МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА) Кафедра МО ЭВМ

ОТЧЕТ по учебной

практике

по дисциплине «Генетические алгоритмы и PSA»

Тема: Применение генетического алгоритма к задаче оптимизации с графическим интерфейсом.

Студент гр. 3384	Поздеев В. Д.
Студент гр. 3381	Марков М. М.
Преподаватель	Жангиров Т.Р.

Санкт-Петербург

Цель работы.

Изучить и реализовать генетические алгоритмы для решения задач оптимизации с интерактивным графическим интерфейсом, позволяющим настраивать параметры, визуализировать процесс эволюции решений и анализировать их качество по поколениям.

Задание.

Вариант 17. Задача минимизации задержек

Дано N задач, каждая из которых имеет свое время выполнения и дедлайн к которому она должна быть выполнена. Задача, это составить расписание с минимальными задержками. Задержка — количество времени, на которое выполнение задач превысило дедлайны.

Выполнение работы.

Этап 1. Формирование бригады, выбор ЯП и распределение ролей.

В рамках первого этапа проекта была сформирована бригада из двух человек. Выбран язык программирования Python. Распределение ролей было примерно следующим (в github репозитории по issues видно):

- Поздеев Вадим: разработка графического интерфейса (GUI), настройка визуализации хода выполнения алгоритма, построение графиков изменения приспособленности.
- Марков Марк: разработка базовых классов, парсеров данных, создание абстрактных классов и конкретных стратегий отбора, скрещивания и мутации.
- Вместе: работа над классом генетического алгоритма, интеграция компонентов, отладка и корректировка взаимодействия всех модулей, стили графического приложения.

Итерация 2. Демонстрация прототипа GUI и плана решения задачи (описание формата данных, используемых функций качества, и т.д.)

На данном этапе было реализовано следующее.

Backend

Файл defaultClasses.py

В *defaultClasses.py* сосредоточены базовые сущности, на которых строится вся логика работы генетического алгоритма.

Класс *Task*. Использует @dataclass для автоматического создания конструктора и методов сравнения/представления. При создании объекта через __post_init__ ему назначается уникальный целочисленный идентификатор id (счетчик _next_id), после чего вызывается метод _validate(), проверяющий, что поля time и deadline неотрицательны. В случае нарушения этого условия генерируется ValueError, что предотвращает использование некорректных данных на ранней стадии.

Класс *ParamGeneticAlgorithm* также оформлен как *@dataclass* и хранит все важнейшие параметры для управления эволюцией:

- *crossover* вероятность применения операции скрещивания;
- *mutation* вероятность мутации каждой особи;
- *num individuals* размер популяции;
- *num_generations* число поколений, через которые должен пройти алгоритм;
- *num_to_select* сколько особей отбирать перед операцией скрещивания.

В методе <u>__post_init__</u> вызывается <u>__validate()</u>, который выбросит исключение при выходе любых параметров за логически допустимые границы (например, вероятность вне [0,1] или слишком маленькая популяция).

Класс *ScheduleInfo* представляет одну особь популяции — конкретный порядок выполнения задач (наша особь (хромосома) состоит из перестановок генов). В конструкторе он копирует переданный список индексов *order*, сохраняет ссылку на общий список *tasks* и сразу же вычисляет целевую функцию — суммарную задержку (*tardiness*) при помощи метода *calculate tardiness*().

Этот метод итерируется по порядку индексов, накапливая общее время и добавляя к сумме только положительные отклонения от дедлайнов. Каждая особь также получает свой уникальный идентификатор id через счетчик _next_id, что облегчает отладку и визуализацию. Метод copy() создаёт глубокую копию особи, позволяя безопасно дублировать её при операциях отбора и скрещивания.

Перечисление *State* задаёт четыре логических этапа работы алгоритма:

- *INIT* инициализация первоначальной популяции;
- *SELECTION* этап отбора лучших особей для скрещивания;
- *CROSSBREEDING* применение операции скрещивания;
- *MUTATION* применение мутаций ко всем потомкам.

Это перечисление используется для управления потоком выполнения алгоритма и для маркировки каждого поколения.

Класс *GenerationState* обеспечивает хранение полного «снимка» одного поколения в любой из четырёх стадий. В нём содержатся:

- population список всех объектов ScheduleInfo;
- *state* значение из State, указывающее, на каком этапе находится поколение;
- best ссылка на лучшую особь по минимальной задержке, вычисляемая в post init ;
- average tardiness среднее значение задержки по всем особям.

Кроме того, каждая инстанция *GenerationState* получает свой уникальный идентификатор id через внутренний счётчик _next_id, что позволяет сохранять историю поколений, перемещаться «шаг за шагом» вперёд и назад и отображать динамику изменения показателей на графиках.

В сумме эти классы образуют фундаментальную модель: *Task* описывает отдельно взятую задачу, *ParamGeneticAlgorithm* — параметры работы ГА, *ScheduleInfo* — одну упорядоченную комбинацию задач с вычисленной метрикой качества, а *GenerationState* — состояние всей популяции в конкретный момент

эволюции. Перечисление *State* контролирует порядок фаз алгоритма, обеспечивая возможность пошаговой демонстрации и анализа.

Файл selection.py

В *selection.py* содержится модуль, отвечающий за реализацию разнообразных методов отбора (selection) особей из текущей популяции перед операцией скрещивания.

Интерфейс *SelectionStrategy*. Абстрактный базовый класс для реализации различных стратегий отбора. Метод *select* принимает на вход объект *GenerationState* (с одновременным доступом к списку особей и метаданным поколения) и число *num_to_select* — сколько особей нужно отобрать. В результате возвращается новый экземпляр *GenerationState*, в котором содержится уже отобранная подмножество особей и метка *state=State.SELECTION*.

Класс *TournamentSelection*. Реализует метод турнира: для каждой из k позиций в списке отобранных особей случайным образом выбирается пара разных претендентов из всей популяции, сравниваются их значения задержки (tardiness), и победитель (особь с меньшей задержкой) копируется в итоговый список. По окончании отбора создаётся и возвращается новое состояние поколения, отмеченное как этап *SELECTION*.

Класс *RankSelection* опирается на ранжирование особей по возрастанию задержки. Вначале сортирует популяцию, затем формирует веса, обратно пропорциональные рангу (чем лучше особь, тем больше её вес). С помощью *random.choices* выбирает к особей с учётом этих весов, копирует каждую из них и формирует итоговый *GenerationState* с *state=State.SELECTION*. Такой подход устраняет зависимость от абсолютных величин задержек, смещая фокус на относительный рейтинг.

Класс *StochasticUniversalSampling*. Имитирует стохастический универсальный отсев, базируясь на обратных значениях задержек как показателях приспособленности. Сначала вычисляются вероятности выбора

каждой особи из популяции, нормированные к единице. Затем генерируется равномерно распределённая последовательность «указателей» в диапазоне [0,1), и для каждого указателя выбирается соответствующая особь по кумулятивному распределению. Это гарантирует более равномерное представление всех уровней приспособленности в выбранном наборе и снижает дисперсию выборки по сравнению с классическим отбором, основанным на обычной рулетке. Итоговый список копий отобранных особей упаковывается в новый *GenerationState* с тем же флагом *SELECTION*.

Во всех трёх реализациях ключевым моментом является создание глубоких копий (.copy()) исходных объектов ScheduleInfo, что предотвращает нежелательные изменения исходной популяции при последующих операциях скрещивания и мутации. Такой дизайн позволяет легко расширять набор методов отбора, просто добавляя новые классы, наследующие SelectionStrategy и реализующие метод select.

Файл crossbreeding.py

В crossbreeding.py содержится реализация механизма скрещивания (crossbreeding) для уже отобранных особей через базовый абстрактный класс CrossbreedingStrategy. Метод crossbreed принимает текущее состояние поколения (GenerationState), число потомков num_to_produce и вероятность применения операции rate. В результате он возвращает новый объект GenerationState со списком потомков и флагом State.CROSSBREEDING.

Единственная на данный момент конкретная стратегия — Order Crossbreeding, адаптированный для задач на перестановках. Алгоритм работает так:

1. Перемешивание родителей. Из входного *state.population* создаётся копия списка, которая затем перемешивается, чтобы пары родителей формировались случайным образом.

- 2. Параллельная генерация потомков. Для каждой смежной пары (p1, p2) до достижения требуемого числа num_to_produce с вероятностью rate выполняется метод:
 - Случайным образом выбираются два индекса отрезка [i1...i2].
 - У каждого потомка копируется подотрезок из одного родителя, а оставшиеся позиции заполняются генами второго родителя в их относительном порядке, пропуская уже скопированные.
 - Так создаются два потомка (с ролями родителей поменянными местами).
 - Каждый ребёнок упаковывается в *ScheduleInfo* для корректного вычисления задержки.
- 3. Копирование без изменений. Если метод не применяется (с вероятностью *1-rate*), то из родителей копируются их хромосомы напрямую, чтобы обеспечить сохранение текущих хороших решений.
- 4. Дополнение до полного размера. Если после первого прохода число потомков оказалось меньше *num_to_produce*, оставшиеся «слоты» заполняются случайными копиями из исходного набора родителей, чтобы гарантировать постоянный размер популяции.
- 5. Формирование нового поколения. Все созданные потомки (обрезанные до *num_to_produce* на случай избытка) упаковываются в новый экземпляр *GenerationState* с флагом *State.CROSSBREEDING*, который затем передаётся в последующий этап мутации или итерации алгоритма.

Такая реализация позволяет корректно работать с задачей хромосомыперестановки, гарантируя, что потомки остаются допустимыми перестановками без повторяющихся или пропущенных генов. Благодаря единому интерфейсу CrossbreedingStrategy легко добавлять или менять другие методы скрещивания (например, одноточечный или равномерный), при необходимости адаптируя их под специфику перестановок.

Файл mutation.py

В *mutation.py* содержится модуль, отвечающий за операцию мутации в хромосомах особей. Он организован по тому же принципу, что и отбор и скрещивание, через единый абстрактный интерфейс *MutationStrategy*. Принимает *state* — текущее состояние поколения (объект *GenerationState*) и *mutation_rate* — вероятность применения мутации к каждой особи. Метод возвращает новый *GenerationState* с флагом *State.MUTATION*.

Реализованы три стратегии мутации:

- 1. *NoMutation* пассивный вариант, при котором популяция просто копируется без изменений. Используется для отладки или когда мутацию необходимо отключить. Возвращает новое состояние с тем же набором особей.
- 2. SwapMutation классический оператор «обмен двух генов» для перестановок. Для каждой особи с вероятностью mutation_rate случайно выбираются две позиции в хромосоме и меняются местами. Гарантирует корректность перестановки (ни один элемент не пропадает и не дублируется).
- 3. *InversionMutation* оператор инверсии: с заданной вероятностью выбирается случайный отрезок хромосомы и его содержимое переворачивается (*reversed*).

Каждая стратегия, после формирования нового списка индивидов (либо мутированных, либо нет), упаковывает результат в *GenerationState* с обновлённым списком *population* и помечает этап как *State.MUTATION*.

Файл geneticAlgorithm.py

В geneticAlgorithm.py сосредоточена основная логика работы самого генетического алгоритма. Класс geneticAlgorithm инкапсулирует весь цикл

эволюции популяции: инициализацию, пошаговое выполнение операций отбора, скрещивания и мутации, а также хранение истории промежуточных состояний.

При создании экземпляра алгоритма в конструкторе (__init__) устанавливаются стандартные параметры и стратегии:

- *self.params* хранит объект *ParamGeneticAlgorithm*, в котором задаются численные параметры алгоритма (вероятности операций, размеры популяции и число поколений).
- self.selection, self.crossbreeding и self.mutation получают начальные реализации стратегий (TournamentSelection, OrderCrossbreeding и SwapMutation).
- self.history служит для накопления всех промежуточных объектов GenerationState, что позволяет реализовать «шаг назад» и строить графики динамики.

Метод set_tasks(self, tasks) передаёт алгоритму заранее прочитанный список задач (объектов Task). После этого вызовом change_params(...) можно скорректировать вероятности мутации/скрещивания, размеры популяции и число поколений, при этом внутренний метод валидации проверит корректность введённых значений.

При create_individuals() формируется начальная популяция: для каждой особи создаётся случайная перестановка индексов задач, на основании которой строится объект ScheduleInfo с рассчитанной суммарной задержкой. Полученный список передаётся в новый GenerationState со статусом State.INIT.

Основные этапы алгоритма перечислены в методе $do_next()$, который в зависимости от текущего состояния (INIT \rightarrow SELECTION \rightarrow CROSSBREEDING \rightarrow MUTATION) последовательно вызывает:

1. do_selection() — сохраняет текущее состояние в историю и заменяет его результатом стратегии отбора (SelectionStrategy.select), формируя новое поколение из num_to_select лучших или случайно выбранных особей.

- 2. do_crossbreeding() добавляет в историю текущее состояние и создает потомков методом скрещивания (CrossbreedingStrategy.crossbreed) с заданной вероятностью.
- 3. do_mutation() сохраняет состояние и мутирует всех особей (MutationStrategy.mutate), увеличивая счётчик пройденных поколений self.iteration.

Метод *finish()* доводит текущий процесс до конца (дожидается состояния *State.MUTATION* у начального поколения), а затем повторяет полные циклы до тех пор, пока не будет пройдено заданное число поколений. Это гарантирует, что по завершении работы в *self.history* окажутся все промежуточные состояния, а в *self.generationState* — итоговое.

Наконец, get_best() сканирует сохранённую историю и возвращает ту особь, у которой наименьшая задержка встречается за всё время выполнения алгоритма. Таким образом реализуется поиск глобально лучшего найденного решения.

Все взаимодействия между классами устроены по принципу «стратегии»: работа алгоритма остается неизменной, а конкретные правила отбора, скрещивания и мутации можно подменить, передав в geneticAlgorithm свои реализации интерфейсов SelectionStrategy, CrossbreedingStrategy или MutationStrategy.

Файл parser.py

В *parser.py* сосредоточена единая логика получения и валидации исходных задач из разных источников. Он умеет работать как с текстом, введённым в GUI (многострочная строка), так и с содержимым произвольного файла (любое расширение).

При вызове парсера исходная строка проверяется: если это путь к существующему файлу — он читается построчно, иначе обрабатываются строки переданной многострочной переменной. Каждая непустая строка сначала

очищается от пробелов, затем разбивается по любым комбинациям запятых и пробелов. Если после этого не получается ровно два токена, парсер сразу сообщает об ошибке с указанием номера строки и её содержимого. Далее оба токена пытаются превратить в целые числа; в случае неудачи генерируется исключение с пояснением, какой из элементов не соответствует формату. Наконец, по этим двум числам создаётся экземпляр задачи, и внутри своего конструктора он уже проверяет, что время и дедлайн неотрицательны.

Если после обработки всех строк не оказалось ни одной валидной задачи, парсер выбрасывает ошибку о пустом наборе данных. Таким образом, клиентские классы гарантированно получают корректный список объектов *Task* или сразу же получают подробное сообщение о том, где во входных данных ошибка.

Класс *RandomParser*, реализованный здесь же, позволяет сгенерировать заданное число задач со случайными параметрами. Он проверяет корректность переданных диапазонов времени и дедлайнов, после чего последовательно создаёт каждый объект *Task*, при необходимости смещая дедлайн вперёд, чтобы он был не меньше времени выполнения. В результате получается список валидированных случайных задач.

GUI

Файл Арр.ру

Создан класс *Арр*, в котором хранится парсер, ссылка на состояние, ссылка на алгоритм. Для GUI используется паттерн состояния. Созданы различные методы, которые отвечают за настройку приложения и генетического алгоритма(параметры алгоритма, тип отбора, скрещивания, мутации). Также методы отвечающие за переключения состояния(clear_state, change_state) и запуск приложения.

В файле *graphs.py* хранятся виджеты отвечающие за графики(график среднего, график расписания, график задач).

Файл startState.py

Первое состояние это *StartState*. Внутри себя содержит главное окно *ttk.PannedWindow*, отвечающее за разделение на две части. Первая часть – это ещё одно окно *ttk.PanedWindow*, слева от которой находятся *importFrame*, отвечающее за ввод данных, а справа настройки генетического алгоритма, и генератора чисел. Вторая часть это *graph_container* и представляет собой график задач, которые вводятся. Также создается кнопка, отвечающая за переход в следующее состояние *WorkState*.

Файл importFrame.py

ImportFrame содержит внутри себя ttk.Notebook, позволяющий перемещаться по вкладкам ввода. Реализованы 3 вкладки.

Вкладка "Из файла" *file_input*, использующий *ttk.filedialog*, который позволяет выбирать нужный файл в диалоговом окне. Создается *ttk.Entry*, в который ничего нельзя писать и кнопка *ttk.Button*, которая меняет парсер, которая создает *ttk.filedialog*.

Вкладка "Ручной ввод" *manual_input*, использующий *scrolledText*, который создает удобное окно для ввода вручную, также добавляющая прокрутку, если пользователь напишет слишком много текста. В *manual_input* создается кнопка *ttk.Button*, которая применяет ввод и меняет парсер.

Вкладка "Генерация данных" *random_input*, использует созданные *RangeSettingsLine* и *SettingsLine* для того, чтобы пользователь мог настроить диапазоны времени выполнения задачи, дедлайнов и количество задач, которые будут создаваться. Также создана кнопка *ttk.Button*, которая меняет парсер и применяет ввод.

Файл settingsFrame.py

SettingLine представляет собой ttk.Lable, ttk.Entry и ttk.Slider. Принимает название настройки, поле для удобного ввода и слайдер, позволяющий менять ttk.Entry. Также есть методы для получения значения из ввода пользователя.

RangeSettingLine представляет собой два SettingLine и ttk.Label. Создаются два поля settingLine для минимума и максимума. Используются методы

validate_min, validate_max, которые не позволяют пользователю делать max меньше min и наоборот. Данный класс создает удобное поле в интерфейсе выбора диапазона значений. Также создан метод get range для получения результата

DropdownSetting представляет собой ttk.Combobox и ttk.Label. Создаётся выпадающий список с заданными опциями и меткой слева. Класс позволяет выбирать значение из предопределённого списка. Метод get_value возвращает текущее выбранное значение.

SettingsFrame содержит ttk.Notebook для переключения между вкладками настроек. Реализованы 2 вкладки. Вкладка "Настройки алгоритма" использует SettingLine для параметров: размер популяции, количество поколений, размер отбора, вероятность мутации, вероятность скрещивания. Также использует **DropdownSetting** выбора отбора ДЛЯ типа (TournamentSelection/RankSelection/StochasticUniversalSampling), типа (OrderCrossbreeding) скрещивания И типа мутации (NoMutation/SwapMutation/InversionMutation). Вкладка "Настройки генерации" использует SettingLine для параметра Seed. Внизу фрейма созданы кнопки "Сохранить" (применяет настройки через app.change * методы) и "Сбросить" (восстанавливает значения по умолчанию).

Файл workState.py

WorkState содержит главное окно ttk.PannedWindow с горизонтальной ориентацией, разделяющее пространство на две равные части. В левой части размещается ScheduleFrame для отображения текущего расписания, в правой части – GraphView для визуализации графиков. Под основным окном создается панель управления с кнопками "Предыдущий шаг" (возврат на шаг назад в алгоритме), "Следующий шаг" (переход на шаг вперед) и "В конец" (завершение работы алгоритма). При нажатии любой кнопки происходит обновление обоих фреймов (ScheduleFrame и GraphView) для отражения изменений в состоянии алгоритма.

Файл scheduleFrame.py

Schedule View содержит два фрейма: gen_info для информации о текущем поколении и sched_info для данных о расписании. В gen_info создаются три метки ttk. Label для отображения: типа состояния алгоритма (получаемого через get_type), средней задержки поколения и количества особей. В sched_info размещается график Schedule Info GUI и две метки ttk. Label для ID расписания и величины задержки. Класс реализует методы: update_gen() (обновляет данные поколения), update_sched() (обновляет график и данные расписания) и update() (синхронно обновляет оба блока).

ScrollableFrame представляет собой кастомный прокручиваемый tk.Canvas, контейнер, содержащий ttk.Scrollbar внутренний фрейм И scrollable frame. При инициализации настраивается связь между холстом и скроллбаром: скроллбар управляет областью просмотра холста (yscrollcommand), а холст обновляет скроллбар при изменении содержимого. Все дочерние виджеты добавляются во внутренний фрейм scrollable frame. Реализована поддержка прокрутки колесом мыши через привязку < Mouse Wheel>. Класс предоставляет метод clear() для полной очистки содержимого с автоматическим обновлением области прокрутки.

Schedule Selection представляет собой прокручиваемый список расписаний на базе кастомного контейнера Scrollable Frame. Для каждого расписания в популяции создается кликабельный фрейм (ttk.Frame) с двумя метками: ttk.Label с ID расписания (жирный шрифт) и ttk.Label с величиной задержки (серый цвет). Все элементы фрейма привязаны к обработчику клика (Sutton-1>), который вызывает метод $change_sched_view$ для обновления основного вида расписания. Класс реализует метод update() для полной очистки и перестройки списка при изменении состояния алгоритма.

ScheduleFrame содержит ttk.Notebook для переключения между двумя вкладками: "Просмотр расписания" (размещает ScheduleView) и "Выбор расписания для просмотра" (размещает ScheduleSelection). Класс реализует метод update(), который синхронно обновляет обе вкладки при изменении состояния алгоритма. ScheduleView отображает детали текущего расписания, а

ScheduleSelection предоставляет прокручиваемый список всех расписаний в поколении для интерактивного выбора.

Файл graphView.py

GraphView содержит график AverageTardinessGUI для визуализации истории задержек и метку ttk.Label, отображающую текущую итерацию алгоритма в формате "Итерация: Х/Ү" (где Х - текущий шаг, Ү - общее число поколений). При инициализации график строится на основе истории генетического алгоритма (app.genAlgorithm.history). Метод update() перерисовывает график и обновляет текст метки актуальными значениями итерации, извлекая данные ИЗ параметров алгоритма (app.genAlgorithm.params.num generations).

Выводы.

В ходе работы была разработана гибкая модульная архитектура для решения задач оптимизации при помощи генетического алгоритма. Реализованы все ключевые компоненты: парсеры входных данных (из файла, из текстовой строки и генерация случайных задач), базовые классы описания задачи и особи, три разновидности стратегий отбора, перекрёстка и мутации, а также «движок» самого алгоритма с возможностью пошагового выполнения и сохранения полной истории поколений.

Недоработки и планы по улучшению. Несмотря на то, что после завершения выполнения ГА приложение остаётся «живым», пока что не реализована логика повторного запуска алгоритма на тех же данных с изменёнными параметрами. GUI требует доработки: визуализация расписания сейчас неконсистентна — цвета повторяются и идентификаторы накладываются друг на друга, что затрудняет анализ. Планы включают обновление схемы раскраски, добавление возможности повторить решение с другими параметрами ГА.

ПРИЛОЖЕНИЕ А ИСХОДНЫЙ КОД ПРОГРАММЫ