Instituto de Matemática e Estatística Universidade de São Paulo



Lista 5

MAE0330 - Análise Multivariada de Dados

Prof^a Lucia Pereira Barroso

Bruno Groper Morbin - n°USP 11809875 Luigi Pavarini de Lima - n°USP 11844642

1 Escalonamento Multidimensional

Conjunto de dados:

# A tibble: 19	x 8						
Nome	Modelo	cilindrada	desempenho	consumo	autonomia	potencia	aceleracao
<chr></chr>	<chr></chr>	<dbl></dbl>	<dbl></dbl>	<dbl></dbl>	<dbl></dbl>	<dbl></dbl>	<dbl></dbl>
1 Onix	Chevrolet Onix Sedan LT 1.0 Turbo	999	187	13.7	603	116	9.7
2 Sandero	Renault Sandero RS 2.0	1998	202	9.9	495	145	8
3 Peugeot	Peugeot 208 GT 1.6 Turbo	1598	222	12	660	166	7.6
4 Up	Volkswagen Up Connect 1.0 TSi	999	183	14.1	705	101	9.4
5 HB20	Hyundai HB20 Vision 1.6	1591	190	12.5	625	123	9.3
6 Argo	Fiat Argo Drive S-Design 1.3	1332	184	12.5	600	101	10.8
7 Chery	Chery Arrizo 5 RT 1.5 Turbo	1499	190	11	528	147	9.9
8 JAC	JAC T40 1.5	1499	191	11.9	500	125	9.8
9 March	Nissan March SV 1.6	1598	182	12.6	517	111	9.3
10 Ka	Ford Ka SE Plus 1.5	1497	181	12.4	632	128	9.9
11 Corolla	Toyota Corolla XEi 2.0	1987	208	11.6	580	169	9.2
12 Civic	Honda Civic EXL 2.0 AT	1997	195	10.5	588	150	10.9
13 Azera	Hyundai Azera 3.0 V6	2999	235	8.2	574	261	7.9
14 Fusion	Fusion SEL 2.0 Turbo FWD	1999	195	8.6	533	248	7.2
15 Ferrari	Ferrari 812 Superfast	6496	340	4.9	451	800	2.9
16 Porsche	Porsche Carrera GT 5.7 V10	5733	330	2.7	248	612	3.5
17 Jaguar	Jaguar F-Pace SVR 5.0 V8	5000	283	6.2	508	550	4.3
18 Rolls	Rolls-Royce Wraith 6.6 V12	6592	250	4.7	390	632	4.6
19 Lamborghini	Lamborghini Aventador S LP 740-4 6.5 V1	2 6498	350	4.5	383	740	2.9

Para o escalonamento multidimensional, precisamos primeiro obter a matriz de distâncias.

1.1 Matriz de distâncias

Conforme vimos na Lista 1, as variáveis deste banco de dados possuem magnitudes diferentes e por isso trabalharemos com as variáveis padronizadas. A seguir, calculamos a matriz de distância euclidiana entre as observações para o conjunto de dados contemplando apenas as variáveis qualitativas, denominado carros1.

```
> mdist <- dist(scale(carros1),method = "euclidean")</pre>
                                                                                                                                                                                  18
2 1.6898329
  1.2662394 1.6820612
  0.9520413 2.4019663 1.2592207
  0.5151364 1.5111246 0.9259826 0.9227618
  0.5597184 1.6631299 1.4945502 1.1927477 0.6253562
  1.0700352 0.8827893 1.6054454 1.8837574 1.0155803 0.8829158
  1.1039429 0.9302863 1.7679368 2.0065525 1.1728970 1.0169037 0.3756611
9 0.9126604 1.0187818 1.6354919 1.7985400 1.0005552 0.9496328 0.5564227 0.3577855
10 0.5337489 1.6630681 1.1547332 0.8870149 0.2842125 0.4664246 1.0471488 1.2303111 1.0810268
11 0.9213864 1.0269771 0.9955098 1.5240162 0.6395013 0.8949544 0.6970253 0.8777429 0.8455449 0.8081925
12 1.1474406 1.3799655 1.5332110 1.6794782 0.9179761 0.7208303 0.7236684 1.0225201 1.1135398 0.8465465 0.7422057
13 2.2281603 1.2482142 1.5718869 2.6016726 1.8414684 2.1392055 1.6508131 1.8691131 1.9518135 1.9939657 1.3324765 1.6109635
14 1.9773430 0.7343941 1.6384035 2.4956647 1.6873364 1.9657380 1.3005497 1.4848971 1.5227262 1.8268147 1.2689499 1.5985482 0.9745124
15 6.0595932 4.8589944 5.2442827 6.4005985 5.7545932 6.0849318 5.4927408 5.5718055 5.6640185 5.9365996 5.2249365 5.5818785 4.0906313 4.5358530
16 6.4259205 4.9059475 5.8739193 7.0060856 6.1930301 6.3952727 5.6209243 5.6318794 5.7926093 6.3663176 5.5901169 5.8749845 4.5385970 4.7549002 2.1599641
17 4.3654623 3.1465526 3.5379812 4.7003502 4.0288221 4.3857597 3.8001299 3.9089707 3.9790452 4.2129134 3.5175260 3.8904251 2.3476020 2.7764619 1.8057137 2.7595195
18 5.1986005 3.7966103 4.6352948 5.6712215 4.8959208 5.1471538 4.4553248 4.5213550 4.6178601 5.0426593 4.3527768 4.6093361 3.2818652 3.5063746 1.9143400 2.0778480 1.5526747
19 6.2498515 4.9437380 5.5019946 6.6702957 5.9687521 6.2645020 5.6148416 5.6647255 5.7784781 6.1556962 5.4057766 5.7567970 4.2882199 4.6911509 0.7017960 1.5423099 2.0803199 1.9121826
```

1.2 Método

Avaliamos a qualidade da representação em K dimensões através da métrica GOF (bondade do ajuste):

$$GOF_K = \frac{\sum_{i=1}^K \lambda_i}{\sum_{i=1}^n |\lambda_i|},$$

por valor absoluto onde K refere-se ao número da dimensão escolhida, e n é o número de observações (total de dimensão).

$$GOF_K = \frac{\sum_{i=1}^K \lambda_i}{\sum_{i=1}^n max(\lambda_i, 0)}$$

por valor no máximo.

Absoluto Máximo k=1 0.9046937 0.9046937 k=2 0.9647328 0.9647328 k=3 0.9799292 0.9799292 Escalonamento Multidimensional 1.3 EM 2D

```
k=4 0.9901546 0.9901546
```

Verificamos então que para apenas 1 dimensão já temos mais de 90% de bondade de ajuste (variáveis explicadas pela configuração). Escolhemos então a configuração com 2 dimensões para fins de melhor visualização, além de apresentar em torno de 96% de bondade de ajuste.

Nota: GOF por valor absoluto e no máximo coincidiram devido à precisão dos autovalores. Segue exemplo para K=2:

```
> EMC <- cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=2) # k é o número da dimensão

> round(EMC$eig,4) # mostra os autovalores

[1] 97.7069 6.4842 1.6412 1.1043 0.9131 0.1502 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000

[13] 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000

> EMC$GOF # mostra bondade do ajuste, com base no valor absoluto e no máximo
```

```
Absoluto Máximo k=1 0.9046937 0.9046937
```

1.3 EM 2D

Coordenadas obtidas pelo método de escalonamento multidimensional com 2 dimensões:

```
1 -1.95726036 -0.07444340
2 -0.52483625 0.62751300
3 -1.16753984 -0.91095392
4 -2.35533760 -0.89053070
5 -1.67308705 -0.28521294
6 -1.95130871 0.12974848
  -1.23889462 0.59163868
  -1.26756277 0.77535149
9 -1.40004472 0.61071120
10 -1.85088265 -0.22996310
11 -1.11063541 -0.05768787
12 -1.38926444 0.18810193
13 0.07008482 -0.26285116
14 -0.24802231 0.24017681
15 4.03586036 -0.92143135
   4.33115390 1.13174571
16
17 2.32976240 -0.66258508
18 3.08878764 0.35558864
19 4.27902762 -0.35491642
```

Escalonamento Multidimensional 1.3 EM 20

1.3.1 Visualização

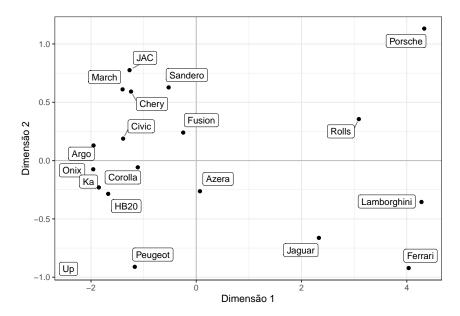


Figura 1: Coordenadas por escalonamento multidimensional para 2 dimensões.

1.3.2 Agrupamentos

Conforme visualizamos abaixo, temos a seguinte separação de grupos dos carros a partir do algoritmo de k-médias de acordo com as coordenadas obtidas a partir do escalonamento multidimensional. Já no segundo gráfico abaixo, assim como obtivemos na Lista 2, podemos observar o agrupamento formado pelo método de vizinhos mais próximos ("single-linkage").

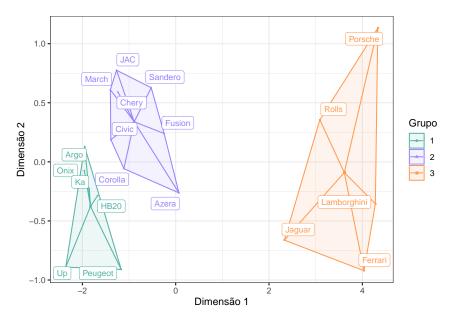


Figura 2: Gráfico K-médias.

Dendrograma Agrupamento

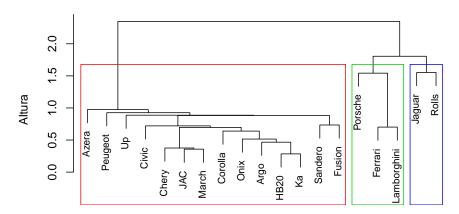


Figura 3: Gráfico Vizinho mais próximo.

Observamos então que a principal diferença entre o agrupamento obtido na lista 2 com o método de k-médias foi que na lista 2 houve uma divisão entre carros populares e carros esportivos de forma que dentro de carros esportivos foi-se formado dois grupos. Já no método de k-médias pelas coordenadas observadas, houve a divisão de um grande grupo de carros esportivos (como se tivessemos juntado os dois grupos esportivos do agrupamento anterior), e dois grupos de carros populares que pode ser considerado uma fragmentação do terceiro grupo do agrupamento anterior.

2 PCA (Análise de Componentes Principais)

Como alternativa para o escalonamento multidimensional, toma-se uma segunda configuração baseada no método de Componentes Principais, obtendo os escores das observações.

```
> CP <- princomp(scale(carros1)) # Aplicando nos dados quantitativos padronizados
> as.data.frame(CP$scores[,1:2])
```

```
Comp.1
                   Comp.2
  -1.95726036 0.07444340
   -0.52483625 -0.62751300
  -1.16753984 0.91095392
  -2.35533760 0.89053070
  -1.67308705 0.28521294
   -1.95130871 -0.12974848
   -1.23889462 -0.59163868
8
  -1.26756277 -0.77535149
  -1.40004472 -0.61071120
10 -1.85088265 0.22996310
11 -1.11063541 0.05768787
12 -1.38926444 -0.18810193
13 0.07008482 0.26285116
14 -0.24802231 -0.24017681
15
   4.03586036 0.92143135
  4.33115390 -1.13174571
17
   2.32976240 0.66258508
   3.08878764 -0.35558864
   4.27902762 0.35491642
```

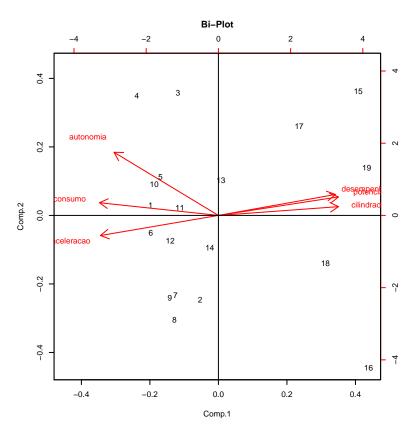


Figura 4: Bi-Plot com PCA.

3 Procrustes

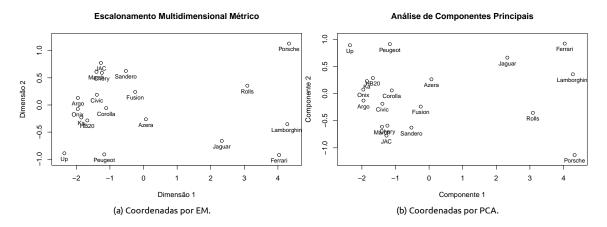


Figura 5: Comparação das coordenadas pelas duas configurações.

```
> ## ANÁLISE PROCRUSTES

> library(vegan)
>
    X <- EMC$points
> Y <- CP$scores[,1:2]
>
    proc <- procrustes(X, Y)
>
    summary(proc)
```

Procrustes Sum of Squares (m12 squared):

Significance: 0.001

Correlation in a symmetric Procrustes rotation:

```
Call:
procrustes(X = X, Y = Y)
                       Number of dimensions: 2
Number of objects: 19
Procrustes sum of squares:
        0
Procrustes root mean squared error:
Quantiles of Procrustes errors:
        Min
                       10
                               Median
                                                 30
                                                             Max
2.636780e-16 8.301368e-16 1.421779e-15 1.915135e-15 3.016049e-15
Rotation matrix:
                           [,2]
             [,1]
[1,] 1.000000e+00 2.150014e-17
[2,] 2.150014e-17 -1.000000e+00
Translation of averages:
             [,1]
                            [,2]
[1,] -4.099654e-16 -7.647277e-16
Scaling of target:
[1] 1
> # teste de não aleatoriedade das duas configurações
> protest(X, Y)
Call:
protest(X = X, Y = Y)
```

Permutation: free

Number of permutations: 999

Obtemos que a soma de quadrados de procrustes é igual a zero, indicando um ajuste praticamente perfeito, uma vez que podemos notar pelos gráficos de PCA e EM Métrico que, de fato, estamos avaliando o mesmo gráfico mas "espelhado" pelo horizonte. Nesse mesmo sentido, a indicação do output do comando "protest(.)" é de rejeição da hipótese nula, que avalia a aleatoriedade da diferença das coordenadas. Ou seja, de

0

forma breve, podemos afirmar que ao nível de significância de 0.1% podemos considerar que ambas análises são iguais.

4 Apêndice

4.1 Código

```
> carros <- read_excel("carros.xls")</pre>
> carros1 <- carros[,3:ncol(carros)]</pre>
> mdist <- dist(scale(carros1),method = "euclidean")</pre>
> cat("
          \tAbsoluto","\tMáximo\n")
> cat("k=1)t", cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=1)$GOF[[1]],"\t", cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=1)$GOF[[2]],"\n")
> cat("k=2\t",cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=2)$GOF[[1]],"\t",cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=2)$GOF[[2]],"\n")
> cat("k=3\t", cmdscale("mdist, eig=TRUE, k=3)\$GOF[[1]],"\t", cmdscale("mdist, eig=TRUE, k=3)\$GOF[[2]],"\t"]
\verb| > cat("k=4\t", cmdscale("mdist", eig=TRUE, k=4)$GOF[[1]],"\t", cmdscale("mdist", eig=TRUE, k=4)$GOF[[2]],"\t"]|
> EMC <- cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=2) # k é o número da dimensão
> round(EMC$eig,4) # mostra os autovalores
> EMC$GOF # mostra bondade do ajuste, com base no valor absoluto e no máximo
> cat("
         \tAbsoluto","\tMáximo\n")
> cat("k=1)t", cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=1)$GOF[[1]],"\t",cmdscale(mdist, eig=TRUE, k=1)$GOF[[2]],"\n")
> as.data.frame(EMC$points) # mostra as coordenadas
≥ # Plot com ggplot
> library(ggplot2)
> library(ggrepel)
> coord1 <- data.frame(EMC$points)</pre>

    ggplot(coord1, aes(x=X1, y=X2))+
geom_hline(yintercept = 0,col="grey")+
geom_vline(xintercept = 0,col="grey")+
> geom_point() +

geom_label_repel(aes(label=carros$Nome), size=3.5, box.padding = 0.35,
                     point.padding = 0.5, segment.color = 'grey50') +
theme_bw()+
  labs (x= "Dimensão 1", y = "Dimensão 2")
≥ # agrupamentos
> library(dplyr)
> library(ggpubr)
> EMA <- as.data.frame(carros1) %>% scale() %>% dist() %>% cmdscale() %>% as_tibble()
> colnames(coord1) <- c("Dimensão 1", "Dimensão 2")</pre>
> coord1$Grupo <- kmeans(coord1, centers = 3, nstart=100)$cluster %>% as.factor()
> rownames(coord1) <- carros$Nome</pre>
> ggscatter(coord1, x="Dimensão 1", y = "Dimensão 2",
            label = rownames(coord1),
            font.label = c(9, "plain"),
            label.rectangle = TRUE,
            show.legend.text = FALSE,
            color = "Grupo",
            palette = c("#54B3A5", "#9682FF", "#FF9A4F"),
            size=0.5,
            shape = "Grupo",
            ellipse = "TRUE",
            ellipse.type = "convex",
            mean.point = TRUE,
            star.plot = TRUE,
```

4 Apêndice 4.1 Código

```
repel = TRUE,
            ggtheme = theme_bw())
> library(cluster)
> hc3<-hclust(mdist,method = "single")</pre>
> plot(hc3, labels = carros$Nome, main = "Dendrograma Agrupamento", xlab=NA, ylab="Altura", sub=NA, cex=0.8)
> rect.hclust(hc3 , k = 3, border = 2:6)
≥ CP <- princomp(scale(carros1)) # Aplicando nos dados quantitativos padronizados
> as.data.frame(CP$scores[,1:2])
> par(cex=0.5,xaxs="r")
> par(mar = c(5, 5, 5, 5))
> biplot(CP,cex = 1, main="Bi-Plot")
> abline(a=0,b=0)
> abline(v=0)
≥ # Plot por EM 2D
\geq par(cex=0.9)
> x <- EMC$points[,1]</pre>
> y <- EMC$points[,2]</pre>
> plot(x, y,
       xlim=c(range(x)[[1]]-0.1,range(x)[[2]]+0.1),
       ylim=c(range(y)[[1]]-0.1,range(y)[[2]]+0.1),
       xlab="Dimensão 1", ylab="Dimensão 2", main="Escalonamento Multidimensional Métrico",
       type="point")
> text(x, y, labels = carros$Nome, cex=.8,pos = 1)
≥ # Plot por PCA
\geq par(cex=0.9)
> x <- CP$scores[,1]</pre>
> y <- CP$scores[,2]</pre>
> plot(x, y,
       xlim=c(range(x)[[1]]-0.1,range(x)[[2]]+0.1),
       ylim=c(range(y)[[1]]-0.1,range(y)[[2]]+0.1),
       xlab="Componente 1", ylab="Componente 2", main="Análise de Componentes Principais",
       type="point")
> text(x, y, labels = carros$Nome, cex=.8,pos = 1)
≥ ## ANÁLISE PROCRUSTES
> library(vegan)
X <- EMC$points</p>
> Y <- CP$scores[,1:2]</pre>
≥ proc <- procrustes(X, Y)</pre>
> summary(proc)
> proc$Yrot
> proc$X
≥ # distância procrustes
≥ proc$ss
> plot(proc)
> plot(proc, kind=2)
> residuals(proc)
```

4 Apêndice 4.1 Código

- ≥ # teste de não aleatoriedade das duas configurações
- > protest(X, Y)