Documenter avec Roxygen

La documentation roxygen a deux fonctions :

- 1. Elle vous aide à structurer la documentation de vos fonctions et de vos jeux de donneés
- 2. Elle permet de générer automatiquement les différents supports de documentation fournis avec les packages R

Générer les fichiers Rd

- Les fichiers Rd sont dans un format simple dérivé de Latex
- ► Lorsque vous utilisez ?X, help("x") ou example ("x") R recherche un fichier Rd contenant \alias {x}. II analyse ensuite le fichier, le convertit en html et l'affiche.
- ▶ Ils font partie de la documentation des packages R

- R
- functions.r
- ▶ DESCRIPTION
- tests
 - testthat
 - test-exemple.r
 - testthat.R
- man
 - add.Rd
- vignettes
 - formationR.Rnw
- data
- NAMESPACE

Le processus Roxygen

Ce processus se décompose en trois étapes:

- 1. Ajouter des commentaires suivant la syntaxe roxygen aux fichiers source.
- 2. roxygen2::roxygenise() convertit les commentaires roxygen en fichiers .Rd.
- 3. R convertit les fichiers . Rd en documentaion lisible par chacune et chacun.

NB : Les commentaires roxygen commencent par #', et les autres commentaires continuent à être valides.

Un exemple

```
#' Add together two numbers
# 1
#' @param x A number
#' @param y A number
#' Oreturn The sum of \code{x} and \code{y}
#' @examples
\#' add(1, 1)
#' add(10, 1)
add <- function(x, y) {
  x + y
```

Eléments de base

- ► Les commentaires de Roxygen commencent par # ' et incluent des tags de type @tag return.
- ► Les balises (tags) séparent la documentation en morceaux et le contenu d'une balise s'étend de la fin du nom de balise au début de la balise suivante (ou à la fin du bloc).
- ▶ Parce que @ a une signification spéciale dans roxygen, vous devez écrire @@ pour ajouter un vrai @

Eléments de base

- Chaque bloc de documentation commence par un texte.
 La première phrase devient le titre de la documentation.
 (voir help())
 - ▶ Il doit tenir sur une ligne, être écrit dans le cas de la phrase, et terminer en un arrêt complet.
- Le deuxième paragraphe contient la description abrégée
- Le troisième paragraphe contient la description détaillée (optionnelle)
- ▶ NB : \ Code {} et \ link {} sont des commandes de formatage .Rd
- \blacktriangleright NB2 : vos commentaires doivent faire moins de ~ 80 colonnes de large.

On peut aussi, pour ces trois composantes, utiliser des tags explicites :

```
#' @title Sum of vector elements.
# 1
#' @description
#' \code{sum} returns the sum of all the values prese
# 1
#' @details
#' This is a generic function: methods can be defined
#' or via the \code{\link{Summary}} group generic. Fo
#' the arguments \code{...} should be unnamed, and di
#' first argument.
sum <- function(..., na.rm = TRUE) {}</pre>
```

Améliorer la navigation

- ▶ @ Seealso vous permet de pointer vers d'autres ressources utiles, par soit sur le web\ url {http://www.r-project.org}, soit vers d'autres éléments du code avec '\code{\link{functioname}
- Pour une famille de fonctions associées : @family <family> pour ajouter automatiquement les listes et interconnexions appropriées à la section @ seealso.

```
#' @family aggregate functions
#' @seealso \code{\link{prod}} for products,
#' \code{\link{cumsum}} for cumulative sums,
#' and \code{\link{colSums}}/\code{\link{rowSums}}
#' marginal sums over high-dimensional arrays.
```

Documenter une fonction

- Oparam name description. Tous les paramètres doivent être documentés! Deux par deux, ça marche aussi : Oparam x,y Numeric vectors.
- @examples . NB : dans le cas de packages, cette section est executée automatiquement (voir R CMD check).
- Oreturn description Décrit la sortie de la fonction.

Autres objets à documenter :

- Jeux de données
- ► Classes S3, S4

Plus d'infos sur: https://cran.r-project.org/web/packages/roxygen2/vignettes/roxygen2.html

Des questions?