Table S1: Accessions of Zea mays ssp. mexicana (RIMME) and Zea mays ssp. parviglumis (RIMPA) sampled. RIHY is a Z. mays ssp. parviglumis and Zea mays ssp. mays hybrid.

Accession	USDA ID	Population	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.	No Hopscotch Freq.
RIHY0009	N/A	N/A	2	0.5	0.5
RIMME0006	566673	Durango	2	0	1
RIMME0007	566680	Guanajuato	2	0	1
RIMME0008	566681	Michoacan	2	0	1
RIMME0009	566682	Distrito Federal	2	0	1
RIMME0011	566685	Mexico	2	0	1
RIMME0014	714151	Breeders line	6	0	1
RIMME0017	699874	Ayotlan	8	0	1
RIMME0021	N/A	El Porvenir	69	0.17	0.83
RIMME0026	N/A	Opopeo	42	0.07	0.93
RIMME0028	N/A	Puruandiro	28	0.04	0.96
RIMME0029	N/A	Ixtlan San Pedro	35	0	1 1
RIMME0030	N/A		27	-	
RIMME0031	N/A	Tenango del Aire	25	0.08	0.92
RIMME0032	N/A	Nabogame Puerta Encantada	$\begin{array}{c} 24 \\ 25 \end{array}$	0	1 1
RIMME0033 RIMME0034	N/A N/A	Santa Clara	23	0	1
			25 25		1
RIMME0035	N/A 87168	Xochimilco El Salado	25 4	0	1
RIMPA0001 RIMPA0003	87168 87171	Mazatlan	8	0.13	0.87
RIMPA0003 RIMPA0017	87171	Nazatian N/A	8 4	0.13	0.87
RIMPA0017	87200	El Salado	$\frac{4}{2}$	0.50	0.50
RIMPA0019 RIMPA0029	87213 87244	N/A	$\frac{2}{2}$	0.50	0.50
RIMPA0029	87244 87249	N/A N/A	$\frac{2}{2}$	0.50	0.5
RIMPA0035	87288	Jalisco	4	0.5	0.5
RIMPA0040	288185	Mexico	4	0	1
RIMPA0042	288187	Guerrero	4	0.25	0.75
RIMPA0043	288188	Guerrero	4	0.25	1
RIMPA0045	288193	Guerrero	4	0	1
RIMPA0055	714152	Breeders line	2	0	1
RIMPA0056	714153	Breeders line	2	0.50	0.50
RIMPA0057	714154	Breeders line	2	0.50	0.50
RIMPA0058	N/A	N/A	4	0.50	0.50
RIMPA0059	N/A	N/A	4	1	0
RIMPA0060	714157	Breeders line	2	0	1
RIMPA0061	714158	Breeders line	4	0.5	0.5
RIMPA0062	714159	Breeders line	4	0.5	0.5
RIMPA0063	714160	Breeders line	4	0	1
RIMPA0064	714161	Breeders line	3	0	1
RIMPA0065	714162	Breeders line	4	0.25	0.75
RIMPA0068	699861	Jalisco, Mexico	16	0	1
RIMPA0069	699862	Ixtlan	14	0.14	0.86
RIMPA0070	699863	Benito Jaurez	16	0	1
RIMPA0071	699864	Tuzantla	28	0	1
RIMPA0072	699865	Tiquicheo	16	0	1
RIMPA0073	699866	Tiquicheo	16	0.12	0.88
RIMPA0074	699867	Huetamo	12	0	1
RIMPA0075	699868	Huetamo	2	0	1
RIMPA0076	699869	Huetamo	4	0	1
RIMPA0077	699870	Caracuaro	2	0	1
RIMPA0078	699871	Caracuaro	2	0.5	0.5
RIMPA0079	699872	Villa Madero	14	0	1
RIMPA0080	699873	Guachinango	12	0	1
RIMPA0081	699875	Ameca	16	0	1
RIMPA0083	699877	Tepoztlan	14	0	1
RIMPA0084	699878	Tepoztlan	16	0	1
RIMPA0085	699879	Miahuatlan	16	0	1
RIMPA0086	699880	Miahuatlan	16	0.06	0.94
RIMPA0087	699881	Tecoanapa	24	0	1
RIMPA0089	699883	Guerrero	12	0	1
RIMPA0090	699884	Guerrero	10	0	1
RIMPA0091	699885	Guerrero	16	0	1
RIMPA0092	699886	Guerrero	10	0	1

Accession	USDA ID	Population	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.	No Hopscotch Freq.
RIMPA0093	699887	Guerrero	26	0.08	0.92
RIMPA0094	699888	Guerrero	2	0	1
RIMPA0095	699889	Guerrero	4	0	1
RIMPA0096	699890	Guerrero	26	0.04	0.96
RIMPA0097	699891	Guerrero	6	0	1
RIMPA0098	699892	Guerrero	4	0	1
RIMPA0099	699893	Guerrero	4	0	1
RIMPA0100	699894	Guerrero	6	0	1
RIMPA0101	699895	Guerrero	2	0	1
RIMPA0103	699897	Guerrero	2	0	1
RIMPA0104	699898	Guerrero	22	0.09	0.91
RIMPA0105	699899	Guerrero	6	0	1
RIMPA0106	699900	Guerrero	6	0.33	0.67
RIMPA0107	699901	Guerrero	4	0	1
RIMPA0108	699902	Guerrero	6	0	1
RIMPA0109	699903	Michoacan	4	0.25	0.75
RIMPA0110	699904	Michoacan	2	0	1
RIMPA0111	699905	Michoacan	4	0	1
RIMPA0112	699906	Michoacan	4	0.25	0.75
RIMPA0114	699908	Michoacan	6	0.17	0.83
RIMPA0116	699910	Mexico	2	0	1
RIMPA0117	699911	Mexico	4	0	1
RIMPA0118	699912	Mexico	6	0.17	0.83
RIMPA0119	699913	Mexico	2	0	1
RIMPA0120	699914	Mexico	1	1	0
RIMPA0121	699915	Mexico	2	0	1
RIMPA0128	699922	Mexico	2	0.5	0.5
RIMPA0129	699923	Michoacan	2	0.5	0.5
RIMPA0135	699929	Nayarit	24	0	1
RIMPA0138	699932	Jalisco	2	0.5	0.5
RIMPA0139	699933	Jalisco	1	1	0
RIMPA0142	699936	Colima	18	0.44	0.56
RIMPA0144	699938	Jalisco	2	1	0
RIMPA0145	699939	Michoacan	1	1	0
RIMPA0147	699941	Jalisco	1	1	0
RIMPA0155	N/A	Jalisco	73	0.01	0.99
RIMPA0156	N/A	Jalisco	20	0	1
RIMPA0157	N/A	Jalisco	58	0.34	0.66
RIMPA0158	N/A	Jalisco	64	0.53	0.47
RIMPA0159	N/A	Jalisco	26	0	1
RIMPA0162	21785	N/A	4	0	1

Table S2: Hopscotch frequency in sampled $Zea\ mays$ ssp. mays (RIMMA).

Accession	USDA ID	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.
RIMMA0066	27096	2	1
RIMMA0075	19309	2	1
RIMMA0077	19313	2	1
RIMMA0079	19321	2	1
RIMMA0081	20190	2	1
RIMMA0084	22439	2	1
RIMMA0086	22748	2	1
RIMMA0088	22756	2	1
RIMMA0089	23392	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0090 RIMMA0092	23423 23427	$\frac{2}{4}$	1
RIMMA0094	23447	4	1
RIMMA0097	23488	2	1
RIMMA0099	23509	2	1
RIMMA0100	23518	2	1
RIMMA0101	23519	2	1
RIMMA0104	24590	2	1
RIMMA0108	26022	2	1
RIMMA0111	26770	6	1
RIMMA0115	26798	2	1
RIMMA0117	27045	2	1
RIMMA0130	28336	2	1
RIMMA0133 RIMMA0134	8581 22632	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0134 RIMMA0135	22632	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0142	30060	$\frac{2}{2}$	0.5
RIMMA0143	30065	4	1
RIMMA0146	30863	4	1
RIMMA0149	30869	2	1
RIMMA0152	32722	2	1
RIMMA0153	32728	2	1
RIMMA0154	32732	2	1
RIMMA0155	42809	2	1
RIMMA0156	42872	2	1
RIMMA0157	42874	2	1
RIMMA0158	42875	2	1
RIMMA0159	42878	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0160 RIMMA0162	65864 65866	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0162	213696	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0167	213697	2	1
RIMMA0168	213698	2	1
RIMMA0169	213699	2	1
RIMMA0172	213705	2	1
RIMMA0174	213708	4	1
RIMMA0177	213715	2	1
RIMMA0178	213716	2	1
RIMMA0179	213717	2	1
RIMMA0181	213719	2	1
RIMMA0183	213721	2	1
RIMMA0184 RIMMA0186	213722	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0186 RIMMA0187	213724 213725	2 1	1
RIMMA0187 RIMMA0188	213725	2	1
RIMMA0195	213721	2	1
RIMMA0196	213793	2	1
RIMMA0197	214197	2	1
RIMMA0198	214293	2	1
RIMMA0199	214294	2	1
RIMMA0200	214295	2	1
RIMMA0202	217407	2	1
RIMMA0203	217408	2	1
RIMMA0206	217473	2	1
RIMMA0208	218005	2	1
RIMMA0209	218195	2	1

Accession	TICDA ID	Allalas Camplad	Homosotok Even
Accession RIMMA0210	219871	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.
RIMMA0210	219871	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0213	219883	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0214	219884	2	1
RIMMA0217	221872	2	1
RIMMA0218	221873	2	1
RIMMA0220	221876	2	1
RIMMA0221	221877	2	1
RIMMA0222	221878	2	1
RIMMA0223	221880	2	1
RIMMA0226	221889	2	1
RIMMA0227	222314	2	1
RIMMA0228	222315	2	1
RIMMA0229	222316	2	1
RIMMA0230	222317	2	1
RIMMA0232	222469	2	1
RIMMA0233	222470	2	1
RIMMA0235	222474	2	0.5
RIMMA0242	222614	2	1
RIMMA0243	222615	2	1
RIMMA0247	222639	4	1
RIMMA0248	222640	2	1
RIMMA0249	222641	2	1
RIMMA0252	233002	2	1
RIMMA0253	233006	2	1
RIMMA0254	233008	2	1
RIMMA0256	237000	2	1
RIMMA0257	257506	2	1
RIMMA0258	267179	2	1
RIMMA0259	269743	2	1
RIMMA0260	269744	2	1
RIMMA0262 RIMMA0263	270297	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0264	278713 278716	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0265	278717	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0268	278721	2	1
RIMMA0269	278724	2	1
RIMMA0270	280061	2	1
RIMMA0272	280853	2	1
RIMMA0275	311232	2	1
RIMMA0276	311235	2	1
RIMMA0277	311236	2	1
RIMMA0279	311241	2	1
RIMMA0280	311243	2	1
RIMMA0283	401757	2	1
RIMMA0285	414176	2	1
RIMMA0288	452032	2	1
RIMMA0290	452045	2	1
RIMMA0291	452046	2	1
RIMMA0292	452047	2	1
RIMMA0293	452048	2	1
RIMMA0298	483273	2	1
RIMMA0302	540784	2	1
RIMMA0305	548792	2	1
RIMMA0310	550462	2	1
RIMMA0312	550466	2	1
RIMMA0320	583896	2	1
RIMMA0322	583898	2	1
RIMMA0324	587125	2	1
RIMMA0334	587153	2	1
RIMMA0336	607519	2	1
RIMMA0337	607522	2	1
RIMMA0338 RIMMA0339	607593	$\frac{2}{2}$	1 1
RIMMA0340	607599 607602	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0341	608465	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0342	608502	$\frac{2}{2}$	1
10111111111110042	000002	4	1

Accession	USDA ID	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.
RIMMA0344	608539	2	1
RIMMA0346	608618	2	1
RIMMA0347	608619	2	1
RIMMA0350	608646	2	1
RIMMA0351	608652	2	1
RIMMA0352	608764	2	1
RIMMA0357	608777	2	1
RIMMA0360	N/A	18	1
RIMMA0362	N/A	8	1
RIMMA0363	N/A	16	1
RIMMA0370	N/A	17	1
RIMMA0372	N/A	24	1
RIMMA0373	N/A	22	1
RIMMA0408	478967	2	1
RIMMA0411	479044	1	1
RIMMA0413	484413	1	1
RIMMA0414	484421	1 8	1 0.9
RIMMA0424 RIMMA0432	485120 489126	8 1	0.9
RIMMA0434	490921	$\frac{1}{2}$	0.5
RIMMA0434	490921	1	0.5
RIMMA0442	537097	$\frac{1}{2}$	1
RIMMA0443	537099	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0444	538009	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0445	538011	2	1
RIMMA0446	539920	2	1
RIMMA0447	539921	2	1
RIMMA0448	539922	2	1
RIMMA0449	539923	2	1
RIMMA0450	539924	2	1
RIMMA0451	539926	2	1
RIMMA0452	539927	2	1
RIMMA0453	543843	2	1
RIMMA0454	543846	2	1
RIMMA0455	543847	2	1
RIMMA0456	543849	2	1
RIMMA0457	543850	2	1
RIMMA0458	547086	2	1
RIMMA0459	547088	2	1
RIMMA0483	600954	2	1
RIMMA0490 RIMMA0515	601003	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0515	601270	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0550	601416 601468	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0553	601489	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0559	601495	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0561	601497	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0562	601498	$\frac{2}{2}$	1
RIMMA0571	601562	2	1
RIMMA0572	601563	2	1
RIMMA0577	601568	2	1
RIMMA0579	601570	2	1
RIMMA0590	601724	2	1
RIMMA0591	601725	2	1
RIMMA0592	601729	2	1
RIMMA0593	601773	2	1
RIMMA0594	601774	2	1
RIMMA0595	601775	2	1
RIMMA0596	601776	2	1
RIMMA0597	601777	2	1
RIMMA0598	601778	2	1
RIMMA0599	601779	2	1
RIMMA0600	601780	2	1
RIMMA0601	601781	2	1
RIMMA0602	601782	2	1
RIMMA0603	601783	2	1
RIMMA0604	601784	2	1

Accession	USDA ID	Alleles Sampled	Hopscotch Freq.
RIMMA0605	601785	2	1
RIMMA0606	601786	2	1
RIMMA0607	601787	2	1
RIMMA0608	601788	2	1
RIMMA0609	601789	2	1
RIMMA0610	601790	2	1
RIMMA0611	601791	2	1
RIMMA0612	601792	2	1
RIMMA0613	601808	2	1
RIMMA0622	645837	2	0.5
RIMMA0624	645930	1	1
RIMMA0629	646057	2	0.5
RIMMA0631	646072	2	0.5
RIMMA0659	286729	2	1
RIMMA0660	485451	2	1
RIMMA0678	285833	1	1
RIMMA0681	628446	2	1
RIMMA0683	483568	2	1
RIMMA0684	28482	2	1
RIMMA0685	287623	4	1
RIMMA0693	487959	2	1
RIMMA0694	28487	2	1
RIMMA0695	28567	1	1
RIMMA0699	28465	2	1
RIMMA0704	28623	2	1
RIMMA0706	28615	2	1
RIMMA0711	29075	1	1
RIMMA0713	489399	2	1
RIMMA0715	28454	2	1
RIMMA0717	483926	2	1
RIMMA0718	484805	2	1
RIMMA0723	28565	2	1
RIMMA0724	490826	2	1
RIMMA0725	490827	1	1
RIMMA0728	484969	1	1
RIMMA0732	28456	2	1
RIMMA0734	26028	2	1
RIMMA0738	N/A	2	1
RIMMA0739	N/A	2	1
RIMMA0744	N/A	2	1
RIMMA0747	N/A	1	1
RIMMA0748	N/A	2	1
RIMMA0749	N/A	2	1
RIMMA0750	N/A	2	0.5
RIMMA0751	N/A	1	1
RIMMA0752	N/A	1	1
RIMMA0753	N/A	$\frac{1}{2}$	1
RIMMA0755	N/A	2	1

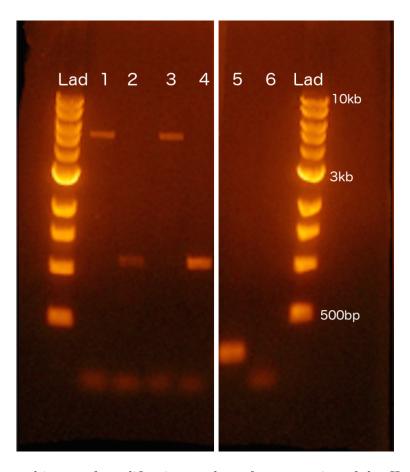


Figure S1: Agarose gel image of amplification products for genotyping of the *Hopscotch* element. Lanes 1 (HopF/HopR; 5kb band) and 2 (HopF/HopIntR; 1.1kb) are the products for one individual that is homozygous for the element; Lanes 3 (HopF/HopR; 5kb band) and 4 (HopF/HopIntR; 1.1kb) are also the products of an individual that is homozygous for the element; and Lanes 5 (HopF/HopR; 300bp) and 6 (HopF/HopIntR; N/A) are the products of an individual that is homozygous for the teosinte (lacking the *Hopscotch*) allele.



Figure S2: Neighbor-joining tree of the sequenced region in the 5' UTR (right; Region 1) and the 66,169 bp upstream region (left; Region 2) of tb1 using 10,000 bootstraps. Individuals with genotype data are colored: Homozygous for the teosinte (no Hopscotch) allele (red), homozygous for the maize (Hopscotch) allele (blue), heterozygotes (purple). TILs (teosinte inbred lines) are colored in green, with stars indicating the 3 TILs known to have the Hopscotch insertion. Black indicates individuals not genotyped for the Hopscotch insertion. EjuA refers to individuals from population Ejutla A, EjuB from Ejutla B, SLO from San Lorenzo, and MSA from La Mesa. Remaining individuals are lines of maize (Zea mays ssp. mays).