

# Comandos básicos do R: Guia de bolso

Lucas C. Germano

2022-10-08



# Contents

<b>Sobre este livro</b>	<b>5</b>
<b>1 Leitura e escrita de arquivos de texto</b>	<b>7</b>
1.1 Diretório de trabalho . . . . .	7
1.2 Leitura de arquivos . . . . .	8
1.3 Escrita de arquivos . . . . .	22
1.4 Leitura de múltiplos arquivos . . . . .	27
1.5 Escrita de múltiplos arquivos . . . . .	29
<b>2 Cross-references</b>	<b>31</b>
2.1 Chapters and sub-chapters . . . . .	31
2.2 Captioned figures and tables . . . . .	31
<b>3 Parts</b>	<b>35</b>
<b>4 Footnotes and citations</b>	<b>37</b>
4.1 Footnotes . . . . .	37
4.2 Citations . . . . .	37
<b>5 Blocks</b>	<b>39</b>
5.1 Equations . . . . .	39
5.2 Theorems and proofs . . . . .	39
5.3 Callout blocks . . . . .	39

<b>6</b>	<b>Sharing your book</b>	<b>41</b>
6.1	Publishing . . . . .	41
6.2	404 pages . . . . .	41
6.3	Metadata for sharing . . . . .	41

# Sobre este livro

Sejam bem-vindos!

O objetivo deste livro é disponibilizar para consulta anotações de códigos R de forma prática e rápida. Não há explicações aprofundadas nem se pretende esgotar as possibilidades do conteúdo apresentado, assim, esta documentação deve ser utilizada somente como um guia rápido, pois não passa de um conjunto de rascunhos apreendidos no dia-a-dia da manipulação de dados e na apresentação de resultados. O conteúdo poderá ser baixado nos formatos **.pdf** ou **epub**, mas a proposta é que o conteúdo seja dinâmico, com atualizações frequentes. Toda estrutura deste e-book encontra-se disponível no GitHub.

Críticas, sugestões ou contribuições de código e conteúdo podem ser enviadas para [lucascgermano@gmail.com](mailto:lucascgermano@gmail.com), ficarei muito feliz, qualquer que seja o motivo do contato.



# Chapter 1

## Leitura e escrita de arquivos de texto

### 1.1 Diretório de trabalho

Abaixo são transcritos alguns comandos e métodos para se definir e conhecer o diretório de trabalho, criar e excluir pastas e arquivos.

Table 1.1: Comandos de definição e manipulação de diretórios e arquivos.

Comando	Definição
<code>base::setwd()</code>	Define diretório de trabalho.
<code>base::getwd()</code>	Identifica diretório ativo.
<code>base::dir()</code>	Retorna todo o conteúdo do diretório ativo.
Ctrl + Shift + h	Abre janela de navegação para definir diretório.
<code>base::file.choose()</code>	Abre janela de navegação e ao selecionar o arquivo, ele retorna o caminho (diretório). Pode-se usar também dentro do comando, como em <code>read.csv2(file = file.choose())</code> .
No RStudio: Ir em Session, Setting Working Directory	Equivalente a Ctrl + Shift + h
Inserir aspas ' ' + Tab entre elas	Navegação que pode servir para explorar caminhos.
<code>base::dir.create()</code>	Cria uma pasta de trabalho.

Comando	Definição
<code>base::unlink()</code>	Deleta uma pasta, ex. <code>unlink("some_directory", recursive = TRUE)</code> . Aceita um vetor <code>c()</code> para excluir vários arquivos ou pastas.
<code>base::file.create()</code>	Cria um arquivo no diretório ex. <code>file.create("text_file.txt")</code> (docx, csv, etc).
<code>base::file.copy()</code>	Copia um arquivo. Ex. <code>file.copy(from = "source_file.txt", to = "destination_folder")</code> .
<code>base::file.remove()</code>	Deleta um arquivo, ex. <code>file.remove("csv_file.csv")</code> . Pode-se usar também <code>unlink('csv_file.csv')</code> .
<code>base::file.rename()</code>	Renomear um arquivo.
<code>base::list.files()</code>	Lista os arquivos presentes no diretório.
<code>here::here()</code>	Cria um caminho relativo para um arquivo no diretório de trabalho, preferencialmente em um projeto, o que facilita ser reproduzido em diversas máquinas, ex. <code>here('arquivos', 'dados.csv')</code> . É similar ao <code>base::file.path()</code> , cuja sintaxe é a mesma.

#### Exemplo: `list.files()`

```
list.files(path = 'dados/',      # Caminho do arquivo
           pattern = '.ods',     # Formato especificado
           full.names = FALSE,   # Somente nome
           recursive = TRUE,     # Pesquisa em subpastas
           ignore.case = FALSE) # Ignora tamanhos das letras
```

```
## [1] "planilha_ods.ods"
```

## 1.2 Leitura de arquivos

### 1.2.1 `utils::read.csv2()`

Faz a leitura de um arquivo em formato de tabela e cria um data frame a partir dele, com casos como linhas e variáveis como colunas. É uma função nativa do R, em que `read.csv` trata de arquivos separados por vírgula, enquanto `read.csv2` de arquivos separados por ponto e vírgula. Os argumentos das funções são os mesmos, por isso o `.csv2` foi escolhido para o exemplo (documentação)



**Exemplo**

```
dados <- read.csv2(file = 'dados/dados.csv')
head(dados, 2)           # Exibir as 2 primeiras linhas dos dados.
```

```
##      X      data code_mn      muni  faixa casos obitos masc fem  ano mes semana
## 1 1 2020-01-01 353070 Mogi Guaçu 30 a 39      1      0    0  1 2020   1      1
## 2 2 2020-01-20 353070 Mogi Guaçu 50 a 59      1      0    1  0 2020   1      3
##      pop
## 1 150713
## 2 150713
```

**Argumentos principais**

Argumento	Definição
file	Nome do arquivo que será lido, contendo o caminho do diretório.
header	Logical. Indica se o arquivo contém os nomes das colunas na primeira linha.
sep	Tipo de separador de campo. Default é “;”.
dec	Tipo de separador de decimal. Default é “.”.
nrows	Integer. Número máximo de linhas a serem lidas.
skip	Integer. Número de linhas que serão puladas antes de iniciar a leitura dos dados.
fill	Logical. Se TRUE, caso as linhas tenham comprimento desigual, são adicionados campos em branco.
blank.lines.skip	Logical. Se TRUE linhas vazias serão ignoradas.
stringsAsFactors	Logical. Se TRUE os vetores character serão convertidos para factors. Se houver distorção dos caracteres, utilizar FALSE para sem conversão.
fileEncoding	Character string. Define o encoding que será usado. Ex. fileEncoding = “UTF-8” ou “Latin-1” ou “ISO-8859-1”.

Argumento	Definição
skipNull	Logical. Se TRUE os nulos (NA) devem ser ignorados.
colClasses	character. Um vetor de classes referentes as colunas. Valores possíveis são NA (default, quando type.convert é usado), “NULL” (quando a coluna é pulada), um vetor atômico de classes (logical, integer, numeric, complex, character, raw), or “factor”, “Date” or “POSIXct”.

- Os argumentos são os mesmos da função `read.table()`.

### 1.2.2 readr::read\_csv2()

O objetivo do `readr` é fornecer uma maneira rápida e amigável de ler dados retangulares (como csv, tsv e fwf). Ele foi projetado para analisar de forma flexível muitos tipos de dados encontrados. Já está integrado no RStudio no método de importação via interface gráfica, embora necessite de instalação (Documentação)

#### Exemplo 1

```
dados <- readr::read_csv2(file = 'dados/dados.csv', # Caminho e arquivo
                        col_select = c(2,4:7),      # Seleção de colunas
                        guess_max = 1000,           # Máximo de linhas utilizadas para
                        skip_empty_rows = TRUE)      # Pular linhas vazias

head(dados, 2)
```

```
## # A tibble: 2 x 5
##   data      muni      faixa  casos obitos
##   <date>    <chr>    <chr>   <dbl>   <dbl>
## 1 2020-01-01 Mogi Guaçu 30 a 39     1       0
## 2 2020-01-20 Mogi Guaçu 50 a 59     1       0
```

#### Exemplo 2

```
dados <- readr::read_csv2(
  file = 'dados/dados.csv', # Caminho e arquivo
  guess_max = 1000,         # Linhas utilizadas para classes
  skip_empty_rows = TRUE,   # Pular linhas vazias
```

```

        skip = 1,                                # Pular primeira linha
        col_names = c('a','b','c','d','e'),      # Definir nomes das colunas
        col_select = c('a','b','c','d','e'))     # Selecionar colunas
head(dados, 2)

```

```

## # A tibble: 2 x 5
##       a b           c d           e
##   <dbl> <date>   <dbl> <chr>   <chr>
## 1     1 2020-01-01 353070 Mogi Guaçu 30 a 39
## 2     2 2020-01-20 353070 Mogi Guaçu 50 a 59

```

### Argumentos principais

Argumento	Definição
file	Nome do arquivo que será lido, contendo o caminho do diretório (admite http). Arquivos terminados em .gz, .bz2, .xz, ou .zip serão automaticamente descomprimidos.
col_names	TRUE ou FALSE ou um vetor tipo caracter com nomes das colunas. Se TRUE, a primeira linha será usada para nomear as colunas. Se FALSE, nomes das colunas serão gerados automaticamente (X1, X2, X3 etc). Se col_names for um vetor com nomes, os valores serão usados como nomes das colunas, mas a primeira linha será considerada no banco (nomes errados), assim, pode-se usar o argumento renomeando as colunas, mas fazendo a leitura sem considerar a primeira linha, com [-1,] ou skip = 1. Colunas sem nome (NA) receberão nomes fictícios.

Argumento	Definição
<code>col_types</code>	Se for <code>NULL</code> , todas as classes de coluna serão imputadas a partir do máximo de linhas lidas ( <code>guess_max</code> ) intercaladas por todo o arquivo. Se a imputação falhar, você precisará aumentar o <code>guess_max</code> ou fornecer os tipos corretos você mesmo. As especificações de coluna criadas por <code>list()</code> ou <code>cols()</code> devem conter uma especificação de coluna para cada coluna. Se você quiser ler apenas um subconjunto das colunas, use <code>cols_only()</code> . Para compactar um vetor com as classes, usar as letras <code>c</code> = character, <code>i</code> = integer, <code>n</code> = number, <code>d</code> = double, <code>l</code> = logical, <code>f</code> = factor, <code>D</code> = date, <code>T</code> = date time, <code>t</code> = time, <code>?</code> = guess. Por padrão, a definição de classe é automática.
<code>col_select</code>	Colunas a serem incluídas nos resultados, equivale a <code>dplyr::select()</code> para se referir às colunas pelo nome. Use <code>c()</code> ou <code>list()</code> para usar mais de uma expressão de seleção. Embora esse uso seja menos comum, <code>col_select</code> também aceita um índice de coluna numérica.
<code>locale</code>	A localidade controla os padrões que variam de lugar para lugar. A localidade padrão é centrada nos EUA (como R), mas você pode usar <code>locale()</code> para criar sua própria localidade que controla coisas como o fuso horário padrão, codificação, marca decimal, marca grande e nomes de dia e mês.
<code>na</code>	Vetor de caracteres de strings para interpretar como valores ausentes. Defina esta opção como <code>character()</code> para indicar que não há valores ausentes.

Argumento	Definição
trim_ws	Os espaços em branco à esquerda e à direita (espaços e tabulações ASCII) devem ser cortados de cada campo antes de analisá-lo?
skip	Número de linhas para pular antes de ler os dados.
n_max	Número máximo de linhas a ler.
guess_max	Número máximo de linhas a serem usadas para adivinhar os tipos de coluna.
show_col_types	Se FALSE, não mostre os tipos de coluna adivinhados. Se TRUE sempre mostra os tipos de coluna, mesmo que sejam fornecidos. Se NULL (o padrão) mostrar apenas os tipos de coluna se eles não forem fornecidos explicitamente pelo argumento col_types.
skip_empty_rows	As linhas em branco devem ser ignoradas completamente? ou seja, se esta opção for TRUE, as linhas em branco não serão representadas. Se for FALSE, eles serão representados por valores NA em todas as colunas.

### 1.2.3 data.table::fread()

Similar ao `read.table` e `read.csv`, só que mais rápido e conveniente por ler arquivos muito grandes. Todos os controles como `sep`, `colClasses`, `nrows`, `encoding` são detectados automaticamente. O resultado padrão é um objeto `data.table`, mas pode-se mudar para `data.frame` (documentação).

### Exemplo

[illegible]

```
##      data.in.sin  municipio num_casos
## 1:  2020-01-01 Mogi Guaçu          1
## 2:  2020-01-20 Mogi Guaçu          1
```

### Argumentos principais

Argumento	Definição
file	Nome do arquivo no diretório de trabalho, caminho para o arquivo ou um URL começando http:, etc. Arquivos compactados ‘.gz’ e ‘.bz2’ são suportados se o pacote R.utils estiver instalado.
sep	O separador entre colunas.
nrows	Número máximo de linhas a serem lidas.
header	Logical. Primeira linha é o nome das colunas.
na.strings	Para ler NA, como NA, defina na.strings=“NA”. Para ler „ como string em branco “”, defina na.strings=NULL.
stringsAsFactors	Converter todas as colunas de caracteres em fatores?
skip	skip >0 ignora as primeiras linhas. skip=“string” procura por “string” no arquivo (por exemplo, uma substring da linha de nomes de coluna) e começa nessa linha (inspirada em read.xls no pacote gdata).
select	Um vetor de nomes de colunas ou números para manter e eliminar as demais. Pode especificar também tipos da mesma forma que colClasses; ou seja, um vetor de pares colname=type, ou uma lista de pares type=col(s). Em todas as formas de seleção, a ordem em que as colunas são especificadas determina a ordem das colunas no resultado.
drop	Vetor de nomes de colunas ou números a serem descartados, mantenha o resto.

Argumento	Definição
colClasses	Pode receber um vetor ou lista nomeado especificando tipos para um subconjunto das colunas por nome. O padrão NULL significa que os tipos são inferidos automaticamente. Ex1 - colClasses = c("Date", "character", "integer"), neste caso as classes vão compor as classes das colunas na ordem posta. Ex2 - colClasses = c("data" = "Date", "idade" = "integer"), nesse caso estou indicando as classes somente de algumas variáveis. Funciona também no read.csv2.
dec	Separador de decimal como em read.csv2.
col.names	Inserir um vetor de nomes para as colunas se quiser substituir os originais. Se houver alguma coluna original sem título (NA), ela será renomeada automaticamente com "V"+ o numero que corresponde no banco (V1,V2,V3).
encoding	Default is "unknown". Outras possíveis opções são "UTF-8" e "Latin-1". Porém, não é usado para recodificar, em vez disso, permite o manuseio de strings codificadas em sua codificação nativa.
strip.white	O padrão é TRUE. Retira espaços em branco à esquerda e à direita de campos não citados. Se FALSE, apenas os espaços à direita do cabeçalho serão removidos.
fill	Logical, o padrão é FALSE. Se TRUE, caso as linhas tenham comprimento desigual, os campos em branco serão preenchidos implicitamente.
blank.lines.skip	Logical, o padrão é FALSE. Se TRUE, as linhas em branco serão ignoradas.
showProgress	TRUE exibe o progresso no console se o ETA for maior que 3 segundos.

Argumento	Definição
data.table	TRUE retorna um data.table (default). FALSE retorna um data.frame. O default para este argumento pode ser modificado com <code>opcões(datatable.fread.datatable=FALSE)</code> .
nThread	Número de threads a serem usados. Experimente para ver o que funciona melhor para seus dados em seu hardware.
KeepLeadingZeros	Se for TRUE, dados numéricos com zeros à esquerda são lidos como caracterer, caso contrário, os zeros à esquerda serão removidos e convertidos em numéricos.

### 1.2.4 readODS::read\_ods()

Função para leitura de arquivos no formato .ods do Libre Office. A leitura é feita em somente uma planilha, retorna um data.frame e costuma ser um pouco mais lenta comparada aos outros formatos (documentação).

#### Exemplo

```
dados <- readODS::read_ods(path = 'dados/planilha_ods.ods', # Caminho do arquivo
                           col_names = FALSE,             # Primeira linha contém n
                           sheet = 1,                     # Seleção da planilha
                           range = "A7:B14")              # Intervalo para leitura
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
path	Caminho do arquivo ods.
sheet	Planilha que será lida. Default e 1. Pode ser o nome da planilha (ex. “semanal”) ou um número correspondente a planilha.
col_names	Indica se a primeira linha contem os nomes das colunas.
skip	Número de linhas a pular antes de iniciar a leitura dos dados.



Argumento	Definição
<code>formula_as_formula</code>	Exibir fórmulas como fórmulas “SUM(A1:A3)” ou como valores “3” ou “8”.
<code>range</code>	Seleção de retângulo usando intervalo de células semelhante ao Excel, como <code>intervalo = “D12:F15”</code> ou <code>intervalo = “R1C12:R6C15”</code> . O processamento de intervalo de células é tratado pelo pacote <code>cellranger</code> .
<code>row_names</code>	Indica se o arquivo contém os nomes das linhas na primeira coluna.
<code>strings_as_factors</code>	Logical. Se variáveis tipo <code>character</code> serão convertidas a fatores.

### 1.2.5 readxl::read\_excel()

Leitura de arquivos com extensão `.xls` e `.xlsx`, lidos pelo Excel e Libre Office. Por padrão, a `sheet 1` é lida se não houver definição (documentação).

#### Exemplo

```
dados <- readxl::read_excel(path = "dados/planilha_xlsx.xlsx",
                             sheet = 1,
                             col_names = c('vel','dist'),
                             col_types = c("numeric","numeric"),
                             range = "A3:B19")
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
<code>path</code>	Caminho para o arquivo <code>xls/xlsx</code> .
<code>sheet</code>	Planilha a ser lida. Aceita o nome da planilha ou o número correspondente. Default é a primeira planilha.
<code>reange</code>	Intervalo de células para leitura, ex. “B3:D87” ou “Orçamento!B2:G14”.

Argumento	Definição
col_names	Se TRUE a primeira linha será usada para nomear as colunas. FALSE o número das colunas será uma sequência automática de X1 a Xn, ou um vetor de nomes para cada coluna.
col_types	Se NULL os tipos de classes serão adivinhados, senão inserir um vetor indicando as classes “blank”, “numeric”, “date” or “text”.
na	Valores ausentes. Por default o readxl converte células em branco para valores ausentes. Pode-se inserir um valor padrão caso se deseje cobrir os valores ausentes.
skip	Número de linhas para pular antes de iniciar a leitura dos dados.
n_max	Número máximo de linhas a serem lidas.
guess_max	Máximo de linhas utilizados para adivinhar classes das colunas.

### 1.2.6 foreign::read.dbf()

A função lê arquivos .dbf como dataframe, convertendo por default campos character em factor. Tem apenas dois argumentos, o file (caminho) e o as.is (se FALSE não converte os campos em factor). Por não ser muito usado, o desenvolvedor já alerta que nem todos os arquivos poderão ser lidos normalmente (documentação).

#### Exemplo

```
dados <- foreign::read.dbf(file = 'dados/planilha_dbf.dbf')
```

### 1.2.7 rio::import()

O rio é um pacote que vem com a iniciativa de simplificar o procedimento de importação e exportação de arquivos de dados. Na importação, é capaz de ler uma vasta lista de extensões de arquivos, sem a necessidade de especificar o formato (documentação).

#### Exemplo

```
dados <- rio::import(file = 'dados/planilha_dbf.dbf') # Caminho e nome.
```

### Argumentos principais

Argumento	Definição
file	Caminho e nome do arquivo. Pode ter extensão .zip ou .tar.
format	Formato do arquivo. A definição é opcional, mas pode ser “,”, “;”, “
setclass	Classe do objeto (opcional). Default é um “data.frame”. Os valores permitidos incluem “tbl_df”, “tbl” ou “tibble” (se estiver usando dplyr) ou “data.table” (se estiver usando data.table). Outros valores são ignorados, de modo que um data.frame é retornado.
which	Controla a importação de arquivos multi-objeto; como regra, import apenas retorna um único quadro de dados (use import_list para importar vários quadros de dados de um arquivo multi-objeto). Se o arquivo for um diretório compactado, que pode ser uma cadeia de caracteres especificando um nome de arquivo ou um número inteiro especificando qual arquivo (na ordem de classificação de localidade) extrair do diretório compactado. Para planilhas do Excel, isso pode ser usado para especificar um nome ou número de planilha. Para arquivos .Rdata, pode ser um nome de objeto. Para arquivos HTML, identifica qual tabela extrair (da ordem do documento). Ignorado de outra forma. Um valor de cadeia de caracteres será usado como uma expressão regular, de modo que o arquivo extraído seja a primeira correspondência da expressão regular com os nomes de arquivo no arquivo.

### 1.2.8 Arquivos da web

Pode-se usar o endereço do apresentado no navegador ou contido nas propriedades (clique com botão direito). O endereço deverá ser inserido entre aspas nos argumentos `file` ou `path` da maioria das funções de leitura, como no exemplo abaixo:

```
read.csv2(file = 'https://raw.githubusercontent.com/seade-R/dados-covid-sp/master/data/dados_covid_sp.csv')
```

Ou atribuir o link à um objeto e usa-lo na função.

```
link <- 'https://raw.githubusercontent.com/seade-R/dados-covid-sp/master/data/dados_covid_sp.csv'
```

É possível também baixar o arquivo (inclusive imagens) por meio da seguinte função:

```
download.file(url = 'https://raw.githubusercontent.com/seade-R/dados-covid-sp/master/data/dados_covid_sp.csv', destfile = 'dados/baixado_web.csv')
```

### 1.2.9 Encoding

Se houver distorção de caracteres especiais, considerar como possibilidades para resolver o problema utilizar o argumento correspondente a `stringsAsFactors = F`. Esse comando faz com que os caracteres permaneçam como caracteres, ao invés de serem convertidos para factor, e `encoding = "UTF-8"` ou `encoding = "ISO-8859-1"` para reconhecer os caracteres especiais. O argumento `fileEncoding = "UTF-8"` também pode ser necessário.

#### Descobrir o encoding

Verificar encoding de um vetor

```
stringi::stri_enc_detect(str = cars$speed[1])
```

```
## [[1]]
##   Encoding Language Confidence
## 1    UTF-8                0.15
```

#### Converter encoding

```
base::iconv(x = cars$speed[1:3], # Dataframe ou vetor
            from = "UTF-8",      # Encoding anterior
            to = "ISO-8859-1")   # Novo encoding
```

```
## [1] "4" "4" "7"
```

Pode-se também utilizar a função `base::enc2utf8` para transformar uma codificação em UTF-8, porém, deve ser sempre aplicado a um vetor (ou coluna do banco) de dados do tipo `character`, se for preciso, transformar antes com a função `base::as.character`

```
dados <- base::as.character(iris$Species)
dados <- base::enc2utf8(dados)
```

### Encoding via Import Dataset

É possível controlar o encoding pelos argumentos da função escolhida para leitura do arquivo, ou então pela leitura realizada pela interface gráfica do RStudio. Entrar no menu “File”, “Import Dataset”, “From text (base)...”, após isso será aberta uma janela, onde o campo encoding permite selecionar uma codificação entre centenas. Veja figura abaixo:

Import Dataset

Name: dados

Encoding: Automatic

Heading: ☒ Yes ☐ No

Row names: Automatic

Separator: Semicolon

Decimal: Period

Quote: Double (")

Comment: None

na.strings: NA

☐ Strings as factors

Input File: "1";"data";"code\_mn";"muni";"faixa";"casos";"obitos";"masc";"fem";"ano";

Data Frame:

x	data	code_mn	muni	faixa	casos	o
1	2020-01-01	353070	Mogi Guaçu	30 a 39	1	0
2	2020-01-20	353070	Mogi Guaçu	50 a 59	1	0
3	2020-01-29	352380	Itobi	30 a 39	1	0
4	2020-01-30	353050	Mococa	70 a 79	1	0
5	2020-02-02	353080	Mogi Mirim	40 a 49	1	0
6	2020-02-05	353080	Mogi Mirim	40 a 49	1	0
7	2020-02-06	353070	Mogi Guaçu	30 a 39	1	0
8	2020-02-13	353070	Mogi Guaçu	0 a 4	1	0
9	2020-02-22	353070	Mogi Guaçu	60 a 69	1	0
10	2020-03-01	351080	Casa Branca	20 a 29	1	0
11	2020-03-02	350040	Águas da Prata	50 a 59	1	0
12	2020-03-02	351390	Divinolândia	20 a 29	1	0
13	2020-03-04	354910	São João da Boa Vista	60 a 69	1	0
14	2020-03-05	352260	Itapira	50 a 59	1	0
15	2020-03-06	350030	Aguat	50 a 59	1	0
16	2020-03-07	354970	São José do Rio Pardo	20 a 29	1	0

Import Cancel

## 1.3 Escrita de arquivos

### 1.3.1 utils::write.csv2()

Função para salvar um arquivo de dados que foi trabalhado no R em diferentes formatos, no caso, separado por ponto e vírgula. Um ponto negativo é que essa função, ao salvar o arquivo, cria uma coluna com nomes das linhas (em números) (documentação).

#### Exemplo

```
write.csv2(x = iris,                # Dados ativos
           file = 'dados/iris.csv', # Caminho e nome do arquivo
           fileEncoding = "UTF-8")  # Encoding

read.csv2('dados/iris.csv', nrows = 4)
```

```
##   X Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1 1           5.1           3.5           1.4           0.2  setosa
## 2 2           4.9           3.0           1.4           0.2  setosa
## 3 3           4.7           3.2           1.3           0.2  setosa
## 4 4           4.6           3.1           1.5           0.2  setosa
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
x	Objeto a ser escrito, preferencialmente uma matriz ou data.frame.
file	Nome do arquivo criado (pode conter o caminho) utilizando aspas " ".
append	Logical. Se TRUE os dados serão adicionados à última linha de um arquivo já existente, que deve ter o nome descrito em file, se FALSE qualquer arquivo com o nome descrito será sobrescrito.
na	String usada para valores ausentes nos dados.
dec	String para definir divisor de decimal, ex. dec = ".".

Argumento	Definição
col.names	Logical. Indica se os nomes das colunas de x devem ser escritos junto com x, ou um vetor de caracteres dos nomes das colunas a serem escritos.
row.names	Logical. Cria coluna com nomes para linhas.
fileEncoding	String. Declara a codificação a ser usada para que possam ser recodificados à medida que são gravados.

### 1.3.2 readr::write\_csv2()

É semelhante à função anterior, mas executa a tarefa mais rápido, com a vantagem de não criar uma coluna com nomes das linhas (documentação).

#### Exemplo

```
readr::write_csv2(x = iris, file = 'dados/iris.csv')
read.csv2(file = 'dados/iris.csv', nrows = 2)
```

```
## Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1          5.1          3.5          1.4          0.2 setosa
## 2          4.9          3.0          1.4          0.2 setosa
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
x	Um data frame ou tibble a ser escrito.
file	Caminho, nome do arquivo e extensão.
append	Se FALSE, irá sobrescrever um arquivo existente, caso exista. Se TRUE, será salvo a partir da última linha de um arquivo existente.
col_names	Default TRUE. Primeira linha como nomes das colunas. Se FALSE, nomes das colunas não serão incluídos.

### 1.3.3 writexl::write\_xlsx()

Grava um dataframe em um arquivo xlsx. Para criar um xlsx com (várias) sheets nomeadas, basta definir x para uma lista nomeada de dataframe (documentação).

#### Exemplo 1

```
writexl::write_xlsx(x = iris,
                    path = 'dados/iris.xlsx',
                    col_names = TRUE,
                    format_headers = TRUE)
readxl::read_excel('dados/iris.xlsx', n_max = 2)
```

```
## # A tibble: 2 x 5
##   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
##   <dbl>         <dbl>         <dbl>         <dbl> <chr>
## 1         5.1         3.5         1.4         0.2 setosa
## 2         4.9         3         1.4         0.2 setosa
```

#### Exemplo 2

```
writexl::write_xlsx(path = "dados/conjuntodadosnativos.xlsx",
                    x = list(sheet1=iris, sheet2=cars, sheet3=mtcars))

readxl::read_excel(path = 'dados/conjuntodadosnativos.xlsx',
                    sheet = 3,
                    n_max = 2)
```

```
## # A tibble: 2 x 11
##   mpg   cyl  disp    hp  drat    wt   qsec    vs  am  gear  carb
##   <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
## 1    21     6   160   110   3.9  2.62  16.5     0     1     4     4
## 2    21     6   160   110   3.9  2.88  17.0     0     1     4     4
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
x	Data frame ou lista de data frames que serão salvos em planilhas (sheets).
path	Nome do arquivo criado.



Argumento	Definição
col_names	Se TRUE, primeira linha traz os nomes das colunas.
format_headers	Inserir nomes das colunas.

### 1.3.4 data.table::fwrite()

Função para escrever .csv muito mais rápido (por exemplo, 2 segundos versus 1 minuto) e flexível. Máquinas modernas têm mais de uma CPU, então fwrite as usa; em todos os sistemas operacionais, incluindo Linux, Mac e Windows. Output em csv, csv2, tab, etc. (documentação).

#### Exemplo

```
dados <- data.table::fread(file = 'dados/dados.csv', nrow = 20)
data.table::fwrite(x = dados,                                # Objeto a ser escrito
                  file = 'dados/dados20max.csv',             # Nome e caminho (arquivo ja existe)
                  append = TRUE,                             # Salva na ultima linha do arquivo ja existente
                  sep = ';',                                  # Separados de colunas
                  showProgress = TRUE)                       # Mostrar progresso
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
x	Objeto a salvar. Deve estar como data.frame ou data.table.
file	Nome do arquivo.
append	Se TRUE, o arquivo é salvo em acréscimo à última linha de um arquivo existente, sem incluir os nomes das colunas.
sep	Separador de colunas. Default é “,”.
na	Um string a ser usada para valores ausentes. O padrão é uma string em branco “”.
dec	Separador de decimal, default é “.”.
row.names	Nome das linhas. Usar somente se for data.frame, porque é incompatível com data.table..
col.names	Primeira linha como nomes das colunas.

Argumento	Definição
logical01	Os valores lógicos devem ser escritos como 1 e 0 em vez de “TRUE” e “FALSE”?
showProgress	Exibir um medidor de progresso no console. Ignorado quando file == “.”.
compress	Se compress = “auto” e se o arquivo termina em .gz, o formato de saída é gzipado csv. Se compress = “none”, o formato de saída é sempre csv. Se compress = “gzip”, o formato é csv compactado com gzip. A saída para o console nunca é compactada com gzip mesmo se compress = “gzip”. Por padrão, compress = “auto”.

### 1.3.5 rio::export()

Semelhante a outros comandos de escrita de arquivos, o rio::export() permite gravar um data frame nos formatos habituais de texto. Para exportar uma lista de arquivos, usar o rio::export\_list() (Documentação).

#### Exemplo

```
rio::export(x = iris,                # Objeto que será exportado.
            file = 'dados/iris.xlsx') # Caminho, nome e extensão.
```

#### Argumentos principais

Argumento	Definição
x	Matriz ou data frame a ser escrita. Exceções são que x pode ser uma lista de dados se o formato de arquivo de saída for uma pasta de Excel .xlsx. Para exportar uma lista de quadros de dados para vários arquivos, use export_list em vez disso.
file	Nome do arquivo. Deve especificar file e/ou format.

Argumento	Definição
format	Sequência de caracteres opcional contendo o formato de arquivo, que pode ser usado para substituir o formato inferido a partir de file ou, em vez de especificar file, um arquivo com o nome do símbolo de x e a extensão de arquivo especificada será criado. Os atalhos incluem: “,” ou “;” ou ”

## 1.4 Leitura de múltiplos arquivos

Particularmente tenho maior interesse na possibilidade de ler e agrupar diversos arquivos, assim, o enfoque desse tópico será sobre a leitura com merge.

### 1.4.1 base::lapply() e base::Reduce

A ideia aqui é fazer a leitura dos arquivos de interesse e juntá-los verticalmente compondo um dataframe final, assim, o método é dividido em três partes:

1. Listar os arquivos de interesse presentes no diretório. 2. Fazer leitura múltipla utilizando a função base::lapply e base::read.csv2 (pode ser outra) (documentação base::lapply). 3. Juntar os dataframes com base::Reduce e base::rbind.dataframe (documentação base::reduce())

#### Exemplo 1

```
setwd('arquivos/')          # Define a pasta que contém os arquivos
lista <- base::list.files()  # Captura os arquivos na pasta e atribui à uma lista
arquivos <- base::lapply(X = lista,      # Lista com os arquivos a serem lidos
                        FUN = read.csv2) # Função escolhida para ler
unidos <- base::Reduce(x = arquivos,     # Lista de dataframes
                      f = base::rbind.data.frame) # Função para empilhar
setwd("~/Documentos/Estudos R/guia_de_bolso") # Volta para diretório inicial
```

O base::setwd() é mais importante neste caso por conta da atividade do base::lapply, que não tem um argumento path para definir espaço de trabalho, então o *work directory* tem que ser definido antes.

A lista “arquivos” também pode ser aplicada à função data.table::rbindlist(), que terá o mesmo efeito da função elaborada no reduce.

#### Exemplo 2

Aqui a ideia é realizar a leitura, mas filtrando os arquivos somente com os dados de interesse, ao mesmo tempo, para isso, vamos usar a função `base::function()` (documentação). Os parâmetros serão passados para essa função e ela será aplicada ao `lapply`.

```
setwd('arquivos2/')

filtro.fun <- function(x){                                # Cria uma função
  data.table::fread(file = x) %>%
    dplyr::select("Petal.Length",                         # Manipulações
                  "Petal.Width",
                  "Species") %>%
    dplyr::filter(Petal.Length > .5) %>%
    setNames(nm = c("compr", "largura", "especie"))
}

lista <- list.files()
arquivos <- lapply(X = lista, FUN = filtro.fun)

unidos <- data.table::rbindlist(l = arquivos) # Mesmo efeito do Reduce

setwd("~/Documentos/Estudos R/guia_de_bolso") # Volta para diretório inicial
```

### 1.4.2 base::for()

A função `for` permite criar um loop de execução de determinada ação, no caso, o loop do exemplo realizará a leitura de vários arquivos que serão atribuídos à uma lista. Com a lista é possível empilhar em um único data frame. (documentação).

#### Exemplo

```
x <- 1          # Objeto contador
arquivos <- list(rep(NA, 3)) # O objeto que vai receber a leitura individual dos arquivos
lista <- list.files('arquivos2/') # Lista com os arquivos a serem lidos

for (i in lista) {      # Para cada elemento da lista, executar:
  arquivos[[x]] <- read.csv2(file = file.path('arquivos2', i)) %>% # Cada elemento lido
    filter(Sepal.Length > 5.5)
  x <- x + 1 # O contador define em que posição o arquivo lido será adicionado à lista
}

data.table::rbindlist(l = arquivos)[1:3,]

##      Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
```

```
## 1:      5.8      4      1.2      0.2  setosa
## 2:      5.7      4.4      1.5      0.4  setosa
## 3:      5.7      3.8      1.7      0.3  setosa
```

### 1.4.3 rio::import\_list()

Importa uma lista de data frames de um vetor de nomes ou arquivo multi-objeto (planilha Excel, arquivo .Rdata etc) (documentação).

#### Exemplo

```
setwd('arquivos/')
lista <- list.files()
unidos <- rio::import_list(file = lista, # Lista com nomes dos arquivos do diretório
                           rbind = TRUE, # Empilhar. Se FALSE retorna uma lista com os data frames
                           header = TRUE) # Nomes das colunas
setwd("~/Documentos/Estudos R/guia_de_bolso")
```

## 1.5 Escrita de múltiplos arquivos

### 1.5.1 rio::export\_list()

Exporta uma lista de data frames. A extensão colocada no nome do arquivo já direciona o formato, porém, pode-se usar o argumento `sep = ";"` ou outro para definir o desejado. Os nomes dos arquivos salvos podem ser declarados por um ou múltiplos verotes, ex. `c("iris1.csv", "iris2.csv")`, ou usar o recurso `%s`, ex. `%s.csv` que designa o nome do objeto como nome do arquivo que será criado (`nome_do_objeto.csv`) (documentação)

#### Exemplo

```
rio::export_list(x = list(iris1 = iris[1:30,], # Lista nomeada dos objetos a serem salvos
                           iris2 = iris[60:80,],
                           iris3 = iris[50:70,]),
                 file = 'arquivos2/%s.csv',    # Caminho. Nome do arquivo contido em %s automatizado
                 sep=";")                     # Separador
```



## Chapter 2

# Cross-references

Cross-references make it easier for your readers to find and link to elements in your book.

### 2.1 Chapters and sub-chapters

There are two steps to cross-reference any heading:

1. Label the heading: `# Hello world {#nice-label}`.
  - Leave the label off if you like the automated heading generated based on your heading title: for example, `# Hello world = # Hello world {#hello-world}`.
  - To label an un-numbered heading, use: `# Hello world {-#nice-label}` or `{# Hello world .unnumbered}`.
2. Next, reference the labeled heading anywhere in the text using `\@ref(nice-label)`; for example, please see Chapter 2.
  - If you prefer text as the link instead of a numbered reference use: any text you want can go here.

### 2.2 Captioned figures and tables

Figures and tables *with captions* can also be cross-referenced from elsewhere in your book using `\@ref(fig:chunk-label)` and `\@ref(tab:chunk-label)`, respectively.

See Figure 2.1.

```
par(mar = c(4, 4, .1, .1))  
plot(pressure, type = 'b', pch = 19)
```

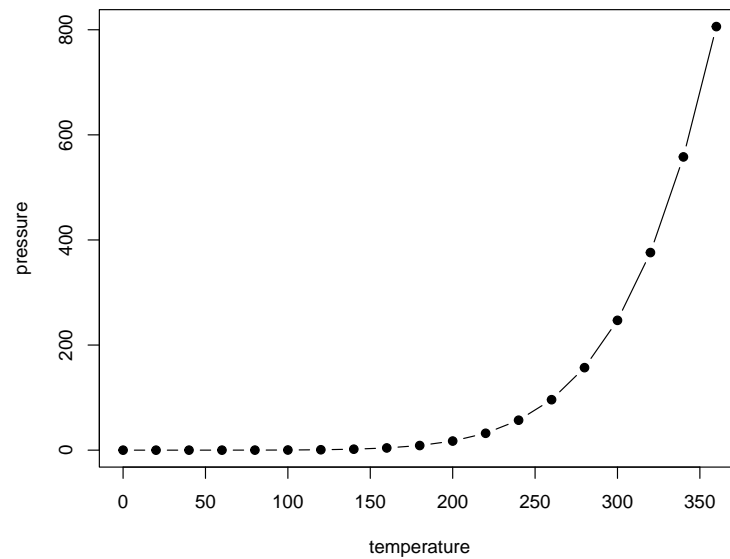


Figure 2.1: Here is a nice figure!

Don't miss Table 2.1.

```
knitr::kable(  
  head(pressure, 10), caption = 'Here is a nice table!',  
  booktabs = TRUE  
)
```



Table 2.1: Here is a nice table!

temperature	pressure
0	0.0002
20	0.0012
40	0.0060
60	0.0300
80	0.0900
100	0.2700
120	0.7500
140	1.8500
160	4.2000
180	8.8000



## Chapter 3

# Parts

You can add parts to organize one or more book chapters together. Parts can be inserted at the top of an .Rmd file, before the first-level chapter heading in that same file.

Add a numbered part: `# (PART) Act one {-}` (followed by `# A chapter`)

Add an unnumbered part: `# (PART\*) Act one {-}` (followed by `# A chapter`)

Add an appendix as a special kind of un-numbered part: `# (APPENDIX) Other stuff {-}` (followed by `# A chapter`). Chapters in an appendix are prepended with letters instead of numbers.



## Chapter 4

# Footnotes and citations

### 4.1 Footnotes

Footnotes are put inside the square brackets after a caret `^[]`. Like this one <sup>1</sup>.

### 4.2 Citations

Reference items in your bibliography file(s) using `@key`.

For example, we are using the **bookdown** package [Xie, 2022] (check out the last code chunk in `index.Rmd` to see how this citation key was added) in this sample book, which was built on top of R Markdown and **knitr** [Xie, 2015] (this citation was added manually in an external file `book.bib`). Note that the `.bib` files need to be listed in the `index.Rmd` with the YAML `bibliography` key.

The RStudio Visual Markdown Editor can also make it easier to insert citations: <https://rstudio.github.io/visual-markdown-editing/#/citations>

---

<sup>1</sup>This is a footnote.



## Chapter 5

# Blocks

### 5.1 Equations

Here is an equation.

$$f(k) = \binom{n}{k} p^k (1-p)^{n-k} \quad (5.1)$$

You may refer to using `\@ref{eq:binom}`, like see Equation (5.1).

### 5.2 Theorems and proofs

Labeled theorems can be referenced in text using `\@ref{thm:tri}`, for example, check out this smart theorem 5.1.

**Theorem 5.1.** *For a right triangle, if  $c$  denotes the length of the hypotenuse and  $a$  and  $b$  denote the lengths of the **other** two sides, we have*

$$a^2 + b^2 = c^2$$

Read more here <https://bookdown.org/yihui/bookdown/markdown-extensions-by-bookdown.html>.

### 5.3 Callout blocks

The R Markdown Cookbook provides more help on how to use custom blocks to design your own callouts: <https://bookdown.org/yihui/rmarkdown-cookbook/custom-blocks.html>





## Chapter 6

# Sharing your book

### 6.1 Publishing

HTML books can be published online, see: <https://bookdown.org/yihui/bookdown/publishing.html>

### 6.2 404 pages

By default, users will be directed to a 404 page if they try to access a webpage that cannot be found. If you'd like to customize your 404 page instead of using the default, you may add either a `_404.Rmd` or `_404.md` file to your project root and use code and/or Markdown syntax.

### 6.3 Metadata for sharing

Bookdown HTML books will provide HTML metadata for social sharing on platforms like Twitter, Facebook, and LinkedIn, using information you provide in the `index.Rmd` YAML. To setup, set the `url` for your book and the path to your `cover-image` file. Your book's `title` and `description` are also used.

This `gitbook` uses the same social sharing data across all chapters in your book—all links shared will look the same.

Specify your book's source repository on GitHub using the `edit` key under the configuration options in the `_output.yml` file, which allows users to suggest an edit by linking to a chapter's source file.

Read more about the features of this output format here:

<https://pkgs.rstudio.com/bookdown/reference/gitbook.html>

Or use:

```
?bookdown::gitbook
```

# Bibliography

Yihui Xie. *Dynamic Documents with R and knitr*. Chapman and Hall/CRC, Boca Raton, Florida, 2nd edition, 2015. URL <http://yihui.org/knitr/>. ISBN 978-1498716963.

Yihui Xie. *bookdown: Authoring Books and Technical Documents with R Markdown*, 2022. URL <https://CRAN.R-project.org/package=bookdown>. R package version 0.26.