

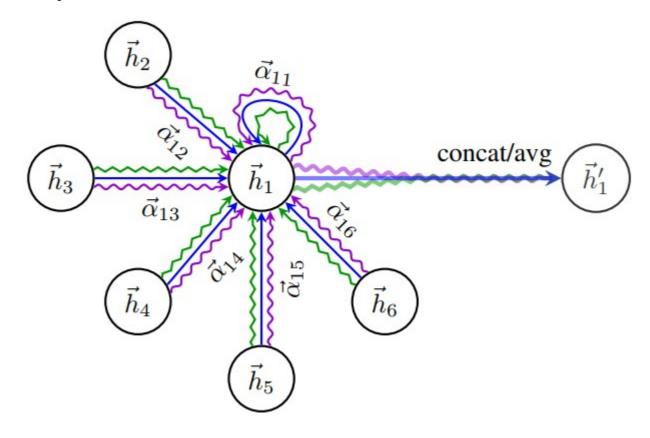
IIC-3641 Aprendizaje Automático basado en Grafos

https://github.com/marcelomendoza/IIC3641

- RECAPITULACIÓN -

Graph Attention Networks

En la AF6 hicimos clasificación de nodos usando las redes GAT sobre CiteSeer. El modelo usa Multihead Attention y evaluamos ele efecto de la cantidad de heads en la tarea:



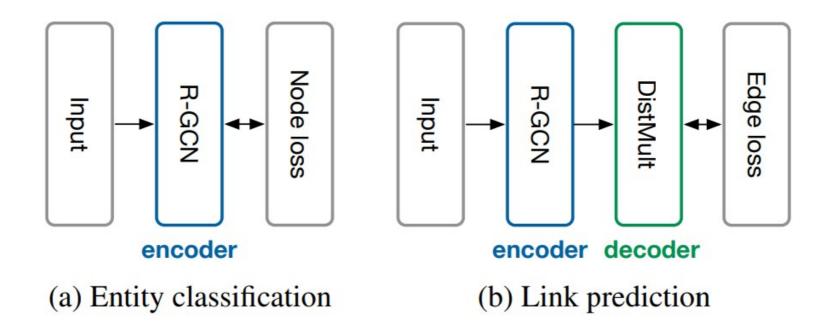
Concluimos que no necesariamente más heads implican mejos desempeño. La solución daba algo entre 4 y 9 cabezales.

Relational GCN

En la AF6 también entrenamos una R-GCN. Nos dimos cuenta que el costo computacional era un tema, y que los datasets pueden ocupar muchos recursos computacionales.

En específico, usamos la R-GCN sobre un grafo multi-relacional. Algo interesante que vimos es que el grafo en realidad se homogeniza, es decir, no se trabaja de forma nativa como heterogéneo. Los atributos de los enlaces permiten representar distintos tipos de relaciones, lo cual aparece como un parámetro del modelo.

La R-GCN puede verse como un encoder, y ser usada a nivel de nodos o enlaces.





Schlichtkrull, M., Kipf, T. N., Bloem, P., van den Berg, R., Titov, I., & Welling, M. (2018). Modeling relational data with graph convolutional networks. European Semantic Web Conference (pp. 593-607).

- GRAPH TRANSFORMER -

El graph transformer es una extensión del transformer original, diseñado para NLP, el cual incluye cuatro variaciones que lo hacen aplicable a grafos:

- 1. El mecanismo de atención es una función de la conectividad del vecindario de cada nodo.
- 2. Los positional encodings se representan en base a los vectores propios del Laplaciano del grafo.
- 3. La capa de normalización se reemplaza por una capa batch normalization, lo que premite que el entrenamiento sea más eficiente.
- 4. La arquitectura se extiende para manejar explícitamente representación de enlaces, a diferencia de las R-GCN que no operan de forma nativa con enlaces.

Un argumento interesante en la formulación del graph transformer está en que al usar el mecanismo de atención a nivel de vecindario, se hace un mejor uso del **sparseness**, lo que representa un **bias inductivo** útil para aprendizaje en datasets de grafos. La información global quedará representada a nivel de los positional encodings.



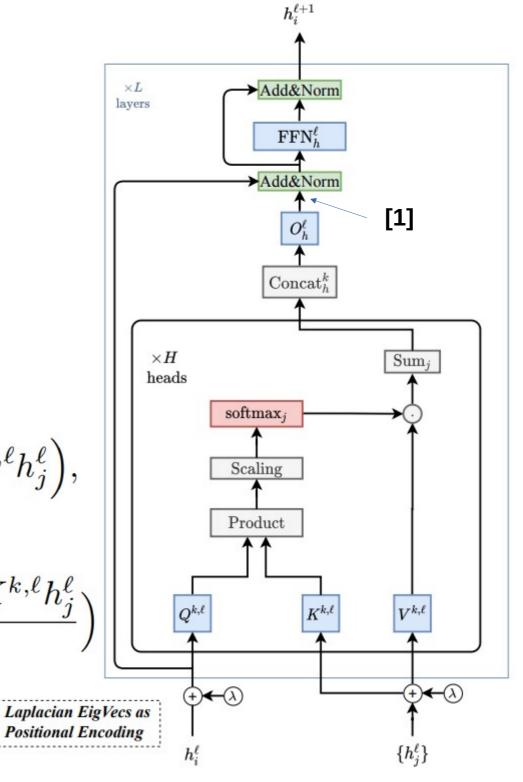
El graph transformer se propone sobre la base de dos variaciones una que sólo opera a nivel de representaciones de nodos, y otra que incluye representaciones para los enlaces.

Veamos primero el graph transformer para nodos. Observamos que esto es parecido al truco que se usa en T5. En este caso, la cross-attention se usa para relacionar el nodo *i* con el vecindario:

[1]
$$\hat{h}_i^{\ell+1} = O_h^\ell \prod_{k=1}^H \Big(\sum_{j \in \mathcal{N}_i} w_{ij}^{k,\ell} V^{k,\ell} h_j^\ell\Big),$$

donde,

$$w_{ij}^{k,\ell} = \operatorname{softmax}_{j} \left(\frac{Q^{k,\ell} h_{i}^{\ell} \cdot K^{k,\ell} h_{j}^{\ell}}{\sqrt{d_{k}}} \right)$$



Veamos la inicialización y el dimensionamiento de la red.

Inicialización: en base a datos del grafo.

Notación:

Características de los nodos:
$$~lpha_i \in \mathbb{R}^{d_n imes 1}$$

Laplacian positional encodings:
$$\lambda_i^0 = C^0 \lambda_i + c^0$$
 $c^0 \in \mathbb{R}^d$

$$C^0 \in \mathbb{R}^{d imes k}$$
 Vector propio de L precomputado de dimensionalidad k

La dimensionalidad d se va a mantener en la capa de atención, pero los vectores V, Q y K tendrán una dimensionalidad más baja, denominada dimensionalidad del cabezal (d_k):

$$Q^{k,\ell}, K^{k,\ell}, V^{k,\ell} \in \mathbb{R}^{d_k \times d}$$

El graph transformer también usa conexiones residuales:

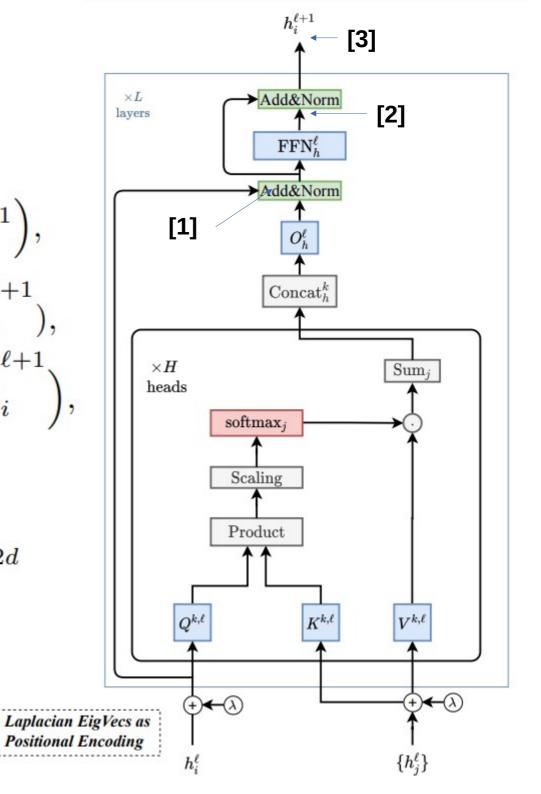
$$\label{eq:norm_lambda} \textbf{[1]} \quad \hat{\hat{h}}_i^{\ell+1} \quad = \quad \text{Norm} \Big(h_i^\ell + \hat{h}_i^{\ell+1} \Big),$$

$$\label{eq:highest_loss} \begin{tabular}{lll} & \hat{\hat{h}}_i & = & W_2^\ell {\rm ReLU}(W_1^\ell \hat{\hat{h}}_i^{\ell+1}), \\ & & \\ \end{tabular}$$

[3]
$$h_i^{\ell+1} = \operatorname{Norm}\left(\hat{\hat{h}}_i^{\ell+1} + \hat{\hat{h}}_i^{\ell+1}\right),$$

donde,

$$W_1^{\ell}, \in \mathbb{R}^{2d \times d}, W_2^{\ell}, \in \mathbb{R}^{d \times 2d}$$



Revisemos ahora el graph transformer que incluye representaciones para los enlaces. La parte de los nodos es parecida:

$$\hat{h}_i^{\ell+1} = O_h^{\ell} \prod_{k=1}^H \left(\sum_{j \in \mathcal{N}_i} w_{ij}^{k,\ell} V^{k,\ell} h_j^{\ell} \right),$$

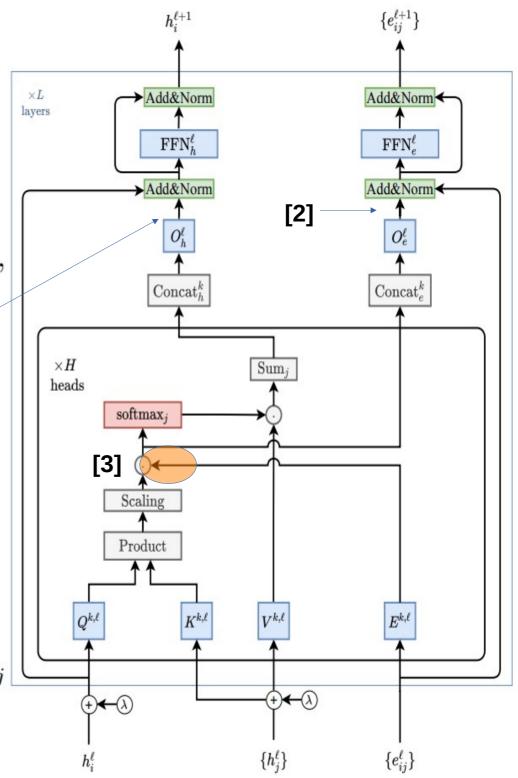
Pero tenemos algo nuevo para trabajar con los enlaces:

[2]
$$\hat{e}_{ij}^{\ell+1} = O_e^{\ell} \prod_{k=1}^{H} (\hat{w}_{ij}^{k,\ell}),$$

Es decir, los enlaces tocan como se calculan los coeficientes de atención:

$$\hat{w}_{ij}^{k,\ell} = \left(\frac{Q^{k,\ell}h_i^{\ell} \cdot K^{k,\ell}h_j^{\ell}}{\sqrt{d_k}}\right) \cdot E^{k,\ell}e_{ij}^{\ell}$$

[3]



Veamos en más detalle el cálculo de los coeficientes de atención:

$$\hat{w}_{ij}^{k,\ell} = \left(\frac{Q^{k,\ell}h_i^{\ell} \cdot K^{k,\ell}h_j^{\ell}}{\sqrt{d_k}}\right) \cdot E^{k,\ell}e_{ij}^{\ell}$$

donde, $Q^{k,\ell}, K^{k,\ell}, V^{k,\ell}, E^{k,\ell} \in \mathbb{R}^{d_k \times d}$. Vemos que el graph transformer agrega una matriz de parametros mas al mecanismo de atención para poder trabajar con enlaces.

El resto de la red se maneja, igual, con conexiones residuales, pero ahora a nivel de nodos y enlaces:

El graph transformer está formulado para operar como encoder, es decir, no está entrenado de manera autoregresiva para generar por ejemplo grafos de forma generativa.

Al usar el graph transformer encoder, podemos extraer sus embeddings para downstream tasks. En general, es mejor como encoder que las GCN y las GAT.

El paper muestra al Graph Transformer en dos tareas: regresión de grafos y clasificación de nodos. Regresión de grafos es una tarea que consiste en usar un scorer a nivel de grafos. Esto es parecido a lo qu hacíamos con link prediction usando TransE o DistMult. Lo que hacen en esta tarea es hacer algo que se denomina **graph readout**, esto es, hacer agregación, en este caso a nivel de nodos, para hacer scoring de grafos sobre las C clases del problema. El graph readout es:

$$y_{\mathcal{G}} = \frac{1}{\mathcal{V}} \sum_{i=0}^{\mathcal{V}} h_i^L$$

Esto nos da un embedding de un grafo y nos permite hacer regresión de grafos:

$$y_{\text{pred}} = P \ \text{ReLU} \left(Q \ y_{\mathcal{G}} \right)$$

$$P \in \mathbb{R}^{d \times C}, Q \in \mathbb{R}^{d \times d}$$

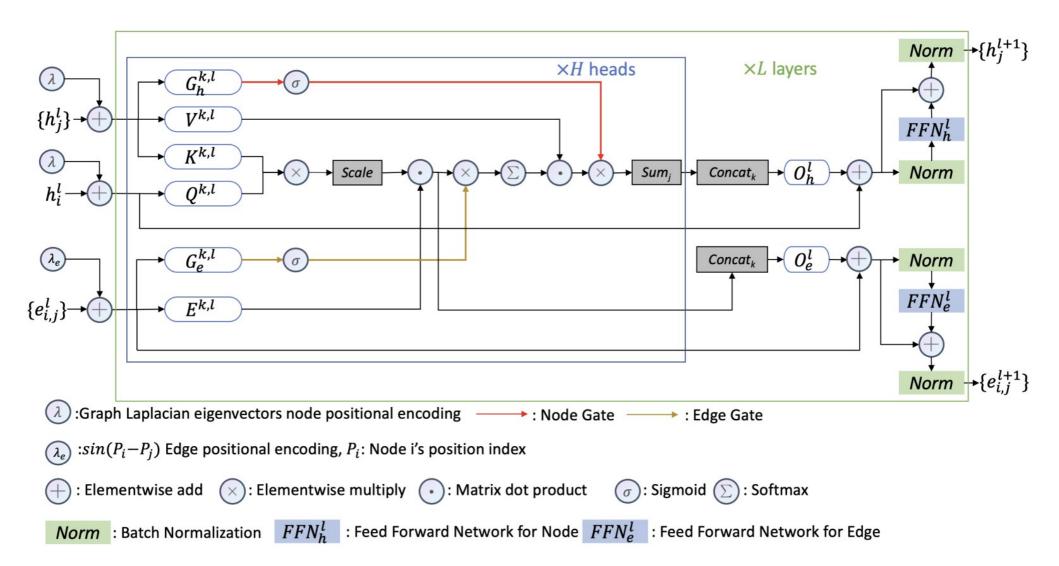
donde,
$$P \in \mathbb{R}^{d \times C}, Q \in \mathbb{R}^{d \times d}$$

Ver experimentos en la referencia:



Gated Graph Transformer

El gated graph transformer es una extensión del GT que incluye parámetros G los cuales se usan a la salida de los cálculos de coeficientes de atención.



- APLICACIÓN EL DESCUBRIMIENTO CIE	NTÍFICO -

Article | Published: 20 December 2023

Discovery of a structural class of antibiotics with explainable deep learning

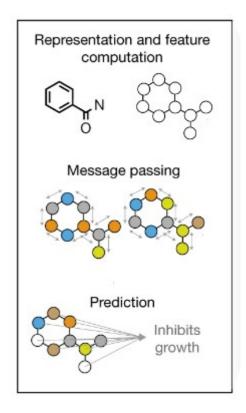


Felix Wong, Erica J. Zheng, Jacqueline A. Valeri, Nina M. Donghia, Melis N. Anahtar, Satotaka Omori, Alicia Li, Andres Cubillos-Ruiz, Aarti Krishnan, Wengong Jin, Abigail L. Manson, Jens Friedrichs, Ralf Helbig, Behnoush Hajian, Dawid K. Fiejtek, Florence F. Wagner, Holly H. Soutter, Ashlee M. Earl, Jonathan M. Stokes, Lars D. Renner & James J. Collins

✓

Nature 626, 177–185 (2024) | Cite this article

58k Accesses | 61 Citations | 1909 Altmetric | Metrics



La idea es explorar la síntesis de nuevas moléculas, las cuales pueden tener efectos beneficiosos.

- La representación de la molécula incluye los átomos que la componen (nodos) y los bonds (enlaces).
- Cada átomo y enlace tienen propiedades pero lo interesante ocurre al hacer el readout de la molécula, la cual se relaciona con un efecto.

En la AF7 vamos a usar un benchmark que opera sobre las siguientes propiedades:

- Absorción.
- Distribución.
- Metabolismo.
- Excreción.
- Toxicidad.

Las moléculas vienen en el dataset en un formato conocido como SMILES:

Átomos:

Se representan por sus símbolos elementales (H, C, O, N, etc.). Si un átomo tiene una carga o estado de oxidación específico, se escribe entre corchetes.

Enlaces:

- Enlaces simples: No necesitan ser especificados, ya que se asume que todos los enlaces entre átomos son simples si no se dice lo contrario.
- Enlaces dobles: Se representan con =.
- Enlaces triples: Se representan con #.
- Enlaces aromáticos: Se indican usando letras minúsculas.

Ramas: Las ramas de una cadena principal se encierran entre paréntesis (). Ejemplo: CC(O)C para el propanol.

Anillos: Los átomos que forman parte de anillos se indican mediante números, que indican el inicio y el final del anillo. Ejemplo: C1CCCC1 representa el ciclohexano.

Ejemplo de molécula en formato SMILES:

$$\begin{array}{c} & & & \\ & &$$

Ver esta referencia: medium

Para extraer características de la molécula se usa un extractor denomina RDKit. Luego, se mezclan tanto las características como la estructura para hacer regresión sobre un efecto ADMET:

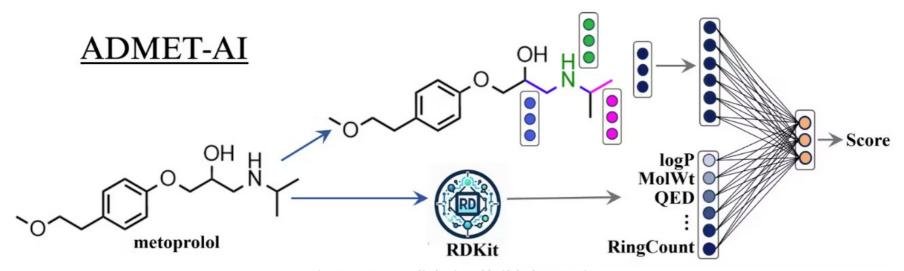


Figure 1. ADMET-AI uses machine learning models with the Chemprop-RDKit architecture. Chemprop-RDKit employs both a graph neural network (top) and 200 physicochemical properties computed by RDKit (bottom), which are combined by a feed-forward neural network (right) to predict the properties of a molecule.

El benchmark ADMET viene separado por efectos y tiene distintos dataset de moléculas para cada tarea.

TDC		Current Top 1	
Task	Metric	Method	Score
Absorption			
Caco2	MAE	RDKit2D + MLP	0.393 ± 0.024
HIA A	UROC	AttrMasking	0.978 ± 0.006
Pgp A	UROC	AttrMasking	0.929 ± 0.006
Bioav A	UROC	RDKit2D + MLP	0.672 ± 0.021
Lipo	MAE	ContextPred	0.535 ± 0.012
AqSol	MAE	AttentiveFP	0.776 ± 0.008
Distribution			
BBB A	UROC	ContextPred	0.897 ± 0.004
PPBR	MAE	NeuralFP	9.292 ± 0.384
VDss Sp	earman	RDKit2D + MLP	0.561 ± 0.025
Metabolism			
CYP2C9 Inhibition A	UPRC	AttentiveFP	0.749 ± 0.004
CYP2D6 Inhibition A	UPRC	AttentiveFP	0.646 ± 0.014
CYP3A4 Inhibition A	UPRC	AttentiveFP	0.851 ± 0.006
CYP2C9 Substrate A	UPRC	Morgan + MLP	0.380 ± 0.015
CYP2D6 Substrate A	UPRC	RDKit2D + MLP	0.677 ± 0.047
CYP3A4 Substrate A	UPRC	CNN	0.662 ± 0.031
Excretion			
Half Life Sp	earman	Morgan + MLP	0.329 ± 0.083
CL-Hepa Sp	earman	ContextPred	0.439 ± 0.026
CL-Micro Sp	earman	RDKit2D + MLP	0.586 ± 0.014
Toxicity			
LD50	MAE	Morgan + MLP	0.649 ± 0.019
hERG A	UROC	RDKit2D + MLP	0.841 ± 0.020
Ames A	UROC	AttrMasking	0.842 ± 0.008
DILI A	UROC	AttrMasking	0.919 ± 0.008