CNN d)

November 4, 2022

Para o item d) foi proposta uma camada convolucional adicional com uma redução na dimensão do Kernel, a fim de não reduzir tanto a dimensão dos feature maps resultantes da convolução. Além disso, o número de Kernels de cada camada foi aumentado para 15, para que mais feature maps fossem gerados. A camada de Pooling permaneceu sendo do tipo MaxPooling, contudo após a camada de Flatten foi feito um processo de Dropout. O Dropout consiste em atribuir uma probabilidade para que os neurônios sejam desativados a cada passo de treinamento. Isto contribui para que cada neurônio desempenhe um papel útil para a rede por conta própria, diminuindo a dependencia dos seus vizinhos. No caso desta atividade a probabilidade que resultou em um melhor desempenho foi de 0.01. Usando esta configuração a rede neural conseguiu atingir uma acurácia de 90% junto aos dados de teste em 20 épocas de treinamento, representando um ganho de 6% em relação aos itens c) e a).

```
[6]: CNN = Sequential()
 CNN.add(Conv2D(filters = 15,
                kernel_size = (2, 2),
                activation = 'relu',
                input\_shape = (28,28,3)))
 CNN.add(Conv2D(filters = 15,
                kernel_size = (2, 2),
                activation ='relu',
                input shape = (28, 28, 3))
 CNN.add(MaxPooling2D(pool_size=(5, 5)))
 CNN.add(Flatten())
 CNN.add(Dropout(0.01))
 CNN.add(Dense(8, activation='softmax'))
 CNN.compile(loss = 'categorical_crossentropy',
             optimizer = Adam(learning rate = 1e-2),
             metrics = ['accuracy'])
```

Acurácia: 0.9017831043554516

[6]:		Basófilos	Eosinófilos	Eritroblastos	\
	Basófilos	215	1	1	•
	Eosinófilos	10	603	0	
	Eritroblastos	4	1	288	
	Granulócitos Imaturos	54	5	12	
	Linfócitos	2	0	9	
	Monócitos	11	0	2	
	Neutrófilos	7	4	9	
	Plaquetas	0	0	1	

	Granulócitos Imaturos	Linfócitos	Monócitos
Basófilos	18	2	7
Eosinófilos	3	0	2
Eritroblastos	10	2	1
Granulócitos Imaturos	445	7	38
Linfócitos	6	222	4
Monócitos	44	2	224
Neutrófilos	22	3	2
Plaquetas	0	0	0

	Neutrófilos	Plaquetas
Basófilos	0	0
Eosinófilos	6	0
Eritroblastos	3	2
Granulócitos Imaturos	18	0
Linfócitos	0	0
Monócitos	1	0
Neutrófilos	619	0

```
[5]: i = 0
 for Pred, Test_Label, Soft_Pred in zip(Preds, Test_Labels, Soft_Preds):
     if Pred != Test_Label and i <= 5:</pre>
         print("Classe Esperada:", Test_Label[0])
         print("Classe Predita:", Pred)
         print("Probabilidades", np.array(Soft_Pred))
         print("\n\n")
         i += 1
Classe Esperada: 1
Classe Predita: 3
Probabilidades [5.9318e-02 1.3811e-02 1.0516e-02 9.0688e-01 3.4214e-04
1.4075e-04
 8.9884e-03 4.2572e-15]
Classe Esperada: 1
Classe Predita: 0
Probabilidades [8.7337e-01 1.2010e-02 6.8291e-03 3.0490e-02 4.8740e-05
3.0909e-04
 7.6940e-02 6.0836e-11]
Classe Esperada: 2
Classe Predita: 3
Probabilidades [1.7396e-02 1.6811e-03 3.1182e-01 3.3009e-01 3.1264e-01
2.5037e-02
 1.3303e-03 1.4767e-091
Classe Esperada: 3
Classe Predita: 0
Probabilidades [5.9438e-01 3.6710e-01 6.4155e-03 1.1037e-02 8.7633e-09
1.0978e-04
 2.0957e-02 4.0049e-16]
Classe Esperada: 3
Classe Predita: 0
Probabilidades [8.8257e-01 2.2950e-04 1.0444e-03 4.9080e-02 5.5609e-06
6.6325e-02
```

7.4455e-04 1.6487e-15]

Classe Esperada: 5 Classe Predita: 0

Probabilidades [8.8638e-01 2.6673e-05 1.6109e-03 3.4855e-03 2.6557e-02

8.1800e-02

1.3786e-04 5.2798e-11]