2), & \text{for } x_2 = u_2 - \operatorname{pr}_{v_0}(u_2). \end{split}
```

Denne omskrivning er gyldigt, da  $\operatorname{pr}_{v_0}(u_2)$  er parallelt med  $v_0$  og  $\operatorname{pr}_{v_1}(v_0)=0$ , så  $\operatorname{pr}_{v_1}(\operatorname{pr}_{v_0}(u_2))=0$ . Vi får nu

og Grammatricen bliver

Dette er en væsentlig forbedring, nu er alle indgange væk fra diagonalen af størrelsesorden højst  $10^{-8}$ , og faktisk er v2 og v3 vinkelret på hinanden indenfor machine epsilon.

Hvorfor har denne omskrivning givet et bedre resultat? I beregningen via den klassiske Gram-Schmidt proces er v0 lige med u0, da

```
>>> np.linalg.norm(u0)
1.0
```

Tallet s er netop valgt så at s\*\*2 er mindre en  $\epsilon_{\text{machine}}$ .

Beregning af  $proj_på(v0, u1)$  giver så v0, og derefter beregnes w1 til at være (0, -s, s, 0), som er vinkelret på u2. Dette medvirker til at v1 bidrager ikke til udregningen af w2, og så ortogonalitet mellem v1 og v2 bliver ikke sikret.

Til gengæld for den anden version af udregning bliver w1 = (0, -s, s, 0) og  $x^2 = (0, -s, 0, s)$ , som kun indeholde led af størrelsesorden s. Beregning af w2 sikre nu en vektor (næsten) vinkelret på w1 (og v1).

#### 15.2 Den forbedrede Gram-Schmidt proces

For at implementere den overstående ide, lad os starte med  $u_0, u_1, \dots, u_{k-1}$  lineært uafhængige. Så går vi i gang med at konstruere ortonormale  $v_0, v_1, \ldots, v_{k-1}$ . I trinnet hvor vi danne  $v_r$  vil vi sørge for at vi kun arbejde med vektorer, som er vinkelret på  $v_0, \ldots, v_{r-2}$ . Dette udmøntes i den følgende.

FORBEDRET GRAM-SCHMIDT PROCES - SKITSE $(u_0, u_1, \dots, u_{k-1})$ 

- 1 Sæt  $w_i^{(0)} = u_i$ , i = 0, ..., k-1,  $v_0 = w_0^{(0)} / \|w_0^{(0)}\|$ . 2 Sæt  $w_i^{(1)} = w_i^{(0)} \operatorname{pr}_{v_0}(w_i^{(0)})$ , i = 1, ..., k-1,  $v_1 = w_1^{(1)} / \|w_1^{(1)}\|$ . 3 Sæt  $w_i^{(2)} = w_i^{(1)} \operatorname{pr}_{v_1}(w_i^{(1)})$ , i = 2, ..., k-1,  $v_2 = w_2^{(2)} / \|w_2^{(2)}\|$ .
- 4 Sæt  $w_i^{(r)} = w_i^{(r-1)} \operatorname{pr}_{v_{r-1}}(w_i^{(r-1)}), i = r, \dots, k-1, \quad v_r = w_r^{(r)} / \|w_r^{(r)}\|.$
- 5 **return**  $v_0, v_1, \dots, v_{k-1}$ , en ortogonal samling, der udspænder det samme rum som  $u_0, u_1, \ldots, u_{k-1}$ .

Matematisk er dette ækvivalent med den klassiske Gram-Schmidt proces.

Eksempel 15.1. Et eksempel, som billedliggør forskellen på klassisk og forbedret Gram-Schmidt er følgende. Betragt  $V = \mathbb{R}^5$  og vektorer  $u_0, u_1, \dots, u_4$ , som er søjlerne i matricen

$$A = \begin{bmatrix} u_0 \mid u_1 \mid u_2 \mid u_3 \mid u_4 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 & * & * & * & * \\ 0 & 1 & * & * & * \\ 0 & 0 & 1 & * & * \\ 0 & 0 & 0 & 1 & * \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 \end{bmatrix},$$

hvor \* repræsenterer vilkårlige tal. Da  $u_0 = e_0$  er enhedsvektor, ændres denne vektor ikke af det første trin i den klassiske Gram-Schmidt process. Anden trin derimod sørger for at søjle 1 bliver til  $e_1$ , dvs. at indgangen  $a_{01}$  sættes til 0. Næste trin giver  $e_2$  i søjle 2, så  $a_{02}$  og  $a_{12}$  nulstilles, osv.

$$\begin{bmatrix} \mathbf{v_0} \mid \mathbf{v_1} \mid \mathbf{v_2} \mid \mathbf{v_3} \mid \mathbf{v_4} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 \end{bmatrix}$$

Dvs. den klassiske Gram-Schmidt process fremstiller vektorerne  $v_0, v_1, \dots, v_4$  søjlevis, én efter én.

For den forbedrede Gram-Schmidt process, begynder vi på sammen måde,  $v_0 = u_0$ . Men beregnes  $w_i^{(1)}$ , og dette sørger for at der kommer 0-tal i resten af den første række, dvs.  $a_{01}$ ,  $a_{02}$ ,  $a_{03}$ ,  $a_{04}$  nulstilles. Derefter opereres på  $A_{[1:,1:]}$ , og \*-indgangerne nulstilles rækkevis

$$\begin{bmatrix} v_0 \mid v_1 \mid v_2 \mid v_3 \mid v_4 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1 \end{bmatrix}.$$

I  $\mathbb{R}^n$  fører dette til den følgende algoritme:

FORBEDRET GRAM-SCHMIDT $(u_0, u_1, \dots, u_{k-1})$ 

```
1 for i \in \{0, 1, ..., k-1\}:

2 w_i = u_i

3 for i \in \{0, 1, ..., k-1\}:

4 r_{ii} = ||w_i||_2

5 v_i = w_i/r_{ii}

6 for j \in \{i+1, ..., k-1\}:

7 r_{ij} = v_i^T w_j

8 w_j = w_j - r_{ij}v_i
```

Hvis det er nødvendigt kan hukommelsesplads spares ved at gemme  $v_i$  i  $w_i$ .

### 15.3 Klassisk kontra forbedret Gram-Schmidt

Lad os kikke på implementering af disse algoritme i python, og giver et eksempel, som viser hvor stærkt den forbedrede Gram-Schmidt process er i forhold til den klassiske.

Vi begynder ved at importere vores standardpakker

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
```

Den klassiske Gram-Schmidt implementeres på følgende vis

```
def klassisk_gram_schmidt(a):
    n, k = a.shape
    q = np.empty((n,k))
    r = np.zeros((k,k))
    for j in range(k):
        r[:j, [j]] = q[:, :j].T @ a[:, [j]]
        w = a[:, [j]] - q[:, :j] @ r[:j, [j]]
        r[j, j] = np.linalg.norm(w)
        q[:, [j]] = w / r[j, j]
    return q, r
```

Algoritmen returnerer matricerne q og r for en tynd QR-dekomponering af a. Vores tidligere fremstilling, side 8, af den klassiske Gram-Schmidt process indebar to **for**-løkker. Ovenfor har vi omskrevet den indre **for**-løkke via matrixprodukter. Vores input vektorer er søjlerne af a; den j'te søjle er a[:, [j]]. De ortonormale vektorer der produceres af processen bliver til søjlerne i q. Ved det j'te trin har vi dannet ortonormale søjler 0 til j-1 af q. De nye indgang i r gives via indre produkter med a[:, [j]], som kan samles i produktet q[:, :j] @ a[:, [j]]. Projektionen af a[:, [j]] langs de første j søjler af q er så q[:, :j] @ r[:j, [j]]. Vi overskrive w hver gang med den nye  $w_j$ , dens længde gemmes i r[j, j] og den tilsvarende enhedsvektor bliver til q[:, [i]].

For den forbedrede Gram-Schmidt laver vi tilsvarende omskrivninger til matrixprodukter.

```
def forbedret_gram_schmidt(a):
    _, k = a.shape
    q = np.copy(a)
    r = np.zeros((k, k))
    for i in range(k):
        r[i, i] = np.linalg.norm(q[:, i])
```

```
q[:, i] /= r[i, i]
r[[i], i+1:] = q[:, [i]].T @ q[:, i+1:]
q[:, i+1:] -= q[:, [i]] @ r[[i], i+1:]
return q, r
```

Initialiseringstrinnet er blot at kopiere a til q; denne kopiering er vigtig, da indgangerne i q overskrives i løbet af processen. Ved det i'te trin i processen inderholder søjler 0 til i-1 af q ortonormale vektorer, som en del af slut resultatet, resten af q indeholder vektorerne  $w_j^{(i)}$ , som bliver overskrevet gentagende gange. Matricen r dannes rækkevis.

Lad os først bekræfter at disse implementering giver de samme resultater, som vi fik for eksemplet i begyndelsen af kapitlet.

```
[0. 0. 0.]
[0. 0. 0.]
[0. 0. 0.]
[1.00000000e+00 -7.07106781e-09 -7.07106781e-09]
[-7.07106781e-09 1.00000000e+00 5.00000000e-01]
[-7.07106781e-09 5.00000000e-01 1.00000000e+00]]
```

 $[[0. \ 0. \ 0.]$ 

Bemærk at selvom q er langt fra at have ortonormale søjler, vi har trods alt at q @ r er meget tæt på a.

```
q, r = forbedret_gram_schmidt(a)
print(a - q @ r)
```

```
print()
print(q.T @ q)

[[0. 0. 0.]
  [0. 0. 0.]
  [0. 0. 0.]
  [0. 0. 0.]

[0. 0. 0.]]

[[ 1.00000000e+00 -7.07106781e-09 -4.08248290e-09]
  [-7.07106781e-09 1.00000000e+00 1.11022302e-16]
  [-4.08248290e-09 1.11022302e-16 1.00000000e+00]]
```

Igen q @ r ligger tæt på a, men denne gang er q væsentligt tættere på at have ortonormale søjler.

Nu udfører vi et eksperiment. Vi vil danne en tilfældig ( $100 \times 100$ )-matrix med bestemte singulærværdier, nemlig

$$(\sigma_0,\ldots,\sigma_{99})=(1,1/2,1/4,1/8,\ldots,1/2^{99}).$$

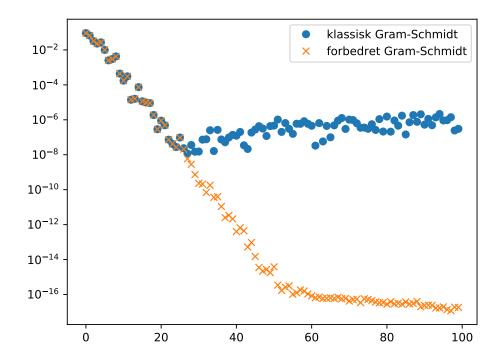
Vi gør dette ved beregne singulærværdidekomponeringen af en tilfældig matrix og bruger dens u og vt til at danne en ny matrix a:

```
rng = np.random.default_rng()
n = 100
u, _, vt = np.linalg.svd(rng.random((n, n)))
i = np.arange(n)
s = np.array(2.0 ** (-i))
a = u @ np.diag(s) @ vt
print(s[:5])
```

```
[1. 0.5 0.25 0.125 0.0625]
```

Da singulærværdierne aftager hurtigt, burde beregning af QR-dekomponering af a giver diagonalindgange i r, som er tæt på singulærværdierne for a. Vi kan beregne r via de to algoritmer og plotte disse diagonalværdier.

```
qk, rk = klassisk_gram_schmidt(a)
qf, rf = forbedret_gram_schmidt(a)
```



Figur 15.1: Klassisk kontra forbedret Gram-Schmidt.

```
fig, ax = plt.subplots()
ax.set_yscale('log')
ax.plot(i, rk[i,i], 'o', label='klassisk Gram-Schmidt')
ax.plot(i, rf[i,i], 'x', label='forbedret Gram-Schmidt')
ax.legend()
```

Resultatet visers i figur 15.1. Her ses tydeligt at den forbedrede Gram-Schmidt beregne mange flere indgange korrekt end den klassiske. Den forbedrede giver korrekte værdier til omkring indeks 55, men

```
print(2.**-55)
```

#### 2.7755575615628914e-17

er tæt på machine epsilon. Til gengæld er den klassiske Gram-Schmidt kun korrekt for de første cirka 25 indgange, og værdier efterfølgende ligger om  $10^{-8}$ , som er tæt på kvadratroden af machine epsilon

#### 1.4901161193847656e-08

Dette er ret typisk for opførelsen af de to algoritmer.

### **15.4** Flops

Lad os tæller antallet af float operationer forbundet med den forbedrede Gram-Schmidt process. Optællingen for den klassiske er nogenlunde den samme. Vi kikker på algoritmen side 6. Løkken i linjerne 1 og 2 tæller ingen flops. Kikker vi på den anden **for**-løkke, som starter på linje 3, har vi først

$$r_{ii} = ||w_i||_2$$
:  $2n + 1$  flops  $v_i = w_i/r_{ii}$ :  $n$  flops

så efter k omganger bidrager dette med k(3n+1) flops. I den indre **for**-løkke, som starter på linje 6 har vi

$$r_{ij} = v_i^T w_j$$
: 2*n* flops  $w_j = w_j - r_{ij}v_i$ : 2*n* flops

Så denne indre løkke bidrager med 4n(k-i-1) flops for hvert  $i \in \{0, 1, \dots, k-1\}$ , dvs.

$$4n\sum_{i=0}^{k-1}(k-i-1)=4n\sum_{j=0}^{k-1}j=2n(k-1)k \text{ flops}.$$

Det sidste bruger formlen

$$\sum_{j=0}^{k-1} j = \frac{1}{2}(k-1)k, \tag{15.1}$$

som følger af

$$2\sum_{j=0}^{k-1} j = 0 + 1 + 2 + \dots + (k-3) + (k-2) + (k-1) + (k-1) + (k-1) + (k-2) + (k-3) + \dots + 2 + 1 + 0$$

$$= (k-1) + (k-1) + (k-1) + \dots + (k-1) + (k-1) + (k-1)$$

$$= (k-1)k.$$

Alt i alt har vi

$$2n(k-1)k + k(3n+1) = 2nk^2 + kn + k \sim 2nk^2$$
 flops

for den forbedrede Gram-Schmidt process.

# Python indeks

# **Indeks**

 $\begin{array}{ccc} \textbf{G} & \text{klassisk, 7} & \textbf{Q} \\ \text{Gram-Schmidt} & QR\text{-dekomponering} \\ \text{forbedret, 5--7} & \text{tynd, 7} \end{array}$