

Analyse de la Fréquence Allélique et Dédution du Pourcentage Tumoral

Léo Zwilling

2024-08-20

Fichiers analysés

-constit-enrici.txt -somatique-enrici.txt

Introduction

Ce document effectue une analyse de la fréquence des allèles et estime le pourcentage tumoral de l'échantillon. Il comprend la préparation des données, la visualisation et des statistiques récapitulatives.

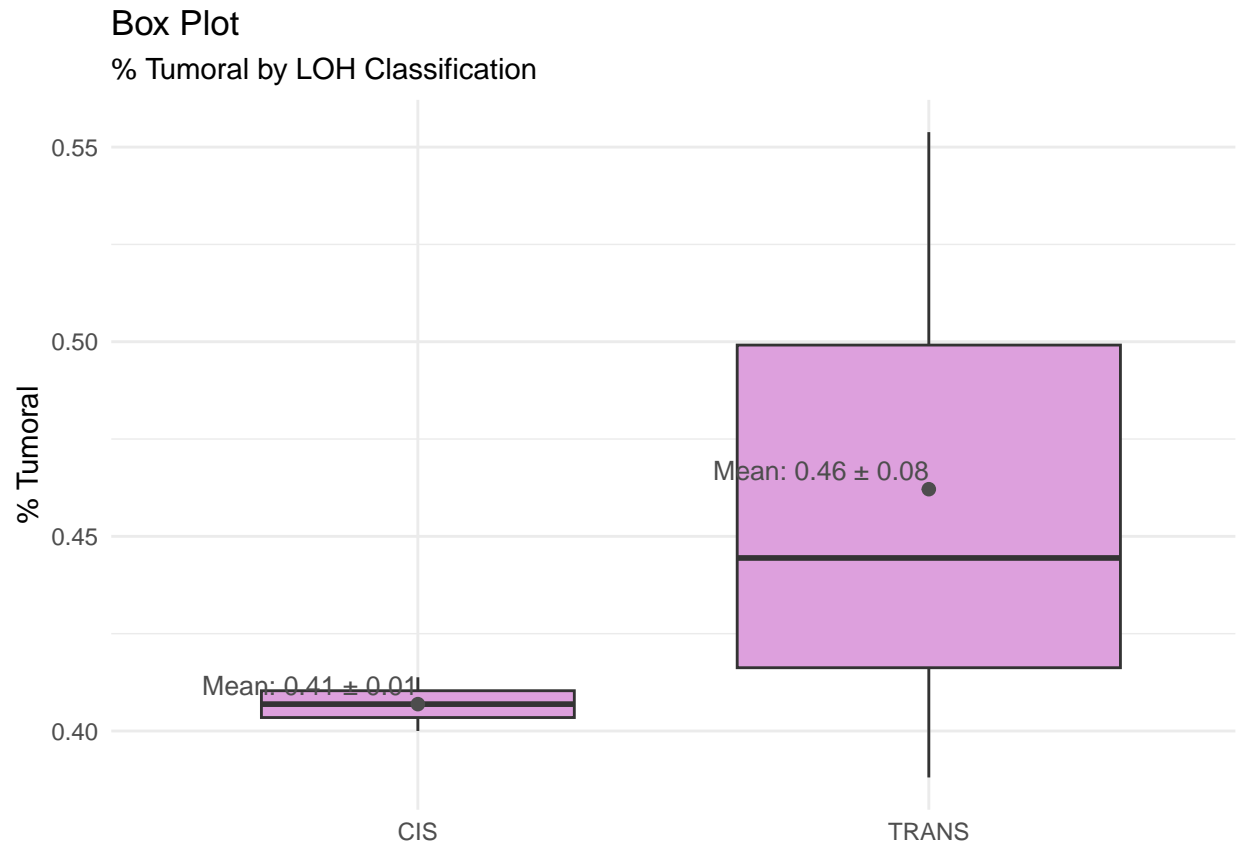
Aggrégation des données

Tableau ordonné par position génomique, avec ajout de la classification CIS ou TRANS de la LOH, et calcul du pourcentage tumoral estimé. Les suffixes ".cons" désignent les données du séquençage constitutif et ".tum" celles du séquençage somatique. La fréquence allélique somatique (Coverage.tum) a été normalisée par rapport à la fréquence somatique.

Pos.	Gene.cons	Coverage.cons	Coverage.tum	LOH	%tumoral
chr3:g.37083740	MLH1	46.0	36.95652	CIS	0.4137931
chr3:g.37053568	MLH1	48.0	37.50000	CIS	0.4000000
chr2:g.48030647	MSH6	3.8	5.80000		NA
chr2:g.47693959	MSH2	49.0	64.28571	TRANS	0.4444444
chr2:g.47693788	MSH2	47.0	69.14894	TRANS	0.5538462
chr2:g.47630550	MSH2	97.0	99.00000		NA
chr2:g.47630213	MSH2	54.0	62.03704	TRANS	0.3880597
chr2:g.47601106	EPCAM	97.0	99.00000		NA

Boxplot Visualization

Représentation des variations du %tumoral estimé par classe, montrant la moyenne et l'écart type.



```
## [1] 0.4400287
```

Results

La moyenne de pourcentage tumoral CIS et TRANS confondus est de 44%.