



6° lezione algoritmi

| | |
|------------|-------------------------|
| 📅 Due Date | @October 17, 2024 |
| 📖 Materia | Algoritmi e Laboratorio |
| ⚙️ Status | Done |

Algoritmi di ordinamento

Complessità minima di ogni algoritmo di ordinamento basato per confronti

Possiamo matematicamente dimostrare che un algoritmo di ordinamento basato sui confronti non può fare meglio di $O(n \log n)$

.
Consideriamo la lista:

$$[a, b, c]$$

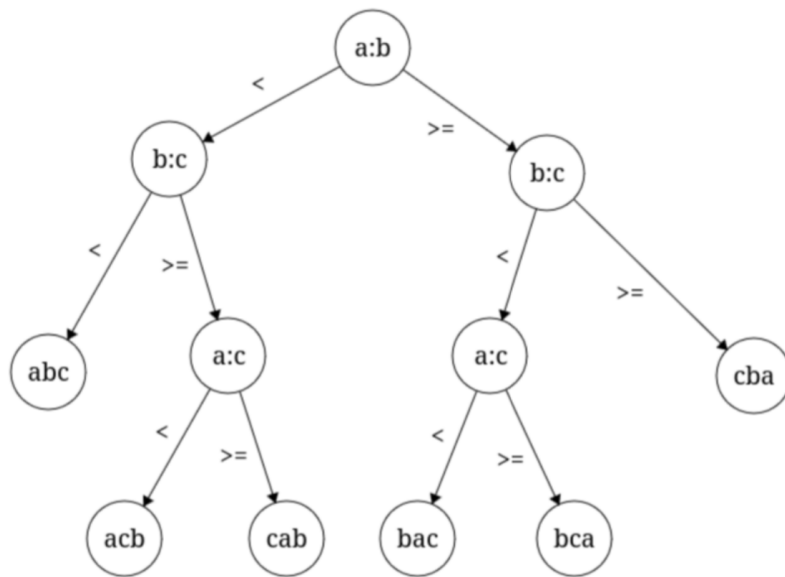
E supponiamo che l'algoritmo di ordinamento stia confrontando a e b .
Abbiamo due casi

$$\begin{aligned} a &< b \\ a &\geq b \end{aligned}$$

Confrontiamo b e c si hanno anche due casi:

$$\begin{aligned} b &< c \\ b &\geq c \end{aligned}$$

Così facendo si crea un **albero di decisione**



Dove ogni foglia è l'insieme di soluzioni.

Un algoritmo di ordinamento basato su confronti non è intelligente come questo, ossia che

non memorizza alcun passo precedente. Quindi supponendo che l'algoritmo sia anche molto intelligente, vediamo quanti sono i possibili confronti.

Se siamo fortunati, un algoritmo basato su confronti ordina un array di n elementi con $n-1$ confronti. Di conseguenza, **il ramo più corto dell'albero di decisione ha lunghezza n con $n - 1$ confronti. Questo caso, inoltre coincide con il caso in cui l'array si presentà già ordinato.**

Come capire quante sono le foglie?

Per un array di n elementi vi sono $n!$ allora si hanno $n!$ foglie.

Se quest' albero fosse completo si avrà:

$$h = O(\log(n!)) = O(n \log n)$$

Di conseguenza il ramo più lungo di un ramo di decisione ha lunghezza $n \log n$. Non si può fare di meglio

Ne segue che **l'algoritmo merge sort** esegue un numero di confronti proporzionali all' altezza dell'albero ma **non necessariamente uguali.**

$O(n \log n)$ nasconde una costante c

Algoritmi di ordinamento non basati su confronti

Ci sono comunque algoritmi di ordinamento che operano in tempo lineare **perché non sono basati sui confronti**.

[14, 4, 7, 6, 3, 9, 11, 2]

Abbiamo bisogno di un **array di posto pari a $\max(A)$** . Tale array prende il nome di **tabella a indirizzamento diretto**. Partendo da i si arriva alla posizione dell'array C . Questa permette di sapere se un elemento è presente o meno nella struttura dati.

Dopo queste considerazioni possiamo inizializzare l'array nel seguente modo (C):

- $C[i] = 0$ se i non è presente in A
- $C[i] = 1$ se i è presente in A

Dall'esempio dell'array di cui sopra segue che

[0, 0, 1, 1, 1, 0, 1, 1, 0, 1, 0, 10, 1]

Se un elemento $C[i]$ appare più volte si avrebbe non un'informazione booleana ma un'informazione metrica che è data da **quante volte i è presente in A** .

,

```
for i = 0 to n-1 do:  
    C[A[i]] = C[A[i]]+1
```

Adesso per risolvere basta scorrere l'array C e **per ogni elemento diverso da 0 si inserisce $n = C[i]$ valori pari ad i** . Tale ordinamento viene chiamato **Counting**

Sort

```
COUNTING_SORT(A, N)  
    K = MAX(A, N)  
    C = NEW ARRAY(K+1)  
    FOR I = 0 TO K DO  
        C[I] = 0  
    FOR I = 0 TO K - 1 DO  
        FOR J = 1 TO C[I] DO
```

```
B[P] = I
P = P+1
```

La complessità lineare dell'algoritmo dipende dal fatto che k , ossia il numero più grande dell'array, deve essere **proporzionale a n** , ossia $k = O(n)$. La maggior parte dei casi, inoltre, abbiamo sempre valori non troppo alti (il massimo nella maggior parte dei casi è una word di memoria). Possiamo anche sfruttare l'informazione del minimo per capire quanto è largo il range di numeri presenti in A , così da utilizzare un vettore C di dimensione $max - min$.

Ovviamente, un problema si presenta quando si ha un **numero negativo**. Possiamo modificare la procedura nel seguente modo:

```
counting_sort(A, n):
    h = min(A,n)
    k = max(A,n)
    C = new array(k-h+1)
    for i = 0 to k do
        C[i] = 0
    for i = 0 to n-1 do
        C[A[i]-h] = C[A[i]-h] + 1
    p = 0
    for i = 0 to k - 1 do
        for j = 1 to C[i] do
            B[p] = i + h
            p = p + 1
```

Stabilità

Poiché si stanno ordinando gli elementi creando un vettore secondario, la algoritmo non è stabile, perché non non è possibile copiare gli elementi originali nel nuovo vettore. Ad esempio, ordinare un array di studenti in base alla matricola non è possibile perché si va a creare solo un vettore di matricola ordinate.

Costruiamo il vettore C in modo che in $C[i]$ sarà presente il numero di elementi minori o uguali a i . Pertanto, consideriamo il seguente vettore:

$$A = [14, 4, 4, 5, 4, 14, 9, 11, 2]$$

Si avrà pertanto:

$$C = [0, 0, 1, 1, 4, 4, 5, 5, 5, 6, 6, 7, 7, 7, 9]$$

In questo modo l'elemento i di A va in posizione $C[i] - 1$. Una volta inserito l'elemento i — *esimo*, $C[i]$ sarà diminuiti di 1.

```
counting_sort(A, n):
    h = min(A,n)
    k = max(A,n)
    C = new array(k-h+1)
    for i = 0 to k do
        C[i] = 0
    for i = 0 to n-1 do
        C[A[i]-h] = C[A[i]-h] + 1
    for i = 1 to k do
        C[i] = C[i] + C[i-1]
    p = 0
    for i = n-1 to 0 do
        B[C[A[i]-min] - 1] = A[i]
        C[A[i]-min] = C[A[i]-min] - 1
```

Questo algoritmo è stabile, perché scorrendo da destra a sinistra elementi con la stessa chiave verranno inseriti nella posizione disponibile a partire da destra

Può essere eseguito in loco?

L'ordinamento può essere eseguito se invece di creare un nuovo Ray vettore si esegue le operazioni di swap, però questa operatività **non garantisce stabilità**

Esempio

Dato A così formato:

$$[9_A, 9_B, 7_A, 10, 7_B, 7_C]$$

1. Se inizializza il vettore C con la frequenza degli elementi nel modo seguente:

$$[3, 0, 2, 1]$$

2. Si scorre il vettore C per considerare quanti sono gli elementi minori o uguali a i nel seguente modo:

$[3, 3, 5, 6]$

3. Si scorre il vettore da destra a sinistra e si ottiene:

$$\begin{array}{c}
 [-, -, -, -, -, -, -, -] \\
 \downarrow \\
 [-, -, 7_C, -, -, -, -, -] \\
 \downarrow \\
 [-, 7_B, 7_C, -, -, -, -, -] \\
 \downarrow \\
 [-, 7_B, 7_C, -, -, -, 10, -] \\
 \downarrow \\
 [7_A, 7_B, 7_C, -, -, -, 10] \\
 \downarrow \\
 [7_A, 7_B, 7_C, -, 9_B, 10] \\
 \downarrow \\
 [7_A, 7_B, 7_C, 9_A, 9_B, 10]
 \end{array}$$