

Discussió final: què he après?

Les pràctiques amb R, que era el programa més nou per a mi perquè el vaig utilitzar una mica a matemàtiques de primer, són les que m'han resultat més interessants. M'ha semblat molt útil aprendre a fer gràfics i representacions estètiques, i que a la vegada mostrin la informació correctament.

En la meua carrera com a genetista, si no em centro en la bioinformàtica, no sé si algun dia hauré de fer un GWAS o un anàlisi de transcriptòmica, però si fos el cas, crec que he obtingut eines bàsiques per poder fer-ho i el que és més important, tinc una millor perspectiva del que vol dir fer aquests tipus d'anàlisis i quins filtres s'apliquen per seleccionar la informació que busquem. Abans entenia el concepte del resultat final però no sabia com i què s'havia de fer per fer un GWAS, per exemple. Sovint passa que la teoria d'una cosa pràctica no s'explica amb suficient detall i després no saps ni per on començar, per això he trobat original que la teoria s'expliqués durant l'aplicació pràctica, resulta més fàcil de comprendre.

M'agradaria afegir una crítica constructiva sobre les últimes dues pràctiques; en aquestes s'han d'executar diferents codis i a la vegada has d'anar llegint per assimilar el que fas, a més després d'haver fet l'exemple de pràctica, s'ha de fer l'article i això porta un temps. Des del meu punt de vista, crec que seria més eficient i productiu per als alumnes fer un major nombre de pràctiques però més curtes (2h en comptes de 3h). De tal manera que puguis processar millor el nou contingut sense saturar-te, i no anar executant sense saber, perquè sinó no dona temps, a més de deixar un temps de treball individual entre una mateixa pràctica. També vull afegir que potser seria més adequat començar l'assignatura abans, quan encara no tenim treballs de les demés assignatures, i podríem dedicar més temps a les taques proposades. Com a autocrítica, penso que hauria interioritzat més els procediments si hagués pogut dedicar més temps al treball individual. Tot i això, he entès el que he fet i estic contenta amb el contingut donat.

Quant a les conferències, crec que han estat molt variades i per a tots els gustos. Pel que fa al meu interès, he agraït els *workshops*, més de "consells per al futur" de la Rosana i l'Edgar, però la conferència que m'ha agradat més ha estat la de "*The evolution of somatic tissues through the lens of somatic mutations in cancer*", ja que va tenir una part molt explicativa sobre les mutacions-signatura dels càncers i després es va parlar de com la bioinformàtica podia ajudar a identificar-les. La considero la més atractiva perquè barrejava biologia i informàtica, com també la de la Claudia Arnedo sobre com analitzar el genoma del càncer. La xerrada que menys em va agradar va ser la de "High Performance Computing Challenges for Bioinformatics" del Miquel Moretó, que penso que estava més dirigida al màster de bioinformàtica. De manera global, he gaudit i après de les ponències, així que, per a mi, resulta un apartat positiu de l'assignatura.

En conclusió i de forma sintetitzada, aquesta assignatura ha complert amb les meves expectatives, he adquirit coneixement implementable, que penso que em pot ser d'utilitat fora de la universitat i, és profitós saber que existeixen aquestes eines i que les sé utilitzar encara que sigui de forma "bàsica".