

یادگیری ماشین پاسخ مینی پروژه دوم

نام و نام خانوادگی: سیدمحمد حسینی شمارهٔ دانشجویی: ۹۹۰۱۳۹۹ تاریخ: مهرماه ۱۴۰۲



)		سوال	١
١	بخش اول	1.1	
>	بخش دوم	۲.۱	
>	بخش سوم	٣.١	
۲۱	۱.۳.۱ نٰتایج MLP با تابع فعال ساز ReLU		
۱۳	۲.۳.۱ نتایج MLP با تابع فعال ساز ELU		
۵۱	۳.۳.۱ نتایج مدل بر مبنای mcculloch-pitts نرون		
٧		سوال	۲
٧	بخش اول	1.7	
۸	پیشپردازش	7.7	
۲.	بخش دوم	٣. ٢	
۲۳	۱۰۳۰۲ نتایج		
۲۵	بخش سوم	4.7	
۲۵	۱.۴.۲ نتایج		
17	٣.	سوال	٣
19		1.7	
٠.	بخش دوم	۲.۳	
- V	ىخش سوم		





٨	مجموعه داده تولید شده	1
۱۲	نمودارهای متریک و تابع هزینه حین آموزش	7
۱۳	نتایح مدل MLP و مرز تصمیم مربوط به مدل	
۱۳		
14	نمودارهای متریک و تابع هزینه حین آموزش	۵
۱۵		
۱۵		
۱۷	mcculloch-pitts و مرز تصمیم مربوط به مدل	s A
۱۷		
74	نتایج آموزش مدل MLP	1.
۲۵		١١
48	تابع هزینه آموزش مدل MLP با بهینه ساز و تابع هزینه جدید	17
48		۱۳
27	~ ~ ~	
۲۸	نمودار توزيع داده	۱۵
٣.		18
۳١	Drug over Sex	1 1 1
٣٢	Matrix Confusion	۱۸
44	Graph Hyper-parameters	19
٣۵	Tree Best	7.
38	Matrix Confusion	1 71
٣٧		77
٣٨	نحوه عملکرد و آموزش مدل AdaBoost [۲]	72
۴.		1 74

۱,	۵	حدا	ست	ة م
ں	9	جدا	سب	-

Y9 Data Sample

917770



۶	generation data	١
٩	Configuration	7
٩	حلقه آموزش	٣
18	حلقه آموزش	۴
١٨	Window Sliding	۵
19	Selection Feature and Extraction Feature	9
۲.	Split Test Validatia on Train	٧
۲١	One-hot and Normalization	٨
۲١	Configuration and Model	٩
77	Loop Train	١.
49	Selection Data	11
49		17
37	search Grid	١٣
34		14



۱ سوال ۱

١.١ بخش اول

سوال:

فرض كنيد در يك مسألهٔ طبقه بندى دوكلاسه، دو لايهٔ انتهايي شبكهٔ شما فعال ساز ReLU و سيگمويد است. چه اتفاقي مي افتد؟

پاسخ:

توابع فعالساز Relu و Sigmoid جزو پرکاربردترین اجزاء در یک مدل یادگیری ماشین هستند که بهمنظور اضافه کردن خاصیت غیرخطی به مدل مورداستفاده قرار میگیرند. بهمنظور تحلیل اثر این دو تابع فعالساز بهتر است ابتدا خواص هرکدام را بهصورت مجزا بررسی کنیم.

• تابع فعالسازی Sigmoid:

تابع سیگموید مقداری بین • و ۱ خروجی میدهد که میتواند به عنوان احتمال تفسیر شود. این تابع فعال سازی اصولاً به عنوان فعال ساز در آخرین لایه مدلهای طبقه بندی استفاده می شود؛ زیرا تفسیر احتمالی مستقیمی از خروجی ارائه میدهد. از دیگر خواص تابع سیگموید مشتق پذیری آن است که از لحاظ برنامه نویسی کار را بسیار ساده می کند؛ زیرا همان طور که در معادله ۱ مشاهده می کنید مشتق تابع سیگموید رابطه ای است متشکل از خود تابع سیگموید.

$$\frac{d}{dx}\sigma(x) = \sigma(x) \cdot (1 - \sigma(x)) \tag{1}$$

• تابع فعالسازي ReLU:

تابع ReLU ساده ترین تابع فعال سازی غیر خطی است که مورداستفاده قرار می گیرد، این تابع به ازای مقادیر مثبت تابع همانی است و به ازای مقادیر منفی عدد • را به عنوان خروجی در نظر می گیرد که این مسئله به سادگی محاسبات هنگام Back propagation بسیار کمک می کند. مشتق این تابع به ازای مقادیر مثبت برابر ۱ و به ازای مقادیر منفی برابر ۱ است.

حال باتوجهبه توضیحات فوق می توانیم یک شبکه که دولایه انتهایی آن متشکل از یک تابع ReLU و است را بررسی کنیم. در این شبکه اطلاعات به دست آمده از backbone شبکه به لایه یکی مانده به آخر ارسال می شود که با انجام یک عملیات خطی این اطلاعات به محیط دیگری تصویر می شوند که می توانند مقادیر مثبت و منفی را با هر اندازهای داشته باشند، این مسئله به مقادیر موجود در Wight و Bias نورون بستگی دارد. حال خروجی نرونها به لایه فعال ساز ارسال می شوند که در نتیجه آن مقادیر مثبت تبدیل خطی نگه داشته می شوند و مقادیر منفی به عدد و تصویر می شوند. باید توجه داشت که فعال ساز ReLU به تعبیری همانند یک ما ژول و مقادیر منفی به عدد و در فرایند آموزش شبکه Wight و Bias نرونها را به سمتی متمایل می کند که در صورت پیدانکردن Feature معنی دار از ورودی خود، یک عدد منفی تولید کند. ایراد فعال ساز ReLU این است که اگر لایه های پشت هم در شبکه، همگی مقدار مثبت تولید کنند، تمام تبدیل های خطی موجود در این لایه ها می توانند با یک تبدیل خطی شبیه سازی شوند که این مسئله باعث کاهش پیچیدگی مدل ما خواهد شد؛ بنابراین استفاده با یک تبدیل خطی شبیه سازی شوند که این مسئله باعث کاهش پیچیدگی مدل ما خواهد شد؛ بنابراین استفاده با یک تبدیل خطی شبیه سازی شوند که این مسئله باعث کاهش پیچیدگی مدل ما خواهد شد؛ بنابراین استفاده با یک تبدیل خطی شبیه سازی شوند که این مسئله باعث کاهش پیچیدگی مدل ما خواهد شد؛ بنابراین استفاده



از روشهای رگولاریزیشن و Batch Normalization در کنار توابع فعالسازی که بهصورت پیوسته رفتار غیرخطی دارند موجب رفع این مشکل خواهد شد. در ادامه این مسئله خروجی لایه یکی مانده به آخر وارد لایه تصمیم گیری خواهد شد؛ ورودی این لایه تماماً اعداد مثبت است و تبدیل خطی برای اینکه بتواند کلاس مثبت را از منفی جدا کند باید به گونهای تنظیم شود که بتواند ورودیهای تماماً مثبت را به یک عدد مثبت یا منفی تبدیل کند؛ زیرا تابع سیگموید در نقطه ۰ مقدار ۰.۵ را دارد و اگر تبدیل خطی نتواند اعداد مثبت و منفی را از ورودیهای تماماً مثبت استخراج کند، تابع سیگموید توانایی ایجاد خروجی مناسب را ندارد.

۲.۱ بخش دوم

سوال:

یک جایگزین برای ReLU تابع ELU میباشد. ضمن محاسبه گرادیان آن، حداقل یک مزیت آن را مطرح کنید یاسخ:

پاسخ: ابتدا مشتق این تابع را محاسبه میکنیم:

$$ELU(x) = \begin{cases} x & \text{if } x > 0 \\ \alpha(e^x - 1) & \text{if } x \le 0 \end{cases} \Rightarrow \frac{d}{dx}ELU(x) = \begin{cases} 1 & \text{if } x > 0 \\ \alpha e^x & \text{if } x \le 0 \end{cases}$$

$$(Y)$$

همانطور که در معادله ۲ مشخص است مشتق این تابع برای مقادیر مثبت با تابع ReLU تفاوتی ندارد اما برای مقادیر منفی برابر e^x میباشد. همانطور که در قسمت قبل مطرح شد تابع ReLU میتواند موجب این شود که در عمل تعداد لایههای شبکه کاهش پیدا کند اما با استفاده از تابع فعالساز ELU و استفاده از تکنیکهای مناسب، میتوانیم به این مشکل غلبه کنیم. علاوهبر این تابع ELU در مشتق خود ناپیوستگی ندارد و بر خلاف ReLU مقدار آن به ازای مقادیر منفی به آرامی برابر $-\alpha$ میشود. [۳]

۳.۱ بخش سوم

در ابتدا با استفاده از توزیع یکنواخت تعداد ۲۰۰۰ داده ایجاد میکنیم و برچسب نقاطی که داخل مثلث مورد نظر هستند را به مقدار ۱ و برچسب بقیه نقاط را ۰ میکنیم. این عملات توسط کد زیر انجام گرفته است.

```
def point_in_triangle(point, v1, v2, v3):
    """Check if point (px, py) is inside the triangle with vertices v1, v2, v3."""
    # Unpack vertices
    x1, y1 = v1
    x2, y2 = v2
    x3, y3 = v3
    px, py = point
```

سىدمحمد حسىنى ٩٨٢١٢٥٣



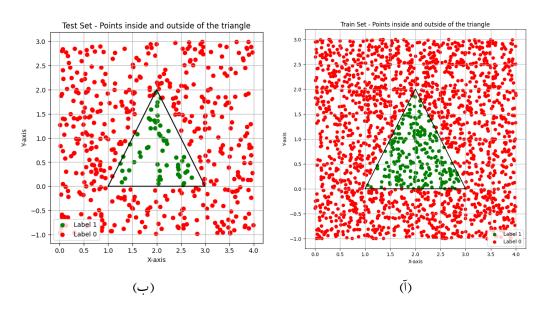
```
# Vectors
      v0 = (x3 - x1, y3 - y1)
      v1 = (x2 - x1, y2 - y1)
      v2 = (px - x1, py - y1)
      # Dot products
      dot00 = np.dot(v0, v0)
      dot01 = np.dot(v0, v1)
      dot02 = np.dot(v0, v2)
      dot11 = np.dot(v1, v1)
      dot12 = np.dot(v1, v2)
      # Barycentric coordinates
      invDenom = 1 / (dot00 * dot11 - dot01 * dot01)
      u = (dot11 * dot02 - dot01 * dot12) * invDenom
      v = (dot00 * dot12 - dot01 * dot02) * invDenom
      # Check if point is in triangle
      return (u \ge 0) and (v \ge 0) and (u + v < 1)
۲۸
49
    # Triangle vertices
    v1 = (1, 0)
    v2 = (2, 2)
    v3 = (3, 0)
    # Generate random points
    np.random.seed(53)
    x_coords = np.random.uniform(0, 4, 2000)
    y_coords = np.random.uniform(-1, 3, 2000)
    x_train = np.column_stack((x_coords, y_coords))
    x_coords = np.random.uniform(0, 4, 500)
    y_coords = np.random.uniform(-1, 3, 500)
    x_test = np.column_stack((x_coords, y_coords))
40
    # Label points based on whether they are inside the triangle
    y_train = np.array([point_in_triangle(pt, v1, v2, v3) for pt in x_train]).astype(int)
    y_test = np.array([point_in_triangle(pt, v1, v2, v3) for pt in x_test]).astype(int)
```

Code:\ data generation

کد فوق به منظور ایجاد ۲۰۰۰ نقطه و بررسی اینکه هر نقطه درون مختصات مثلث قرار دارد یا خیر نوشته شده است. تابع point_in_triangle بررسی میکند که آیا یک نقطه داخل مثلثی با رئوس داده شده قرار دارد.



مختصات رئوس مثلث و نقطه مورد نظر به تابع داده می شودو سپس نسبت مختصات نقطه به مثلث مشخص می شود. نقاط تصادفی برای مجموعه های آموزشی و تست تولید و با استفاده از تابع مذکور برچسبگذاری می شوند. همانطور که در شکل ۱ نمایش داده شده است، دو مجموعه داده به منظور آموزش و ارزیابی مدل تولید شده است.



شكل ١: مجموعه داده توليد شده

در ادامه یک مدل MLP روی این مجموعه داده آموزش دیده است و نتایج آن به همراه Decision boundary آن نمایش داده شده است. مدل اول MLP با استفاده از توابع ReLU ایجاد شده است که جزییات آن به شرح زیر است:

```
MLP(
  (layers): Sequential(
   (0): Linear(in_features=2, out_features=8, bias=True)
   (1): ReLU()
   (2): Linear(in_features=8, out_features=64, bias=True)
   (3): ReLU()
   (4): Linear(in_features=64, out_features=8, bias=True)
   (5): ReLU()
   (6): Linear(in_features=8, out_features=1, bias=True)
   (7): Sigmoid()
  )
}
```

در ادامه مدل فوق با config زیر به میزان ۱۵۰ Epoch آموزش داده شده است.

سيادمحما حسيني سيادمحما حسيني



```
device = "cuda" if torch.cuda.is_available else "cpu"

model = MLP(input_size=2, hidden_size1=8, hidden_size2=64, hidden_size3=8, output_size=1).to(
    device)

optimizer = optim.Adam(model.parameters(), lr=0.001)

criterion = nn.BCELoss()  # For binary classification

# DataLoader

train_loader = DataLoader(TensorDataset(x_train_tensor, y_train_tensor), batch_size=128,
    shuffle=True)

v test_loader = DataLoader(TensorDataset(x_test_tensor, y_test_tensor), batch_size=512, shuffle
    =False)

Again

1.
```

Code: Y Configuration

کد زیر به منظور اجرای حلقه آموزش نوشته شده است. در این کد، چندین متغیر برای نگه داری اطلاعات مانند تاریخچه ی خطاها و معیارهای متریکی مورد استفاده قرار گرفته است. سپس یک حلقه تکرار برای ایپاکهای مختلف اجرا می شود. در هر ایپاک، داده های آموزشی بارگذاری شده و مدل در حالت آموزش قرار می گیرد. سپس خطا محاسبه می شود و بهینه سازی می شود. معیارهای متریکی مورد نظر نیز برای داده های آموزشی توسط توابعی که مستقلا پیاده سازی شده اند محاسبه می شوند. سپس مدل به حالت ارزیابی در آورده می شود و برای داده های تست خطا و معیارهای متریکی محاسبه می شود. در انتهای آموزش، این اطلاعات برای تحلیل و نمایش خروجی های آموزش به دست می آید.

```
num_epochs = 150
train_loss_hist = []
test_loss_hist = []
f train_metrics = []
a test_metrics = []
v for epoch in range(num_epochs):
      loop = tqdm(train_loader)
      model.train()
      train_loss = 0.0
      train_TP, train_FP, train_TN, train_FN = 0, 0, 0, 0
      print("train")
14
      for inputs, labels in loop:
          inputs = inputs.to(device)
          labels = labels.to(device)
          outputs = model(inputs)
          loss = criterion(outputs, labels)
          optimizer.zero_grad()
```

سلامحمد حسني



```
loss.backward()
           optimizer.step()
۲۳
           train_loss += loss.item()
40
           TP, FP, TN, FN = calculate_metrics(outputs, labels)
           train_TP += TP
           train_FP += FP
           train_TN += TN
           train_FN += FN
           loop.set_postfix(
               epoch=epoch+1,
               total_loss=train_loss / len(train_loader),
           )
      train_metrics.append((train_TP, train_FP, train_TN, train_FN))
      train_loss_hist.append(train_loss / len(train_loader))
      model.eval()
      torch.cuda.empty_cache()
41
      test_loss = 0.0
      test_TP, test_FP, test_TN, test_FN = 0, 0, 0, 0
      print("Test:")
44
      with torch.no_grad():
49
           loop = tqdm(test_loader)
۴V
           for inputs, labels in loop:
               inputs = inputs.to(device)
               labels = labels.to(device)
               outputs = model(inputs)
۵۲
               loss = criterion(outputs, labels)
04
               test_loss += loss.item()
               TP, FP, TN, FN = calculate_metrics(outputs, labels)
۵v
               test_TP += TP
               test_FP += FP
               test_TN += TN
               test_FN += FN
               loop.set_postfix(
                   loss=loss.item(),
                   total_loss=test_loss / len(test_loader),
90
```

9,7170



```
fv test_metrics.append((test_TP, test_FP, test_TN, test_FN))
fx test_loss_hist.append(test_loss / len(test_loader))
fx
```

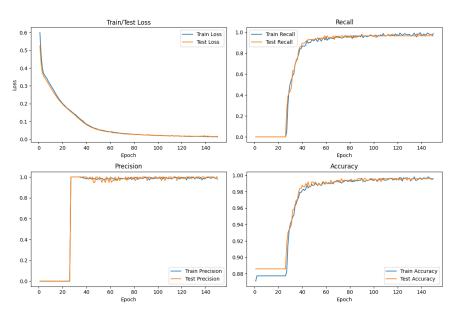
آموزش حلقه ۳: Code

سلامحملا حسني



1.٣.١ نتايج MLP با تابع فعالساز NeLU

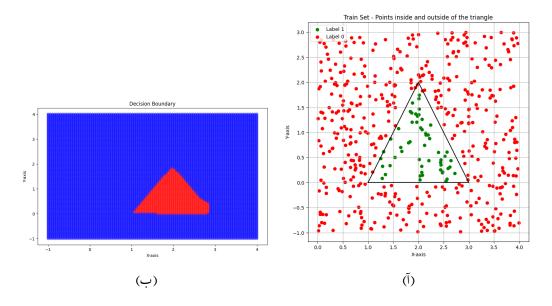
در شکل ۲ نتایج مربوط به این آموزش نشان داده شده است. همانطور که مشخص است فرآیند آموزش برای مدل MLP به درستی انجام شده و مدل روی دیتاست آموزش over fit نشده است این درحالی است که میزان متریکها برای هر دو دیتاست به ۱ بسیار نزدیک شده است.



شکل ۲: نمودارهای متریک و تابع هزینه حین آموزش

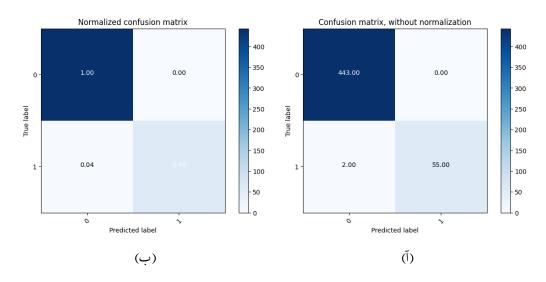
در $\Upsilon(\overline{I})$ نتیجه عملکرد مدل روی دیتای ارزیابی قابل ملاحضه است و همانطور که مشخص است تنها Υ نقطه در راس بالایی مثلث اشتباه طبقه بندی شدهاند این درحالی است که هیچ کلاسی که متعلق به داخل دایره بوده، به اشتباه به عنوان یک کلاس در خارج از دایره تشخیص داده نشده است، به عبارت دیگر False Negative برابر صفر است و Precision برابر Γ است.

در انتها در $\Upsilon(\mathbf{p})$ مرز تصمیم مدل مشخص است که با توجه با این نمودار مرز حوالی راس پایین سمت راست مثلث از دقت کافی برخوردار نیست.



شكل ٣: نتايح مدل MLP و مرز تصميم مربوط به مدل

در شکل ۴ ماتریس درهمریختگی به صورت نرمال و غیرنرمال نشان داده شده است که نشان میدهد مدل تنها دو نقطه را که مطعلق به داخل مثل بوده است به اشتباه به عنوان کلاس خارج از مثلث تشخیص داده است.



شکل ۴: Matrix Confusion

۲.۳.۱ نتایج MLP با تابع فعالساز ۲.۳.۱

این مدل با استفاده از تابع ELU ساخته شده است و جزییات آن به شرج زیر می باشد:

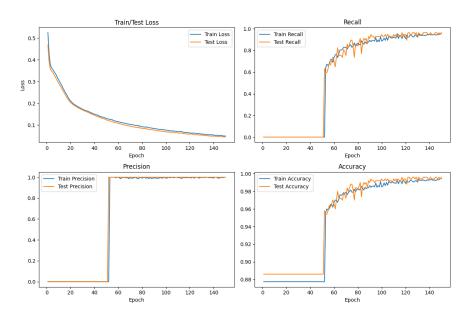
MLP(

(layers): Sequential(



```
(0): Linear(in_features=2, out_features=8, bias=True)
(1): ELU(alpha=1.0)
(2): Linear(in_features=8, out_features=64, bias=True)
(3): ELU(alpha=1.0)
(4): Linear(in_features=64, out_features=8, bias=True)
(5): ELU(alpha=1.0)
(6): Linear(in_features=8, out_features=1, bias=True)
(7): Sigmoid()
)
```

در شکل ۵ نتایج مربوط به این آموزش نشان داده شده است. همانطور که مشخص است فرآیند آموزش برای مدل MLP با تابع فعالساز ELUبه درستی انجام شده و مدل روی دیتاست آموزش over fit بسیار است که شیب نمودار هزینه همچنان کاهشی میباشد.در ادامه میزان متریکها برای هر دو دیتاست به ۱ بسیار نزدیک شده است.



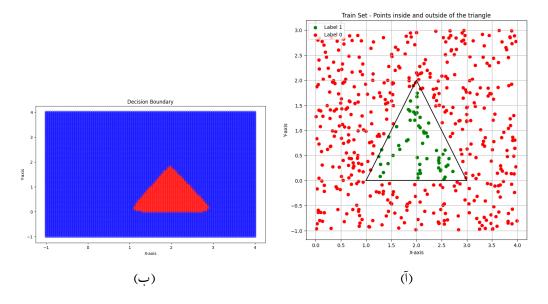
شکل ۵: نمودارهای متریک و تابع هزینه حین آموزش

در $\Re(\overline{1})$ نتیجه عملکرد مدل روی دیتای ارزیابی قابل ملاحضه است و همانطور که مشخص است تنها ۲ نقطه در راس بالایی مثلث اشتباه طبقه بندی شدهاند این درحالی است که هیچ کلاسی که متعلق به داخل دایره بوده، به اشتباه به عنوان یک کلاس در خارج از دایره تشخیص داده نشده است، به عبارت دیگر False Negative برابر صفر است و Precision برابر ۱ است.

در ۶ (ب) مرز تصمیم مدل مشخص است که با توجه به این نمودار و مقایسه آن با ۳ (ب)، مشخص است که نتایج بدست آمده از این مدل توانایی تعمیمپذیری بیشتری دارند و هر سه راس این مثلث به یک شکل هستند.

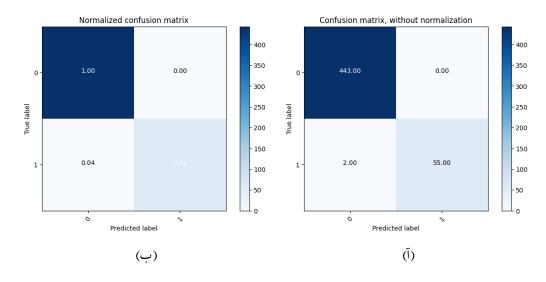
سيلمحمل حسيني





شكل ۶: نتايح مدل MLP و مرز تصميم مربوط به مدل

در شکل ۷ماتریس درهمریختگی به صورت نرمال و غیرنرمال نشان داده شده است که نشان میدهد مدل تنها دو نقطه را که مطعلق به داخل مثل بوده است به اشتباه به عنوان کلاس خارج از مثلث تشخیص داده است.



شکل ۱۲: Matrix Confusion

۳.۳.۱ نتایج مدل بر مبنای mcculloch-pitts نرون

مدلهای مبتنی بر نرونهای mcculloch-pitts به ما این امکان را میدهند که با استفاده از دانش انسانی، بهترین پاسخ را برای مسئله خود بدست بیاوریم. راه حلی که میتوانیم نقاط داخل مثلث را شناسایی کنیم حاصل ترکیب AND گزاره متفاوت است؛ هر یک از این گذاره ها نشان دهنده این است که نقطه مد نظر ما نسبت به خط گذرنده از هر ضلع مثلث چه وضعیتی دارد. بدین منظور باید سه معادله خط بدست آوریم و با



قرار دادن نقاط اطراف خط مشخص كنيم كه تغيير علامت چه زماني رخ مي دهد و با چه تركيب منطقي از اين تغيير علامتها مي توانيم مثلث را پيدا كنيم.

در شکل ۵ نتایج مربوط به این آموزش نشان داده شده است. همانطور که مشخص است فرآیند آموزش برای مدل MLP با تابع فعالساز ELUبه درستی انجام شده و مدل روی دیتاست آموزش over fit بنای درحالی است که شیب نمودار هزینه همچنان کاهشی میباشد.در ادامه میزان متریکها برای هر دو دیتاست به ۱ بسیار نزدیک شده است. روش محاسبه هر یک از این معادلات خط با قرار دادن یک جفت از راسهای مثلث در معادله زیر میباشد:

$$y = w(x - x_1) + y_1, \quad w = \frac{y_1 - y_2}{x_1 - x_2}$$
 (Υ)

با استفاده از رابطه فوق سه جفت مقدار برای هر معادله خط بدست آمد که این مقادیر عبارتند از (-2,1), (-2,1) و (0,1) که سه ضلع مثلث را تشکیل می دهند. در ادامه یک نرون لازم است تا عملیات منطقی (0,1) دهد. با جایگذاری نقاط مختلف از صفحه در معادلات خط بدست آمده و مقایسه آنها رابطه منطقی زیر بدست می آبد:

$$l_1' + l_2' + l_3$$

مدل مرتبط با روابط فوق به شکل زیر در پایتون قابل پیادهسازی میباشد:

```
#define muculloch pitts
      class McCulloch_Pitts_neuron():
        def __init__(self , weights ,bias, threshold):
          self.weights = np.array(weights).reshape(-1, 1)
                                                                #define weights
                                         #define threshold
          self.threshold = threshold
          self.bias = np.array(bias)
        def model(self , x):
          #define model with threshold
          return (x.T @ self.weights + self.bias >= self.threshold).astype(int)
      def model(x):
۱۳
          neur1 = McCulloch_Pitts_neuron([-2, 1],2, 0)
          neur2 = McCulloch_Pitts_neuron([2, 1], -6, 0)
          neur3 = McCulloch_Pitts_neuron([0, 1], 0, 0)
          neur4 = McCulloch_Pitts_neuron([1, 1, 1], 0, 3)
          z1 = neur1.model(np.array(x))
          z2 = neur2.model(np.array(x))
          z3 = neur3.model(np.array(x))
          z4 = np.squeeze(np.array([1-z1, 1-z2, z3]), axis=-1)
          z4 = neur4.model(z4)
44
          # 3 bit output
```

سىدە حدىنى سىدە حدىنى سىدە محمد حسىنى



```
# return str(z1) + str(z2)

***Y

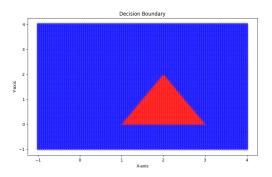
**Teturn z4**

**TA

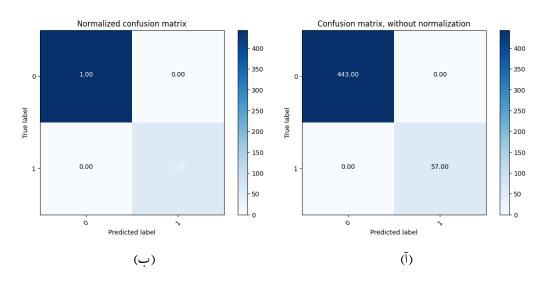
**TA
```

آموزش حلقه ۴: Code

همانطور که در شکل ؟؟ مشخص است یک مثلث دقیق بدست آمده است و انتظار میرود که نتایج ماتریس درهمریختگی آن بهترین وضعیت ممکن باشد که این مسئله در شکل ۹ قابل مشاهده است.



شكل Mcculloch-pitts : ۸ و مرز تصميم مربوط به مدل



شکل ۹: Matrix Confusion

٢ سوال ٢١.٢ بخش اولسمال:



در مورد دیتاست Bearin CWRU و عیوب موجود توضیح دهید.

پاسخ:

دیتاست استفاده شده برای این پروژه، دیتاست Bearing CWRU است. این دیتاست شامل دادههای ارتعاشی از بلبرینگها در شرایط مختلف، شامل حالتهای سالم و معیوب است. در این مینی پروژه، ما بر روی دادههای بخش 12k Drive End Bearing Fault Data تمرکز میکنیم. علاوه بر دادههای استفاده شده در مینی پروژه قبلی، ما اکنون دو کلاس جدید OR007 و 1_60000 از بلبرینگهای معیوب را اضافه میکنیم. این گسترش پیچیدگی و تنوع بیشتری به دادهها اضافه میکند و امکان تحلیل جامع تر و آموزش مدل قوی تر را فراهم میکند. انواع دادههای معیوب و توضیحات آن به شرح زیر می باشد:

- سالم: دادههایی که نشاندهنده بلبرینگهای در عادی خوب هستند.
- کلاس معیوب ۱ 1_6@OR007: این عیوب در قسمت بیرونی بلبرینگ رخ میدهد و میتواند ارتعاش و نویز قابل توجهی ایجاد کند که عملکرد کلی ماشین آلات را تحت تاثیر قرار میدهد.
- کلاس معیوب ۲ 1_B007: این عیوب در سطح بلبرینگها رخ میدهد و با نامنظمیهایی در سطح بلبرینگها همراه است.
- کلاس معیوب ۳ (IR007_1): این عیوب در قسمت داخلی بلبرینگ رخ میدهد و باعث ایجاد ناهنجاری در عملکرد کلی بلبرینگ میشود.

۲.۲ پیشپردازش

کد زیر یک چنجره به طول len_data را روی سری زمانی عبور میدهد و داده ۷ها را به شکل یک ماتریس (n, len_data) ایجاد میکند که مقدار n با توجه به تعداد داده موجود در فایل دیتا بستگی دارد. سپس با توجه به متغییر n_samples تعداد نمونه دلخواه را جدا میکنیم. به دلیل اینکه در این مسئله تصمیم به آموزش یک شبکه عصبی داریم بیشترین تعداد داده ممکن را از دیتاست استخراج میکنیم که برابر ۶۰۰ نمونه پنجره با طول ۲۰۰ است.

```
n_samples = 600

len_data = 200

normal_data_matrix = normal_data[:-(normal_data.shape[0] % len_data)].reshape(-1, len_data)

len_data_matrix = fault1_data[:-(fault1_data.shape[0] % len_data)].reshape(-1, len_data)

fault2_data_matrix = fault2_data[:-(fault2_data.shape[0] % len_data)].reshape(-1, len_data)

fault3_data_matrix = fault3_data[:-(fault3_data.shape[0] % len_data)].reshape(-1, len_data)
```

Code: a Sliding Window

در ادامه خروجی کد فوق نشان داده شده است.

```
(2419, 200)
(609, 200)
```



(607, 200) (612, 200)

در ادامه با استفاده از کد زیر featureهای ممکن را از هر پنجره از داده استخراج میکنیم و سپس ویژگیهایی که مد نظر هست را انتخاب میکنیم.

```
def feature_extraction(data):
      features = {}
      # Standard Deviation
      features['Standard Deviation'] = np.std(data, axis=1)
      features['Peak'] = np.max(np.abs(data), axis=1)
      # Skewness
      features['Skewness'] = scipy.stats.skew(data, axis=1)
      features['Kurtosis'] = scipy.stats.kurtosis(data, axis=1)
      # Crest Factor (peak divided by RMS)
      rms = np.sqrt(np.mean(np.square(data), axis=1))
      features['Crest Factor'] = features['Peak'] / rms
      # Clearance Factor (peak divided by the mean of the square root of the absolute values)
      features['Clearance Factor'] = features['Peak'] / np.mean(np.sqrt(np.abs(data)), axis=1)
      # Peak to Peak
      features['Peak to Peak'] = np.ptp(data, axis=1)
      # Shape Factor (RMS divided by the mean of the absolute values)
      features['Shape Factor'] = rms / np.mean(np.abs(data), axis=1)
      # Impact Factor (peak divided by mean)
      features['Impact Factor'] = features['Peak'] / np.mean(data, axis=1)
      # Square Mean Root (the square root of the mean of the squares)
      features['Square Mean Root'] = rms
      # Mean
      features['Mean'] = np.mean(data, axis=1)
۲۸
      # Absolute Mean
      features['Absolute Mean'] = np.mean(np.abs(data), axis=1)
      # Root Mean Square
      features['Root Mean Square'] = rms
      # Impulse Factor (peak divided by the absolute mean)
      features['Impulse Factor'] = features['Peak'] / features['Absolute Mean']
      return features
ww normal_features = pd.DataFrame(feature_extraction(normal_data_matrix))
fault1_features = pd.DataFrame(feature_extraction(fault1_data_matrix))
wo fault2_features = pd.DataFrame(feature_extraction(fault2_data_matrix))
my normal_features['Label'] = 0
fault1_features['Label'] = 1
fault2_features['Label'] = 2
fault3_features['Label'] = 3
```



Code: 9 Feature Extraction and Feature Selection

در ادامه تقسیم دیتاست به ۳ زیرمجموعه آموزش، ارزیابی و آزمون انجام شده است که به موجب آن ابتدا به صورت تصادفی shuffle می شوند و پس از آن یک بار به صورت عادی و بار بعدی به صورت به صورت تقسیم داده انجام می شود. با مشخص کردن آرگمان و stratify باعث می شویم که توزیع داده در زیرمجموعه آزمون و ارزیابی بهم نریزد. تقسیم مجموعه داده با استفاده از آرگمان فوق باعث بهبود نتایج آموزش مدل نسبت به شرایطی که انتخاب هر زیرمجموعه به صورت کاملا تصادفی بوده، شده است.

اضافه کردن مجموعه داده اعتبارسنجی و بررسی تابع هزینه روی این مجموعه داده حین آموزش، موجب آن میشو د که از اتفاق افتادن over-fitting جلوگیری شود.

Code: V Train Validatiaon Test Split

۳.۲ بخش دوم

در ادامه مجموعه داده بدست آمده را نرمال میکنیم، باید توجه داشت که مقادیر میانگین و واریانسی که به منظور نرمال کردن مجموعه داده آموزش بدست آمده است. در انتها متناسب با عدد موجود در Label هر داده، یک آرایه به صورت One-hot به آن داده اختصاص داده شده است. شده است.

سيلمحمل حسيني سيلمحمل حسيني



```
X_train, X_train_max, X_train_min = min_max_normalization(X_train_raw)
X_test, _, _ = min_max_normalization(X_test_raw, X_train_max, X_train_min)
X_val, _, _ = min_max_normalization(X_val_raw, X_train_max, X_train_min)

X_train = torch.tensor(X_train.to_numpy(), dtype=torch.float32)
X_val = torch.tensor(X_val.to_numpy(), dtype=torch.float32)

X_test = torch.tensor(X_test.to_numpy(), dtype=torch.float32)

X_val = torch.tensor(y_train.to_numpy(), dtype=torch.long)

y_val = torch.tensor(y_val.to_numpy(), dtype=torch.long)

y_test = torch.tensor(y_test.to_numpy(), dtype=torch.long)

# Perform one-hot encoding
y_train = torch.nn.functional.one_hot(y_train, num_classes=4).float()
y_val = torch.nn.functional.one_hot(y_val, num_classes=4).float()
y_test = torch.nn.functional.one_hot(y_test, num_classes=4).float()
```

Code: A Normalization and One-hot

در ادامه یک مدل MLP با سه لایه پنهان ایجاد میکنیم که شرح تعداد نرونهای آن در کد زیر آمده است سپس با مقداردهی اولیه مدل، یک شی در محیط برنامه نویسی ایجاد میکنیم. پارامتر بعدی که در آموزش این مدل استفاده شده است تابع هزینه CrossEntropyLoss است که یک شی از آن با مقادیر پیشفرض ایجاد شده است. تابع بهینه ساز این مدل از الگوریتم Adam پیروی میکند که با گام اموزشی اولیه 0.001 شروع به بهینه کردن مدل میکند و در ادامه با استفاده از تابع تابع هزینه اگر طی ۱۵ Epoch اگر طیخود خواهد شد.

```
class MLP(nn.Module):
      def __init__(self, input_dim, output_dim):
           super(MLP, self).__init__()
           self.hidden1 = nn.Linear(input dim, 32)
           self.hidden2 = nn.Linear(32, 64)
           self.output = nn.Linear(64, output_dim)
           self.relu = nn.ReLU()
           self.softmax = nn.Softmax(dim=1)
      def forward(self, x):
          x = self.relu(self.hidden1(x))
           x = self.relu(self.hidden2(x))
           x = self.output(x)
           x = self.softmax(x)
           return x
\ensuremath{\text{\sc i}} # Initialize the model, loss function, and optimizer
NA model = MLP(input_dim=X_train.shape[1], output_dim=len(set(y)))
recriterion = nn.CrossEntropyLoss()
```

سلامحمد حسني



Code: 9 Model and Configuration

در انتها مدل با استفاده از کد زیر آموزش داده می شود؛ باید توجه داشته که کد زیر با بررسی تغییرات تابع هزینه دستاست ارزیابی، میزان بهبود آن را بررسی می کند و اگر به ازای ۳۰ Epoch بهبود محسوس رخ ندهد فرایند آموزش متوقف می شود.

```
# Training loop with early stopping
\gamma num_epochs = 500
patience = 30
f best_val_loss = float('inf')
a epochs_without_improvement = 0
% Best_model = None
A # Metrics storage
q train_losses = []
val_losses = []
train_accuracies = []
val_accuracies = []
for epoch in range(num_epochs):
      model.train()
      train loss = 0.0
      train_correct = 0
      total_train = 0
      for inputs, labels in train_loader:
          optimizer.zero_grad()
          outputs = model(inputs)
          loss = criterion(outputs, labels)
          loss.backward()
          optimizer.step()
          train_loss += loss.item()
          _, preds = torch.max(outputs, 1)
          _, targets = torch.max(labels,1)
          train_correct += (preds == targets).sum().item()
          total_train += labels.size(0)
      train_loss /= len(train_loader)
      train_accuracy = train_correct / total_train
      train_losses.append(train_loss)
٣۵
      train_accuracies.append(train_accuracy)
```

سىدمحمد حسىني



```
model.eval()
      val_loss = 0.0
      val_correct = 0
      total_val = 0
      with torch.no_grad():
          for inputs, labels in val_loader:
              outputs = model(inputs)
              loss = criterion(outputs, labels)
              val_loss += loss.item()
              _, preds = torch.max(outputs, 1)
              _, targets = torch.max(labels,1)
              val_correct += (preds == targets).sum().item()
              total val += labels.size(0)
      val_loss /= len(val_loader)
۵٣
      val_accuracy = val_correct / total_val
      val_losses.append(val_loss)
      val_accuracies.append(val_accuracy)
۵۶
      print(f'Epoch {epoch+1}/{num_epochs}, Train Loss: {train_loss:.4f}, Val Loss: {val_loss:.4f},
       Train Accuracy: {train_accuracy:.4f}, Val Accuracy: {val_accuracy:.4f}')
      scheduler.step(val_loss)
      if best_val_loss - val_loss > 1e-3:
          best_val_loss = val_loss
          torch.save(model.state_dict(), 'best_model.pth')
          epochs_without_improvement = 0
99
          epochs_without_improvement += 1
      if epochs_without_improvement >= patience:
          print(f'Early stopping triggered after {epoch+1} epochs.')
          break
```

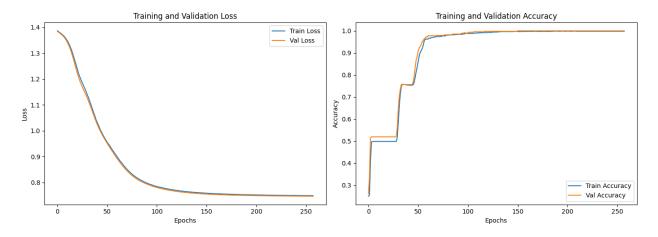
Code: \ \ Train Loop

۱.۳.۲ نتایج

پس از آموزش مدل با configuration که در بالا مطرح شد نتایج بدست آمده از تابع هزینه و متریک –Ac در میزان تابع در شکل ۱۰ نشان داده شده است. در این آموزش، با گذشتن ۲۵۸ Epoch بهبودی در میزان تابع هزینه دیتاست ارزیابی مشاهده نشده است و فرایند آموزش stop early شده است. همانطور که مشخص است



میزان accuracy این مجموعه داده آموزش و ارزیابی در طی فرایند آموزش به حدود یک نزدیک شده است و همانطور که از این نمودار مشخص است، بهینه سازی این مدل در ۲ نقطه به extremum local رسیده است و برای حدود چند Epoch بهبودی در نتایج این متریک مشاهده نمی شود.



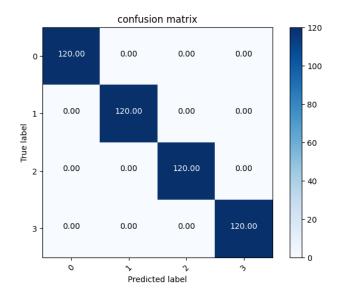
شكل ۱۰: نتايج آموزش مدل MLP

به منظور تحلیل بهتر نتایح بدست آمده از آموزش این مدل متریکها و معیارهای دیگری علاوه بر Accuracy مورد نیاز است زیرا که متریک Accuracy با در نظر گرفتن کلاسهای نرمالی که به درستی تشخیص داده شدهاند در فرمول خود، باعث کاهش اثر نمونههایی که به اشتباه تشخیص داده شدهاند می شود بنابراین متریکهای دیگری مورد نیاز است که در ادامه نتایج مدل را برحسب Recall و Precision و ۱- Score F و ماتریس درهم ریختگی روی مجموعه داده آزمون بررسی می شود.

نتایج آموزش مدل روی داده آزمون در شکل ۱۱ و شکل ۱.۳.۲ نشان دهنده عملکرد بسیار خوب این مدل می باشد که تمام نمونهها را به درستی تشخیص داده است.

		precision	recall	f1-score	support
	0	00.1	00.1	00.1	359
	1	00.1	00.1	00.1	375
	2	00.1	00.1	00.1	348
	3	00.1	00.1	00.1	358
accui	cacy			00.1	1440
macro	avg	00.1	00.1	00.1	1440
weighted	avg	00.1	00.1	00.1	1440

سىلمحمل حسىنى



شکل Matrix Confiusion : ۱۱

۴.۲ بخش سوم

در ادامه با استفاده از کد زیر ۲ مدل جدید با هایconfiguratin جدید ایجاد میکنیم که در مدل اول تنها تابع هزینه به L1Loss تغییر یافته است.

```
# Model 1
y model = MLP(input_dim=X_train.shape[1], output_dim=len(set(y)))
y criterion = nn.L1Loss()
y optimizer = optim.Adam(model.parameters(), lr=0.1)
o scheduler = optim.lr_scheduler.ReduceLROnPlateau(optimizer, mode='min', factor=0.1, patience=15, verbose=True)
y
y # model 2
A model = MLP(input_dim=X_train.shape[1], output_dim=len(set(y)))
y criterion = nn.L1Loss()
y optimizer = optim.SGD(model.parameters(), lr=0.1)
y scheduler = optim.lr_scheduler.ReduceLROnPlateau(optimizer, mode='min', factor=0.1, patience=15, verbose=True)
```

۱.۴.۲ نتایج

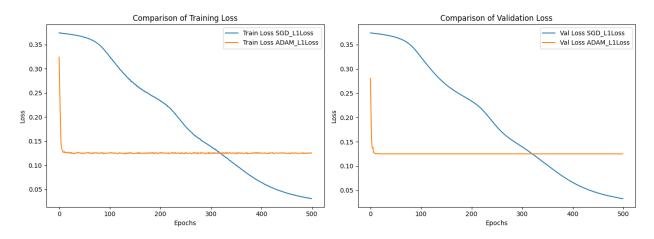
با توجه به نمودارهای موجود در شکل ۱۳ و شکل ۱۲ مشخص می شود که تغییر تابع هزینه به تنهایی می تواند به شدت روی عملکرد مدل تاثیر بگذارد؛ این مسئله با بررسی نمودارهای نارنجی که مربوط به مدل با تابع هزینه L1Loss و بهینه ساز Adam است مشخص می شود. در آموزش این مدل مشخص می شود که یک نقطه بهینه محلی

سبلمحمل حسبني

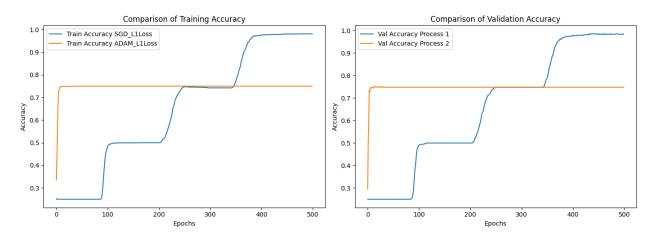


پیدا شده است که مدل نتوانسته است از آن خارج شود و مقدار Accuracy برابر %۷۵ شده است که نشان دهنده افت شدید این متریک نسبت به شرایطی است که تابع هزینه از نوع CrossEntropyLoss است.

در ادامه با تغییر بهینهساز در فرایند آموزش به SGD نشان داده می شود که دوباره مدل به نتیجه مطلوب می رسد اما باید این نکته را در نظر داشته که بابت رسیدن به این نتیجه نیاز است که ۴۰۰ Epoch طی شود که خیلی بیشتر از تعداد Epoch طی شده در فرایند آموزش نشان داده شده در زیرقسمت ۳.۲ می باشد. نکته حائز اهمیت در نمودارهای شکل ۱۲ این است که آموزشی که با نمودار آبی نشان داده شده است همچنان می تواند آموزش داده شود و داری شیب نزولی هم در نمودار آموزش و هم در نمودار ارزیابی است.



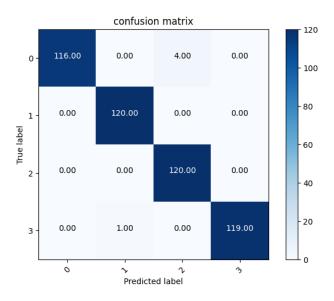
شكل ١٢: تابع هزينه آموزش مدل MLP با بهينه ساز و تابع هزينه جديد



شكل ۱۳: متريكهاي آموزش مدل MLP با بهينه ساز و تابع هزينه جديد



هیچ خطایی روی محموعه داده آزمون نداشته است، بنابراین تغییر تابع هزینه و یا بهینه ساز میتواند موجب کاهش عملکرد مدل در این مسئله بشود.



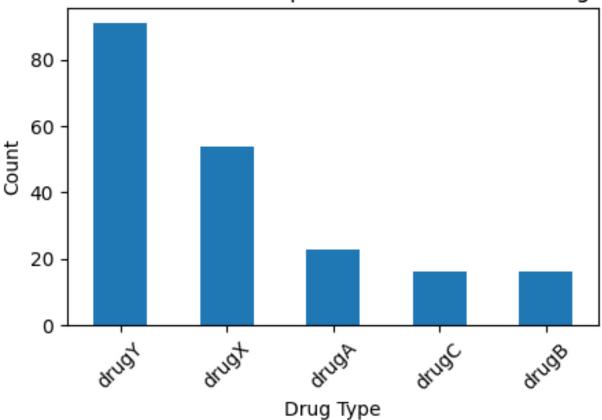
شکل ۱۴: ماتریس درهمریختگی روی دادههای آزمون

٣ سوال٣

در ادامه حل این سوال مجموعه داده دارو درنظر گرفته شده است و الگوریتمها به روی این مجموعه داده اجرا شده اند. در ادامه تحلیل آماری مجموعه داده دارو انجام شده است. همانطور که در شکل ۱۵ مشخص شده است این دیتاست تا حدی imbalance است و فراوانی داروی x و y بیشتر از باقی داروها می باشد اعداد دقیق مربوط به فراوانی این دیتاست در شکل π نشان داده شده است.







شكل ۱۵: نمودار توزيع داده

The number of unique values in the column "Drug" is 5

drugY 91
 drugX 54
 drugA 23
 drugC 16
 drugB 16

Name: Drug, dtype: int64

جدول ۱ نشان دهنده چند سطر از مجموعه داده دارو می باشد که مقادیر توصیفی ستونهای BP Sex و Cholesterol به شرح زیر می باشد:

Values of Sex column = ['F' 'M']
Values of BP column = ['HIGH' 'LOW' 'NORMAL']
Values of Cholesterol column ['HIGH' 'NORMAL']



Drug	Na_to_K	Cholesterol	BP	Sex	Age	
drugY	۳۵۵.۲۵	HIGH	HIGH	F	74	•
drugC	• 94. 14	HIGH	LOW	M	41	١
drugC	114.1.	HIGH	LOW	M	41	۲
drugX	V9	HIGH	NORMAL	F	44	٣
drugY	• 44.14	HIGH	LOW	F	۶١	۴

جدول ۱: Data Sample

١.٣ بخش اول

سوال:

توضیح دهید که از چه روشی برای انتخاب بخشی از داده استفاده کردهاید. آیا روش بهتری برای این کار می شناسید؟

سوال:

به منظور پاسخ داده به این سوال ابتدا باید کدی که به وسیله آن دیتاست تقسیم شده است مورد بررسی قرار بگیرد. کد زیر به منظور تقسیم دیتاست موجود به دو زیرمجموعه آموزش و ارزیابی است که در نتیجه آن %۴۰ از این دیتاست با توزیع یکنواخت به مجموعه ارزیابی تخصیص داده میشود.

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.4, random_state=53)
```

Code: \\ Data Selection

نکته حائز اهمیت این است که این دیتاست از تفکیک پذیری بالایی برخوردار است و نیازی نیست که از روشهای پیشرفته تر به منظور تقسیم آن استفاده کنیم اما با توجه به imbalance بودن این دیتاست می توان از روش stratify به منظور حفظ توزیع داده ها و یا روش K-Fold-cross-entropy استفاده کرد تا بهترین نتیجه ممکن را بدست آورد و از عملکرد مدل مطمئن شد.

در ادامه با استفاده از کد زیر و Configuration پیشفرض کتابخانه sklearn یک درخت تصمیم ایجاد شده است و روی دیتاست آموزش، آموزش دیده است. نتایج بدست آمده از این آموزش در شکل ۱۶ نشان داده شده است.

```
# Create a Decision Tree Classifier

clf = DecisionTreeClassifier(random_state=53)

# Train the classifier on the training data
clf.fit(X_train, y_train)

plot_tree(clf, filled=True, feature_names=X.columns, class_names=clf.classes_, rounded=True)

plt.title('Decision Tree')

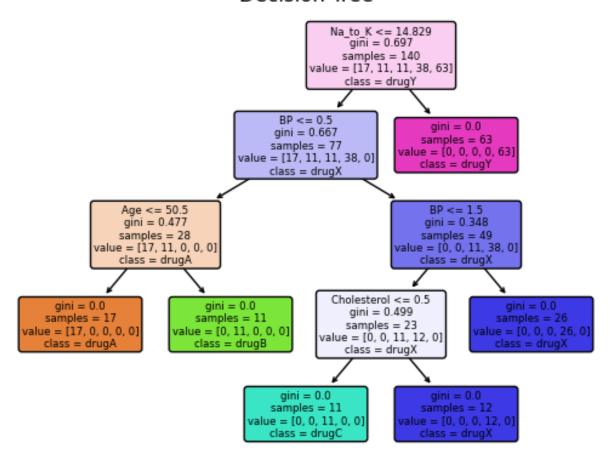
plt.show()
```

سىدە حدىنى سىدە حدىنى سىدە محمد حسىنى



Code: \Y Train Decision Tree

Decision Tree



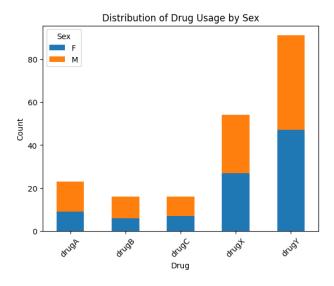
شکل ۱۶

۲.۳ بخش دوم

با توجه به شکل ۱۶ می توان مشخص کرد که از داده های جنسیت به منظور تعیین کلاس هر نمونه استفاده نشده است. به منظور تحلیل این مسئله لازم است تا پراکندگی جنسیت، نسبت به هر نوع دارو رسم شود. این نمودار در شکل ۱۷ رسم شده و است و همانطور که مشخص است میزان مردان نسبت به زنان همواره از entropy بالایی برخوردار بوده که به همین دلیل نیز جنسیت در نوع دارو تاثیر چندانی نگذاشته است، به بیان دیگر این بیماری با جنسیت وابستگی پایینی دارد.

سيامحما حسيني





شکل Drug over Sex :۱۷

در ادامه متریکهای موردنیاز به منظور بررسی نتایج مدل محاسبه شده است. همانطور که مشخص است برای دو زیرمجموعه آموزش و ارزیابی تمامی متریکهای و ماتریس درهمریختگی در شکل ۱۸ مقداری برابر ۱ دارند که این به معنی عملکرد بیعیب مدل ما است.

training metrics:

Classification Report:

	precision	recall	f1-score	support
drugA	00.1	00.1	00.1	17
drugB	00.1	00.1	00.1	11
drugC	00.1	00.1	00.1	11
drugX	00.1	00.1	00.1	38
drugY	00.1	00.1	00.1	63
accuracy			00.1	140
macro avg	00.1	00.1	00.1	140
weighted avg	00.1	00.1	00.1	140

test metrics:

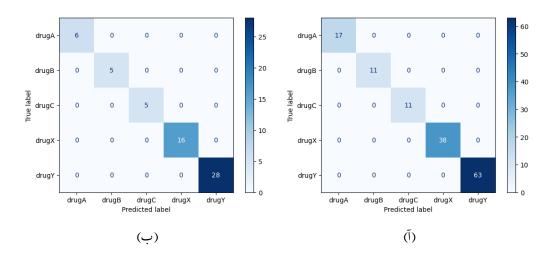
Classification Report:

precision recall f1-score support

سبلمحمل حسيني



drugA	00.1	00.1	00.1	6
drugB	00.1	00.1	00.1	5
drugC	00.1	00.1	00.1	5
drugX	00.1	00.1	00.1	16
drugY	00.1	00.1	00.1	28
accuracy			00.1	60
macro avg	00.1	00.1	00.1	60
weighted avg	00.1	00.1	00.1	60



شکل ۱۸: Matrix Confusion

حال با استفاده از GridSearchCV هایپرپارامترهای متفاوت را با استفاده از متد GridSearchCV هایپرپارامترهای بررسی میکنیم تا بهترین ساختار مدل را پیدا کنیم. در این جستجو مقادیر min_samples_split "max_depth بررسی میکنیم تا بهترین ساختار مدل را پیدا کنیم. کد زیر به منظور و min_samples_leaf را در یک بازه متناسب با دیتاستی که در اختیار داریم تغییر میدهیم. کد زیر به منظور آموزش مدلهای مختلف استفاده شده است و در انتها بهترین هایپرپارامترها را خروجی میدهد.

```
param_grid = {
    'max_depth': [2, 3, 4, 5, 10, 15],
    'min_samples_split': [2, 5, 10, 15],
    'min_samples_leaf': [1, 2, 4, 7, 10]

}
scoring = {
    'precision': make_scorer(precision_score, average='macro'),
    'recall': make_scorer(recall_score, average='macro')
}

# Perform grid search with cross-validation
grid_search = GridSearchCV(estimator=clf, param_grid=param_grid,
    scoring=scoring, refit='precision', return_train_score=True)
```



yr grid_search.fit(X_train, y_train)

14

Code: \\ Grid search

نتایج بدست آمده از این گروه آموزشها نشان میدهد که مدل بهینه هایپرپارامترهای زیر را دارد.

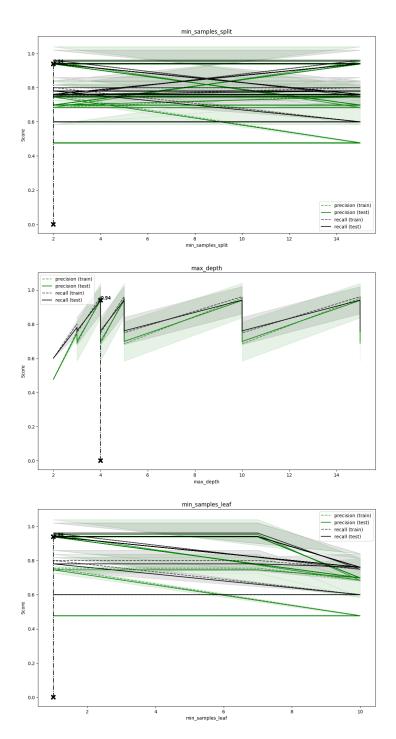
Best Parameters: {'max_depth': 4, 'min_samples_leaf': 1, 'min_samples_split': 2}

نمودارهای موجود در شکل ۱۹ به ازای تغییرات هر هایپرپارامتر کشیده شده است. همانطور که مشخص است، متغییر min_samples_split با افزایش مقدار، گاهی موجب بهبود و گاهی موجب افت عملکرد مدل می شود که این بهبود یا افت به مقدار دو متغییر دیگر بستگی دارد بنابراین نمیتوان به صورت کلی نظر قطعی درمورد این متغییر داد. متغییر طوحه یک رفتار تکرار شونده را نشان می دهد که به غیر از مقادیر خاص، نمودار آن افزایشی می باشد بنابراین افزایش مقدار این متغییر می تواند به بهبود مدل کمک کند. در انتها متغییر نمودار آن افزایشی می باشد بنابراین افزایش مقدار این متغییر عملکرد مدل در این مسئله به خصوص کاهش پیدا می کند بنابراین کمترین مقدار ممکن را برای این متغییر در نظر می گیریم.

سبلمحمل حسبني



GridSearchCV evaluating using multiple scorers simultaneously



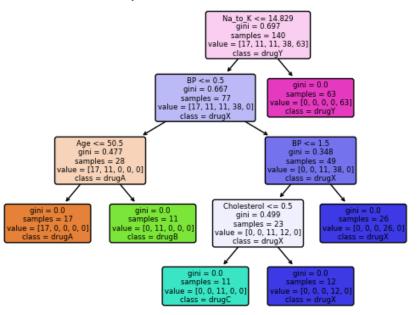
شکل ۱۹ : Graph Hyper-parameters

حال به سراغ بررسی نتایج بدست آمده از بهترین مدل میرویم، همانطور که در شکل ۲۰ مشخص است،



تفاوتی با درخت موجود در شکل ۱۶ نداشته است، از طرف دیگر با توجه به متریکها و ماتریس درهمریختگی در شکل ۲۱ همچنان عملکرد مدل در بهترین حالت خود میباشد و تمام نمونهها را به درستی تشخیص داده است

Optimized Decision Tree



شکل ۲۰: Tree Best

training metrics:

Classification Report:

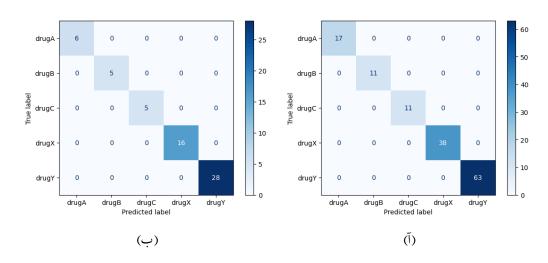
	precision	recall	f1-score	support
drugA	00.1	00.1	00.1	17
drugB	00.1	00.1	00.1	11
drugC	00.1	00.1	00.1	11
drugX	00.1	00.1	00.1	38
drugY	00.1	00.1	00.1	63
accuracy			00.1	140
macro avg	00.1	00.1	00.1	140
weighted avg	00.1	00.1	00.1	140

test metrics:



Classification Report:

	precision	recall	f1-score	support
drugA	00.1	00.1	00.1	6
drugB	00.1	00.1	00.1	5
drugC	00.1	00.1	00.1	5
drugX	00.1	00.1	00.1	16
drugY	00.1	00.1	00.1	28
accuracy			00.1	60
macro avg	00.1	00.1	00.1	60
weighted avg	00.1	00.1	00.1	60



شکل Matrix Confusion :۲۱

در انتها به سراغ post-pruning میرویم و با استفاده از کد زیر چند α متفاوت را تست میکنیم که نتیجه آن در شکل ۲۲ قابل مشاهده است. در نتیجه post-pruning روی درخت به وجود آمده توست مجموعه داده دارو تاثیر منفی خواهد داشت.

```
clf = DecisionTreeClassifier(random_state=53)

path = clf.cost_complexity_pruning_path(X_train, y_train)

ccp_alphas, impurities = path.ccp_alphas, path.impurities

clfs = []

for ccp_alpha in ccp_alphas:

clf = DecisionTreeClassifier(random_state=53, ccp_alpha=ccp_alpha)

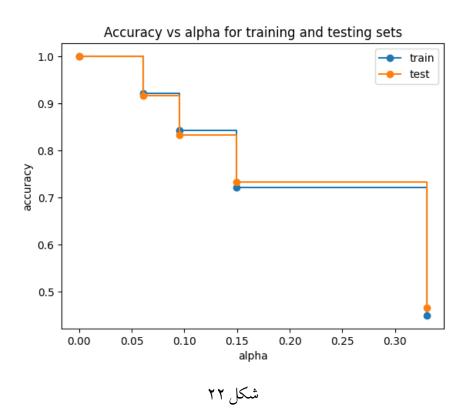
clf.fit(X_train, y_train)

clfs.append(clf)
```

سلامحمل حسني



Code: ۱۴ best alpha



٣.٣ بخش سوم

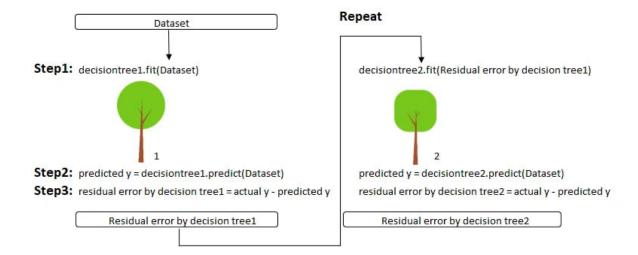
AdaBoost و RandomForest دو تکنیک یادگیری جمعی هستند که میتوانند عملکرد درخت تصمیم را به طور قابل توجهی بهبود بخشند. این تکنیکها به شرح زیر عمل میکنند.

AdaBoost : AdaBoost یک تکنیک تقویت است که بر بهبود دقت پیشبینیها با ترکیب چندین درخت تصمیم تکیه دارد. ایده کلیدی پشت AdaBoost تنظیم وزن دادههای آموزشی بر اساس عملکرد درخت قبلی است.

طی فرایند آموزش یک مدل AdaBoost ابتدا، وزن تمام نمونه ها برابر یکدیگر قرار داده می شود. سپس یک درخت تصمیم گیری با استفاده از این داده هاآموزش داده می شود. در ادامه، وزن نمونه هایی که نادرست طبقه بندی شده، افزایش می یابد تا درخت بعدی بر روی آن ها تمرکز کند. این فرایند برای تعداد مشخصی از تکرارها یا تا رسیدن به دقت مطلوب تکرار می شود. مدل نهایی یک جمع وزن دار از مجموعه درخت ها است، که در آن درخت های دقیق تر وزن بیشتری دارند. فرایند آموزش یک مدل AdaBoost در شکل ۲۳ آورده شده است.

سبلمحمل حسبني





شكل ۲۳: نحوه عملكرد و آموزش مدل AdaBoost [۲]

RandomForest : RandomForest یک است که با یک مجموعه از درختان تصمیم، یک جنگل تصمیم می سازد که هر کدام از درختان این جنگل بر روی یک زیرمجموعه تصادفی از داده ها و ویژگی ها آموزش داده می شوند.

در این روش، ابتدا زیرمجموعههای تصادفی از دادههای آموزشی انتخاب میشوند. سپس یک درخت تصمیمگیری بر روی هر زیرمجموعه آموزش داده میشود. هر درخت به طور مستقل یک پیشبینی انجام میدهد و پیشبینی نهایی با رأی اکثریت بین تمامی درختان انجام میشود. این روش مؤثر است زیرا درختان را با آموزش آنها بر روی نمونهها و زیرمجموعههای ویژگیهای مختلف، از هم جدا میکند. تجمیع پیشبینیها از چندین درخت به طور کلی به عملکرد بهتری نسبت به هر درخت منفرد منجر میشود.

هر دو روش AdaBoost و RandomForest عملکرد درخت تصمیم گیری را بهبود می بخشند. در حالی که AdaBoost بر بهبود متوالی و تنظیم وزنها تمرکز دارد، RandomForest مجموعهای متنوع از درختان را می سازد و نتایج آنها را میانگین می گیرد. این دو تکنیک می توانند مدلی بهتر ایجاد کنند. [۱] حال با استفاده از کد زیر یک مدل RandomForest را آموزش می دهیم.

```
# Define the parameter grid for the Random Forest
param_grid_rf = {
    'n_estimators': [100, 200, 300],
    'max_features': ['auto', 'sqrt'],
    'max_depth': [4, 6, 8, None],
    'min_samples_split': [2, 5, 10],
    'min_samples_leaf': [1, 2, 4],
    'bootstrap': [True, False]
}
```

سىدە حدىنى سىدە حدىنى سىدە محمد حسىنى



Initialize the Random Forest classifier

rf_clf = RandomForestClassifier(random_state=53)

Initialize GridSearchCV

grid_search_rf = GridSearchCV(estimator=rf_clf, param_grid=param_grid_rf, cv=5, n_jobs=1-,)

Fit GridSearchCV

grid_search_rf.fit(X_train, y_train)

نتایج بدست آمده از مدل فوق به شرح زیر میباشد که تمام متریکها برابر ۱ شدهاند و از روی ماتریس درهمریختگی شکل ۲۴ مشخص است که تمام نمونهها به درستی تشخیص داده شدهاند.

training metrics:

Classification Report:

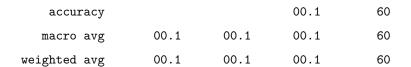
	precision	recall	f1-score	support
drugA	00.1	00.1	00.1	17
drugB	00.1	00.1	00.1	11
drugC	00.1	00.1	00.1	11
drugX	00.1	00.1	00.1	38
drugY	00.1	00.1	00.1	63
accuracy			00.1	140
macro avg	00.1	00.1	00.1	140
weighted avg	00.1	00.1	00.1	140

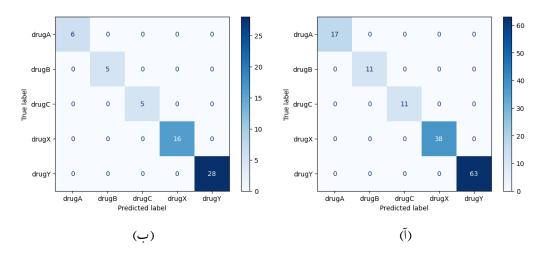
test metrics:

Classification Report:

	precision	recall	f1-score	support
drugA	00.1	00.1	00.1	6
drugB	00.1	00.1	00.1	5
drugC	00.1	00.1	00.1	5
drugX	00.1	00.1	00.1	16
drugY	00.1	00.1	00.1	28







شکل Matrix Confusion :۲۴

مراجع

GeeksforGeeks adaboost and forest random between Differences GeeksforGeeks. [١]

gradi- adaboost: forest: Random learning: ensemble Basic Science. Data Towards [7] Accessed: . ۲ • ۲ • . Science Data Towards explained: step by step — boosting ent . ۲ • - • ۵ – ۲ • ۲ •

Ac- n.d. Functions, Activation Cheatsheet: Learning Machine Yuan. Avinash [*]