Aprendizaje No Supervisado: Clustering

Juan F. Pérez

Departamento MACC Matemáticas Aplicadas y Ciencias de la Computación Universidad del Rosario

juanferna.perez@urosario.edu.co

2019

Contenidos

- Introducción
- Clustering/Análisis de Conglomerados
- K-means
- Means en R
- Clustering Jerárquico
- 6 Clustering con datos categóricos

Introducción

Introducción

- Búsqueda de patrones
- Estudio de fenómenos físicos
- Reconocimiento de patrones
- Descubrimiento automático de regularidades
- Algoritmos computacionales

 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado

 Resultado es una o varias variables continuas (no un número finito de categorías)

 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado

 Resultado es una o varias variables continuas (no un número finito de categorías)

Regresión



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado



Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado

Resultado es una categoría (de un número finito de posibles categorías)



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i como las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje supervisado

 Resultado es una categoría (de un número finito de posibles categorías)

Clasificación



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado

Objetivo es descubrir grupos similares



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado

Objetivo es descubrir grupos similares

Clustering (análisis de conglomerados)



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado



 Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado

 Objetivo es determinar la distribución de los datos en el espacio de entrada

■ Datos de entrenamiento contienen las características x_i pero NO las categorías/etiquetas t_i

Aprendizaje no supervisado

 Objetivo es determinar la distribución de los datos en el espacio de entrada

Estimación de densidades



Objetivo:

 Dadas n observaciones cada una descrita como un vector x de dimensión D (características)

- Dadas n observaciones cada una descrita como un vector x de dimensión D (características)
- Descubrir grupos de observaciones similares

- Dadas n observaciones cada una descrita como un vector x de dimensión D (características)
- Descubrir grupos de observaciones similares
- Grupo = cluster = conglomerado

- Dadas n observaciones cada una descrita como un vector x de dimensión D (características)
- Descubrir grupos de observaciones similares
- Grupo = cluster = conglomerado
- NO hay etiquetas \rightarrow no sabemos si efectivamente hay clusters o cuántos hay

- Dadas n observaciones cada una descrita como un vector x de dimensión D (características)
- Descubrir grupos de observaciones similares
- Grupo = cluster = conglomerado
- NO hay etiquetas \rightarrow no sabemos si efectivamente hay clusters o cuántos hay
- → diferente al problema de clasificación

■ Se toman muestras de un tejido canceroso de *n* pacientes

- Se toman muestras de un tejido canceroso de *n* pacientes
- Para cada muestra se obtienen D descriptores (características): medidas físicas, químicas, imágenes

- Se toman muestras de un tejido canceroso de *n* pacientes
- Para cada muestra se obtienen D descriptores (características): medidas físicas, químicas, imágenes
- Se busca identificar casos/muestras similares

- Se toman muestras de un tejido canceroso de *n* pacientes
- Para cada muestra se obtienen D descriptores (características): medidas físicas, químicas, imágenes
- Se busca identificar casos/muestras similares
- Podrían reflejar estados similares de avance de la enfermedad, respuesta similar a tratamiento, tipos diferentes de enfermedad/paciente

- Se toman muestras de un tejido canceroso de *n* pacientes
- Para cada muestra se obtienen D descriptores (características): medidas físicas, químicas, imágenes
- Se busca identificar casos/muestras similares
- Podrían reflejar estados similares de avance de la enfermedad, respuesta similar a tratamiento, tipos diferentes de enfermedad/paciente
- No se sabe *a priori* pero se quiere explorar

■ Se tiene información de *n* clientes

- Se tiene información de *n* clientes
- Para cada cliente se obtienen *D* descriptores (características): hábitos de compra, datos socio-demográficos

- Se tiene información de *n* clientes
- Para cada cliente se obtienen *D* descriptores (características): hábitos de compra, datos socio-demográficos
- Se busca identificar clientes similares

- Se tiene información de *n* clientes
- Para cada cliente se obtienen D descriptores (características): hábitos de compra, datos socio-demográficos
- Se busca identificar clientes similares
- Podrían reflejar potenciales clientes de nuevos productos, interés en ofertas de cierto tipo, capacidad/deseo de compra de ciertos artículos

- Se tiene información de *n* clientes
- Para cada cliente se obtienen *D* descriptores (características): hábitos de compra, datos socio-demográficos
- Se busca identificar clientes similares
- Podrían reflejar potenciales clientes de nuevos productos, interés en ofertas de cierto tipo, capacidad/deseo de compra de ciertos artículos
- No se sabe *a priori* pero se quiere explorar

Ejemplos

- Se tiene información de *n* clientes
- Para cada cliente se obtienen *D* descriptores (características): hábitos de compra, datos socio-demográficos
- Se busca identificar clientes similares
- Podrían reflejar potenciales clientes de nuevos productos, interés en ofertas de cierto tipo, capacidad/deseo de compra de ciertos artículos
- No se sabe *a priori* pero se quiere explorar
- (Segmentación del mercado)

Clusters de observaciones similares

- Clusters de observaciones similares
- Cada cluster puede reflejar un conjunto de interés a analizar

- Clusters de observaciones similares
- Cada cluster puede reflejar un conjunto de interés a analizar
- Reducción o simplificación de información

- Clusters de observaciones similares
- Cada cluster puede reflejar un conjunto de interés a analizar
- Reducción o simplificación de información
- Simplificar o posibilitar el análisis de grandes cantidades de información multi-dimensional



■ Agrupar observaciones en *K* clusters



- Agrupar observaciones en *K* clusters
- Para cada observación se determina a cuál de los clusters pertenece (solo uno)

- Agrupar observaciones en *K* clusters
- Para cada observación se determina a cuál de los clusters pertenece (solo uno)
- Clusters C_1, \ldots, C_K



- Agrupar observaciones en *K* clusters
- Para cada observación se determina a cuál de los clusters pertenece (solo uno)
- Clusters C_1, \ldots, C_K
- Toda observación pertenece a un solo cluster



■ Visión 1:



- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí



- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí
 - Observaciones en clusters diferentes deben ser relativamente diferentes

- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí
 - Observaciones en clusters diferentes deben ser relativamente diferentes
- Visión 2:



- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí
 - Observaciones en clusters diferentes deben ser relativamente diferentes
- Visión 2:
 - Una observación debe ser más parecida a otras observaciones en el mismo cluster que a observaciones en otros clusters

- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí
 - Observaciones en clusters diferentes deben ser relativamente diferentes
- Visión 2:
 - Una observación debe ser más parecida a otras observaciones en el mismo cluster que a observaciones en otros clusters
- Visión 3:



- Visión 1:
 - Observaciones en un mismo cluster deben ser parecidas entre sí
 - Observaciones en clusters diferentes deben ser relativamente diferentes
- Visión 2:
 - Una observación debe ser más parecida a otras observaciones en el mismo cluster que a observaciones en otros clusters
- Visión 3:
 - Minimizar la variabilidad al interior de cada cluster conformado



■ Minimizar la variabilidad al interior de cada cluster conformado



- Minimizar la variabilidad al interior de cada cluster conformado
- ullet Sea V_k una medida de la variabilidad en el cluster k



- Minimizar la variabilidad al interior de cada cluster conformado
- ullet Sea V_k una medida de la variabilidad en el cluster k
- Objetivo de K-means:

$$\min \sum_{k=1}^K V_k$$



ullet Determinar V_k una medidad de la variabilidad en el cluster k



- lacktriangle Determinar V_k una medidad de la variabilidad en el cluster k
- Distancia (euclideana) entre todos los puntos del cluster

- ullet Determinar V_k una medidad de la variabilidad en el cluster k
- Distancia (euclideana) entre todos los puntos del cluster
- Suponiendo una sola característica (x_i es un número)

$$V_k = \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} (x_i - x_j)^2$$



- ullet Determinar V_k una medidad de la variabilidad en el cluster k
- Distancia (euclideana) entre todos los puntos del cluster
- Suponiendo una sola característica (xi es un número)

$$V_k = \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} (x_i - x_j)^2$$

■ Caso general con D características (x_i es un vector con entradas $x_{i,d}$):

$$V_k = \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} \sum_{d=1}^{D} (x_{i,d} - x_{j,d})^2$$



Objetivo de K-means:

$$\min \sum_{k=1}^{K} \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} \sum_{d=1}^{D} (x_{i,d} - x_{j,d})^2$$

■ Objetivo de K-means:

$$\min \sum_{k=1}^{K} \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} \sum_{d=1}^{D} (x_{i,d} - x_{j,d})^2$$

Problema de optimización



Objetivo de K-means:

$$\min \sum_{k=1}^{K} \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} \sum_{d=1}^{D} (x_{i,d} - x_{j,d})^2$$

- Problema de optimización
- K^n formas de asignar n observaciones a K clusters



■ Objetivo de K-means:

$$\min \sum_{k=1}^{K} \frac{1}{|C_k|} \sum_{i,j \in C_k} \sum_{d=1}^{D} (x_{i,d} - x_{j,d})^2$$

- Problema de optimización
- K^n formas de asignar n observaciones a K clusters
- ¿Cómo resolverlo?



Algoritmo sencillo que encuentra una muy buena solución



- Algoritmo sencillo que encuentra una muy buena solución
- Algoritmo eficiente: ejecución veloz y escalable a muchos datos

- Algoritmo sencillo que encuentra una muy buena solución
- Algoritmo eficiente: ejecución veloz y escalable a muchos datos
- No garantiza que se encuentre la mejor solución (óptimo)

- Algoritmo sencillo que encuentra una muy buena solución
- Algoritmo eficiente: ejecución veloz y escalable a muchos datos
- No garantiza que se encuentre la mejor solución (óptimo)
- El centroide y_k del cluster k, :

$$y_k = \frac{1}{|C_k|} \sum_{i \in C_k} x_i$$



- Algoritmo sencillo que encuentra una muy buena solución
- Algoritmo eficiente: ejecución veloz y escalable a muchos datos
- No garantiza que se encuentre la mejor solución (óptimo)
- El centroide y_k del cluster k, :

$$y_k = \frac{1}{|C_k|} \sum_{i \in C_k} x_i$$

• Centroide y_k : punto medio del cluster k



- 1. Seleccione K centroides al azar, uno para cada cluster
- 2. Hasta que los centroides no cambien más, repita:
 - 1) Asigne cada observación al cluster más cercano
 - 2) Para cada cluster, re-calcule el centroide

K-Means en R



K-Means en R

```
set.seed (2) 
 x=matrix (rnorm (50*2), ncol =2) 
 x[1:25, 1]=x[1:25, 1]+3 
 x[1:25, 2]=x[1:25, 2]-4
```



K-Means en R

```
km =kmeans (x,2, nstart =20)
km$cluster

plot(x, col =(km$cluster +1) ,
    main="Clustering con K-Means - K=2",
    xlab ="", ylab="", pch =20, cex =2)
```

K-Means en R

K-Means en R

```
set.seed (3)
km =kmeans (x,3, nstart =1)
km$tot.withinss
```



Dendogramas

- Árboles
- Hojas: observaciones
- Bottom-up: se van fusionando ramas hasta llegar a la raiz
- En cada paso se fusionan las dos ramas más parecidas
- Similitud: distancia entre ramas/grupos
- Si las ramas/grupos están compuestas de una observación: distancia entre dos puntos

- ¿Si las ramas/grupos contienen múltiples observaciones?
- Linkage
- Complete: máxima distancia entre los puntos de los grupos
- Single: mínima distancia entre los puntos de los grupos
- Average: distancia promedio entre los puntos de los grupos
- Centroid: distancia entre los centroide de los grupos

```
hc.complete =
  hclust (dist(x), method = "complete")
hc.single =
  hclust (dist(x), method = "single")
hc.average =
  hclust (dist(x), method = "average")
```

```
Dendogramas
```

```
hc.complete =
  hclust (dist(x), method = "complete")
hc.single =
  hclust (dist(x), method = "single")
hc.average =
  hclust (dist(x), method = "average")
```

```
par(mfrow = c(1,3))
plot (hc.complete,
  main = "Complete Linkage", xlab="", sub = "",
  cex = .9
plot (hc.average,
  main = "Average Linkage", xlab="", sub = "".
  cex = .9
plot (hc. single
  main="Single Linkage", xlab="", sub ="",
  cex = .9
```

```
cutree (hc.complete , 2)
cutree (hc.average , 2)
cutree (hc.single , 2)
cutree (hc.single , 4)
```

¿Distancia?

- Euclidiana
- Correlación
- Alerta: datos categóricos

¿Escala?

- Escala original
- lacktriangle Escala estadarizada (desviación estándar =1)
- Impacto en agrupamiento (jerárquico o k-means)

Clustering Jerárquico con características estandarizadas

```
y <- USArrests
summary (y)
apply(y, 2, sd)
vsc=scale(v)
summary (ysc)
apply(ysc, 2, sd)
ysc_clust = hclust (
  dist(ysc), method = "complete")
plot(ysc_clust,
  main = "Clustering jerárquico")
```

- No es posible usar la misma medida de distancia
- Similitud: si son iguales 0, de lo contrario 1
- k-modes
- k-prototypes

```
?mtcars
x <- mtcars
names(x)
class(x)
sapply(x, typeof)
str(x)
x$vs <- factor(x$vs)
levels (x$vs)
x$am <- factor(x$am)
levels (x$am)
```

```
install.packages("klaR")
library(klaR)
km =kmodes(x[,c("vs","am")],2)
names(km)
km$cluster
km$withindiff
km$modes
x[km$cluster==2,c("vs","am")]
```

```
install.packages("clustMixType")
library(clustMixType)
km = kproto(x,2)
names(km)

km$centers
km$withinss
km$tot.withinss
km$size
```

```
pairs (x, col = (km  cluster +1),
pch = 20, cex = 2)
```