Aula 9 — O Estado-da-arte e o Futuro

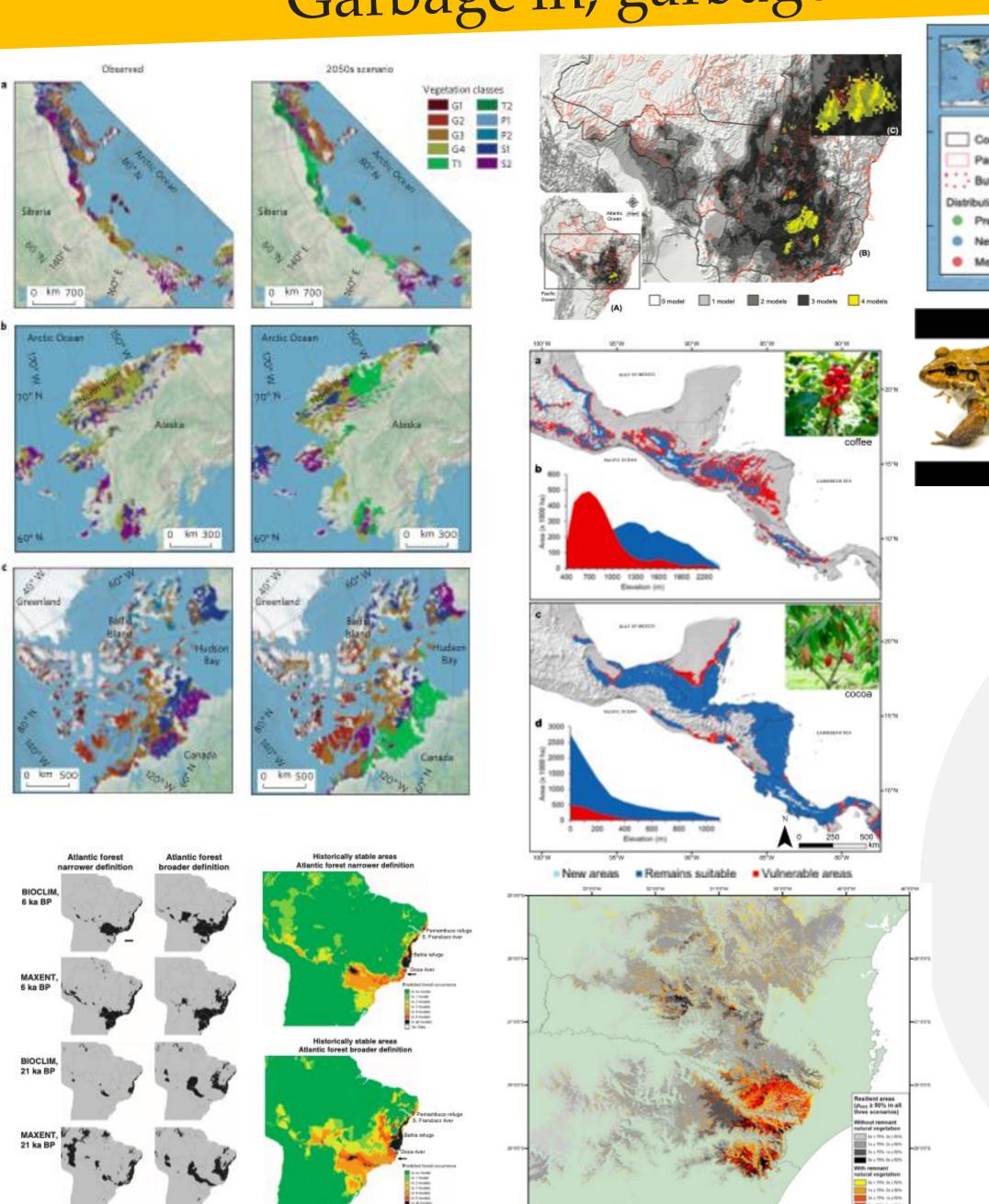
Luíz Fernando Esser

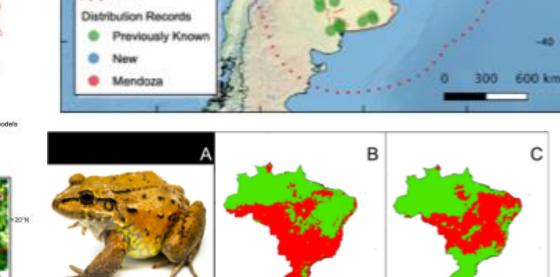
Fundamentos de Modelagem de Distribuição de Espécies no R

Na última aula...

- ✓ Atributos Funcionais
- ✓ Padrões Biogeográficos
- ✓ Espécies invasoras
- ✓ Distinguir Espécies
- ✓ Populações
- ✓ Microrefúgios
- ✓ Espécies cultivadas
- ✓ Sistemas de cultivo

Garbage in, garbage out.





Dados Geográficos

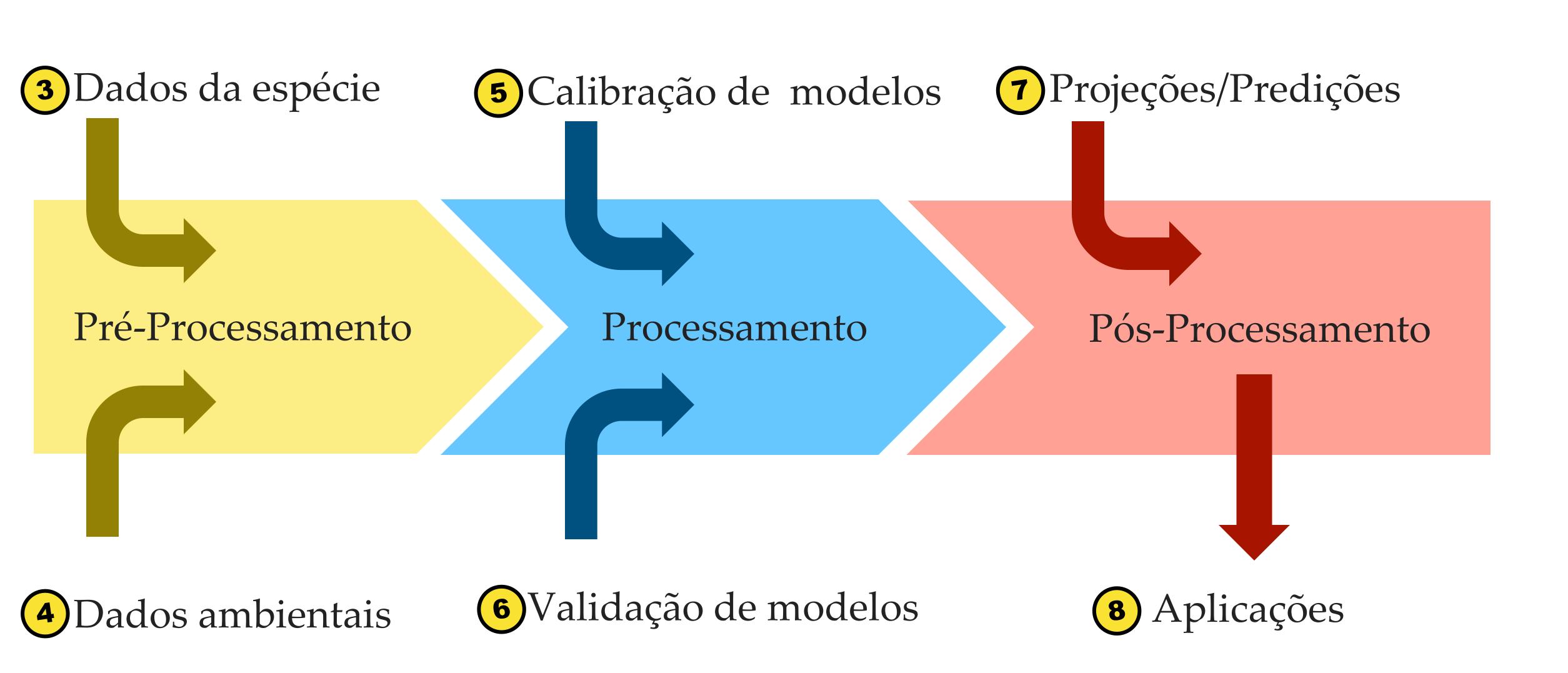


Informação Ambiental

Coisas que fazem um bom trabalho

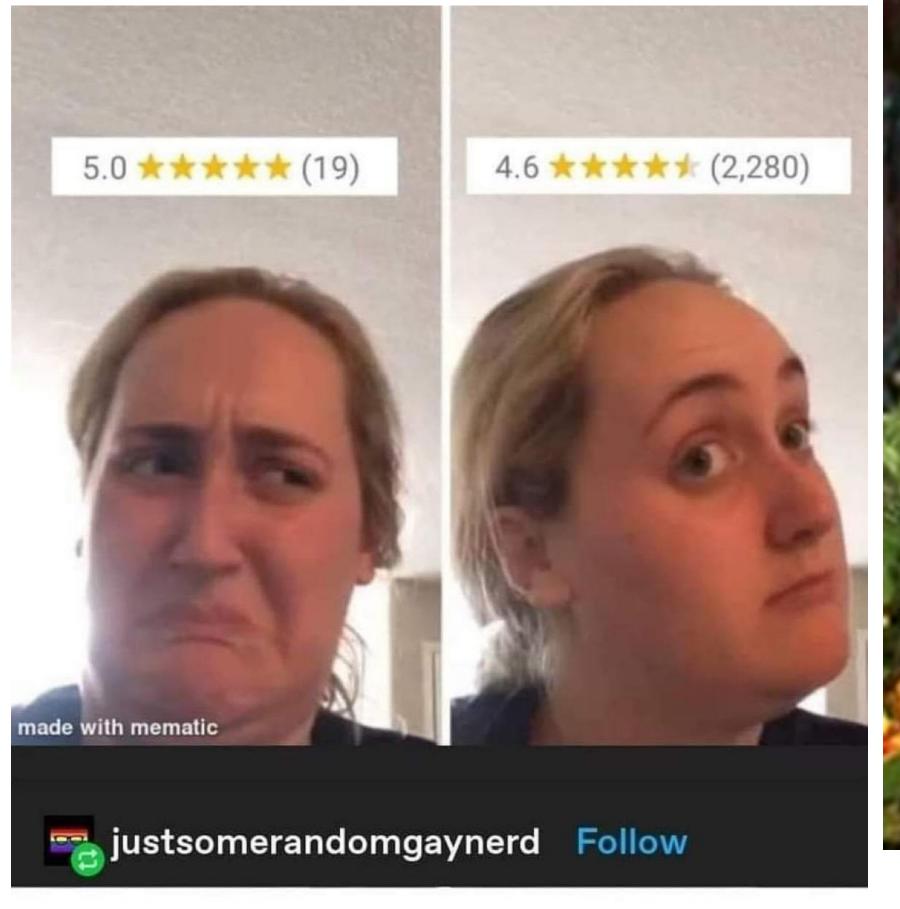
(tudo aqui é justificável)

Framework - SDM



- 3 Dados da espécie
- Presenças foram coletadas de mais de uma base de dados?
- Estão sendo usados dados de toda a região de distribuição?
 (i.e. existe suficiência amostral?)
- Data cleaning excluindo dados dentro da mesma célula do raster?
- Quantas presenças tem? Aonde elas estão (mapa)?
- Diferença entre background e pseudoausência.
- Quantidade adequada de dados de BG ou PA.
- Como dados de BG ou PA foram obtidos? Faz sentido com o conceito?
- Quantos datasets de BG/PA foram gerados (evitando incerteza)?

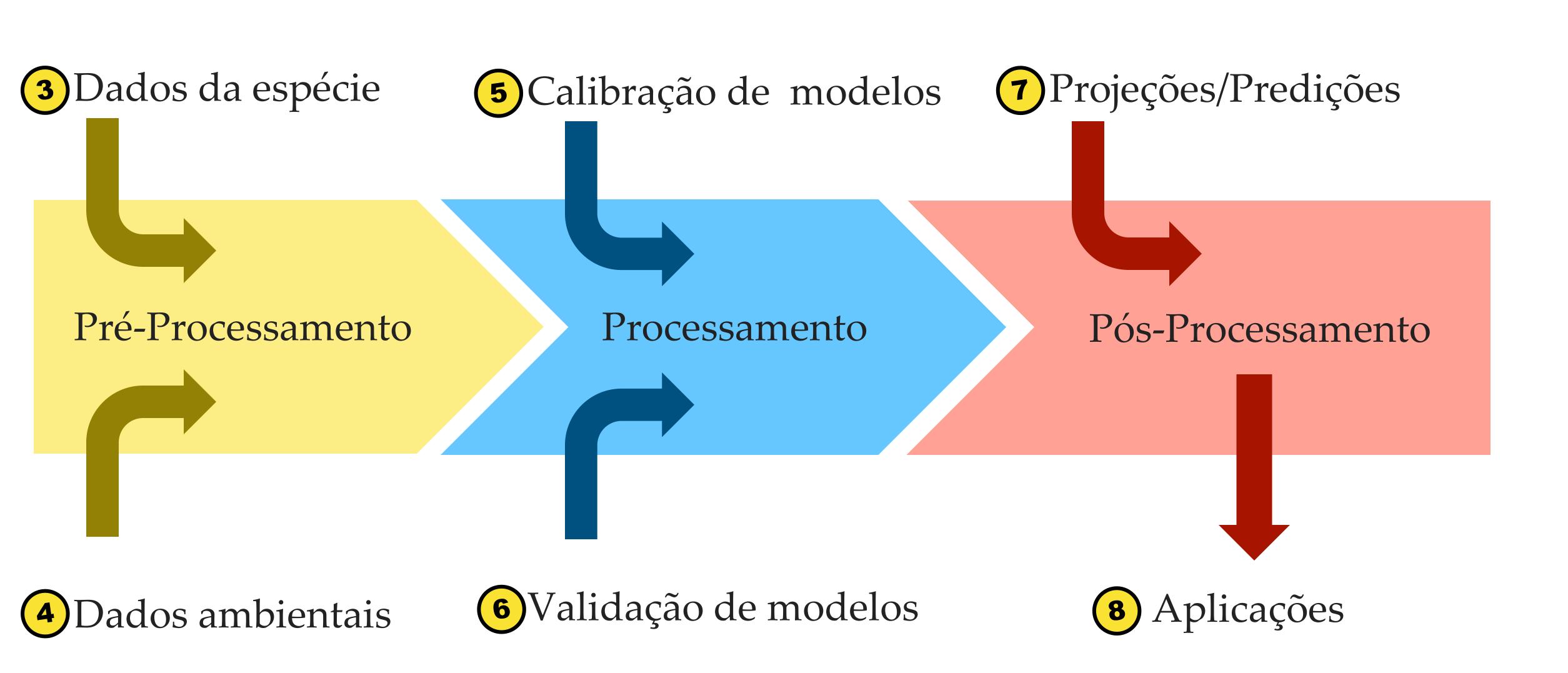
3 Dados da espécie





#...i think this meme demonstrated the importance of sample size better and more efficiently than any science class i've ever taken

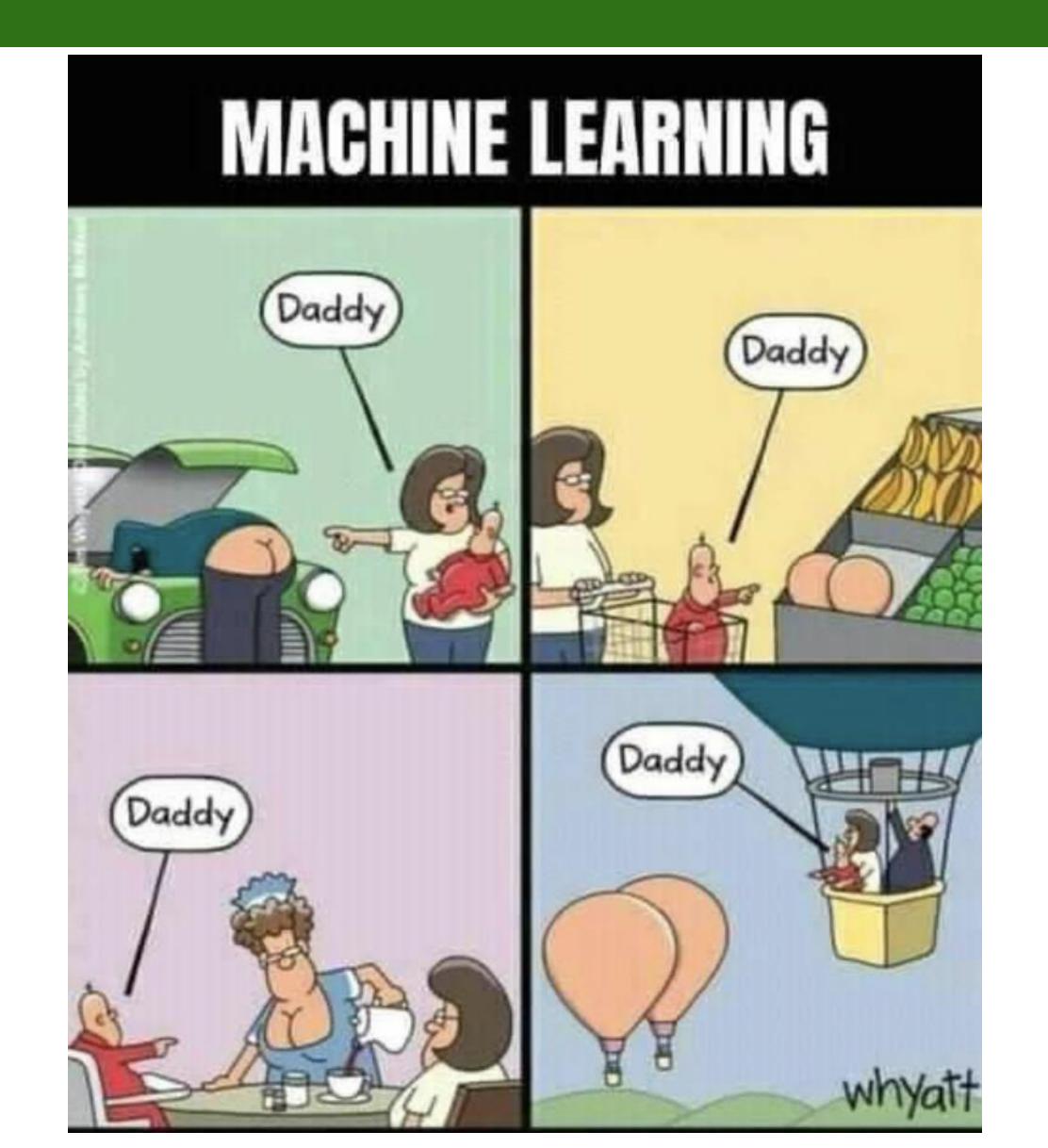
Framework - SDM



4 Dados ambientais

- Foram consideradas apenas variáveis com relação causal?
- Foi removida a multicolinearidade?
- Qual a área de distribuição das variáveis?
- Proporção de variáveis por número de presenças.

4 Dados ambientais

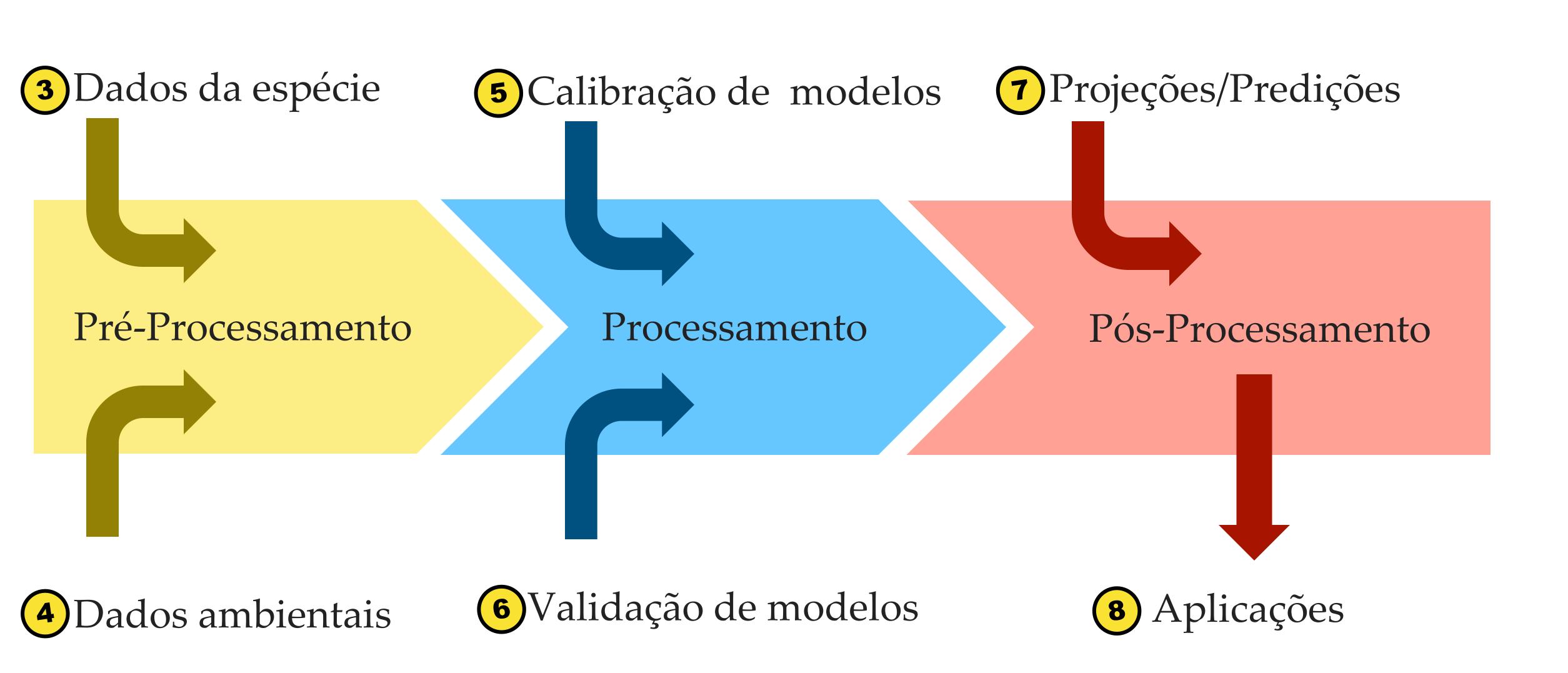


Dados Geográficos



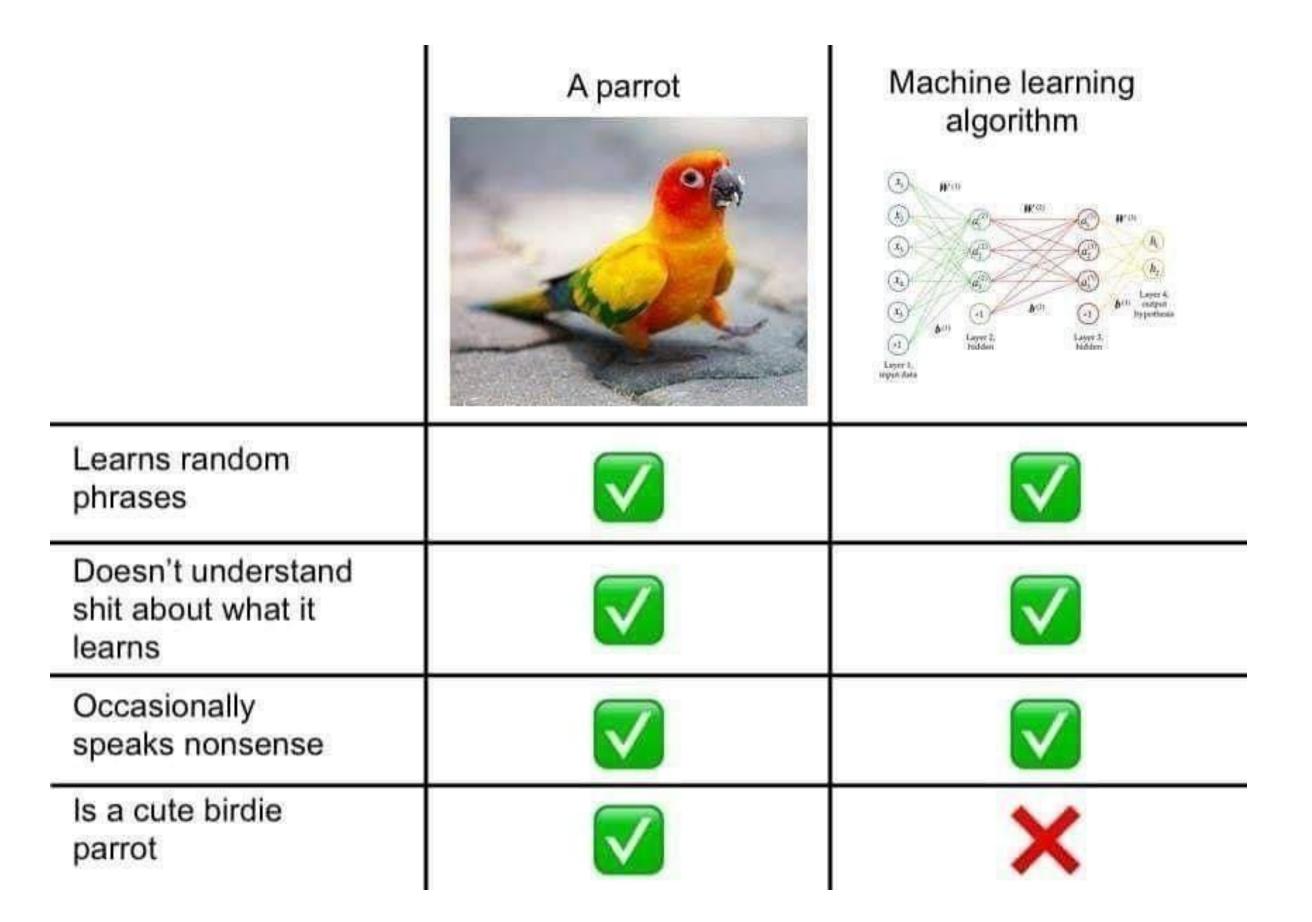
Informação Ambiental

Framework - SDM

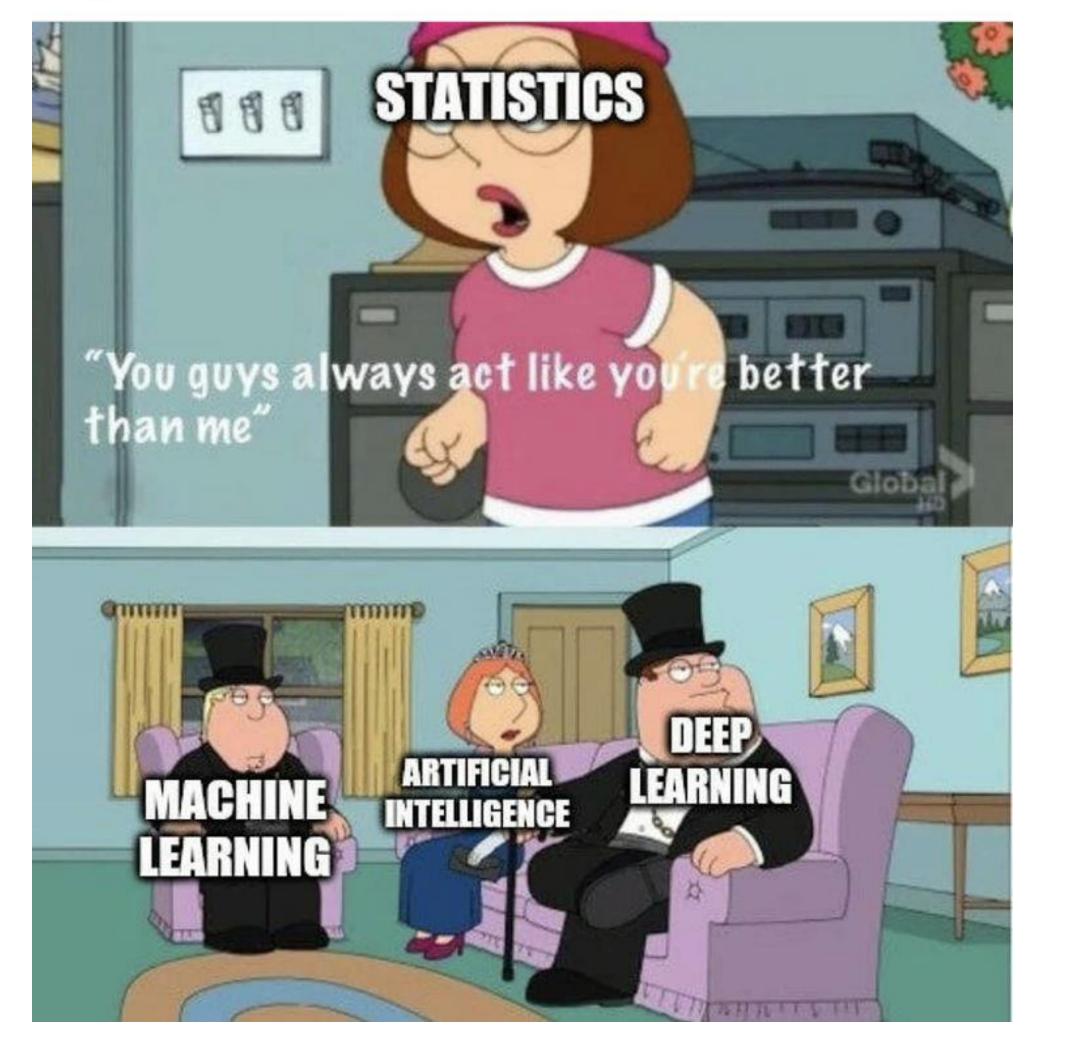


- Calibração de modelos
- Os algoritmos passaram por "tuning" ou foram usados no padrão?
- Os dados da espécie suportam o algoritmo usado (i.e. existe confusão entre pseudoausência e background)?
- Curvas de resposta condizem com uma resposta biológica?
- Quantos modelos foram gerados no total?

Calibração de modelos

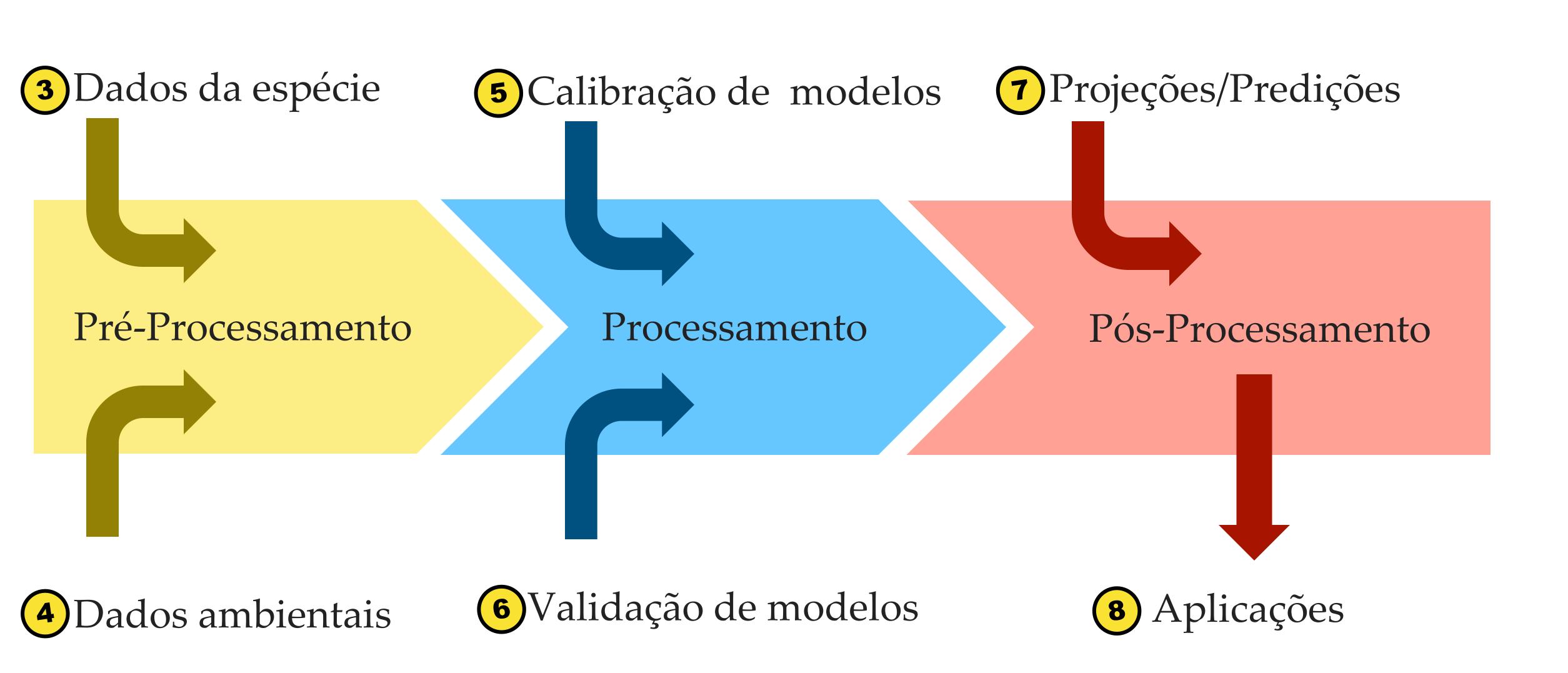






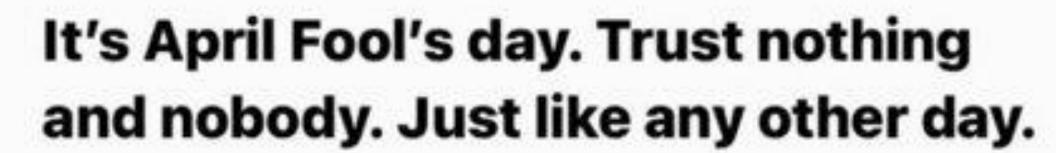
...

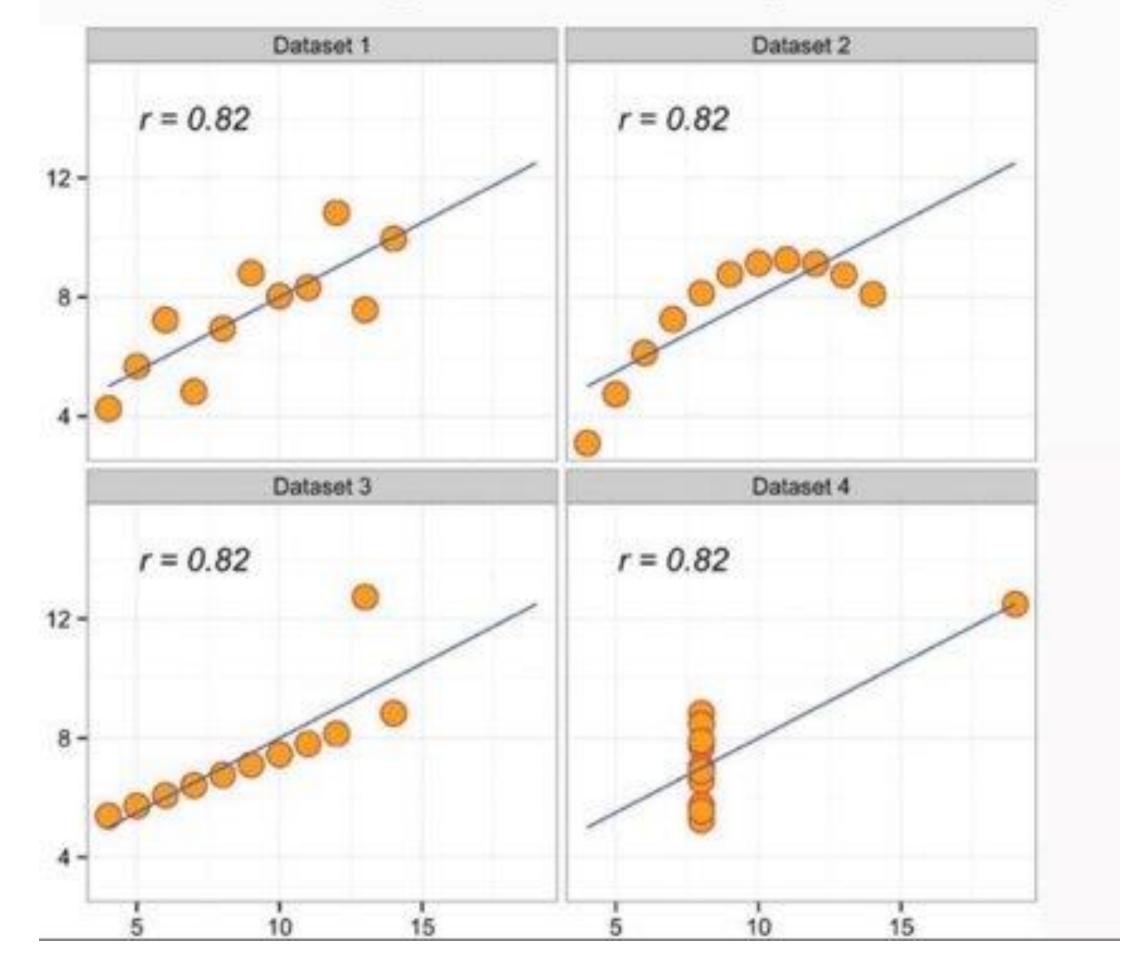
Framework - SDM



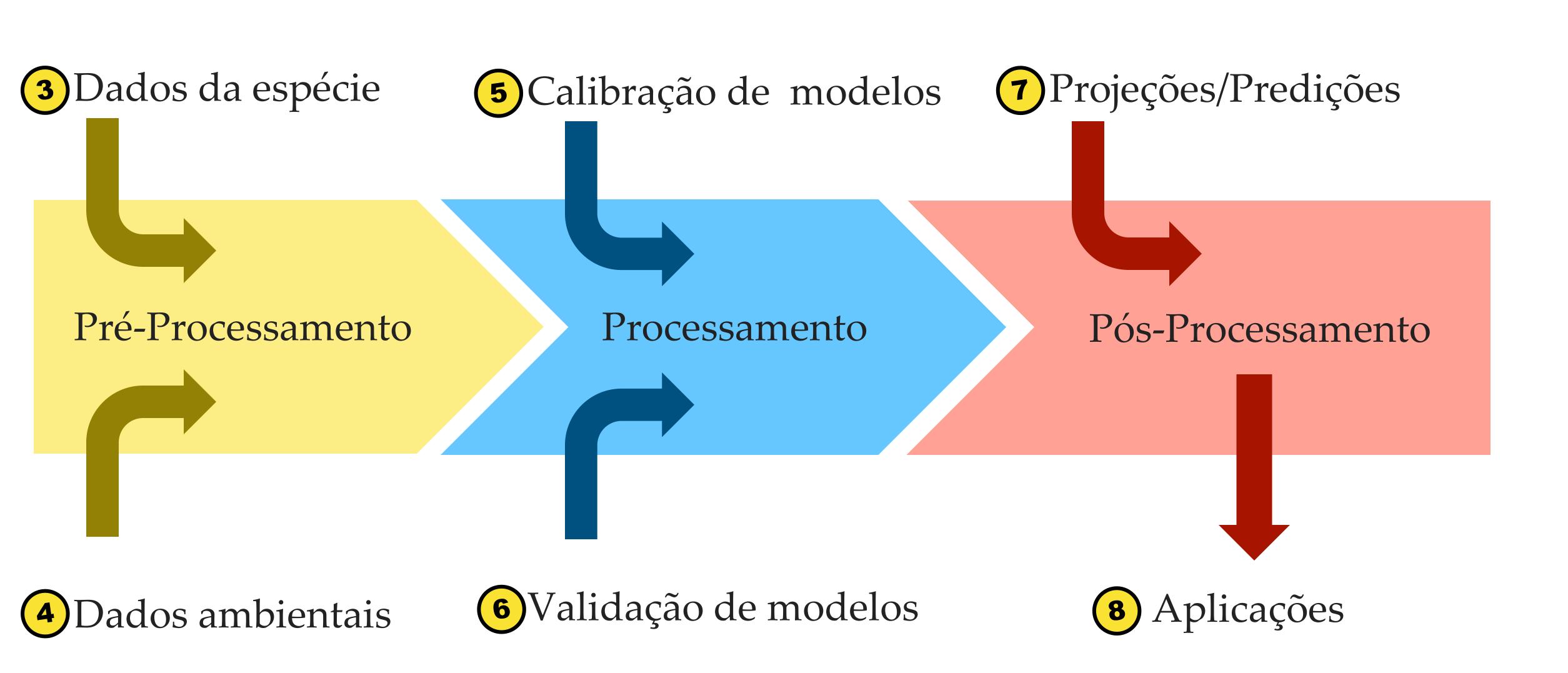
- 6 Validação de modelos
- Os dados de teste estão separados dos dados de treino?
- Qual a proporção de dados de treino e de teste?
- A métrica utilizada responde à pergunta?
- Os limiares utilizados s\(\tilde{a}\)o subjetivos?
- Está ocorrendo overfitting?
- Quais os valores das métricas utilizadas?

6 Validação de modelos

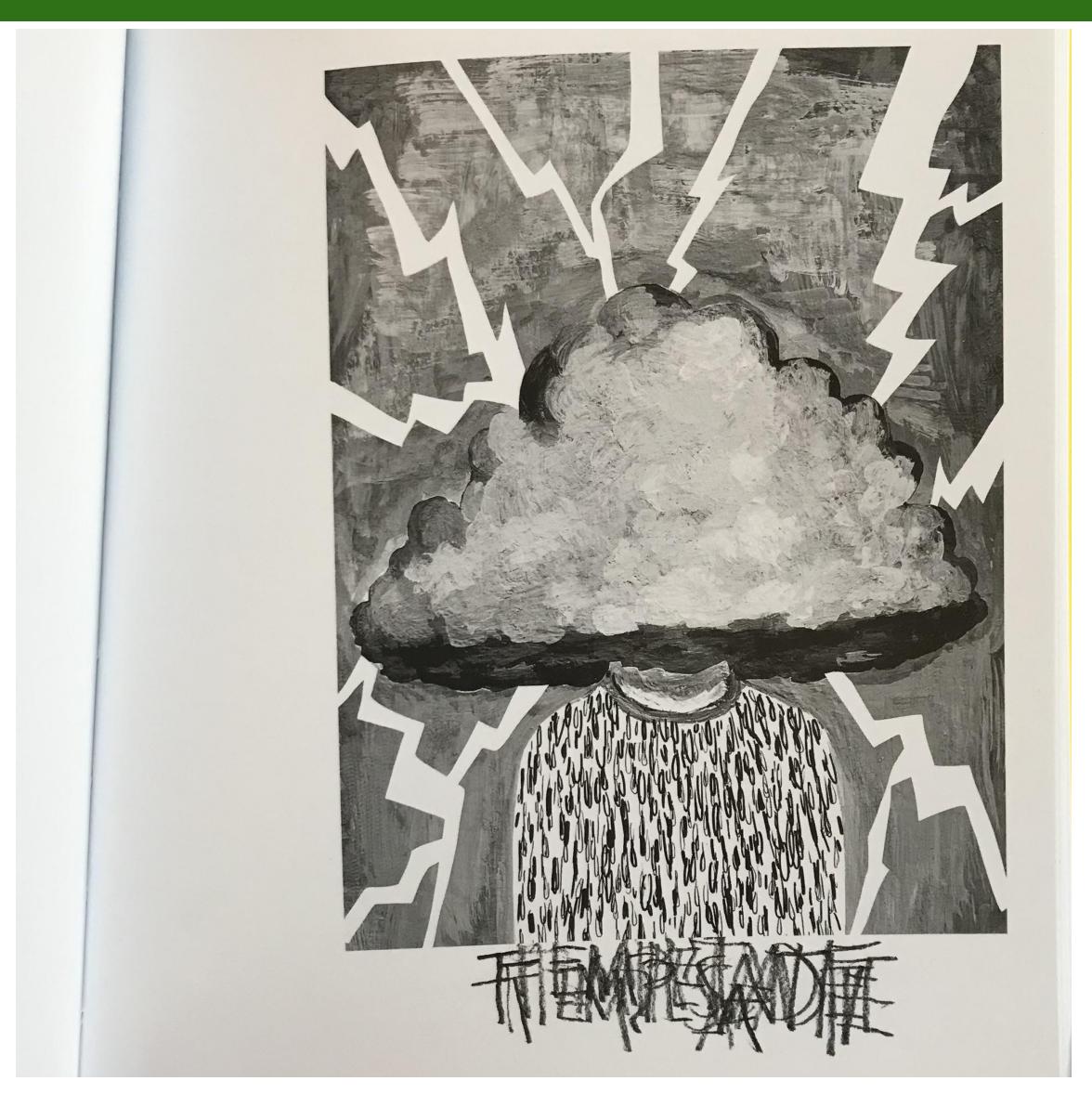


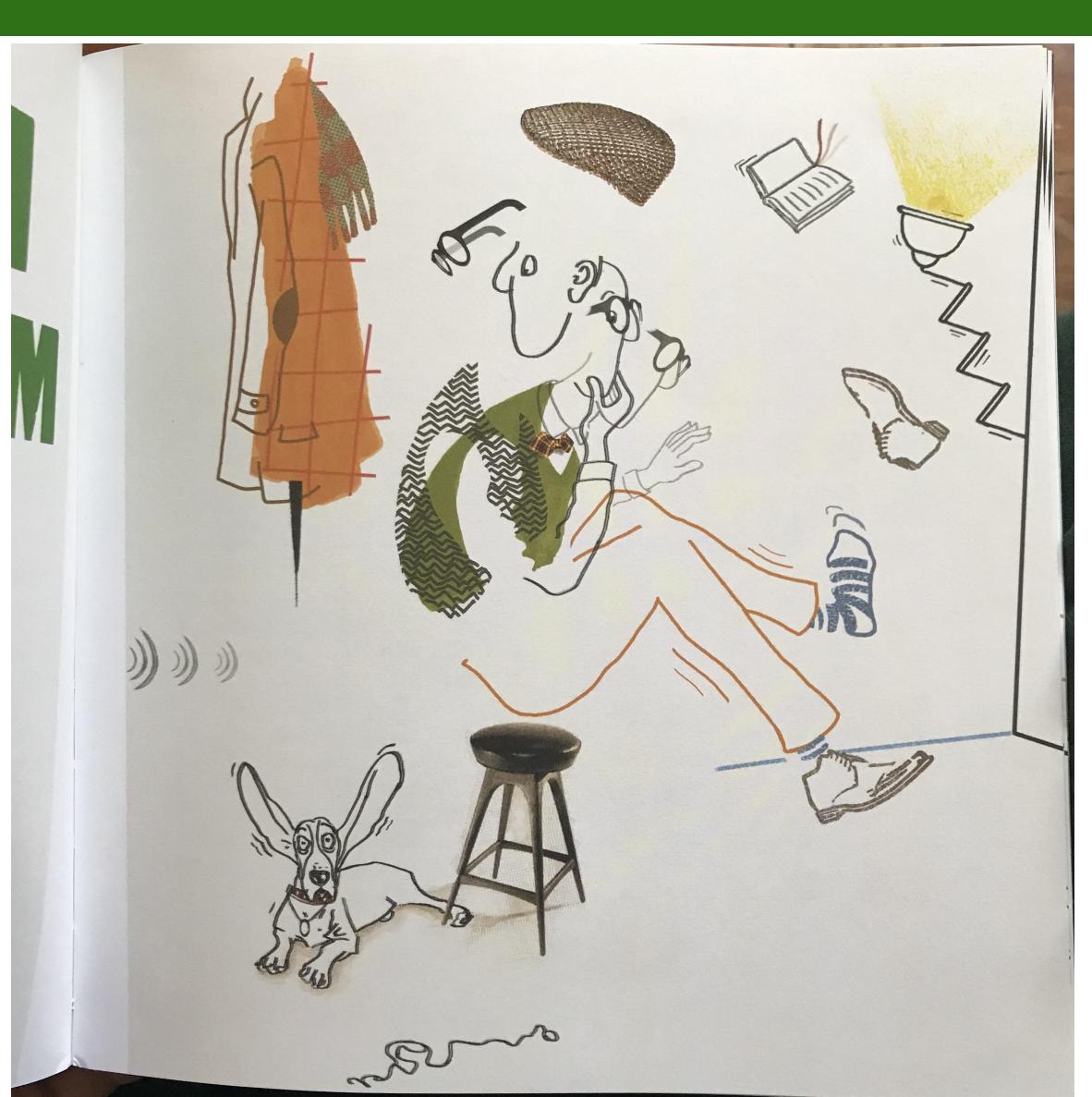


Framework - SDM



- 7 Projeções/Predições
- Os cenários projetados respondem às perguntas?
- Qual a quantidade de GCMs?
- Como foi feito o ensemble?
- O que foi retornado do ensemble (adequabilidade ambiental ou probabilidade de presença)?
- Está sendo apresentado um mapa de incerteza?





Ferramentas já utilizáveis

Possibilidades

Methods in Ecology and Evolution



Methods in Ecology and Evolution 2015, 6, 1210–1218

doi: 10.1111/2041-210X.12403

OLOGY, BIODIVERSITY AND CONSERVATION

Overcoming limitations of modelling rare species by using ensembles of small models

Frank T. Breiner^{1,2}*, Antoine Guisan^{2,3}, Ariel Bergamini¹† and Michael P. Nobis¹†

¹Swiss Federal Research Institute WSL, Zürcherstrasse 111, 8903 Birmensdorf, Switzerland; ²Department of Ecology and Evolution, University of Lausanne, 1015 Lausanne, Switzerland; and ³Institute of Earth Surface Dynamics, University of Lausanne, 1015 Lausanne, Switzerland

ORIGINAL ARTICLE

doi:10.1111/j.1558-5646.2008.00482.x

• Equivalência e Similaridade de Nicho

Presence-Absence Matrices (PAMs)

Ensemble of Small Models (ESM)

ENVIRONMENTAL NICHE EQUIVALENCY VERSUS CONSERVATISM: QUANTITATIVE APPROACHES TO NICHE EVOLUTION

Dan L. Warren,^{1,2} Richard E. Glor,^{3,4} and Michael Turelli^{1,5}

¹Department of Evolution and Ecology, University of California, Davis, California 95616

²E-mail: danwarren@ucdavis.edu

³Department of Biology, University of Rochester, Rochester, New York, 14627

⁴E-mail: rglor@mail.rochester.edu

5E-mail: mturelli@ucdavis.edu

Joint Species
Distribution
Modelling
With Applications in R



• Joint Species Distribution Models (JSDMs)

Biodiversity Informatics, 10, 2015, pp. 22-34

INDICES OF BIODIVERSITY PATTERN BASED ON PRESENCE-ABSENCE MATRICES: A GIS IMPLEMENTATION

JORGE SOBERÓN^{1, 2} AND JEFF CAVNER¹

¹Biodiversity Institute, University of Kansas, Lawrence, KS 66045, USA

²Department of Ecology & Evolutionary Biology, University of Kansas, Lawrence, KS 66045, USA

Possibilidades



Adam Charles

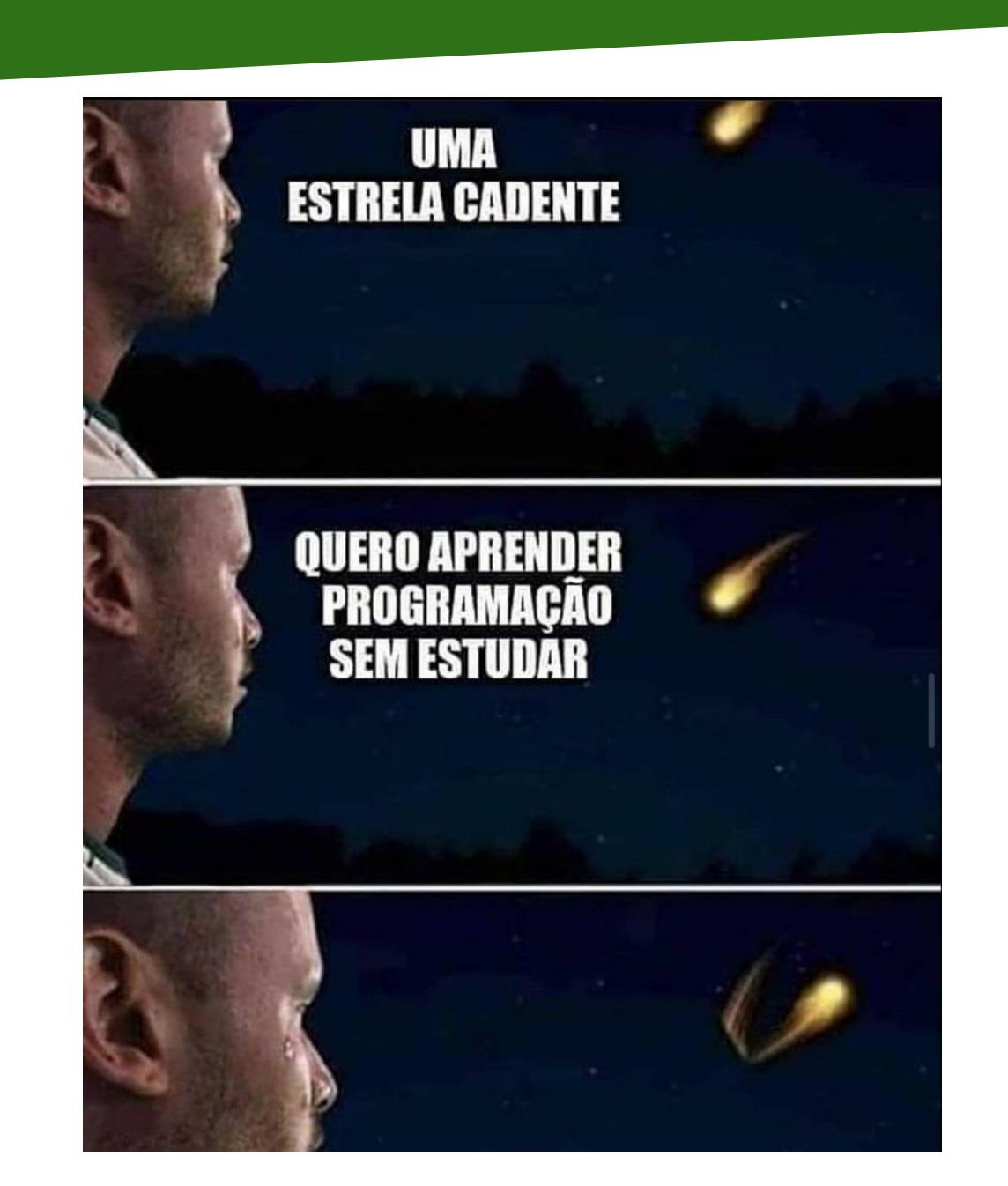
@BaselessPursuit

I was surprised when my daughter said she learned R at school yesterday, and then I remembered that she's 4 and she meant the letter.

My priors are all too skewed

8:49 PM · 17 Mar 21 · Twitter Web App

2,261 Retweets 296 Quote Tweets



Possibilidades



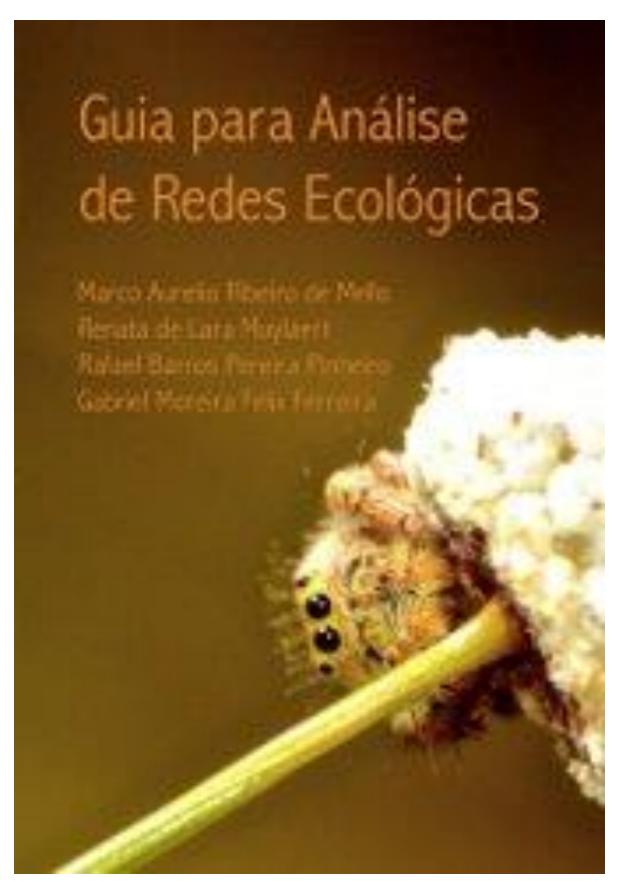
Coisas que podem mudar...

Coisas que podem mudar...

Positive-Unlabeled Learning

• Um único algoritmo implementado em R.

Teoria de redes



Package 'AdaSampling'

May 21, 2019

Type Package

Title Adaptive Sampling for Positive Unlabeled and Label Noise Learning

Version 1.3

Author Pengyi Yang

Maintainer Pengyi Yang <yangpy7@gmail.com>

Description Implements the adaptive sampling procedure, a framework for both positive unla-

beled learning and learning with class la-

bel noise. Yang, P., Ormerod, J., Liu, W., Ma, C., Zomaya, A., Yang, J. (2018) <doi:10.1109/TCYB.2018.2816984>.

License GPL-3

Encoding UTF-8

Depends R (>= 3.4.0)

LazyData true

Imports caret (>= 6.0-78), class (>= 7.3-14), e1071 (>= 1.6-8), stats, MASS

BugReports https://github.com/PengyiYang/AdaSampling/issues

Suggests knitr, rmarkdown

VignetteBuilder knitr

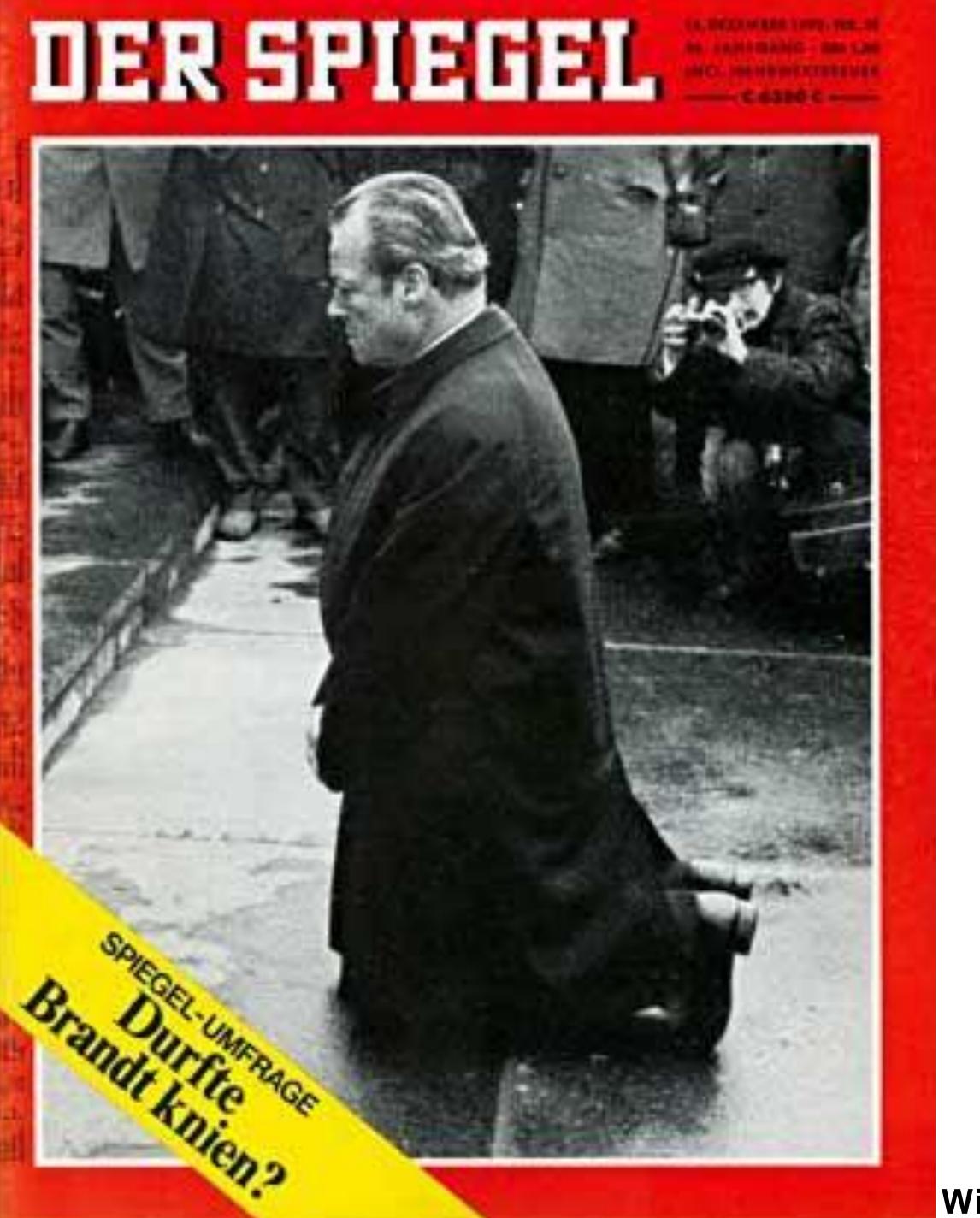
URL https://github.com/PengyiYang/AdaSampling/

RoxygenNote 6.1.1

Four stages of learning Data Science



Mas tudo pode mudar... Tudo deve mudar...



Willy Brandt ajoelhado no gueto de Varsóvia