

Data Mining Laboratorium 4: Grupowanie

dr inż. Robert Bembenik, dr inż. Grzegorz Protaziuk
Politechnika Warszawska
Instytut Informatyki

Pojęcia podstawowe

- Obiekt opisany przez zbiór atrybutów.
 - atrybuty o wartościach nominalnych
 - atrybuty o wartościach liczbowych
- Baza danych (BD) zbiór obiektów.



Grupowanie

Celem grupowania jest podział zbioru obiektów na klasy (grupy) podobnych obiektów (mających podobne wartości atrybutów).

W zależności od metody grupowania liczba grup jest albo nie jest określona jako parametr wejściowy metody.

Cechą dobrego grupowania jest wysokie podobieństwo obiektów w ramach tej samej grupy, natomiast niskie podobieństwo obiektów z różnych grup.

Podobieństwo często jest określane jako pewna miara odległości między dwoma obiektami.

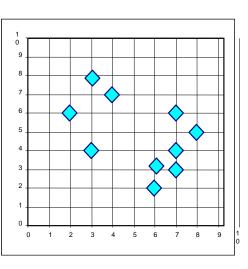
Algorytmy partycjonujące: podstawowe koncepcje

• Metoda partycjonowania: Stwórz podział bazy danych D złożonej z n obiektów na k grup, min. sumę odległości w kwadracie między punktem p a środkiem c_i grupy C_i

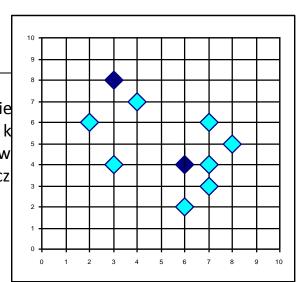
$$\sum\nolimits_{i=1}^{k}\sum\nolimits_{p\in C_{i}}dist(p,c_{i})^{2}$$

- Mając dane k, znajdź taki podział na k grup, który optymalizuje wybrane kryterium podziału
 - metody heurystyczne: algorytmy k-średnich i k-środków
 - *k-średnich* (MacQueen'67): każda grupa jest reprezentowana przez środek grupy
 - k-środków lub PAM (Partition around medoids) (Kaufman & Rousseeuw'87): każda grupa jest reprezentowana przez jeden z obiektów w grupie

POLITECHNIKA WARSZAWSKA Typowy algorytm *k-środków*

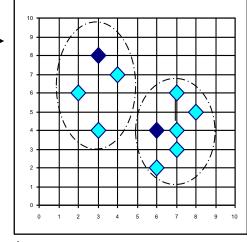


Dowolnie wybierz k obiektów jako pocz środki



Całkowity koszt = 20

Przypisz każdy pozostał y obiekt do najbliższ ego środka



K=2

Całkowity koszt = 26

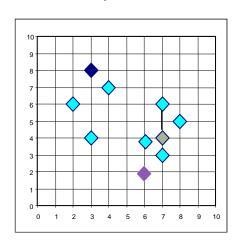
Losowo wybierz obiekt nie będ. środkiem,O_{ramdom}

Do loop

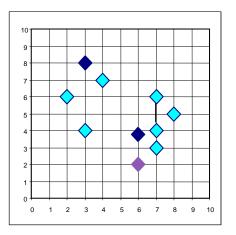
Until brak zmian

Zamiana O i O_{ramdom} Jeżeli

poprawa jakości

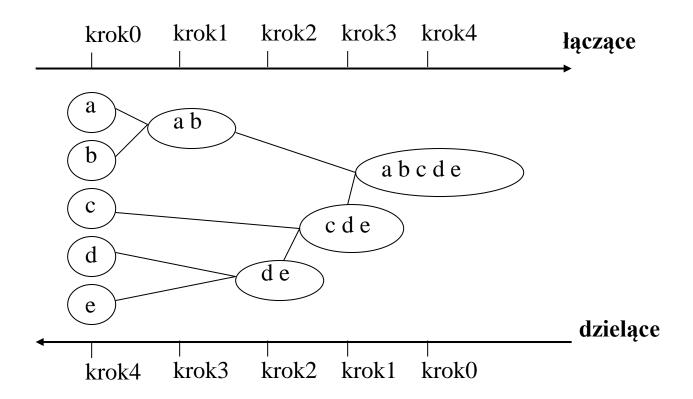


Oblicz całkowity koszt zamiany



Grupowanie hierarchiczne

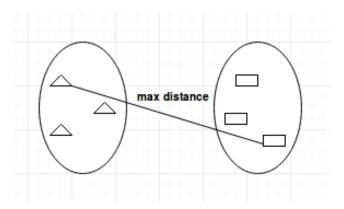
- Łączące (większość metod należy do tej kategorii)
- Dzielące (kończą działanie po napotkaniu kryt. stopu, np. ustalona liczba grup, osiągnięto ustaloną średnicę grupy)





Grupowanie hierarchiczne: metody łączenia grup

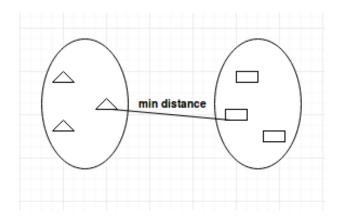
 Maksymalna (kompletna): odległość między dwoma grupami to maksymalna wartość wszystkich par odległości między elementami w grupie 1 i w grupie 2. Tworzy grupy bardziej kompaktowe.





Grupowanie hierarchiczne: metody łączenia grup

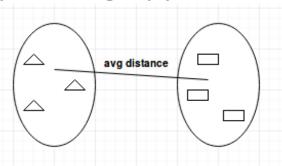
 Minimalna (pojedyncza): odległość między dwoma grupami to minimalna wartość wszystkich par odległości między elementami w grupie 1 i w grupie 2. Tworzy grupy bardziej "luźne".

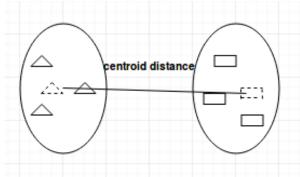




Grupowanie hierarchiczne: metody łączenia grup

- Średnia: odległość między dwoma grupami to średnia odległość między elementami w grupie 1 i w grupie 2.
- Łączenie środków ciężkości (centroidów) grup: odległość między dwoma grupami to odległość między centroidami dla grupy 1 i dla grupy 2.



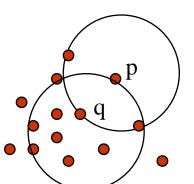


W każdym kroku grupowania łączone są dwie grupy mające najmniejszą odległość połączenia.

Grupowanie gęstościowe: DBSCAN podstawowe pojęcia

- Dwa parametry:
 - Eps: Maksymalny promień sąsiedztwa
 - MinPts: Minimalna liczba punktów w sąsiedztwie Eps tego punktu
- $N_{Eps}(p)$: { $q \text{ nale} \dot{z} y \text{ do } D \mid dist(p,q) \leq Eps$ }
- Bespośrednio gęstościowo-osiągalny: Punkt p jest bezpośr. gęstościowo osiągalny z punktu q w odniesieniu do Eps i MinPts jeżeli
 - -p należy do $N_{Eps}(q)$
 - warunek punktu głownego:

$$|N_{Eps}(q)| >= MinPts$$

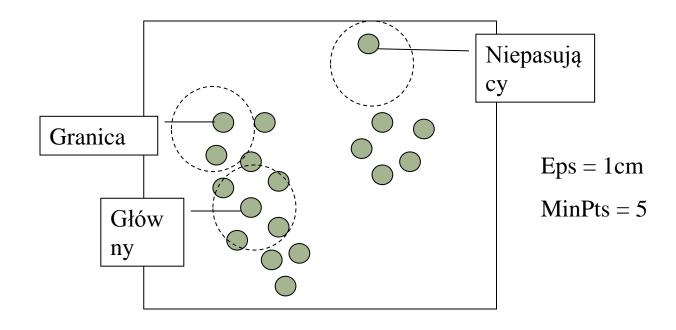


MinPts = 5

Eps = 1 cm

DBSCAN

Opiera się na pojęciu grupy opartym na gęstości: grupa jest zdefiniowana jako maksymalny zbiór gęstościowo połączonych punktów



Ocena jakości grupowania

Indeks Silhouette

$$Silhouette(x) = \frac{b(x) - a(x)}{\max(b(x), a(x))}$$

gdzie: a(x) – średnia odległość obiektu x do innych obiektów w grupie "x" b(x) – minimalna odległość obiektu x od najbliższej grupy G, do której nie należy x (średnia odległość obiektu x od obiektów należących do G)

Indeks przyjmuje wartości <-1, 1>, gdzie 1 oznacza, że dany obiekt jest przydzielony do najlepszej z możliwych grup, 0 – obiekt znajduje się między dwoma grupami, -1 – zły przydział obiektu.

$$GSilhouette = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} Silhouette(x_i)$$

gdzie: N – liczba obiektów w zbiorze

Ocena jakości grupowania

Rand index

- W grupowanie wzorcowe, G grupowanie oceniane
- A liczba par obiektów należących do tej samej grupy w grupowaniu W i G
- B liczba par obiektów należących do różnych grup w grupowaniu W i G
- a liczba par obiektów należących do tej samej grupy w grupowaniu W, ale należących do różnych grup w grupowaniu G
- b liczba par obiektów należących do różnych grup w grupowaniu W, ale do tych samych grup w grupowaniu G
- n liczba obiektów

$$R = \frac{A+B}{A+B+a+b} = \frac{A+B}{n(n-1)/2}$$

Grupowanie w R (1)

- Pakiety domyślne
 - scale() centrowanie i/lub skalowanie danych numerycznych.
 - kmeans() algorytm k-Means, funkcja zwraca obiekt kmeans z opisem utworzonych grup
 - hclust () grupowanie hierarchiczne buduje dendrogram
 - cutree() utworzenie grup na podstawie dendrogramu
 - plot() wizualizacja grupowania

Grupowanie w R (2)

- Pakiet fpc
 - dbscan () algorytm DBScan
 - plotcluster() wizualizacja grupowania.
- Pakiet cluster
 - zawiera implementacje kliku algorytmów grupowania