Gene	Featu	re	I		λ	ŀ	ζ.
Cycloph	ilin exonN	Num 1.0	00e+00	9.99	99e-01	N.A	<u> </u>
EF1a			437e-01		11e-05	5.419e-04	
Hsp90			963e-01		l1e-05	3.345e-03	
PHO2			807e-02		99e-01	4.454e-04	
PHR1			673e-01		99e-01	4.395e-04	
SIZ1			869e-01		11e-05	3.075e-0	
DIZI		2.	3000 01	0.03	110 00	0.0100 0	1
Cycloph	ilin ORFI	Len 1	655e-02	2.08	86e-01	6.377e-01	1
EF1a	01011		140e-02		09e-01	4.758e-01	
Hsp90			178e-02		11e-05	4.597e-02	
PHO2			489e-02		9e-01	2.327e-02	
PHR1			127e-01		9e-01	5.143e-03	
SIZ1			078e-01		9 e- 01 11e-05		
SIZI		-5.0	376e-02	0.01	r re-09	3.235e-02	2
Crealanh	ilin mDN	Aloro O	549° 01	6 61	11e-05	4.716e-0	4
Cycloph	ilin mRN		543e-01				
EF1a			216e-02		9e-01	3.908e-04	
Hsp90			43e-011		11e-05	7.682e-04	
PHO2			511e-01		99e-01	5.059e-04	
PHR1			971e-02		9e-01	3.713e-04	
SIZ1		-2.	190e-01	9.99	9e-01	1.401e-03	3
~ -						<u></u>	
Cycloph	ilin GC		18e-01		9e-01	7.404e-04	
EF1a			541e-01		9e-01	2.906e-04	
Hsp90			598e-02		9e-01	2.515e-04	
PHO2			491e-01		99e-01	1.224e-02	
PHR1			927e-01		9e-01	2.505e-04	
SIZ1		-1.4	445e-01	9.99	9e-01	2.179e-04	4
l							
IPS1	exon		859e-03		99e-01	5.294e-01	
	ORFI		980e-02	9.99	9e-01	5.495 e-04	4
	mRN	Alen -1.	394e-01	9.99	99e-01	2.854e-04	4
	GC	-1.8	887e-04	9.99	99e-01	6.367 e-04	4
Gene	Feature		 I	λ		K	
Gene							
House	Feature exonNum	2.200e-0	1 3.3	34e-01	9.05	NA	
			1 3.3		3.97		
House Pho	exonNum	2.200e-01 -1.774e-01	1 3.33 1 6.60	34e-01 66e-01		NA '5e-04	
House Pho House		2.200e-02 -1.774e-02 3.991e-02	1 3.33 1 6.60 2 1.43	34e-01 66e-01 32e-01	3.86	NA 75e-04	
House Pho	exonNum	2.200e-01 -1.774e-01	1 3.33 1 6.60 2 1.43	34e-01 66e-01	3.86	NA '5e-04	
House Pho House Pho	exonNum ORFLen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-02 -3.951e-02	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01	$\frac{3.86}{2.02}$	NA '5e-04 55e-01 66e-02	
House Pho House Pho	exonNum	2.200e-0. -1.774e-0. 3.991e-0. -3.951e-0. -1.502e-0.	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01	3.86 2.02 5.43	NA 75e-04 55e-01 66e-02	
House Pho House Pho	exonNum ORFLen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-02 -3.951e-02	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01	3.86 2.02 5.43	NA '5e-04 55e-01 66e-02	
House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-01 -3.951e-01 -1.502e-01 -1.366e-01	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 93e-04	
House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-02 -3.951e-02 -1.502e-01 -1.366e-01 3.789e-02	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 8	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 88e-02	
House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-01 -3.951e-01 -1.502e-01 -1.366e-01	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 8	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 93e-04	
House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-02 -3.951e-02 -1.502e-01 -1.366e-01 3.789e-02	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 8	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 88e-02	
House Pho House Pho House Pho House	exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-01 -1.774e-01 3.991e-02 -3.951e-02 -1.502e-01 -1.366e-01 3.789e-02	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 6 4.23	NA '5e-04 55e-01 26e-02 66e-04 3e-04 3e-03 4e-01	
House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen GC	2.200e-0. -1.774e-0. 3.991e-0. -3.951e-0. -1.502e-0. -1.366e-0. 3.789e-0. -1.621e-0.	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 6 4.23	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 93e-04 8e-02 85e-03	
House Pho House Pho House Pho House	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum	2.200e-0. -1.774e-0. 3.991e-0. -3.951e-0. -1.502e-0. -1.366e-0. 3.789e-0. -1.621e-0. -1.859e-0.	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 3 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49	NA '5e-04 55e-01 26e-02 66e-04 3e-04 3e-03 4e-01	
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1	exonNum ORFLen GC exonNum ORFLen	2.200e-0. -1.774e-0. 3.991e-0. -3.951e-0. -1.502e-0. -1.366e-0. 3.789e-0. -1.621e-0. -1.859e-0. -3.980e-0.	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 6 4.23 5.29 4 5.49 2.85	NA 75e-04 55e-01 66e-02 66e-04 63e-04 8e-02 75e-03	
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-0. -1.774e-0. 3.991e-0. -3.951e-0. -1.502e-0. -1.366e-0. 3.789e-0. -1.621e-0. -1.859e-0. -3.980e-0. -1.394e-0.	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 6 4.23 5.29 4 5.49 2.85	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 83e-04 8e-02 85e-03 4e-01 95e-04 94e-04	
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -3.980e-0: -1.394e-0: -1.887e-04	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 6 4.23 5.29 4 5.49 2.85	NA 75e-04 55e-01 66e-02 66e-04 63e-04 8e-02 65e-03 4e-01 95e-04 94e-04 97e-04	O _{vo} 1
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -3.980e-0: -1.394e-0: -1.887e-04	1 3.3; 1 6.66 2 1.4; 2 6.66 1 3.3; 1 9.9; 2 9.9; 1 9.9; 1 9.9; 1 9.9; 1 9.9; 1 9.9; 1 9.9; 1 9.9;	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 Λ λ:F	Pval
House Pho House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.894e-0: -1.887e-0: -1.887e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36	NA 75e-04 75e-04 75e-04 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 77e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04	NA
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -3.980e-0: -1.394e-0: -1.887e-04	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36	NA 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04	NA e-01 3.975
House Pho House Pho House Pho House Pho Gene House	exonNum ORFLen exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.894e-0: -1.887e-0: -1.887e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36	NA 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04	NA e-01 3.975
House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen CGC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.894e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: -1.774e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.380	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 7e-01 9e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36	NA 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-04 76e-03 76e-04 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865
House Pho House Pho House Pho House Pho Gene House Pho House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen CGC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum ORFLen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.394e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -1.774e-0: 3.991e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 2.873	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 	3.86 2.02 5.43 7.59 3.32 4 4.23 5.29 4 5.49 2.85 6.36 3.334e 6.666e 1.432e	NA 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-04 76e-03 76e-04 76e-01 76e-02 76e-02 76e-03 76e-03 76e-04 76e-03 76e-04 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026
House Pho House Pho House Pho House Pho Gene House Pho House Pho House Pho	exonNum ORFLen CC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum ORFLen ORFLen ORFLen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.894e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 2.873 1 4.953	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 7e-01 9e-01 9e-01 3e-01 3e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 6.666e	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 83e-04 86e-03 4e-01 95e-04 64e-04 67e-04 λ λ:F -01 -01 4.078e -01 8.375e -01 3.604e -01 6.832e	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436
House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum ORFLen ORFLen mRNAlen ORFLen mRNAlen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.502e-0: -1.366e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.380 2 2.873 1 4.953 1 4.810	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 3.334e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-01 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593
House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum exonNum ORFLen oRFLen mRNAlen mRNAlen GC	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.366e-0: 3.789e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 2.873 1 4.953 1 4.816 2 2.567	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 3.334e 9.999e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-01 76e-02 76e-01 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275
House Pho	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum ORFLen ORFLen mRNAlen ORFLen mRNAlen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.621e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.502e-0: -1.366e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 2.873 1 4.953 1 4.816 2 2.567	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 3.334e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-01 76e-02 76e-01 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275
House Pho House Pho House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum exonNum ORFLen ORFLen mRNAlen GC GC GC	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.502e-0: -1.502e-0: -1.621e-0: -1.621e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 2.873 1 4.816 2 2.567 1 5.176	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 3e-01 9e-01 9e-01 9e-01 9e-01 9e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 3.334e 9.999e 9.999e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-03 76e-04 76e-01 76e-04 76e-01 76e-04 76e-01 76e-02 76e-03 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-03 76e-04 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275 e-02 4.235
House Pho House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum ORFLen mRNAlen GC for a connum exonNum ORFLen ORFLen mRNAlen GRFLen mRNAlen GC GC exonNum	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -1.502e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.866 2 1.386 2 1.386 2 1.386 2 1.386 2 1.386 3 1.68	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 7e-01 9e-01 3e-01 9e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 4.32e 6.666e 1.432e 6.666e 9.999e 9.999e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-01 76e-04 76e-01 76e-04 76e-01 76e-02 76e-03 76e-03 76e-04 76e-03 76e-04 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275 e-02 4.235
House Pho House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum ORFLen mRNAlen GC ORFLen oRFLen mRNAlen GC GC exonNum ORFLen	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.366e-0: -1.859e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.366e-0: 3.789e-0: -1.502e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.43 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 7.307 1 5.860 2 1.380 2 2.873 1 4.953 1 4.810 2 2.567 1 5.170 3 1.68 2 3.13	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 6.666e 1.432e 6.666e 3.334e 9.999e 9.999e 9.999e 9.999e	NA 75e-04 85e-01 86e-02 86e-04 83e-04 88e-02 85e-03 4e-01 85e-04 64e-04 67e-04 λ λ:F -01 -01 4.078e -01 3.604e -01 6.660e -01 3.328e -01 5.535e -01 8.885e -01 2.980e	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275 e-02 4.235 e-02 5.294 e-02 5.495
House Pho House Pho House Pho House Pho IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1 IPS1	exonNum ORFLen mRNAlen GC Feature exonNum ORFLen mRNAlen GC for a connum exonNum ORFLen ORFLen mRNAlen GRFLen mRNAlen GC GC exonNum	2.200e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -3.951e-0: -1.502e-0: -1.621e-0: -1.859e-0: -1.887e-0: -1.887e-0: -1.774e-0: 3.991e-0: -1.502e-0:	1 3.33 1 6.66 2 1.44 2 6.66 1 3.33 1 9.99 2 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 9.99 1 1 1: 1 7.307 1 5.866 2 1.380 2 2.873 1 4.953 1 4.810 2 2.567 1 5.170 3 1.68 2 3.13 1 4.66	34e-01 66e-01 32e-01 66e-01 34e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 99e-01 7e-01 9e-01 3e-01 9e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01 3e-01	3.86 2.02 5.43 7.59 3.326 4.23 5.29 5.49 2.85 6.36 4.32e 6.666e 1.432e 6.666e 9.999e 9.999e 9.999e	NA 75e-04 75e-04 75e-04 75e-04 75e-01 76e-02 76e-02 76e-04 76e-04 76e-03 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-04 76e-01 76e-02 76e-03 76e-03 76e-03 76e-03 76e-03 76e-03 76e-03 76e-04 76e-03 76e-0	NA e-01 3.975 e-01 3.865 e-01 2.026 e-01 5.436 e-02 7.593 e-02 4.275 e-02 4.235 e-02 5.294 e-02 5.495 e-02 2.854