[MBI.A] Asembler DNA, sparowane końce dokumentacja wstępna

Michał Aniserowicz, Jakub Turek

Opis problemu

Zadanie polega na implementacji aplikacji, która umożliwia tworzenie scaffoldów na podstawie dostarczonych zbiorów contigów oraz sekwencji PET.

<insert drawing in here>

Założenia

W ogólnym przypadku rekonstrukcja sekwencji contigów nie jest możliwa. Z tego względu, na potrzeby projektu przyjęto następujące założenia:

- Początki i końce łańcuchów PET to sekwencje unikalne. Wystąpienie takiej sekwencji w jednym z *contigów* oznacza, że jest to odpowiednio początek lub koniec sekwencji PET.
- Badane są wyłącznie takie permutacje contigów, dla których wystąpienie początku sekwencji PET implikuje przynajmniej częściowe wystąpienie jej końca w dalszej części łańcucha. Innymi słowy początek lub koniec sekwencji PET nie może w całości wystąpić w przerwie (gap) scaffoldu.
 - Wyjątkiem od tej reguły jest początek i koniec sekwencji, gdzie mogą występować, odpowiednio, niesparowane końce lub początki sekwencji PET.
- Sekwencje należące do różnych par sparowanych końców mogą częściowo zachodzić na siebie.

Algorytm

Do rozwiązania zadania użyty zostanie algorytm typu brute-force działający według następującego schematu:

- 1. Wybierana jest początkowa permutacja contigów.
- 2. Dla danej permutacji obliczany jest ranking R:
 - Ranking R określa, dla danej kombinacji contigów, maksymalną ilość pokrywających się zasad dla zbioru dopasowań sekwencji PET do łańcucha.

- 3. Sprawdzane jest czy wartość R jest większa niż dotychczas uzyskana maksymalna wartość rankingu. Jeżeli tak, rozwiązanie zachowywane jest jako najlepsze.
- 4. Algorytm jest powtarzany dla każdej unikalnej permutacji contigów.

Sekwencja *contigów* dobierana będzie w sposób losowy. Jako zadanie dodatkowe może zostać przygotowana heurystyczna strategia doboru permutacji.

Implementacja

Projekt zostanie zaimplementowany w języku C#1. <insert technology description here> Aplikacja będzie posiadała interfejs okienkowy umożliwiający odczyt danych wejściowych z/zapis danych wyjściowych do pliku. Dan

 $^{^1{\}rm W}$ przypadku, gdy będzie to rzutowało na obniżoną ocenę (brak przenośności) projekt zostanie wykonany w technologii Java.