### O que é Agrupamento?

Conhecido também por *aprendizado não-supervisionado* e, às vezes, chamado de *classificação* por estatísticos e de *segmentação* por pessoas de *marketing* 

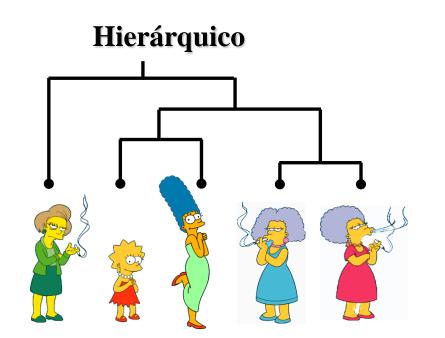
- O que é agrupamento?
- Algumas aplicações
- Definição formal e complexidade computacional
- Objetivos e características
- Grupos naturais
- Medidas de (dis)similaridade
- A tarefa de agrupamento e desafios

- Agrupamento particional
  - K-Médias
  - C-Médias Nebuloso
- Agrupamento hierárquico
  - Single-link
- Medidas de avaliação

# Dois Tipos de Agrupamento

### • Algoritmos Hierárquicos:

- Solutiones São organziados em uma estrutura hierárquica chamada dendrograma, onde é possível visualizar diferentes quantidades de grupos simultaneamente
- ➤ Obtêm uma solução com todas as variações de *k*



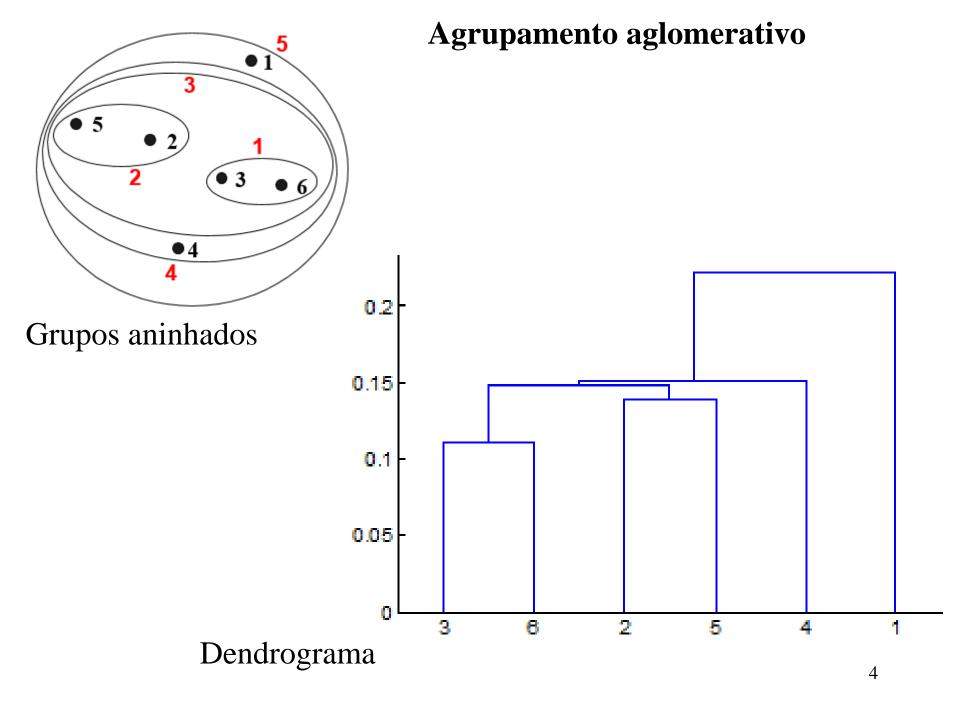
**Particional** 



### Agrupamento hierárquico

• Os métodos hierárquicos são caracterizados por *sucessivas divisões* ou *fusões hierárquicas* dos dados, geralmente apresentando como resultado um *dendrograma*, o qual representa os possíveis agrupamentos de dados. Os métodos hierárquicos agrupam os objetos dentro de uma árvore de grupos, podendo ser:

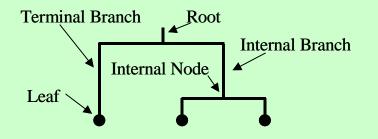
-Aglomerativos: inicialmente cada objeto pertence a um grupo e os objetos se unem sucessivamente em grupos até que um critério de parada seja atingido. Cada passo combina os 2 grupos mais similares



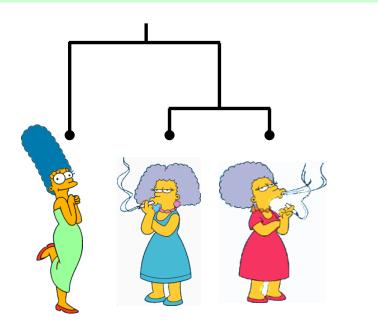
# Agrupamento hierárquico

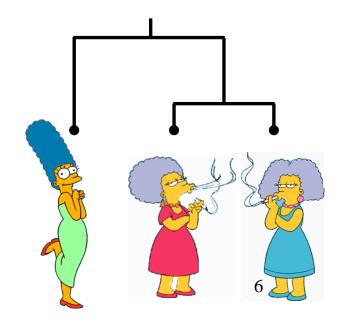
• *Divisivos*: no início do processo de agrupamento todos os objetos fazem parte do mesmo grupo, que é dividido sucessivamente em grupos menores até que um critério de parada seja atingido. Cada passo divide o grupo menos homogêneo em 2 novos grupos

### Uma Ferramenta Útil para Resumir as Similaridades

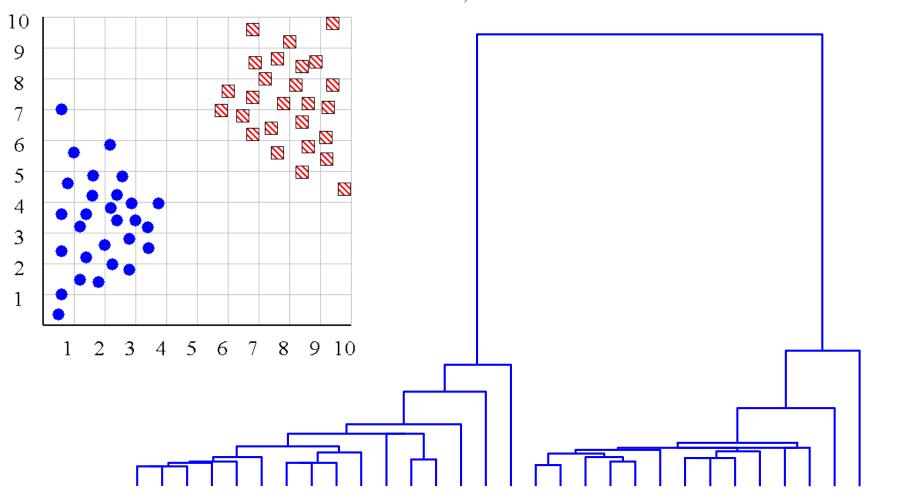


A **similaridade** entre dois objetos em um dendograma é **representada pela altura** do nó interno mais baixo que eles compartilham.

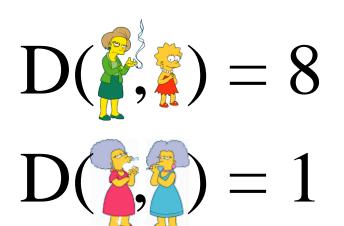


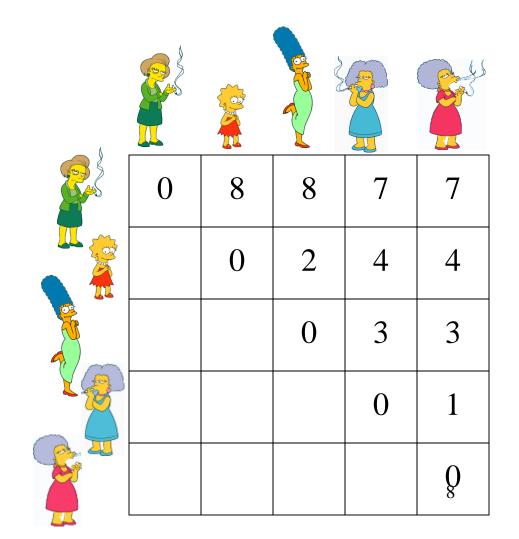


Nós podemos olhar no dendograma para determinar o número "correto" de agrupamentos. Nesse caso, a existência de duas árvores bem separadas é um forte indicativo de dois *clusters*. (Infelizmente, raramente as coisas são assim tão claras.)

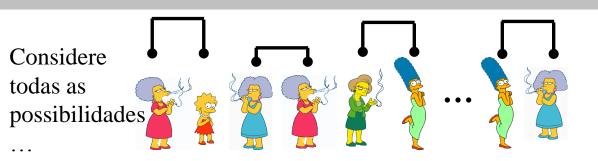


Nós começamos com uma matriz de distâncias que contém as distâncias entre cada par de objetos no nosso banco de dados.





Começando com cada item em seu próprio *cluster*, encontrar o melhor par para aglomerar em um novo *cluster*. Repetir até que todos os *clusters* tenham sido aglomerados em um único.



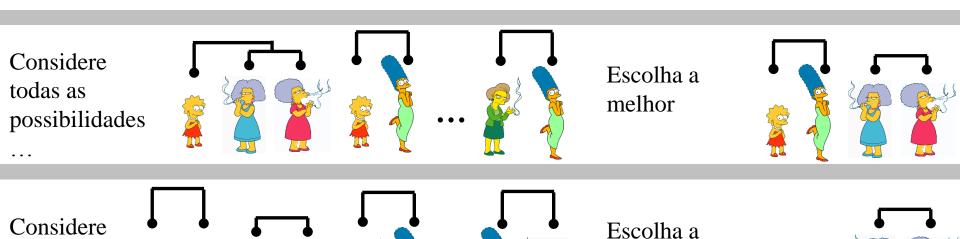
Escolha a melhor



Começando com cada item em seu próprio *cluster*, encontrar o melhor par para aglomerar em um novo *cluster*. Repetir até que todos os clusters tenham sido aglomerados em um único.

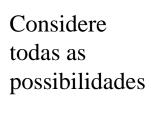
todas as

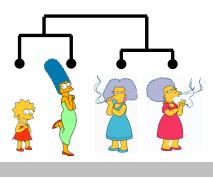
possibilidades



melhor

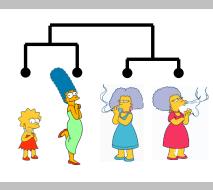
Começando com cada item em seu próprio *cluster*, encontrar o melhor par para aglomerar em um novo *cluster*. Repetir até que todos os clusters tenham sido aglomerados em um único.



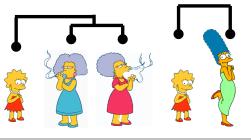




Escolha a melhor

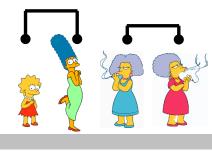


Considere todas as possibilidades

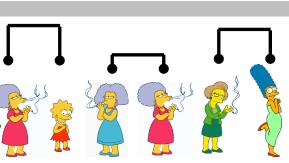


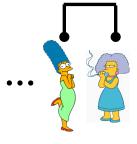


Escolha a melhor



Considere todas as possibilidades

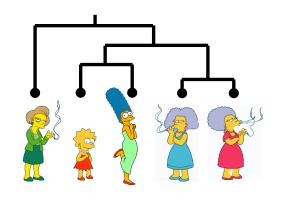




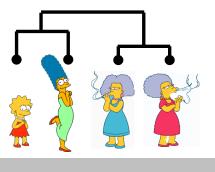
Escolha a melhor



Começando com cada item em seu próprio *cluster*, encontrar o melhor par para aglomerar em um novo *cluster*. Repetir até que todos os clusters tenham sido aglomerados em um único.

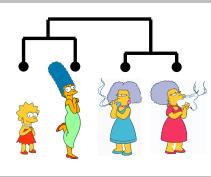


Considere todas as possibilidades

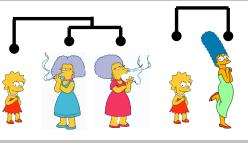




Escolha a melhor

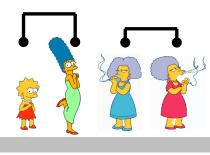


Considere todas as possibilidades

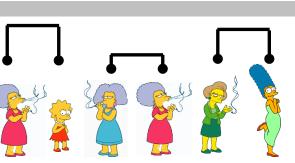




Escolha a melhor



Considere todas as possibilidades





Escolha a melhor



# O algoritmo Single-link

• O algoritmo hierárquico simples (ou *Single Linkage*) é um algoritmo aglomerativo. Ele inicia com um objeto pertencendo a um grupo e os aglomera até que todos pertençam a um único grupo

• O processo se inicia com uma *matriz de distâncias* entre todos os objetos. Na sequência, *um processo iterativo* de união sempre entre os dois grupos mais similares é realizado. Os grupos selecionados são substituídos na matriz de distâncias por um novo grupo, onde a distância desse novo grupo aos demais grupos é definida pela menor distância entre os dois grupos selecionados e os grupos restantes

# O algoritmo Single-link

- 1. Calcular a matriz de distância entre os objetos
- 2. Enquanto existir mais de um grupo, faça
  - a) Encontre e junte os dois grupos mais próximos
  - b) Atualize a matriz de distância entre os grupos
- 3. Defina um ponto de corte para obter o agrupamento

 Método do vizinho mais próximo (Método da ligação simples-Single Link)

Para o nosso exemplo suponha a seguinte matriz de distâncias:

- <u>Passo 1:</u> inicialmente, cada caso forma um grupo, isto é, temos 6 grupos iniciais.
- <u>Passo 2</u>: olhando-se a matriz de distâncias, observa-se que as duas observações mais próximas são D e F, corresponde a uma distância de 0,37, assim, esta duas observações são agrupadas, formando o primeiro grupo. Necessita-se, agora, das distâncias deste grupo aos demais. A partir da matriz de distâncias iniciais têm-se:

$$d(A, DF) = \min\{d(A, D), d(A, F)\} = \min\{2,12; 2,49\} = 2,12$$
  
 $d(B, DF) = \min\{d(B, D), d(B, F)\} = \min\{1,47; 1,84\} = 1,47$   
 $d(C, DF) = \min\{d(C, D), d(C, F)\} = \min\{0,77; 1,13\} = 0,77$   
 $d(E, DF) = \min\{d(E, D), d(E, F)\} = \min\{1,62; 1,96\} = 1,62$ 

Com isso, temos a seguinte matriz de distâncias:

■ Passo 3: Agrupar A e B ao nível de 0,67, e recalcular:

$$d(C,AB) = min\{d(C,A),d(C,B)\} = min\{1,41;0,74\} = 0,74$$

$$d(E,AB) = min\{d(E,A),d(E,B)\} = min\{0,79;0,67\} = 0,67$$

$$d(DF,AB) = min\{d(D,A),d(D,B),d(F,A),d(F,B)\} = min\{2,12;1,47;2,49;1,84\} = 1,47$$

A matriz resultante será:

$$\begin{array}{c|cccc} & \textbf{C} & \textbf{E} & \textbf{DF} \\ \textbf{E} & \begin{bmatrix} 1{,}09 & & \\ 0{,}77 & 1{,}62 & \\ 0{,}74 & 0{,}67 & 1{,}47 \end{bmatrix} \end{array}$$

#### Passo 4: Agrupar AB com E ao nível de 0,67, e recalcular:

$$d(C,ABE) = min\{d(C,A),d(C,B),d(C,E)\} = min\{1,41;0,74;1,09\} = 0,74$$
  
 $d(DF,ABE) = min\{d(D,A),d(D,B),d(D,E),d(F,A),d(F,B),d(F,E)\} = min\{2,12;1,47;1,62;2,49;1,84;1,96\} = 1,47$ 

#### Matriz resultante:

DF 
$$\begin{bmatrix} 0.77 \\ \hline 0.74 \end{bmatrix}$$
 1,47

- Passo 5: Agrupar C com ABE ao nível de 0,74, e recalcular:

```
d(DF, ABCE) = min\{d(D, A), d(D, B), d(D, C), d(D, E), d(F, A), d(F, B), d(F, C), d(F, E)\} = min\{2,12;1,47;0,77;1,62;2,49;1,84;1,13;1,96\} = 0,77
```

#### Matriz resultante:

DF

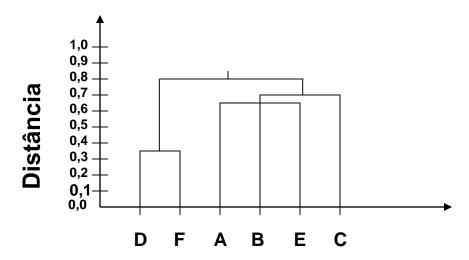
**ABCE** [0,77]

 Passo 6: O último passo cria um único agrupamento contendo os 6 objetos, que serão similares a um nível de 0,77

#### Resumindo-se, temos:

Nó	Fusão	Nível
1	DeF	0,37
2	AeB	0,67
3	AB e E	0,67
4	ABE e C	0,74
5	ABCE e DF	0,77

#### **Dendrograma:**



### Resumo sobre agrupamento hierárquico

- Não existe a necessidade de especificar o número de grupos, a priori
- As divisões ou fusões não podem ser desfeitas
- O método opera com uma matriz de proximidade (dissimilaridade) entre os objetos
- O resultado de um algoritmo hierárquico é um dendrograma representando o agrupamento

### Métricas de Avaliação de Agrupamento

- A análise de desempenho de algoritmos fornece um grau de confiabilidade dos resultados produzidos pelos mesmos. Isto implica na decisão de escolher o algoritmo mais eficiente e eficaz para uma determinada aplicação
- Medidas de avaliação de algoritmos de agrupamento que consideram uma partição desejada são denominadas de *medidas externas*, enquanto as *medidas internas* consideram apenas distâncias inter- e/ou intragrupos para quantificar o desempenho dos algoritmos
- Em aplicações práticas a qualidade das partições deve ser avaliada por alguma *medida interna*, uma vez que o rótulo dos objetos não é conhecido *a priori*

### Entropia

- A entropia mede a homogeneidade de um grupo
- Esta informação mostra como os objetos da base de dados estão distribuídos nos grupos encontrados

$$E(S_r) = -\frac{1}{\log k} \sum_{i=1}^k \frac{n_r^i}{n_r} \log \frac{n_r^i}{n_r}$$

- $S_r$  é o grupo avaliado
- k é o número total de classes da base de dados
- $n_r^i$  é o número de objetos da classe i
- $n_r$  o número de objetos no grupo  $S_r$

- Ainda sobre entropia...
  - Baixo valor de entropia indica melhor qualidade do grupo.
  - A entropia global é a soma da entropia de cada grupo, ponderada pelo tamanho de cada grupo:

$$E_g = \sum_{r=1}^k \frac{n_r}{n} E_r$$

- g indica que se trata da entropia global
- r representa um grupo particular
- *k* é o total de grupos na base de dados
- $n_r$  é o número de objetos no grupo r
- *n* é o número de objetos na base de dados

#### Pureza

 A pureza indica quão puro é o grupo avaliado, isto é, a razão da classe dominante de um grupo em relação ao número total de objetos neste grupo

$$P(S_r) = \frac{\max(n_r^i)}{n_r}$$

- $n_r^i$  é o número de objetos da classe i no grupo r
- $n_r$  o número de objetos no grupo  $S_r$

- Ainda sobre pureza...
  - Quanto maior a pureza melhor é a qualidade do grupo. A pureza global segue a mesma ideia do cálculo da entropia global:

$$P_g = \sum_{r=1}^k \frac{n_r}{n} P_r$$

- g indica que se trata da entropia global
- r representa a um grupo particular
- k é o número total de grupos na base de dados
- $n_r$  é o número de objetos no grupo  $\mathbf{S}_r$
- *n* é o número de objetos da base de dados

- Silhueta Simplificada
  - Mostra quais objetos estão bem situados dentro dos seus grupos e quais estão fora do cluster apropriado

$$s(i) = \frac{b(i) - a(i)}{max\{a(i), b(i)\}}$$

- *i* é o objeto da base dados
- a(i) é distância do objeto i ao seu respectivo centroide
- b(i) é a menor distância do objeto i aos centroides dos demais grupos

• Ainda sobre a Silhueta Simplificada...

$$S = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} s(i)$$

- S é silhueta média sobre todos os objeto da base dados
- *n* é a quantidade de objetos
- s(i) é a silhueta do i-ésimo objeto
- $S \in [-1,1]$ ; quanto maior o S, melhor é o agrupamento

#### Xie-Beni

• Avalia simultaneamente quão compactos e separados são os grupos dentro de uma partição nebulosa (ou *crisp*):

$$\mathbf{x}\boldsymbol{b} = \frac{\sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{k} (\mu_{ij})^{2} * ||X_{i} - C_{j}||^{2}}{n * min(||C_{j} - C_{k}||^{2}), j \neq k}$$

- *n* e *k* são o número de objetos na base de dados e o número de protótipos, respectivamente
- $\mu_{ij}$  representa o grau de pertinência do objeto  $\mathbf{X}_i$  ao protótipo  $\mathbf{C}_i$
- ||. ||<sup>2</sup> é a distância Euclidiana
- $xb \in [0,1]$ ; quanto menor o xb, mais compactos e separados são os grupos encontrados