

Análisis Descriptivo PD-L1

Para este analisis la varible de interes es PD-L1 y su relacion con otras variables.

Table 1: Frecuencia de la variable PD-L1

| PD-L1 | n |
|-------|-----|
| 0 | 121 |
| 1 | 18 |
| NA | 191 |

Donde:

- **0 (Negativo)**: No se detecto PD-L1 en las celulas cancerosas.
- **1 (Positivo)**: Se detecto PD-L1 en las celulas cancerosas.
- **NA** : Sin resultado valido.

De acuerdo Table 1 la variable **PDL1** encontramos 191 varoles faltantes, por tanto al eliminar esos valores faltantes nos quedamos con 139 observaciones.

```
table(datos$ciudad, datos$pd_l1)
```

```
  0  1
0 43  9
1 27  4
2 51  5
```

```
CramerV(datos$ciudad, datos$pd_l1)
```

```
[1] 0.1099184
```

```
CramerV(datos$afiliacion, datos$pd_l1)
```

```
[1] 0.1250153
```

```
CramerV(datos$afr_cat, datos$pd_l1)
```

```
[1] 0.09435642
```

```
chisq.test(datos$pd_l1, datos$edad)
```

Pearson's Chi-squared test

data: datos\$pd_l1 and datos\$edad

X-squared = 50.068, df = 47, p-value = 0.3526

```
fisher.test(datos$pd_l1, datos$edad)
```

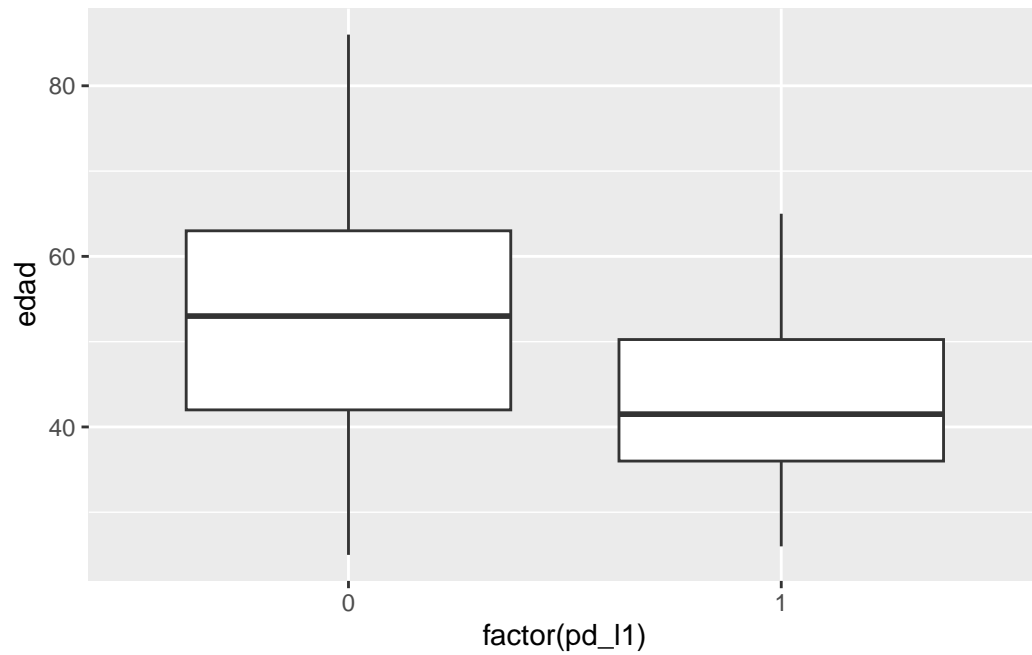
Fisher's Exact Test for Count Data

data: datos\$pd_l1 and datos\$edad

p-value = 0.2128

alternative hypothesis: two.sided

```
datos %>% ggplot(aes(x=factor(pd_l1), y=edad))+  
  geom_boxplot()
```



| PD-L1 | Frecuencia | Col3 |
|--------------|------------|------|
| 0 (Negativo) | 121 | |
| 1 (Positivo) | 18 | |

```
datos %>% ggplot(aes(x=factor(pd_l1), fill = factor(ciudad)))+
  geom_bar()
```

