

Package ‘mediaPlanR’

December 12, 2024

Type Package

Version 0.1.1

Date 2024-10-25

Title Herramientas para la Planificación de Medios Publicitarios

Description Indicadores, modelos y aplicaciones para la planificación de medios.
Proporciona interfaces interactivas para la
exploración y análisis de datos de medios publicitarios.

Manual <<https://github.com/majesus/mediaPlanR>>

Author Manuel J. Sánchez-Franco [aut, cre] [<<https://orcid.org/0000-0002-8042-3550>>]

Maintainer Manuel J. Sánchez-Franco <majesus@us.es>

Repository GitHub

URL <<https://github.com/majesus/mediaPlanR>>

BugReports <https://github.com/majesus/mediaPlanR/issues>

License MIT + file LICENSE

Encoding UTF-8

Roxygen list(markdown = TRUE)

RoxygenNote 7.3.2

Imports stats,
extraDistr,
shiny (>= 1.7.0),
bslib (>= 0.4.0),
ggplot2 (>= 3.4.0),
dplyr (>= 1.0.0),
readxl,
readr,
DT,
janitor,
ggrepel,
factoextra,
microbenchmark,
Deriv,
doBy,
scales,
tidyr,
tibble,

purrr,
magrittr,
plotly

Suggests knitr,
rmarkdown,
testthat (>= 3.0.0),
devtools

Config/testthat/edition 3

Depends R (>= 2.10)

LazyData true

Contents

CANEX-package	3
calcular_metricas_medios	4
calculate_duplication	6
calculate_marginal_prob	6
calculate_mean_variance	7
calculate_metrics	7
calc_beta_binomial	8
calc_binomial	10
calc_canex	12
calc_cpm	14
calc_grps	15
calc_hofmans	17
calc_MBBD	18
calc_metheringham	20
calc_R1_R2	22
calc_sainsbury	23
imprimir_resultados	25
mediaPlanR	26
optimizar_d	26
optimizar_dc	29
optimize_media_sb	32
plot_grp_metricas	34
print.calc_canex	35
print.MBBB	36
run_aud_util_explorer	36
run_beta_binomial_explorer	37
run_reach_converg_explorer	37
setup_mediaPlanR	38
transform_duplications	38

Index	40
--------------	-----------

CANEX-package

CANEX: Canonical Expansion model

Description

Package implementing the CANEX model for calculating contact distribution and reach metrics in media planning.

Calculates alpha and beta parameters for Beta Binomial Distribution using method of moments.

Usage

```
calculate_bbd_params(R1, R2)
```

Arguments

R1	Numeric. Single insertion reach (0-1)
R2	Numeric. Double insertion reach (0-1)

Details

The package implements the canonical expansion model for multivariate media exposure distributions, considering heterogeneity and duplications between vehicles.

Value

List with components:

- alpha: BBD alpha parameter
- beta: BBD beta parameter

Functions

- `calculate_bbd_params`: Calculate BBD parameters
- `calculate_mean_variance`: Calculate mean and variance
- `calculate_marginal_prob`: Calculate marginal probability
- `calculate_duplication`: Calculate vehicle correlation
- `canex_model`: Main model implementation
- `calculate_metrics`: Calculate detailed metrics
- `calc_canex`: Generate formatted report

References

Danaher, P. J. (1991). A canonical expansion model for multivariate media exposure distributions. *Journal of Marketing Research*, 28(3), 361–367.

Examples

```
params <- calculate_bbd_params(0.4902, 0.5805)
```

`calcular_metricas_medios`*Cálculo de métricas de soportes para un plan publicitario*

Description

Calcula métricas de un plan de medios aceptando tanto datos desde CSV como vectores directamente, permitiendo sobrescribir valores específicos del CSV con vectores. Las métricas calculadas incluyen:

1. RP: Alcance ponderado por inserciones y población
2. SOV: Share of Voice como % del total de GRP
3. CPM: Coste por mil contactos
4. C/RP: Coste por punto de RP
5. Audiencia Útil: Audiencia ajustada por índice de utilidad
6. Coste por Contacto Útil: Tarifa dividida entre la audiencia útil

Usage

```
calcular_metricas_medios(  
  soportes = NULL,  
  audiencias = NULL,  
  tarifas = NULL,  
  ind_utilidad = NULL,  
  inserciones = NULL,  
  pob_total,  
  file = NULL,  
  sep = ", "  
)
```

Arguments

<code>soportes</code>	Vector de nombres o nombre de la columna en CSV
<code>audiencias</code>	Vector numérico o nombre de la columna en CSV
<code>tarifas</code>	Vector numérico o nombre de la columna en CSV
<code>ind_utilidad</code>	Vector numérico o nombre de la columna en CSV
<code>inserciones</code>	Vector numérico o nombre de la columna en CSV (opcional)
<code>pob_total</code>	Tamaño de la población objetivo
<code>file</code>	Ruta al archivo CSV (opcional)
<code>sep</code>	Separador usado en el CSV (default: ",")

Value

Un `data.frame` con las siguientes columnas:

- `Soporte`: Nombre del medio
- `Audiencia_miles`: Audiencia en miles de lectores

- Numero_Inserciones: Número de inserciones
- RP: Rating Points
- SOV: Share of Voice
- Tarifa_Pag_Color: Tarifa página color
- CPM: Coste por mil
- C_RP: Coste por Rating Point
- Ind_Utilidad: Índice de utilidad
- Audiencia_Util: Audiencia útil en miles
- Coste_Contacto_Util: Coste por contacto útil

See Also

[calc_cpm](#) para cálculo de costes por mil (CPM) [calc_grps](#) para cálculo de GRPs

Examples

```
# Ejemplo 1: Usando solo vectores
resultado <- calcular_metricas_medios(
  soportes = c("El País", "El Mundo"),
  audiencias = c(1520000, 780000),
  tarifas = c(39800, 35600),
  ind_utilidad = c(1.2, 1.1),
  pob_total = 39500000
)

## Not run:
# Ejemplo 2: Usando CSV con nombres de columnas por defecto
resultado <- calcular_metricas_medios(
  file = "data.csv",
  soportes = "soportes",
  audiencias = "audiencias",
  tarifas = "tarifas",
  ind_utilidad = "ind_utilidad",
  pob_total = 39500000
)

# Ejemplo 3: Combinando CSV con vector de inserciones personalizado
resultado <- calcular_metricas_medios(
  file = "data.csv",
  soportes = "soportes",
  audiencias = "audiencias",
  tarifas = "tarifas",
  ind_utilidad = "ind_utilidad",
  inserciones = c(2, 3, 1, 2), # Sobrescribe las inserciones del CSV
  pob_total = 39500000
)

## End(Not run)
```

`calculate_duplication` *Calculate Vehicle Duplication*

Description

Calculates correlation coefficient between two vehicles based on their reach probabilities.

Usage

```
calculate_duplication(pij, pi, pj)
```

Arguments

<code>pij</code>	Numeric. Joint exposure probability
<code>pi</code>	Numeric. First vehicle marginal probability
<code>pj</code>	Numeric. Second vehicle marginal probability

Value

Numeric. Correlation coefficient (-1 to 1)

Examples

```
corr <- calculate_duplication(0.15, 0.3, 0.4)
```

`calculate_marginal_prob`
Calculate Marginal Probability

Description

Calculates marginal probability for x successes in k trials under Beta-Binomial distribution.

Usage

```
calculate_marginal_prob(x, k, alpha, beta)
```

Arguments

<code>x</code>	Integer. Number of successes
<code>k</code>	Integer. Number of trials
<code>alpha</code>	Numeric. BBD alpha parameter
<code>beta</code>	Numeric. BBD beta parameter

Value

Numeric. Probability value

Examples

```
prob <- calculate_marginal_prob(2, 5, 0.5, 1.2)
```

`calculate_mean_variance`*Calculate BBD Mean and Variance*

Description

Calculates mean and variance for Beta Binomial Distribution given its parameters.

Usage

```
calculate_mean_variance(k, alpha, beta)
```

Arguments

k	Integer. Number of insertions
alpha	Numeric. BBD alpha parameter
beta	Numeric. BBD beta parameter

Value

List with components:

- mean: Distribution mean
- variance: Distribution variance

Examples

```
mv <- calculate_mean_variance(2, 0.5, 1.2)
```

`calculate_metrics`*Calculate CANEX Metrics*

Description

Calculates detailed metrics from contact distribution.

Usage

```
calculate_metrics(distribution, poblacion = 1e+06)
```

Arguments

distribution	Data frame. Contact distribution
poblacion	Integer. Target population size

Value

List with components:

- total_reach: Total reach proportion
- total_reach_people: People reached
- distribution: Detailed distribution
- cumulative: Cumulative distribution
- stats: Additional statistics

Examples

```
dist <- data.frame(
  exposures = 0:2,
  probability = c(0.3, 0.5, 0.2)
)
metrics <- calculate_metrics(dist, 1000000)
```

calc_beta_binomial	<i>Cálculo de la cobertura y distribución de contactos (y acumulada) usando modelo Beta-Binomial</i>
--------------------	--

Description

Implementa el modelo Beta-Binomial para calcular la audiencia neta acumulada y la distribución de contactos (y acumulada). El modelo Beta-Binomial considera la heterogeneidad en la probabilidad de exposición de los individuos. Combina dos pasos: modela la probabilidad de éxito aplicando la distribución Beta de parámetros alpha y beta -lo cual reduce a dos los datos necesarios para su estimación; y emplea la probabilidad en la distribución Binomial (combinada con la distribución Beta) para valorar la distribución de contactos (y acumulada). Es útil cuando la probabilidad de éxito no es conocida a priori, y puede variar entre los individuos. Los parámetros alpha y beta precisamente permiten ajustar la forma de la distribución para que refleje la incertidumbre en relación con la probabilidad de éxito.

Usage

```
calc_beta_binomial(A1, A2, P, n)
```

Arguments

A1	Audiencia del soporte tras la primera inserción
A2	Audiencia del soporte tras la segunda inserción
P	Tamaño total de la población
n	Número total de inserciones planificadas (debe ser entero positivo)

Details

El modelo Beta-Binomial:

1. Calcula los parámetros alpha y beta a partir de A1 y A2
2. Modela la heterogeneidad en la exposición mediante la distribución Beta
3. Combina la distribución Beta con la Binomial para la distribución de contactos
4. Calcula probabilidades exactas para cada nivel de exposición

El proceso incluye:

- Estimación de coeficientes de duplicación R1 y R2
- Cálculo de parámetros alpha y beta del modelo
- Generación de distribución de contactos
- Cálculo de la distribución de contactos (y acumuladas)

Value

Una lista "reach_beta_binomial" conteniendo:

- reach: Lista con la cobertura:
 - porcentaje: Cobertura en porcentaje
 - personas: Cobertura en número de personas
- distribucion: Lista con la distribución de contactos:
 - porcentaje: Vector con probabilidad de cada número de exposiciones
 - personas: Vector con número de personas para cada número de exposiciones
- acumulada: Lista con la distribución acumulada:
 - porcentaje: Vector con probabilidades acumuladas
 - personas: Vector con número de personas acumuladas al menos i veces
- parametros: Lista con parámetros del modelo:
 - alpha: Parámetro alpha estimado
 - beta: Parámetro beta estimado
 - prob_cero_contactos: Probabilidad de no exposición

Note

El modelo Beta-Binomial es especialmente adecuado cuando:

- Existe heterogeneidad significativa en la población
- Se dispone de datos de audiencias acumuladas (A1 y A2)

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_sainsbury](#) para estimaciones con la distribución Binomial [calc_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_metheringham](#) para estimaciones con la distribución de Metheringham [calc_hofmans](#) para estimaciones con la distribución de Hofmans

Examples

```
# Ejemplo básico
resultado <- calc_beta_binomial(
  A1 = 500000, # Primera audiencia
  A2 = 550000, # Segunda audiencia
  P = 1000000, # Población total
  n = 5        # Número de inserciones
)

# Examinar resultados
print(paste("Cobertura:", round(resultado$reach$porcentaje, 2), "%"))
print(paste("Alpha:", round(resultado$parametros$alpha, 4)))
print(paste("Beta:", round(resultado$parametros$beta, 4)))

# Verificar consistencia de las distribuciones
## Not run:
sum_dist <- sum(resultado$distribucion$porcentaje)/100
print(paste("Suma distribución:", round(sum_dist +
  resultado$parametros$prob_cero_contactos/100, 4)))

## End(Not run)
```

calc_binomial	<i>Cálculo de cobertura y distribución de contactos (y acumulada) según modelo Binomial</i>
---------------	---

Description

Implementa el modelo Binomial, desarrollado por Chandon (1985), para calcular la cobertura y distribución de contactos (y acumulada) de plan de medios de n soportes y una única inserción por soporte. El modelo Binomial asume la duplicación aleatoria (i.e., la exposición a un soporte no modifica la probabilidad de resultar expuesto a otro), y la homogeneidad de las probabilidades de exposición del soporte y las probabilidades individuales de exposición. Uniendo estas dos hipótesis últimas, la probabilidad de exposición de cualquier individuo a un soporte determinado se calcula como la media de las audiencias de cada soporte. Las probabilidades de exposición son estacionarias respecto al tiempo.

Usage

```
calc_binomial(audiencias, pob_total)
```

Arguments

audiencias	Vector numérico con las audiencias individuales de cada soporte
pob_total	Tamaño de la población

Details

El modelo Binomial calcula:

1. Cobertura considerando un soporte hipotético “promedio” cuya audiencia es la media simple de las audiencias de cada soporte

2. Distribución de contactos para cada nivel de exposición
3. Distribución de contactos acumulada (expuestos al menos i veces)

La metodología incluye:

- Conversión de audiencias a probabilidades individuales
- Cálculo de probabilidad media de exposición
- Aplicación del modelo Binomial para n inserciones
- Cálculo de distribuciones de contactos (y acumulada)

Value

Una lista "reach_binomial" conteniendo:

- reach: Lista con la cobertura:
 - porcentaje: Cobertura en porcentaje
 - personas: Cobertura en número de personas
- distribucion: Lista con la distribución de contactos:
 - porcentaje: Vector con probabilidad de cada número de exposiciones
 - personas: Vector con número de personas para cada número de exposiciones
- acumulada: Lista con la distribución acumulada:
 - porcentaje: Vector con probabilidades acumuladas
 - personas: Vector con número de personas acumuladas al menos i veces

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_sainsbury](#) para estimaciones con la distribución Binomial [calc_beta_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_metheringham](#) para estimaciones con la distribución de Metheringham [calc_hofmans](#) para estimaciones con la distribución de Hofmans

Examples

```
# Ejemplo básico con tres soportes
audiencias <- c(300000, 400000, 200000)
pob_total <- 1000000
resultado <- calc_binomial(audiencias, pob_total)

# Examinar los resultados
print(paste("Cobertura total:", resultado$reach$porcentaje, "%"))
print(paste("Probabilidad media:", resultado$probabilidad_media))

# Verificar que las distribuciones suman 1 (100%)
## Not run:
sum_dist <- sum(resultado$distribucion$porcentaje)/100
print(paste("Suma distribución:", round(sum_dist, 4)))

## End(Not run)
```

calc_canex

*Calcular Modelo CANEX***Description**

Función principal que implementa los cálculos del modelo CANEX (Canonical Expansion model). Este modelo calcula la distribución de alcance y frecuencia considerando la heterogeneidad y duplicaciones y correlaciones entre vehículos de medios.

Usage

```
calc_canex(vehicles_data, duplications, poblacion = 1e+06)
```

Arguments

vehicles_data	Marco de datos que contiene datos de vehículos de medios con columnas: <ul style="list-style-type: none"> • k: Número de inserciones por vehículo (entero) • R1: Alcance de inserción tras primera inserción (0-1) • R2: Alcance de inserción tras segunda inserción (0-1)
duplications	Matriz. Matriz de duplicación de vehículos donde el elemento i,j representa la proporción de población expuesta a ambos vehículos i y j
poblacion	Entero. Tamaño de la población objetivo (predeterminado: 1,000,000)

Details

El modelo CANEX integra tres componentes clave:

- Distribución Beta Binomial (BBD) para modelar la heterogeneidad de exposición
- Duplicaciones de vehículos a través de coeficientes de duplicación y correlación
- Ajuste multivariado para probabilidades conjuntas

El modelo sigue estos pasos:

1. Calcular parámetros BBD (alfa, beta) para cada vehículo
2. Transformar matriz de duplicación a correlaciones
3. Generar distribución de probabilidad conjunta
4. Calcular métricas de alcance y frecuencia

Value

Lista con componentes:

- total_reach: Proporción de población alcanzada (0-1)
- total_reach_people: Número de personas alcanzadas
- distribution: Marco de datos con columnas:
 - contacts: Número de exposiciones
 - percentage: Porcentaje de población
 - people: Número de personas
- cumulative: Marco de datos con columnas:

- min_contacts: Número mínimo de exposiciones
- percentage: Porcentaje acumulado
- people: Número acumulado de personas
- stats: Lista con métricas adicionales:
 - avg_contacts: Contactos promedio por persona alcanzada
 - zero_contacts_prob: Probabilidad de cero contactos

References

Danaher, P. J. (1991). A canonical expansion model for multivariate media exposure distributions: A generalization of the "duplication of viewing law." *Journal of Marketing Research*, 28(3), 361–367.

See Also

[calculate_bbd_params](#) para el cálculo de parámetros BBD [transform_duplications](#) para la transformación de matriz de duplicación [calculate_metrics](#) para el cálculo detallado de métricas

Examples

```
# Ejemplo 1: Uso básico con dos vehículos
vehicles <- data.frame(
  k = c(2, 2),
  R1 = c(0.4902, 0.033),
  R2 = c(0.5805, 0.0502)
)
duplications <- matrix(
  c(1.000, 0.0157,
    0.0157, 1.000),
  nrow = 2, byrow = TRUE
)
results <- calc_canex(vehicles, duplications)
print(results)

# Ejemplo 2: Tres vehículos con población personalizada
vehicles2 <- data.frame(
  k = c(2, 2, 2),
  R1 = c(0.4902, 0.033, 0.0300),
  R2 = c(0.5805, 0.0502, 0.0371)
)
duplications2 <- matrix(
  c(1.000, 0.0157, 0.0139,
    0.0157, 1.000, 0.0003,
    0.0139, 0.0003, 1.000),
  nrow = 3, byrow = TRUE
)
results2 <- calc_canex(vehicles2, duplications2, poblacion = 500000)

# Acceder a métricas específicas
total_reach <- results2$total_reach
avg_contacts <- results2$stats$avg_contacts
dist_table <- results2$distribution
```

`calc_cpm`*Cálculo de CPM para plan de medios o soportes individuales*

Description

Calcula el Coste Por Mil (CPM) ya sea para un plan de medios completo o para soportes individuales, permitiendo evaluar la eficiencia en términos de coste por cada mil personas alcanzadas, es decir, permite comparar la rentabilidad de diferentes estrategias y medios dentro del mismo plan de campaña.

Usage

```
calc_cpm(precios, audiencias = NULL, cobertura = NULL, tipo = "soporte")
```

Arguments

<code>precios</code>	Vector numérico con precios de cada inserción o precio total (presupuesto) del plan
<code>audiencias</code>	Vector numérico con audiencias de cada soporte
<code>cobertura</code>	Opcional. Cobertura del plan en personas
<code>tipo</code>	Character. Tipo de cálculo: "soporte" o "plan" (default: "soporte")

Details

El CPM se puede calcular de dos formas:

1. Para soportes individuales:
 - $CPM = (\text{Precio inserción} / \text{Audiencia}) \times 1000$
2. Para plan completo:
 - $CPM = (\text{Precio total} / \text{Cobertura}) \times 1000$

Value

Una lista conteniendo:

- `cpm`: Vector de CPMs calculados o CPM del plan
- `tipo`: Tipo de cálculo realizado
- `total`: Suma total de precios (si aplica)

Note

El CPM es útil para:

- Comparar eficiencia entre soportes
- Evaluar rentabilidad de planes de medios
- Optimizar presupuestos publicitarios

See Also

[calc_grps](#) para cálculo de GRPs

Examples

```
# CPM por soportes
cpm1 <- calc_cpm(
  precios = c(1000, 1500, 800),
  audiencias = c(300000, 400000, 200000)
)

# CPM del plan completo
cpm2 <- calc_cpm(
  precios = 25000,
  cobertura = 750000,
  tipo = "plan"
)
```

calc_grps

Cálculo de GRPs mediante la cobertura y frecuencia media, o el cálculo de las impresiones totales

Description

Calcula los Gross Rating Points (GRPs) de un plan de medios utilizando dos métodos diferentes: mediante impresiones totales o mediante cobertura y frecuencia media. Los GRP (Gross Rating Points) son una métrica publicitaria que indica el impacto total de una campaña sobre una audiencia determinada, expresando la suma del alcance por la frecuencia de exposición. Se calculan dividiendo el número total de impresiones (contactos o veces que el anuncio fue visto) por la población relevante, multiplicado por 100, lo cual permite expresar la exposición acumulativa de la campaña como un porcentaje.

Usage

```
calc_grps(
  audiencias,
  inserciones,
  pob_total,
  cobertura = NULL,
  metodo = "impresiones"
)
```

Arguments

audiencias	Vector numérico con las audiencias de cada soporte
inserciones	Vector numérico del número de inserciones por soporte
pob_total	Tamaño de la población
cobertura	Opcional. Cobertura en porcentaje (si se conoce)
metodo	Character. Método de cálculo: "impresiones" o "cobertura" (default: "impresiones")

Details

El cálculo se puede realizar mediante dos métodos:

1. Método por impresiones:
 - Calcula impresiones totales: $\text{SUMATORIO}(\text{Audiencia}_i \times \text{Inserciones}_i)$
 - $\text{GRPs} = (\text{Impresiones} / \text{Población}) \times 100$
2. Método por cobertura:
 - $\text{Frecuencia media} = \text{Impresiones totales} / (\text{Cobertura} \times \text{Población})$
 - $\text{GRPs} = \text{Cobertura} \times \text{Frecuencia media}$

Value

Una lista conteniendo:

- grps: Valor de GRPs calculado
- impresiones_totales: Suma total de impresiones
- frecuencia_media: Frecuencia media (si aplica)
- metodo: Método utilizado para el cálculo

Note

Los GRPs son una medida de presión publicitaria que:

- Pueden superar el 100%
- Indican el número de impactos por cada 100 personas de la población
- Son útiles para comparar campañas de publicidad
- Su debilidad reside en que campañas con diferentes valores de cobertura % y frecuencia media pueden arrojar un mismo nivel de GRPs

See Also

[calc_cpm](#) para cálculo de costes por mil (CPM)

Examples

```
# Cálculo por método de impresiones
grps1 <- calc_grps(
  audiencias = c(300000, 400000, 200000),
  inserciones = c(3, 2, 4),
  pob_total = 1000000
)

# Cálculo por método de cobertura
grps2 <- calc_grps(
  audiencias = c(300000, 400000, 200000),
  inserciones = c(3, 2, 4),
  pob_total = 1000000,
  cobertura = 65.5,
  metodo = "cobertura"
)
```

calc_hofmans	<i>Cálculo de audiencia acumulada según el modelo de audiencia acumulada de Hofmans</i>
--------------	---

Description

Implementa el modelo de Hofmans (1966) para calcular la audiencia acumulada de un plan de medios con múltiples inserciones en un soporte. El modelo considera la duplicación entre inserciones, y utiliza un parámetro de ajuste (alpha) para mejorar la estimación de las audiencias acumuladas.

Usage

```
calc_hofmans(R1, R2, N, show_steps = TRUE)
```

Arguments

R1	Numérico. Cobertura tras la primera inserción (como proporción entre 0 y 1)
R2	Numérico. Cobertura tras la segunda inserción (como proporción entre 0 y 1)
N	Entero. Número de inserciones para las que calcular la audiencia acumulada
show_steps	Lógico. Si TRUE muestra los pasos intermedios del cálculo

Details

El modelo de Hofmans calcula la cobertura acumulada en dos etapas:

- Utiliza una primera formulación para calcular R3:
 - $R3 = (3R1)^2 / (3R1 + k(2R1-R2)(3 \text{ choose } 2))$
 - donde $k = 2R1/R2$
- Para $N > 3$ aplica una formulación mejorada que incorpora un parámetro alpha:
 - $RN = (NR1)^2 / (NR1 + k*(N-1)^a*(N/2)*d)$
 - donde alpha se calcula usando R3
 - y $d = 2R1-R2$ es la duplicación entre inserciones

El modelo asume:

- Audiencia constante para todas las inserciones
- Duplicación constante entre pares de inserciones
- Comportamiento no lineal de la acumulación para $N > 3$

Value

Una lista "hofmans_reach" conteniendo:

- resultados: Data frame con:
 - N: Número de inserción
 - RN: Cobertura acumulada (proporción)
- parametros: Lista con los parámetros calculados:
 - k: Factor k calculado
 - d: Duplicación entre inserciones
 - alpha: Parámetro de ajuste para $N > 3$
- plot: Gráfico de la evolución de la cobertura

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_beta_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_sainsbury](#) para estimaciones el modelo de Sainsbury [calc_binomial](#) para estimaciones con el modelo Binomial [calc_metheringham](#) para estimaciones con el modelo de Metheringham

Examples

```
# Ejemplo básico con 5 inserciones
R1 <- 0.06      # 6% de cobertura primera inserción
R2 <- 0.103     # 10.3% de cobertura segunda inserción
resultado <- calc_hofmans(R1, R2, N = 5)

# Examinar los resultados
print(resultado$resultados)
print(resultado$parametros)

# Ejemplo con validación de datos
## Not run:
R1_invalido <- 1.2 # >100% cobertura
resultado <- calc_hofmans(R1_invalido, R2, N = 5)
# Generará un error por cobertura inválida

## End(Not run)
```

calc_MBBD

Cálculo del Modelo Morgensztem Beta Binomial Distribution (MBBD)

Description

Implementa el modelo MBBD para calcular la distribución de contactos de un plan de medios. Combina la estimación de cobertura de Morgensztem con la distribución beta binomial para ajustar la distribución de contactos.

Usage

```
calc_MBBD(
  insertions,
  audiences,
  RM,
  universe,
  A0,
  precision = 100,
  max_iter = 100,
  adj_factor = 0.01
)
```

Arguments

insertions	Vector numérico. Número de inserciones para cada soporte (n_i)
audiences	Vector numérico. Audiencia de cada soporte en personas (A_i)
RM	Entero. Estimación de cobertura según Morgensztem en personas
universe	Entero. Tamaño del universo objetivo en personas
A0	Numérico. Valor inicial del parámetro A (entre 0 y 10)
precision	Numérico. Criterio de convergencia en personas. Por defecto 100
max_iter	Entero. Número máximo de iteraciones permitidas. Por defecto 100
adj_factor	Numérico. Factor de ajuste para el parámetro A. Por defecto 0.01

Details

El modelo MBBD ajusta iterativamente los parámetros de una distribución beta binomial hasta que su cobertura coincide con la estimada por el método de Morgensztem:

1. Calcula B0 inicial según la fórmula:
 - $B0 = A0 * (SUMATORIO n_i - SUMATORIO n_i A_i) / (SUMATORIO n_i A_i)$
2. Ajusta iterativamente los parámetros hasta que las coberturas convergen:
 - Si RM mayor que BBD: aumenta A
 - Si RM menor que BBD: disminuye A
 - Recalcula B en cada iteración

El modelo asume:

- Los parámetros A y B deben estar entre 0 y 10
- La cobertura BBD se calcula como $1 - P(K=0)$
- La convergencia se alcanza cuando $|BBD - RM|$ menor o igual que precision

Value

Una lista de clase "MBBD" conteniendo:

- parameters: Lista con parámetros finales:
 - AF: Parámetro A final
 - BF: Parámetro B final
 - N: Total de inserciones
 - universe: Tamaño del universo
 - iterations: Número de iteraciones realizadas
 - converged: Indicador de convergencia
- coverage: Lista con coberturas:
 - RM: Cobertura de Morgensztem
 - BBD: Cobertura Beta Binomial
- contact_distribution: Vector con probabilidades de 0 a N contactos
- iteration_history: Data frame con historial de iteraciones

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_beta_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_sainsbury](#) para estimaciones el modelo de Sainsbury [calc_binomial](#) para estimaciones con el modelo Binomial [calc_metheringham](#) para estimaciones con el modelo de Metheringham

Examples

```
Ejemplo básico
insertions <- c(5, 7, 4)
audiences <- c(500000, 550000, 600000)
RM <- 550000
universe <- 1000000 # Añadimos el parámetro universe que faltaba
resultado <- calc_MBB(m, insertions, audiencias, RM, universe, A0=0.1)

# Examinar resultados
print(resultado)
```

calc_metheringham

Cálculo de métricas según el modelo de Metheringham

Description

Calcula métricas fundamentales para la aplicación del modelo de Metheringham, incluyendo la audiencia media (A1), duplicación media (D) y audiencia tras la segunda exposición en el hipotético soporte promedio (A2). El modelo de Metheringham (1964) se basa en que los individuos tienen probabilidades heterogéneas que se distribuyen como una distribución Beta para el conjunto. Los soportes son homogéneos (a saber, todos los soportes acaban con la misma distribución Beta de probabilidades de exposición). La acumulación y duplicación de audiencias se promedian entre los soportes para diseñar un soporte hipotético promedio.

Usage

```
calc_metheringham(audiencias, inserciones, matriz_duplicacion)
```

Arguments

audiencias	Vector numérico con las audiencias de cada soporte
inserciones	Vector numérico con el número de inserciones por soporte
matriz_duplicacion	Matriz simétrica con los valores de duplicación entre soportes

Details

La función realiza los siguientes cálculos principales:

1. Audiencia media tras la primera inserción (A1):
 - Calcula la media ponderada de audiencias por número de inserciones
 - Fórmula: $A1 = \text{SUMATORIO}(\text{Audiencia}_i \times \text{Inserciones}_i) / \text{SUMATORIO}(\text{Inserciones}_i)$
2. Duplicación media (D):
 - Calcula la media ponderada de duplicaciones por oportunidades de contacto
 - Considera todas las combinaciones posibles entre soportes ii, ij
3. Audiencia tras la segunda inserción (A2):
 - Calcula la audiencia que se expone al menos una vez tras la segunda inserción
 - Fórmula: $A2 = 2 \times A1 - D$

Value

Un objeto de clase 'reach_metheringham' conteniendo:

- audiencia_media: Media ponderada de audiencias (A1)
- duplicacion_media: Media ponderada de duplicaciones (D)
- audiencia_segunda: Audiencia tras la segunda inserción (A2)
- matriz_oportunidades: Matriz que contiene el número de oportunidades de contacto entre pares de inserciones
- vector_oportunidades: Versión linealizada de la matriz de oportunidades
- vector_duplicacion: Versión linealizada de la matriz de duplicación

Note

La matriz de duplicación debe ser simétrica donde:

- La diagonal contiene la duplicación de cada soporte consigo mismo
- El elemento i,j contiene la duplicación entre los soportes i y j
- Se debe cumplir que $\text{matriz}_{i,j} = \text{matriz}_{j,i}$
- Para n soportes, la matriz debe ser de dimensiones n x n

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_sainsbury](#) para estimaciones con la distribución Binomial [calc_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_beta_binomial](#) para estimaciones con la distribución de Metheringham [calc_hofmans](#) para estimaciones con la distribución de Hofmans

Examples

```
# Ejemplo básico con tres soportes
matriz_dup <- matrix(c(
  150000, 200000, 180000,
  200000, 120000, 140000,
  180000, 140000, 170000
), nrow = 3, byrow = TRUE)

metricas <- calc_metheringham(
  audiencias = c(1500000, 800000, 1200000),
  inserciones = c(4, 3, 5),
  matriz_duplicacion = matriz_dup
)
```

calc_R1_R2

Cálculo de los valores R1 y R2 (modelo: Beta-Binomial)

Description

Calcula los valores R1 y R2 a partir de los parámetros de forma alpha y beta del modelo de audiencia neta acumulada Beta-Binomial. Los valores son clave para evaluar la audiencia neta y la distribución de contactos (y acumulada). Si la probabilidad de éxito se distribuye según una distribución beta de parámetros alpha y beta, la distribución de contactos, es una distribución compuesta: la distribución beta binomial.

Usage

```
calc_R1_R2(A, B)
```

Arguments

A	Parámetro de forma alpha, debe ser numérico y positivo
B	Parámetro de forma beta, debe ser numérico y positivo

Details

Los coeficientes R1 y R2 son medidas de la duplicación de audiencias:

- R1 mide el tanto por uno de personas alcanzadas tras la primera inserción en el soporte elegido
- R2 mide el tanto por uno de personas alcanzadas tras la segunda inserción en el soporte elegido

El proceso de cálculo:

1. Calcula R1 directamente como $A/(A+B)$
2. Optimiza R2 mediante un proceso iterativo
3. Verifica que los valores R1 y R2 estén en el rango (0,1)

Value

Una lista con dos componentes:

- R1: Coeficiente (tanto por uno) de audiencia acumulada tras la primera inserción
- R2: Coeficiente (tanto por uno) de audiencia acumulada tras la segunda inserción

See Also

[calc_beta_binomial](#) para estimaciones con el modelo Binomial [calc_sainsbury](#) para estimaciones con el modelo de Sainsbury

Examples

```
# Calcular R1 y R2 para alpha=0.5 y beta=0.3
resultados <- calc_R1_R2(0.5, 0.3)

# Ver resultados
print(paste("R1:", round(resultados$R1, 4)))
print(paste("R2:", round(resultados$R2, 4)))

# Verificar que los valores están en el rango esperado
stopifnot(resultados$R1 >= 0, resultados$R1 <= 1)
stopifnot(resultados$R2 >= 0, resultados$R2 <= 1)
```

calc_sainsbury

Cálculo de cobertura y distribución de contactos (y acumulada) según modelo de Sainsbury

Description

Implementa el modelo de Sainsbury, desarrollado por E. J. Sansbury en la London Press Exchange, para calcular la cobertura y la distribución de contactos para un conjunto de soportes publicitarios y una única inserción por soporte. El modelo considera la duplicación aleatoria, las probabilidades individuales de exposición homogéneas, y las probabilidades de exposición del soporte heterogéneas para una estimación más precisa de la cobertura y la distribución de contactos (y acumulada). De las dos últimas hipótesis se deriva que la probabilidad de que un individuo resulte expuesto al soporte i vendrá dado por el cociente entre la audiencia del soporte i (casos favorables) y la población (casos totales). Por su parte, de la asunción de la duplicación aleatoria se deriva que la probabilidad de exposición continuará siendo una variable Bernouilli con diferentes probabilidades de exposición en cada soporte.

Usage

```
calc_sainsbury(audiencias, pob_total)
```

Arguments

audiencias	Vector numérico con las audiencias individuales de cada soporte
pob_total	Tamaño de la población

Details

El modelo de Sainsbury simplificado calcula:

1. Cobertura considerando la duplicación entre soportes como el producto de las probabilidades individuales
2. Distribución de contactos para cada nivel de exposición i

3. Distribución de contactos acumulada (expuestos al menos i veces)

El proceso incluye:

- Conversión de audiencias a probabilidades
- Cálculo de las posibles combinaciones de soportes
- Estimación de probabilidades conjuntas
- Agregación de resultados: distribución de contactos (y acumulada)

Value

Una lista "reach_sainsbury" conteniendo:

- reach: Lista con la cobertura:
 - porcentaje: Cobertura en porcentaje
 - personas: Cobertura en número de personas
- distribucion: Lista con la distribución de contactos:
 - porcentaje: Vector con probabilidad de cada número de exposiciones
 - personas: Vector con número de personas para cada número de exposiciones
- acumulada: Lista con la distribución acumulada:
 - porcentaje: Vector con probabilidades acumuladas
 - personas: Vector con número de personas acumuladas al menos i veces

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_binomial](#) para estimaciones con la distribución Binomial [calc_beta_binomial](#) para estimaciones con la distribución Beta-Binomial [calc_metheringham](#) para estimaciones con la distribución de Metheringham [calc_hofmans](#) para estimaciones con la distribución de Hofmans

Examples

```
# Ejemplo básico con tres soportes
audiencias <- c(300000, 400000, 200000)
pob_total <- 1000000
resultado <- calc_sainsbury(audiencias, pob_total)

# Examinar los resultados
print(resultado$reach$porcentaje) # Cobertura en porcentaje
print(resultado$distribucion$personas) # Personas por número de contactos

# Ejemplo con validación de datos
## Not run:
audiencias_invalidas <- c(300000, -400000, 200000)
resultado <- calc_sainsbury(audiencias_invalidas, pob_total)
# Generará un error por audiencia negativa

## End(Not run)
```

imprimir_resultados	<i>Impresión editada de resultados del análisis de medios</i>
---------------------	---

Description

Imprime en consola un resumen estructurado de los resultados del análisis de medios, incluyendo combinaciones de soportes, distribución de contactos y los parámetros alpha y beta utilizados.

Usage

```
imprimir_resultados(data_ls)
```

Arguments

- `data_ls` Una lista que debe contener los siguientes elementos:
- `resultados`: Data frame con las combinaciones más relevantes de soportes
 - `distribucion`: Data frame con la distribución de contactos, incluyendo:
 - `cont`: Número de contactos
 - `prob`: Probabilidad asociada
 - `alpha`: Valor del parámetro alpha utilizado en el análisis
 - `beta`: Valor del parámetro beta utilizado en el análisis

Value

No retorna valor. Imprime en consola una visualización estructurada de:

- Combinaciones más relevantes de soportes
- Distribución de contactos y sus probabilidades
- Valores de los parámetros alpha y beta utilizados

See Also

[calc_R1_R2](#) para cálculos de coeficientes de duplicación

Examples

```
# Crear datos de ejemplo
data_ls <- list(
  resultados = data.frame(
    soporte = c("TV", "Radio", "Digital"),
    audiencia = c(1000, 800, 600)
  ),
  distribucion = data.frame(
    cont = 0:3,
    prob = c(0.2, 0.3, 0.3, 0.2)
  ),
  alpha = 0.5,
  beta = 0.3
)

# Imprimir resultados
```

```
## Not run:
imprimir_resultados(data_ls)

## End(Not run)
```

mediaPlanR

Herramientas para Planificación de Medios

Description

Conjunto de funciones y aplicaciones para planificación de medios.

Details

mediaPlanR: Herramientas para Planificación de Medios

Author(s)

Manuel Sánchez-Franco <majesus@us.es>

References

CRAN

See Also

Useful links:

- <<https://github.com/majesus/mediaPlanR>>
- Report bugs at <https://github.com/majesus/mediaPlanR/issues>

optimizar_d

Optimización de distribución de contactos mediante modelo Beta-Binomial

Description

Esta función optimiza la distribución de contactos publicitarios y calcula los coeficientes de duplicación (R1 y R2) utilizando la distribución Beta-Binomial. El proceso busca la mejor combinación de parámetros alpha y beta y número de inserciones que satisfaga los criterios de cobertura efectiva y frecuencia efectiva (FE) especificados por el usuario.

Usage

```
optimizar_d(  
  Pob,  
  FE,  
  cob_efectiva,  
  A1,  
  max_inserciones,  
  tolerancia = 0.05,  
  step_A = 0.1,  
  step_B = 0.1,  
  batch_size = 1e+06,  
  min_soluciones = 10,  
  error_aceptable = 0.01  
)
```

Arguments

Pob	Tamaño de la población
FE	Frecuencia efectiva (FE, número objetivo de impactos por persona)
cob_efectiva	Número objetivo de personas a alcanzar con FE contactos
A1	Audiencia tras la primera inserción
max_inserciones	Número de inserciones máximo a considerar (default: 5)
tolerancia	Margen de error permitido en las soluciones (default: 0.05)
step_A	Incremento para búsqueda del parámetro alpha (default: 0.025)
step_B	Incremento para búsqueda del parámetro beta (default: 0.025)
batch_size	Tamaño del lote para procesamiento (default: 1000000)
min_soluciones	Número mínimo de soluciones para parar (default: 10)
error_aceptable	Error aceptable como proporción (default: 0.01)

Details

La función realiza los siguientes pasos:

1. Validación de parámetros de entrada y dependencias
2. Cálculo de valores objetivo normalizados y tolerancias
3. Generación de combinaciones de parámetros (alpha, beta, n)
4. Cálculo de distribuciones Beta-Binomiales por lotes
5. Filtrado de resultados según criterios especificados
6. Cálculo de coeficientes R1 y R2 para soluciones válidas
7. Selección de mejor solución y generación de distribución final

Value

Una lista con los siguientes componentes:

- mejores_combinaciones: Data frame con todas las combinaciones válidas de parámetros, incluyendo:
 - n: Número de inserciones
 - x: Frecuencia efectiva
 - alpha: Parámetro alpha del modelo
 - beta: Parámetro beta del modelo
 - R1: Proporción de personas alcanzadas tras la primera inserción
 - R2: Proporción de personas alcanzadas tras la segunda inserción
 - prob: Probabilidad asociada
 - distancia_objetivo: Diferencia absoluta con respecto al objetivo
- mejores_combinaciones_top_10: Las 10 mejores combinaciones según criterios
- data: Data frame con la distribución de contactos final
- alpha: Valor óptimo seleccionado para alpha
- beta: Valor óptimo seleccionado para beta
- n_optimo: Número óptimo de inserciones

Note

Los parámetros alpha y beta controlan la forma de la distribución Beta-Binomial:

- alpha: Controla la asimetría hacia valores altos de probabilidad
- beta: Controla la asimetría hacia valores bajos de probabilidad
- La combinación de ambos determina la dispersión y forma final

La función utiliza procesamiento por lotes para optimizar el uso de memoria y proporciona información de progreso durante la ejecución.

References

Leckenby, J. D., & Boyd, M. M. (1984). An improved beta binomial reach/frequency model for magazines. *Current Issues and Research in Advertising*, 7(1), 1-24.

See Also

[calc_R1_R2](#) para detalles sobre el cálculo de coeficientes de duplicación

Examples

```
# Ejemplo 1: Caso básico con población pequeña
resultado1 <- optimizar_d(
  Pob = 100000,      # Población de 100 mil
  FE = 3,            # Frecuencia efectiva de 3
  cob_efectiva = 59000, # Objetivo: 59% de cobertura
  A1 = 50000,        # Primera audiencia: 50%
  max_inserciones = 5 # Máximo 5 inserciones
)

# Examinar resultados
```

```

print(head(resultado1$mejores_combinaciones))
print(resultado1$data)

# Ejemplo 2: Caso con mayor precisión
resultado2 <- optimizar_dc(
  Pob = 1000000,
  FE = 4,
  cob_efectiva = 600000,
  A1 = 450000,
  max_inserciones = 8,
  tolerancia = 0.03,      # Menor tolerancia
  step_A = 0.01,         # Pasos más pequeños
  step_B = 0.01,
  min_soluciones = 20    # Más soluciones requeridas
)

```

optimizar_dc	<i>Optimización de distribución de contactos acumulada mediante modelo Beta-Binomial</i>
--------------	--

Description

Esta función optimiza la distribución de contactos publicitarios y calcula los coeficientes de duplicación (R1 y R2) utilizando la distribución Beta-Binomial. El proceso busca la mejor combinación de parámetros alpha y beta y número de inserciones que satisfaga los criterios de cobertura efectiva y frecuencia efectiva mínima (FEM) especificados por el usuario. La función calcula la cobertura acumulada para individuos que han visto el anuncio FEM o más veces.

Usage

```

optimizar_dc(
  Pob,
  FEM,
  cob_efectiva,
  A1,
  max_inserciones,
  tolerancia = 0.05,
  step_A = 0.1,
  step_B = 0.1,
  batch_size = 1e+06,
  min_soluciones = 10,
  error_aceptable = 0.01
)

```

Arguments

Pob	Tamaño de la población
FEM	Frecuencia efectiva mínima (FEM, número mínimo de impactos por persona)
cob_efectiva	Número objetivo de personas a alcanzar con FEM o más contactos
A1	Audiencia tras la primera inserción

max_inserciones	Número de inserciones máximo a considerar
tolerancia	Margen de error permitido en las soluciones (default: 0.05)
step_A	Incremento para búsqueda del parámetro alpha (default: 0.1)
step_B	Incremento para búsqueda del parámetro beta (default: 0.1)
batch_size	Tamaño del lote para procesamiento (default: 1000000)
min_soluciones	Número mínimo de soluciones para parar (default: 10)
error_aceptable	Error aceptable como proporción (default: 0.01)

Details

La función realiza los siguientes pasos:

1. Validación de parámetros de entrada y dependencias
2. Cálculo de valores objetivo normalizados y tolerancias
3. Generación de combinaciones de parámetros (alpha, beta, n)
4. Cálculo de distribuciones Beta-Binomiales por lotes
5. Suma acumulada de probabilidades para k mayor o igual que FEM
6. Filtrado de resultados según criterios especificados
7. Cálculo de coeficientes R1 y R2 para soluciones válidas
8. Selección de mejor solución y generación de distribución final

Value

Una lista con los siguientes componentes:

- mejores_combinaciones: Data frame con todas las combinaciones válidas de parámetros, incluyendo:
 - n: Número de inserciones
 - x: Frecuencia efectiva mínima
 - alpha: Parámetro alpha del modelo
 - beta: Parámetro beta del modelo
 - R1: Proporción de personas alcanzadas tras la primera inserción
 - R2: Proporción de personas alcanzadas tras la segunda inserción
 - prob: Probabilidad acumulada (FEM o más contactos)
 - distancia_objetivo: Diferencia absoluta con respecto al objetivo
- mejores_combinaciones_top_10: Las 10 mejores combinaciones según criterios
- data: Data frame con la distribución de contactos final, incluyendo:
 - inserciones: Número de inserciones
 - d_probabilidad: Distribución de probabilidad
 - dc_acumulada: Distribución acumulada
- alpha: Valor óptimo seleccionado para alpha
- beta: Valor óptimo seleccionado para beta
- n_optimo: Número óptimo de inserciones

Note

Esta función difiere de `optimizar_d` en que:

- Utiliza FEM en lugar de FE
- Calcula coberturas acumuladas (personas que ven el anuncio FEM o más veces)
- La optimización considera la suma de probabilidades para k mayor o igual que FEM

References

Leckenby, J. D., & Boyd, M. M. (1984). An improved beta binomial reach/frequency model for magazines. *Current Issues and Research in Advertising*, 7(1), 1-24.

See Also

[optimizar_d](#) para optimización con frecuencia efectiva exacta [calc_R1_R2](#) para detalles sobre el cálculo de coeficientes de duplicación

Examples

```
# Ejemplo 1: Optimización para cobertura acumulada
resultado1 <- optimizar_dc(
  Pob = 1000000,      # Población de 1 millón
  FEM = 3,            # Frecuencia efectiva mínima de 3
  cob_efectiva = 600000, # Objetivo: 600,000 personas con 3+ contactos
  A1 = 450000,        # Primera audiencia: 450,000
  max_inserciones = 8  # Máximo 8 inserciones
)

# Ejemplo 2: Caso con mayor precisión
resultado2 <- optimizar_dc(
  Pob = 500000,
  FEM = 4,
  cob_efectiva = 250000,
  A1 = 200000,
  max_inserciones = 10,
  tolerancia = 0.03,    # Menor tolerancia
  step_A = 0.05,        # Pasos más pequeños
  step_B = 0.05,
  min_soluciones = 15   # Más soluciones requeridas
)

# Comparar probabilidades acumuladas vs objetivo
print(data.frame(
  Objetivo = resultado2$cob_efectiva,
  Logrado = resultado2$mejores_combinaciones[1, "prob"],
  Error = abs(resultado2$mejores_combinaciones[1, "distancia_objetivo"])
))
```

optimize_media_sb	<i>Optimización de planes de medios con restricciones mediante procesamiento por lotes</i>
-------------------	--

Description

Implementa un algoritmo de optimización para encontrar la combinación óptima de soportes publicitarios que maximiza la cobertura para una Frecuencia Efectiva Mínima (FEM) determinada, respetando restricciones presupuestarias. El algoritmo utiliza un enfoque de procesamiento por lotes (batches) y permite elegir entre el modelo de Sainsbury o el Binomial para el cálculo de coberturas y distribución de contactos. Permite la exclusión de soportes específicos y maneja restricciones presupuestarias con tolerancia configurable. Adicionalmente, permite trabajar con audiencias brutas o audiencias útiles (considerando índices de utilidad).

Usage

```
optimize_media_sb(
  soportes_df,
  FEM,
  objetivo_cobertura,
  presupuesto_max,
  tolerancia_presupuesto = 0.1,
  poblacion_total = 4.7e+07,
  tam_batch = 5,
  soportes_vetados = NULL,
  modelo = c("sainsbury", "binomial"),
  usar_audiencia_util = FALSE
)
```

Arguments

soportes_df	Data frame con columnas: soportes (character), audiencias (numeric), tarifas (numeric). Si se usa audiencia útil, debe incluir también índices_utilidad (numeric)
FEM	Frecuencia Efectiva Mínima requerida (número entero positivo)
objetivo_cobertura	Cobertura objetivo a alcanzar (porcentaje)
presupuesto_max	Presupuesto máximo disponible
tolerancia_presupuesto	Desviación permitida sobre el presupuesto máximo (por defecto 0.10 = 10%)
poblacion_total	Tamaño de la población objetivo (por defecto 47000000)
tam_batch	Tamaño de los lotes para procesamiento (por defecto 5)
soportes_vetados	Vector de caracteres con nombres de soportes a excluir (opcional)
modelo	Modelo a utilizar para el cálculo de cobertura: "sainsbury" o "binomial" (por defecto "sainsbury")
usar_audiencia_util	Logical indicando si usar audiencia útil (TRUE) o bruta (FALSE, por defecto)

Details

El algoritmo de optimización sigue los siguientes pasos:

1. Preprocesamiento de datos:
 - Filtrado de soportes vetados
 - Cálculo de audiencias útiles si corresponde ($\text{audiencia} * \text{índice_utilidad}$)
 - Cálculo de ratios de eficiencia (audiencia/tarifa o $\text{audiencia útil/tarifa}$)
 - Ordenación por eficiencia
2. Procesamiento por lotes:
 - División en batches para optimizar el proceso
 - Evaluación de combinaciones que cumplen FEM mínima
 - Verificación de restricción presupuestaria
 - Cálculo de cobertura mediante el modelo seleccionado
3. Optimización iterativa:
 - Búsqueda de mejores soluciones en cada batch
 - Actualización progresiva de la mejor solución
 - Criterio de parada por objetivo alcanzado

Los modelos disponibles son:

- Sainsbury: Considera la duplicación entre soportes como el producto de las probabilidades individuales
- Binomial: Asume una probabilidad media de exposición para todos los soportes

Value

Una lista conteniendo:

- `exit`: Logical indicando si se encontró solución factible
- `cobertura_alcanzada`: Porcentaje de cobertura logrado
- `coste_total`: Coste total del plan
- `soportes_seleccionados`: Data frame con los soportes del plan óptimo. Si se usa audiencia útil, incluye columnas adicionales para audiencia útil e índices de utilidad
- `plan_completo`: Vector binario indicando soportes seleccionados
- `objetivo_alcanzado`: Logical indicando si se alcanzó el objetivo
- `distribucion`: Lista con distribución de contactos y acumulada
- `soportes_vetados`: Vector de soportes excluidos encontrados
- `soportes_no_encontrados`: Vector de soportes vetados no localizados

References

Aldás Manzano, J. (1998). Modelos de determinación de la cobertura y la distribución de contactos en la planificación de medios publicitarios impresos. Tesis doctoral, Universidad de Valencia, España.

See Also

[calc_sainsbury](#) para el modelo de Sainsbury [calc_binomial](#) para el modelo Binomial

Examples

```
# Ejemplo con audiencia bruta y modelo Sainsbury

datos <- readr::read_csv(file = "data.csv", show_col_types = FALSE)

resultado_bruto <- optimize_media_sb(
  soportes_df = datos,
  FEM = 2,
  objetivo_cobertura = 50,
  presupuesto_max = 100000,
  modelo = "sainsbury",
  usar_audiencia_util = FALSE
)

# Ejemplo con audiencia útil y modelo Binomial
datos_util <- data.frame(
  soportes = c("Medio1", "Medio2", "Medio3"),
  audiencias = c(1000000, 800000, 600000),
  tarifas = c(50000, 40000, 30000),
  indices_utilidad = c(1.2, 1.1, 0.9)
)

resultado_util <- optimize_media_sb(
  soportes_df = datos_util,
  FEM = 2,
  objetivo_cobertura = 50,
  presupuesto_max = 100000,
  modelo = "binomial",
  usar_audiencia_util = TRUE
)
```

plot_grp_metricas

Visualización de GRPs y métricas relacionadas por soporte

Description

Genera un gráfico de puntos para comparar soportes publicitarios según GRPs y coste total, contactos y coste/GRP. El gráfico muestra la relación entre el coste por GRP, los contactos totales y el coste total de cada soporte, utilizando un sistema de burbujas con colores distintivos para cada soporte.

Usage

```
plot_grp_metricas(
  audiencias,
  inserciones,
  precios,
  nombres,
  pob_total,
  titulo = "Comparación de Soportes Publicitarios"
)
```

Arguments

audiencias	Vector numérico con las audiencias de cada soporte
inserciones	Vector numérico del número de inserciones por soporte
precios	Vector numérico con el precio por inserción de cada soporte
nombres	Character vector con los nombres de los soportes
pob_total	Tamaño de la población objetivo
titulo	Character. Título del gráfico (opcional)

Value

Un objeto ggplot2 que representa el gráfico de burbujas

Examples

```
# Ejemplo básico con tres soportes
plot_grp_metricas(
  audiencias = c(300000, 400000, 200000),
  inserciones = c(3, 2, 4),
  precios = c(1000, 1500, 800),
  nombres = c("Marca", "As", "20 Minutos"),
  pob_total = 1000000,
  titulo = "Análisis de Soportes Deportivos"
)
```

print.calc_canex	<i>Print CANEX Report</i>
------------------	---------------------------

Description

Generates formatted report with CANEX model metrics.

Generates formatted report with CANEX model metrics.

Usage

```
## S3 method for class 'calc_canex'
print(metrics, poblacion = 1e+06)
```

Arguments

metrics	List. Output from calculate_metrics()
poblacion	Integer. Target population size

Value

NULL (prints to console)

NULL (prints to console)

Examples

```
dist <- data.frame(
  exposures = 0:2,
  probability = c(0.3, 0.5, 0.2)
)
metrics <- calculate_metrics(dist)
print.calc_canex(metrics)

dist <- data.frame(
  exposures = 0:2,
  probability = c(0.3, 0.5, 0.2)
)
metrics <- calculate_metrics(dist)
print.calc_canex(metrics)
```

print.MBBD	<i>Imprime un objeto MBBD</i>
------------	-------------------------------

Description

Método para imprimir los resultados de un modelo MBBD

Usage

```
## S3 method for class 'MBBD'
print(x, ...)
```

Arguments

x	Objeto de clase "MBBD"
...	Argumentos adicionales pasados a print

run_aud_util_explorer	<i>Explorador de Audiencia Útil</i>
-----------------------	-------------------------------------

Description

Aplicación Shiny para el análisis de audiencias brutas y útiles con diferentes criterios demográficos.

Usage

```
run_aud_util_explorer()
```

Details

La aplicación permite:

- Configurar una audiencia bruta con distribuciones de sexo, edad y nivel socioeconómico
- Analizar la audiencia útil mediante filtros demográficos
- Visualizar distribuciones mediante gráficos de barras
- Calcular estadísticas relevantes de la audiencia

Parámetros de Configuración

- Tamaño de audiencia
- Distribución por sexo (porcentajes)
- Grupos de edad seleccionables
- Niveles socioeconómicos (porcentajes)

`run_beta_binomial_explorer`*Función de Masa de Probabilidad Beta-Binomial*

Description

Calcula la función de masa de probabilidad de la distribución beta-binomial para un conjunto dado de parámetros.

Usage`run_beta_binomial_explorer()`**Arguments**

x	Número de éxitos
n	Número de ensayos
alpha	Parámetro de forma alpha de la distribución beta
beta	Parámetro de forma beta de la distribución beta

Details

La función implementa la fórmula:

$$P(X = k) = \binom{n}{k} \frac{B(k + \alpha, n - k + \beta)}{B(\alpha, \beta)}$$

`run_reach_converg_explorer`*Explorador de Convergencia de la Cobertura*

Description

Aplicación Shiny para el análisis de la convergencia de la cobertura.

Usage`run_reach_converg_explorer()`

Details

La aplicación permite:

- Configurar un plan de medios aplicando el modelo Beta-Binomial
- Analizar la evolución de la cobertura acumulada e incremental
- Analizar la distribución de contactos (y acumulada)
- Visualizar distribuciones mediante gráficos de líneas
- Calcular estadísticas relevantes de la audiencia

Parámetros de Configuración

- Tamaño de población
- Parámetros de forma de la distribución Beta-Binomial
- Máximo número de contactos a mostrar
- Umbral de convergencia

setup_mediaPlanR	<i>Configurar MediaPlanR</i>
------------------	------------------------------

Description

Configurar MediaPlanR

Usage

```
setup_mediaPlanR(load_packages = FALSE)
```

transform_duplications	<i>Transform Duplication Matrix</i>
------------------------	-------------------------------------

Description

Converts raw duplication matrix to correlation coefficients.

Usage

```
transform_duplications(duplications, vehicles_data)
```

Arguments

duplications	Matrix. Raw duplication values
vehicles_data	Data frame. Contains R1 for each vehicle

Value

Matrix of correlation coefficients

Examples

```
dup_matrix <- matrix(c(1, 0.0157, 0.0157, 1), nrow=2)
vehicles <- data.frame(R1=c(0.4902, 0.033))
correlations <- transform_duplications(dup_matrix, vehicles)
```

Index

-package (CANEX-package), 3

calc_beta_binomial, 8, 11, 18, 20, 21, 23, 24
calc_binomial, 9, 10, 18, 20, 21, 24, 33
calc_canex, 12
calc_cpm, 5, 14, 16
calc_grps, 5, 14, 15
calc_hofmans, 9, 11, 17, 21, 24
calc_MBBD, 18
calc_metheringham, 9, 11, 18, 20, 20, 24
calc_R1_R2, 22, 25, 28, 31
calc_sainsbury, 9, 11, 18, 20, 21, 23, 23, 33
calcular_metricas_medios, 4
calculate_bbd_params, 13
calculate_bbd_params (CANEX-package), 3
calculate_duplication, 6
calculate_marginal_prob, 6
calculate_mean_variance, 7
calculate_metrics, 7, 13
CANEX-package, 3

i, j, 12, 21
imprimir_resultados, 25

j, i, 21

mediaPlanR, 26
mediaPlanR-package (mediaPlanR), 26

optimizar_d, 26, 31
optimizar_dc, 29
optimize_media_sb, 32

plot_grp_metricas, 34
print.calc_canex, 35
print.MBBB, 36

run_aud_util_explorer, 36
run_beta_binomial_explorer, 37
run_reach_converg_explorer, 37

setup_mediaPlanR, 38

transform_duplications, 13, 38