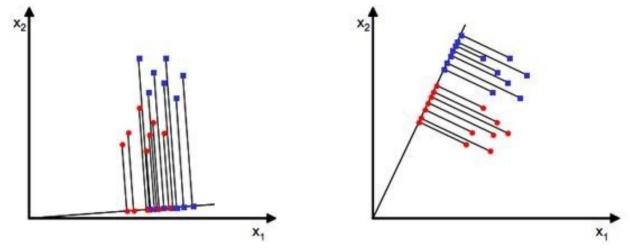
Fisherface是由Ronald Fisher发明的,想必这就是Fisherface名字由来。Fisherface所基于的LDA(Linear Discriminant Analysis,线性判别分析)理论和特征脸里用到的PCA有相似之处,都是对原有数据进行整体降维映射到低维空间的方法,LDA和PCA都是从数据整体入手而不同于LBP提取局部纹理特征。如果阅读本文有难度,可以考虑自学斯坦福公开课机器学习或者补充线代等数学知识。

同时作者要感谢cnblogs上的大牛JerryLead,本篇博文基本摘自他的线性判别分析(Linear Discriminant Analysis)[1]。

1、数据集是二类情况

通常情况下,待匹配人脸要和人脸库内的多张人脸匹配,所以这是一个多分类的情况。出于简单考虑,可以先介绍二类的情况然后拓展到多类。假设有二维平面上的两个点集x(x是包含横纵坐标的二维向量),它们的分布如下图(1)(分别以蓝点和红点表示数据):



原有数据是散布在平面上的二维数据,如果想用一维的量(比如到圆点的距离)来合理的表示而且区分开这些数据,该怎么办呢?一种有效的方法是找到一个合适的向量w(和数据相同维数),将数据投影到w上(会得到一个标量,直观的理解就是投影点到坐标原点的距离),根据投影点来表示和区分原有数据。以数学公式给出投影点到到原点的距离:y=wTx。图(1)给出了两种w方案,w以从原点出发的直线来表示,直线上的点是原数据的投影点。直观判断右侧的w更好些,其上的投影点能够合理的区分原有的两个数据集。但是计算机不知道这些,所以必须要有确定的方法来计算这个w。

首先计算每类数据的均值(中心点):

这里的i是数据的分类个数,Ni代表某个分类下的数据点数,比如u1代表红点的中心,u2代表蓝点的中心。

数据点投影到w上的中心为:

$$\widetilde{\mu_i} = \frac{1}{N_i} \sum_{y \in \omega_i} y = \frac{1}{N_i} \sum_{x \in \omega_i} w^T x = w^T \mu_i$$

如何判断向量w最佳呢,可以从两方面考虑: 1、不同的分类得到的投影点要尽量分开; 2、同一个分类投影后得到的点要尽量聚合。从这两方面考虑,可以定义如下公式:

$$J(w) = |\widetilde{\mu_1} - \widetilde{\mu_2}| = |w^T(\mu_1 - \mu_2)|$$

I(w)代表不同分类投影中心的距离,它的值越大越好。

$$\widetilde{\mathbf{s}}_{i}^{2} = \sum_{\mathbf{y} \in \omega_{i}} (\mathbf{y} - \widetilde{\mu}_{i})^{2}$$

上式称之为散列值(scatter matrixs),代表同一个分类投影后的散列值,也就是投影点的聚合度,它的值越小代表投影点越聚合。

结合两个公式,第一个公式做分子另一个做分母:

上式是w的函数, 值越大w降维性能越好, 所以下面的问题就是求解使上式取最大值的w。

把散列函数展开:

$$\widetilde{s_i}^2 = \sum_{y \in \omega_i} (y - \widetilde{\mu_i})^2 = \sum_{x \in \omega_i} (w^T x - w^T \mu_i)^2 = \sum_{x \in \omega_i} w^T (x - \mu_i) (x - \mu_i)^T w$$

可以发现除w和wîT外,剩余部分可以定义为:

$$S_i = \sum_{x \in \omega_i} (x - \mu_i)(x - \mu_i)^T$$

其实这就是原数据的散列矩阵了,对不对。对于固定的数据集来说,它的散列矩阵也是确定的。

另外定义:

Sw称为Within-class scatter matrix。

回到并用上面的两个定义做替换,得到:

$$\widetilde{s_1}^2 + \widetilde{s_2}^2 = w^T S_w w$$

展开J(w)的分子并定义SB, SB称为Between-class scatter。

$$\left(\widetilde{\boldsymbol{\mu}}_{\!1} - \widetilde{\boldsymbol{\mu}}_{\!2}\right)^{\!2} = \left(\boldsymbol{w}^{\mathsf{T}}\boldsymbol{\mu}_{\!1} - \boldsymbol{w}^{\mathsf{T}}\boldsymbol{\mu}_{\!2}\right)^{\!2} = \boldsymbol{w}^{\mathsf{T}}\underbrace{\left(\boldsymbol{\mu}_{\!1} - \boldsymbol{\mu}_{\!2}\right)\!\!\left(\boldsymbol{\mu}_{\!1} - \boldsymbol{\mu}_{\!2}\right)^{\!\mathsf{T}}}_{S_{\scriptscriptstyle B}} \boldsymbol{w} = \boldsymbol{w}^{\mathsf{T}}\boldsymbol{S}_{\scriptscriptstyle B}\boldsymbol{w}$$

这样就得到了J(w)的最终表示:

上式求极大值可以利用<u>拉格朗日乘数法</u>,不过需要限定一下分母的值,否则分子分母都变,怎么确定最好的w呢。可以令,利用拉格朗日乘数法得到:

$$c(w) = w^{t} S_{BW} - \lambda (w^{t} S_{WW} - 1)$$

$$\Rightarrow \frac{dc}{dw} = 2S_{BW} - 2\lambda S_{WW} = 0$$

$$\Rightarrow S_{BW} = \lambda S_{WW}$$

其中w是矩阵,所以求导时可以把当做。(这点我也不懂)

上式两边同乘以可以得到:

可以发现w其实就是矩阵的特征向量了对不对。

通过上式求解w还是有些困难的,而且w会有多个解,考虑下式:

$$S_B = (\mu_1 - \mu_2)(\mu_1 - \mu_2)^T$$

将其带入下式:

$$S_B W = (\mu_1 - \mu_2)(\mu_1 - \mu_2)^T W = (\mu_1 - \mu_2) * \lambda_W$$

其中 λ w是以w为变量的数值,因为(u1-u2) $^{\hat{}}$ T和w是相同维数的,前者是行向量后者列向量。继续带入以前的公式:

$$S_w^{-1}S_B w = S_w^{-1}(\mu_1 - \mu_2) * \lambda_w = \lambda w$$

由于w扩大缩小任何倍不影响结果,所以可以约去两遍的未知常数 λ 和 λ w(存疑):

$$w = S_w^{-1}(\mu_1 - \mu_2)$$

到这里, w就能够比较简单的求解了。

2、数据集是多类的情况

这部分是本博文的核心。假设有C个人的人脸图像,每个人可以有多张图像,所以按人来分,可以将图像分为C类,这节就是要解决如何判别这C个类的问题。判别之前需要先处理下图像,将每张图像按照逐行逐列的形式获取像素组成一个向量,和第一节类似设该向量为x,设向量维数为n,设x为列向量(n行1列)。

和第一节简单的二维数据分类不同,这里的n有可能成千上万,比如100x100的图像得到的向量为10000维,所以第一节里将x投影到一个向量的方法可能不适用了,比如下图:

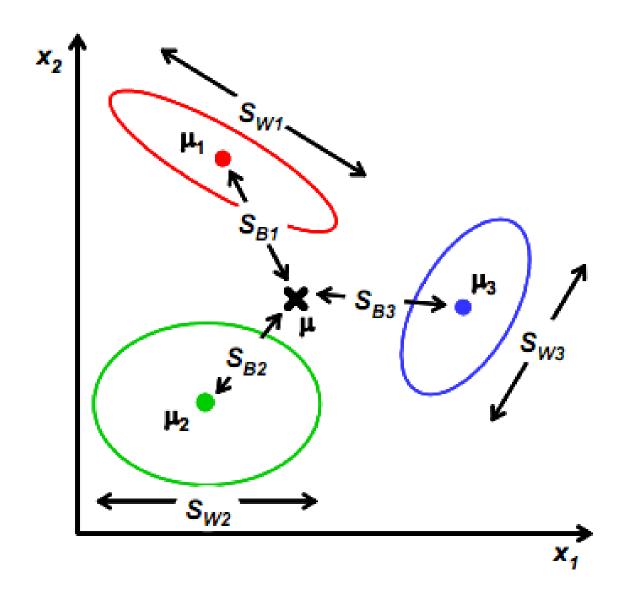


图 (2)

平面内找不到一个合适的向量,能够将所有的数据投影到这个向量而且不同类间合理的分 开。所以我们需要增加投影向量w的个数(当然每个向量维数和数据是相同的,不然怎么投 影呢),设w为:

w1、w2等是n维的列向量,所以w是个n行k列的矩阵,这里的k其实可以按照需要随意选取,只要能合理表征原数据就好。x在w上的投影可以表示为:

所以这里的y是k维的列向量。

像上一节一样,我们将从投影后的类间散列度和类内散列度来考虑最优的w,考虑图(2)中二维数据分为三个类别的情况。与第一节类似, μ i 依然代表类别 i 的中心,而 Sw定义如下:

其中:

$$S_{wi} = \sum_{x \in \omega_i} (x - \mu_i)(x - \mu_i)^T$$

代表类别i的类内散列度,它是一个nxn的矩阵。

所有x的中心 μ 定义为:

$$\mu = \frac{1}{N} \sum_{\forall x} x = \frac{1}{N} \sum_{x \in \omega_i} N_i \mu_i$$

类间散列度定义和上一节有较大不同:

$$S_B = \sum_{i=1}^{C} N_i (\mu_i - \mu) (\mu_i - \mu)^T$$

代表的是每个类别到 μ 距离的加和,注意Ni代表类别i内x的个数,也就是某个人的人脸图像个数。

上面的讨论都是投影之间的各种数据,而J(w)的计算实际是依靠投影之后数据分布的,所以有:

$$\widetilde{S_w} = \sum_{i=1}^{c} \sum_{y \in \omega_i} (y - \widetilde{\mu_i}) (y - \widetilde{\mu_i})^T$$

$$\widetilde{S_B} = \sum_{i=1}^{C} N_i (\widetilde{\mu_i} - \widetilde{\mu}) (\widetilde{\mu_i} - \widetilde{\mu})^T$$

分别代表投影后的类别i的中心,所有数据的中心,类内散列矩阵,类间散列矩阵。与上节类似J(w)可以定义为:

回想我们上节的公式J(w),分子是两类中心距,分母是每个类自己的散列度。现在投影方向是多维了(好几条直线),分子需要做一些改变,我们不是求两两样本中心距之和(这个对描述类别间的分散程度没有用),而是求每类中心相对于全样本中心的散列度之和。得到:

$$J(w) = \frac{|\widetilde{S_B}|}{|\widetilde{S_w}|} = \frac{|W^T S_B W|}{|W^T S_w W|}$$

最后化为:

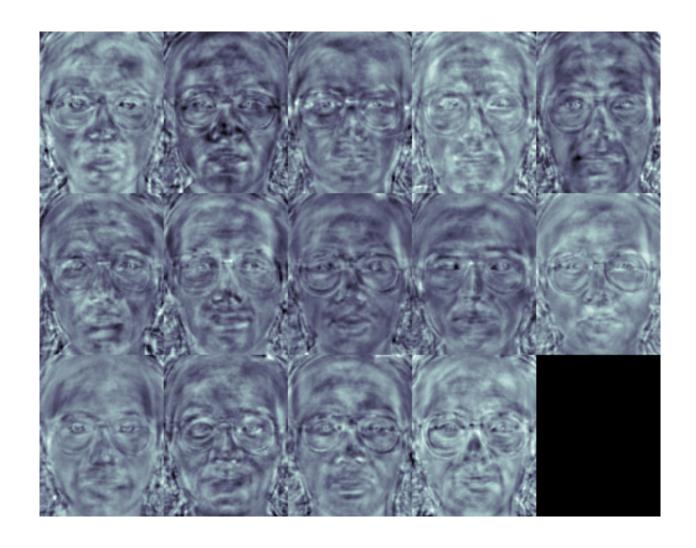
还是求解矩阵的特征向量,然后根据需求取前k个特征值最大的特征向量。

另外还需注意:

由于SB中的(μ i- μ)秩为1,所以SB的至多为C(矩阵的秩小于等于各个相加矩阵的和)。 又因为知道了前C-1个 μ i后,最后一个 μ c可以用前面的 μ i来线性表示,因此SB的秩至多为C-1,所以矩阵的特征向量个数至多为C-1。因为C是数据集的类别,所以假设有N个人的照片,那么至多可以取到N-1个特征向量来表征原数据。(存疑)

如果你读过前面的一篇文章<u>PCA理论分析</u>,会知道PCA里求得的特征向量都是正交的,但是这里的并不是对称的,所以求得的K个特征向量不一定正交,这是LDA和PCA最大的不同。

如前所述,如果在一个人脸集合上求得k个特征向量,还原为人脸图像的话就像下面这样:



得到了k个特征向量,如何匹配某人脸和数据库内人脸是否相似呢,方法是将这个人脸在k个特征向量上做投影,得到k维的列向量或者行向量,然后和已有的投影求得欧式距离,根据阈值来判断是否匹配。具体的方法在人脸识别经典算法一:特征脸方法(Eigenface)里有,可前往查看。需要说明的是,LDA和PCA两种方法对光照都是比较敏感的,如果你用光照均匀的图像作为依据去判别非均匀的,那基本就惨了。

参考文献:

- [1]Jerry Lead线性判别分析 (Linear Discriminant Analysis) (一)
- [2]http://docs.opencv.org/modules/contrib/doc/facerec/facerec_tutorial.html