哈尔滨工业大学计算机科学与技术学院 实验报告

课程名称: 机器学习

课程类型: 选修

实验题目: PCA 模型实验

一、实验目的

实现一个 PCA 模型,能够对给定数据进行降维(即找到其中的主成分)

二、实验要求及实验环境

实验要求:

- (1) 首先人工生成一些数据(如三维数据),让它们主要分布在低维空间中,如首先让某个维度的方差远小于其它唯独,然后对这些数据旋转。生成这些数据后,用你的 PCA 方法进行主成分提取。
- (2) 找一个人脸数据(小点样本量),用你实现 PCA 方法对该数据降维,找出一些主成分,然后用这些主成分对每一副人脸图像进行重建,比较一些它们与原图像有多大差别(用信噪比衡量)。

实验环境:

硬件环境: x64CPU 软件环境: pycharm

库版本号: anaconda python==3.6, numpy==1.17.0

三、设计思想(本程序中的用到的主要算法及数据结构)

主成分分析是一种被广泛使用的技术,应用领域包括维度降低、有损数据压缩、特征抽取、数据可视化。PCA 可以被定义为数据在低维线性空间上的正交投影,这个线性空间被称为主子空间,使得投影数据的方差被最大化。等价地,它也可以被定义为使得平均投影代价最小的线性投影。平均投影代价是指数据点和它们投影之间的平均平方距离。

3.1 最大方差形式

考虑观测数据集 $\{\mathbf{x}_n\}_{n=1}^N$,我们的目标是将数据投影到维度 M < D 的空间中,同时最大化投影数据的方差。首先考虑在一维空间投影即 M=1 的情形,使用 D 维向量 \mathbf{u}_1 定义这个方向(假定选择单位向量 $\mathbf{u}_1^T\mathbf{u}_1=1$)。从而每个数据点 \mathbf{x}_n 被投影到标量值 $\mathbf{u}_1^T\mathbf{x}_n$ 上,投影数据的均值是 $\mathbf{u}_1^T\overline{\mathbf{x}}$,其中 $\overline{\mathbf{x}}$ 是样本的均值,定义为 $\overline{\mathbf{x}}=\frac{1}{N}\sum_{n=1}^N\mathbf{x}_n$ 。则投影数据的方差为 $\frac{1}{N}\sum_{n=1}^N\{\mathbf{u}_1^T\mathbf{x}_n-\mathbf{u}_1^T\overline{\mathbf{x}}\}^2=\mathbf{u}_1^TS\mathbf{u}_1$ 。 其中 S 是样本数据的协方差矩阵,定义为 $S=\frac{1}{N}\sum_{n=1}^N(\mathbf{x}_n-\mathbf{x}_n)^T$ 。

我们现在关于 \mathbf{u}_1 最大化投影方差 $\mathbf{u}_1^T S \mathbf{u}_1$,限制条件是 $\mathbf{u}_1^T \mathbf{u}_1 = 1$ 。利用拉格朗日乘数法最大化的结果是:

$$S\mathbf{u}_1 = \lambda_1 \mathbf{u}_1$$

等式两边同时左乘 \mathbf{u}_1^T 得到:

$$\mathbf{u}_1^T S \mathbf{u}_1 = \lambda_1$$

因此,如果我们将 \mathbf{u}_1 设置为与具有最大的特征值 λ_1 的特征向量相等时,方差会达到最大值。这个特征向量被称为第一主成分。

如果我们考虑M维的投影空间的一般情形,那么最大化投影数据方差的最优线性投影由数据协方差矩阵S的M个特征向量 $\{\mathbf{u}_i\}_{i=1}^M$ 来定义,对应M个最大特征值。

3.2 最小误差形式

PCA 的另一种形式为误差最小化的投影。引入D维基向量的一个完整的单位正交集合 $\{\mathbf{u}_i\}_{i=1}^D$,则每个数据点都可以表示为基向量的线性组合:

$$\mathbf{x}_n = \sum_{i=1}^D \alpha_{ni} \mathbf{u}_i$$

其中系数 α_{ni} 对于不同数据点来说是不同的。将等式两边同时乘 \mathbf{u}_{i} 可得:

$$\alpha_{ni} = \mathbf{x}_{n}^{T} \mathbf{u}_{i}$$

代入 X_n 表达式则有:

$$\mathbf{x}_n = \sum_{i=1}^D (\mathbf{x}_n^T \mathbf{u}_i) \mathbf{u}_i$$

若要将数据 \mathbf{x}_n 投影到 M 维空间,则投影后 \mathbf{x}_n 可用前 M 个基向量表示。因此每个数据点可以近似为:

$$\tilde{\mathbf{x}}_n = \sum_{i=1}^M z_{ni} \mathbf{u}_i + \sum_{i=M+1}^D b_i \mathbf{u}_i$$

其中 z_{ni} 与特定数据点有关,而 b_i 与数据点无关。接下来我们用平方距离度量原数据 \mathbf{x}_n 与近似点 \mathbf{x}_n 之间的距离:

$$J = \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} ||\mathbf{x}_{n} - \tilde{\mathbf{x}}_{n}||^{2}$$

接下来最小化 z_{ni} 与 b_i 得:

$$z_{ni} = \mathbf{x}_n^T \mathbf{u}_i$$
$$b_i = \overline{\mathbf{x}}^T u_i$$

代入J表达式可得:

$$J = \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} ||\mathbf{x}_{n} - \widetilde{\mathbf{x}}_{n}||^{2}$$

$$= \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} (\sum_{i=M+1}^{D} \{(\mathbf{x}_{n} - \overline{\mathbf{x}})^{T} \mathbf{u}_{i}\} \mathbf{u}_{i})^{2}$$

$$= \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} \sum_{i=M+1}^{D} (\mathbf{x}_{n}^{T} \mathbf{u}_{i} - \overline{\mathbf{x}}^{T} \mathbf{u}_{i})^{2}$$

$$= \sum_{i=M+1}^{D} \mathbf{u}_{i}^{T} S \mathbf{u}$$

在 $\mathbf{u}_{i}^{T}\mathbf{u}_{i}=1$ 的条件下,利用拉格朗日乘数法最小化J得:

$$S\mathbf{u}_i = \lambda_i \mathbf{u}_i$$

两边左乘 \mathbf{u}_{i}^{T} 并代入J的表达式得:

$$J = \sum_{i=M+1}^{D} \lambda_i$$

因此将这些特征向量选择为D-M 个最小特征值对应的特征向量即可得到J的最小值,因此定义主子空间的特征向量是对应于M 个最大特征值的特征向量。

四、实验结果与分析

4.1 生成数据

根据给定均值与方差的高斯分布生成数据,其中维度即为输入均值和方差矩阵的维度。 代码如下:

```
def generate_data(mu, sigma, num_sample):
    """
    generate data
    :param mu: mean
    :param sigma: variance
    :param num_sample: number of samples in each class
    :return: generated data
    """
    x_dim = len(mu)
    data = []
    for i in range(num_sample):
        x = generate_gauss_data(mu, sigma, x_dim)
        data.append(x)
    return np.array(data)
```

图 1 生成数据部分代码

以三维数据的生成为例。生成数据的三维视图以及 xOy, xOz, yOz 方向的三视图如下所示:

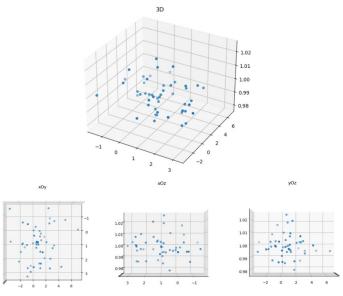
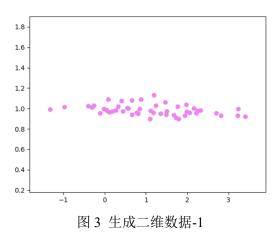


图 2 生成三维数据的三维图及三视图-1

这组数据在 x 方向和 y 方向的方差分别为 1 和 2,在 z 方向方差为 0.01。根据坐标我们也可以看出,在 x, y 方向波动较大,信息含量多,而在 z 方向波动较小。

同理,生成方差差距较大的二维数据如下所示:



4.2 使用 PCA 对数据进行降维

首先以二维情况为例。生成共 100 个数据点,这些样本在 x 方向均值为 0,方差为 1; 在 y 方向均值为 0,方差为 0.05,如下图左所示;同时将其旋转如下图右所示:

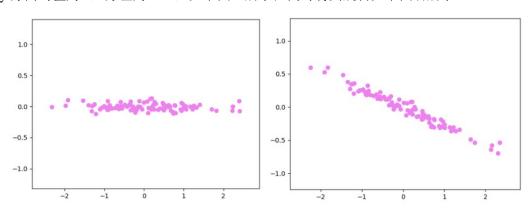


图 4 生成二维数据-2

在旋转后的数据上应用 PCA。注意为方便计算,在应用 PCA 前需对数据进行中心化处

理,之后再将二维数据压缩为一维,并根据公式 $\tilde{\mathbf{x}}_n = \sum_{i=1}^M z_{ni} \mathbf{u}_i + \sum_{i=M+1}^D b_i \mathbf{u}_i$ 对数据进行重建(由

于中心化后均值为 0, 可以将后一项省略)。将原数据和重建后的数据可视化, 如下图所示:

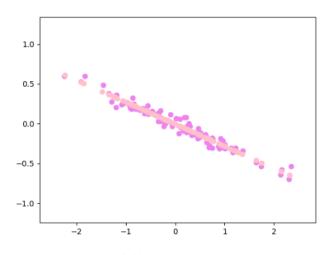


图 5 二维数据 PCA 结果可视化

可以看出,在方差较大的方向,信息基本保留;再方差小的方向,信息有所损失。 在三维的数据上进行实验。生成共 100 个数据点,设定 x, y, z 三个方向均值分别为 0, 0, 0; 方差为 1, 2, 0.5,生成数据三维视图和三视图如下所示:

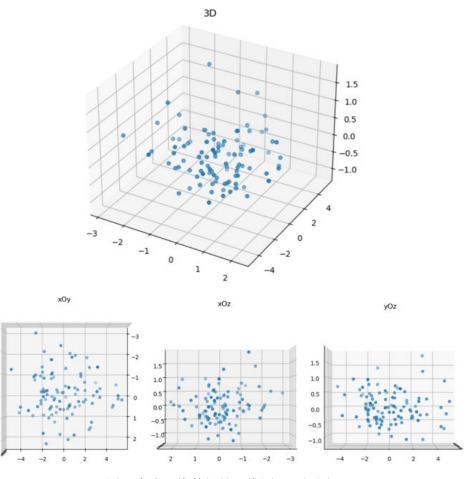


图 6 生成三维数据的三维图及三视图-2

同理,将三维数据点用PCA降维到二维并重建,得到的数据可视化如下所示:

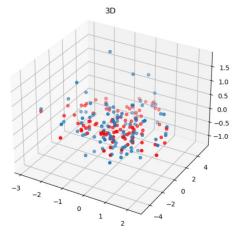


图 7 三维数据 PCA 结果可视化

从 xOy, xOz, yOz 方向分别可视化数据,如下图所示:

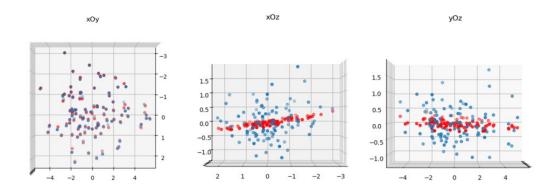


图 8 三维数据 PCA 结果三视图

从图中可以看出,在方差较大的 x 方向和 y 方向,数据信息损失很少,xOy 方向的三视图几乎中重建数据几乎与原数据重合。然而,在 z 方向,信息损失较多,从 xOz 方向和 yOz 方向的三视图也可以得出这一结论。这也正是 PCA 的特征,即在降维时,尽可能多地保留方差较大方向的信息,并会损失掉一些方差小方向的信息。

4.2 使用 PCA 对图片进行压缩

选取一组尺寸为50*50的图片共6张,原图片如下所示:

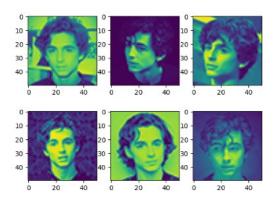


图 9 压缩前图片

取压缩后维度分别为 1, 2, 3, 4, 5, 用 PCA 对原图片进行压缩, 重建后计算信噪比并可视化, 如下所示:

维度为1时:

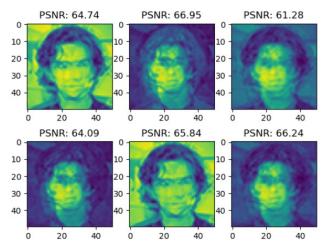
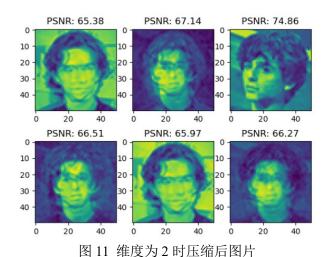


图 10 维度为 1 时压缩后图片

可以看出,此时维度较低,许多图片的信息都丢失了,信噪比也比较低,PCA 只能保留图片中差别比较大的一些特征。

维度为2时:

维度为3时:



信噪比稍有提升,但此时维度仍然较低,仍然不能保留图片中足够的信息。

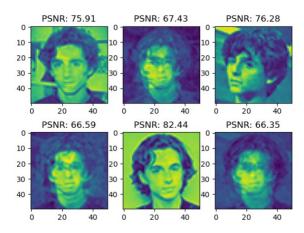


图 12 维度为 3 时压缩后图片

这时更多的图片已经变得清晰,信噪比进一步提升。

维度为4时:

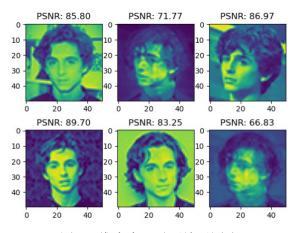


图 13 维度为 4 时压缩后图片

维度为5时:

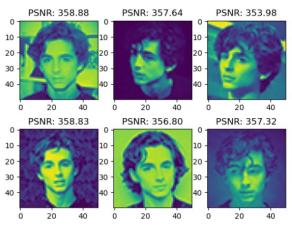
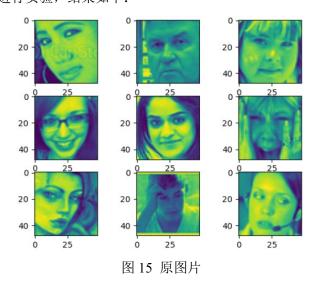


图 14 维度为 5 时压缩后图片

可以发现,维度为 5 时已经能够提取大部分特征,压缩后图片仍然比较清晰,信噪比较高。可见 PCA 能够去除图片中的方差较小的一些扰动,在保留最多信息的前提下尽可能压缩图片大小。

采用更多的图片进行实验,结果如下:



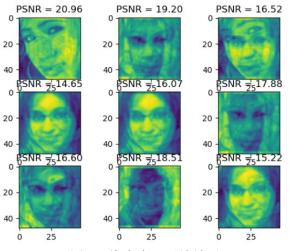


图 16 维度为 2 压缩结果

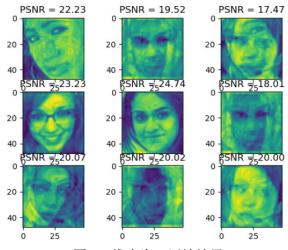


图 17 维度为 4 压缩结果

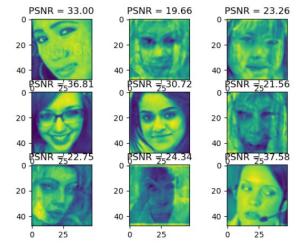


图 18 维度为 6 压缩结果

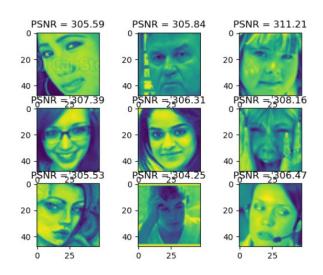


图 19 维度为 8 压缩结果

五、结论

PCA 是一种数据压缩、高维数据可视化的有效的手段。压缩后的数据在方差大的方向上保持良好,在方差小的方向上信息损失较多。

PCA 也可以对图片进行压缩,并且效果较好,可以将图片压缩到与原来相比较低维度的空间,达到较高的信噪比。

六、参考文献

- [1] Christopher M. Bishop. 2006. Pattern Recognition and Machine Learning (Information Science and Statistics). Springer-Verlag, Berlin, Heidelberg.
 - [2] 周志华. 2016. 机器学习.

七、附录:源代码(带注释)

utils.py:

```
1. import numpy as np
2. import random
3. import matplotlib.pyplot as plt
4. import numpy.random
5. from scipy import linalg
6. from mpl toolkits.mplot3d import Axes3D
7. import math
8.
9.
10. random.seed(0)
11. numpy.random.seed(0)
12.
13. def generate_gauss_data(mu, sigma, dim):
14.
15.
       generate data that satisfy gauss distribution
```

```
16.
       :param mu: mean
17.
       :param sigma: variance
18.
       :param dim: dimension of parameter x
19.
      :return: generated data
20.
       11 11 11
21.
       x = []
      for j in range(dim):
22.
23.
          x.append(random.gauss(mu[j], sigma[j]))
24.
       return x
25.
26.
27. def generate data(mu, sigma, num sample):
28.
29.
      generate data
30.
       :param mu: mean
31.
      :param sigma: variance
32.
      :param num sample: number of samples in each class
33.
       :return: generated data
       .....
34.
35.
      x dim = len(mu)
      data = []
36.
37.
      for i in range(num sample):
38.
          x = generate_gauss_data(mu, sigma, x_dim)
39.
          data.append(x)
40.
       return np.array(data)
41.
42.
43. def rotate mat(axis, radian):
44.
45.
     compute rotate matrix
46.
      :param axis: axis
47.
      :param radian: angle
48.
       :return: rotate matrix
49.
50.
       rot_matrix = linalg.expm(np.cross(np.eye(3), axis /
  linalg.norm(axis) * radian))
51.
       return rot matrix
52.
53.
54. def rotate 2d data(data, angle):
       rotate matrix = np.asarray([[np.cos(angle), -np.sin(angle)],
   [np.sin(angle), np.cos(angle)]])
56.
       rotate data = np.dot(data, rotate matrix)
       return rotate data
57.
```

```
58.
59.
60.
61. def rotate 3d data(data, axis):
62.
       radian = math.pi / 3
       rotate matrix = rotate mat(axis, radian)
63.
       rotate = np.dot(data, rotate matrix)
64.
65.
       return rotate
66.
67.
68. def visualize 2d data(data):
69.
       assert data.shape[1] == 2
70.
       plt.plot(data[:, 0], data[:, 1], 'ro', color='violet')
71.
      plt.xlim([min(data[:, 0]) - 0.5, max(data[:, 0]) + 0.5])
72.
       # plt.ylim([min(data[:, 0]) + 1.5, max(data[:, 0]) - 1.5])
73.
       plt.ylim([min(data[:, 0]) + 1, max(data[:, 0]) - 1])
74.
       plt.show()
75.
76.
77. def visualize 3d data(data):
78.
       assert data.shape[1] == 3
79.
80.
       # projection in xOy, xOz, and yOz
       for elev, azim, title in zip([0, 0, 90], [0, 90, 0], ["y0z",
   "xOz", "xOy"]):
82.
           fig = plt.figure()
83.
          fig.suptitle(title)
84.
           ax = Axes3D(fig)
85.
           ax.view init(elev=elev, azim=azim)
86.
           ax.scatter(data[:, 0], data[:, 1], data[:, 2])
87.
           plt.show()
88.
89.
       # 3d image
      fig = plt.figure()
90.
91.
      fig.suptitle('3D')
92.
       ax = Axes3D(fig)
       ax.scatter(data[:, 0], data[:, 1], data[:, 2])
93.
       plt.show()
94.
95.
96.
97. def visualize difference 3d(data, recover):
98.
       fig = plt.figure()
99.
       fig.suptitle('3D')
100.
          ax = Axes3D(fiq)
```

```
ax.scatter(recover[:, 0], recover[:, 1], recover[:, 2],
   c='r')
           ax.scatter(data[:, 0], data[:, 1], data[:, 2])
102.
103.
           plt.show()
104.
105.
       def visualize difference(data, recover):
106.
107.
           for elev, azim, title in zip([0, 0, 90], [0, 90, 0], ["yOz",
   "xOz", "xOy"]):
108.
              fig = plt.figure()
109.
              fig.suptitle(title)
110.
              ax = Axes3D(fig)
111.
              ax.view init(elev=elev, azim=azim)
112.
              ax.scatter(recover[:, 0], recover[:, 1], recover[:, 2],
  c='r')
113.
              ax.scatter(data[:, 0], data[:, 1], data[:, 2])
114.
              plt.show()
115.
116.
117.
       def visualize difference 2d(data, recover):
118.
           plt.plot(data[:, 0], data[:, 1], 'ro', color='violet')
119.
           plt.plot(recover[:, 0], recover[:, 1], 'ro', color='pink')
120.
           plt.xlim([min(data[:, 0]) - 0.5, max(data[:, 0]) + 0.5])
           plt.ylim([min(data[:, 0]) + 1, max(data[:, 0]) - 1])
121.
122.
           plt.show()
123.
124.
125.
      def compute psnr(origin, compress):
126.
           assert origin.shape[0] == compress.shape[0]
127.
           assert origin.shape[1] == compress.shape[1]
128.
           r = origin.shape[0]
129.
           c = origin.shape[1]
130.
           mse = np.sum(np.square(origin - compress)) / (r * c)
           psnr = 20 * math.log10(255 / math.sqrt(mse))
131.
132.
           return psnr
133.
134.
       if name == ' main ':
135.
136.
          # mu = [1, 1, 1]
137.
           \# sigma = [1, 2, 0.01]
138.
           mu = [0, 0]
139.
           sigma = [1, 0.05]
140.
           num sample = 100
           data = generate_data(mu, sigma, num_sample)
141.
```

```
142.
           \# axis = np.array([1, 2])
143.
           angle = np.pi / 12
144.
           # data = rotate 2d data(data, angle)
145.
           # data = rotate 3d data(data, axis)
146.
           # visualize 3d data(data)
147.
           visualize 2d data(data)
148.
           # mean = np.mean(data, axis=0)
149.
           # print(mean)
150.
           # print(data - mean)
151.
load.py:
1. import os
2. import struct
3. import numpy as np
4. import csv
5.
6.
7. def load mnist():
      """Load MNIST data from `path`"""
9.
      labels path =
   './t10k-labels-idx1-ubyte/t10k-labels.idx1-ubyte'
       images path =
   './t10k-images-idx3-ubyte/t10k-images.idx3-ubyte'
       with open(labels path, 'rb') as lbpath:
11.
12.
           magic, n = struct.unpack('>II',
13.
                                lbpath.read(8))
14.
           labels = np.fromfile(lbpath,
15.
                             dtype=np.uint8)
16.
       with open(images path, 'rb') as imgpath:
17.
18.
           magic, num, rows, cols = struct.unpack('>IIII',
19.
                                            imgpath.read(16))
20.
           images = np.fromfile(imgpath,
21.
                             dtype=np.uint8).reshape(len(labels),
  784)
22.
23.
      return images, labels
24.
25.
26. def load_fer():
27.
      path = 'test.csv'
28.
       with open(path) as f:
```

```
29.
          reader = csv.reader(f)
30.
          row id = 0
31.
          faces = []
32.
          for row in reader:
33.
              if row id == 0:
34.
                  row id += 1
35.
                 continue
36.
              else:
37.
                  face = [float(s) for s in row[0].split(' ')]
38.
                  faces.append(face)
39.
       return np.array(faces)
40.
41.
42. if __name__ == '__main__':
      load fer()
44.
pca.py:
1. import numpy as np
2.
3.
4. class PCA:
      def init (self, data, dim):
6.
         self.raw data = data
7.
         self.mean data = np.mean(data, axis=0)
8.
         self.data = data - self.mean data
         self.pre dim = data.shape[1]
10.
          self.target dim = dim
11.
12.
       def compute cov matrix(self):
13.
           cov = np.cov(self.data, rowvar=False)
14.
          return cov
15.
16.
       def compute direction(self):
           cov = self.compute cov matrix()
17.
18.
           cov.astype(np.float64)
19.
           feature_value, feature_vector = np.linalg.eig(cov)
20.
           # column feature vector[:, i] is eigenvector corresponding
   to the eigenvalue feature value[i].
21.
           index = np.argsort(feature value)[::-1]
22.
           return feature vector[:, index[:self.target dim]]
23.
24.
       def reduce dim(self):
```

```
25.
           u = self.compute direction()
26.
           u = np.array(u, dtype=np.float64)
27.
          target = np.dot(self.data, u)
28.
           return target
29.
30.
       def recover dim(self):
           u = self.compute direction()
31.
           u = np.array(u, dtype=np.float64)
32.
33.
           z = self.reduce dim()
34.
           recover = np.dot(z, u.T) + self.mean data
35.
           return recover
36.
main.py:
1. import random
2.
3. import matplotlib.pyplot as plt
4. import matplotlib.image as img
5. import numpy as np
6.
7. from pca import PCA
8. import utils
9. from load import load mnist
10. from load import load fer
11.
12. random.seed(0)
13. np.random.seed(0)
14.
15.
16. def testPCA 3d():
17.
      mu = [0, 0, 0]
18.
      sigma = [1, 2, 0.5]
19.
      num sample = 100
20.
      data = utils.generate data(mu, sigma, num sample)
21.
       \# axis = np.array([1, 1, 2])
22.
       # data = utils.rotate 3d data(data, axis)
23.
       utils.visualize 3d data(data)
24.
       expected dim = 2
25.
       model = PCA(data, expected dim)
26.
       recover = model.recover dim()
27.
       utils.visualize difference 3d(data, recover)
28.
       utils.visualize_difference(data, recover)
29.
```

```
30.
31. def testPCA 2d():
32.
       mu = [0, 0]
33.
       sigma = [1, 0.05]
34.
       num sample = 100
35.
       data = utils.generate data(mu, sigma, num sample)
36.
       angle = np.pi / 12
37.
       data = utils.rotate 2d data(data, angle)
38.
       utils.visualize 2d data(data)
39.
       expected dim = 1
40.
       model = PCA(data, expected dim)
41.
       recover = model.recover dim()
       utils.visualize difference 2d(data, recover)
42.
43.
44.
45. def face compression():
       faces = []
47.
       for i in range(6):
48.
          path = './chalemet/' + str(i + 1) + '.png'
           # path = './yalefaces/subject0' + str(i + 1) + '.happy'
49.
          face = img.imread(path)[:, :, 0]
50.
51.
          # print(face.shape)
52.
          plt.subplot(2, 3, i + 1)
53.
          plt.imshow(face)
          face = np.array(face).reshape(50 * 50)
54.
55.
          face = face.astype(np.float64)
56.
          faces.append(face)
57.
       plt.show()
58.
       faces = np.array(faces)
59.
60.
       model = PCA(faces, 6)
61.
       compress = model.recover dim()
62.
63.
       for i in range(6):
64.
           image = compress[i].reshape((50, 50))
65.
           origin image = faces[i].reshape((50, 50))
          psnr = utils.compute psnr(image, origin image)
66.
          plt.subplot(2, 3, i+1)
67.
          plt.title('PSNR: %.2f' % psnr)
68.
69.
          plt.imshow(image)
70.
       plt.show()
71.
72.
73. def compression mnist():
```

```
74.
       imgs, labels = load mnist()
75.
       imgs = imgs[:9]
76.
       id = 1
77.
       for img in imgs:
78.
          plt.subplot(3, 3, id)
           id += 1
79.
80.
           image = img.reshape((28, 28))
           plt.imshow(image)
81.
82.
       plt.show()
83.
84.
       imgs = np.array(imgs)
85.
       model = PCA(imgs, 2)
86.
       compress = model.recover dim()
87.
       for i in range(9):
88.
           image = compress[i].reshape((28, 28))
89.
           origin image = imgs[i].reshape((28, 28))
90.
           psnr = utils.compute psnr(image, origin image)
           plt.subplot(3, 3, i + 1)
91.
92.
           plt.title('PSNR = %.2f' % psnr)
93.
           plt.imshow(image)
94.
       plt.show()
95.
96.
97. def compression fer():
       faces = load_fer()
98.
       faces = faces[1:10]
99.
100.
           id = 1
101.
           for face in faces:
102.
              plt.subplot(3, 3, id)
              id += 1
103.
104.
              image = face.reshape((48, 48))
105.
              plt.imshow(image)
106.
           plt.show()
107.
108.
           model = PCA(faces, 6)
109.
           compress = model.recover dim()
110.
           for i in range(9):
111.
               image = compress[i].reshape((48, 48))
112.
              origin image = faces[i].reshape((48, 48))
113.
              psnr = utils.compute_psnr(image, origin_image)
114.
              plt.subplot(3, 3, i + 1)
              plt.title('PSNR = %.2f' % psnr)
115.
116.
              plt.imshow(image)
117.
           plt.show()
```