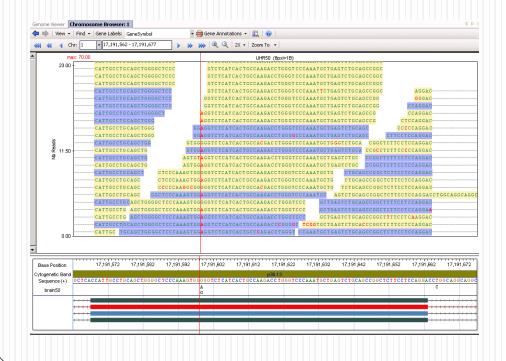
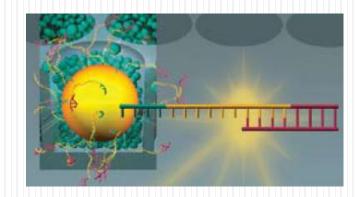


# 次世代シークエンサー (Genome Analyzer IIx)

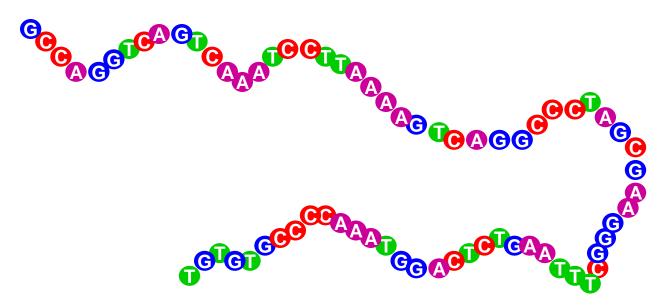




実験教育支援センター 長谷純崇

# 遺伝子は生物の設計図である

4種類の塩基(A,C,G,T)の並びによって決まる(ヒトは30億塩基)



塩基配列の決定→生命科学研究に必要不可欠

### 従来型キャピラリーシークエンサー

#### サンガー法

XXXGTCTGAAACATGATT

XXXG

XXXGT

**XXXGTC** 

XXXGTCT

**XXXGTCTG** 

**XXXGTCTGA** 

XXXGTCTGAA

XXXGTCTGAAA

XXXGTCTGAAA**C** 

XXXGTCTGAAACA

XXXGTCTGAAACAT

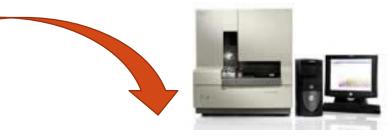
**XXXGTCTGAAACATG** 

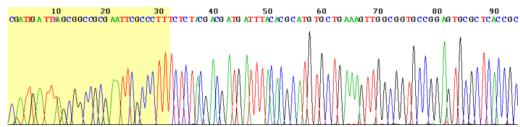
XXXGTCTGAAACATGA

XXXGTCTGAAACATGAT

XXXGTCTGAAACATGATT

キャピラリーシークエンサー





- 1)目的配列の獲得
- 2) シークエンサーによる解析 ↓

大量にデータを得るには、 時間とコストが必要 ひと昔前(といっても数年前)の 遺伝子センター



ヒト遺伝子の解読には、10年以上の研究期間と莫大な予算が必要であった

# 2007年シークエンス革命起こる次世代シークエンサーの登場



Genome Analyzer II



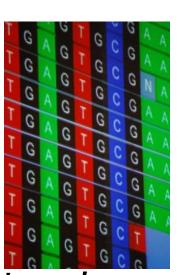
Diagnostics

Genome Sequencer FLX



## 次世代シークエンサーの特徴

- 大量のデータが得られる
- 1塩基あたりのコストが安い
- 1台で遺伝子センターに相当
- ・研究の圧倒的な加速
- 今までコスト的・時間的に不可能であった研究が実現可能に





# Genome AnalyzerIIxの特徴

### 他の次世代シークエンサーと比較して

- 1)解析数が非常に多い(3億本)
- 2)決定長はまずまず(100塩基)
- 3)1ランのコストが安い(150万円)
- 4)サンプル調製が容易
- 5) 最も実績があり作動が安定している





## 科学誌から一般紙まで 次世代シークエンサーを特集





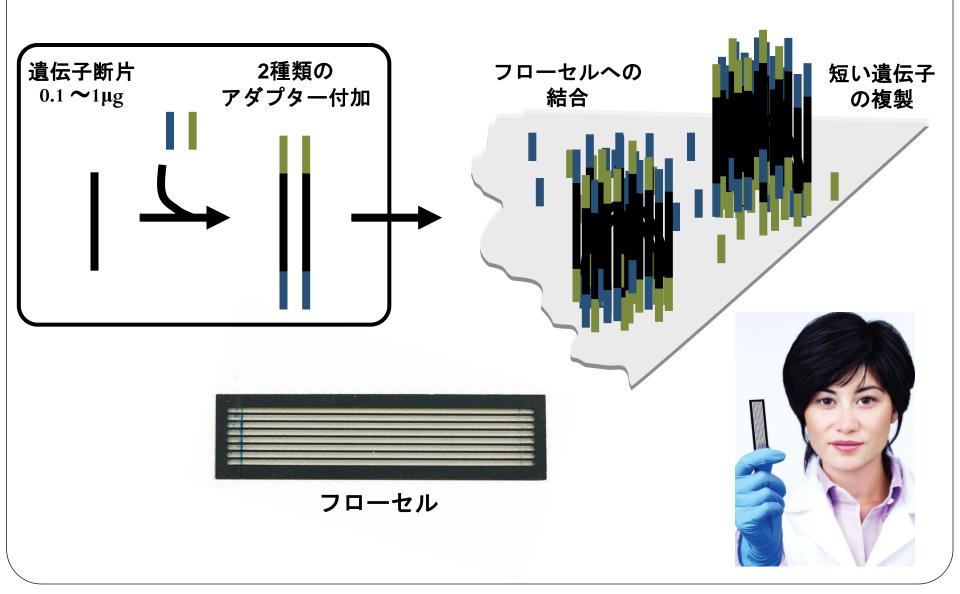
朝日新聞 パンダ遺伝子

#### 2008-11-06

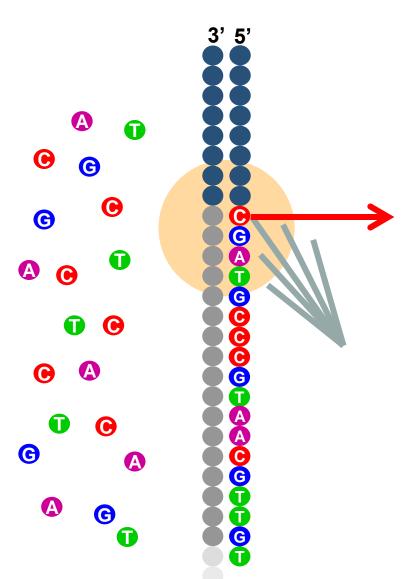
#### 「中国人の個人遺伝子を解読、Illuminaのシーケンサーで」

中国北京遺伝子研究所、北京大学などの研究チームは、匿名の漢民族男性の個人遺伝子(YH遺伝子)をリ シーケンスし、既存の遺伝子・SNPデータベースと比較した結果を、2008年11月6日にNature誌に発表した。 Illumina社の高速シーケンサー「Genome Analyzer」を用いた個人遺伝子の解読は世界初。

# サンプル調製



## 次世代シークエンサーの原理



#### Cycle 1

- シーケンス試薬の添加
- 1塩基伸長反応
- 未反応塩基の除去
- 蛍光シグナルの取り込み
- 保護基と蛍光の除去

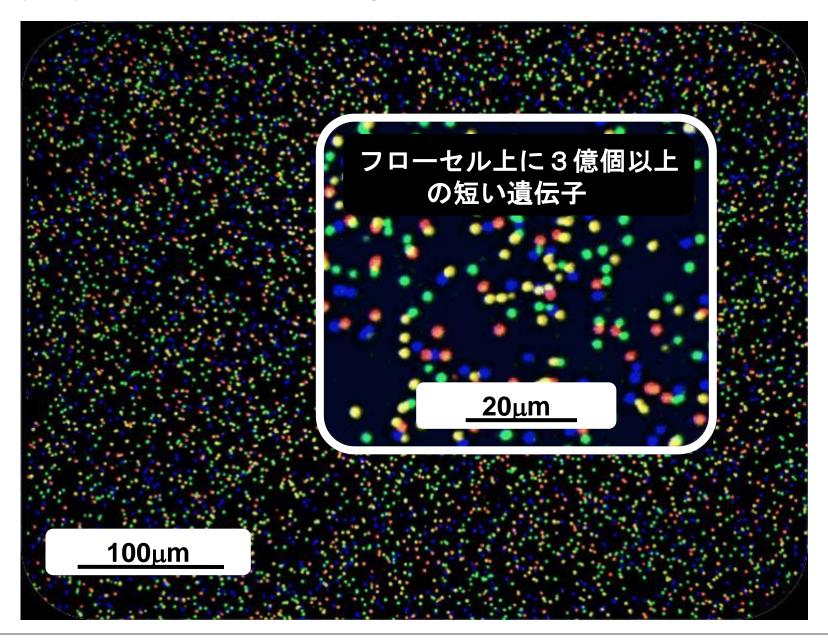
#### Cycle 2

◎ 上記反応の繰り返し

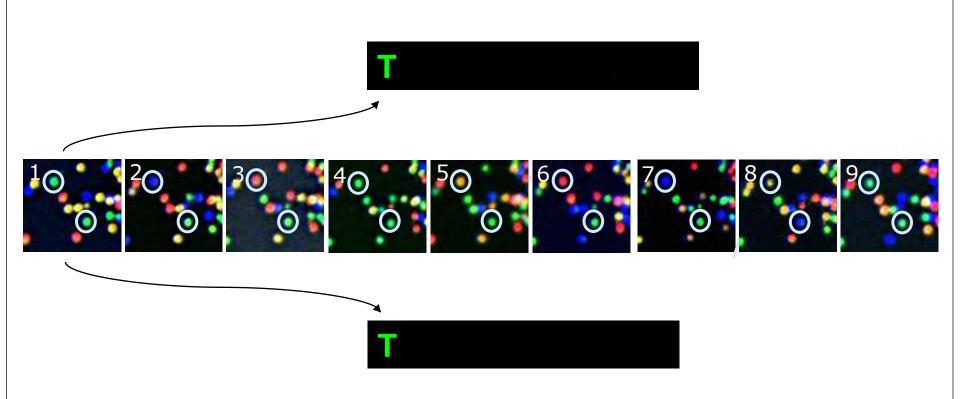
Cycle 3, 4, 5.....

● 上記反応の繰り返し

# 画像イメージの取り込み



### 画像蛍光シグナルから塩基への変換



1塩基伸長反応ごとに蛍光イメージを撮影

→ 蛍光の色から各塩基を決定

# まとめ

• 従来型キャピラリーシークエンサー

メリット:1回のコストが安い、簡便である

デメリット:決定できる遺伝子領域が短い

次世代シークエンサー(Genome Analyzer IIx)

メリット:決定できる遺伝子領域が長い

デメリット:1回のコストが高い、複雑で難しい