

Compétences

Langages et technologies: Java (Swing, Android SDK), JavaScript (jQuery, Ajax), HTML5/CSS3 (Bootstrap, Twitter, Semantic UI, Responsive Design), Python (Django, Scipy, Sklearn, Theano, Biopython, Flask), Base de données (MySQL, SQLite), Matlab, Perl, PHP.

Centres d'intérêts: Phylogénétique, séquençage et annotation de génomes, théorie des graphes, réseaux biologiques, apprentissage machine, évolution de familles de gènes.

Formation

Doctorat en Bio-informatique
Université de Montréal

Automne 2014 - présent

Baccalauréat en Bio-informatique
Université de Montréal

Automne 2011 - Hiver 2014

Expérience en enseignement

Auxiliaire d'enseignement
IFT3295 - Bio-informatique génomique

Automne 2015

Auxiliaire d'enseignement
IFT1065 - Structures discrètes en informatique

Hiver 2015

Auxiliaire d'enseignement
BCM 2002 - T.P. de biologie moléculaire

Automne 2014

Expérience en recherche

Auxiliaire de recherche (Montréal, Canada)
Développement de profileNJ, un outil de correction d'arbres.
Laboratoire de Biologie Informatique et Théorique, DIRO
Université de Montréal

Février 2014 - Août 2014

Auxiliaire de recherche (Montréal, Canada)
Développement d'outils de quantification d'ARNs en 2D et en 3D
Laboratoire Zenklusen, Département de Biochimie
Université de Montréal

Juin 2013 - Janvier 2014

Stagiaire de recherche (Montréal, Canada)
Modélisation 3D d'une ARN ligase identifiée *in silico* chez *D. papillatum*.
Centre Robert-Cedergren
Université de Montréal

Juin 2012 - Août 2012

Implication académique

Organisation du premier Bio-hackathon de l'Université de Montréal
Planification de l'évènement, Création du site internet, promotion sur les réseaux sociaux, accueil des participants et des professeurs.

Mai 2015

Vice-président aux communications
Association des Étudiants de Bio-Informatique de l'Université de Montréal (AEBINUM)

2014 - présent

Participation à des comités d'arbitrage d'articles scientifiques

Sub-Reviewer pour RECOMB-CG 2015

19th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology

Sub-Reviewer pour RECOMB 2016

20th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology

Sub-Reviewer pour APBC 2016

14th Asia Pacific Bioinformatics Conference

Publications

- Noutahi, E., Semeria, M., Lafond, M., Seguin, J., Boussau, B., Guéguen, L., & Tannier, E. (2015). *Efficient gene tree correction guided by species and syntenic evolution*.
- Moreira, S., Noutahi, E., Lamoureux, G., & Burger, G. (2015). Three-dimensional structure model and predicted ATP interaction rewiring of a deviant RNA ligase 2. *BMC structural biology*, 15(1), 20.

Articles de conférences avec comité de lecture

- Rahman S., Zorca C., Noutahi E., Zenklusen D. *Dissecting eRNA mediated transcription regulation in single cells*. RNA and Epigenetics (p315–321) 19th Annual Meeting of the RNA Society (2014).

Posters pour conférences avec comité de lecture

- Lafond M., Noutahi E., Séguin J., Semeria M., El-Mabrouk N., Gueguen L., Tannier E. *Gene Tree Correction with TreeSolver*. Recomb-CG (2014).
- El-Mabrouk N., Gueguen L., Lafond M., Noutahi E., Séguin J., Semeria M. and Tannier E. *Genome-wide gene tree correction*. ECCB'14 (2014).