Statystyka - raport 6

Łukasz Rebisz

29.01.2023

Implementacja wzorów teoretycznych

Niech $X_1,...,X_n$ będą niezależnymi zmiennymi losowymi z rozkładu o ciągłej dystrybuancie F. Rozważmy problem testowania hipotezy

$$H_0: F = F_0 \text{ vs } H_1: F \neq F_0,$$

gdzie F_0 jest znaną dystrybuantą.

Definiujemy nowe zmienne $U_1 = F_0(X_1), ..., U_n = F_0(X_n)$. Wtedy problem testowania (H_0, H_1) sprowadza się do weryfikowania

$$H_0: U_k \sim U(0,1)$$
 vs $H_1: U_k \nsim U(0,1)$,

gdzie U(0,1) oznacza rozkład jednostajny na odcinku (0,1).

Poniższe testy badają pochodzenie danej próby z rozkładu U(0,1).

Test chi-kwadrat Pearsona

Niech $A_1,...,A_k$ będzie partycja odcinka (0,1). Niech $N_j=\#\{U_i\in A_j:i=1,...,n\}$, a $p_j=P_0(U_1\in A_j),j=1,...,k$.

Klasyczny test chi-kwadrat Pearsona oparty jest na statystyce

$$P_k = \sum_{j=1}^k \frac{(N_j - np_j)^2}{np_j}.$$

Przy prawdziwości hipotezy zerowej statystyka P_k ma asymptotyczny rozkład $\chi^2(k-1)$. Hipotezę H_0 odrzucamy dla dużych wartości statystyki P_k .

```
P_k <- function(X, k){
    n <- length(X)

vec_partition_left <- seq(0, 1, 1/k)
    vec_partition_right <- seq(0+1/k, 1, 1/k)

sum_partition <- function(x){
    return(vec_partition_left < x & x <= vec_partition_right)
    }

vec_sum_partition <- Vectorize(sum_partition)

vec_N <- as.vector(apply(vec_sum_partition(X), 1, sum))[1:k]

P <- sum((vec_N - n/k)^2/(n/k))
    return(P)
}</pre>
```

Gładki test Neymana

Niech $\{b_j\}_{j\in\mathbb{N}}$ będzie układem ortonormalnym wielomianów Legendre'a w $L^2((0,1),du)$. Gładki test Neymana z k komponentami oparty jest na statystyce

$$N_k = \sum_{j=1}^k \left(\frac{1}{\sqrt{n}} \sum_{i=1}^n b_j(U_i) \right)^2.$$

Przy prawdziwości hipotezy zerowej statystyka N_k ma asymptotyczny rozkład $\chi^2(k)$. Hipotezę H_0 odrzucamy dla dużych wartości statystyki N_k .

Zaimplementujumy unormowane wielomiany Legendre'a na (0, 1) (wielomiany stopni 1-8).

```
slegendre.polynomials(8, TRUE)
```

```
legendre_1 <- function(x){return(-1.732051 + 3.464102*x)}
legendre_2 <- function(x){return(2.236068 - 13.41641*x + 13.41641*x^2)}
legendre 3 <- function(x){return(-2.645751 + 31.74902*x - 79.37254*x^2 +
                                    52.91503*x^3)}
legendre_4 <- function(x){return(3 - 60*x + 270*x^2 - 420*x^3 + 210*x^4)}
legendre_5 <- function(x){return(-3.316625 + 99.49874*x - 696.4912*x^2
                                  + 1857.31*x^3 - 2089.474*x^4 + 835.7894*x^5)
legendre_6 \leftarrow function(x){return(3.605551 - 151.4332*x + 1514.332*x^2
                                  -6057.326*x^3 + 11357.49*x^4 - 9994.588*x^5
                                  + 3331.529*x^6)
legendre_7 <- function(x){return(-3.872983 + 216.8871*x - 2927.975*x^2
                                  + 16266.53*x^3 - 44732.96*x^4 + 64415.46*x^5
                                  -46522.28*x^6 + 13292.08*x^7)
legendre_8 <- function(x){return(4.123106 - 296.8636*x + 5195.113*x^2
                                  -38097.5*x^3 + 142865.6*x^4 - 297160.5*x^5
                                  + 346687.2*x^6 - 212257.5*x^7 + 53064.37*x^8)
legendre <- function(x){</pre>
  return(c(legendre_1(x),legendre_2(x),legendre_3(x),legendre_4(x),
           legendre 5(x), legendre 6(x), legendre 7(x), legendre 8(x)))
}
vec_legendre <- Vectorize(legendre)</pre>
N k <- function(X, k){
  n <- length(X)
  matrix_legendre <- as.matrix(vec_legendre(X)[1:k,])</pre>
  if(k==1){matrix_legendre <- t(matrix_legendre)}</pre>
 N <- sum((apply(matrix legendre, 1, sum)/sqrt(n))^2)</pre>
  return(N)
```

Test Kołmogorowa-Smirnowa

Test oparty jest na statystyce

$$KS = \sqrt{n} \sup_{u \in (0,1)} |G_n(u) - u|,$$

gdzie G_n jest dystrybuantą empiryczną w próbie $U_1, ..., U_n$. Przy prawdziwości hipotezy zerowej statystyka KS ma asymptotyczny rozkład Kołmogorowa. Hipotezę H_0 odrzucamy dla dużych wartości statystyki KS.

```
distribution1 <- function(a, X){
  return(mean(X <= a))
}

distribution2 <- function(a, X){
  return(mean(X < a))
}

KS <- function(X){
  f1 <- function(a){return(distribution1(a, X))}
  f2 <- function(a){return(distribution2(a, X))}

n <- length(X)

KS <- sqrt(n)*max(sapply(X, function(x) max(abs(f1(x) - x), abs(f2(x) - x))))
  return(KS)
}</pre>
```

Celem raportu jest zbadanie własności danych rozwiązań problemu testowego

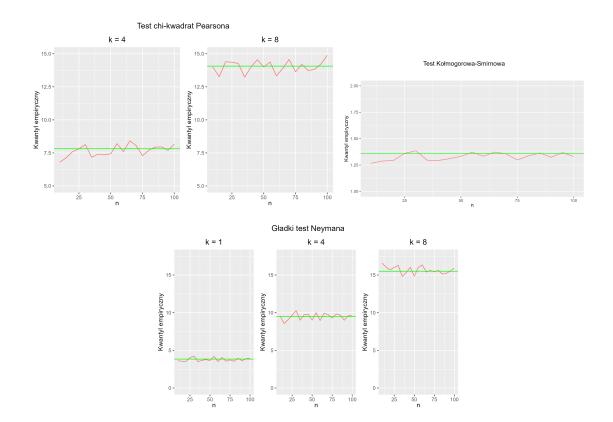
$$H_0: F = F_0 \text{ vs } H_1: F \neq F_0.$$

Przeanalizujemy moce testów (na poziomie istotności $\alpha = 0.05$):

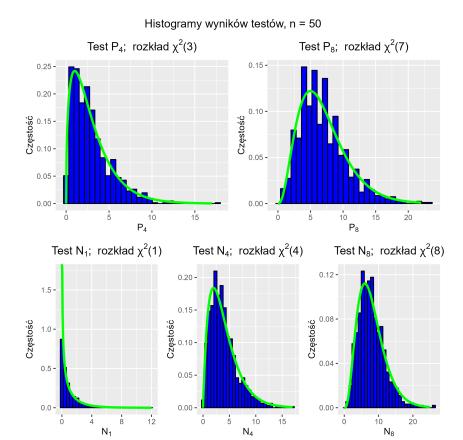
- i) test chi-kwadrat Pearsona oparty na statystyce P_4 oraz P_8 z równomierną partycją,
- ii) gładki test Neymana z 1, 4 i 8 składowymi,
- iii) test Kołmogorowa-Smirnowa oparty na statystyce KS.

Zadanie 1

Wyznaczmy kwantyle empiryczne dla danych testów dla prób rozmiarów $n=10,\,20,\,\ldots,\,100$ pochodzących z rozkładu U(0,1). Porównajmy otrzymane wyniki z kwantylami asymptotycznymi (teoretycznymi). Liczba powtórzeń eksperymentu M=1000.



Analiza powyższych wykresów pokazuje, że dla każdego z analizowanych testów **kwantyle empiryczne** oscylują wokół wartości danego **kwantylu asymptotycznego**. Nawet dla prób małych rozmiarów wartości kwantyli empirycznych są zbliżone do wartości teoretycznych. Zatem przyjęcie w każdym z testów wartości asymptotycznej za wartość kwantylu jest uzasadnione. Zwłaszcza w przypadku testu Kołmogorowa-Smirnowa wartości empiryczne są bardzo dobrym przybliżeniem wartości asymptotycznej. Sprawdźmy, jak blisko danego rozkładu asymptotycznego jest rozkład wyników pozostałych testów, ustalmy rozmiar prób n=50.



Analiza powyższych histogramów pokazuje, że rozkłady wyników badanych testów chi-kwadrat Pearsona oraz gładkiego testu Neymana są bardzo bliskiemu odpowiedniego rozkładu asymptotycznego. Kształty otrzymanych histogramów są zbliżone do krzywych odpowiednich rozkładów. Jedynie wartości otrzymane dla testu P_8 świadczą o wynikach, które nie odpowiadają dokładnie rozkładowi asymptotycznemu.

Niemniej jednak powyższe wyniki świadczą o tym, że wykonując badane testy, możemy podejmować decyzje na podstawie porównania wyników testów z kwantylami asymptotycznymi.

Zadanie 2

W zadaniu omówimy **metodę eliminacji** umożliwiającą generację rozkładu F zadanego przez gęstość f. Metoda opiera się na oszacowaniu funkcji gęstości f przez gęstość g pochodzącą z rozkładu, z którego umiemy generować proste próby losowe, tzn. gęstość g musi spełniać warunek

 $f(s) \leq M \cdot g(s)$ dla wszystkich s oraz pewnej stałej M.

Algorytm postępowania:

- 1. Generujemy niezależne zmienne $X \sim g$ i $U \sim U[0,1]$.
- 2. Jeśli $U \leq f(X)/(M \cdot g(X))$, przyjmujemy Y = X.
- 3. W przeciwnym wypadku powracamy do punktu 1.

Otrzymana zmienna Y ma gęstość f.

Uzasadnienie:

$$P(Y \le y) = P\left(X \le y | U \le \frac{f(X)}{M \cdot g(X)}\right) = \frac{P\left(X \le y, \ U \le \frac{f(X)}{M \cdot g(X)}\right)}{P(U \le \frac{f(X)}{M \cdot g(X)})} =$$

$$\frac{\int_{-\infty}^{y} \left(\int_{0}^{f(x)/Mg(x)} du \right) g(x) dx}{\int_{-\infty}^{\infty} \left(\int_{0}^{f(x)/Mg(x)} du \right) g(x) dx} = \frac{\frac{1}{M} \int_{-\infty}^{y} f(x) dx}{\frac{1}{M} \int_{-\infty}^{\infty} f(x) dx} = \int_{-\infty}^{y} f(x) dx = F(y).$$

Dzięki powyższej metodzie możemy losować próby losowe z dowolnych rozkładów, które potrafimy oszacować z góry przez rozkład, z którego umiemy generować proste próby losowe. Liczba potrzebnych kroków algorytmu do uzyskania próby danego rozmiaru zależy od dokładności oszacowania $U \leq f(X)/(M \cdot g(X))$.

Implementacja

```
# gdy G ~ U(0,1)
elimination_method <- function(n, f, M){
    Y <- c()
    while(length(Y) < n) {
        X <- runif(1)
        U <- runif(1)
        if(U <= (f(X)/M)) Y <- c(Y,X)
    }
    return(Y)
}</pre>
```

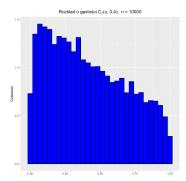
Zadanie 3

Zadanie polega na wygenerowaniu \boldsymbol{n} obserwacji z rozkładu o gęstości

$$C_1(u, 0.4) = 1 + 0.4\cos(\pi u), \quad u \in (0, 1).$$

Na podstawie wylosowanych prób losowych wyznaczymy następnie empirycznie (1000 powtórzeń eksperymentu) moce testów z zadania 1.

```
C_1 <- function(u){1 + 0.4*cos(pi*u)}
ex_3 <- function(n){elimination_method(n, C_1, 1.4)}
vec_ex_3 <- Vectorize(ex_3)</pre>
```



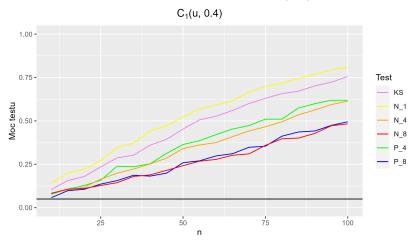
Analiza powyższego histogramu pokazuje, że badany rozkład NIE ma rozkładu, który można w przybliżeniu uznać za rozkład jednostajny U(0,1). Rozkład ten jest jednak bliski jednostajnemu - w próbach małych rozmiarów odstępstwo od rozkładu jednostajnego może być niewykrywalne. Stąd spodziewamy się, że testy

badające, czy dany rozkład jest rozkładem U(0,1) będę miały coraz większą moc wraz ze wzrostem rozmiaru próby.

Wyznaczmy moce poszczególnych testów badających, czy otrzymany rozkład o gęstości $C_1(u,0.4) = 1 + 0.4\cos(\pi u), u \in (0,1)$ ma rozkład U(0,1).

```
vector_of_statistics <- function(X){</pre>
  P_4 \leftarrow P_k(X, 4)
  P_8 \leftarrow P_k(X, 8)
  N_1 \leftarrow N_k(X, 1)
  N_4 \leftarrow N_k(X, 4)
  N_8 \leftarrow N_k(X, 8)
  KS \leftarrow KS(X)
  return(c(P_4, P_8, N_1, N_4, N_8, KS))
power_of_tests <- function(n){</pre>
  X \leftarrow ex_3(n)
  return(vector_of_statistics(X) > vec_q)
}
M < -1000
power_of_tests_n <- function(n){</pre>
  set.seed(1)
  results_tmp <- replicate(M, power_of_tests(n))</pre>
  return(apply(results_tmp, 1, mean))
vec power of tests n <- Vectorize(power of tests n)</pre>
results_power <- vec_power_of_tests_n(vec_n)</pre>
```

Moc testów w zależności od rozmiaru próby



Analiza powyższego wykresu pokazuje, że:

- wartości mocy wszystkich badanych testów rosną wraz ze wzrostem rozmiaru próby (spodziewany wynik). Zatem empirycznie pokazuje to, że wszystkie badane testy rzeczywiście badają jednostajność rozkładu danej próby.
- Moce poszczególnych testów rosną w sposób w przybliżeniu monotoniczny od wartości bliskiej założonemu poziomowi istotności $\alpha = 0.05$. Maskymalana moc dla prób rozmiaru 100 wynosi ok. 0,8.
- Największą moc ma w tym przypadku gładki test Neymana N_1 , nieco gorszą moc wykazuje test

Kołmogorowa-Smirnowa.

 Najmniejszą moc mają testy N₈ i P₈. Jest to interesujący fakt, bowiem zwiększenie dokładności testów (większa liczba wielomianów w teście Neymana czy gęstsza partycja odcinka (0,1) w teście Pearsona) intuicyjnie powinno spowodować zwiększenie mocy testów.

Zadanie 4

Powtórzmy eksperyment numeryczny z poprzedniego zadania dla rozkładów o gęstościach

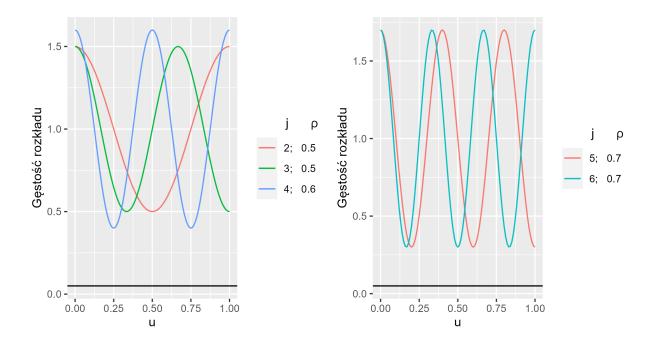
$$C_{i}(u, \rho) = 1 + \rho \cos(j\pi u), \quad u \in (0, 1)$$

- i) $j = 2, \rho = 0.5,$
- ii) $j = 3, \rho = 0.5,$
- iii) $j = 4, \rho = 0.6,$
- iv) $j = 5, \rho = 0.7,$
- v) $j = 6, \rho = 0.7$.

```
C_i <- function(u){1 + 0.5*cos(2*pi*u)}
C_ii <- function(u){1 + 0.5*cos(3*pi*u)}
C_iii <- function(u){1 + 0.6*cos(4*pi*u)}
C_iv <- function(u){1 + 0.7*cos(5*pi*u)}
C_v <- function(u){1 + 0.7*cos(6*pi*u)}

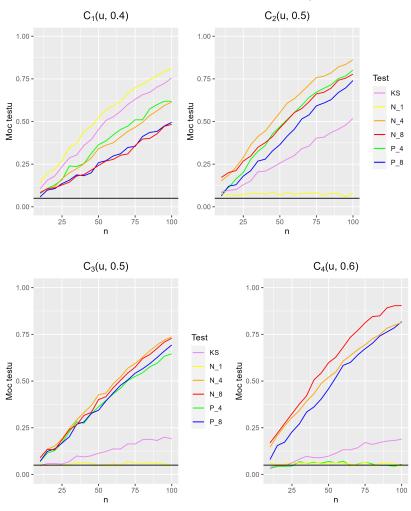
ex_4i <- function(n){elimination_method(n, C_i, 1.5)}
ex_4ii <- function(n){elimination_method(n, C_ii, 1.5)}
ex_4iii <- function(n){elimination_method(n, C_iii, 1.6)}
ex_4iv <- function(n){elimination_method(n, C_iv, 1.7)}
ex_4v <- function(n){elimination_method(n, C_v, 1.7)}</pre>
```

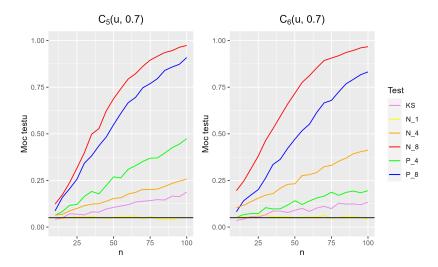
Gęstości rozkładów $C_i(u, \rho) = 1 + \rho \cos(j\pi u)$



Analiza funkcji gęstości $C_j(u,\rho)$ pokazuje, że żadna z tych funkcji nie może zostać uznana za funkcję stałą (gęstość rozkładu jednostajnego). Zauważmy jednak, że dla duzych wartości obu parametrów funkcje gęstości kilkukrotnie oscylują wokół wartości ekstremalnych. Z tego powodu zbyt mało gęsty podział odcinka (0,1) może spowodować stracenie informacji o istocie tych rozkładów.

Moce testów w zależności od gęstości rozkładu $C_j(u, \rho)$





Analiza powyższych wykresów pokazuje, że:

- Test N_1 , który okazał się testem o największej mocy dla $C_1(u,0.4)$ w pozostałych przypadkach osiąga poziom zbliżony do poziomu istotności, a zatem nie odrzuca hipotezy mówiącej, że próba pochodzi z rozkłądu U(0,1) (a tak nie jest). Zatem test N_1 nie daje wiarygodnych wyników i nie powinniśmy go stosować. Nie jest to zaskakujące, gdyż wzięcie tylko jednego wielomianu z szeregu nieskończonego nie może gwarantować dokładności wykonania testu.
- Z kolei moc testu N_4 jest stosukowo wysoka w pierwszych czterech przypadkach. Dla gęstości $C_5(u,0.7)$ i $C_6(u,0.7)$ moc testu jest wyraźnie mniejsza. Ostatnie dwa przypadki obejmują duże wartości zarówno parametru ρ odpowiadającego za rozrzut wartości funkcji gęstosci $(C_j(u,\rho) \in [1-\rho,1+\rho])$, jak i parametru j odpowiadającego za zagęszczenie funkcji cosinus, więc także zagęszczenie $C_j(u,\rho)$. W takich przypadkach test N_4 może nakładać oba efekty na raz, nie rozróżniająć wówczas rozkładu od rozkładu jednostajnego.
- Test N_8 przeciwnie do poprzednich testów Neymana wykazuje wzrost wartości mocy wraz ze wzrostem obu parametrów ρ oraz j. Test ten zbudowany na bazie 8 wielomianów Legendre'a okazuje się bardziej czuły na zmiany rozkłady dokładniej wykrywa odstępstwa od rozkłądu jednostajnego. Test ten osiąga najWiększą moc spośród badanych testów.
- Podobna sytuacja ma miejsce w przypadku testów chi-kwadrat Pearsona. Moc testu P_4 spada wraz ze wzrostem parametrów ρ oraz j, natomiast moc testu P_8 wzrasta. Analogicznie do testów Neymana test P_4 oparty jest na zbyt mało dokładnej metodzie (podział przedziału (0,1) na zaledwie 4 części), by jego wyniki w wiarygodny sposób potwierdzały lub nie jednostajność rozkładu. Dużo bardziej wiaryogodne wyniki daje dokładniejszy test P_8 .
- Test Kołmogorowa-Smirnowa wykazuje spadek mocy wraz ze wzrostem obu parametrów. Test ten okazuje się również nie być optymalnym/wiarygodnym testem.

Podsumowując, jedynym testem, który nie zauważa różnic pomiedzy rozkładami (poza jednym przypadkiem) okazał się test N_1 , który z tego powodu nie powinien być stosowany.

Wszystkie pozostałe testy stwierdzają odstępstwa od rozkładu jednostajnego (z różną mocą), zatem możemy z nich korzytać.

Największą moc w przypadku zmiany obu parametrów rozkładu o gęstości $C_j(u, \rho)$ mają testy P_8 oraz N_8 . Z tego powodu to właśnie te testy uznajemy za najdokładniejsze i dające najbardziej wiarygodne wyniki. Nie jest to zaskakujące, gdyż konstrukcje tych testów są najbardziej skomplikowane, przez co testy te są w stanie wykryć drobne odstępstwa od jednostajności rozkładu.