

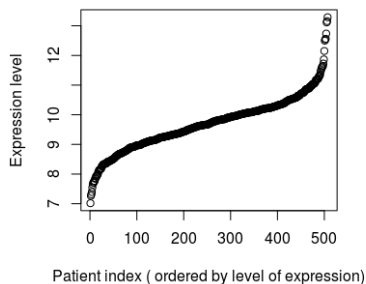


- ▶ Lecture et présentation de trois articles présentant différentes méthodes de créations de gènes d'intérêt pour l'analyse de la méthylation
- ▶ plusieurs approches : Regions of interest, DMRcate...

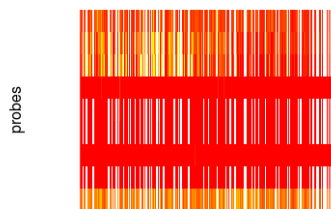
- ▶ Les données de methylation (BedChip 450k) pour 507 patients atteints de cancer du poumon à petites cellules squameuses
- ▶ les données d'expression pour les mêmes patients
- ▶ Base de données EPIC pour le référencement des sondes
- ▶ Liste de gènes différentiellement exprimés ( Penda)

## GRK5 Analysis

**Expression/Transcription**

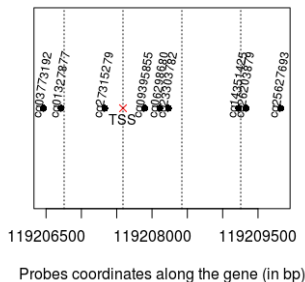


**Methylation**

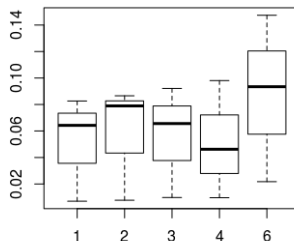


## GRK5 probes, nbins = 6

Probes repartition



Distribution per bins



- ▶ Refaire une visualisation centrée sur le TSS avec des bins à fenêtre fixée (-2500;-1000;-500;TSS;500;1000;2500)
- ▶ En extraire une heatmap ( de la variance/de la moyenne) clusterisée par ces deux variables conjointes.
- ▶ ...