

Работа с базами данных

1. PubMed

Берем имя Pavel Pevzner

Составить список университетов, в которых работают соавторы Pevzner'a.

Advanced Search → Add terms to the query box → Author: Pavel Pevzner → Search (187 results) → Display Options → Per page: 200, Format: PubMed → Ctrl + F, Contains: AD

2. DB-NCBI-PubMed

Посчитать сколько публикаций было подано в PubMed в с 15 декабря 2022 по 20 декабря 2022 года и получить их список в формате PMC.

Search: 2022/12/15:2022/12/20

3. DB-NCBI-volvox

*Скачать кодирующие последовательности, которые известны для организма volvox (что это за организм?).
Оставить только формат FASTA.*

Вольвокс (лат. Volvox) — род подвижных колониальных организмов, относящийся к отделу зелёных водорослей. Обитают в стоячих пресных водоёмах. При массовом размножении вызывают цветение воды, окрашивая её в зелёный цвет.



4. DB-Ensembl

Найти список хромосом и их длину последнего референса генома мыши. Формат ответа: <имя хромосомы>-<длина хромосомы> - описать как был получен результат.

Mouse→View karyotype→Кликаем на номер хромосомы→Summary:
Chromosome ...→Chromosome Statistics→Length

5. DB-UNIPROT

Найти человеческие протеины, содержащие внутри себя подпоследовательности AAVGPQKATA. Вывести список их имен и длину пептидов.

6. DB-UCSC

Используя табличный браузер достать последовательность генома в диапазоне от 10000 до 10500 (нумерация внутри хромосомы с 1) для хромосомы A1 кошки. NB. Упоминание про нумерацию не зря).

Mouse→View karyotype→A1→View