# Raport 1

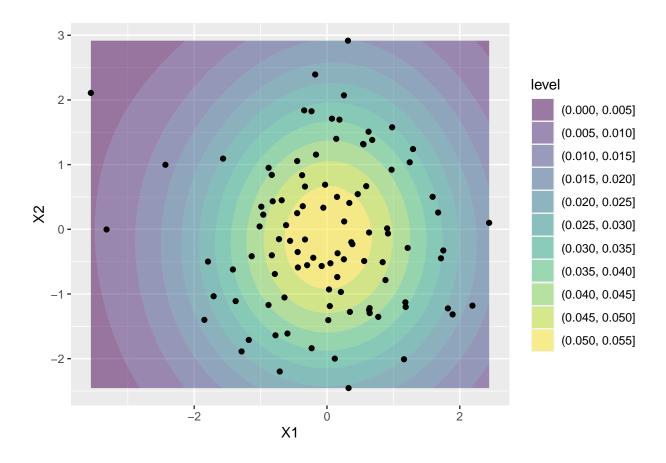
### Magdalena Wawrzyniak

2022-10-18

#### Zadanie 1

W pierwszym zadaniu należało wygenerować 100 wektorów losowych z rozkładu dwuwymiarowego normalnego N(0,I), a następnie zaznaczyć je na płaszczyźnie. W pierszej kolejności musimy wygrać bibliotekę ggplot2 i ustawić ziarno, które będzie obowiązywać dla wszystkich symulacji w raporcie. Będzie to wstęp do zadania drugiego.

```
library(ggplot2)
library(plotly)
##
## Dołączanie pakietu: 'plotly'
## Następujący obiekt został zakryty z 'package:ggplot2':
##
##
       last_plot
## Następujący obiekt został zakryty z 'package:stats':
##
##
       filter
## Następujący obiekt został zakryty z 'package:graphics':
##
##
       layout
set.seed(17)
num_vectors = 100
d = 2
M <- matrix(rnorm(d * num_vectors), nrow = num_vectors)</pre>
X = \text{data.frame}(X1 = M[,1], X2 = M[,2])
ggplot(X, (aes(x = X1, y = X2))) + stat_density_2d_filled(adjust = 3,
                                                             alpha = 0.5) +
                                     geom_point((aes(x = X1, y = X2)))
```



#### Zadanie 2

W ty zadaniu wyznaczamy przekształcenia liniowe, które przekształca chmurę punktów z poprzedniego zadania w nową chmurę z podanego rozkładu  $N(\mu, \Sigma)$ . U mnie w programie  $\Sigma$  oznacane jest przez E1-E3,  $\mu = (4,2)$  dla każdego przykładu. Przed omawianiem możliwych rozwiązań wgrywamy dane.

```
#Dane

mi_Y = c(4, 2)

E1 = matrix(c(1, 0.9, 0.9, 1), nrow = 2)

E2 = matrix(c(1, -0.9, -0.9, 1), nrow = 2)

E3 = matrix(c(9, 0, 0, 1), nrow = 2)
```

Zadane możemy rozwiązać czterema metodami:\

Metoda 1: Wyliczyć przekształcenie bezpośrednio ze wzoru  $\Sigma^Y = AA^T$ .

Pomijamy te metodę.

#### Metoda 2: Diagonalizacja

Do przeprowadzenia diagonalizacji napisałam funkcję, która za argument przyjmuje macierz  $\Sigma$ . Wykorzystujemy tam funkcje eigen, która zwraca wartości i wektory własne. Są nam one potrzebne, ponieważ macierz

A jest iloczynem macierzy złożonej z wektorów własnych i pierwiastka macierzy diagonalnej.

```
diag = function(E){
    H = eigen(E)
    d = H$values

    D = matrix(c(d[1], 0, 0, d[2]), nrow = 2)
    P = H$vectors

    S = sqrt(D)
    A = P %*% S

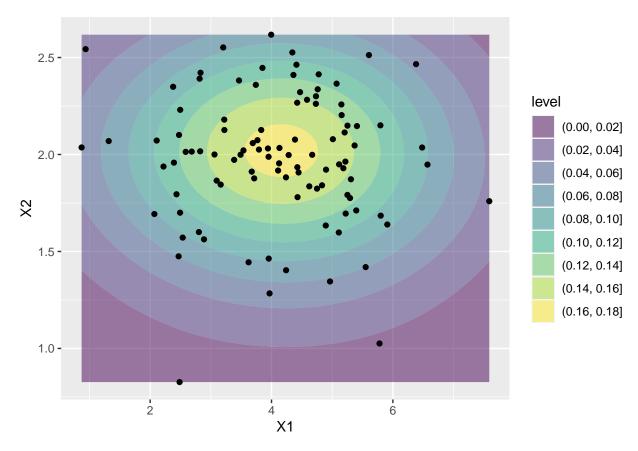
return(A)}
```

Po zastoowaniu funkcji dostajemy macierze odpowiednie macierze A:

```
A1d = diag(E1)
A2d = diag(E2)
A3d = diag(E3)
B = mi_Y
```

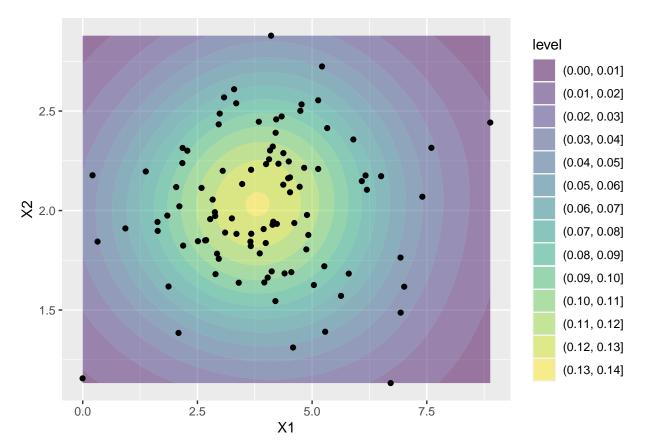
Chmura punktów dla metody 2 i 4 będziegenerowana przez poniższą funkcje. Przyjmuje ona cztery argumenty, kolejno: macierz A, wektor B, wymiar d oraz ilość wektorów n.

```
cloud(A1d, B, 2, 100)
```



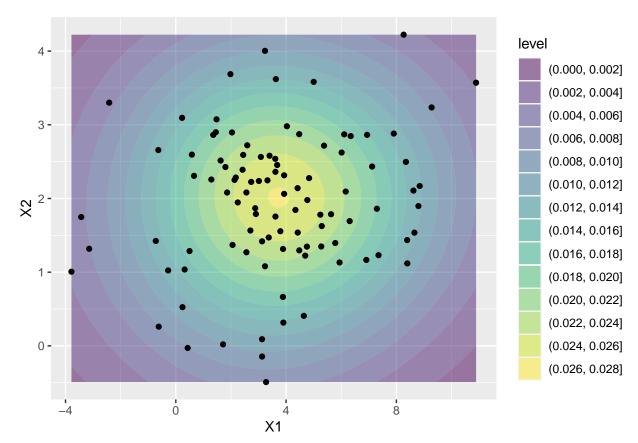
# Przykład 1:

```
cloud(A2d, B, 2, 100)
```



# Przykład 2:

```
cloud(A3d, B, 2, 100)
```

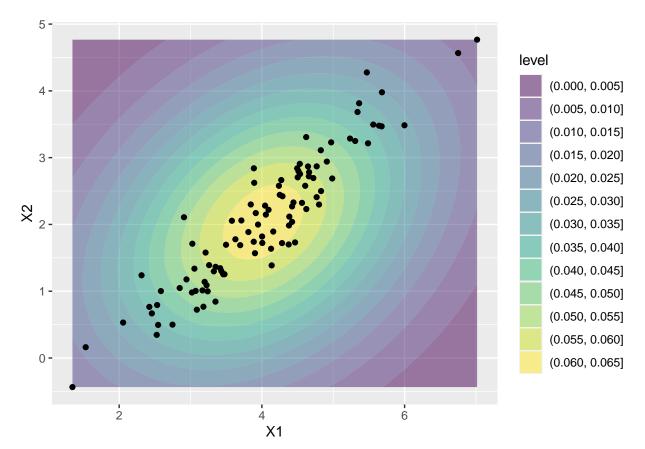


#### Przykład 3:

#### Metoda 3: Wykorzystanie funkcji z pakietu MASS

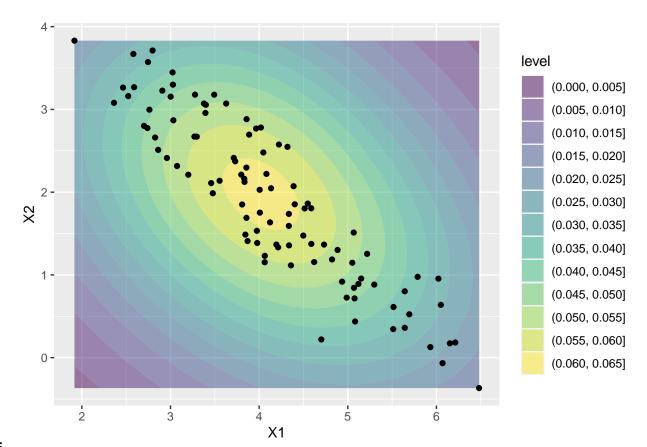
W tej metodzie wykorzystujemy wbudowaną funkcję mvrnorm pochodzącą z pakietu MASS, argumenty jakie przyjmuje to  $n, \mu$  oraz  $\Sigma$ , a zwraca nam gotowe przekształcenie, które od razu możemy zaznaczyć jako chmurę punktów. Stworzyłam funkcję o nazwie Xmass, która zwraca mi wygenerowaną chmurę punktów.

```
Xmass(num_vectors, B, E1)
```



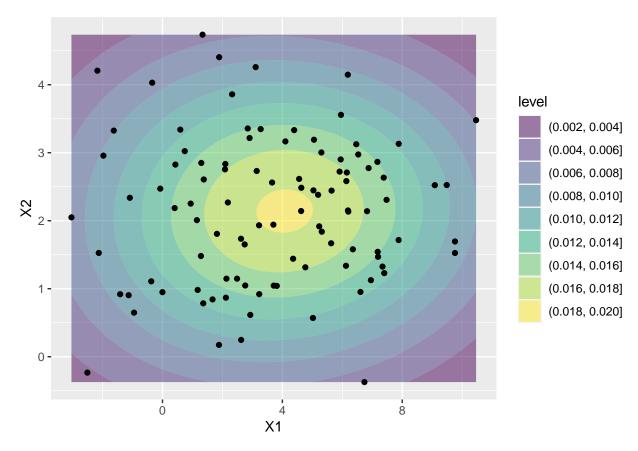
# Przykład 1:

Xmass(num\_vectors, B, E2)



# Przykład 2:

Xmass(num\_vectors, B, E3)



### Przykład 3:

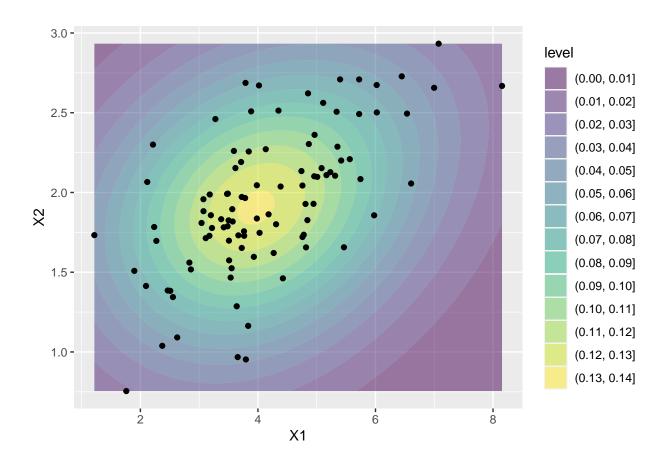
### Metoda 4: Algorytm Cholewskiego

W tej metodzie chcemy zapisać naszą macierz w postaci $\Sigma=AA^T$ , gdzie A jest macierzą dolnotrójkątną. Funkcja chol() zwraca macierz górnotrójkątną, stąd do wyznaczenia szukanego przekształcenia musimy dokonać transpozycji po zaimplementowaniu funkcji.

```
A1c = t(chol(E1))
A2c = t(chol(E2))
A3c = t(chol(E3))
```

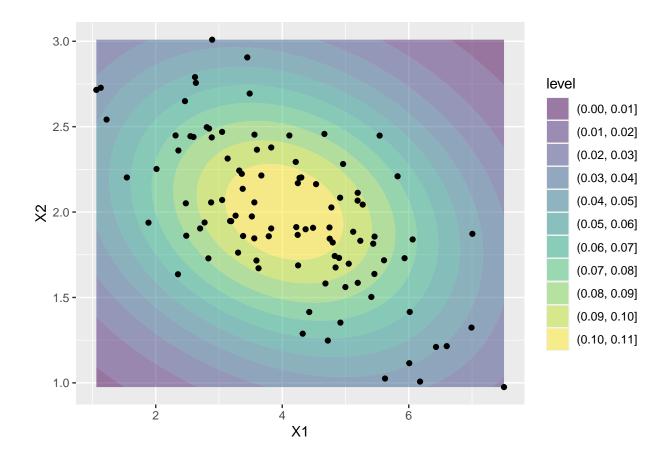
### Przykład 1

```
cloud(A1c, B, 2, 100)
```



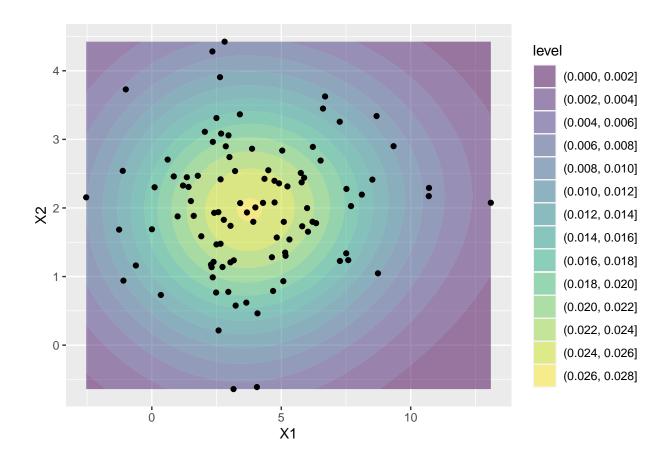
Przykład 2

cloud(A2c, B, 2, 100)



# Przykład 3

cloud(A3c, B, 2, 100)



#### Obserwacje i wnioski

### Zadanie 3

To zadanie jest podobne do zadania poprzedniego, z tą różnicą, że mamy teraż większy wymiar macierzy  $\Sigma$  i dwa razy więcej wektorów do wygenerowania. Do znalezienia naszego przeksztalcenia użyłam funkcji z pakietu MASS, ale każda z omówionych powyżej metod także by się sprawdziła. Na koniec należało zweryfikować wyniki na histogramach.

```
#Dane
num_vectors = 200
d = 100
m = c(1:100)
X <- matrix(rnorm(d * num_vectors), nrow = num_vectors)

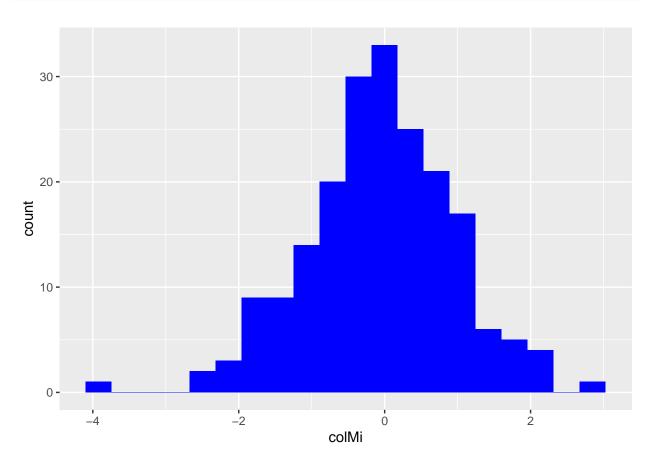
E = matrix(0.9, nrow = 100, ncol = 100, byrow = FALSE, dimnames = NULL)

for (i in 1:d) {
    E[i,i] = 1
}

A = MASS::mvrnorm(num_vectors, mu = m*0, E)

Y = X %*% t(A)</pre>
```

```
colMi = colMeans(Y)
ggplot() + geom_histogram(aes(colMi), bins = 20, fill = "blue")
```



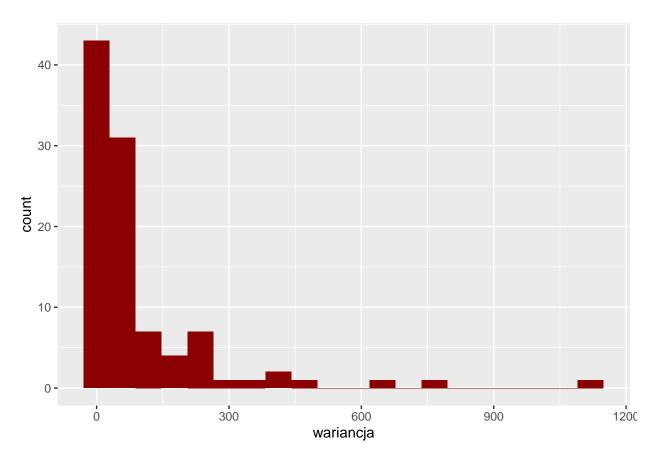
```
wariancja <- c()

for (i in 1:d){
   wariancja[i] <- var(Y[,i])
}

mean(wariancja)</pre>
```

## [1] 99.63954

```
ggplot() + geom_histogram(aes(wariancja), bins = 20, fill = "darkred")
```



```
kowariancja <- c()

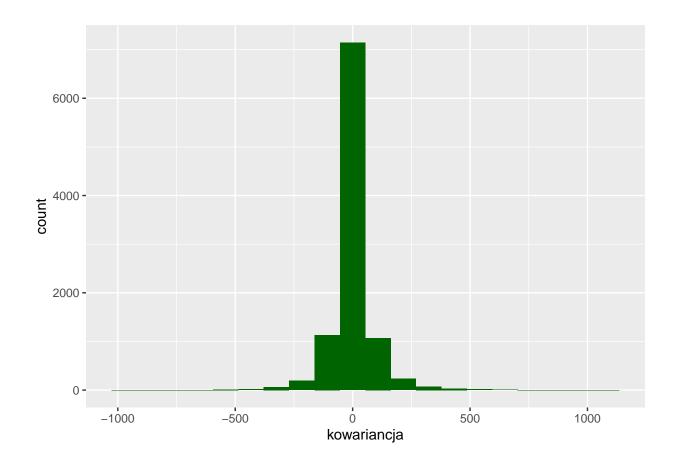
for (i in 1:100){
    for (j in 1:100){

        kowariancja <- c(kowariancja, cov(Y[,i], Y[, j]))
    }
}

mean(kowariancja)</pre>
```

## [1] 2.685964

```
ggplot() + geom_histogram(aes(kowariancja), bins = 20, fill = "darkgreen")
```



## Obserwacje i wnioski

Wartość wariancji wyszła ok. 1, a kowariancji około 0.9, tak jak mogliśmy się spodziewać patrząc na macierz  $\Sigma$ , podobnie z wykresami. Średnie próbkowe również oscylują w pobliżu 0. Oznacza to, że model dość dobrze odzwierciedla nasze przekształcenie.