Разработка Администрирование Дизайн Менеджмент Маркетинг Научпол











egaoharu_kensei 21 час назад

Дерево решений (CART). От теоретических основ до продвинутых техник и реализации с нуля на Python





1 22 мин



Python*, Data Mining*, Алгоритмы*, Машинное обучение*, Искусственный интеллект

Туториал



Дерево решений CART (Classification and Regressoin Tree) — алгоритм классификации и регрессии, основанный на бинарном дереве и являющийся фундаментальным компонентом случайного леса и бустингов, которые входят в число самых мощных алгоритмов машинного обучения на сегодняшний день. Деревья также могут быть не бинарными в

зависимости от реализации. К другим популярным реализациям решающего дерева относятся следующие: ID3, C4.5, C5.0.

Ноутбук с данными алгоритмами можно загрузить на **Kaggle** (eng) и **GitHub** (rus).

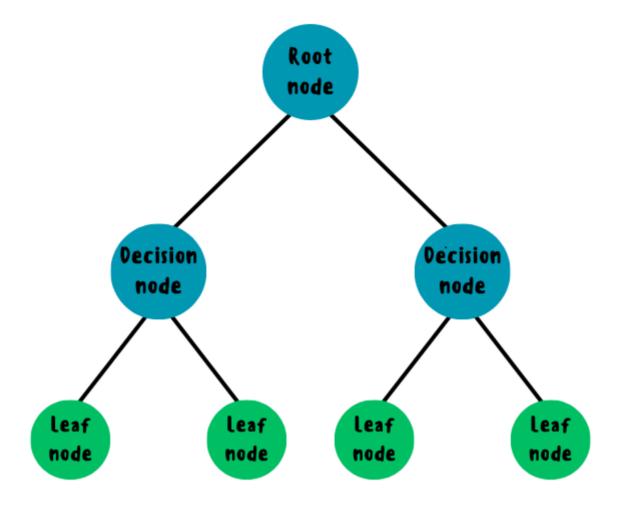
Структура дерева решений

Решающее дерево состоит из следующих компонентов: корневой узел, ветви (левая и правая), решающие и листовые (терминальные) узлы. Корневой и решающие узлы представляют из себя вопросы с пороговым значением для разделения тренировочного набора на части (левая и правая), а листья являются конечными прогнозами: среднее значений в листе для регрессии и статистическая мода для классификации.



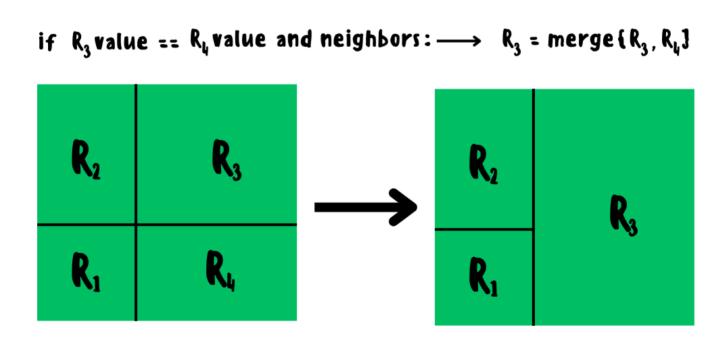






Структура CART

Каждый листовой узел соответствует определённой прямоугольной области на графике границ решений между двумя признаками. Если на графике соседние участки имеют одинаковое значение, то они автоматически объединяются и представляются как одна большая область.



Выбор наилучшего разбиения

Выбор наилучшего разбиения при построении решающего узла в дереве напоминает игру, в которой нужно угадать знаменитость, задавая вопросы, на которые можно лишь услышать ответ "да" либо "нет". Логично, что для быстрого поиска правильного ответа необходимо задавать вопросы, которые исключат наибольшее количество неверных вариантов, например, вопрос про "пол" позволит исключить сразу же половину вариантов, в то время как вопрос про "возраст" будет менее информативным. Проще говоря, выбор наилучшего вопроса заключается в поиске признака, определённое значение которого лучше всего отделяет правильный ответ от неправильных.

Показатель того, насколько хорошо вопрос в решающем узле позволяет отделить верный ответ от неверных, называется мерой загрязнённости узла. В случае классификации для оценки качества разбиения узла используются следующие критерии:

• Неопределённость (загрязнённость) Джини — мера разнообразия в распределении вероятностей классов. Если все элементы в узле принадлежат к одному классу, то неопределённость Джини равна 0, а в случае равномерного распределения классов в узле неопределённость Джини равна 0.5.

$$G_i = 1 - \sum_{k=1}^n P_{i,k}^2$$

• Энтропия Шеннона — мера неопределённости или беспорядка классов в узле. Она характеризует количество информации, которое необходимо для описания состояния системы: чем выше значение энтропии, тем менее упорядочена система и наоборот.

$$S_i = -\sum_{k=1}^n P_{i,k} \; log_2 P_{i,k}$$

• Ошибка классификации — величина, отображающая долю неправильно классифицированных элементов в узле: чем меньше данное значение, тем меньше загрязнённость в узле.

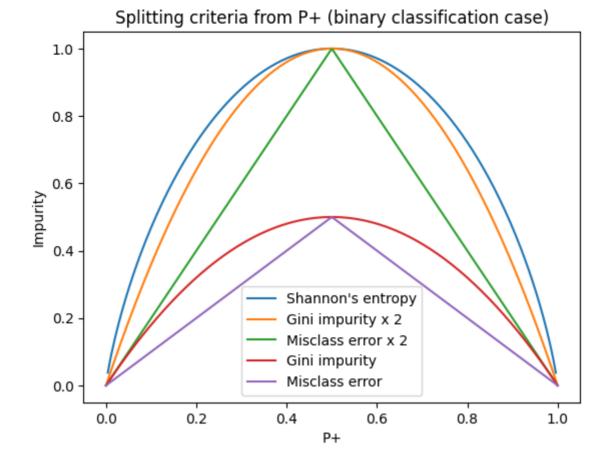
$$E_i = 1 - max P_{i,k}$$

В данном случае $\,P_{i,k}\,$ — это доля k-го класса среди обучающих образцов в i-ом узле.

На практике чаще всего используются неопределённость Джини и энтропия Шеннона за счёт большей информативности. Как видно из графика для случая бинарной классификации (где P+ — вероятность принадлежности к классу "+"), график удвоенной неопределённости Джини очень схож с графиком энтропии Шеннона: в первом случае будут получаться чуть менее сбалансированные деревья, однако при работе с большими датасетами неопределённость Джини более предпочтительна за счёт меньшей вычислительной сложности.

Код для отрисовки графика

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
def gini(probas):
    return np.array([1- (p ** 2 + (1-p) ** 2) for p in probas])
def entropy(probas):
    return np.array([-1 * (p * np.log2(p) + (1-p) * np.log2(1-p))  for p in probas])
def misclass_error_rate(probas):
    return np.array([1 - max([p, 1-p]) for p in probas])
probas = np.linspace(0, 1, 250)
plt.plot(probas, entropy(probas), label="Shannon's entropy")
plt.plot(probas, 2 * gini(probas), label="Gini impurity x 2")
plt.plot(probas, 2 * misclass_error_rate(probas), label="Misclass error x 2")
plt.plot(probas, gini(probas), label="Gini impurity")
plt.plot(probas, misclass_error_rate(probas), label="Misclass error")
plt.title("Splitting criteria from P+ (binary classification case)")
plt.xlabel("P+")
plt.ylabel("Impurity")
plt.legend();
```



В случае регрессии для оценки качества разбиения узла чаще всего используется среднеквадратичная ошибка, но также могут быть использованы Friedman MSE и MAE.

Функция потерь

Так как же в конечном счёте происходит выбор наилучшего разбиения? После выбора одного из критериев оценки качества разбиения узла (например, неопределённость Джини или MSE), для всех уникальных значений признака берутся их пороговые значения, отсортированные по возрастанию и представленные как среднее арифметическое между соседними значениями. Далее обучающий набор разделяется на 2 поднабора (узла): всё что меньше либо равно текущего порогового значения идёт в левый поднабор, а всё что больше — в правый. Для полученных поднаборов рассчитываются загрязнённости на основе выбранного критерия, после чего их взвешенная сумма представляется как функция потерь, значение которой будет соответствовать пороговому значению признака. Порог с наименьшим значением функции потерь в обучающем наборе (поднаборе) будет наилучшим разбиением.

Функции потерь будут иметь следующий вид:

• для классификации:

$$J(k,t_k) = rac{N_m^{left}}{N_m} G_{left} + rac{N_m^{right}}{N_m} G_{right}$$

• для регрессии:

$$J(k,t_k) = rac{N_m^{left}}{N_m} MSE_{left} + rac{N_m^{right}}{N_m} MSE_{right}$$

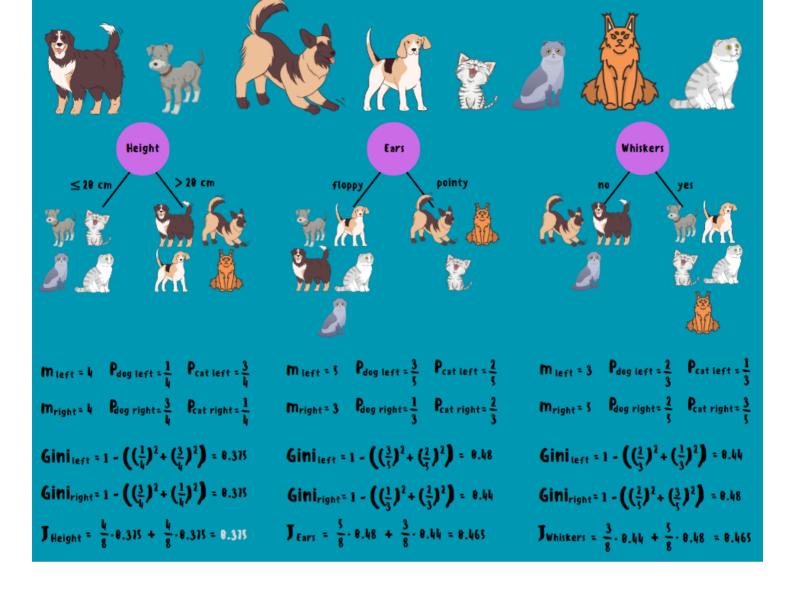
где
$$J(k,t_k) o min$$
 .

В случае с энтропией используется немного иной подход: рассчитывается так называемый информационный прирост — разница энтропий родительского и дочерних узлов. Порог с максимальным информационным приростом в обучающем наборе/поднаборе будет соответствовать наилучшему разбиению. :

$$IG(Q) = S_{parent} - (rac{N_m^{left}}{N_m} S_{child}^{left} + rac{N_m^{right}}{N_m} S_{child}^{right})
ightarrow max$$

где $\,Q\,$ — условие (вопрос) для разбиения поднабора $\,m\,$.

Для наглядности рассмотрим следующий пример. Допустим, у нас есть 4 кота и 4 собаки, а также нам известны их некоторые визуальные признаки: "рост", "уши" (висячие и заострённые стоячие) и "усы" (наличие либо отсутствие). Как в дереве решений строится корневой узел для классификации собак и котов? Очень просто: сначала для каждого признака животные разделяются на 2 группы согласно вопросу, после чего для каждой из групп рассчитывается неопределённость Джини. Пороговое значение признака с наименьшим значением функции потерь (взвешенной суммой неопределённостей) будет использоваться для разбиения корневого (решающего) узла. В данном случае признак "рост" имеет наименьшую загрязнённость и вопрос в решающем узле будет выглядеть как "рост ≤ 20 см".



Принцип работы дерева решений (CART)

Алгоритм строится следующим образом:

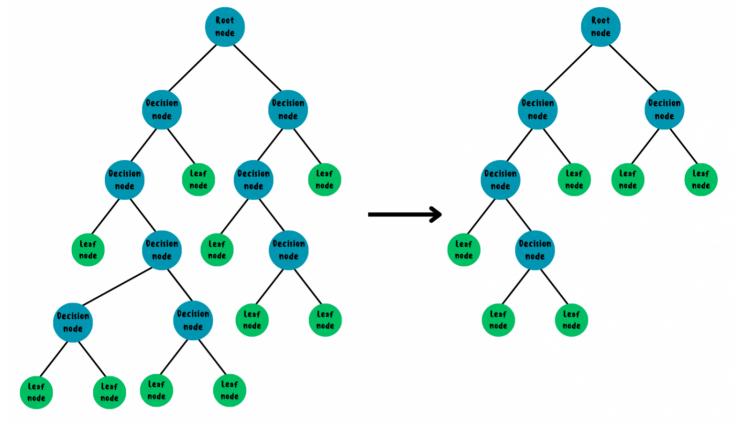
- 1) создаётся корневой узел на основе наилучшего разбиения;
- 2) тренировочный набор разбивается на 2 поднабора: всё что соответствует условию разбиения отправляется в левый узел, остальное в правый;
- 3) далее рекурсивно для каждого тренировочного поднабора повторяются шаги 1-2 пока не будет достигнут один из основных критериев останова: максимальная глубина, максимальное количество листьев, минимальное количество наблюдений в листе или минимальное снижение загрязнения в узле.

Регуляризация дерева решений

Выращенная без ограничений древовидная структура в той или иной степени будет склонна к переобучению и для решения данной проблемы используется 2 подхода: pre-pruning (ограничение роста дерева во время построения любым из критериев останова) и post-pruning (отсечение лишних ветвей после полного построения). Второй подход является более деликатным так как позволяет получить несимметричную и более точную древовидную структуру, оставляя лишь самые информативные решающие узлы.

Существует 2 типа post-puning'a:

- **Top-down pruning** метод, при котором проверка и обрезка наименее информативных ветвей начинается с корневого узла. Данный метод обладает относительно низкой вычислительной сложностью, однако, как и в случае с pre-pruning'ом, его главным недостатком также является возможность недообучения за счёт удаления ветвей, которые могли потенциально содержать информативные узлы. К самым известным видам данного прунинга относятся следующие:
 - *Pessimistic Error Pruning (PEP)*, когда обрезаются ветви с наибольшей ожидаемой ошибкой, порог которой устанавливается заранее;
 - *Critical Value Pruning (CVP)*, когда обрезаются ветви, информативность которых меньше определённого критического значения.
- **Bottom-up pruning** метод, при котором проверка и обрезка наименее информативных ветвей начинается с листьев. В данном случае получаются более точные деревья за счёт полного обхода снизу-вверх и оценки каждого решающего узла, однако это приводит к увеличению вычислительной сложности. Самыми популярными видами данного прунинга являются следующие:
 - *Minimum Error Pruning (MEP)*, когда происходит поиск дерева с наименьшей ожидаемой ошибкой на отложенной выборке;
 - Reduced Error Pruning (REP), когда решающие узлы удаляются до тех пор, пока не падает точность, измеренная на отложенной выборке;
 - Cost-complexity pruning (CCP), когда строится серия поддеревьев через удаление слабейших узлов в каждом из них с помощью коэффициента, рассчитанного как разность ошибки корневого узла поддерева и общей ошибки его листьев, а выбор наилучшего поддерева производится на тестовом наборе или с помощью k-fold кроссвалидации.



Дерево до и после post-pruning'a

Minimal cost-complexity pruning

В реализации scikit-learn для деревьев решений используется модификация cost-complexity pruning, которая работает следующим образом:

- 1) сначала строится полное дерево без ограничений;
- 2) далее абсолютно для всех узлов в дереве рассчитывается ошибка на основе взвешенной загрязнённости в случае классификации или взвешенной MSE в случае регрессии;
- 3) для каждого поддерева в дереве подсчитывается совокупная ошибка его листьев;
- 4) для каждого поддерева в дереве рассчитывается коэффициент альфа, представленный как разность ошибки корневого узла поддерева и совокупная ошибка его листьев;
- 5) поддерево с наименьшим α_{ccp} удаляется и становится листовым узлом, а сам коэффициент хранится в массиве cost_complety_pruning_path и соответствует новому обрезанному дереву;
- 6) шаги 2-5 рекурсивно повторяются для каждого поддерева до тех пор, пока обрезка не дойдёт до корневого узла.

Если задавать определённое значение α_{ccp} изначально, то данный коэффициент применится к каждому поддереву и в итоге останется поддерево с наименьшей ошибкой среди всех поддеревьев, а выбор наилучшего α_{ccp} из cost_complety_pruning_path для получения самого точного поддерева производится на тестовом наборе или с помощью k-fold кросс-валидации.

Формулы для расчётов

Регуляризация дерева:

$$R_{lpha}(T) = R(T) + lpha |\widetilde{T}|$$

Эффективный $lpha_{ccp}$:

$$lpha_{ccp} = rac{R_t - R(T_t)}{|T| - 1}$$

Ошибка решающего $\,R_t\,$ или листового $\,R(T)\,$ узлов для классификации:

$$R_{node} = rac{N_m}{N} G_m$$

Ошибка решающего $\,R_t\,$ или листового $\,R(T)\,$ узлов для регрессии:

$$R_{node} = rac{N_m}{N} MSE_m$$

Совокупная ошибка листьев в дереве/поддереве:

$$R(T_t) = \sum_{i=1}^n R(T_i)$$

Т — число терминальных (листовых) узлов.

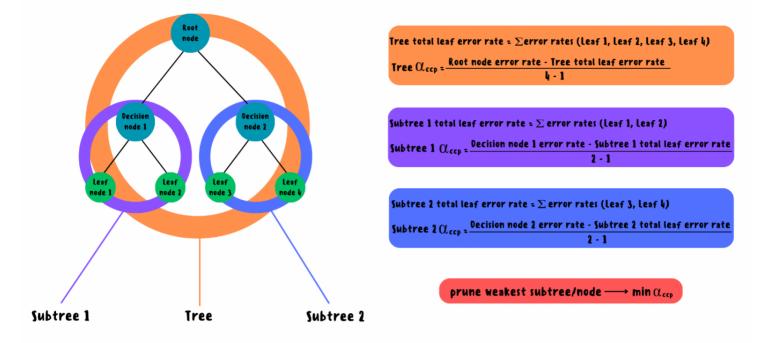


Схема работы cost-complexity pruning а для простейшего дерева

Импорт необходимых библиотек

```
import numpy as np
import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.datasets import load_linnerud
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.metrics import accuracy_score, mean_absolute_percentage_error
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier, DecisionTreeRegressor, plot_tree
from mlxtend.plotting import plot_decision_regions
from copy import deepcopy
from pprint import pprint
```

Реализация на Python с нуля

В оригинальном дереве для создания узлов и хранения в них информации используется отдельный класс, но в данном случае дерево и вся информация об узлах хранятся в словаре с ключами в строчном формате. Такое изменение используется для возможности вывода полученного дерева и сравнения с реализацией scikit-learn.

```
class DecisionTreeCART:

def __init__(self, max_depth=100, min_samples=2, ccp_alpha=0.0, regression=False):
    self.max_depth = max_depth
    self.min_samples = min_samples
    self.ccp_alpha = ccp_alpha
    self.regression = regression
    self.tree = None
```

```
self._y_type = None
    self. num all samples = None
def _set_df_type(self, X, y, dtype):
    X = X.astype(dtype)
    y = y.astype(dtype) if self.regression else y
    self._y_dtype = y.dtype
    return X, y
@staticmethod
def _purity(y):
    unique_classes = np.unique(y)
    return unique classes.size == 1
@staticmethod
def _is_leaf_node(node):
    return not isinstance(node, dict) # if a node/tree is a leaf
def _leaf_node(self, y):
    class_index = 0
    return np.mean(y) if self.regression else y.mode()[class index]
def _split_df(self, X, y, feature, threshold):
    feature_values = X[feature]
    left indexes = X[feature values <= threshold].index</pre>
    right_indexes = X[feature_values > threshold].index
    sizes = np.array([left_indexes.size, right_indexes.size])
    return self._leaf_node(y) if any(sizes == 0) else left_indexes, right_indexes
@staticmethod
def _gini_impurity(y):
    _, counts_classes = np.unique(y, return_counts=True)
    squared_probabilities = np.square(counts_classes / y.size)
    gini_impurity = 1 - sum(squared_probabilities)
    return gini_impurity
@staticmethod
def _mse(y):
    mse = np.mean((y - y.mean()) ** 2)
    return mse
@staticmethod
def _cost_function(left_df, right_df, method):
    total_df_size = left_df.size + right_df.size
```

```
p left df = left df.size / total df size
    p_right_df = right_df.size / total_df_size
    J left = method(left df)
    J_right = method(right_df)
    J = p_left_df*J_left + p_right_df*J_right
    return J # weighted Gini impurity or weighted mse (depends on a method)
def node error rate(self, y, method):
    if self. num all samples is None:
        self. num all samples = y.size # num samples of all dataframe
    current num samples = y.size
    return current num samples / self. num all samples * method(y)
def best split(self, X, y):
    features = X.columns
    min cost function = np.inf
    best feature, best threshold = None, None
    method = self._mse if self.regression else self._gini_impurity
    for feature in features:
        unique feature values = np.unique(X[feature])
        for i in range(1, len(unique_feature_values)):
            current value = unique feature values[i]
            previous_value = unique_feature_values[i-1]
            threshold = (current value + previous value) / 2
            left_indexes, right_indexes = self._split_df(X, y, feature, threshold)
            left_labels, right_labels = y.loc[left_indexes], y.loc[right_indexes]
            current_J = self._cost_function(left_labels, right_labels, method)
            if current J <= min cost function:</pre>
                min_cost_function = current_J
                best feature = feature
                best_threshold = threshold
    return best_feature, best_threshold
def _stopping_conditions(self, y, depth, n_samples):
    return self._purity(y), depth == self.max_depth, n_samples < self.min_samples</pre>
def _grow_tree(self, X, y, depth=0):
    current num samples = y.size
    X, y = self._set_df_type(X, y, np.float128)
    method = self._mse if self.regression else self._gini_impurity
    if any(self._stopping_conditions(y, depth, current_num_samples)):
        RTi = self._node_error_rate(y, method) # leaf node error rate
        leaf_node = f'{self._leaf_node(y)} | error_rate {RTi}'
```

```
return leaf node
    Rt = self. node error rate(y, method) # decision node error rate
    best_feature, best_threshold = self._best_split(X, y)
    f'as leaf {self. leaf node(y)} error rate {Rt}'
    left indexes, right indexes = self. split df(X, y, best feature, best threshold)
    left_X, right_X = X.loc[left_indexes], X.loc[right_indexes]
    left labels, right labels = y.loc[left indexes], y.loc[right indexes]
    # recursive part
    tree = {decision node: []}
    left subtree = self. grow tree(left X, left labels, depth+1)
    right subtree = self. grow tree(right X, right labels, depth+1)
    if left subtree == right subtree:
       tree = left subtree
    else:
       tree[decision_node].extend([left_subtree, right_subtree])
    return tree
def tree error rate info(self, tree, error rates list):
    if self._is_leaf_node(tree):
       * , leaf error rate = tree.split()
       error_rates_list.append(np.float128(leaf_error_rate))
    else:
       decision_node = next(iter(tree))
       left_subtree, right_subtree = tree[decision_node]
       self._tree_error_rate_info(left_subtree, error_rates_list)
       self._tree_error_rate_info(right_subtree, error_rates_list)
    RT = sum(error rates list) # total leaf error rate of a tree
    num_leaf_nodes = len(error_rates_list)
    return RT, num leaf nodes
@staticmethod
def _ccp_alpha_eff(decision_node_Rt, leaf_nodes_RTt, num_leafs):
    return (decision_node_Rt - leaf_nodes_RTt) / (num_leafs - 1)
def _find_weakest_node(self, tree, weakest_node_info):
    if self._is_leaf_node(tree):
       return tree
    decision_node = next(iter(tree))
    left_subtree, right_subtree = tree[decision_node]
    *_, decision_node_error_rate = decision_node.split()
```

```
Rt = np.float128(decision node error rate)
    RTt, num leaf nodes = self. tree error rate info(tree, [])
    ccp_alpha = self._ccp_alpha_eff(Rt, RTt, num_leaf_nodes)
    decision node index, min ccp alpha index = 0, 1
    if ccp alpha <= weakest node info[min ccp alpha index]:</pre>
        weakest node info[decision node index] = decision node
        weakest node info[min ccp alpha index] = ccp alpha
    self. find weakest node(left subtree, weakest node info)
    self. find weakest node(right subtree, weakest node info)
    return weakest node info
def prune tree(self, tree, weakest node):
    if self. is leaf node(tree):
        return tree
    decision node = next(iter(tree))
    left subtree, right subtree = tree[decision node]
    left_subtree_index, right_subtree_index = 0, 1
    , leaf node = weakest node.split('as leaf ')
    if weakest node is decision node:
        tree = weakest node
    if weakest node in left subtree:
        tree[decision node][left subtree index] = leaf node
    if weakest_node in right_subtree:
        tree[decision_node][right_subtree_index] = leaf_node
    self. prune tree(left subtree, weakest node)
    self. prune tree(right subtree, weakest node)
    return tree
def cost_complexity_pruning_path(self, X: pd.DataFrame, y: pd.Series):
    tree = self._grow_tree(X, y) # grow a full tree
    tree_error_rate, _ = self._tree_error_rate_info(tree, [])
    error_rates = [tree_error_rate]
    ccp_alpha_list = [0.0]
    while not self._is_leaf_node(tree):
        initial node = [None, np.inf]
        weakest_node, ccp_alpha = self._find_weakest_node(tree, initial_node)
        tree = self. prune tree(tree, weakest node)
        tree_error_rate, _ = self._tree_error_rate_info(tree, [])
        error_rates.append(tree_error_rate)
        ccp_alpha_list.append(ccp_alpha)
```

```
return np.array(ccp alpha list), np.array(error rates)
def ccp tree error rate(self, tree error rate, num leaf nodes):
    return tree error rate + self.ccp alpha*num leaf nodes # regularization
def optimal tree(self, X, y):
    tree = self. grow tree(X, y) # grow a full tree
    min RT alpha, final tree = np.inf, None
    while not self. is leaf node(tree):
        RT, num leaf nodes = self. tree error rate info(tree, [])
        current RT alpha = self. ccp tree error rate(RT, num leaf nodes)
        if current RT alpha <= min RT alpha:</pre>
            min RT alpha = current RT alpha
            final tree = deepcopy(tree)
        initial node = [None, np.inf]
        weakest node, = self. find weakest node(tree, initial node)
        tree = self._prune_tree(tree, weakest_node)
    return final tree
def fit(self, X: pd.DataFrame, y: pd.Series):
    self.tree = self._optimal_tree(X, y)
def _traverse_tree(self, sample, tree):
    if self. is leaf node(tree):
        leaf, *_ = tree.split()
        return leaf
    decision_node = next(iter(tree)) # dict key
    left node, right node = tree[decision node]
    feature, other = decision node.split(' <=')</pre>
    threshold, * = other.split()
    feature_value = sample[feature]
    if np.float128(feature_value) <= np.float128(threshold):</pre>
        next_node = self._traverse_tree(sample, left_node) # left_node
    else:
        next_node = self._traverse_tree(sample, right_node) # right_node
    return next_node
def predict(self, samples: pd.DataFrame):
    # apply traverse_tree method for each row in a dataframe
    results = samples.apply(self._traverse_tree, args=(self.tree,), axis=1)
```

Код для отрисовки графиков

```
def tree plot(sklearn tree, Xa train):
    plt.figure(figsize=(12, 18)) # customize according to the size of your tree
    plot_tree(sklearn_tree, feature_names=Xa_train.columns, filled=True, precision=6)
    plt.show()
def tree scores plot(estimator, ccp alphas, train data, test data, metric, labels):
    train scores, test scores = [], []
   X train, y train = train data
   X_test, y_test = test_data
   x label, y label = labels
    for ccp alpha i in ccp alphas:
        estimator.ccp alpha = ccp alpha i
        estimator.fit(X train, y train)
        train pred res = estimator.predict(X train)
        test pred res = estimator.predict(X test)
        train score = metric(train pred res, y train)
        test score = metric(test pred res, y test)
        train scores.append(train score)
        test scores.append(test score)
    fig, ax = plt.subplots()
    ax.set xlabel(x label)
    ax.set ylabel(y label)
    ax.set title(f"{y label} vs {x label} for training and testing sets")
    ax.plot(ccp_alphas, train_scores, marker="o", label="train", drawstyle="steps-post")
    ax.plot(ccp alphas, test scores, marker="o", label="test", drawstyle="steps-post")
    ax.legend()
    plt.show()
def decision boundary plot(X, y, X train, y train, clf, feature indexes, title=None):
    if y.dtype != 'int':
        y = pd.Series(LabelEncoder().fit transform(y))
        y_train = pd.Series(LabelEncoder().fit_transform(y_train))
    feature1_name, feature2_name = X.columns[feature_indexes]
   X_feature_columns = X.values[:, feature_indexes]
   X_train_feature_columns = X_train.values[:, feature_indexes]
    clf.fit(X_train_feature_columns, y_train.values)
```

```
plot_decision_regions(X=X_feature_columns, y=y.values, clf=clf)
plt.xlabel(feature1_name)
plt.ylabel(feature2_name)
plt.title(title)
```

Загрузка датасетов

Для обучения моделей будет использован Iris dataset, где необходимо верно определить типы цветков на основе их признаков. В случае регрессии используется load_linnerud dataset из scikit-learn.

```
df path = "/content/drive/MyDrive/iris.csv"
iris = pd.read_csv(df_path)
X1, y1 = iris.iloc[:, :-1], iris.iloc[:, -1]
X1_train, X1_test, y1_train, y1_test = train_test_split(X1, y1, test_size=0.3, random_state=
print(iris)
     sepal length sepal width petal length petal width
                                                             species
0
              5.1
                            3.5
                                           1.4
                                                        0.2
                                                                setosa
1
              4.9
                            3.0
                                           1.4
                                                        0.2
                                                                setosa
2
              4.7
                            3.2
                                           1.3
                                                        0.2
                                                                setosa
              4.6
                                                        0.2
3
                            3.1
                                           1.5
                                                                setosa
4
              5.0
                            3.6
                                           1.4
                                                        0.2
                                                                setosa
                                                        . . .
               . . .
                            . . .
                                           . . .
145
              6.7
                            3.0
                                           5.2
                                                        2.3 virginica
              6.3
                            2.5
                                           5.0
                                                        1.9 virginica
146
147
              6.5
                            3.0
                                           5.2
                                                        2.0 virginica
148
              6.2
                            3.4
                                          5.4
                                                        2.3 virginica
149
              5.9
                            3.0
                                           5.1
                                                        1.8 virginica
[150 rows x 5 columns]
```

```
X2, y2 = load_linnerud(return_X_y=True, as_frame=True)
y2 = y2['Pulse']
X2_train, X2_test, y2_train, y2_test = train_test_split(X2, y2, test_size=0.2, random_state=
print(X2, y2, sep='\n')
   Chins Situps Jumps
0
     5.0
          162.0
                  60.0
     2.0
          110.0 60.0
1
2
    12.0
          101.0 101.0
3
    12.0
           105.0
                  37.0
```

```
13.0 155.0 58.0
4
5
   4.0 101.0 42.0
6
   8.0 101.0 38.0
7
   6.0 125.0 40.0
8 15.0 200.0 40.0
   17.0 251.0 250.0
9
10
  17.0 120.0 38.0
  13.0 210.0 115.0
11
12 14.0 215.0 105.0
13 1.0
         50.0 50.0
14 6.0
         70.0 31.0
15 12.0 210.0 120.0
16 4.0
         60.0 25.0
17 11.0 230.0 80.0
18 15.0 225.0 73.0
19 2.0 110.0 43.0
0
   50.0
   52.0
1
2
   58.0
3
   62.0
4
   46.0
5
   56.0
6
   56.0
7
   60.0
    74.0
8
9
   56.0
    50.0
10
   52.0
11
12
    64.0
13
   50.0
14
    46.0
15 62.0
16
   54.0
17 52.0
18
   54.0
19
    68.0
Name: Pulse, dtype: float64
```

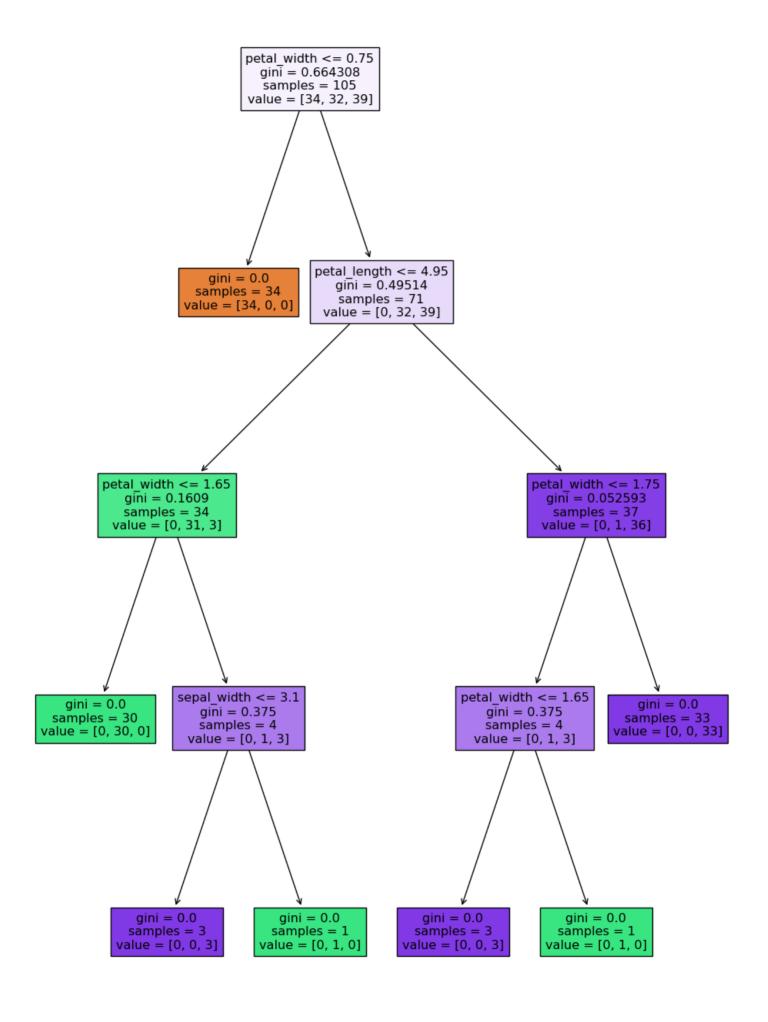
Обучение моделей и оценка полученных результатов

В случае классификации дерево на данных ирис показало высокую точность. После прунинга точность не увеличилась, зато удалось найти более оптимальное дерево (alpha=0.0143) с такой же точностью и меньшим количеством узлов.

А вот в случае регрессии удалось получить прирост в плане точности, подобрав alpha=3.613, которое создаёт дерево с минимальной ошибкой на тестовом наборе. Все результаты приведены ниже.

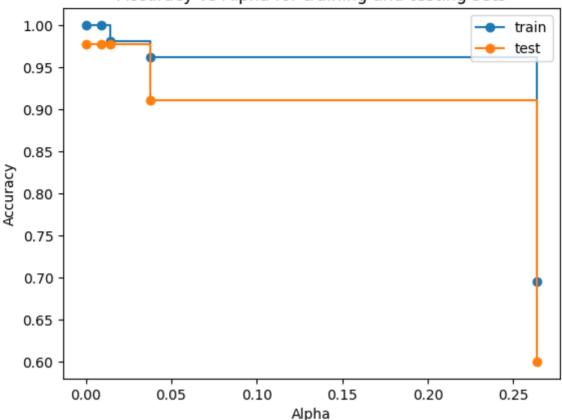
Классификация до прунинга

```
tree classifier = DecisionTreeCART()
tree_classifier.fit(X1_train, y1_train)
clf ccp alphas, = tree classifier.cost complexity pruning path(X1 train, y1 train)
clf ccp alphas = clf ccp alphas[:-1]
sk tree classifier = DecisionTreeClassifier(random state=0)
sk_tree_classifier.fit(X1_train, y1_train)
sk clf path = sk tree classifier.cost complexity pruning path(X1 train, y1 train)
sk_clf_ccp_alphas = sk_clf_path.ccp_alphas[:-1]
sk_clf_estimator = DecisionTreeClassifier(random_state=0)
train1_data, test1_data = [X1_train, y1_train], [X1_test, y1_test]
metric = accuracy score
labels = ['Alpha', 'Accuracy']
pprint(tree_classifier.tree, width=180)
tree_plot(sk_tree_classifier, X1_train)
print(f'tree alphas: {clf_ccp_alphas}', f'sklearn alphas: {sk_clf_ccp_alphas}', sep='\n')
tree_scores_plot(sk_clf_estimator, clf_ccp_alphas, train1_data, test1_data, metric, labels)
{'petal width <= 0.75 | as leaf virginica error rate 0.6643083900226757': ['setosa | error r
                                                                           {'petal_length <=
```



tree alphas: [0. 0.00926641 0.01428571 0.03781513 0.26417519]
sklearn alphas: [0. 0.00926641 0.01428571 0.03781513 0.26417519]

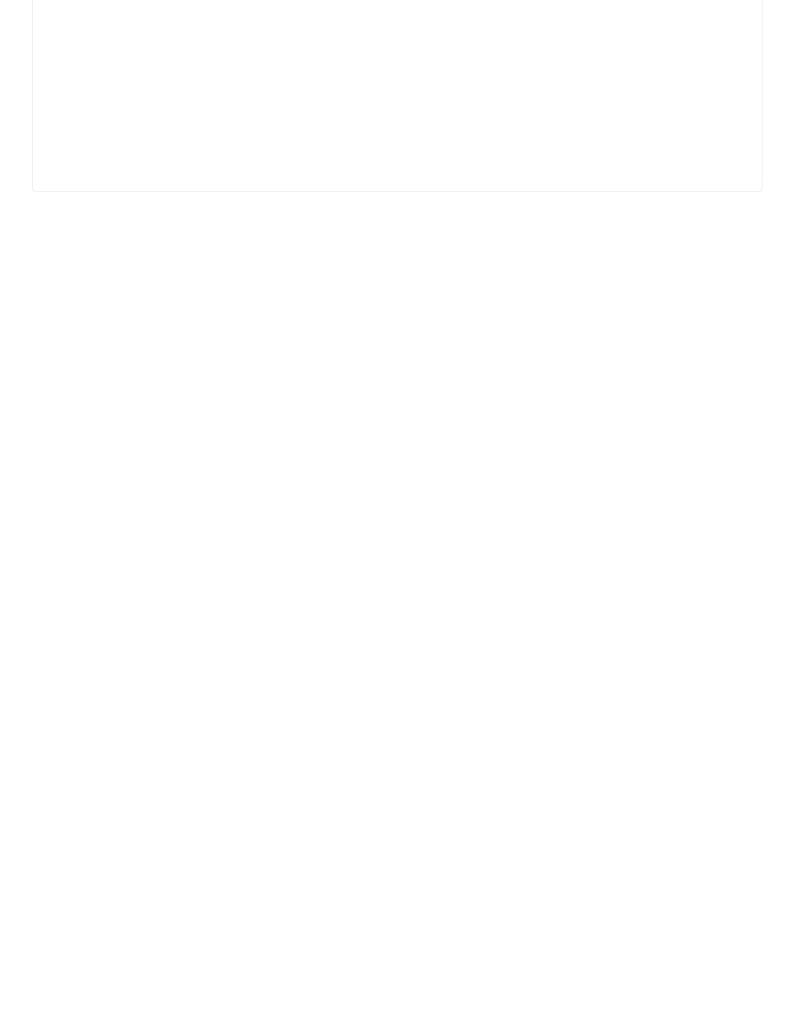
Accuracy vs Alpha for training and testing sets



Классификация после прунинга

```
tree_clf_prediction = tree_classifier.predict(X1_test)
tree_clf_accuracy = accuracy_score(tree_clf_prediction, y1_test)
sk_tree_clf_prediction = sk_tree_classifier.predict(X1_test)
sk_clf_accuracy = accuracy_score(sk_tree_clf_prediction, y1_test)
best_clf_ccp_alpha = 0.0143 # based on a plot
best_tree_classifier = DecisionTreeCART(ccp_alpha=best_clf_ccp_alpha)
best tree classifier.fit(X1 train, y1 train)
best_tree_clf_prediction = best_tree_classifier.predict(X1_test)
best_tree_clf_accuracy = accuracy_score(best_tree_clf_prediction, y1_test)
best_sk_tree_classifier = DecisionTreeClassifier(random_state=0, ccp_alpha=best_clf_ccp_alph
best_sk_tree_classifier.fit(X1_train, y1_train)
best_sk_tree_clf_prediction = best_sk_tree_classifier.predict(X1_test)
best_sk_clf_accuracy = accuracy_score(best_sk_tree_clf_prediction, y1_test)
print('tree prediction', tree_clf_prediction, ' ', sep='\n')
print('sklearn prediction', sk_tree_clf_prediction, ' ', sep='\n')
print('best tree prediction', best_tree_clf_prediction, ' ', sep='\n')
print('best sklearn prediction', best_sk_tree_clf_prediction, ' ', sep='\n')
```

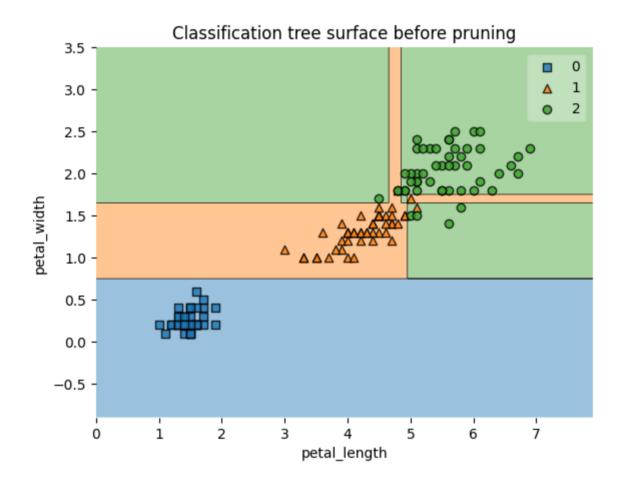
```
pprint(best_tree_classifier.tree, width=180)
tree plot(best sk tree classifier, X1 train)
print(f'our tree pruning accuracy: before {tree_clf_accuracy} -> after {best_tree_clf_accura
print(f'sklearn tree pruning accuracy: before {sk clf accuracy} -> after {best sk clf accura
tree prediction
['virginica' 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'versicolor'
 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor'
 'setosa' 'setosa' 'virginica' 'versicolor' 'setosa' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'virginica'
 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'virginica' 'versicolor' 'setosa'
 'virginica' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa']
sklearn prediction
['virginica' 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'versicolor'
 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor'
 'setosa' 'setosa' 'virginica' 'versicolor' 'setosa' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'virginica'
 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'virginica' 'versicolor' 'setosa'
 'virginica' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa'l
best tree prediction
['virginica' 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'versicolor'
 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor'
 'setosa' 'setosa' 'virginica' 'versicolor' 'setosa' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'virginica'
 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'virginica' 'versicolor' 'setosa'
 'virginica' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa']
best sklearn prediction
['virginica' 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'versicolor'
 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor'
 'setosa' 'setosa' 'virginica' 'versicolor' 'setosa' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa' 'versicolor' 'versicolor' 'setosa' 'virginica'
 'versicolor' 'setosa' 'virginica' 'virginica' 'versicolor' 'setosa'
 'virginica' 'versicolor' 'versicolor' 'virginica' 'setosa' 'virginica'
 'setosa' 'setosa']
{'petal_width <= 0.75 | as_leaf virginica error_rate 0.6643083900226757': ['setosa | error_r
                                                                         {'petal_length <=
```



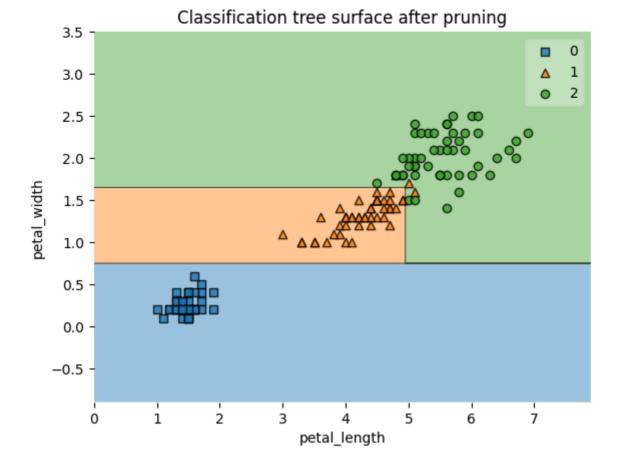
```
petal width \leq 0.75
            gini = 0.664308
            samples = 105
          value = [34, 32, 39]
                     petal length <= 4.95
   gini = 0.0
                        gini = 0.49514
 samples = 34
                         samples = 71
value = [34, 0, 0]
                      value = [0, 32, 39]
          petal width \leq 1.65
                                   gini = 0.052593
             gini = 0.1609
                                    samples = 37
             samples = 34
                                  value = [0, 1, 36]
           value = [0, 31, 3]
   gini = 0.0
                         gini = 0.375
 samples = 30
                         samples = 4
value = [0, 30, 0]
                       value = [0, 1, 3]
```

Визуализация решающих границ до и после прунинга

```
feature_indexes = [2, 3]
title1 = 'Classification tree surface before pruning'
decision_boundary_plot(X1, y1, X1_train, y1_train, sk_tree_classifier, feature_indexes, titl
```

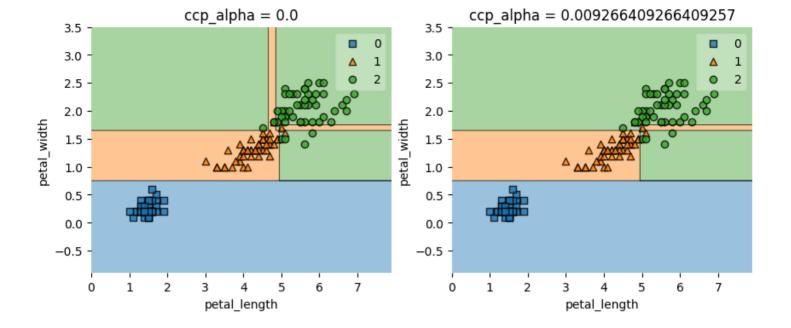


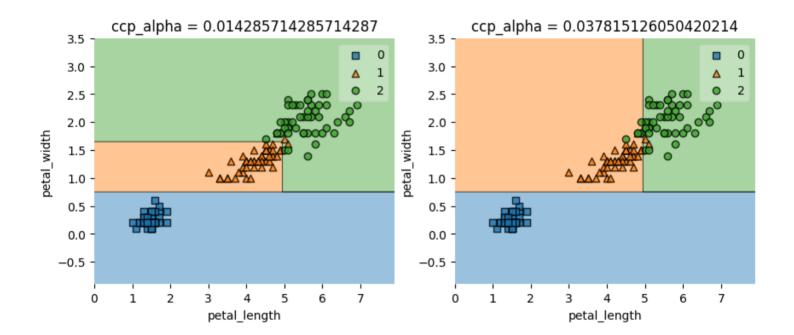
```
feature_indexes = [2, 3]
title2 = 'Classification tree surface after pruning'
decision_boundary_plot(X1, y1, X1_train, y1_train, best_sk_tree_classifier, feature_indexes,
```

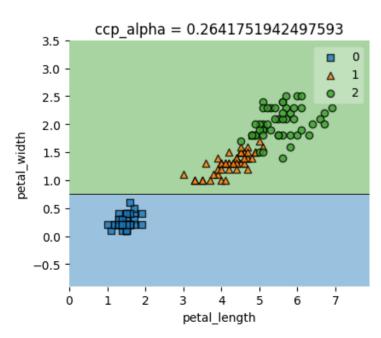


```
feature_indexes = [2, 3]
plt.figure(figsize=(10, 15))

for i, alpha in enumerate(clf_ccp_alphas):
    sk_tree_clf = DecisionTreeClassifier(random_state=0, ccp_alpha=alpha)
    plt.subplot(3, 2, i + 1)
    plt.subplots_adjust(hspace=0.5)
    title = f'ccp_alpha = {alpha}'
    decision_boundary_plot(X1, y1, X1_train, y1_train, sk_tree_clf, feature_indexes, title)
```



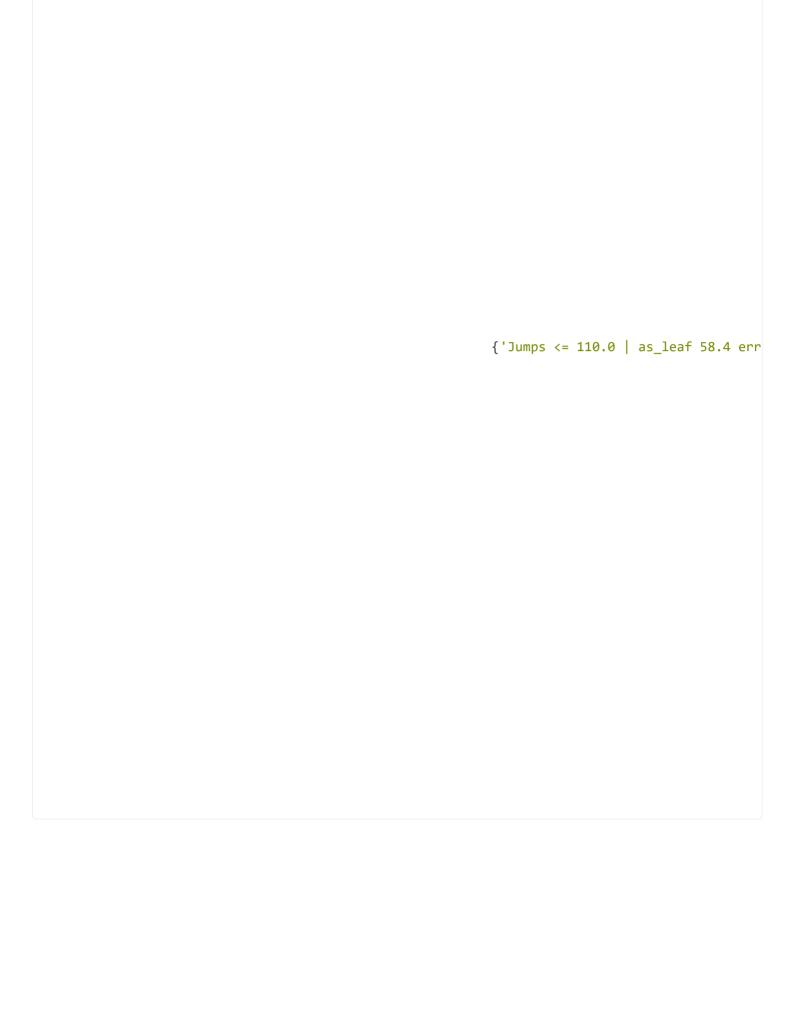


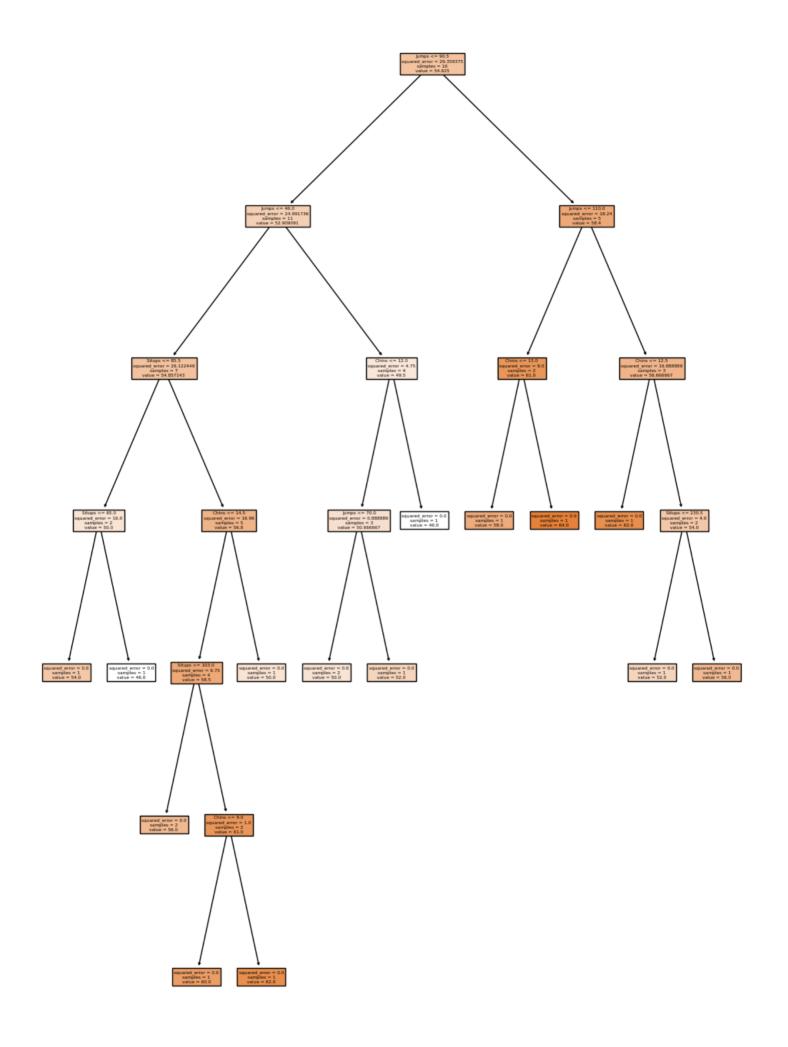


Прунинг при всех полученных alpha сср

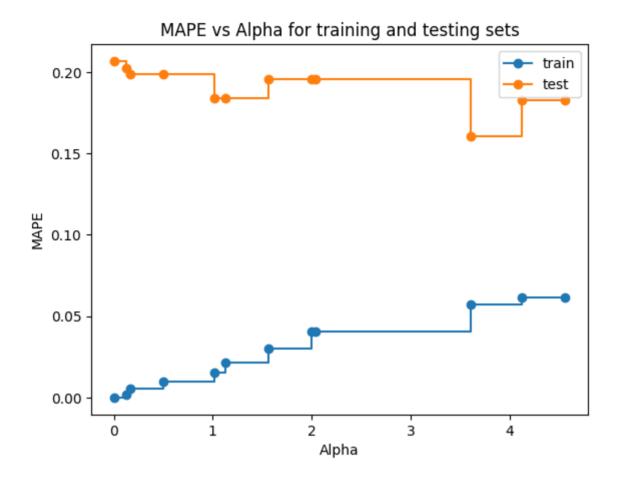
Регрессия до прунинга

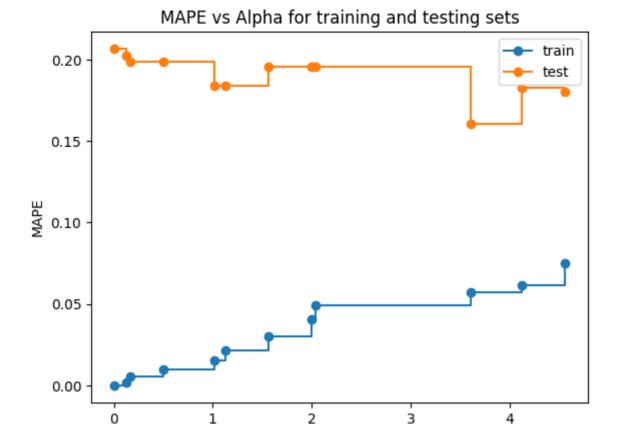
```
tree regressor = DecisionTreeCART(regression=True)
tree_regressor.fit(X2_train, y2_train)
reg ccp alphas, = tree regressor.cost complexity pruning path(X2 train, y2 train)
reg ccp alphas = reg ccp alphas[:-1]
sk tree regressor = DecisionTreeRegressor(random state=0)
sk_tree_regressor.fit(X2_train, y2_train)
sk reg path = sk tree regressor.cost complexity pruning path(X2 train, y2 train)
sk_reg_ccp_alphas = sk_reg_path.ccp_alphas[:-1]
reg_estimator = DecisionTreeCART(regression=True)
sk_reg_estimator = DecisionTreeRegressor(random_state=0)
train2 data, test2 data = [X2 train, y2 train], [X2 test, y2 test]
metric = mean_absolute_percentage_error
labels = ['Alpha', 'MAPE']
pprint(tree regressor.tree)
tree_plot(sk_tree_regressor, X2_train)
print(f'CART alphas: {reg_ccp_alphas}')
tree_scores_plot(reg_estimator, reg_ccp_alphas, train2_data, test2_data, metric, labels)
print(f'sklearn_alphas: {sk_reg_ccp_alphas}')
tree_scores_plot(sk_reg_estimator, sk_reg_ccp_alphas, train2_data, test2_data, metric, label
\{ \text{'Jumps} \iff 90.5 \mid \text{as leaf } 54.625 \text{ error rate } 29.359375' : [ \{ \text{'Jumps} \iff 46.0 \mid \text{as leaf } 52.909090 \} \} \}
```





CART alphas: [0. 0.125 0.16666667 0.5 1.02083333 1.125 1.5625 2. 2.0375 3.6125 4.12857143 4.56574675]





Alpha

Регрессия после прунинга

```
tree_reg_prediction = tree_regressor.predict(X2_test)
tree_reg_error = mean_absolute_percentage_error(tree_reg_prediction, y2_test)
sk_tree_reg_prediction = sk_tree_regressor.predict(X2_test)
sk_reg_error= mean_absolute_percentage_error(sk_tree_reg_prediction, y2_test)
best_reg_ccp_alpha = 3.613
                            # based on a plot
best_tree_regressor = DecisionTreeCART(ccp_alpha=best_reg_ccp_alpha, regression=True)
best_tree_regressor.fit(X2_train, y2_train)
best_tree_reg_prediction = best_tree_regressor.predict(X2_test)
lowest_tree_reg_error = mean_absolute_percentage_error(best_tree_reg_prediction, y2_test)
best_sk_tree_regressor = DecisionTreeRegressor(random_state=0, ccp_alpha=best_reg_ccp_alpha)
best_sk_tree_regressor.fit(X2_train, y2_train)
best_sk_tree_reg_prediction = best_sk_tree_regressor.predict(X2_test)
lowest_sk_reg_error = mean_absolute_percentage_error(best_sk_tree_reg_prediction, y2_test)
print('tree prediction', tree_reg_prediction, ' ', sep='\n')
print('sklearn prediction', sk_tree_reg_prediction, ' ', sep='\n')
print('best tree prediction', best_tree_reg_prediction, ' ', sep='\n')
print('best sklearn prediction', best_sk_tree_reg_prediction, ' ', sep='\n')
pprint(best_tree_regressor.tree)
tree_plot(best_sk_tree_regressor, X2_train)
print(f'tree error: before {tree_reg_error} -> after pruning {lowest_tree_reg_error}')
print(f'sklearn tree error: before {sk_reg_error} -> after pruning {lowest_sk_reg_error}')
```

```
tree prediction
[46. 50. 60. 50.]

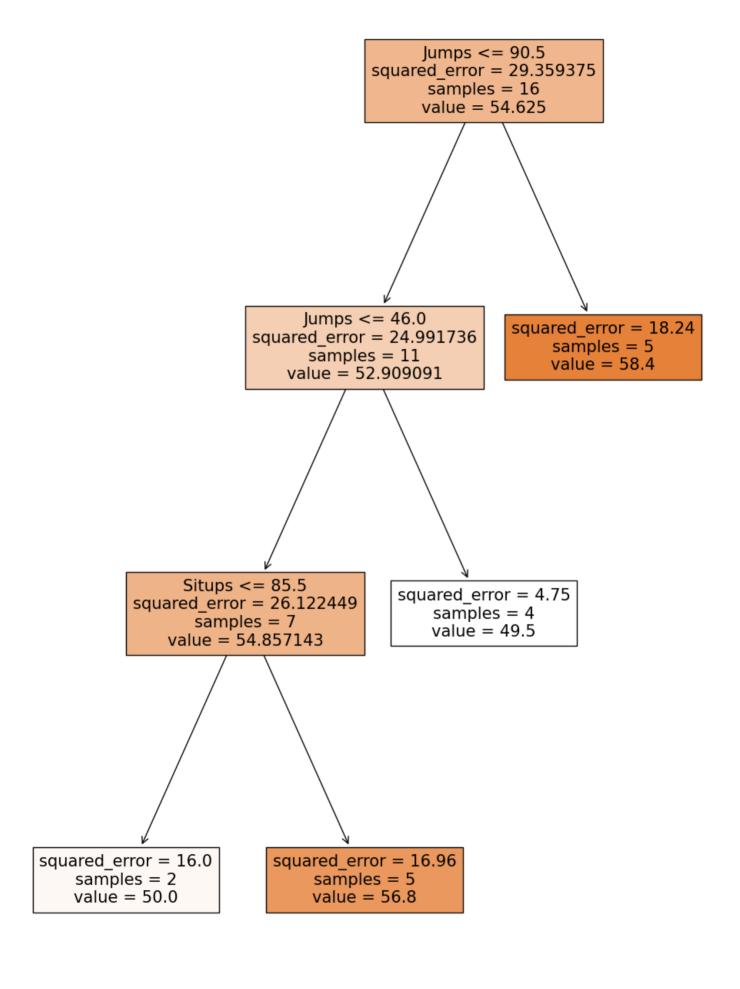
sklearn prediction
[46. 50. 60. 50.]

best tree prediction
[49.5 49.5 56.8 56.8]

best sklearn prediction
[49.5 49.5 56.8 56.8]

{'Jumps <= 90.5 | as_leaf 54.625 error_rate 29.359375': [{'Jumps <= 46.0 | as_leaf 52.909090}

'58.4 error_rate 5.7']}
```



tree error: before 0.20681159420289855 -> after pruning 0.160353535353536 sklearn tree error: before 0.20681159420289855 -> after pruning 0.160353535353535354

Преимущества и недостатки дерева решений

<u>Преимущества</u>:

- простота в интерпретации и визуализации;
- неплохая работа с нелинейными зависимостями в данных;
- не требуется особой подготовки тренировочного набора;
- относительно высокая скорость обучения и прогнозирования.

Недостатки:

- поиск оптимального дерева является NP-полной задачей;
- нестабильность работы даже при небольшом изменении данных;
- возможность переобучения из-за чувствительности к шуму и выбросам в данных.

Дополнительные источники

Статья «The CART Decision Tree for Mining Data Streams», Leszek Rutkowskia, Maciej Jaworskia, Lena Pietruczuka, Piotr Dudaa.

Документация:

- описание CART;
- DecisionTreeClassifier;
- DecisionTreeRegressor;
- pruning.

Лекции: один, два, три, четыре.

Пошаговое построение дерева решений: один, два, три.

Pruning:

- Статья.
- Видео: один, два, три.

◆ К-ближайших соседей (KNN) | Бэггинг и случайный лес ⇒

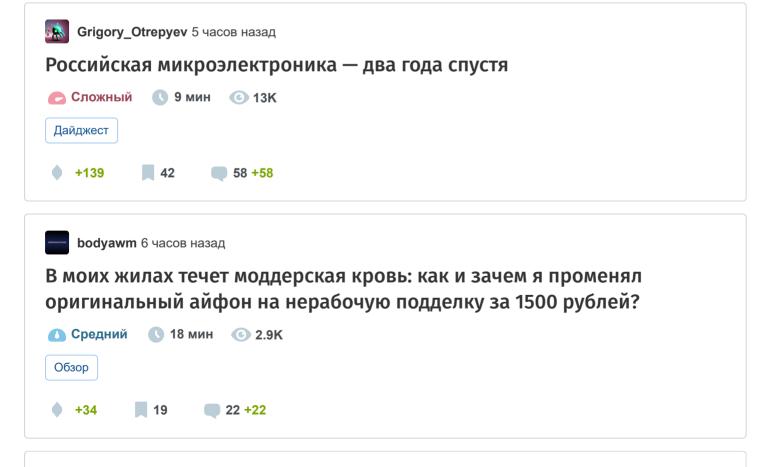
Теги: дерево решений, decision tree, cart, pruning, реализация с нуля, python, алгоритмы машинного обучения, data science, машинное обучение

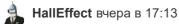
Хабы: Python, Data Mining, Алгоритмы, Машинное обучение, Искусственный интеллект

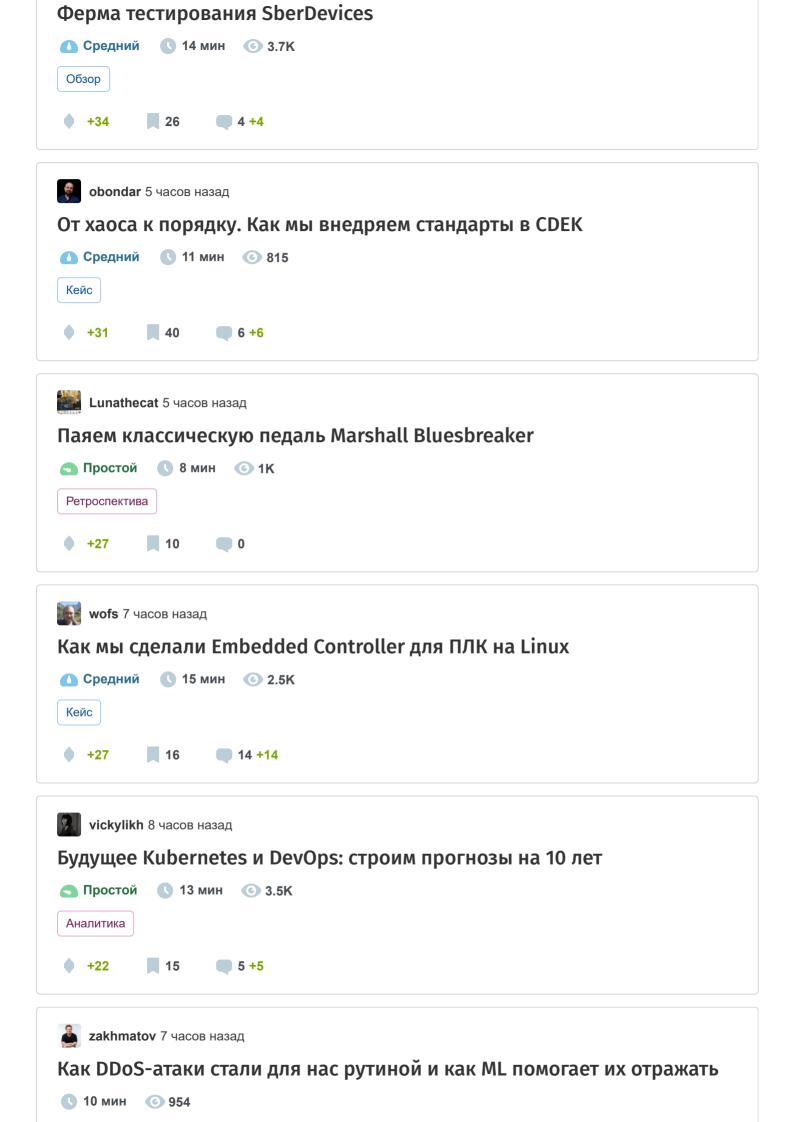


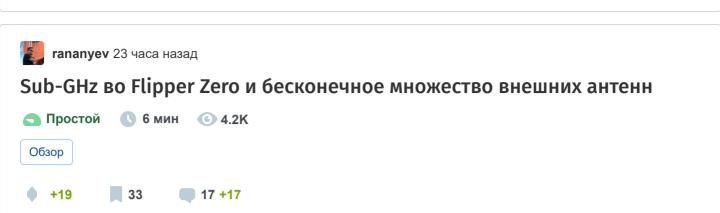
Публикации

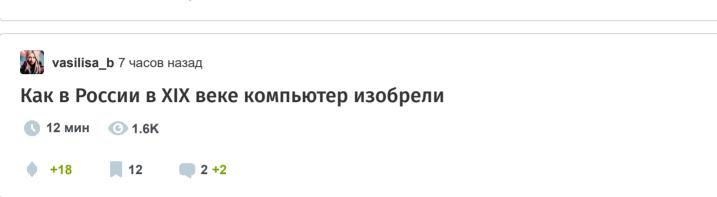
ЛУЧШИЕ ЗА СУТКИ ПОХОЖИЕ











Всему учён и изловчён: где взять знания, которые в работе точно пригодятся

Турбо

Показать еще

минуточку внимания



10

+19

Как бессонница в час ночной, меняет промокодище облик твой

ИНЖЕНЕР?!... ЭТОТ ОТКРЫТО СВЕТЯЩИЙСЯ ИНТЕЛЛЕКТ, ЭТОТ СВОБОДНЫЙ И НЕОБИДНЫЙ НОМОР, ЭТА ЛЕГКОСТЬ И ШИРОТА МЫСЛИ, НЕПРИНЯЖДЕННОСТЬ ПЕРЕКЛЮЧЕНИЯ ИЗ ОДНОЙ ИНЖЕНЕРНОЙ ОБЛАСТИ В ДРУГУЮ И ВООБЩЕ ОТ ТЕХНИКИ-К ОБЩЕСТВУ. К ИСКУССТВУ. ЗАТЕМ — ЭТУ ВОСПИТАННОСТЬ, ТОНКОСТЬ ВКУСОВ: ХООРШИНО ДЕЧЬ ВЛАВИР ОВЕК КОСТЬ ВКУСОВ: ХОРОШУЮ РЕЧЬ, ПЛАВНО СОГ АСОВАННУЮ И БЕЗ СОРНЫХ СЛОВЕЧЕК: Ч **НЕМНОЖКО МЭЗИЦИРОВАНИЕ:** 9 ДРУ КО ЖИВОПИСЬ: И ВСЕГДА НАЯ ПЕЧАТЬ НА ЛИЦЕ... Интересно

«Инженерный подход»: новая номинация в Технотексте



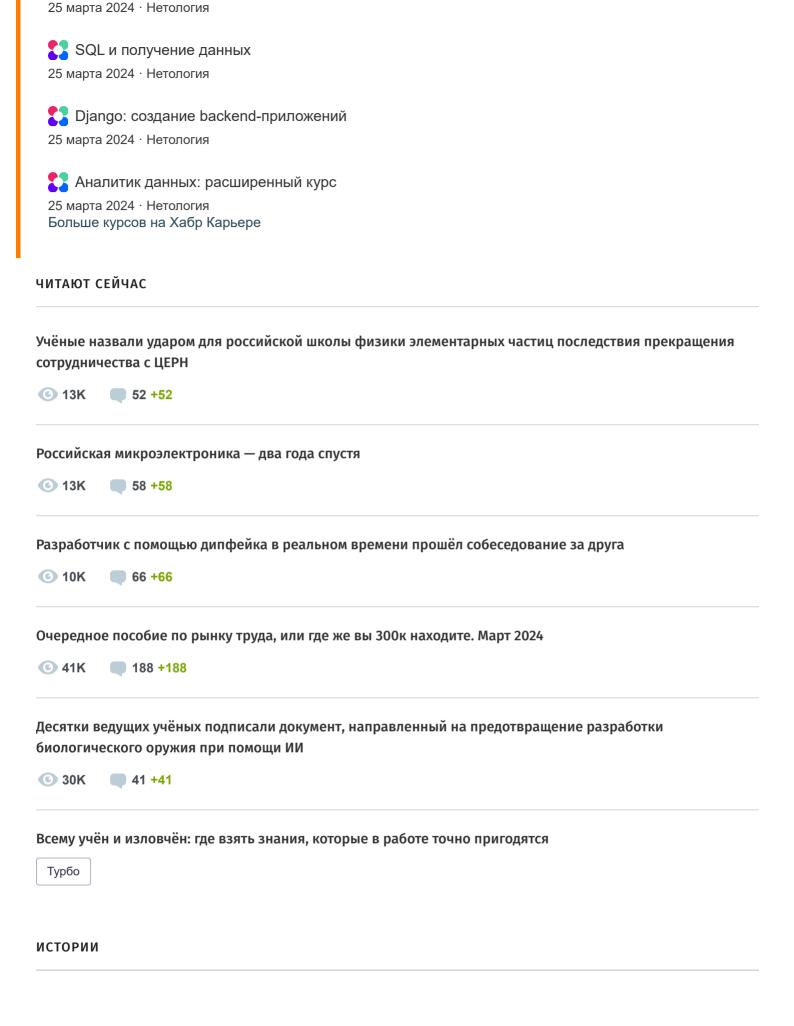
Где достать знания, которые в работе точно пригодятся

КУРСЫ

--- Администрирование PostgreSQL 13. Настройка и мониторинг 25 марта 2024 · Hi-TECH Academy



🄀 Продвинутый SQL





Вайб-чек для тестировщиков



Нейросети: интересное



Как продвинуть машину времени?



Наука сна

РАБОТА

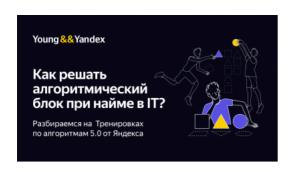
Python разработчик 127 вакансий

Django разработчик 38 вакансий

Data Scientist 61 вакансия

Все вакансии

БЛИЖАЙШИЕ СОБЫТИЯ







Серия занятий «Тренировки по алгоритмам 5.0» от Яндекса

🛅 1 марта – 19 апреля

19:00

Онлайн

Подробнее в календаре

Тестировщики, выбирайте себе команду по вайбам на Хабр Карьере

18 – 24 марта

O 09:00 – 23:00

Онлайн

Подробнее в календаре

«GoCloud 2024. Об грани будущего» - конференция Сюс про облака

21 марта

09:0

Москва • Онлайн

Подробнее в календаре

Ваш аккаунт	Разделы	Информация	Услуги
Профиль	Статьи	Устройство сайта	Корпоративный блог
Трекер	Новости	Для авторов	Медийная реклама
Диалоги	Хабы	Для компаний	Нативные проекты
Настройки	Компании	Документы	Образовательные
ППА	Авторы	Соглашение	программы
	Песочница	Конфиденциальность	Стартапам













Настройка языка

Техническая поддержка