

BLAST ®

# Basic Local Alignment Search Tool

My NCBI

[\[Sign In\]](#) [\[Register\]](#)

[Jump to Page Content](#)

- [Home](#)
- [Recent Results](#)
- [Saved Strategies](#)
- [Help](#)

[NCBI](#) / [BLAST](#) / [blastn suite](#) / **Formatting Results – 0V3KWBT601R**

- 
- 

[Edit and Resubmit](#) [Save Search Strategies](#) [Sign in above to save your search strategy] [Formatting options](#)  
[Download](#) [How to read this page](#) [Blast report description](#)

Formatting options

Alignment as                      Old View Reset form to defaults [\[?\]](#)

Show                      These options control formatting of alignments in results pages. The default is HTML, but other formats (including plain text) are available. PSSM and PssmWithParameters are representations of Position Specific Scoring Matrices and are only available for PSI-BLAST. The Advanced view option allows the database descriptions to be sorted by various indices in a table. [more...](#)

[\[?\]](#)

Alignment View                      Choose how to view alignments. The default "pairwise" view shows how each subject sequence aligns individually to the query sequence. The "query-anchored" view shows how all subject sequences align to the query sequence. For each view type, you can choose to show "identities" (matching residues) as letters or dots. [more...](#)

Graphical Overview      Linkout      Sequence Retrieval      NCBI-gi      CDS feature [\[?\]](#)

Display                      

- Graphical Overview: Graphical Overview: Show graph of similar sequence regions aligned to query. [more...](#)
- Database LinkOuts: Show links from matching sequences to entries in specialized NCBI databases. [more...](#)
- Sequence Retrieval: Show buttons to download matching sequences. [more...](#)
- NCBI-gi: Show NCBI gi identifiers. [more...](#)
- CDS feature: Show annotated coding region and translation. [more...](#)

Character:                      Color:                      [\[?\]](#)

Masking                      

- Masking Character: Display masked (filtered) sequence regions as lower-case or as specific letters (N for nucleotide, P for protein).
- Masking Color: Display masked sequence regions in the given color.

Descriptions:                      Graphical overview:                      Alignments:                      Line length:                      [\[?\]](#)

- Limit results
- Descriptions: Show short descriptions for up to the given number of sequences.
  - Alignments: Show alignments for up to the given number of sequences, in order of statistical significance.
  - Line length: ....

Organism Type common name, binomial, taxid, or group name. Only 20 top taxa will be shown.  

Exclude

[\[?\]](#)

Show only sequences from the given organism.

Entrez query: [\[?\]](#)

Show only those sequences that match the given Entrez query. [more...](#)

Expect Min:                      Expect Max:                      [\[?\]](#)

Show only sequences with expect values in the given range. [more...](#)

Percent Identity Min:                      Percent Identity Max:                      [\[?\]](#)

Show only sequences with percent identity values in the given range.

PSI-BLAST with inclusion threshold:                      [\[?\]](#)

- Format for
- Format for PSI-BLAST: The Position-Specific Iterated BLAST (PSI-BLAST) program performs iterative searches with a protein query, in which sequences found in one round of search are used to build a custom score model for the next round. [more...](#)
  - Inclusion Threshold: This sets the statistical significance threshold for including a sequence in the model used by PSI-BLAST to create the PSSM on the next iteration.

Download		
Alignment	Search Strategies	PssmWithParameters <a href="#">[?]</a>
<a href="#">Text</a> <a href="#">XML</a> <a href="#">ASN.1</a> <a href="#">JSON</a> <a href="#">Seq-align</a> <a href="#">Hit Table(text)</a> <a href="#">Hit Table(csv)</a> <a href="#">XML2</a>	<a href="#">ASN.1</a>	<a href="#">ASN.1</a> <a href="#">1</a>

The Download link provides BLAST output that may be used as input to another program. This includes parseable formats such as the tabular report or XML as well as the Search Strategy files read by the BLAST+ applications. More details on the parseable (XML, tabular, and ASN.1) reports can be found at <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK21097/>

- The following formats are offered under the Alignment section:
- 1). "Text". Non-HTML standard BLAST report.
  - 2). "XML". XML report based upon the DTD at [http://www.ncbi.nlm.nih.gov/data\\_specs/dtd/NCBI\\_BlastOutput.dtd](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/data_specs/dtd/NCBI_BlastOutput.dtd)
  - 3). "ASN.1" Alignment. This is the alignment written out in Abstract Syntax Notation 1.
  - 4). "Hit Table(text)". The tabular report as text.
  - 5). "Hit Table(csv)". The tabular report ready for import into spread-sheet programs like Excel.

The following report is offered under the Search Strategy section:

- 1). "ASN.1" Search Strategy. A record of the parameters, query, and database used in the search. This file can be used to start a stand-alone BLAST search, see

[http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK1763/#CmdLineAppsManual.I455\\_BLAST\\_search\\_stra](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK1763/#CmdLineAppsManual.I455_BLAST_search_stra)

# gi|661902763|gb|CM002824.1| Rattus norvegicus

Results for: [\[?\]](#)  
[1](#)

Your BLAST job specified more than one input sequence. This box lets you choose which input sequence to show BLAST results for.

RID  
[0V3KWBT601R](#) (Expires on 10-03 03:50 am)

Query ID  
[lcl|Query\\_93067](#)  
lcl|Query\_93067

Description  
gi|661902763|gb|CM002824.1| Rattus norvegicus strain partialchromosome Y, partial genome shotgun sequence  
Molecule type  
nucleic acid  
Query Length  
699860

Database Name  
nr  
Description  
Nucleotide collection (nt) [See details](#)  
Program  
BLASTN 2.2.32+ [Citation](#)

[Reference](#)  
Zheng Zhang, Scott Schwartz, Lukas Wagner, and Webb Miller (2000), "A greedy algorithm for aligning DNA sequences", J Comput Biol 2000; 7(1-2):203-14.  
Other reports: [Search Summary](#) [\[Taxonomy reports\]](#) [\[Distance tree of results\]](#)  
Search Parameters

Search parameter name Search parameter value	
Program	blastn
Word size	28
Expect value	10
Hitlist size	100
Match/Mismatch scores	1,-2
Gapcosts	0,0
Low Complexity Filter	Yes
Filter string	L;m;
Genetic Code	1
Database	
Database parameter name Database parameter value	
Posted date	Sep 21, 2015 11:05 AM
Number of letters	103,796,708,590
Number of sequences	32,480,332
Entrez query	none

Karlin-Altschul statistics

## Params Ungapped Gapped

Lambda	1.33271	1.28
K	0.620991	0.46
H	1.12409	0.85

## Results Statistics

### Results Statistics parameter name Results Statistics parameter value

Length adjustment	42
Effective length of query	699818
Effective length of database	102432534646
Effective search space	71684131530894428
Effective search space used	71684131530894428



## Graphic Summary

### Distribution of 20 Blast Hits on the Query Sequence [?]

An overview of the database sequences aligned to the query sequence is shown. The score of each alignment is indicated by one of five different colors, which divides the range of scores into five groups. Multiple alignments on the same database sequence are connected by a striped line. Mousing over a hit sequence causes the definition and score to be shown in the window at the top, clicking on a hit sequence takes the user to the associated alignments. New: This graphic is an overview of database sequences aligned to the query sequence. Alignments are color-coded by score, within one of five score ranges. Multiple alignments on the same database sequence are connected by a dashed line. Mousing over an alignment shows the alignment definition and score in the box at the top. Clicking an alignment displays the alignment detail.



## Descriptions

, AlignDB=on Reading indexes 1-1, displaying indexes 1-1, AlignDB=on Reading indexes 2-2, displaying indexes 2-2, AlignDB=on Reading indexes 3-3, displaying indexes 3-3, AlignDB=on Reading indexes 4-4, displaying indexes 4-4, AlignDB=on Reading indexes 5-5, displaying indexes 5-5, AlignDB=on Reading indexes 6-6, displaying indexes 6-6, AlignDB=on Reading indexes 7-7, displaying indexes 7-7

Load next setPrevious Match

Sequences producing significant alignments:

[Show all columns of the table presenting sequences producing significant alignments](#) Select: [AllNone](#)

Selected: 0

[Alignments](#) [Download](#) [GenBank](#) [Graphics](#) [Distance tree of results](#) [Multiple alignment](#) [Show/hide columns of the table presenting sequences producing significant alignments](#)

Sequences producing significant alignments:

Select for downloading or viewing reports	Description	Max score	Total score	Query cover	E value	Ident	Accession
1 Select seq gb AC241808.7	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNECO-49K24 (Amplicon Express Rat SHR-Akr (EcoR1 Digest) BAC library) complete sequence</a>	2.891e+05	1.162e+06	62%	0.0	100%	<a href="#">AC241808.7</a>
2 Select seq gb AC240535.5	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNECO-36F14 (Amplicon Express Rat SHR-Akr (EcoR1 Digest) BAC library) complete sequence</a>	2.842e+05	1.271e+06	65%	0.0	99%	<a href="#">AC240535.5</a>
3 Select seq gb AC239865.4	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-139H07 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	2.769e+05	1.523e+06	56%	0.0	99%	<a href="#">AC239865.4</a>
4 Select seq gb AC239701.6	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-260G02 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	2.556e+05	1.139e+06	60%	0.0	100%	<a href="#">AC239701.6</a>
5 Select seq gb AC239813.3	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-144J13 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	2.151e+05	9.888e+05	33%	0.0	100%	<a href="#">AC239813.3</a>
6 Select seq gb AC242859.2	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-126O04 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	1.844e+05	1.061e+06	49%	0.0	100%	<a href="#">AC242859.2</a>
7 Select seq gb AC239817.2	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-258F11 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	1.799e+05	6.494e+05	53%	0.0	100%	<a href="#">AC239817.2</a>
8 Select seq emb CR759961.20	<a href="#">Rat DNA sequence from clone RP32-320L10, complete sequence</a>	1.172e+05	1.385e+06	59%	0.0	99%	<a href="#">CR759961.20</a>
9 Select seq gb AC239816.2	<a href="#">Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-258E06 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence</a>	53271	6.381e+05	45%	0.0	99%	<a href="#">AC239816.2</a>
10 Select seq emb CR759941.1	<a href="#">Rat DNA sequence from clone RP32-551O16 on chromosome Y, complete sequence</a>	53192	9.876e+05	45%	0.0	99%	<a href="#">CR759941.1</a>

Loading alignment... for sequences gi|338056065 AlignDB=on Reading indexes 1-1

[Download GenBankGraphics](#)

Sort by:

Next Previous [Descriptions](#)

Rattus norvegicus Y Chr BAC RNECO-49K24 (Amplicon Express Rat SHR-Akr (EcoR1 Digest) BAC library) complete sequence

Sequence ID: [gb|AC241808.7|](#)Length: 156555Number of Matches: 297

Related Information

[Map Viewer](#)-aligned genomic context

Range 1: 1 to 156555[GenBankGraphics](#) Next Match Previous Match [First Match](#)

Alignment statistics for match #1					
Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	Frame
2.891e+05 bits(156555)	0.0()	156555/156555(100%)	0/156555(0%)	Plus/Plus	

Features:

Query	393815	AATTCCAGCTCCAGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACATAT	393874
Sbjct	1	AATTCCAGCTCCAGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACATAT	60
Query	393875	GCCCCAACCATGACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTG	393934
Sbjct	61	GCCCCAACCATGACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTG	120
Query	393935	CTACTCTAAAAGAACACAGTCTTTGTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAG	393994
Sbjct	121	CTACTCTAAAAGAACACAGTCTTTGTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAG	180
Query	393995	TCTTCTAAATAAAACTTTTTCTTTCTCCAACAACGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGC	394054
Sbjct	181	TCTTCTAAATAAAACTTTTTCTTTCTCCAACAACGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGC	240
Query	394055	TGACAAGGAGTAAATGAACCTAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGT	394114
Sbjct	241	TGACAAGGAGTAAATGAACCTAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGT	300
Query	394115	CCCCAAAGTATATCATGGACTTGCATAGAGAagcacaacacacaaagtcaaaaagcaaac	394174
Sbjct	301	CCCCAAAGTATATCATGGACTTGCATAGAGAAGCAAAACACACAAAGTCAAAAAGCAAAC	360
Query	394175	aagctataaaacaccaaaccaacggagcgcaaaagAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCT	394234
Sbjct	361	AAGCTATAAAACACCAAACCAACGGACGCAAAGAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCT	420
Query	394235	GTGGCTGAGCCCAAAAATGATTTTTCTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCTTTG	394294
Sbjct	421	GTGGCTGAGCCCAAAAATGATTTTTCTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCTTTG	480
Query	394295	TTTAGACAGGCTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGGATGATTTTAGAAAAGC	394354
Sbjct	481	TTTAGACAGGCTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGGATGATTTTAGAAAAGC	540
Query	394355	AAATGTGTGCTGCATAACCATATAACAAAAGTTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTAC	394414
Sbjct	541	AAATGTGTGCTGCATAACCATATAACAAAAGTTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTAC	600
Query	394415	ACTTTCACCACAGAAGTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGA	394474
Sbjct	601	ACTTTCACCACAGAAGTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGA	660
Query	394475	GGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACA	394534
Sbjct	661	GGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACA	720
Query	394535	AACAGGCCCTTGATAAGTAGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAA	394594
Sbjct	721	AACAGGCCCTTGATAAGTAGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAA	780
Query	394595	GAGCTTGACAGAGTACATAGTTGGTGTCCAAGTTAAGTACCTCTGGGTTAACGTGCA	394654
Sbjct	781	GAGCTTGACAGAGTACATAGTTGGTGTCCAAGTTAAGTACCTCTGGGTTAACGTGCA	840
Query	394655	GGCCCATGGTCATCTATTGCTTCAGTGTACACTTGGAAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTC	394714
Sbjct	841	GGCCCATGGTCATCTATTGCTTCAGTGTACACTTGGAAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTC	900
Query	394715	TGTTTCAGGCCAAATAGTAGTTATCAAGTTTTAATTCAGTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGA	394774
Sbjct	901	TGTTTCAGGCCAAATAGTAGTTATCAAGTTTTAATTCAGTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGA	960
Query	394775	GGTATGGGTACACAGAGAGGCAAGGAATGGTTCCTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGG	394834

Query	961	GGTATGGGTACACAGAGAGGCAAGGAATGGTTCTTTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGG	1020
Sbjct	394835	TAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCTGTCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCT	394894
Query	1021	TAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCTGTCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCT	1080
Sbjct	394895	TTCTTAACATTGACCCCACAATCGCCTAAAACCTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCA	394954
Query	1081	TTCTTAACATTGACCCCACAATCGCCTAAAACCTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCA	1140
Sbjct	394955	CACAGTGAGTCTGAGGCCAGCCTACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCTCACTGGTGCTCAT	395014
Query	1141	CACAGTGAGTCTGAGGCCAGCCTACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCTCACTGGTGCTCAT	1200
Sbjct	395015	AGGCCTCACTGGGTTTACAGGAGATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTTAGCTGGTGTCT	395074
Query	1201	AGGCCTCACTGGGTTTACAGGAGATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTTAGCTGGTGTCT	1260
Sbjct	395075	GGTACATGTTGGACTCAGCACTCTGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGG	395134
Query	1261	GGTACATGTTGGACTCAGCACTCTGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGG	1320
Sbjct	395135	AAGCAACCTCTAGCCCAAGATTGTTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGAT	395194
Query	1321	AAGCAACCTCTAGCCCAAGATTGTTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGAT	1380
Sbjct	395195	GTGAAGTTTGGTTCCATCATAACAGACAGAGAGAGGGGGCAGACATTCTCCCCATGGGAG	395254
Query	1381	GTGAAGTTTGGTTCCATCATAACAGACAGAGAGAGGGGGCAGACATTCTCCCCATGGGAG	1440
Sbjct	395255	GACTGTAAAACCCACTCTCTTGCCCCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGCCCCCTGG	395314
Query	1441	GACTGTAAAACCCACTCTCTTGCCCCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGCCCCCTGG	1500
Sbjct	395315	TCTCCATGACAGTGTGTACACATTCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTT	395374
Query	1501	TCTCCATGACAGTGTGTACACATTCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTT	1560
Sbjct	395375	TCTTTTCATCAGTCTCTGAATTTGTTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATG	395434
Query	1561	TCTTTTCATCAGTCTCTGAATTTGTTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATG	1620
Sbjct	395435	GGAGAGAGCACAACATTGTTACCCTGTGTACTTTTGTATTTTGATGGCTTAATGGGGAGA	395494
Query	1621	GGAGAGAGCACAACATTGTTACCCTGTGTACTTTTGTATTTTGATGGCTTAATGGGGAGA	1680
Sbjct	395495	AGAACTGGACAGATGGGACTCAGAGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCTGAGT	395554
Query	1681	AGAACTGGACAGATGGGACTCAGAGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCTGAGT	1740
Sbjct	395555	GTAAGAAAAGTAAGGCAGAGAGGCAGAATGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTG	395614
Query	1741	GTAAGAAAAGTAAGGCAGAGAGGCAGAATGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTG	1800
Sbjct	395615	TTGCAATAGTGAGTGGCATCAACCTTTTCTGGGATGAACGTTGAGTGCACCTTAGTGGCG	395674
Query	1801	TTGCAATAGTGAGTGGCATCAACCTTTTCTGGGATGAACGTTGAGTGCACCTTAGTGGCG	1860
Sbjct	395675	TGAAGGAAAATATTTTTATACATAAACACATACTTGGGTAGCTACCAGGAACCTCCAGCT	395734
Query	1861	TGAAGGAAAATATTTTTATACATAAACACATACTTGGGTAGCTACCAGGAACCTCCAGCT	1920
Sbjct	395735	tgtgtgtactctgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	395794
Query	1921	TGTGTGTACTCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	1980
Sbjct	395795	gtgtgtgtgtgtgATTTGAGTGAATCTGTGTAGTTTGCTTTTGAGGCCAGACATATTGTT	395854
Query	1981	GTGTGTGTGTGATTTGAGTGAATCTGTGTAGTTTGCTTTTGAGGCCAGACATATTGTT	2040
Sbjct	395855	TCTGCAGGTGGACAGAAATGACCAGGCAGGATGGACCTAAGTCACTCTTTTTGACTGAGG	395914
Query	2041	TCTGCAGGTGGACAGAAATGACCAGGCAGGATGGACCTAAGTCACTCTTTTTGACTGAGG	2100
Sbjct	395915	GTTGTTGACCTTACATCTTGACTTGATTCCCTCATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCA	395974
Query	2101	GTTGTTGACCTTACATCTTGACTTGATTCCCTCATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCA	2160
Sbjct	395975	ACATAGCCCAATTCTGGAAGGGTAAAAAGAAGATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGA	396034
Query	2161	ACATAGCCCAATTCTGGAAGGGTAAAAAGAAGATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGA	2220
Sbjct	396035	GTGGGAAGGCCGGGTGGCAAGTGGGGATGGGACATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGA	396094
Query	2221	GTGGGAAGGCCGGGTGGCAAGTGGGGATGGGACATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGA	2280
Sbjct	396095	TGGGTATGTTCTGAATGGTGGGAAGGAGCATGCTGAGACCTTCCAGGTAGGATAGGCAGG	396154
Query	2281	TGGGTATGTTCTGAATGGTGGGAAGGAGCATGCTGAGACCTTCCAGGTAGGATAGGCAGG	2340

Query	396155	GACTGTGAGGTTTGGACCATAAAGGACTCTGTGACCCCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGT	396214
Sbjct	2341	GACTGTGAGGTTTGGACCATAAAGGACTCTGTGACCCCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGT	2400
Query	396215	CTACATTGGAGAAACTCGGTGAGACAGCAGAAAGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCA	396274
Sbjct	2401	CTACATTGGAGAAACTCGGTGAGACAGCAGAAAGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCA	2460
Query	396275	CAAATCATAATGTTAGTACCTGACTAGGAAGCAAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAAT	396334
Sbjct	2461	CAAATCATAATGTTAGTACCTGACTAGGAAGCAAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAAT	2520
Query	396335	GCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGTTCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTAC	396394
Sbjct	2521	GCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGTTCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTAC	2580
Query	396395	TTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCCTTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCT	396454
Sbjct	2581	TTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCCTTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCT	2640
Query	396455	TCCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATTGCATTTTGGGAGGAACACTGCAGCCAGG	396514
Sbjct	2641	TCCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATTGCATTTTGGGAGGAACACTGCAGCCAGG	2700
Query	396515	CAATCTATTTGGTTTCAGTAGGGTGACTATACTTTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTTCTTT	396574
Sbjct	2701	CAATCTATTTGGTTTCAGTAGGGTGACTATACTTTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTTCTTT	2760
Query	396575	GGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGCTCAATTGCTCGTTCGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGT	396634
Sbjct	2761	GGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGCTCAATTGCTCGTTCGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGT	2820
Query	396635	GCTGGTGAGATCCACTGGGAGCTGCTTACATGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATT	396694
Sbjct	2821	GCTGGTGAGATCCACTGGGAGCTGCTTACATGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATT	2880
Query	396695	TCAGTAGGGTGAAGACCGTGTAAGGTGTGAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTG	396754
Sbjct	2881	TCAGTAGGGTGAAGACCGTGTAAGGTGTGAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTG	2940
Query	396755	ATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAACTCATGGCCCATGCATAAAAGGAGGCTTGT	396814
Sbjct	2941	ATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAACTCATGGCCCATGCATAAAAGGAGGCTTGT	3000
Query	396815	GGTTGTATTTTGTCTGTCTTGTGTGTTTCAACCACCTTTCAAACCAGTTAGGGTTTGT	396874
Sbjct	3001	GGTTGTATTTTGTCTGTCTTGTGTGTTTCAACCACCTTTCAAACCAGTTAGGGTTTGT	3060
Query	396875	GGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGAGGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAG	396934
Sbjct	3061	GGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGAGGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAG	3120
Query	396935	ATCTAGTCTTTGGGGTAGATATTGCAGCAGCCATGGTTCTGAAGGGCTAGAAACTTCTCTA	396994
Sbjct	3121	ATCTAGTCTTTGGGGTAGATATTGCAGCAGCCATGGTTCTGAAGGGCTAGAAACTTCTCTA	3180
Query	396995	AGGTTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGACATTAAGGATATAGTTCACCTGTTTTAGCT	397054
Sbjct	3181	AGGTTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGACATTAAGGATATAGTTCACCTGTTTTAGCT	3240
Query	397055	CTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTC	397114
Sbjct	3241	CTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTC	3300
Query	397115	AGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGAGTTTAGCATGCAGATTCCTTTTTGAGCTGGCAAA	397174
Sbjct	3301	AGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGAGTTTAGCATGCAGATTCCTTTTTGAGCTGGCAAA	3360
Query	397175	AGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATT	397234
Sbjct	3361	AGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATT	3420
Query	397235	GAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGGACTGTGAGAGATGATACCGGAAAAGG	397294
Sbjct	3421	GAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGGACTGTGAGAGATGATACCGGAAAAGG	3480
Query	397295	GCAGAGGACCTTATTTTTCCCCCTCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGT	397354
Sbjct	3481	GCAGAGGACCTTATTTTTCCCCCTCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGT	3540
Query	397355	GATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTG	397414
Sbjct	3541	GATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTG	3600
Query	397415	TTGGATGTCAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTG	397474
Sbjct	3601	TTGGATGTCAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTG	3660
Query	397475	GCCTTCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTG	397534



Sbjct	3661	TCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTG	3720
Query	397535	TGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTT	397594
Sbjct	3721	TGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTT	3780
Query	397595	GTATGTTCTTACTGGTGTTTATTTACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCCTTGGGT	397654
Sbjct	3781	GTATGTTCTTACTGGTGTTTATTTACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCCTTGGGT	3840
Query	397655	CATTGCTTTTCTTTGTACATCCGTGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAA	397714
Sbjct	3841	CATTGCTTTTCTTTGTACATCCGTGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAA	3900
Query	397715	ACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCCTAG	397774
Sbjct	3901	ACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCCTAG	3960
Query	397775	GTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGG	397834
Sbjct	3961	GTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGG	4020
Query	397835	TCACGATAAAACTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGT	397894
Sbjct	4021	TCACGATAAAACTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGT	4080
Query	397895	ACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAA	397954
Sbjct	4081	ACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAA	4140
Query	397955	TGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGTTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAAT	398014
Sbjct	4141	TGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGTTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAAT	4200
Query	398015	AGCAGTGTGTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCtttttttttaa	398074
Sbjct	4201	AGCAGTGTGTCTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCTTTTTTTTAA	4260
Query	398075	aaaaaCTCCATGGAATTTCGGCATCTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATTC	398134
Sbjct	4261	AAAAACTCCATGGAATTTCGGCATCTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATTC	4320
Query	398135	TGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTTCCAAGGCACCACTTCAGTACACAGA	398194
Sbjct	4321	TGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTTCCAAGGCACCACTTCAGTACACAGA	4380
Query	398195	ATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGG	398254
Sbjct	4381	ATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGG	4440
Query	398255	ATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGCTCCTGTTAAAATGAAGACTTGAAA	398314
Sbjct	4441	ATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGCTCCTGTTAAAATGAAGACTTGAAA	4500
Query	398315	GGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACGCAGGTCCCATAACCAGTCCAGTGAT	398374
Sbjct	4501	GGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACGCAGGTCCCATAACCAGTCCAGTGAT	4560
Query	398375	AGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCCTCACATGTCAGTGTAGGAGACAGT	398434
Sbjct	4561	AGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCCTCACATGTCAGTGTAGGAGACAGT	4620
Query	398435	GAGGCCAGAGTAGTTGATTTTTCTACTCTCTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAG	398494
Sbjct	4621	GAGGCCAGAGTAGTTGATTTTTCTACTCTCTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAG	4680
Query	398495	ACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGCCAGGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAG	398554
Sbjct	4681	ACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGCCAGGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAG	4740
Query	398555	GCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTGACATCCTATTTTCCTATGCATATT	398614
Sbjct	4741	GCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTGACATCCTATTTTCCTATGCATATT	4800
Query	398615	TCTCCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTGTCTTCCATACAATGGACCTACTTA	398674
Sbjct	4801	TCTCCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTGTCTTCCATACAATGGACCTACTTA	4860
Query	398675	TAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGC	398734
Sbjct	4861	TAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGC	4920
Query	398735	attttattttttcataaaaaatagtttttgtttttgcttctagtattccaattttgaaatatta	398794
Sbjct	4921	ATTTATTTTTTTCATAAAAAATAGTTTTGTTTTGTCTTAGTATTCGAATTTTGAATATTA	4980
Query	398795	ttttACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAGATACTTGATTTCGGACTTAACCTTG	398854
Sbjct	4981	TTTTACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAGATACTTGATTTCGGACTTAACCTTG	5040

[illegible]

Sbjct	6361	CAGAGTCATCATCACATTTATGTTACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGAAC	6420
Query	400235	CCAGTTAAAACATATGGTGTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTTA	400294
Sbjct	6421	CCAGTTAAAACATATGGTGTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTTA	6480
Query	400295	TTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCCTTTTCGCTGG	400354
Sbjct	6481	TTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCCTTTTCGCTGG	6540
Query	400355	TTTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGACA	400414
Sbjct	6541	TTTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGACA	6600
Query	400415	AGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTTAAGGAGGAGaaaaagaaaaacaaaaaaGGGAGG	400474
Sbjct	6601	AGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTTAAGGAGGAGAAAAAGAAAAACAAAAAGGGAGG	6660
Query	400475	ATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACA	400534
Sbjct	6661	ATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACA	6720
Query	400535	ACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTT	400594
Sbjct	6721	ACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTT	6780
Query	400595	CTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATT	400654
Sbjct	6781	CTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATT	6840
Query	400655	ATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTaaaaaaaaTTAGAACATTAG	400714
Sbjct	6841	ATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTAAAAAAAAATTAGAACATTAG	6900
Query	400715	GGGAAATCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGtttttttttt	400774
Sbjct	6901	GGGAAATCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGTTTTTTTTTT	6960
Query	400775	tATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTGCC	400834
Sbjct	6961	TATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTGCC	7020
Query	400835	AGTTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTT	400894
Sbjct	7021	AGTTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTT	7080
Query	400895	CACCCACACCCCCACTCCGTCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACATC	400954
Sbjct	7081	CACCCACACCCCCACTCCGTCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACATC	7140
Query	400955	AAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACA	401014
Sbjct	7141	AAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACA	7200
Query	401015	TATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCCCT	401074
Sbjct	7201	TATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCCCT	7260
Query	401075	CGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCTCC	401134
Sbjct	7261	CGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCTCC	7320
Query	401135	TTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTTCTCAGTTCAATGGTTGGCTGA	401194
Sbjct	7321	TTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTTCTCAGTTCAATGGTTGGCTGA	7380
Query	401195	AAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTTAG	401254
Sbjct	7381	AAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTTAG	7440
Query	401255	GAGGCTCCTGTGCTGAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCTTCAGCCAAAGTCCTAGGACCAA	401314
Sbjct	7441	GAGGCTCCTGTGCTGAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCTTCAGCCAAAGTCCTAGGACCAA	7500
Query	401315	GCAGAAATTGTCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCCAG	401374
Sbjct	7501	GCAGAAATTGTCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCCAG	7560
Query	401375	TGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTTAT	401434
Sbjct	7561	TGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTTAT	7620
Query	401435	GAATCTATGTGTCACTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAAAT	401494
Sbjct	7621	GAATCTATGTGTCACTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAAAT	7680
Query	401495	GGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCCAG	401554
Sbjct	7681	GGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCCAG	7740

Query	401555	CAAGAGTGAATGGTTTCCTGGGACTGTGGTGGGTCCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATGAT	401614
Sbjct	7741	CAAGAGTGAATGGTTTCCTGGGACTGTGGTGGGTCCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATGAT	7800
Query	401615	GATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCTAGCTTGGCACTGGTGGG	401674
Sbjct	7801	GATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCTAGCTTGGCACTGGTGGG	7860
Query	401675	GAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTATAAGCATTGCAATACCTAGAAGCACCTTAGG	401734
Sbjct	7861	GAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTATAAGCATTGCAATACCTAGAAGCACCTTAGG	7920
Query	401735	AGTCATTCTGGCAGGGCACCCCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATATGG	401794
Sbjct	7921	AGTCATTCTGGCAGGGCACCCCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATATGG	7980
Query	401795	GATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATGAT	401854
Sbjct	7981	GATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATGAT	8040
Query	401855	AAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGgtgtgtgt	401914
Sbjct	8041	AAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGGTGTGTGT	8100
Query	401915	gtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtCaa	401974
Sbjct	8101	GTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCAA	8160
Query	401975	aatataaaaaataaaaaaGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGT	402034
Sbjct	8161	AATATAAAAAATAAAAAAGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGT	8220
Query	402035	GTCCCAAGATACCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTG	402094
Sbjct	8221	GTCCCAAGATACCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTG	8280
Query	402095	CTCCAACCCATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCT	402154
Sbjct	8281	CTCCAACCCATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCT	8340
Query	402155	ATTTAGTTCCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCA	402214
Sbjct	8341	ATTTAGTTCCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCA	8400
Query	402215	GACAGCCAGTGACACTTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAAT	402274
Sbjct	8401	GACAGCCAGTGACACTTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAAT	8460
Query	402275	AACCTTTGGCCCAATTAATAAGATACAATCGCCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACAT	402334
Sbjct	8461	AACCTTTGGCCCAATTAATAAGATACAATCGCCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACAT	8520
Query	402335	ATCCATCCCTTAAAAACATCCATAAACACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATC	402394
Sbjct	8521	ATCCATCCCTTAAAAACATCCATAAACACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATC	8580
Query	402395	CCCTGTCATATTGTTCTGTACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTTTCTTCTTTCCGT	402454
Sbjct	8581	CCCTGTCATATTGTTCTGTACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTTTCTTCTTTCCGT	8640
Query	402455	TCCAATCTCCTCATCTTCCTTCAAACTTTTCTCCTGCCTGTCCTTCCTTCTCATTCAAAC	402514
Sbjct	8641	TCCAATCTCCTCATCTTCCTTCAAACTTTTCTCCTGCCTGTCCTTCCTTCTCATTCAAAC	8700
Query	402515	ACAGACCTCCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTT	402574
Sbjct	8701	ACAGACCTCCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTT	8760
Query	402575	tctatctccctctcactctctgtctctctccatctccctgtctctctctgtctctgtctc	402634
Sbjct	8761	TCTATCTCCCTCTCACTCTCTGTCTCTCTCCATCTCCCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTC	8820
Query	402635	tctcttcctgtttttctttgtatgtgtttgtgtgtgtttgtttccctctctctcaacctc	402694
Sbjct	8821	TCTCTTCCTGTTTTTCTTTGTATGTGTTTGTGTGTGTTGTTTCCCTCTCTCTCAACCTC	8880
Query	402695	tctctctccctgctttttctttgtgtgttctctctctcagtcgtctctgtctgtcttttc	402754
Sbjct	8881	TCTCTCTCCCTGCTTTTCTTTGTGTGTTCCCTCTCTCAGTCTGTCTGTCTGTCTTTTC	8940
Query	402755	tctgtctgtctctctatatactatatactatctatctatctatctatctatctatctata	402814
Sbjct	8941	TCTGTCTGTCTCTCTATATCTATATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATA	9000
Query	402815	tctatctatctatAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTCTtgtgtgtgtgtgtTAGCACAT	402874
Sbjct	9001	TCTATCTATCTATAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTCTTGTGTGTGTGTGTTAGCACAT	9060
Query	402875	ATGTGAATAATGTTGACTTTCTTCTATATACATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAAT	402934

Sbjct	9061	GAATAATGTTGACTTCTCTCTATATACATATATGTCATTGAGTGTAAGAACAAT	9120
Query	402935	GAGAGATATGCTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGT	402994
Sbjct	9121	GAGAGATATGCTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGT	9180
Query	402995	GCTGTTCTGAGTGTTAGGAGACATTCAGAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAG	403054
Sbjct	9181	GCTGTTCTGAGTGTTAGGAGACATTCAGAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAG	9240
Query	403055	CTATAGCTGATGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAAT	403114
Sbjct	9241	CTATAGCTGATGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAAT	9300
Query	403115	GTCAGGATAGAGGGGGTTCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAGAGAGGCTAGTACA	403174
Sbjct	9301	GTCAGGATAGAGGGGGTTCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAGAGAGGCTAGTACA	9360
Query	403175	TATTTTGGCTATTTGCTGTGTGTGGATTTCCTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCG	403234
Sbjct	9361	TATTTTGGCTATTTGCTGTGTGTGGATTTCCTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCG	9420
Query	403235	CCTAGCCTTAGTCACTGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACT	403294
Sbjct	9421	CCTAGCCTTAGTCACTGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACT	9480
Query	403295	TGAGGTCCTTTGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAA	403354
Sbjct	9481	TGAGGTCCTTTGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAA	9540
Query	403355	GAATTGAAACAGTTTTTGGTCCCTTGAGGGACATTCTATGTGACACCTGTCACTGACCCCAA	403414
Sbjct	9541	GAATTGAAACAGTTTTTGGTCCCTTGAGGGACATTCTATGTGACACCTGTCACTGACCCCAA	9600
Query	403415	GGACCACACAGGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCT	403474
Sbjct	9601	GGACCACACAGGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCT	9660
Query	403475	AGACTGTGGATGATGATAGGACCCCCAGTGCTCTTGTCCTGTGTGATGGGTTTGACACAA	403534
Sbjct	9661	AGACTGTGGATGATGATAGGACCCCCAGTGCTCTTGTCCTGTGTGATGGGTTTGACACAA	9720
Query	403535	GCAATGATAACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTA	403594
Sbjct	9721	GCAATGATAACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTA	9780
Query	403595	ACCCTGACAAAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACT	403654
Sbjct	9781	ACCCTGACAAAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACT	9840
Query	403655	CAAGGACCTGGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAAT	403714
Sbjct	9841	CAAGGACCTGGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAAT	9900
Query	403715	TATAAAGGCAGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTG	403774
Sbjct	9901	TATAAAGGCAGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTG	9960
Query	403775	CAGCCTGTACACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGG	403834
Sbjct	9961	CAGCCTGTACACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGG	10020
Query	403835	GAGTCCTCTGATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCT	403894
Sbjct	10021	GAGTCCTCTGATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCT	10080
Query	403895	GGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACT	403954
Sbjct	10081	GGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACT	10140
Query	403955	ACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAA	404014
Sbjct	10141	ACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAA	10200
Query	404015	GGGCTGTACTTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGG	404074
Sbjct	10201	GGGCTGTACTTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGG	10260
Query	404075	AGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGTCCCTTTCTGGAGCTGAG	404134
Sbjct	10261	AGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGTCCCTTTCTGGAGCTGAG	10320
Query	404135	TGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTAGTTCTCTCTCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGG	404194
Sbjct	10321	TGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTAGTTCTCTCTCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGG	10380
Query	404195	AAGACAGCACACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACC	404254
Sbjct	10381	AAGACAGCACACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACC	10440

Query	404255	AGACAAGGCATTG	GGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTG	404314
Sbjct	10441	AGACAAGGCATTG	GGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTG	10500
Query	404315	CTCCTGCCTCATGTGGGAAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCTGTGCCACCC		404374
Sbjct	10501	CTCCTGCCTCATGTGGGAAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCTGTGCCACCC		10560
Query	404375	TCCAGTGCAGTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGG		404434
Sbjct	10561	TCCAGTGCAGTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGG		10620
Query	404435	ATTC AAGAGTAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGAGTGTTA		404494
Sbjct	10621	ATTC AAGAGTAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGAGTGTTA		10680
Query	404495	GGAAAGGTGCAGCTTCATTGTG CAGCAGGTTATGGAACTCCCCAACTTCCATCCCATCAG		404554
Sbjct	10681	GGAAAGGTGCAGCTTCATTGTG CAGCAGGTTATGGAACTCCCCAACTTCCATCCCATCAG		10740
Query	404555	TGCCCTCAAAC TGA CTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACAC		404614
Sbjct	10741	TGCCCTCAAAC TGA CTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACAC		10800
Query	404615	AGGAAAAC TGTAGGCCTCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGAC		404674
Sbjct	10801	AGGAAAAC TGTAGGCCTCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGAC		10860
Query	404675	ACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTT		404734
Sbjct	10861	ACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTT		10920
Query	404735	CCCTTGCTGATTCTCAAGAAGATGTGGCCCCCTTCCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGG		404794
Sbjct	10921	CCCTTGCTGATTCTCAAGAAGATGTGGCCCCCTTCCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGG		10980
Query	404795	TCTGGCCAAGACCTATCCGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTG		404854
Sbjct	10981	TCTGGCCAAGACCTATCCGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTG		11040
Query	404855	AGGAAGGCTGGCTGGGCATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGG		404914
Sbjct	11041	AGGAAGGCTGGCTGGGCATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGG		11100
Query	404915	CATTCAGACTCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCCTTCCTGCC		404974
Sbjct	11101	CATTCAGACTCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCCTTCCTGCC		11160
Query	404975	CAAGAGCTGACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCT		405034
Sbjct	11161	CAAGAGCTGACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCT		11220
Query	405035	TCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTA		405094
Sbjct	11221	TCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTA		11280
Query	405095	GGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATAT		405154
Sbjct	11281	GGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATAT		11340
Query	405155	GTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCAAAGCAG		405214
Sbjct	11341	GTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCAAAGCAG		11400
Query	405215	ACATATGTGGTAGGTCCTTGAAGCAAAC TGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTG		405274
Sbjct	11401	ACATATGTGGTAGGTCCTTGAAGCAAAC TGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTG		11460
Query	405275	AGAAATACCTGTCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACC		405334
Sbjct	11461	AGAAATACCTGTCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACC		11520
Query	405335	TGGAGGTCTGCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGGCTCCTCTGGT		405394
Sbjct	11521	TGGAGGTCTGCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGGCTCCTCTGGT		11580
Query	405395	AGGCCATCTACCGTCCAGTGAAC TAAGAGATGGTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTC		405454
Sbjct	11581	AGGCCATCTACCGTCCAGTGAAC TAAGAGATGGTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTC		11640
Query	405455	TGCCTGTGCTAAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATG		405514
Sbjct	11641	TGCCTGTGCTAAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATG		11700
Query	405515	TGGTCAAATCCAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCA		405574
Sbjct	11701	TGGTCAAATCCAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCA		11760
Query	405575	GGATTGCATGTGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATC		405634

Sbjct	11761	GGATTGCATGTGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATC	11820
Query	405635	CAGACAGATGTCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCC	405694
Sbjct	11821	CAGACAGATGTCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCC	11880
Query	405695	CTCTGCAGCCCACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTCAGAGTAGACAATACAGTAgtgtgt	405754
Sbjct	11881	CTCTGCAGCCCACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTCAGAGTAGACAATACAGTAGTGTGT	11940
Query	405755	ttctgttgatatttgtctgagtgtctgtgcgtgattacctgcatgtggagtgtgtgtgtgt	405814
Sbjct	11941	TTCTGTTGTATTTGTCTGAGTGTCTGTGCGTGATTACCTGCATGTGGAGTGTGTGTGTGT	12000
Query	405815	ctgtgtgtATCTGCAAATAATTGAGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAAC	405874
Sbjct	12001	CTGTGTGTATCTGCAAATAATTGAGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAAC	12060
Query	405875	TGTTGGTTGTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATT	405934
Sbjct	12061	TGTTGGTTGTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATT	12120
Query	405935	TGTACAAACGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAG	405994
Sbjct	12121	TGTACAAACGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAG	12180
Query	405995	ATATTTGTTGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGtt	406054
Sbjct	12181	ATATTTGTTGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGTT	12240
Query	406055	tttgttttttggttttttCCTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGG	406114
Sbjct	12241	TTTGTTTTTGGTTTTTCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGG	12300
Query	406115	ACAGACTGATTCTTTTTCTTCATGCCACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGTTTTTC	406174
Sbjct	12301	ACAGACTGATTCTTTTTCTTCATGCCACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGTTTTTC	12360
Query	406175	CTACTTATCTTTGACCCTCTCTACCCTTGTACATGCTTGTTTATTTCTCAGTTAGTCCA	406234
Sbjct	12361	CTACTTATCTTTGACCCTCTCTACCCTTGTACATGCTTGTTTATTTCTCAGTTAGTCCA	12420
Query	406235	TCATAAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTAT	406294
Sbjct	12421	TCATAAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTAT	12480
Query	406295	CTTAATGCTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTA	406354
Sbjct	12481	CTTAATGCTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTA	12540
Query	406355	AAGTGCAGTCTCTACATTTACAATCCATAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTG	406414
Sbjct	12541	AAGTGCAGTCTCTACATTTACAATCCATAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTG	12600
Query	406415	TGGTGGCTTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGTCCTGAGGGAGGAGGGATG	406474
Sbjct	12601	TGGTGGCTTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGTCCTGAGGGAGGAGGGATG	12660
Query	406475	AATATTTTCTGACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTTACAAACACAATTGGATACTA	406534
Sbjct	12661	AATATTTTCTGACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTTACAAACACAATTGGATACTA	12720
Query	406535	GCTTTTACCCCTTACACTTTATATCTTGACTtctgtctctgtctgtctctgtctctctgt	406594
Sbjct	12721	GCTTTTACCCCTTACACTTTATATCTTGACTTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGT	12780
Query	406595	ttctgtctctatctctgtctctctcatcccatctctgACTTCCTGGTTGCAATTCTAATT	406654
Sbjct	12781	TTCTGTCTCTATCTCTGTCTCTCTCATCCCATCTCTGACTTCCTGGTTGCAATTCTAATT	12840
Query	406655	CTTCCACTACATTACAGCATTTAGATCTTCACTTTTCACTGTTTCAAGCCCTACAGCCTGAGG	406714
Sbjct	12841	CTTCCACTACATTACAGCATTTAGATCTTCACTTTTCACTGTTTCAAGCCCTACAGCCTGAGG	12900
Query	406715	ACATATTAATCTCTGGAGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCAT	406774
Sbjct	12901	ACATATTAATCTCTGGAGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCAT	12960
Query	406775	GGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCG	406834
Sbjct	12961	GGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCG	13020
Query	406835	CAAGTTGGCTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATA	406894
Sbjct	13021	CAAGTTGGCTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATA	13080
Query	406895	TCAGTGGAAGCCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACT	406954
Sbjct	13081	TCAGTGGAAGCCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACT	13140

Query	406955	GAAGACCCTACACAGAGAGAAATATCCAAACTATAAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAA	407014
Sbjct	13141	GAAGACCCTACACAGAGAGAAATATCCAAACTATAAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAA	13200
Query	407015	AGTGCCACAGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACGTACAACT	407074
Sbjct	13201	AGTGCCACAGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACGTACAACT	13260
Query	407075	GTTGCAATGGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGC	407134
Sbjct	13261	GTTGCAATGGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGC	13320
Query	407135	ACACCAGTCCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTTATTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGG	407194
Sbjct	13321	ACACCAGTCCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTTATTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGG	13380
Query	407195	ATACCCACTA <i>cagcagaaaacagcagcaccagcagcagcagcagcagcgtgcacctgcagcagca</i>	407254
Sbjct	13381	ATACCCACTACAGCAGAAACAGCAGCACCAGCAGCAGCAGCAGCACCTGCACCTGCAGCAGCA	13440
Query	407255	<i>gcagcagcagcagcagcagcaccaggtccactagcagcagc</i> TAACCTACTTACTGTCCGCTGA	407314
Sbjct	13441	GCAGCAGCAGCAGCAGCACCAGTTCCACTAGCAGCAGCTAACCTACTTACTGTCCGCTGA	13500
Query	407315	TATCACTGGTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAAT	407374
Sbjct	13501	TATCACTGGTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAAT	13560
Query	407375	CTCATGATACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCT	407434
Sbjct	13561	CTCATGATACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCT	13620
Query	407435	TGAGATTCCCTACTTGGTTTGGATACTGAGTTCCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCC	407494
Sbjct	13621	TGAGATTCCCTACTTGGTTTGGATACTGAGTTCCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCC	13680
Query	407495	CC <i>tttttttt</i> CTGGTGGGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGT	407554
Sbjct	13681	CCTTTTTTTTCTGGTGGGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGT	13740
Query	407555	GTGTAAGAAAGGAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTGTTTAACAGCGTACT	407614
Sbjct	13741	GTGTAAGAAAGGAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTGTTTAACAGCGTACT	13800
Query	407615	ACTCGCATTCTTATGGCATTTAATCGATGGAAGAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATT	407674
Sbjct	13801	ACTCGCATTCTTATGGCATTTAATCGATGGAAGAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATT	13860
Query	407675	TATCTGTACTGCCAGCTCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGC	407734
Sbjct	13861	TATCTGTACTGCCAGCTCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGC	13920
Query	407735	TAAAGTGGGAGGTGGGAGAGGGGAAGGTGGAGTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACAC	407794
Sbjct	13921	TAAAGTGGGAGGTGGGAGAGGGGAAGGTGGAGTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACAC	13980
Query	407795	ACTACAAATATCCAGCTGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGG	407854
Sbjct	13981	ACTACAAATATCCAGCTGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGG	14040
Query	407855	ACTATTTCAATCCCTTTCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAA	407914
Sbjct	14041	ACTATTTCAATCCCTTTCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAA	14100
Query	407915	TTCTTCCCAGCCATTGTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGC	407974
Sbjct	14101	TTCTTCCCAGCCATTGTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGC	14160
Query	407975	ATTCCAATGCAAAGGTCAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTA	408034
Sbjct	14161	ATTCCAATGCAAAGGTCAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTA	14220
Query	408035	GCCACCAAGGGGAACATATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATA	408094
Sbjct	14221	GCCACCAAGGGGAACATATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATA	14280
Query	408095	CAGTAGTTCATTCTGAGCAGGCAAAAACACAGTGCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCCT	408154
Sbjct	14281	CAGTAGTTCATTCTGAGCAGGCAAAAACACAGTGCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCCT	14340
Query	408155	GTCCTTTTCAGCATCACCATGGAAACCATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCT	408214
Sbjct	14341	GTCCTTTTCAGCATCACCATGGAAACCATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCT	14400
Query	408215	GAAAAACATACATAATGCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCCTTTAGCATGCAAAGTACTC	408274
Sbjct	14401	GAAAAACATACATAATGCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCCTTTAGCATGCAAAGTACTC	14460
Query	408275	CTTTGTAGATCAGACACATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAAAC	408334



Sbjct	14461	GTAGATCAGACACATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAAAC	14520
Query	408335	ACATCATATATGACTTCTGTCACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGC	408394
Sbjct	14521	ACATCATATATGACTTCTGTCACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGC	14580
Query	408395	ATGGGTTTGTCTTTTTCACTTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACT	408454
Sbjct	14581	ATGGGTTTGTCTTTTTCACTTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACT	14640
Query	408455	CTTCTCTCTGTAACATCGTTTGATAAAATAAGCATTTATACAAGTTCATGCACAGGAAGT	408514
Sbjct	14641	CTTCTCTCTGTAACATCGTTTGATAAAATAAGCATTTATACAAGTTCATGCACAGGAAGT	14700
Query	408515	CACATTCTGCTTCTCTTTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTATTACAAAAATTTT	408574
Sbjct	14701	CACATTCTGCTTCTCTTTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTATTACAAAAATTTT	14760
Query	408575	TGTATAAAAGCAGTACAGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAA	408634
Sbjct	14761	TGTATAAAAGCAGTACAGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAA	14820
Query	408635	AATGTACAAAGCACCAAGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACA	408694
Sbjct	14821	AATGTACAAAGCACCAAGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACA	14880
Query	408695	CTCCCCATATACAAAGTGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGT	408754
Sbjct	14881	CTCCCCATATACAAAGTGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGT	14940
Query	408755	ATAAGTGGCCATTTACCCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAA	408814
Sbjct	14941	ATAAGTGGCCATTTACCCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAA	15000
Query	408815	AGTTACAAACTCTTACAAGCAAGCTTAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCT	408874
Sbjct	15001	AGTTACAAACTCTTACAAGCAAGCTTAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCT	15060
Query	408875	TTAAGAAAGCTCAAGGAACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCT	408934
Sbjct	15061	TTAAGAAAGCTCAAGGAACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCT	15120
Query	408935	TCAGTTAGCCTCTTCCAGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTTCCTCTCATACAAAC	408994
Sbjct	15121	TCAGTTAGCCTCTTCCAGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTTCCTCTCATACAAAC	15180
Query	408995	TGTTCCCCGTAAGCTCTTGAATCGACTATGTAACCCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGA	409054
Sbjct	15181	TGTTCCCCGTAAGCTCTTGAATCGACTATGTAACCCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGA	15240
Query	409055	GCAGCCCATGGAGCTTCAATTGTGATATCTTACACACTAAGTAAATACAATACAGTGTAT	409114
Sbjct	15241	GCAGCCCATGGAGCTTCAATTGTGATATCTTACACACTAAGTAAATACAATACAGTGTAT	15300
Query	409115	TACCTGATGTATTGAACTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTG	409174
Sbjct	15301	TACCTGATGTATTGAACTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTG	15360
Query	409175	AGCTTTAATTGATTTTCAAACCATTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTT	409234
Sbjct	15361	AGCTTTAATTGATTTTCAAACCATTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTT	15420
Query	409235	CTGTAAATCAGTTAAAAGACTGTTCTCCAGAATTCAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACT	409294
Sbjct	15421	CTGTAAATCAGTTAAAAGACTGTTCTCCAGAATTCAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACT	15480
Query	409295	GGACCTCTAAGTCAGGGCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTA	409354
Sbjct	15481	GGACCTCTAAGTCAGGGCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTA	15540
Query	409355	TGTTCTTTGGGTAGACTTCTAATATAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTA	409414
Sbjct	15541	TGTTCTTTGGGTAGACTTCTAATATAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTA	15600
Query	409415	TTAATCTTTTCGCTGGAGAGTTTCTGCATGTGTTCCCCGTGTCCTTTTGTCTTTTGTTC	409474
Sbjct	15601	TTAATCTTTTCGCTGGAGAGTTTCTGCATGTGTTCCCCGTGTCCTTTTGTCTTTTGTTC	15660
Query	409475	CATTGTGTGGATTATAAGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTAT	409534
Sbjct	15661	CATTGTGTGGATTATAAGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTAT	15720
Query	409535	GGCAGTCCACAGGcttctctctttctcacctggacctatttgcttcttatcttctctcttt	409594
Sbjct	15721	GGCAGTCCACAGGCTTCCTCTTCTCACCTGGACCTATTTGCTTCTTATCTTCCTCCTTT	15780
Query	409595	tctctctcttctcttttccactacctctctctctctctctctctctctctctctctctt	409654
Sbjct	15781	TCTCTCTCTTCCTTTTCCACTACCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCT	15840

Query	409655	cATCTTTGTGCACAGGAGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAA	409714
Sbjct	15841	CATCTTTGTGCACAGGAGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAA	15900
Query	409715	TTTCGTAAGCAGTGTCTGCTTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAATGTTACCCAC	409774
Sbjct	15901	TTTCGTAAGCAGTGTCTGCTTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAATGTTACCCAC	15960
Query	409775	TATCAGCTTAGAGGTCAGTACTGGGATTGGTGGCTATTCTTGAGAACTCATGAGATTCA	409834
Sbjct	15961	TATCAGCTTAGAGGTCAGTACTGGGATTGGTGGCTATTCTTGAGAACTCATGAGATTCA	16020
Query	409835	TTCTTTTGTTAGATGCCACCCCATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATACCAAGG	409894
Sbjct	16021	TTCTTTTGTTAGATGCCACCCCATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATACCAAGG	16080
Query	409895	AGTCCAAACGAAGGCAC TGATCACTGCACCGATATCTGGGAGAACTTGTACAACGATGG	409954
Sbjct	16081	AGTCCAAACGAAGGCAC TGATCACTGCACCGATATCTGGGAGAACTTGTACAACGATGG	16140
Query	409955	TGAATGTGGGGTTTACAGTCCTGAAACACTTTGTTCGGTCCTCCAAC TTTTAAAGTAAGT	410014
Sbjct	16141	TGAATGTGGGGTTTACAGTCCTGAAACACTTTGTTCGGTCCTCCAAC TTTTAAAGTAAGT	16200
Query	410015	TGTATAGCAAAAGGGGAGTTGCAAGCAAATTGCATGAGATTTCACTGaaaaatctaaacta	410074
Sbjct	16201	TGTATAGCAAAAGGGGAGTTGCAAGCAAATTGCATGAGATTTCACTGAAAACTAAACTA	16260
Query	410075	gacagggaaaaactataaataaataaacacaaaaactataaataagtaaataCTAAGTATC	410134
Sbjct	16261	GACAGGGAAACTATAAATAAATAAACACCAAAACTATAATAAGTAAATACTAAGTATC	16320
Query	410135	CTTGTTCTTTTGTGTTTGTAGGTTTTCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGAC	410194
Sbjct	16321	CTTGTTCTTTTGTGTTTGTAGGTTTTCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGAC	16380
Query	410195	AAGAAGTATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAAACTGTA	410254
Sbjct	16381	AAGAAGTATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAAACTGTA	16440
Query	410255	AAATTAAACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAAT	410314
Sbjct	16441	AAATTAAACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAAT	16500
Query	410315	AAGCAGTTTTTGGTCCCTGGATATTAAC TTCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTG	410374
Sbjct	16501	AAGCAGTTTTTGGTCCCTGGATATTAAC TTCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTG	16560
Query	410375	TTCTCTGATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAACcacacacacacac	410434
Sbjct	16561	TTCTCTGATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAACCACACACACACAC	16620
Query	410435	acacacacagagagacacacacacacacacacagacacacacacacacacagacacacac	410494
Sbjct	16621	ACACACACAGAGAGACACACACACACACACAGACACACACACACACACAGACACACACAC	16680
Query	410495	acgcacacacacacacacacacacacacacatatatatatatatatattataGGCA	410554
Sbjct	16681	ACGCACACACACACACACACACACACACATATATATATATATATATATATTATAGGCA	16740
Query	410555	GAGAATAAGATTAAAGTGTATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTCTTAGATGTACATTTGAAA	410614
Sbjct	16741	GAGAATAAGATTAAAGTGTATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTCTTAGATGTACATTTGAAA	16800
Query	410615	CCCAGAGGAATCCCACCCTTTGGAATAGGTAGTAAGTGGAACATTAGACAGATAGACAG	410674
Sbjct	16801	CCCAGAGGAATCCCACCCTTTGGAATAGGTAGTAAGTGGAACATTAGACAGATAGACAG	16860
Query	410675	ATTACCCAGGTTATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTT	410734
Sbjct	16861	ATTACCCAGGTTATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTT	16920
Query	410735	TCCTGTAGTTTACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGG	410794
Sbjct	16921	TCCTGTAGTTTACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGG	16980
Query	410795	CTGGAGAGGTGGCCAGAGGTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCAAGATCCTGAGTTCAA	410854
Sbjct	16981	CTGGAGAGGTGGCCAGAGGTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCAAGATCCTGAGTTCAA	17040
Query	410855	ATCCCAGCAACCACATGGTGGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTG	410914
Sbjct	17041	ATCCCAGCAACCACATGGTGGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTG	17100
Query	410915	GTGTGTCTGAAGACAGAGACAGTGTAAATCGCATATATAAATAAAATAATCCTTaaaaaaa	410974
Sbjct	17101	GTGTGTCTGAAGACAGAGACAGTGTAAATCGCATATATAAATAAAATAATCCTTAAAAAAA	17160
Query	410975	aaaaa GAGTTAACGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATA	411034

Sbjct	17161	AAGAGTTAACGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATA	17220
Query	411035	AGAATTTGCGATTATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAACAAGAAGAGGAAATA	411094
Sbjct	17221	AGAATTTGCGATTATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAACAAGAAGAGGAAATA	17280
Query	411095	CGGGGCTGCTGCTCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTTGAC	411154
Sbjct	17281	CGGGGCTGCTGCTCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTTGAC	17340
Query	411155	CGGAAGCGGTCCCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCGAGCCTTCT	411214
Sbjct	17341	CGGAAGCGGTCCCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCGAGCCTTCT	17400
Query	411215	TGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCT	411274
Sbjct	17401	TGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCT	17460
Query	411275	GGAGCCGCCAGGCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGAACAGCACGGTG	411334
Sbjct	17461	GGAGCCGCCAGGCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGAACAGCACGGTG	17520
Query	411335	CAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAG	411394
Sbjct	17521	CAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAG	17580
Query	411395	AAGACTGTGTACCCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGT	411454
Sbjct	17581	AAGACTGTGTACCCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGT	17640
Query	411455	TTCTGTTGCGAACACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTG	411514
Sbjct	17641	TTCTGTTGCGAACACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTG	17700
Query	411515	CATTTTACTGCAAACTCACTTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGG	411574
Sbjct	17701	CATTTTACTGCAAACTCACTTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGG	17760
Query	411575	GGTTTGGTCCAAAACACCAGTGGAGCTCTGGGCCACAGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCA	411634
Sbjct	17761	GGTTTGGTCCAAAACACCAGTGGAGCTCTGGGCCACAGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCA	17820
Query	411635	AAACAGCCTGAGACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCA	411694
Sbjct	17821	AAACAGCCTGAGACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCA	17880
Query	411695	GTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGCTTGGGGGAGCAGGTTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCA	411754
Sbjct	17881	GTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGCTTGGGGGAGCAGGTTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCA	17940
Query	411755	GACAGGTTTTCAGGCATAAGGCTCTGCTCCAGGATTCTTGCCTTTCCTGTAGGATGTTG	411814
Sbjct	17941	GACAGGTTTTCAGGCATAAGGCTCTGCTCCAGGATTCTTGCCTTTCCTGTAGGATGTTG	18000
Query	411815	GCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTG	411874
Sbjct	18001	GCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTG	18060
Query	411875	GGAGGCCACAAAGTCCAGCTTCCCTATTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCAGCAT	411934
Sbjct	18061	GGAGGCCACAAAGTCCAGCTTCCCTATTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCAGCAT	18120
Query	411935	GCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCT	411994
Sbjct	18121	GCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCT	18180
Query	411995	CCCCAGCTACCTCTGCCCCCTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGT	412054
Sbjct	18181	CCCCAGCTACCTCTGCCCCCTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGT	18240
Query	412055	GCCATCTGCTGGGCCTCATAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGG	412114
Sbjct	18241	GCCATCTGCTGGGCCTCATAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGG	18300
Query	412115	AAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTC	412174
Sbjct	18301	AAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTC	18360
Query	412175	CTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGAC	412234
Sbjct	18361	CTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGAC	18420
Query	412235	TGTTGTGATCAACCCTGGTTTAAAAATGTTTAAACTGAAAACaaaaaaaggggggggAT	412294
Sbjct	18421	TGTTGTGATCAACCCTGGTTTAAAAATGTTTAAACTGAAAACAAAAAAGGGGGGGGAT	18480
Query	412295	ATGAAACATTTAATCAACGGGATCCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCCATCTGTG	412354
Sbjct	18481	ATGAAACATTTAATCAACGGGATCCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCCATCTGTG	18540

Query	412355	AAGGCTTACGGCTGAAC TAGTCGCTAGAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTA	412414
Sbjct	18541	AAGGCTTACGGCTGAAC TAGTCGCTAGAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTA	18600
Query	412415	AGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGC	412474
Sbjct	18601	AGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGC	18660
Query	412475	AGTCATATGTTATTTTAAAACATGACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCA	412534
Sbjct	18661	AGTCATATGTTATTTTAAAACATGACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCA	18720
Query	412535	TGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCT	412594
Sbjct	18721	TGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCT	18780
Query	412595	GTGTAATGGATAGGTGTGACATGAGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTG	412654
Sbjct	18781	GTGTAATGGATAGGTGTGACATGAGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTG	18840
Query	412655	ACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCA	412714
Sbjct	18841	ACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCA	18900
Query	412715	AGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTTCATATCTTCTGAAACCTTGTGGGGCAAACGTTAGAGA	412774
Sbjct	18901	AGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTTCATATCTTCTGAAACCTTGTGGGGCAAACGTTAGAGA	18960
Query	412775	TTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAG	412834
Sbjct	18961	TTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAG	19020
Query	412835	ATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAATATCTGAATAGAGCATAACCATAATTTAACGGCAGTA	412894
Sbjct	19021	ATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAATATCTGAATAGAGCATAACCATAATTTAACGGCAGTA	19080
Query	412895	GCAAAAATCCTATCAGACAGGATAAGAATGAAAGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTT	412954
Sbjct	19081	GCAAAAATCCTATCAGACAGGATAAGAATGAAAGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTT	19140
Query	412955	TGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAAC TGAA	413014
Sbjct	19141	TGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAAC TGAA	19200
Query	413015	CACAGGCCAGTCTTGTAATGGCTAGTCTGTGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACA	413074
Sbjct	19201	CACAGGCCAGTCTTGTAATGGCTAGTCTGTGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACA	19260
Query	413075	CGCATGCATGCATACACGCATGCACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTC	413134
Sbjct	19261	CGCATGCATGCATACACGCATGCACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTC	19320
Query	413135	TTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTCCACCTGG	413194
Sbjct	19321	TTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTCCACCTGG	19380
Query	413195	CATCTGCAAGTCCCTGACCACTGTTTCAGGCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGA	413254
Sbjct	19381	CATCTGCAAGTCCCTGACCACTGTTTCAGGCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGA	19440
Query	413255	GGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCATCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGA	413314
Sbjct	19441	GGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCATCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGA	19500
Query	413315	CAAACAGATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAGCTGTA tttttttttt CTTTTGAGCCTGCT	413374
Sbjct	19501	CAAACAGATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAGCTGTATTTTTTTTCTTTTGAGCCTGCT	19560
Query	413375	GCGGgcagagagcaggagcacagtcccaaacacacatacacacgcaggacacacagacag	413434
Sbjct	19561	GCGGGCAGAGAGCAGGAGCACAGTCCCAAACACACATACACACGAGGACACACAGACAG	19620
Query	413435	agacagagagaggggagagagagacagagaggggagacagaaagagagagtcattggagagag	413494
Sbjct	19621	AGACAGAGAGAGGGAGAGAGAGACAGAGAGGGAGACAGAAAGAGAGAGTCATGGAGAGAG	19680
Query	413495	atagagagactgagagtcagagagagagagacacagagagagagagacagagaaaaagag	413554
Sbjct	19681	ATAGAGAGACTGAGAGTCAGAGAGAGAGAGACACAGAGAGAGAGAGACAGAGAAAAAGAG	19740
Query	413555	agagacagagagagagtcagaggggagacagagacaaagatagagagatagagagagtcag	413614
Sbjct	19741	AGAGACAGAGAGAGAGTCAGAGGGAGACAGAGACAAAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCAG	19800
Query	413615	agaggagagacagaaggacagagaggcagacagagagagagaaagagagacagagagataga	413674
Sbjct	19801	AGAGGAGAGACAGAAGGACAGAGAGGCAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGACAGAGAGATAGA	19860
Query	413675	cagaggagaaacagagaaagacagtaagacagaggcagagtgacagagagagacagacag	413734

Sbjct	19861	CAGAGGAGAAAACAGAGAAAGACAGTAAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGAGAGACAGACAG	19920
Query	413735	acagatagtgcagagagactgaggagaaaagagaaaacagagagagacagagagacagagg	413794
Sbjct	19921	ACAGATAGTCAGAGAGACTGAGGAGAAAAGAGAAAACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGG	19980
Query	413795	cagagagacagacagagacagacagagagacagacaaaacggagagacagagagagaaata	413854
Sbjct	19981	CAGAGAGACAGACAGAGACAGACAGAGAGACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAGAAATA	20040
Query	413855	gaaagatagagagatatagagacacagagaaaagagagcgagaaaagagaaatacagaaaagc	413914
Sbjct	20041	GAAAGATAGAGAGATAGAGACACAGAGAAAGAGAGAGCGAGAAAGAGAAATACAGAAAGC	20100
Query	413915	aagagagagacagagagaggtccgtgagagacagagaccgaaagagacacagacagagaga	413974
Sbjct	20101	AAGAGAGAGACAGAGAGAGTCCGTGAGAGACAGAGACCGAAAGAGACACAGACAGAGAGA	20160
Query	413975	atagagacagacagagagacagagaggaatatagagagacaaaagaaagacagagagacagacag	414034
Sbjct	20161	ATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGGAATAGAGAGACAAAGAAAAGACAGAGAGACAGACAG	20220
Query	414035	agacagagagagagaaaagagagagatacagagagagacagagagacagagaaaagagaaaag	414094
Sbjct	20221	AGACAGAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGATACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAGAGAAAG	20280
Query	414095	acagagagacagagaaaagcaagagagagagagagagcgccagaaaacagagagagaatatagagaag	414154
Sbjct	20281	ACAGAGAGACAGAGAAAAGCAAGAGAGAGAGAGAGAGCCAGAAACAGAGAGAATAGAGAAG	20340
Query	414155	gagacatatagagagacagacagatggagacacacagagagaaaagagagagacagaaggaga	414214
Sbjct	20341	GAGACATAGAGAGACAGACAGATGGAGACACACAGAGAGAAAGAGAGAGACAGAAGGAGA	20400
Query	414215	aagagagacagagagacacagagaaaagacagagagaaaagggagagacagagaaaagagaaa	414274
Sbjct	20401	AAGAGAGACAGAGAGACACAGAGAAAAGACAGAGAGAAAAGGGAGAGACAGAGAAAAGAGAAA	20460
Query	414275	tagagaaaagcaagagacagagagagaccatgagagacagaggcgagagagagtgcagaggca	414334
Sbjct	20461	TAGAGAAAGCAAGAGACAGAGAGAGACCATGAGAGACAGAGGCAGAGAGAGTCAGAGGCA	20520
Query	414335	gagagaaatatgaaacagagagacagagagagaaatacagagacagagaaaatatagagagacag	414394
Sbjct	20521	GAGAGAATAGAAAACAGAGAGACAGAGAGAGAAAATACAGAGACAGAGAAAATAGAGAGACAG	20580
Query	414395	agagacacacacagagagagaaaaggagagacagaaggagaaaagagagacagagagacagag	414454
Sbjct	20581	AGAGACACACACAGAGAGAGAAAGGAGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGACAGAGAGACAGAG	20640
Query	414455	aaagagagatatagagagaatatagagtcagacagagacatatagacagatggagacacagagaga	414514
Sbjct	20641	AAAGAGAGATAGAGAGAATAGAGTCAGACAGAGACATAGACAGATGGAGACACAGAGAGA	20700
Query	414515	gaaagagagcgagacagaaggagaaaagagagagacagagaaaagaggagagacagaaggag	414574
Sbjct	20701	GAAAGAGAGCGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGAGACAGAGAAAAGAGGAGAGACAGAAGGAG	20760
Query	414575	aactagagagacagagagacagagaaaagcaagagagagatatagagacagagagaaacagaga	414634
Sbjct	20761	AACTAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAAGCAAGAGAGAGATAGAGACAGAGAGAAACAGAGA	20820
Query	414635	aagacagagacatatagacagacagatggagacacggaaaagagaaaagagagcaagacagaag	414694
Sbjct	20821	AAGACAGAGACATAGACAGACAGATGGAGACACGGAAAGAGAAAAGAGAGCAAGACAGAAG	20880
Query	414695	gagaaaagagagagagagagatatgggagagagagagacagagagCTAGCGAGCACTGGAAC	414754
Sbjct	20881	GAGAAAGAGAGAGAGAGAGATAGGGAGAGAGAGAGACAGAGAGCTAGCGAGCACTGGAAC	20940
Query	414755	ACTTGGGAGGGAAGATGGCTGCACACAGGGAAAAGAGAAGGTCTCTCTCAGCCAGTCTCCAG	414814
Sbjct	20941	ACTTGGGAGGGAAGATGGCTGCACACAGGGAAAAGAGAAGGTCTCTCTCAGCCAGTCTCCAG	21000
Query	414815	CAGGACTCAAGGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAG	414874
Sbjct	21001	CAGGACTCAAGGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAG	21060
Query	414875	AGGCTGCAAAGTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTG	414934
Sbjct	21061	AGGCTGCAAAGTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTG	21120
Query	414935	GGGGAATAAGAGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAagagtag	414994
Sbjct	21121	GGGGAATAAGAGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAAGAGTAG	21180
Query	414995	gggagaggggaatatgtggagagatggacaaaagggggaagagagtaagagcaagagagCAAC	415054
Sbjct	21181	GGGAGAGGGGAATGTGGAGAGATGGACAAAGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAAC	21240

Query	415055	AGAATGAGGAGGGGGCCATCAGCCCCCTTTATAGTGTGCATGCATACCTGGCTGTTGCCAG	415114
Sbjct	21241	AGAATGAGGAGGGGGCCATCAGCCCCCTTTATAGTGTGCATGCATACCTGGCTGTTGCCAG	21300
Query	415115	GTAAC <b>Tggggggggg</b> TGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCAT	415174
Sbjct	21301	GTAAC <b>TGGGGGGGGT</b> TGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCAT	21360
Query	415175	AACTGCAGGAATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCA	415234
Sbjct	21361	AACTGCAGGAATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCA	21420
Query	415235	TTTACAGGGTGAAGGTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACA	415294
Sbjct	21421	TTTACAGGGTGAAGGTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACA	21480
Query	415295	TCTTCACGTGGCAATACCTGGTTGAGAAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTC <b>ttttttt</b> GTTAT	415354
Sbjct	21481	TCTTCACGTGGCAATACCTGGTTGAGAAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTC <b>TTTTTTT</b> GTTAT	21540
Query	415355	GGGCCTCTCTGCTCCCCACCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTTGGCCCCCTTTGCC	415414
Sbjct	21541	GGGCCTCTCTGCTCCCCACCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTTGGCCCCCTTTGCC	21600
Query	415415	TTGCTTCCTCTTCTGCTCCCAAGGAGGATTTCTGTCCCCTTCTATGTTCTCATCATGC	415474
Sbjct	21601	TTGCTTCCTCTTCTGCTCCCAAGGAGGATTTCTGTCCCCTTCTATGTTCTCATCATGC	21660
Query	415475	CCTCTCTGCCACTACCTTCTCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCT	415534
Sbjct	21661	CCTCTCTGCCACTACCTTCTCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCT	21720
Query	415535	CCCCGACCCCACTTGGAGTCCACCTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTA	415594
Sbjct	21721	CCCCGACCCCACTTGGAGTCCACCTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTA	21780
Query	415595	CTAAGGCCTTACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCAAGATGTTTCAGG	415654
Sbjct	21781	CTAAGGCCTTACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCAAGATGTTTCAGG	21840
Query	415655	GGAATATGTGTTTCATGACACATGTGCCATTTGCAGGAACTGGCAGAAACCCCCCTCCCAT	415714
Sbjct	21841	GGAATATGTGTTTCATGACACATGTGCCATTTGCAGGAACTGGCAGAAACCCCCCTCCCAT	21900
Query	415715	TTT <b>T</b> AGATAGACCATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATT <b>CAGT</b> CATGTTGACTTACCTGG	415774
Sbjct	21901	TTT <b>T</b> AGATAGACCATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATT <b>CAGT</b> CATGTTGACTTACCTGG	21960
Query	415775	GATGAGTGT <b>CAGT</b> CAACCCAGGTGT <b>CAGCT</b> CTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAAAGA	415834
Sbjct	21961	GATGAGTGT <b>CAGT</b> CAACCCAGGTGT <b>CAGCT</b> CTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAAAGA	22020
Query	415835	GAGAGGGT <b>CT</b> TGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCT	415894
Sbjct	22021	GAGAGGGT <b>CT</b> TGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCT	22080
Query	415895	AGTTCAGGCTGATATAGGTGCAGCCTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAA	415954
Sbjct	22081	AGTTCAGGCTGATATAGGTGCAGCCTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAA	22140
Query	415955	TGCTGTTAAAGAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGCTCTGAGAGGCCACC	416014
Sbjct	22141	TGCTGTTAAAGAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGCTCTGAGAGGCCACC	22200
Query	416015	GGATAGCCCACAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCC	416074
Sbjct	22201	GGATAGCCCACAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCC	22260
Query	416075	AGGGAATATCTAGAGTTTTTTAAACCTGTAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCA	416134
Sbjct	22261	AGGGAATATCTAGAGTTTTTTAAACCTGTAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCA	22320
Query	416135	GAGAGTAACAGTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGT <b>TAA</b> CCAACTGCCCCTGACATCCTTT	416194
Sbjct	22321	GAGAGTAACAGTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGT <b>TAA</b> CCAACTGCCCCTGACATCCTTT	22380
Query	416195	TGAAAGCTTCAGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAA	416254
Sbjct	22381	TGAAAGCTTCAGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAA	22440
Query	416255	TGGCAAGACTGGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAAC <b>TG</b> ACATGGACACACCTGCATCAAGGA	416314
Sbjct	22441	TGGCAAGACTGGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAAC <b>TG</b> ACATGGACACACCTGCATCAAGGA	22500
Query	416315	TT <b>CAGG</b> ACTGCAGGCTGTTAGTGCCACTAAAGTATTAAACTGGACAGGAGCTGATCCAAT	416374
Sbjct	22501	TT <b>CAGG</b> ACTGCAGGCTGTTAGTGCCACTAAAGTATTAAACTGGACAGGAGCTGATCCAAT	22560
Query	416375	GCAGTCTCACATGAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGG	416434

Sbjct	22561	TCTCACATGAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGG	22620
Query	416435	CAGGCAGGACTTCTTTTGTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTT	416494
Sbjct	22621	CAGGCAGGACTTCTTTTGTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTT	22680
Query	416495	ACAGCAAGCCGCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAG	416554
Sbjct	22681	ACAGCAAGCCGCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAG	22740
Query	416555	ATACTAAGGCCTTTAGTTTAACTGGCTGGTGTCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCT	416614
Sbjct	22741	ATACTAAGGCCTTTAGTTTAACTGGCTGGTGTCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCT	22800
Query	416615	ATTTCTCTCTGCATTGGTGTCTATTAGGCAGCGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTG	416674
Sbjct	22801	ATTTCTCTCTGCATTGGTGTCTATTAGGCAGCGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTG	22860
Query	416675	GGGGCTTGTAACCTGGGGCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTG	416734
Sbjct	22861	GGGGCTTGTAACCTGGGGCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTG	22920
Query	416735	TTGGGGGTGTAACCTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGC	416794
Sbjct	22921	TTGGGGGTGTAACCTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGC	22980
Query	416795	CCAGGTTTTGTTgggggggtgggggctggggCGTAACCTGGAAACTAATGCCTGTTTGAAC	416854
Sbjct	22981	CCAGGTTTTGTTGGGGGGTGGGGGCTGGGGCGTAACCTGGAAACTAATGCCTGTTTGAAC	23040
Query	416855	CTGAGTTCAAACTTAGGGCAGGTTCTCTAAATGGAGTCTGGATTTAAAGATCTGGTCT	416914
Sbjct	23041	CTGAGTTCAAACTTAGGGCAGGTTCTCTAAATGGAGTCTGGATTTAAAGATCTGGTCT	23100
Query	416915	CTGAACCTATCACCTTGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTCAGCACCTGTGGGCCC	416974
Sbjct	23101	CTGAACCTATCACCTTGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTCAGCACCTGTGGGCCC	23160
Query	416975	ACCCCCAAATAACTGTGTTCTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCTAG	417034
Sbjct	23161	ACCCCCAAATAACTGTGTTCTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCTAG	23220
Query	417035	GAGGCCGCATGAGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACTTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGA	417094
Sbjct	23221	GAGGCCGCATGAGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACTTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGA	23280
Query	417095	AGGCAGGCCCAGCATTGTCTATCTTGAGGTCCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGC	417154
Sbjct	23281	AGGCAGGCCCAGCATTGTCTATCTTGAGGTCCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGC	23340
Query	417155	CAGCCAACATGCTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGGTGCAACAA	417214
Sbjct	23341	CAGCCAACATGCTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGGTGCAACAA	23400
Query	417215	CCCTAAAGCAAGTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAA	417274
Sbjct	23401	CCCTAAAGCAAGTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAA	23460
Query	417275	GGTCTTGAGCTAGCCAAAGCCTTATGAGGTCTTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGG	417334
Sbjct	23461	GGTCTTGAGCTAGCCAAAGCCTTATGAGGTCTTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGG	23520
Query	417335	ACCCTTAAGAGGAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCA	417394
Sbjct	23521	ACCCTTAAGAGGAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCA	23580
Query	417395	TTGGCCCTCCTAGAGAGTCACAAACCATTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACA	417454
Sbjct	23581	TTGGCCCTCCTAGAGAGTCACAAACCATTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACA	23640
Query	417455	GCAAAGGGGGTGCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCT	417514
Sbjct	23641	GCAAAGGGGGTGCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCT	23700
Query	417515	AAGAAGTTGGACCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACT	417574
Sbjct	23701	AAGAAGTTGGACCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACT	23760
Query	417575	GTCCTTCTAGTCAAAGATGCTGGCAACATAACCATGGGTGAGGGACTTGTTATCACTATC	417634
Sbjct	23761	GTCCTTCTAGTCAAAGATGCTGGCAACATAACCATGGGTGAGGGACTTGTTATCACTATC	23820
Query	417635	TCCCCTCCCCATGCTACTGAGGGGACCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCCAA	417694
Sbjct	23821	TCCCCTCCCCATGCTACTGAGGGGACCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCCAA	23880
Query	417695	CCCCAGTTGGTGCACTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCAT	417754
Sbjct	23881	CCCCAGTTGGTGCACTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCAT	23940

Query	417755	CTTCTGCCCTAAACCCAGCCATCCTCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTT	417814
Sbjct	23941	CTTCTGCCCTAAACCCAGCCATCCTCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTT	24000
Query	417815	GCTCTCTATATAGTACTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACC	417874
Sbjct	24001	GCTCTCTATATAGTACTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACC	24060
Query	417875	ACAGGGATAGGAGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGG	417934
Sbjct	24061	ACAGGGATAGGAGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGG	24120
Query	417935	ACTTGGACCTGTTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACCTCAGCTCAGAAAGCTGA	417994
Sbjct	24121	ACTTGGACCTGTTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACCTCAGCTCAGAAAGCTGA	24180
Query	417995	GCAAAAGGCTCTTACCCAGGCCTTAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACAC	418054
Sbjct	24181	GCAAAAGGCTCTTACCCAGGCCTTAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACAC	24240
Query	418055	TGACAGCAGATAGGACTAATAACTGCCCAAGGAAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATA	418114
Sbjct	24241	TGACAGCAGATAGGACTAATAACTGCCCAAGGAAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATA	24300
Query	418115	CTTGTTTTATTCAAACACTCTCAAAATGGCTATAGTTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAG	418174
Sbjct	24301	CTTGTTTTATTCAAACACTCTCAAAATGGCTATAGTTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAG	24360
Query	418175	ACAGGGATATCAGAAATTGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCT	418234
Sbjct	24361	ACAGGGATATCAGAAATTGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCT	24420
Query	418235	ACTCAAGCTGCCAACTCCTGATAGCTTTGCTGCCCAATGCACCTCCTAACCATCCCTGAGT	418294
Sbjct	24421	ACTCAAGCTGCCAACTCCTGATAGCTTTGCTGCCCAATGCACCTCCTAACCATCCCTGAGT	24480
Query	418295	ATACTACTGAAGACAAACAACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGAC	418354
Sbjct	24481	ATACTACTGAAGACAAACAACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGAC	24540
Query	418355	GGTTGCTGACCTCTGAAGGCTGTACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCC	418414
Sbjct	24541	GGTTGCTGACCTCTGAAGGCTGTACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCC	24600
Query	418415	ATCAGATCCATTAAACTTCACTGTTGGTCACTGCAAACCTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGC	418474
Sbjct	24601	ATCAGATCCATTAAACTTCACTGTTGGTCACTGCAAACCTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGC	24660
Query	418475	AAGGTACAAAATATTTGACTTAGGACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCAT	418534
Sbjct	24661	AAGGTACAAAATATTTGACTTAGGACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCAT	24720
Query	418535	CTGCCAGGCTGTGAACTCCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGG	418594
Sbjct	24721	CTGCCAGGCTGTGAACTCCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGG	24780
Query	418595	CTAATTGGGAAATAGACTACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTA	418654
Sbjct	24781	CTAATTGGGAAATAGACTACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTA	24840
Query	418655	ATTGTTATGGATACCTTTTTCAGGATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCC	418714
Sbjct	24841	ATTGTTATGGATACCTTTTTCAGGATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCC	24900
Query	418715	AAAATAGTGGGaaaaaaaGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCT	418774
Sbjct	24901	AAAATAGTGGGAAAAAAGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCT	24960
Query	418775	GCTTCGGTCTGACAATGAACCAGCATTCCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGT	418834
Sbjct	24961	GCTTCGGTCTGACAATGAACCAGCATTCCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGT	25020
Query	418835	TGAGATTCTGGGGAACCAATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTCAGGGC	418894
Sbjct	25021	TGAGATTCTGGGGAACCAATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTCAGGGC	25080
Query	418895	AAGTAGAAGGGATGAATCAGACCCTGAAGGAGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTG	418954
Sbjct	25081	AAGTAGAAGGGATGAATCAGACCCTGAAGGAGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTG	25140
Query	418955	GCAGCGACTGGGAATCTCTCCTACTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATA	419014
Sbjct	25141	GCAGCGACTGGGAATCTCTCCTACTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATA	25200
Query	419015	TTTTAGGTTTCTCTGCTTTTGTAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTAC	419074
Sbjct	25201	TTTTAGGTTTCTCTGCTTTTGTAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTAC	25260
Query	419075	CTCCAGTCGGTATCTTAGCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCC	419134



Sbjct	25261	CTCCAGTCGGTATCTTAGCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCC	25320
Query	419135	TCCATAGGATCTACACGCAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTC	419194
Sbjct	25321	TCCATAGGATCTACACGCAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTC	25380
Query	419195	TCCGTAGCCCCCATTACTTTGAACCATGTGACAAATCTGGATTAAACAGATATAACCACAA	419254
Sbjct	25381	TCCGTAGCCCCCATTACTTTGAACCATGTGACAAATCTGGATTAAACAGATATAACCACAA	25440
Query	419255	GACTCTGGAACCTTGCTGGAAAGGGCCTTACATCGTGTTCTTGACCACACATAGGGCTGA	419314
Sbjct	25441	GACTCTGGAACCTTGCTGGAAAGGGCCTTACATCGTGTTCTTGACCACACATAGGGCTGA	25500
Query	419315	TAAGGTGGACAGGATCAGAATGTGGATACATCACTCTCATGTTAACCTACGAGGAGAGA	419374
Sbjct	25501	TAAGGTGGACAGGATCAGAATGTGGATACATCACTCTCATGTTAACCTACGAGGAGAGA	25560
Query	419375	CGATCCAGCAGTCAAGGTCCCAGCACAAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGT	419434
Sbjct	25561	CGATCCAGCAGTCAAGGTCCCAGCACAAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGT	25620
Query	419435	TGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACATTTT	419494
Sbjct	25621	TGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACATTTT	25680
Query	419495	GCTGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACC	419554
Sbjct	25681	GCTGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACC	25740
Query	419555	TTGTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACTCC	419614
Sbjct	25741	TTGTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACTCC	25800
Query	419615	TCTCTCCCTGGACTTAATAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAAG	419674
Sbjct	25801	TCTCTCCCTGGACTTAATAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAAG	25860
Query	419675	AAGATATCCCCAACTGATTCCCGCCTCTCCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTA	419734
Sbjct	25861	AAGATATCCCCAACTGATTCCCGCCTCTCCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTA	25920
Query	419735	ACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTAGTACAC	419794
Sbjct	25921	ACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTAGTACAC	25980
Query	419795	CATGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGTAGGATGTCTCCAACCAGCTAGCACCTCCA	419854
Sbjct	25981	CATGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGTAGGATGTCTCCAACCAGCTAGCACCTCCA	26040
Query	419855	CACAATCAGGTCACTTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGCCCTATAGGGCTGGCTG	419914
Sbjct	26041	CACAATCAGGTCACTTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGCCCTATAGGGCTGGCTG	26100
Query	419915	GAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTAC	419974
Sbjct	26101	GAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTAC	26160
Query	419975	GGATAGAGATAGATACAGGAAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTC	420034
Sbjct	26161	GGATAGAGATAGATACAGGAAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTC	26220
Query	420035	TGAGAGAACAGAAGAGGCCTAGACTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCC	420094
Sbjct	26221	TGAGAGAACAGAAGAGGCCTAGACTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCC	26280
Query	420095	TTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCA	420154
Sbjct	26281	TTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCA	26340
Query	420155	GATTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTT	420214
Sbjct	26341	GATTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTT	26400
Query	420215	TGTTTTCAGAACAGTTTTTATTAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCCAACTGAGGGTG	420274
Sbjct	26401	TGTTTTCAGAACAGTTTTTATTAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCCAACTGAGGGTG	26460
Query	420275	AAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGA	420334
Sbjct	26461	AAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGA	26520
Query	420335	CTAAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGCCCTAAAGTAA	420394
Sbjct	26521	CTAAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGCCCTAAAGTAA	26580
Query	420395	GGACAATGGCTCAGCAACAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCCT	420454
Sbjct	26581	GGACAATGGCTCAGCAACAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCCT	26640

Query	420455	TAAGAGATAGAACAAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAATC	420514
Sbjct	26641	TAAGAGATAGAACAAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAATC	26700
Query	420515	CCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCCAGCCCCGaaaaaaaaaaaaaaaaaagaaccaaaaaaa	420574
Sbjct	26701	CCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCCAGCCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCAAAAAAA	26760
Query	420575	aaaaaaaGAGATATAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCC	420634
Sbjct	26761	AAAAAAGAGATATAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCC	26820
Query	420635	AGGCTCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGG	420694
Sbjct	26821	AGGCTCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGG	26880
Query	420695	GAATTCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAA	420754
Sbjct	26881	GAATTCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAA	26940
Query	420755	TGGGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCATTTACATGCTA	420814
Sbjct	26941	TGGGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCATTTACATGCTA	27000
Query	420815	CTTGAATCTGGATATCATTCTTCTTGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACA	420874
Sbjct	27001	CTTGAATCTGGATATCATTCTTCTTGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACA	27060
Query	420875	GGTACATGTACATACACATATGGGGAACTTACAGCTATTTTAAACCCTGGCCTCTTGT	420934
Sbjct	27061	GGTACATGTACATACACATATGGGGAACTTACAGCTATTTTAAACCCTGGCCTCTTGT	27120
Query	420935	AATGCTCTTGCAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATACCT	420994
Sbjct	27121	AATGCTCTTGCAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATACCT	27180
Query	420995	TCCTTACCCTTTTGCCGGACCATTGCCCTTCATATTTCACTGAAAATTTGGTTGATTACG	421054
Sbjct	27181	TCCTTACCCTTTTGCCGGACCATTGCCCTTCATATTTCACTGAAAATTTGGTTGATTACG	27240
Query	421055	GATGGGTCCCATGATTCTCTGAACATATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGA	421114
Sbjct	27241	GATGGGTCCCATGATTCTCTGAACATATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGA	27300
Query	421115	CTCCGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACTTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAATGAATA	421174
Sbjct	27301	CTCCGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACTTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAATGAATA	27360
Query	421175	GTGTTTACATCTATTTCCACACCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTG	421234
Sbjct	27361	GTGTTTACATCTATTTCCACACCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTG	27420
Query	421235	AGCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTCTGAAGGC	421294
Sbjct	27421	AGCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTCTGAAGGC	27480
Query	421295	CAGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTGTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACAT	421354
Sbjct	27481	CAGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTGTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACAT	27540
Query	421355	GCTATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGAAATATTTGCCTTGACTTATGG	421414
Sbjct	27541	GCTATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGAAATATTTGCCTTGACTTATGG	27600
Query	421415	CTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGGTGAGACTAAAGA	421474
Sbjct	27601	CTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGGTGAGACTAAAGA	27660
Query	421475	GCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAGATCCCA	421534
Sbjct	27661	GCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAGATCCCA	27720
Query	421535	ACGGAATGACTGTTAAGGGCATTTTGTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGC	421594
Sbjct	27721	ACGGAATGACTGTTAAGGGCATTTTGTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGC	27780
Query	421595	TTCTCTCTGCAGCGGATGGGAAATAATACAGAATgggggggTGGGGTAGAAACAGGGTGT	421654
Sbjct	27781	TTCTCTCTGCAGCGGATGGGAAATAATACAGAATGGGGGGGTGGGGTAGAAACAGGGTGT	27840
Query	421655	GGGGAGGGGAGAAGCTTTGGTACACTCATCCCTAAATGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCA	421714
Sbjct	27841	GGGGAGGGGAGAAGCTTTGGTACACTCATCCCTAAATGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCA	27900
Query	421715	GTCAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACCTGGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAA	421774
Sbjct	27901	GTCAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACCTGGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAA	27960
Query	421775	TGGAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTGGAGCAAAGCTCATATGAACT	421834

Sbjct	27961	TGGAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTCTGAGCAAAGCTCATATGAAGT	28020
Query	421835	CACAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCTTAGGTCTCTACCTCTGTGtatatatata	421894
Sbjct	28021	CACAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCTTAGGTCTCTACCTCTGTGTATATATA	28080
Query	421895	tatatGGGTTTCAGTTTAGTGTGTTGTATGGTATTTGTGAGGGGGTCTCTGATTCTTGTAC	421954
Sbjct	28081	TATATGGGTTTCAGTTTAGTGTGTTGTATGGTATTTGTGAGGGGGTCTCTGATTCTTGTAC	28140
Query	421955	CTActttttctttctttctttctttctttcttttttttAGTATGTTTTATCTTGTTATAATTTATT	422014
Sbjct	28141	CTACTTTTTCTTTCTTTTCTCTCTTTTCTTTTAGTATGTTTTATCTTGTTATAATTTATT	28200
Query	422015	ATTAAACATTAAAAGCCTGTTTTTTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAAAAGG	422074
Sbjct	28201	ATTAAACATTAAAAGCCTGTTTTTTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAAAAGG	28260
Query	422075	GACAGAATTGATGGATTACAGTATTGGGAAGTGAAGGAGGAGATACCATAATCAGGATAT	422134
Sbjct	28261	GACAGAATTGATGGATTACAGTATTGGGAAGTGAAGGAGGAGATACCATAATCAGGATAT	28320
Query	422135	ATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAAAAATAAACCAACCAATCAAAC	422194
Sbjct	28321	ATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAAAAATAAACCAACCAATCAAAC	28380
Query	422195	AAGAACAAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAAATGAAATGTCGCCTGCCTCCT	422254
Sbjct	28381	AAGAACAAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAAATGAAATGTCGCCTGCCTCCT	28440
Query	422255	CTGTGTCCTTCATATTTAATTACGCATTCAAGTACACTTTGTGCAACAATACATCAATTT	422314
Sbjct	28441	CTGTGTCCTTCATATTTAATTACGCATTCAAGTACACTTTGTGCAACAATACATCAATTT	28500
Query	422315	TACAACAATGATTGTATTTCAATTTCTCCCTACAGTGTGGAATCCATATTCTTCTGTTG	422374
Sbjct	28501	TACAACAATGATTGTATTTCAATTTCTCCCTACAGTGTGGAATCCATATTCTTCTGTTG	28560
Query	422375	CATAATGGCGGGTTTACATTTCTCTCAGCTTCTCTTTTGAAGGTACAAGTCATATTTAATA	422434
Sbjct	28561	CATAATGGCGGGTTTACATTTCTCTCAGCTTCTCTTTTGAAGGTACAAGTCATATTTAATA	28620
Query	422435	AGCCGTTCTGACCGCCATAGCTGATGTTGTCTGCTTTAGAAAAGCGGGCACGAAGTCTAA	422494
Sbjct	28621	AGCCGTTCTGACCGCCATAGCTGATGTTGTCTGCTTTAGAAAAGCGGGCACGAAGTCTAA	28680
Query	422495	ACAAGCATACGTATGTATTATTTGCTGGGTTGTAGAAGAAAGATCCACAGTACAGGCAA	422554
Sbjct	28681	ACAAGCATACGTATGTATTATTTGCTGGGTTGTAGAAGAAAGATCCACAGTACAGGCAA	28740
Query	422555	GTGACTTAAGAGCTTTAACGTTCAAAGCATGTTCTATGTTGCGTTTCGCCTGCCACTCTCT	422614
Sbjct	28741	GTGACTTAAGAGCTTTAACGTTCAAAGCATGTTCTATGTTGCGTTTCGCCTGCCACTCTCT	28800
Query	422615	ATTACCAGCCTGTATTGTAAGCATTTCCAGCAGATTTTGTCTGTGGTTTCATTCTTCCAG	422674
Sbjct	28801	ATTACCAGCCTGTATTGTAAGCATTTCCAGCAGATTTTGTCTGTGGTTTCATTCTTCCAG	28860
Query	422675	GGGGCGCAATGATCATTTCTGTGAGGCGCTACATAGTCTCAGAAAAGTCTGAGCTCCCAGC	422734
Sbjct	28861	GGGGCGCAATGATCATTTCTGTGAGGCGCTACATAGTCTCAGAAAAGTCTGAGCTCCCAGC	28920
Query	422735	ACCGCATTAAGCTCTGCCCTCCTCTTGAATATTCATTTCTGCAGGCTCAGTACGTCATA	422794
Sbjct	28921	ACCGCATTAAGCTCTGCCCTCCTCTTGAATATTCATTTCTGCAGGCTCAGTACGTCATA	28980
Query	422795	AATGATTCATGAGGAACGTGGATCAAGCTCCTCCCTTCCGTTTCCGGCCGGGCCAGCGCC	422854
Sbjct	28981	AATGATTCATGAGGAACGTGGATCAAGCTCCTCCCTTCCGTTTCCGGCCGGGCCAGCGCC	29040
Query	422855	ATCTTGTTTCCTCGTGTGAGGACGCGGACGCGCCTTTTGTGGAAGGAGTTTCTGAAAAAAC	422914
Sbjct	29041	ATCTTGTTTCCTCGTGTGAGGACGCGGACGCGCCTTTTGTGGAAGGAGTTTCTGAAAAAAC	29100
Query	422915	TGGTCAGGGACCTGAAGGTGGAGGCTGCACCATCCTGGGACCACGTCTTCGAGGAAGAGA	422974
Sbjct	29101	TGGTCAGGGACCTGAAGGTGGAGGCTGCACCATCCTGGGACCACGTCTTCGAGGAAGAGA	29160
Query	422975	AAGTACGAAGAGAGCGACAGGGAGCGCAAACAGGCACCAGCATTGGTAACAATCTGGGGC	423034
Sbjct	29161	AAGTACGAAGAGAGCGACAGGGAGCGCAAACAGGCACCAGCATTGGTAACAATCTGGGGC	29220
Query	423035	TCTGTGGTGGGGGCCTCGGGAGCCGTTGGGCCGTGACGCCAGGGCTTGTTGGTAGGGGCG	423094
Sbjct	29221	TCTGTGGTGGGGGCCTCGGGAGCCGTTGGGCCGTGACGCCAGGGCTTGTTGGTAGGGGCG	29280
Query	423095	GCCTGGCAGGGACAGTACAGTGAAGGGATTCTATCAGGTTAAGGAACTCCGTTTAATGC	423154
Sbjct	29281	GCCTGGCAGGGACAGTACAGTGAAGGGATTCTATCAGGTTAAGGAACTCCGTTTAATGC	29340

Query	423155	CCTTATCCTAGATT CAGGGGCAACAGGCAGGTAGGCAGAATGGGGTCCGGAGA	423214
Sbjct	29341	CCTTATCCTAGATT CAGGGGCAACAGGCAGGTAGGCAGAATGGGGTCCGGAGAGGTGGGG	29400
Query	423215	gtggcgggtgggggtgggggtggcgggtgggggtggcgggtgggggtgggggtgggggtggcg	423274
Sbjct	29401	GTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGCGGTGGGGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGGGGTGGCG	29460
Query	423275	gtgggggtggcgggtggcgggtgggggtgggggtggcgggtggcgggtgggggtgggggtgggA	423334
Sbjct	29461	GTGGGGGTGGCGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGCGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGGA	29520
Query	423335	GAATCGACATGCTTGGGGATCTCCAGTCTTGGGTCAACCTCTCTAACCGCAGCCATCCCT	423394
Sbjct	29521	GAATCGACATGCTTGGGGATCTCCAGTCTTGGGTCAACCTCTCTAACCGCAGCCATCCCT	29580
Query	423395	CCTTTTCCTCGTTTTTTTATAAAGCGTTTTCTCGATTTTTAATACGTCAGCAACATAGGT	423454
Sbjct	29581	CCTTTTCCTCGTTTTTTTATAAAGCGTTTTCTCGATTTTTAATACGTCAGCAACATAGGT	29640
Query	423455	TCCTCTAAAATCATTTTGGTGTGTGGAAGGGGATTGTGAGTTGGTTATCATGGCATATAG	423514
Sbjct	29641	TCCTCTAAAATCATTTTGGTGTGTGGAAGGGGATTGTGAGTTGGTTATCATGGCATATAG	29700
Query	423515	GCAATAAGATATGGGGTGTATTAAATTTGTGCAGTTAATATAATTAAGATAAAAGTAGAC	423574
Sbjct	29701	GCAATAAGATATGGGGTGTATTAAATTTGTGCAGTTAATATAATTAAGATAAAAGTAGAC	29760
Query	423575	AAAAAGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCC	423634
Sbjct	29761	AAAAAGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCC	29820
Query	423635	TGGGTTTCGGTCCCCAGCTCCG	423694
Sbjct	29821	TGGGTTTCGGTCCCCAGCTCCG	29880
Query	423695	GACAAATTGCTgtttttgtttctttgttgtttggggatttgttttgtttttgttgtttttc	423754
Sbjct	29881	GACAAATTGCTGTTTTGTTTCTTTGTTGTTTGGGGATTGTTTTGTTTTTGTGTTTTTC	29940
Query	423755	tttgggttttattttgtttgggttatcatttttcattttCCTAGAGAAAAACACCAGGATTT	423814
Sbjct	29941	TTTGGTTTTATTTTGTTTGGTTATCATTTTTTCATTTTCTAGAGAAAAACACCAGGATTT	30000
Query	423815	TAGACATAGAGTTAGCAGTGATTACCTAGGCTTGACATCTTTGTCATGGATTTGCCTGT	423874
Sbjct	30001	TAGACATAGAGTTAGCAGTGATTACCTAGGCTTGACATCTTTGTCATGGATTTGCCTGT	30060
Query	423875	TCCTCTGGTCCAGCACAGACATAATGTTTTACATGAGATCTGTCTTGAGATGGATTTTC	423934
Sbjct	30061	TCCTCTGGTCCAGCACAGACATAATGTTTTACATGAGATCTGTCTTGAGATGGATTTTC	30120
Query	423935	ACGTCAGAGTAGTAGTGCCACATACCACCCTGAAAAGACTTCTTAGAGCCAGTCTGTAG	423994
Sbjct	30121	ACGTCAGAGTAGTAGTGCCACATACCACCCTGAAAAGACTTCTTAGAGCCAGTCTGTAG	30180
Query	423995	ACATTTTGTGTGAGTGACTTAGACTTGTCTGCCTTTGTGGTATAGTCTCCACTTTTCCTT	424054
Sbjct	30181	ACATTTTGTGTGAGTGACTTAGACTTGTCTGCCTTTGTGGTATAGTCTCCACTTTTCCTT	30240
Query	424055	AGTCGCTTGACTCACTCAGCAGATTAACTTTAGTTATGTGAAGAACTTCCCAAAGACTA	424114
Sbjct	30241	AGTCGCTTGACTCACTCAGCAGATTAACTTTAGTTATGTGAAGAACTTCCCAAAGACTA	30300
Query	424115	GACTGGAATTTTGGAGGGTATAGTCCATCTGCTGTCACTCTCCAGTCTGATTTGTCAG	424174
Sbjct	30301	GACTGGAATTTTGGAGGGTATAGTCCATCTGCTGTCACTCTCCAGTCTGATTTGTCAG	30360
Query	424175	GGCTCTGTAATTCTTATCCTTTCACCTGGCCCTTCCTTCCCTACTTCTCTGGCAGCATATA	424234
Sbjct	30361	GGCTCTGTAATTCTTATCCTTTCACCTGGCCCTTCCTTCCCTACTTCTCTGGCAGCATATA	30420
Query	424235	ATGTGGAATTTCTGTTTTATTGTTT	424294
Sbjct	30421	ATGTGGAATTTCTGTTTTATTGTTT	30480
Query	424295	TCTGCTCACTGATTCTTTTGGATATAAACTGTTAACTTCTGATATACCCTTTGTAGCAT	424354
Sbjct	30481	TCTGCTCACTGATTCTTTTGGATATAAACTGTTAACTTCTGATATACCCTTTGTAGCAT	30540
Query	424355	CCTTGCAAGCTTTACAGCAAGTAAACCATCAGGATGAGCTATGAATGAACTGGGATCAG	424414
Sbjct	30541	CCTTGCAAGCTTTACAGCAAGTAAACCATCAGGATGAGCTATGAATGAACTGGGATCAG	30600
Query	424415	CCTGATGTTGGAAGTGGTCTTGGGCCAAGATTTTCGGAGTCTGTCTTGTCTTGGAGCTC	424474
Sbjct	30601	CCTGATGTTGGAAGTGGTCTTGGGCCAAGATTTTCGGAGTCTGTCTTGTCTTGGAGCTC	30660
Query	424475	ACAGAGCACAAATTTGGAGATACGCGTCTCTAATAATAATAATTCAGTCCCAAGTACACAA	424534

Sbjct	30661	AGCACAATTTTGGAGATACGCGTTCTAATAATAATAATTAGTCCCAAGTACACAA	30720
Query	424535	CAAATTTAAGACACTGAGATTCTTTACAAAGTACACCCTGACtttttttttttCCACAAGG	424594
Sbjct	30721	CAAATTTAAGACACTGAGATTCTTTACAAAGTACACCCTGACTTTTTTTTTTCCACAAGG	30780
Query	424595	ATGGGACTTATTGATTAGAATAGTGCCAGAGATCTAGGGCCATTGACCTGGCCCTGAGGT	424654
Sbjct	30781	ATGGGACTTATTGATTAGAATAGTGCCAGAGATCTAGGGCCATTGACCTGGCCCTGAGGT	30840
Query	424655	AGCATAGGAACCACTGAGGCTGTTGATAAGTACAGTCACATCACTCATAAGAATGGCTTT	424714
Sbjct	30841	AGCATAGGAACCACTGAGGCTGTTGATAAGTACAGTCACATCACTCATAAGAATGGCTTT	30900
Query	424715	TATGGCCTAGAAGCAATGTGCAGGATTTAGAGAGAAAGGTTCTGGAATGGGTAAAACAAT	424774
Sbjct	30901	TATGGCCTAGAAGCAATGTGCAGGATTTAGAGAGAAAGGTTCTGGAATGGGTAAAACAAT	30960
Query	424775	TTCTGGGTTACGGGTGGCTCATCAGCAAAATGTCACCATGGTGTAAACTACACCTATTCC	424834
Sbjct	30961	TTCTGGGTTACGGGTGGCTCATCAGCAAAATGTCACCATGGTGTAAACTACACCTATTCC	31020
Query	424835	TAGCATTCCAGGAGGAAGACAGGTAAACATCTCTTTCCTTTGAAGGATGCCTGTTTGCTT	424894
Sbjct	31021	TAGCATTCCAGGAGGAAGACAGGTAAACATCTCTTTCCTTTGAAGGATGCCTGTTTGCTT	31080
Query	424895	GTTTAACTTTTCTGGTTTCTCTAGTGCTTATCTCTGTGCACAAACACTTTTTGCCCTCTA	424954
Sbjct	31081	GTTTAACTTTTCTGGTTTCTCTAGTGCTTATCTCTGTGCACAAACACTTTTTGCCCTCTA	31140
Query	424955	CACTGACCATGAAGAGCTACATTAGTTTGACTTATGTCAGATATACAGATTCAGTGCTTT	425014
Sbjct	31141	CACTGACCATGAAGAGCTACATTAGTTTGACTTATGTCAGATATACAGATTCAGTGCTTT	31200
Query	425015	TTCTCTCACAGAAGGGTAGCGAGGCACACTCGCACGCACACAGACAAAACTTTTGTGAAG	425074
Sbjct	31201	TTCTCTCACAGAAGGGTAGCGAGGCACACTCGCACGCACACAGACAAAACTTTTGTGAAG	31260
Query	425075	AGAATGTTTCTGCCACAGGCGCTCAGCTGTGATGTTCCCTAtttttttCAGATGTCCAGC	425134
Sbjct	31261	AGAATGTTTCTGCCACAGGCGCTCAGCTGTGATGTTCCCTATTTTTTCAGATGTCCAGC	31320
Query	425135	TCGGTCCTGTCCAAGAAACGCAGAGTGTCTGGACCTGACTCTGAGGTGGATTCTAGTTGG	425194
Sbjct	31321	TCGGTCCTGTCCAAGAAACGCAGAGTGTCTGGACCTGACTCTGAGGTGGATTCTAGTTGG	31380
Query	425195	CCTTCTACCCATTCTGTGATGTTTGGCGCACCCCCAGGGCCAAACAGCGTGAGTATGGCT	425254
Sbjct	31381	CCTTCTACCCATTCTGTGATGTTTGGCGCACCCCCAGGGCCAAACAGCGTGAGTATGGCT	31440
Query	425255	TTTGTCAAGATGAAACTCTCAGCGGAGGTGGTGAAGTACCTCTGTGTTTTTCCAAATGTC	425314
Sbjct	31441	TTTGTCAAGATGAAACTCTCAGCGGAGGTGGTGAAGTACCTCTGTGTTTTTCCAAATGTC	31500
Query	425315	TAAGTCTCATTACTGTTTTATCTCCCTGGAACCTCTGTGCTCATCTTTAGGGAATGTCAA	425374
Sbjct	31501	TAAGTCTCATTACTGTTTTATCTCCCTGGAACCTCTGTGCTCATCTTTAGGGAATGTCAA	31560
Query	425375	AAAACAAGGAAATGGATATAGATGAAAGCCTTTACTCCC GCCAGCTGTGAGTGGTACCCA	425434
Sbjct	31561	AAAACAAGGAAATGGATATAGATGAAAGCCTTTACTCCC GCCAGCTGTGAGTGGTACCCA	31620
Query	425435	GGATGGGAGGTGGAGATTGGGAAGAAGTACCTAGCGGGGCAGACCCTAACCTAGAGTTCT	425494
Sbjct	31621	GGATGGGAGGTGGAGATTGGGAAGAAGTACCTAGCGGGGCAGACCCTAACCTAGAGTTCT	31680
Query	425495	TTGCTGACAGGTATGTACTAGGTCATGAGGCAATGAAACATCTCCAGACGTCCAGTGTAC	425554
Sbjct	31681	TTGCTGACAGGTATGTACTAGGTCATGAGGCAATGAAACATCTCCAGACGTCCAGTGTAC	31740
Query	425555	TGATATCAGGCCTGCAGGGTCTGGGTGTGGAAATTGCCAAGAATATCATCCTTGGTGGGG	425614
Sbjct	31741	TGATATCAGGCCTGCAGGGTCTGGGTGTGGAAATTGCCAAGAATATCATCCTTGGTGGGG	31800
Query	425615	TCAAGGCTGTCACTCTCCATGACCAGGGCACTGCCAGTGGGCTGATCTGTCTTCCCAGG	425674
Sbjct	31801	TCAAGGCTGTCACTCTCCATGACCAGGGCACTGCCAGTGGGCTGATCTGTCTTCCCAGG	31860
Query	425675	TATCTCTCTTTGGCTTCCCTTTGCCTAGGCTCCAGCATGGGCACTGCTTATGTTGCAGTC	425734
Sbjct	31861	TATCTCTCTTTGGCTTCCCTTTGCCTAGGCTCCAGCATGGGCACTGCTTATGTTGCAGTC	31920
Query	425735	TTATCTTCTTATCCCATTTCTACAGTTCTACCTGCATGAGGAAGATATTGGCAAAAATCG	425794
Sbjct	31921	TTATCTTCTTATCCCATTTCTACAGTTCTACCTGCATGAGGAAGATATTGGCAAAAATCG	31980
Query	425795	AGCTGAGGTATCCCAACCACGCCTTGCTGAACTCAACAGTTATGTTCTGTGCACACTTA	425854
Sbjct	31981	AGCTGAGGTATCCCAACCACGCCTTGCTGAACTCAACAGTTATGTTCTGTGCACACTTA	32040

Query	425855	CACTGGACCTCTAGTTGACGACTTCCTTAGTGGTTTTTCAGGTATCCTGGTACTAGTATAT	425914
Sbjct	32041	CACTGGACCTCTAGTTGACGACTTCCTTAGTGGTTTTTCAGGTATCCTGGTACTAGTATAT	32100
Query	425915	CCCCATTCTTGCTGCCTTATTCTTTTCAGCTTTGTTGTCATTTAGGCTGGCACCTTCTGAC	425974
Sbjct	32101	CCCCATTCTTGCTGCCTTATTCTTTTCAGCTTTGTTGTCATTTAGGCTGGCACCTTCTGAC	32160
Query	425975	AGGTTTAGTTTTTGAAAATTAGGAGATGTAGGTGGCCCCAGAGGGGCAGATTCTTCTCAA	426034
Sbjct	32161	AGGTTTAGTTTTTGAAAATTAGGAGATGTAGGTGGCCCCAGAGGGGCAGATTCTTCTCAA	32220
Query	426035	AAGGGTGTGTGTTTATAGTGAGATCTGGAGCCCAGCACCTGCATGTATAATTCTCAGAC	426094
Sbjct	32221	AAGGGTGTGTGTTTATAGTGAGATCTGGAGCCCAGCACCTGCATGTATAATTCTCAGAC	32280
Query	426095	TGTCGTATGAGCAGGTGTGATGAGAGCAAACCCAGGTTGACTGGGTAATTATTGTTGAAT	426154
Sbjct	32281	TGTCGTATGAGCAGGTGTGATGAGAGCAAACCCAGGTTGACTGGGTAATTATTGTTGAAT	32340
Query	426155	ATAACCTGGCTGTAGGTAGCCAAGCTGTCTTATTTTCACCAGATAAATGAACTTAGCTGG	426214
Sbjct	32341	ATAACCTGGCTGTAGGTAGCCAAGCTGTCTTATTTTCACCAGATAAATGAACTTAGCTGG	32400
Query	426215	TCATCAGACCTTGTTTGTCCAGCAGTGCTATTATTCTTGCTGTAGTTGGTAGTGTTTTTT	426274
Sbjct	32401	TCATCAGACCTTGTTTGTCCAGCAGTGCTATTATTCTTGCTGTAGTTGGTAGTGTTTTTT	32460
Query	426275	AAAGCTGTTCTCTGACCCTTATTATGTCTGATACCCATTGAGACTCACTCGAGTGTCAT	426334
Sbjct	32461	AAAGCTGTTCTCTGACCCTTATTATGTCTGATACCCATTGAGACTCACTCGAGTGTCAT	32520
Query	426335	GTGACAAAAGGCTGAGCCAGCAGATCCTGGAGATTGGATTCTTCCCCCTTCTCCTTCACC	426394
Sbjct	32521	GTGACAAAAGGCTGAGCCAGCAGATCCTGGAGATTGGATTCTTCCCCCTTCTCCTTCACC	32580
Query	426395	TCTGTCAGCTTTTTTATTCTCTCGCTCCACCCTAAACCTGAGCCTGTTGGTCTTTACAGG	426454
Sbjct	32581	TCTGTCAGCTTTTTTATTCTCTCGCTCCACCCTAAACCTGAGCCTGTTGGTCTTTACAGG	32640
Query	426455	TGGTGGTTCTTACCAACACTCCTTTGGAATATCAGCTGCAGGTGGGTGAATTCTGCCATA	426514
Sbjct	32641	TGGTGGTTCTTACCAACACTCCTTTGGAATATCAGCTGCAGGTGGGTGAATTCTGCCATA	32700
Query	426515	GCCATGGAATCAAGCTGGTAGTAGCAGACACTCGGGGCCTAGTTGGGTGAGTGCTTACTT	426574
Sbjct	32701	GCCATGGAATCAAGCTGGTAGTAGCAGACACTCGGGGCCTAGTTGGGTGAGTGCTTACTT	32760
Query	426575	GCTTCTTTCTTCTCTAACTTCTACCAAAACATAGGCCAAGAGTCTCCAAGCCTTCATGTC	426634
Sbjct	32761	GCTTCTTTCTTCTCTAACTTCTACCAAAACATAGGCCAAGAGTCTCCAAGCCTTCATGTC	32820
Query	426635	CTCCCCACCAACCAGATTGAAATGAtttttcatttttCCTGTGTGTTTGAGCATGA	426694
Sbjct	32821	CTCCCCACCAACCAGATTGAAATGATTTTTTCATTTTTTCCCTGTGTGTTTGAGCATGA	32880
Query	426695	CCTGATCTGCTCCAGTACCTTGAGTGTGAGAAGGTCTGTACTTGGTCCAAATCACCACG	426754
Sbjct	32881	CCTGATCTGCTCCAGTACCTTGAGTGTGAGAAGGTCTGTACTTGGTCCAAATCACCACG	32940
Query	426755	CCCATTGCCTCCTTCTTAGACAACCTCTTCTGTGACTTTGGAGAGGAAATGATTCTCACT	426814
Sbjct	32941	CCCATTGCCTCCTTCTTAGACAACCTCTTCTGTGACTTTGGAGAGGAAATGATTCTCACT	33000
Query	426815	GATGCAAATGGAGAACAGCCACTCAGTGCTATGGTTTCAATGATCACTAAGGTAAGGAGA	426874
Sbjct	33001	GATGCAAATGGAGAACAGCCACTCAGTGCTATGGTTTCAATGATCACTAAGGTAAGGAGA	33060
Query	426875	CTAGCCCCTTAGGTCTCTGCAAAGAAAGGCAGTTACtttttttttttccctttcccttttc	426934
Sbjct	33061	CTAGCCCCTTAGGTCTCTGCAAAGAAAGGCAGTTACTTTTTTTTTTCCCTTCTCCTTTTC	33120
Query	426935	cttttctctccacctcctttttccacctctctcctctcctttctccctattttt	426994
Sbjct	33121	CTTTTCTCTCACCCCTCCTTTTTCCACCCTCTCTCCTCTCCTTCTCCTTCTCACCTATTTT	33180
Query	426995	gtcttgagaattcctctccctttctttttccCATTCCCTCTCAtttttttttAAAGATTTA	427054
Sbjct	33181	GTCTTGAGAATTCCTCTCCCTTTCTTTTCCATTCCCTCTCATTTTTTTTTTAAAGATTTA	33240
Query	427055	TTTATTTATTATATATAAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGATACACCAGAAGAGGGCATCA	427114
Sbjct	33241	TTTATTTATTATATATAAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGATACACCAGAAGAGGGCATCA	33300
Query	427115	GATCTCTTTACAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAATTGAACTCATGACCT	427174
Sbjct	33301	GATCTCTTTACAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAATTGAACTCATGACCT	33360
Query	427175	CTGGAAGAGCAGTCGGGTGCTCTTAACTGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCTCCCTCTCAtt	427234

Sbjct	33361	CTGGAAGAGCAGTCGGGTGCTCTTAACTGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCTCCCTCTCATT	33420
Query	427235	tttttATTCTTTTCCCGTTCCCTTCTCCTTCCTTCCCTGTCTCACCTAACAAATTGAA	427294
Sbjct	33421	TTTTTATTCTTTTCCCGTTCCCTTCTCCTTCCTTCCCTGTCTCACCTAACAAATTGAA	33480
Query	427295	CTTGGGATCTACCACTAAATAGGTGAGTAGCCTGTCACTGAGGTAAATTAAAACTCCTTA	427354
Sbjct	33481	CTTGGGATCTACCACTAAATAGGTGAGTAGCCTGTCACTGAGGTAAATTAAAACTCCTTA	33540
Query	427355	GTGGCTGTCAGCCTGCCCTTGACTGAAAATCCTGGGTGGTTTTTCACCTGTTTGTTCCTTG	427414
Sbjct	33541	GTGGCTGTCAGCCTGCCCTTGACTGAAAATCCTGGGTGGTTTTTCACCTGTTTGTTCCTTG	33600
Query	427415	GGTGATTTTTAAGGCTAGGGTGAACCTTCTGCCTCAGTTTCCACAGTGGTGGGACTATAAG	427474
Sbjct	33601	GGTGATTTTTAAGGCTAGGGTGAACCTTCTGCCTCAGTTTCCACAGTGGTGGGACTATAAG	33660
Query	427475	CATGCCACACTGTACGTACATAGCTTAACTCTCAATCtttttcttttcttttctttt	427534
Sbjct	33661	CATGCCACACTGTACGTACATAGCTTAACTCTCAATCTTTTTCTTTTCTTTTCTTTT	33720
Query	427535	cTCCCTAACCAGGAGAATCCAGGGATTGTCACCTGCTTGGAGGAAACCCGGCATGGATTT	427594
Sbjct	33721	CTCCCTAACCAGGAGAATCCAGGGATTGTCACCTGCTTGGAGGAAACCCGGCATGGATTT	33780
Query	427595	GAAAGTGGTGACTTTGTCTCTTTACAGAAAGTTCAAGGCATGAGTGAACCTGAATGGCATT	427654
Sbjct	33781	GAAAGTGGTGACTTTGTCTCTTTACAGAAAGTTCAAGGCATGAGTGAACCTGAATGGCATT	33840
Query	427655	GGTCCTATGGAGATCAAAGTTCTGGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGG	427714
Sbjct	33841	GGTCCTATGGAGATCAAAGTTCTGGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGG	33900
Query	427715	TGGCAGAGGACAAAGGGAAGGTTGGCCCTGTGATGTGGGCTTGTCTCAGAAGCTAAGAGG	427774
Sbjct	33901	TGGCAGAGGACAAAGGGAAGGTTGGCCCTGTGATGTGGGCTTGTCTCAGAAGCTAAGAGG	33960
Query	427775	TCACTCTAGAACTTTCCCAGCAGACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCTGA	427834
Sbjct	33961	TCACTCTAGAACTTTCCCAGCAGACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCTGA	34020
Query	427835	GTGCTGATTCTGAGTGCTGGCATTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTT	427894
Sbjct	34021	GTGCTGATTCTGAGTGCTGGCATTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTT	34080
Query	427895	GTGTTTCCCACCTCCACTGTGGGAGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAG	427954
Sbjct	34081	GTGTTTCCCACCTCCACTGTGGGAGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAG	34140
Query	427955	ACAGCCCACTTATTCTTGTTTCTTATTCCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTATT	428014
Sbjct	34141	ACAGCCCACTTATTCTTGTTTCTTATTCCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTATT	34200
Query	428015	TTAGACAATTAAATCTTCTCTTTTAAGCTATAAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCT	428074
Sbjct	34201	TTAGACAATTAAATCTTCTCTTTTAAGCTATAAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCT	34260
Query	428075	AGTGTGTGTGATTACTAAGCTAGGTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCA	428134
Sbjct	34261	AGTGTGTGTGATTACTAAGCTAGGTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCA	34320
Query	428135	TCACAACTGTAATGAGATCTCATGCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACTACAGTGTA	428194
Sbjct	34321	TCACAACTGTAATGAGATCTCATGCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACTACAGTGTA	34380
Query	428195	CTTATATAGAATAAGTAAATAAAATTTTGTAGtttttttctttttAAAGaaaaaaaaaaaa	428254
Sbjct	34381	CTTATATAGAATAAGTAAATAAAATTTTGTAGTTTTTTTCTTTTAAAGAAAAAAAAAAAA	34440
Query	428255	GGAAAATTGGGTGTCACTGTGGATGATGTCGTTACCTGTAGCTGGCACTCAGGAGGTG	428314
Sbjct	34441	GGAAAATTGGGTGTCACTGTGGATGATGTCGTTACCTGTAGCTGGCACTCAGGAGGTG	34500
Query	428315	GTGGATGCAGGAGTATTAGAAGTTCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCC	428374
Sbjct	34501	GTGGATGCAGGAGTATTAGAAGTTCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCC	34560
Query	428375	ATTTGAATCCCTGTCTCCGAATGAACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACA	428434
Sbjct	34561	ATTTGAATCCCTGTCTCCGAATGAACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACA	34620
Query	428435	AGTACAGGGtttttggttttttttttttCTTCTCTTtagtCACTAGATGTTAGTAAAGT	428494
Sbjct	34621	AGTACAGGGTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTCTTCTCTTtagtCACTAGATGTTAGTAAAGT	34680
Query	428495	ACTGGACATTAATATAGCAAATCAGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTT	428554
Sbjct	34681	ACTGGACATTAATATAGCAAATCAGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTT	34740

Query	428555	GAGTTTCAGCCCCAGAAACTGTGTAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGTATCTTTACAG	428614
Sbjct	34741	GAGTTTCAGCCCCAGAAACTGTGTAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGTATCTTTACAG	34800
Query	428615	AGCTTGTGCGTAGCGCCTGGGAGATGGAGACAAGTAGatttctttttgtcttgttttaa	428674
Sbjct	34801	AGCTTGTGCGTAGCGCCTGGGAGATGGAGACAAGTAGATTTC'TTTTGTCTTGT'TTTTAA	34860
Query	428675	tttattctatttttgcacgtgtgtatatatgtttttgGGGTATGTCTGAGACATACAGAC	428734
Sbjct	34861	TTTATTCTATTTTGCATGTGTGTATATATGTTTTTGGGTATGTCTGAGACATACAGAC	34920
Query	428735	ACTTGTGAGTGGCCAGAGAGCAGGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAG	428794
Sbjct	34921	ACTTGTGAGTGGCCAGAGAGCAGGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAG	34980
Query	428795	ACAGAGGAGACATCTGTTCCCTCCCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGA	428854
Sbjct	34981	ACAGAGGAGACATCTGTTCCCTCCCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGA	35040
Query	428855	TGTGTCAGTTCCCCAGCACCTGGAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCT	428914
Sbjct	35041	TGTGTCAGTTCCCCAGCACCTGGAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCT	35100
Query	428915	GTTTGGTATGGGTAGCCCTCAGCTAGCTTTGAACTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGT	428974
Sbjct	35101	GTTTGGTATGGGTAGCCCTCAGCTAGCTTTGAACTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGT	35160
Query	428975	GATAGTTGTGTACTCCCATGCCTTTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTAT	429034
Sbjct	35161	GATAGTTGTGTACTCCCATGCCTTTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTAT	35220
Query	429035	CGCTTTGCTtttttttGCTTGCTTGTGTGCTTGCTCACTTGTCCTATCTGAGTAGAGTTT	429094
Sbjct	35221	CGCTTTGCTTTTTTTGCTTGCTTGTGTGCTTGCTCACTTGTCCTATCTGAGTAGAGTTT	35280
Query	429095	GCAGTTTTTAAAAACCTGGTGTGTCTTAAGACTTGGAATGAGTTTTTTGTACTTGACG	429154
Sbjct	35281	GCAGTTTTTAAAAACCTGGTGTGTCTTAAGACTTGGAATGAGTTTTTTGTACTTGACG	35340
Query	429155	TTGAGAGGGTGGCAAGGGCACGATTGGACTGGAAGTGTTCTCCATCTTGTTGATCTTTCA	429214
Sbjct	35341	TTGAGAGGGTGGCAAGGGCACGATTGGACTGGAAGTGTTCTCCATCTTGTTGATCTTTCA	35400
Query	429215	GGTCCCTATTCTTTAGTATCTGTGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGC	429274
Sbjct	35401	GGTCCCTATTCTTTAGTATCTGTGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGC	35460
Query	429275	ATTGTCAGTCAAGTGAAAGTATCTCAGAAGATCAGTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCT	429334
Sbjct	35461	ATTGTCAGTCAAGTGAAAGTATCTCAGAAGATCAGTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCT	35520
Query	429335	GTGAATGGAAGGACTCCTGCTTTTGAGATTATACGTTGTTTATATCTGGTTTTGATGCT	429394
Sbjct	35521	GTGAATGGAAGGACTCCTGCTTTTGAGATTATACGTTGTTTATATCTGGTTTTGATGCT	35580
Query	429395	TCGTTATCCACAGAAATCCCTAGTTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGA	429454
Sbjct	35581	TCGTTATCCACAGAAATCCCTAGTTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGA	35640
Query	429455	TTTTGCTAAGTGCTGTGCGCCTGCTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTT	429514
Sbjct	35641	TTTTGCTAAGTGCTGTGCGCCTGCTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTT	35700
Query	429515	CTGTACTIONCAGCACAGCAGGCTCCTCGGCCCCATAATGAGGTAAATGAGTGGGAAGCCAG	429574
Sbjct	35701	CTGTACTIONCAGCACAGCAGGCTCCTCGGCCCCATAATGAGGTAAATGAGTGGGAAGCCAG	35760
Query	429575	CCCGGGACCTCTGGTATGTCTGTTTCTTGTACCTGTTCTTCTGCAGTAGGACCTGATAG	429634
Sbjct	35761	CCCGGGACCTCTGGTATGTCTGTTTCTTGTACCTGTTCTTCTGCAGTAGGACCTGATAG	35820
Query	429635	ACTGTTATCTTGGTTTCGTTTTTGACCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGC	429694
Sbjct	35821	ACTGTTATCTTGGTTTCGTTTTTGACCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGC	35880
Query	429695	ACAGGCTGTGAATGCTCAATCTTTGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCT	429754
Sbjct	35881	ACAGGCTGTGAATGCTCAATCTTTGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCT	35940
Query	429755	CATCCGGAAGTTGGCCTATGTAGCAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTCATTGG	429814
Sbjct	35941	CATCCGGAAGTTGGCCTATGTAGCAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTCATTGG	36000
Query	429815	TGGTTTGGCTGCCAGGAGGTCATGAAGGTCAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGACTGC	429874
Sbjct	36001	TGGTTTGGCTGCCAGGAGGTCATGAAGGTCAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGACTGC	36060
Query	429875	TGTGTGCTTCTGGTTCCCTCACTGCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGA	429934



Sbjct	36061	TGTGTGCTTCTGGTTCCTCTACTGCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGA	36120
Query	429935	CAACACTCTTTCTCCAGGCTTGTTCTGGAAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACT	429994
Sbjct	36121	CAACACTCTTTCTCCAGGCTTGTTCTGGAAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACT	36180
Query	429995	TTGATGCCCTCGAATGTCTCCCGGAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGC	430054
Sbjct	36181	TTGATGCCCTCGAATGTCTCCCGGAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGC	36240
Query	430055	CGGTAGTCTGTGGGAACACTAGGGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAAC	430114
Sbjct	36241	CGGTAGTCTGTGGGAACACTAGGGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAAC	36300
Query	430115	CTGTCTGTACTCATTACGTAATCCAGCGCCAGAACC GTTACGATGGGCAAGTGGCGGT	430174
Sbjct	36301	CTGTCTGTACTCATTACGTAATCCAGCGCCAGAACC GTTACGATGGGCAAGTGGCGGT	36360
Query	430175	ATTTGGATCAGACCTACAAGAGAAGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCTTGGTGATTGACAC	430234
Sbjct	36361	ATTTGGATCAGACCTACAAGAGAAGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCTTGGTGATTGACAC	36420
Query	430235	TAGCAATAGGCTCTGCCCACTCTTTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATC	430294
Sbjct	36421	TAGCAATAGGCTCTGCCCACTCTTTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATC	36480
Query	430295	TTTTGGTTTTTCATGTCTCTGATCACATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGG	430354
Sbjct	36481	TTTTGGTTTTTCATGTCTCTGATCACATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGG	36540
Query	430355	CTTTGTGTA tctctctctctctctctttttttttttt CTTCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAG	430414
Sbjct	36541	CTTTGTGTA tctctctctctctctctttttttttttt CTTCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAG	36600
Query	430415	GAATATCTGTCATCCCTTTGAATGAATGTTTGTTACTACACAATCTTGTGTTCTGTTGG	430474
Sbjct	36601	GAATATCTGTCATCCCTTTGAATGAATGTTTGTTACTACACAATCTTGTGTTCTGTTGG	36660
Query	430475	TGTTTTCTTTTGGGAGTAAGGAATTGTGGGTTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGAT	430534
Sbjct	36661	TGTTTTCTTTTGGGAGTAAGGAATTGTGGGTTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGAT	36720
Query	430535	CAGAGGGTTTACCAAACCTTCCAGGTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGA	430594
Sbjct	36721	CAGAGGGTTTACCAAACCTTCCAGGTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGA	36780
Query	430595	ACTTTGCCATGATTGGCCTTGGCTGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGG	430654
Sbjct	36781	ACTTTGCCATGATTGGCCTTGGCTGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGG	36840
Query	430655	ACACCATTGAGAAGTCAAACCTGAACAGACAGTTTCTCTTTGCCCCCTGGGATGTCACAG	430714
Sbjct	36841	ACACCATTGAGAAGTCAAACCTGAACAGACAGTTTCTCTTTGCCCCCTGGGATGTCACAG	36900
Query	430715	TGAGTAGGATGGCTTCTGTTTGATTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTTGCTTTCCCTC	430774
Sbjct	36901	TGAGTAGGATGGCTTCTGTTTGATTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTTGCTTTCCCTC	36960
Query	430775	TCCTCTTCTTTATTTCCCTCCTATTTTTCAGGCATTAGATGTAAGGTCAGTAGACATAA	430834
Sbjct	36961	TCCTCTTCTTTATTTCCCTCCTATTTTTCAGGCATTAGATGTAAGGTCAGTAGACATAA	37020
Query	430835	TTACCTGTCACGTTTTTTTCATTTGCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTG	430894
Sbjct	37021	TTACCTGTCACGTTTTTTTCATTTGCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTG	37080
Query	430895	TGCATTGCAGATGTGACATTGTAAGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATA	430954
Sbjct	37081	TGCATTGCAGATGTGACATTGTAAGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATA	37140
Query	430955	GGTCAGTGTTACCTTGATTGACTCGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTT	431014
Sbjct	37141	GGTCAGTGTTACCTTGATTGACTCGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTT	37200
Query	431015	TTACCCTAAGCATCCTAGCCTCTAGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCCT	431074
Sbjct	37201	TTACCCTAAGCATCCTAGCCTCTAGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCCT	37260
Query	431075	CTCTAAGATTGGGAAGATTGGAGCAAGTGAGAATCTTCTGAGTGCATTTTGGTATCCTC	431134
Sbjct	37261	CTCTAAGATTGGGAAGATTGGAGCAAGTGAGAATCTTCTGAGTGCATTTTGGTATCCTC	37320
Query	431135	CTGTAACACTGAGTCTGCCAGACTCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATC	431194
Sbjct	37321	CTGTAACACTGAGTCTGCCAGACTCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATC	37380
Query	431195	TTTCTCACCAGATTGCTCTAACAGTGGAAGGACAAATTTCTTCCATACTTTTAGAAA	431254
Sbjct	37381	TTTCTCACCAGATTGCTCTAACAGTGGAAGGACAAATTTCTTCCATACTTTTAGAAA	37440

Query	431255	GCCAGGTCAGGGAAGCTGGGATGCTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAA	431314
Sbjct	37441	GCCAGGTCAGGGAAGCTGGGATGCTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAA	37500
Query	431315	CATagaaggggaggagggggagagggaaatggaagaagaggagggggggggaggaggag	431374
Sbjct	37501	CATAGAAGGGGAGGAGGGGGAGAGGGAAATGGAAGAAGAGGAGGGGGGGGGAGGAGGAG	37560
Query	431375	gaAAGAAAGAAAGAAAGCTACGTACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATT	431434
Sbjct	37561	GAAAGAAAGAAAGAAAGCTACGTACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATT	37620
Query	431435	CCACTAGTTcatgcatgtactatgatatgtatatatgcatatgtatatatgcatatgtgag	431494
Sbjct	37621	CCACTAGTTCATGCATGTACTATGTATGTATATATGCATATGTATATATGCATATGTGAG	37680
Query	431495	aggtgtgtgtgtgtgtatccccatgtgtgtatatacgtgtgtacatacacatcgttcatacat	431554
Sbjct	37681	AGGTGTGTGTGTGTGTATCCCATGTGTGTATACGTGTGTACATACATACGTTTCATACAT	37740
Query	431555	acaaaagtacatacataTGGACACAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTA	431614
Sbjct	37741	ACAAAAGTACATACATATGGACACAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTA	37800
Query	431615	TAAATGTGAGTATGGTATGAGTCCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGA	431674
Sbjct	37801	TAAATGTGAGTATGGTATGAGTCCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGA	37860
Query	431675	TAAATAACTTATGCTTATCTCGTATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAAT	431734
Sbjct	37861	TAAATAACTTATGCTTATCTCGTATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAAT	37920
Query	431735	ATTCTGCTTAAAAATCTAACATGGGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGC	431794
Sbjct	37921	ATTCTGCTTAAAAATCTAACATGGGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGC	37980
Query	431795	TGTTGGGAGACTGTTCTTCAGCATCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAA	431854
Sbjct	37981	TGTTGGGAGACTGTTCTTCAGCATCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAA	38040
Query	431855	TGAAGGAATGAGGAACAGAGAGGCAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTCAC	431914
Sbjct	38041	TGAAGGAATGAGGAACAGAGAGGCAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTCAC	38100
Query	431915	TGCTTATGAAGACTTTGTCTTAAGGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAG	431974
Sbjct	38101	TGCTTATGAAGACTTTGTCTTAAGGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAG	38160
Query	431975	CAAACAGTTGACCATGCAAAAGTAGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTAC	432034
Sbjct	38161	CAAACAGTTGACCATGCAAAAGTAGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTAC	38220
Query	432035	AGAGAGAGGGGCTAAGAACAGAGGAGGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAG	432094
Sbjct	38221	AGAGAGAGGGGCTAAGAACAGAGGAGGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAG	38280
Query	432095	AAACCGAGGAGGTTATTGAGAAGTGGAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTTGGG	432154
Sbjct	38281	AAACCGAGGAGGTTATTGAGAAGTGGAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTTGGG	38340
Query	432155	TTACTCTAGATGTCATTAATTGAAAAGAGAGTAGCTGTGCGGTCATTCTGTTTTAGTACT	432214
Sbjct	38341	TTACTCTAGATGTCATTAATTGAAAAGAGAGTAGCTGTGCGGTCATTCTGTTTTAGTACT	38400
Query	432215	CACAGTATCCTGTGGGGCCAGATTTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAAT	432274
Sbjct	38401	CACAGTATCCTGTGGGGCCAGATTTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAAT	38460
Query	432275	TTTATGAATAATGTAAATGTAGCTGTCATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTT	432334
Sbjct	38461	TTTATGAATAATGTAAATGTAGCTGTCATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTT	38520
Query	432335	TATAATATCTGTTGTTGGTAGCCAGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTC	432394
Sbjct	38521	TATAATATCTGTTGTTGGTAGCCAGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTC	38580
Query	432395	TCTGGAGTTTTCGTTGCATCGGTGTGTGGGAAACAGCTCTATTTTTCATATTCCCATCTAG	432454
Sbjct	38581	TCTGGAGTTTTCGTTGCATCGGTGTGTGGGAAACAGCTCTATTTTTCATATTCCCATCTAG	38640
Query	432455	AAATTAAAGTCTGAGACTGCTGCTGCAGCAGTACGTGACATAAATCCACACATCAGGGTG	432514
Sbjct	38641	AAATTAAAGTCTGAGACTGCTGCTGCAGCAGTACGTGACATAAATCCACACATCAGGGTG	38700
Query	432515	TGCAGCCACCAGAATCGAGTAGGCCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTC	432574
Sbjct	38701	TGCAGCCACCAGAATCGAGTAGGCCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTC	38760
Query	432575	CAAAACCTGGATGGTGTGGCCAATGCTCTAGACAAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGAGTT	432634

Sbjct	38761	AACCTGGATGGTGTGGCCAATGCTCTAGACAAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGGAGTT	38820
Query	432635	GAGTGAGGAGGGCAAGGGCAGGGTAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCTCTGTCTTG	432694
Sbjct	38821	GAGTGAGGAGGGCAAGGGCAGGGTAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCTCTGTCTTG	38880
Query	432695	TCTTGGGTTTTTGGAGACAGGGTTTCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTTGAACCAATTTCGGAA	432754
Sbjct	38881	TCTTGGGTTTTTGGAGACAGGGTTTCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTTGAACCAATTTCGGAA	38940
Query	432755	GACCAAGCTGACCCGTGTTCTCTGTTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTTT	432814
Sbjct	38941	GACCAAGCTGACCCGTGTTCTCTGTTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTTT	39000
Query	432815	TTCCCATCTCCCTGAAGGATTATACATGGACCGCCGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCT	432874
Sbjct	39001	TTCCCATCTCCCTGAAGGATTATACATGGACCGCCGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCT	39060
Query	432875	GCTGGAATCCGGCACATTGGGCACCAAGGGCAACGTGCAAGTGGTTGTTCCCTTCTTGAC	432934
Sbjct	39061	GCTGGAATCCGGCACATTGGGCACCAAGGGCAACGTGCAAGTGGTTGTTCCCTTCTTGAC	39120
Query	432935	AGAATCTTACAGCTCTAGCCAGGACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAA	432994
Sbjct	39121	AGAATCTTACAGCTCTAGCCAGGACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAA	39180
Query	432995	GAACCTTCCCCAATGCCATTGAGCATACCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAG	433054
Sbjct	39181	GAACCTTCCCCAATGCCATTGAGCATACCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAG	39240
Query	433055	GTGGAAGGGTTAGGTCATCAAGCCTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTG	433114
Sbjct	39241	GTGGAAGGGTTAGGTCATCAAGCCTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTG	39300
Query	433115	CTCTCGTCTTTATACCACTATCCAGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTCACAAAGAA	433174
Sbjct	39301	CTCTCGTCTTTATACCACTATCCAGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTCACAAAGAA	39360
Query	433175	CTTTGACCTTTGGGTACACCTTGTGTGTGCTGTCAAGTCTCTGAGATCATATGTGTAT	433234
Sbjct	39361	CTTTGACCTTTGGGTACACCTTGTGTGTGCTGTCAAGTCTCTGAGATCATATGTGTAT	39420
Query	433235	CAACCCACATGTGTATCTATCAGATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTG	433294
Sbjct	39421	CAACCCACATGTGTATCTATCAGATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTG	39480
Query	433295	ACAGCACTCATAAAATTGTATAAGTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGA	433354
Sbjct	39481	ACAGCACTCATAAAATTGTATAAGTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGA	39540
Query	433355	GGTCCGCACAATGTTCCAGCTCAGAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCAT	433414
Sbjct	39541	GGTCCGCACAATGTTCCAGCTCAGAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCAT	39600
Query	433415	GTCTACAATGGAATGTTACCGTATCTAGCAACCACATTTACGGGTGGATGTCATGCCTAG	433474
Sbjct	39601	GTCTACAATGGAATGTTACCGTATCTAGCAACCACATTTACGGGTGGATGTCATGCCTAG	39660
Query	433475	AAGTACGTGGCCAGATGGACTTCAGGttttttgtttttgtttttgttttgcgcaacttctt	433534
Sbjct	39661	AAGTACGTGGCCAGATGGACTTCAGGTTTTTTGTTTTTGTTTTTGTTTTGCGCACTTCTT	39720
Query	433535	tctgtttttggtatttcttctgtcttgctgctgggtttttattttatttcttttgggttttact	433594
Sbjct	39721	TCTGTTTTTGGTATTTCTTGTCTTGCTGCTGGGTTTTTATTTATTTCTTTTGGGTTTTACT	39780
Query	433595	tttttCTCGGGAGATGGCACACGGGTTAAGCAGCTAGGGAGTTGAGGAGGTCCTGGGAGGG	433654
Sbjct	39781	TTTTCTCGGGAGATGGCACACGGGTTAAGCAGCTAGGGAGTTGAGGAGGTCCTGGGAGGG	39840
Query	433655	TCTGGCAGAAAGAAAAAACATCCAAACTCTAGTGTATGAAAGATACCTTAAGTAGAGTAA	433714
Sbjct	39841	TCTGGCAGAAAGAAAAAACATCCAAACTCTAGTGTATGAAAGATACCTTAAGTAGAGTAA	39900
Query	433715	TTAACGTTAACCTTTTAAATTTGGAAAGACTTAAAGAGAACATCACGGGACATGTGCCTGA	433774
Sbjct	39901	TTAACGTTAACCTTTTAAATTTGGAAAGACTTAAAGAGAACATCACGGGACATGTGCCTGA	39960
Query	433775	ACAGTGAGGATGGTCTGTAAATGATGCTTTTTTGCTGCACAAATCGGCTAATGTTGTTTCT	433834
Sbjct	39961	ACAGTGAGGATGGTCTGTAAATGATGCTTTTTTGCTGCACAAATCGGCTAATGTTGTTTCT	40020
Query	433835	GCTGACTTTTCTAAATTAACCTGTAATAGTGAGTGCGTTTTTGGTTTGTTAAACTCTTACC	433894
Sbjct	40021	GCTGACTTTTCTAAATTAACCTGTAATAGTGAGTGCGTTTTTGGTTTGTTAAACTCTTACC	40080
Query	433895	CAAAGTGAGTTAGACGGCTGGTTTTTAAAGTGCGGCTTCTGTCTGTGTAGTCAAGTACATA	433954
Sbjct	40081	CAAAGTGAGTTAGACGGCTGGTTTTTAAAGTGCGGCTTCTGTCTGTGTAGTCAAGTACATA	40140

Query	433955	ATCTTGTGTACCTCTGGCTGGAGAAATTGAATGCTGCACTGGAACTAAAACCAGAGCC	434014
Sbjct	40141	ATCTTGTGTACCTCTGGCTGGAGAAATTGAATGCTGCACTGGAACTAAAACCAGAGCC	40200
Query	434015	TAGTCCTGCTTATGTTCTTCCAGTCCAACAGTGCCTGGGGCAGGGGGTTGTTTGGTTTC	434074
Sbjct	40201	TAGTCCTGCTTATGTTCTTCCAGTCCAACAGTGCCTGGGGCAGGGGGTTGTTTGGTTTC	40260
Query	434075	TGTTTGCTTGTAGGCTCATAGTGTCACTACATCGAGGCCATGCTAAGCAGTTGGAGATAA	434134
Sbjct	40261	TGTTTGCTTGTAGGCTCATAGTGTCACTACATCGAGGCCATGCTAAGCAGTTGGAGATAA	40320
Query	434135	GGAAGGACTAGACTGGAGAGTTCCAACCACATTACCTTGCCCTGTTTCTTGTTCAAGGTT	434194
Sbjct	40321	GGAAGGACTAGACTGGAGAGTTCCAACCACATTACCTTGCCCTGTTTCTTGTTCAAGGTT	40380
Query	434195	ATAAAATGGTTCTCTGTGTCTGTGCAGCAGACAGAGAAGTGCAAAGGTTTTACAATGTT	434254
Sbjct	40381	ATAAAATGGTTCTCTGTGTCTGTGCAGCAGACAGAGAAGTGCAAAGGTTTTACAATGTT	40440
Query	434255	CAGTAGCTTTGTAGGAGCCATGTCTGGTCTCAGATTCTTATCTGCAAAATGAGCATTG	434314
Sbjct	40441	CAGTAGCTTTGTAGGAGCCATGTCTGGTCTCAGATTCTTATCTGCAAAATGAGCATTG	40500
Query	434315	AAGTGAGATTTTGTAAGCACTTAAGCACTGGATATGGGCTGCTCATATACTTTGGTAAA	434374
Sbjct	40501	AAGTGAGATTTTGTAAGCACTTAAGCACTGGATATGGGCTGCTCATATACTTTGGTAAA	40560
Query	434375	GTTCTTAGCTGTGGGTTTGTAGTTGACACCATTCTCAATCTTGTGGTATGAATGTACTCA	434434
Sbjct	40561	GTTCTTAGCTGTGGGTTTGTAGTTGACACCATTCTCAATCTTGTGGTATGAATGTACTCA	40620
Query	434435	TTCACTAACATTGATGAGTGTAATGCTAGCTATATCAGAGACTTAAACAGGGATGTTTA	434494
Sbjct	40621	TTCACTAACATTGATGAGTGTAATGCTAGCTATATCAGAGACTTAAACAGGGATGTTTA	40680
Query	434495	TTCTTCTGCAACAGGTCATAAAAGCAGGTTAGTATGTGTGAGAGTGAAAATTTAGAAGCT	434554
Sbjct	40681	TTCTTCTGCAACAGGTCATAAAAGCAGGTTAGTATGTGTGAGAGTGAAAATTTAGAAGCT	40740
Query	434555	GTATGTCTAGTGTCTGTATAGATGCCCCAGACCATTTCAGCAGTGACCTCCTAGTTCTTA	434614
Sbjct	40741	GTATGTCTAGTGTCTGTATAGATGCCCCAGACCATTTCAGCAGTGACCTCCTAGTTCTTA	40800
Query	434615	GAAACCGGGTTGaaaacaaataaacaacaacaaagaccaagaaacaaaGGAGGAGTT	434674
Sbjct	40801	GAAACCGGGTTGAAAACAAATAAAACAAACAAACAAAGACCAAGAAACAAAGGAGGAGTT	40860
Query	434675	CCTATTGAGACCTGGGTGACTTCTTCCTCTCTGTGTCTCTTTGTTATAAACCAGACACCT	434734
Sbjct	40861	CCTATTGAGACCTGGGTGACTTCTTCCTCTCTGTGTCTCTTTGTTATAAACCAGACACCT	40920
Query	434735	CACACCCATATTGCCATTCACTTTCTCACAAGATACATAATTGGCTGCCAAGTACAACCA	434794
Sbjct	40921	CACACCCATATTGCCATTCACTTTCTCACAAGATACATAATTGGCTGCCAAGTACAACCA	40980
Query	434795	CTGGTCTGGAACACGTGGGTGCCCTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAAC	434854
Sbjct	40981	CTGGTCTGGAACACGTGGGTGCCCTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAAC	41040
Query	434855	AAGCATTACTAATATGTACAGAGACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTG	434914
Sbjct	41041	AAGCATTACTAATATGTACAGAGACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTG	41100
Query	434915	TAGTGGGCTCGGGATGAGTTTGAAGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACC	434974
Sbjct	41101	TAGTGGGCTCGGGATGAGTTTGAAGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACC	41160
Query	434975	TACCTCATGTAAGTAACAGACAAACCAACAGCAGACAGACGCCAACCAACAAAGGCATC	435034
Sbjct	41161	TACCTCATGTAAGTAACAGACAAACCAACAGCAGACAGACGCCAACCAACAAAGGCATC	41220
Query	435035	CTTGCTGCTCTCCTCAGGCACATCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCG	435094
Sbjct	41221	CTTGCTGCTCTCCTCAGGCACATCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCG	41280
Query	435095	GGTTGACTTTTTCCATAGAGAAAGAAGGCTTGTCTAGAACTTTACTTCTAGGCCTCTGA	435154
Sbjct	41281	GGTTGACTTTTTCCATAGAGAAAGAAGGCTTGTCTAGAACTTTACTTCTAGGCCTCTGA	41340
Query	435155	AGTAATCCAGGTCTTTGCATTGGATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCT	435214
Sbjct	41341	AGTAATCCAGGTCTTTGCATTGGATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCT	41400
Query	435215	AGCTGGCACCACGCCTTTGGAAGTACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCTCTGCAGAG	435274
Sbjct	41401	AGCTGGCACCACGCCTTTGGAAGTACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCTCTGCAGAG	41460
Query	435275	GCCACAGACTTGGGCCGACTGTGTGACTTGGGCCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTC	435334

Sbjct	41461	CAGACTTGGGCCGACTGTGTGACTTGGGCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTC	41520
Query	435335	TCACAACATCCAGCAGTTGCTGCACAACCTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTG	435394
Sbjct	41521	TCACAACATCCAGCAGTTGCTGCACAACCTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTG	41580
Query	435395	GGTATATTTGGCCCAAACACATTTCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCCCTCTGTCTGGAC	435454
Sbjct	41581	GGTATATTTGGCCCAAACACATTTCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCCCTCTGTCTGGAC	41640
Query	435455	CTGGCTTCTTCCAGGTAGCCTAAGTGCCACAAGCACCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTT	435514
Sbjct	41641	CTGGCTTCTTCCAGGTAGCCTAAGTGCCACAAGCACCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTT	41700
Query	435515	CTCCGTGTAAGCATTTGCGTTTTCTCCTCCTGCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCCT	435574
Sbjct	41701	CTCCGTGTAAGCATTTGCGTTTTCTCCTCCTGCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCCT	41760
Query	435575	TTCCAGCTGCACTTGTGGGCTGAGTCATATCTGAGTTCCTCGAGGGTTGCAGTTTTAA	435634
Sbjct	41761	TTCCAGCTGCACTTGTGGGCTGAGTCATATCTGAGTTCCTCGAGGGTTGCAGTTTTAA	41820
Query	435635	GTGAGAAATATGATAGTTAAATATACAGCGGTCTATGGGTTCATGGGTCTATGGGTCTAT	435694
Sbjct	41821	GTGAGAAATATGATAGTTAAATATACAGCGGTCTATGGGTTCATGGGTCTATGGGTCTAT	41880
Query	435695	GGCTGTGTTTGACAGTGGGGTCATGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGT	435754
Sbjct	41881	GGCTGTGTTTGACAGTGGGGTCATGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGT	41940
Query	435755	GAAGTAGGTATGATAATGGCTTGTGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTT	435814
Sbjct	41941	GAAGTAGGTATGATAATGGCTTGTGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTT	42000
Query	435815	AGTATTGCATTGGTTTAGCCTAAGCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAAC TTGCTGTGTGT	435874
Sbjct	42001	AGTATTGCATTGGTTTAGCCTAAGCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAAC TTGCTGTGTGT	42060
Query	435875	TTTTGGCTCATCATGGGTCCAAGAATGGTGAAC TTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCT	435934
Sbjct	42061	TTTTGGCTCATCATGGGTCCAAGAATGGTGAAC TTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCT	42120
Query	435935	GAGAGTGCTTCTCCTTCAGTCCTCTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTG	435994
Sbjct	42121	GAGAGTGCTTCTCCTTCAGTCCTCTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTG	42180
Query	435995	GGGTACTTTTTTGGTCCAGGACCTAAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACA	436054
Sbjct	42181	GGGTACTTTTTTGGTCCAGGACCTAAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACA	42240
Query	436055	ATGTAAGTGTCTTGGGATCTCCAGGTGGTTGGGTGGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTT	436114
Sbjct	42241	ATGTAAGTGTCTTGGGATCTCCAGGTGGTTGGGTGGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTT	42300
Query	436115	ACTCTGTGGTTGTTAAGCTAACTTTTCTTGGCATACTTTCTTTTCAGCCCTACATCTG	436174
Sbjct	42301	ACTCTGTGGTTGTTAAGCTAACTTTTCTTGGCATACTTTCTTTTCAGCCCTACATCTG	42360
Query	436175	GATTATGTTATGGCTGCTGCCAACCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAG	436234
Sbjct	42361	GATTATGTTATGGCTGCTGCCAACCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAG	42420
Query	436235	GACTGTGCTGCTGTGACCACACTCCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCCAAGTTTGCTCCCAAG	436294
Sbjct	42421	GACTGTGCTGCTGTGACCACACTCCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCCAAGTTTGCTCCCAAG	42480
Query	436295	TCTGGCATCAGGATCCATGTTTCTGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGT	436354
Sbjct	42481	TCTGGCATCAGGATCCATGTTTCTGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGT	42540
Query	436355	GAGAATGCTTCACCATTAGTTCAGGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTC	436414
Sbjct	42541	GAGAATGCTTCACCATTAGTTCAGGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTC	42600
Query	436415	CCTCTGGTATTTGCCACTGGCCATGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGA	436474
Sbjct	42601	CCTCTGGTATTTGCCACTGGCCATGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGA	42660
Query	436475	GGTGGATGGGTGGAAAAACAAAGTTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAA	436534
Sbjct	42661	GGTGGATGGGTGGAAAAACAAAGTTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAA	42720
Query	436535	TGGTTCATTCCCTTCTGGTGTAATTAAC TTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTG	436594
Sbjct	42721	TGGTTCATTCCCTTCTGGTGTAATTAAC TTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTG	42780
Query	436595	ATCTATTTTCATGCAAAAAGAACCTGAGTGCTCCCTGTCCTGTGGGCATCTTGATACTTT	436654
Sbjct	42781	ATCTATTTTCATGCAAAAAGAACCTGAGTGCTCCCTGTCCTGTGGGCATCTTGATACTTT	42840

Query	436655	TGCTACAGGTCACCTCTATTTTGCCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCT	436714
Sbjct	42841	TGCTACAGGTCACCTCTATTTTGCCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCT	42900
Query	436715	GTATCTGCTTAAAGCACACCTCGCTTTCTGCACCTCTGTGTCCCCTCTGTTTCCTCTTC	436774
Sbjct	42901	GTATCTGCTTAAAGCACACCTCGCTTTCTGCACCTCTGTGTCCCCTCTGTTTCCTCTTC	42960
Query	436775	TGATCTCTGTGCAGAATCTCTTCTCTTGTAAAGGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCTCTCGAT	436834
Sbjct	42961	TGATCTCTGTGCAGAATCTCTTCTCTTGTAAAGGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCTCTCGAT	43020
Query	436835	TTCCCTTCCAGAGTAGTTGTCTCCTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGC	436894
Sbjct	43021	TTCCCTTCCAGAGTAGTTGTCTCCTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGC	43080
Query	436895	CATTTCTTCCCATTAACATAATTTCTATCTTTCTGTGAACCTAATCTGAATCACTTTTCCC	436954
Sbjct	43081	CATTTCTTCCCATTAACATAATTTCTATCTTTCTGTGAACCTAATCTGAATCACTTTTCCC	43140
Query	436955	CAGCTCTGTCTTCATCTTTCTAAAACTAAACCCCTATGCCCATGAACAACCTCTCCCACC	437014
Sbjct	43141	CAGCTCTGTCTTCATCTTTCTAAAACTAAACCCCTATGCCCATGAACAACCTCTCCCACC	43200
Query	437015	CTCTACCATCCCCGAAAACCTTTTTGTTTCAATCTTTTTGACCACTAGCTATATCATATT	437074
Sbjct	43201	CTCTACCATCCCCGAAAACCTTTTTGTTTCAATCTTTTTGACCACTAGCTATATCATATT	43260
Query	437075	AGTGGAAACCACAGAGAAACGAAATCATACCAGATTTTTCTTCTGTGTCTTTCCATTCT	437134
Sbjct	43261	AGTGGAAACCACAGAGAAACGAAATCATACCAGATTTTTCTTCTGTGTCTTTCCATTCT	43320
Query	437135	ATCTAGTGTAATGGCTGTACATTAATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTC	437194
Sbjct	43321	ATCTAGTGTAATGGCTGTACATTAATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTC	43380
Query	437195	TATTAACCTATTGATGGGTAATTGAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCT	437254
Sbjct	43381	TATTAACCTATTGATGGGTAATTGAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCT	43440
Query	437255	TCTTTGTGTGAGGTGTTTCAATTTTGTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTGTAT	437314
Sbjct	43441	TCTTTGTGTGAGGTGTTTCAATTTTGTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTGTAT	43500
Query	437315	TCCTCATCCCTGCGTCCCTGTACTCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTCTCTCTTCGCCTTTC	437374
Sbjct	43501	TCCTCATCCCTGCGTCCCTGTACTCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTCTCTCTTCGCCTTTC	43560
Query	437375	CTTCCCTTACACCTTCCAGGATGCCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCCT	437434
Sbjct	43561	CTTCCCTTACACCTTCCAGGATGCCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCCT	43620
Query	437435	CCTCCCAGTCTGATTTACCCCTGGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATG	437494
Sbjct	43621	CCTCCCAGTCTGATTTACCCCTGGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATG	43680
Query	437495	ACAGCCACCTAGAGGAACTCAAGACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGATTCA	437554
Sbjct	43681	ACAGCCACCTAGAGGAACTCAAGACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGATTCA	43740
Query	437555	AGATGCATCCCATTGATTTTCGAGAAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGAT	437614
Sbjct	43741	AGATGCATCCCATTGATTTTCGAGAAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGAT	43800
Query	437615	GGTGGGCACAGATGCCTAGCAGTAGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCC	437674
Sbjct	43801	GGTGGGCACAGATGCCTAGCAGTAGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCC	43860
Query	437675	TGTTTAAAAGAGAAGTTTCTTTGATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAG	437734
Sbjct	43861	TGTTTAAAAGAGAAGTTTCTTTGATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAG	43920
Query	437735	TTGAAACATAGAATGCAGTTAGGAACTAGGCTGGCTTAGTAAAGTGGTCCGAAGAGCTTC	437794
Sbjct	43921	TTGAAACATAGAATGCAGTTAGGAACTAGGCTGGCTTAGTAAAGTGGTCCGAAGAGCTTC	43980
Query	437795	TTCAAGATCCATTGGTTCACTAGTCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCAGTATGTCCA	437854
Sbjct	43981	TTCAAGATCCATTGGTTCACTAGTCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCAGTATGTCCA	44040
Query	437855	GTGGATACATCTGCAACACAAGTGCACCTaagaaatgggaagagaaggtagaaaaaaaaatg	437914
Sbjct	44041	GTGGATACATCTGCAACACAAGTGCACCTAAGAAATGGGAAGAGAAGGTAGAAAAAATG	44100
Query	437915	taaaagcaaggggatattaaagaaagaaaaaacccaaaaaaCTGGTATCTCCTAGAAA	437974
Sbjct	44101	TAAAAGCAAGGGGATTTAAAAAAGAAGAAAAACCCAAAAAACTGGTATCTCCTAGAAA	44160
Query	437975	TGACAGAAAGAAGACGTGAACAAAGACAACACCAGAAGAATATTTTACTATTTATTTTT	438034

Sbjct	44161	TGACAGAAAGAAGACGTGAACAAAGACAACACCAGAAGAATATTTTACTATTTATTTT	44220
Query	438035	CAACTTAAGTGTACTTTGAGCATATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTT	438094
Sbjct	44221	CAACTTAAGTGTACTTTGAGCATATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTT	44280
Query	438095	CCCTCTCTACCTACCAAACTTTAAAGTTCTTTCTCAGAACCAAACAAAACCTTAGTACAAC	438154
Sbjct	44281	CCCTCTCTACCTACCAAACTTTAAAGTTCTTTCTCAGAACCAAACAAAACCTTAGTACAAC	44340
Query	438155	AACAAGACTTCCCAAAGCCCAGAAAACAAAATGTCACCCAAAGAGAGGACAACAGCAAAA	438214
Sbjct	44341	AACAAGACTTCCCAAAGCCCAGAAAACAAAATGTCACCCAAAGAGAGGACAACAGCAAAA	44400
Query	438215	CCCACCAACTTCTTTTTCTTGGTTATTTTACTTATTTACATTTCAAATGTCCCCCTTTCT	438274
Sbjct	44401	CCCACCAACTTCTTTTTCTTGGTTATTTTACTTATTTACATTTCAAATGTCCCCCTTTCT	44460
Query	438275	GGTTTCCCCACCTAACCCCGCACCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGG	438334
Sbjct	44461	GGTTTCCCCACCTAACCCCGCACCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGG	44520
Query	438335	GTGCTCCCCCGCCCATCTACCCACCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCC	438394
Sbjct	44521	GTGCTCCCCCGCCCATCTACCCACCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCC	44580
Query	438395	TCCTCTCCCACTGATGTACCTAAGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTC	438454
Sbjct	44581	TCCTCTCCCACTGATGTACCTAAGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTC	44640
Query	438455	CCCCTCATGTGTACTCTTTGGTGGGTGGTTTAGTCCCTCGAAGCTCtggtgtgtgtgtgtg	438514
Sbjct	44641	CCCCTCATGTGTACTCTTTGGTGGGTGGTTTAGTCCCTCGAAGCTCTGTGTGTGTGTGTG	44700
Query	438515	ggggggggCGTTGATTAGTTGGTAGTGGTGTTTTTCTATGGATTTGCAGATCCCTTCAG	438574
Sbjct	44701	GGGGGGGGCGTTGATTAGTTGGTAGTGGTGTTTTTCTATGGATTTGCAGATCCCTTCAG	44760
Query	438575	CTCCTTCAGTCAGTCCTTCTCTGACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGT	438634
Sbjct	44761	CTCCTTCAGTCAGTCCTTCTCTGACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGT	44820
Query	438635	TTGGCTGAGAGCATCTATGTCTGTATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCG	438694
Sbjct	44821	TTGGCTGAGAGCATCTATGTCTGTATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCG	44880
Query	438695	CTGTACCAGGCTCCTTTTCAGCAAGCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGT	438754
Sbjct	44881	CTGTACCAGGCTCCTTTTCAGCAAGCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGT	44940
Query	438755	GTCTGCAGTTGGGATGGATCCCTAGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCTCAGTCT	438814
Sbjct	44941	GTCTGCAGTTGGGATGGATCCCTAGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCTCAGTCT	45000
Query	438815	CTGCTCCACTCTTGTGACAGGAACCATTCTTGGTTAAAATTTTTGAGATGGGTAGGTGAG	438874
Sbjct	45001	CTGCTCCACTCTTGTGACAGGAACCATTCTTGGTTAAAATTTTTGAGATGGGTAGGTGAG	45060
Query	438875	CCCATCCTTCAACCTATCCACTGGATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGG	438934
Sbjct	45061	CCCATCCTTCAACCTATCCACTGGATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGG	45120
Query	438935	GTATTGCGCCTAATGTCATCTCTCCTGGGTCTGGGAAAACCCCTTGTTTTCCCTGTCATC	438994
Sbjct	45121	GTATTGCGCCTAATGTCATCTCTCCTGGGTCTGGGAAAACCCCTTGTTTTCCCTGTCATC	45180
Query	438995	TGGGACTTTTCTAGTGGTTATCCCAATTTCCCACCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCA	439054
Sbjct	45181	TGGGACTTTTCTAGTGGTTATCCCAATTTCCCACCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCA	45240
Query	439055	CTTGCCTGCCATTTTCAGCAGGACTCCTTTCCTCACACCACCTGACCACAATAGACCTGT	439114
Sbjct	45241	CTTGCCTGCCATTTTCAGCAGGACTCCTTTCCTCACACCACCTGACCACAATAGACCTGT	45300
Query	439115	GCTCTGTCCGGGCTCAAAAGCAGCTTTCCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCA	439174
Sbjct	45301	GCTCTGTCCGGGCTCAAAAGCAGCTTTCCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCA	45360
Query	439175	AGTAGTGAGTGACCTCTCCCAACCTCTCTCTTTCAGATAATTCAGATAATTTGATTTTT	439234
Sbjct	45361	AGTAGTGAGTGACCTCTCCCAACCTCTCTCTTTCAGATAATTCAGATAATTTGATTTTT	45420
Query	439235	CCCCCTCCCCTACATCTTTTGTACAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCA	439294
Sbjct	45421	CCCCCTCCCCTACATCTTTTGTACAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCA	45480
Query	439295	AATAAGTCTGAGTGTTAAAGAGCTTTAGGGAGGTAGCTACCTCATACAAGGTATGTCACC	439354
Sbjct	45481	AATAAGTCTGAGTGTTAAAGAGCTTTAGGGAGGTAGCTACCTCATACAAGGTATGTCACC	45540

Query	439355	TTGTTCAAGCTATTTTTTGTCTTGTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCCTC	439414
Sbjct	45541	TTGTTCAAGCTATTTTTTGTCTTGTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCCTC	45600
Query	439415	TGTCCAGAGACTATTTGCTGTTGGTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCG	439474
Sbjct	45601	TGTCCAGAGACTATTTGCTGTTGGTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCG	45660
Query	439475	AGGGTGACTTGAACCTTGAGGTCATTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCA	439534
Sbjct	45661	AGGGTGACTTGAACCTTGAGGTCATTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCA	45720
Query	439535	TGCAGTACTGTGACTCCTGTGGGCTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGA	439594
Sbjct	45721	TGCAGTACTGTGACTCCTGTGGGCTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGA	45780
Query	439595	GATTTGGTGAGCAGCACCATCAGTTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGC	439654
Sbjct	45781	GATTTGGTGAGCAGCACCATCAGTTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGC	45840
Query	439655	CTTGGTGACATTGCCCCAAGCTGCTAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCATTGCT	439714
Sbjct	45841	CTTGGTGACATTGCCCCAAGCTGCTAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCATTGCT	45900
Query	439715	GATCGTCATCAGGAGCTTCTTGGGCAAACCCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACaaaaaa	439774
Sbjct	45901	GATCGTCATCAGGAGCTTCTTGGGCAAACCCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACAAAAAA	45960
Query	439775	aGCAGTCTATCTCATTACGTATTGACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTT	439834
Sbjct	45961	AGCAGTCTATCTCATTACGTATTGACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTT	46020
Query	439835	CTTccccccccccccccAGTCCCATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATA	439894
Sbjct	46021	CTTCCCCCCCCCCCCCAGTCCCATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATA	46080
Query	439895	TATTTGCAGATACTTTGACCATATAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTA	439954
Sbjct	46081	TATTTGCAGATACTTTGACCATATAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTA	46140
Query	439955	TAATCCATTTGCTTTGATCTACGTTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTTCAGGTTCCA	440014
Sbjct	46141	TAATCCATTTGCTTTGATCTACGTTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTTCAGGTTCCA	46200
Query	440015	TGTGTCTATTTTGTAACATCTTCCCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAGAA	440074
Sbjct	46201	TGTGTCTATTTTGTAACATCTTCCCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAGAA	46260
Query	440075	TTCTTTCTGCCTCCAGGATGGCCACCTTCTATTCTACCCTTTTCTACATAGGCCATTGG	440134
Sbjct	46261	TTCTTTCTGCCTCCAGGATGGCCACCTTCTATTCTACCCTTTTCTACATAGGCCATTGG	46320
Query	440135	GTTTTTAATTGACAGGTATATCCTGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCCAGT	440194
Sbjct	46321	GTTTTTAATTGACAGGTATATCCTGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCCAGT	46380
Query	440195	TGTTTTTAGAGGGCCTTGTTCTCCTGGTGTCTCCATTCTTCTGGTGCTCTCCACTCAT	440254
Sbjct	46381	TGTTTTTAGAGGGCCTTGTTCTCCTGGTGTCTCCATTCTTCTGGTGCTCTCCACTCAT	46440
Query	440255	ATGCTTACACTCATGCACACTCGctgtctgtctgtctgtctctgtctctgtctctgtg	440314
Sbjct	46441	ATGCTTACACTCATGCACACTCGCTGTCTGTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGTCTCTGTG	46500
Query	440315	tgtgtgtctgtgtgtgtgCAGCTGCACATGTGAGCTCAAACTTTAAAGTTTCTACTTTAT	440374
Sbjct	46501	TGTGTGTCTGTGTGTGTGCAGCTGCACATGTGAGCTCAAACTTTAAAGTTTCTACTTTAT	46560
Query	440375	TAGGTTTCTGCAAACCCCTCACATCACCATAATTTTAAGTGCCTCTCCCCTTATTCTCTC	440434
Sbjct	46561	TAGGTTTCTGCAAACCCCTCACATCACCATAATTTTAAGTGCCTCTCCCCTTATTCTCTC	46620
Query	440435	TTATTCCCTGCACTAGCCCAGTCTAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGC	440494
Sbjct	46621	TTATTCCCTGCACTAGCCCAGTCTAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGC	46680
Query	440495	CCACTTGATCATGGTGGATGATCTTTTTGAAATGTTCTTGGAATATGTTTGCAAGTACTT	440554
Sbjct	46681	CCACTTGATCATGGTGGATGATCTTTTTGAAATGTTCTTGGAATATGTTTGCAAGTACTT	46740
Query	440555	CGCTGAGTATTTTTGCATCTGTGTTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTC	440614
Sbjct	46741	CGCTGAGTATTTTTGCATCTGTGTTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTC	46800
Query	440615	AGTCTTTATGTGGTTTGATTATCAGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTT	440674
Sbjct	46801	AGTCTTTATGTGGTTTGATTATCAGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTT	46860
Query	440675	CCATTTTGTAGAGTGATTTTAAGAGTATTAGCATTAACCTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTC	440734



Sbjct	46861	TTTGTAGAGTGATTTTAAGAGTATTAGCATTAACTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTC	46920
Query	440735	TGTGCTAAGATTATCTGGCTCTGGATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTTA	440794
Sbjct	46921	TGTGCTAAGATTATCTGGCTCTGGATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTTA	46980
Query	440795	GAATTGAATTTTCATTTCAGTTGTAGAAAGTGTTGTATTTACAAAGTTTGTGTCTGGACGC	440854
Sbjct	46981	GAATTGAATTTTCATTTCAGTTGTAGAAAGTGTTGTATTTACAAAGTTTGTGTCTGGACGC	47040
Query	440855	A t t t t t t CATTTCAGTAGAAGATTGTTTCAGTTTCCTTGATTTGTAAGAGTTCTATTGTTT	440914
Sbjct	47041	ATTTTTTTTCATTTCAGTAGAAGATTGTTTCAGTTTCCTTGATTTGTAAGAGTTCTATTGTTT	47100
Query	440915	GTGTTGTTGATCTCCATGGTGATCAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGTA	440974
Sbjct	47101	GTGTTGTTGATCTCCATGGTGATCAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGTA	47160
Query	440975	TGTGTTAAGACTTTGTGTCTGAGCACATGGTCAATAATTTTAAGGAAGTTCCATGGGGTC	441034
Sbjct	47161	TGTGTTAAGACTTTGTGTCTGAGCACATGGTCAATAATTTTAAGGAAGTTCCATGGGGTC	47220
Query	441035	TTAGAAGAAGGCATGTTCCTTTGTGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAAC TT	441094
Sbjct	47221	TTAGAAGAAGGCATGTTCCTTTGTGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAAC TT	47280
Query	441095	CCATTGGTTGCACCATATCTCTGTTTAGTTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGA	441154
Sbjct	47281	CCATTGGTTGCACCATATCTCTGTTTAGTTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGA	47340
Query	441155	TTGGGGTATTGAAGACTCCCACAATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTTACAAACTT	441214
Sbjct	47341	TTGGGGTATTGAAGACTCCCACAATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTTACAAACTT	47400
Query	441215	GGGTGCCCTGGTGTTTGGGGCATAGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTTGTAATTT	441274
Sbjct	47401	GGGTGCCCTGGTGTTTGGGGCATAGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTTGTAATTT	47460
Query	441275	C T T T T GATGAGTACATACTGTCC T T C T A T C T C T T T G A T T A G T T T A G T T G A G A C T T	441334
Sbjct	47461	C T T T T GATGAGTACATACTGTCC T T C T A T C T C T T T G A T T A G T T T A G T T G A G A C T T	47520
Query	441335	A T T T G T T A A G T A T T A A A T G G C C A C A G A G C T T G T C C T T G G G C A T A T A t t t t t t t C T G	441394
Sbjct	47521	A T T T G T T A A G T A T T A A A T G G C C A C A G A G C T T G T C C T T G G G C A T A T T T T T T C T G	47580
Query	441395	T C T T T T A T G C T G A G C C G A T T G G T G T C T A T C C T T T A G T G T T G A A C T G T A C T T C T T A C A T G	441454
Sbjct	47581	T C T T T T A T G C T G A G C C G A T T G G T G T C T A T C C T T T A G T G T T G A A C T G T A C T T C T T A C A T G	47640
Query	441455	A A G C C A A A C A T A A G A T T G T A T T T C C C G T C C A T T C T G T T A G T G T T G C C T T T A T G T G A	441514
Sbjct	47641	A A G C C A A A C A T A A G A T T G T A T T T C C C G T C C A T T C T G T T A G T G T T G C C T T T A T G T G A	47700
Query	441515	G G G T T T G A G A C T G T T G A T T T T G A T A G A T A C C A A T G G T C A G T G A C T G T T G A T A C A T G T A A C	441574
Sbjct	47701	G G G T T T G A G A C T G T T G A T T T T G A T A G A T A C C A A T G G T C A G T G A C T G T T G A T A C A T G T A A C	47760
Query	441575	T T T G T T G T T G G T G A A G T A A G T A C G T C A G A G G G A T G T G T A T G T G T G T G T C C A G T C C A	441634
Sbjct	47761	T T T G T T G T T G G T G A A G T A A G T A C G T C A G A G G G A T G T G T A T G T G T G T G T C C A G T C C A	47820
Query	441635	T C T G T C T G T C C A T C C G T C T G T C C A T T C A T G C C C C T C C C T T C T T T G A T G T G C T A G T C T G G	441694
Sbjct	47821	T C T G T C T G T C C A T C C G T C T G T C C A T T C A T G C C C C T C C C T T C T T T G A T G T G C T A G T C T G G	47880
Query	441695	G A T T A T A T A G T T C C T G T G T G T C T T T G G T G T A A C T A A C T A C T T A G G T T G A A G T T T C T T	441754
Sbjct	47881	G A T T A T A T A G T T C C T G T G T G T C T T T G G T G T A A C T A A C T A C T T A G G T T G A A G T T T C T T	47940
Query	441755	T C T A G C C C C T T T T A C A G C T G A G T T T G T A A C A G A T A C T G C T T A A A T G T G G T G G G t t t c	441814
Sbjct	47941	T C T A G C C C C T T T T A C A G C T G A G T T T G T A A C A G A T A C T G C T T A A A T G T G G T G G G T T T C	48000
Query	441815	t t c c t t c c t t c c t t c c t t c c t t c c t t t c t t t c t t t c t c t t t c t t t c t t t c t t t c t t t c	441874
Sbjct	48001	T T C C T T C C T T C C T T C C T T C C T T C C T T T C T T T C T C T T T C T C T T T C T T T C T T T C T T T C	48060
Query	441875	t t t c t t t c t c t c a a a t g t c t t a t t t t c t t c a t c t A C A G T G A C A A A G T T T G C T G G G T	441934
Sbjct	48061	T T T C T T T C T C T C A A T G T C T T A T T T T C T T C A T C T A C A G T G A C A A A G T T T G C T G G G T	48120
Query	441935	G T G G T G T T C T G A C C A T C G T C T A G A A C A T C A T C T C A C C A G G C T T T A A G G C T T G A A G G T C	441994
Sbjct	48121	G T G G T G T T C T G A C C A T C G T C T A G A A C A T C A T C T C A C C A G G C T T T A A G G C T T G A A G G T C	48180
Query	441995	T C T C T C T A G G T C A G G T T T A A T T C T A A T A G G T C T G T C T G C C T T T A T T T G T T A C T T G G T C C T	442054
Sbjct	48181	T C T C T C T A G G T C A G G T T T A A T T C T A A T A G G T C T G T C T G C C T T T A T T T G T T A C T T G G T C C T	48240

Query	442055	TTTCCCTTTAATCTTCTTTTCATTGTTGTGTATGTTTAGTGTTTTGATTATTACATGGCAA	442114
Sbjct	48241	TTTCCCTTTAATCTTCTTTTCATTGTTGTGTATGTTTAGTGTTTTGATTATTACATGGCAA	48300
Query	442115	GAGGTCTTTCTTTTATGATCCAAATCTACTTGGTGCTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGA	442174
Sbjct	48301	GAGGTCTTTCTTTTATGATCCAAATCTACTTGGTGCTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGA	48360
Query	442175	TAGGCATTTATTTCTTTAGGGCAGGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGCGAAAATCCTTC	442234
Sbjct	48361	TAGGCATTTATTTCTTTAGGGCAGGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGCGAAAATCCTTC	48420
Query	442235	CTGGGTCTTGATACTTGGGGATTCTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGG	442294
Sbjct	48421	CTGGGTCTTGATACTTGGGGATTCTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGG	48480
Query	442295	TCTTTTCATGGTGCCTCAGATTTTCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTT	442354
Sbjct	48481	TCTTTTCATGGTGCCTCAGATTTTCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTT	48540
Query	442355	CAACACCTGAGAATCTCTTCCATCTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCTCCGTAGTT	442414
Sbjct	48541	CAACACCTGAGAATCTCTTCCATCTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCTCCGTAGTT	48600
Query	442415	CCTGTCCAAGTTCCTATGCTTTTCACTTCCAGTTTCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTG	442474
Sbjct	48601	CCTGTCCAAGTTCCTATGCTTTTCACTTCCAGTTTCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTG	48660
Query	442475	AATCCGTTTTCACTTTCAGGTGGTGTCTCATAGATTACTCTAGGAGATTTACTGATTTTC	442534
Sbjct	48661	AATCCGTTTTCACTTTCAGGTGGTGTCTCATAGATTACTCTAGGAGATTTACTGATTTTC	48720
Query	442535	CTCTTTAAGGACCTTTATCAAATCCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTT	442594
Sbjct	48721	CTCTTTAAGGACCTTTATCAAATCCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTT	48780
Query	442595	GTGCCTCAGATATGTTGGTCTGAGGAGTGTGGGTCCAGATAGGTGTGGGACTGGGTT	442654
Sbjct	48781	GTGCCTCAGATATGTTGGTCTGAGGAGTGTGGGTCCAGATAGGTGTGGGACTGGGTT	48840
Query	442655	TTCCAGGTGTAAAATGTGTTTCTTAGTATTGGGACCTGAGACTTGGAACGGGAATGGGC	442714
Sbjct	48841	TTCCAGGTGTAAAATGTGTTTCTTAGTATTGGGACCTGAGACTTGGAACGGGAATGGGC	48900
Query	442715	TTGGGGTTATGACAGGGCTTTACGAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGAT	442774
Sbjct	48901	TTGGGGTTATGACAGGGCTTTACGAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGAT	48960
Query	442775	GAATCATTGCCATGGTTATAGGGTCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACC	442834
Sbjct	48961	GAATCATTGCCATGGTTATAGGGTCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACC	49020
Query	442835	AAAGAGCTGGGGATGAGACTGGATCTTGAACCTGGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCA	442894
Sbjct	49021	AAAGAGCTGGGGATGAGACTGGATCTTGAACCTGGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCA	49080
Query	442895	TGCAGTTAGCTTCTGTGCTTCTGGTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAA	442954
Sbjct	49081	TGCAGTTAGCTTCTGTGCTTCTGGTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAA	49140
Query	442955	TGGAACAAAGCAATTAGGAGAGTTAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGT	443014
Sbjct	49141	TGGAACAAAGCAATTAGGAGAGTTAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGT	49200
Query	443015	GGGCTGGGTAGCGGCCACAGATAGTCTGCCCAAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTT	443074
Sbjct	49201	GGGCTGGGTAGCGGCCACAGATAGTCTGCCCAAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTT	49260
Query	443075	GATTTGAAGGAACTGAGAGGGAGATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTG	443134
Sbjct	49261	GATTTGAAGGAACTGAGAGGGAGATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTG	49320
Query	443135	TACCAGAGCGGCCTGTAGTTTCTTAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTCAGATCTGGGACAAAG	443194
Sbjct	49321	TACCAGAGCGGCCTGTAGTTTCTTAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTCAGATCTGGGACAAAG	49380
Query	443195	CAAGGAATGTGTGGATGGAGGGAAGGAGGGAAAGATCTGCAGGGACCACTAGAAATGAGC	443254
Sbjct	49381	CAAGGAATGTGTGGATGGAGGGAAGGAGGGAAAGATCTGCAGGGACCACTAGAAATGAGC	49440
Query	443255	GGAAAGACTGCTATAGCTATTCTTCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGGTGGGCAGGA	443314
Sbjct	49441	GGAAAGACTGCTATAGCTATTCTTCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGGTGGGCAGGA	49500
Query	443315	TTAGACTTGGAGGATCAGAAGGAGAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTA	443374
Sbjct	49501	TTAGACTTGGAGGATCAGAAGGAGAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTA	49560
Query	443375	AGTGGCCTATGAATTTGCAGAGAGTCCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAG	443434

Sbjct	49561	GCGCTATGAATTTGCAGAGAGTCCCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAG	49620
Query	443435	CGGTATTATTGGAAACCATAACCTCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAA	443494
Sbjct	49621	CGGTATTATTGGAAACCATAACCTCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAA	49680
Query	443495	CTAAGGAAGTCTGAGGGCAGGAAAAATGTCTTCTGATGGTTTATTCATTACCAAGATGTT	443554
Sbjct	49681	CTAAGGAAGTCTGAGGGCAGGAAAAATGTCTTCTGATGGTTTATTCATTACCAAGATGTT	49740
Query	443555	ATCCCTGAAATCGTGGCATAAAAGTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGT	443614
Sbjct	49741	ATCCCTGAAATCGTGGCATAAAAGTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGT	49800
Query	443615	TATATTTAAATATAAGCAAGACAGGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAG	443674
Sbjct	49801	TATATTTAAATATAAGCAAGACAGGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAG	49860
Query	443675	TAGTTGGGAGGGATTTGAACGAGGGAATGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGA	443734
Sbjct	49861	TAGTTGGGAGGGATTTGAACGAGGGAATGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGA	49920
Query	443735	CAAAATCAAAGACACCTGTACTACAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAAC	443794
Sbjct	49921	CAAAATCAAAGACACCTGTACTACAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAAC	49980
Query	443795	AGTACATAGTTGGGAGAGACAGTGGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGA	443854
Sbjct	49981	AGTACATAGTTGGGAGAGACAGTGGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGA	50040
Query	443855	TGACAGCAACTTTCACATGGATTTTCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAATA	443914
Sbjct	50041	TGACAGCAACTTTCACATGGATTTTCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAATA	50100
Query	443915	TGACATTCCCCCTGCAGACCGGCATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCT	443974
Sbjct	50101	TGACATTCCCCCTGCAGACCGGCATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCT	50160
Query	443975	TGCCCCGAGCTGATTTTTCTTCATTTGGGCCTTCTGTGGTCCCCCACTTCCTCCTAAACAG	444034
Sbjct	50161	TGCCCCGAGCTGATTTTTCTTCATTTGGGCCTTCTGTGGTCCCCCACTTCCTCCTAAACAG	50220
Query	444035	TAATCCCTGGTGCCCACTGTCTGTCTTACAGAGCAAACCTGATTGCAGGGAAGATCATCCC	444094
Sbjct	50221	TAATCCCTGGTGCCCACTGTCTGTCTTACAGAGCAAACCTGATTGCAGGGAAGATCATCCC	50280
Query	444095	AGCTATTGCAACCACTACATCAGCTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGT	444154
Sbjct	50281	AGCTATTGCAACCACTACATCAGCTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGT	50340
Query	444155	GGTTCAGGGTCACCAACAACCTGGATTCTTTAAAAACAGTTTATCAACTTGGCTCTGCC	444214
Sbjct	50341	GGTTCAGGGTCACCAACAACCTGGATTCTTTAAAAACAGTTTATCAACTTGGCTCTGCC	50400
Query	444215	TTTCTTCAGCTTCTCTGCACCTCTAGCTCCAGGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGC	444274
Sbjct	50401	TTTCTTCAGCTTCTCTGCACCTCTAGCTCCAGGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGC	50460
Query	444275	ATAGGAAATATTGATATTACCATTACAGGAAATCTGAGTACACCAGTATacacaaacacac	444334
Sbjct	50461	ATAGGAAATATTGATATTACCATTACAGGAAATCTGAGTACACCAGTATACACAAACACAC	50520
Query	444335	acgcacgcacacacacGctctctctttctctttctctctctgtgcgtggtgtgcggtgtgtg	444394
Sbjct	50521	ACGCACGCACACACACGCTCTCTCTTTCTCTTTCTCTCTGTGCGTGTGTGTGCGTGTGTG	50580
Query	444395	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	444454
Sbjct	50581	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	50640
Query	444455	CACAGCGGATAAGGGGTCAATTTCCCTGAGATATAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCA	444514
Sbjct	50641	CACAGCGGATAAGGGGTCAATTTCCCTGAGATATAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCA	50700
Query	444515	AACACATGGACAACATAAACTGTAGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGT	444574
Sbjct	50701	AACACATGGACAACATAAACTGTAGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGT	50760
Query	444575	CTCAAGAAAGCAGAAAATCAGCCAGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACA	444634
Sbjct	50761	CTCAAGAAAGCAGAAAATCAGCCAGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACA	50820
Query	444635	GGGGATGTTAAATGAGAGAAGGAGAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCTTTTCCTTA	444694
Sbjct	50821	GGGGATGTTAAATGAGAGAAGGAGAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCTTTTCCTTA	50880
Query	444695	CAAAGATTCAAGCTGCCTAATCATGGTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTTGACAATAG	444754
Sbjct	50881	CAAAGATTCAAGCTGCCTAATCATGGTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTTGACAATAG	50940

Query	444755	AGCTGCAGTTGTAACAATGTTAAGAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCCTCTAGTACTA	444814
Sbjct	50941	AGCTGCAGTTGTAACAATGTTAAGAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCCTCTAGTACTA	51000
Query	444815	TGATAAAAAGTGGACATTGTGGGATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGA	444874
Sbjct	51001	TGATAAAAAGTGGACATTGTGGGATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGA	51060
Query	444875	AGAGATGACCCTCAAGCAGTTTCTAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACCTCC	444934
Sbjct	51061	AGAGATGACCCTCAAGCAGTTTCTAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACCTCC	51120
Query	444935	CCCTTCGTGGGGACTTGTATATTTGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACC	444994
Sbjct	51121	CCCTTCGTGGGGACTTGTATATTTGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACC	51180
Query	444995	TCTGCAGACAGAGCACAAAGCTGGAAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTA	445054
Sbjct	51181	TCTGCAGACAGAGCACAAAGCTGGAAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTA	51240
Query	445055	TTCCTTCTTTTATGCCAGCCACCAAACCTCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCT	445114
Sbjct	51241	TTCCTTCTTTTATGCCAGCCACCAAACCTCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCT	51300
Query	445115	CCGGGCTGGTGGGAGTGGAAACCTTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCAT	445174
Sbjct	51301	CCGGGCTGGTGGGAGTGGAAACCTTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCAT	51360
Query	445175	GGTTCCCCATTCTTTTTCTGCAATCTGCTACCACCTTTCCTTCTGTGTTTGTTTTCTTCT	445234
Sbjct	51361	GGTTCCCCATTCTTTTTCTGCAATCTGCTACCACCTTTCCTTCTGTGTTTGTTTTCTTCT	51420
Query	445235	TTCTTAAGTCTCGTGTTCCCTTGATTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAG	445294
Sbjct	51421	TTCTTAAGTCTCGTGTTCCCTTGATTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAG	51480
Query	445295	CGGAAACTGGGCCAGCACGTGAAGTCCCTTGTGTTTGAGCTGTGCTGCAACAATGAGAGT	445354
Sbjct	51481	CGGAAACTGGGCCAGCACGTGAAGTCCCTTGTGTTTGAGCTGTGCTGCAACAATGAGAGT	51540
Query	445355	GGAGACGACATTGAAGTTCCTTATGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCC	445414
Sbjct	51541	GGAGACGACATTGAAGTTCCTTATGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCC	51600
Query	445415	ATTCTTTTCAGTTCTGTCTAGTCTGTACAAAACCTTCTAGTTGTGATAAAACCTGATTTC	445474
Sbjct	51601	ATTCTTTTCAGTTCTGTCTAGTCTGTACAAAACCTTCTAGTTGTGATAAAACCTGATTTC	51660
Query	445475	AGACTTCCTTGTTCCTAAGACCTTTGTTTAGTGCTGTTTTTATTTACAATGCTTAGAACT	445534
Sbjct	51661	AGACTTCCTTGTTCCTAAGACCTTTGTTTAGTGCTGTTTTTATTTACAATGCTTAGAACT	51720
Query	445535	GAAATTTCGTAATAATACATTTTCAGCCAGTAAGTAGTGTGTCTTCTCTCCTTTTAAGGG	445594
Sbjct	51721	GAAATTTCGTAATAATACATTTTCAGCCAGTAAGTAGTGTGTCTTCTCTCCTTTTAAGGG	51780
Query	445595	CGGGTGTGCTGATGTCCCTAGGAAGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCtttt	445654
Sbjct	51781	CGGGTGTGCTGATGTCCCTAGGAAGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCTTTT	51840
Query	445655	ttttttttttcttttttctttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGTATGCT	445714
Sbjct	51841	TTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGTATGCT	51900
Query	445715	AGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTAAAAGGT	445774
Sbjct	51901	AGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTAAAAGGT	51960
Query	445775	GACATTTCAGAGTCCAGCGGCACAGAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTTCAGATAGAG	445834
Sbjct	51961	GACATTTCAGAGTCCAGCGGCACAGAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTTCAGATAGAG	52020
Query	445835	TACTGAAGATGAAACTTAAGCTGTTCTCATTCCCTCTTGCTATTTCTGCTTAGGGAGAAAT	445894
Sbjct	52021	TACTGAAGATGAAACTTAAGCTGTTCTCATTCCCTCTTGCTATTTCTGCTTAGGGAGAAAT	52080
Query	445895	GAAGCCTGTGGCAGCAAGGCCATAATGAGGCGGTGAGCCCTTGCTTAAATTAATACCCT	445954
Sbjct	52081	GAAGCCTGTGGCAGCAAGGCCATAATGAGGCGGTGAGCCCTTGCTTAAATTAATACCCT	52140
Query	445955	TTCTTTTCTCTTGCCACATACCAGTCCTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGT	446014
Sbjct	52141	TTCTTTTCTCTTGCCACATACCAGTCCTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGT	52200
Query	446015	CTGGCTAGGCTGGGCTGGGATCCTGTGTCTTACTTTATCTTGTTCCTGATTGTTTTTTC	446074
Sbjct	52201	CTGGCTAGGCTGGGCTGGGATCCTGTGTCTTACTTTATCTTGTTCCTGATTGTTTTTTC	52260
Query	446075	CCTGCCAGTTGCTCATCTGAGATAAGAGGATAAAAAGTTGTTGTAGAAATAAGGGCCTT	446134

Sbjct	52261	T G C C A G T T G C T C A T C T G A G A T A A G A G G A T A A A A A G T T G T T G T A G A A T A A G G G C C T T	52320
Query	446135	AAAATTAGTTGCCGCTTAACCTTGTGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCA	446194
Sbjct	52321	AAAATTAGTTGCCGCTTAACCTTGTGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCA	52380
Query	446195	TGTAATCTGTCTCCTTTACTTTGGGCAGCTCTTTTGGGTCACGTGTATTTGACTTCGAAA	446254
Sbjct	52381	TGTAATCTGTCTCCTTTACTTTGGGCAGCTCTTTTGGGTCACGTGTATTTGACTTCGAAA	52440
Query	446255	TGTCTCCTGTATTTGCATGTGCACACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCT	446314
Sbjct	52441	TGTCTCCTGTATTTGCATGTGCACACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCT	52500
Query	446315	TCCATTGAACTTTATTCACTTAATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATA	446374
Sbjct	52501	TCCATTGAACTTTATTCACTTAATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATA	52560
Query	446375	TATGGAtttttttttAAATTGAGTTCATGTTTCATTTCATATGTATGAAGTATGTACATGA	446434
Sbjct	52561	TATGGATTTTTTTTTTAAATTGAGTTCATGTTTCATTTCATATGTATGAAGTATGTACATGA	52620
Query	446435	ATGACCCAATACCTCTCTTCGTTTCTACAGACCTCTGTATCATTCTTACACACATGGCTT	446494
Sbjct	52621	ATGACCCAATACCTCTCTTCGTTTCTACAGACCTCTGTATCATTCTTACACACATGGCTT	52680
Query	446495	CGTTTCTTTTTTATTCAGTTGTCTGTTTtagTTAAcATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGC	446554
Sbjct	52681	CGTTTCTTTTTTATTCAGTTGTCTGTTTtagTTAAcATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGC	52740
Query	446555	TCCCCACCTGCCTTCCTCCTCCCAGAGTTCTTCGCCACATGCCCTTCCTTTTGCTTGA	446614
Sbjct	52741	TCCCCACCTGCCTTCCTCCTCCCAGAGTTCTTCGCCACATGCCCTTCCTTTTGCTTGA	52800
Query	446615	GAGGGTGCTACCTCACCTACCCACACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGC	446674
Sbjct	52801	GAGGGTGCTACCTCACCTACCCACACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGC	52860
Query	446675	ATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGC	446734
Sbjct	52861	ATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGC	52920
Query	446735	TGCTACATATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTTAGCCTCTGGGAGCCGTGAGG	446794
Sbjct	52921	TGCTACATATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTTAGCCTCTGGGAGCCGTGAGG	52980
Query	446795	GATCCAGGGCCTTCCTACAGGGTTGGGAACCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTTAATT	446854
Sbjct	52981	GATCCAGGGCCTTCCTACAGGGTTGGGAACCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTTAATT	53040
Query	446855	CTTCCATAGGGGCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTC	446914
Sbjct	53041	CTTCCATAGGGGCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTC	53100
Query	446915	AGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAG	446974
Sbjct	53101	AGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAG	53160
Query	446975	CAGAACATGAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTG	447034
Sbjct	53161	CAGAACATGAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTG	53220
Query	447035	GGCCCAGTCACTGGAAGTCCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGTCCCTGCATTTCC	447094
Sbjct	53221	GGCCCAGTCACTGGAAGTCCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGTCCCTGCATTTCC	53280
Query	447095	TTTAGAAATGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCCA	447154
Sbjct	53281	TTTAGAAATGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCCA	53340
Query	447155	GGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTAC	447214
Sbjct	53341	GGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTAC	53400
Query	447215	TGTTGGGCATTTTGGCTAAAATTATTCCCATCCAGTCCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGG	447274
Sbjct	53401	TGTTGGGCATTTTGGCTAAAATTATTCCCATCCAGTCCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGG	53460
Query	447275	GGGTTCCCCCTGCCCCACCCACACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCC	447334
Sbjct	53461	GGGTTCCCCCTGCCCCACCCACACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCC	53520
Query	447335	TCTTCCCTTGCTCTCCTGCCATACTTCATTCTGCCCCGCTCCCCGCCCTTTTCCTTCCCC	447394
Sbjct	53521	TCTTCCCTTGCTCTCCTGCCATACTTCATTCTGCCCCGCTCCCCGCCCTTTTCCTTCCCC	53580
Query	447395	TCTCCTGTCCAAACTCACTCTTGCCCTGGTGATTATTTGTTTCACGATCTAAGTGGGT	447454
Sbjct	53581	TCTCCTGTCCAAACTCACTCTTGCCCTGGTGATTATTTGTTTCACGATCTAAGTGGGT	53640

Query	447455	TTGAAATAACCACACTTGGGCCTGCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTA	447514
Sbjct	53641	TTGAAATAACCACACTTGGGCCTGCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTA	53700
Query	447515	TCTTGGGTATTCTGAACTTTTTGGCTAATTCCCACTTACAGTGAGTACATACAAGGCATG	447574
Sbjct	53701	TCTTGGGTATTCTGAACTTTTTGGCTAATTCCCACTTACAGTGAGTACATACAAGGCATG	53760
Query	447575	TCCTTTTGGTTCTGGGTTTCTGACTTAGGATATTTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAAC	447634
Sbjct	53761	TCCTTTTGGTTCTGGGTTTCTGACTTAGGATATTTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAAC	53820
Query	447635	CACTTTTTCTGTATCTAGGTTGTTTTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAA	447694
Sbjct	53821	CACTTTTTCTGTATCTAGGTTGTTTTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAA	53880
Query	447695	ATATGATGGATGGAGCACATGTCCTTGAGATATGGTGGAGCATCTTGGGTATATGCCCAG	447754
Sbjct	53881	ATATGATGGATGGAGCACATGTCCTTGAGATATGGTGGAGCATCTTGGGTATATGCCCAG	53940
Query	447755	GAGAGGTATAGCTGGGTCTCCGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGAC	447814
Sbjct	53941	GAGAGGTATAGCTGGGTCTCCGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGAC	54000
Query	447815	TGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATG	447874
Sbjct	54001	TGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATG	54060
Query	447875	TTGAGCATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCACTCAATATTCTCAGCTGAAAATTCTCTTA	447934
Sbjct	54061	TTGAGCATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCACTCAATATTCTCAGCTGAAAATTCTCTTA	54120
Query	447935	CATGGATTCTTAAATGCTCTCTAAGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTT	447994
Sbjct	54121	CATGGATTCTTAAATGCTCTCTAAGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTT	54180
Query	447995	TATTTTTTCTGTGTGGGTATCCCCAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTTCTTTCTGG	448054
Sbjct	54181	TATTTTTTCTGTGTGGGTATCCCCAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTTCTTTCTGG	54240
Query	448055	TTGATTTAGTTTAGCGATGATGCTTACCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCCTGTTCT	448114
Sbjct	54241	TTGATTTAGTTTAGCGATGATGCTTACCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCCTGTTCT	54300
Query	448115	GAGGTTTCTGTGTGTTCCACAGGAGCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTC	448174
Sbjct	54301	GAGGTTTCTGTGTGTTCCACAGGAGCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTC	54360
Query	448175	ATCAAGAAttttttATACTGATGTTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTGTTCATTGATA	448234
Sbjct	54361	ATCAAGATTTTTTTATACTGATGTTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTGTTCATTGATA	54420
Query	448235	ATTTTAGAACTAAGTTGAATTCTTTGGCTTTTCAACCATTTGTCTAATTTGACTGATGAA	448294
Sbjct	54421	ATTTTAGAACTAAGTTGAATTCTTTGGCTTTTCAACCATTTGTCTAATTTGACTGATGAA	54480
Query	448295	GTGTTTTAGACATCTTGACAGTAGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACAT	448354
Sbjct	54481	GTGTTTTAGACATCTTGACAGTAGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACAT	54540
Query	448355	GTTGTGAAGGGGAAAGCAAAAATAATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGT	448414
Sbjct	54541	GTTGTGAAGGGGAAAGCAAAAATAATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGT	54600
Query	448415	GAAATGTTTGCATGCTACATCAAGTGAAGAAAGTTCAGCTCCCAGCACTCACAGAAATG	448474
Sbjct	54601	GAAATGTTTGCATGCTACATCAAGTGAAGAAAGTTCAGCTCCCAGCACTCACAGAAATG	54660
Query	448475	CCTGTCACCTAATCCCAGCATCTGGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGGAGCAAGTCGA	448534
Sbjct	54661	CCTGTCACCTAATCCCAGCATCTGGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGGAGCAAGTCGA	54720
Query	448535	CTAGCTAGATAGGCTCAATCTGCCAGACCCCATGGGACACTCGGCCCATGTTTGAAAGT	448594
Sbjct	54721	CTAGCTAGATAGGCTCAATCTGCCAGACCCCATGGGACACTCGGCCCATGTTTGAAAGT	54780
Query	448595	AAATAACAAACGAGGAAGATACCAGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCT	448654
Sbjct	54781	AAATAACAAACGAGGAAGATACCAGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCT	54840
Query	448655	TCTGTAGGACTCGTTTTGTATATACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTC	448714
Sbjct	54841	TCTGTAGGACTCGTTTTGTATATACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTC	54900
Query	448715	TTATTTTCTCTACAAATTATGATTGAACGTTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGC	448774
Sbjct	54901	TTATTTTCTCTACAAATTATGATTGAACGTTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGC	54960
Query	448775	AATCCATGGTCTCTTACAACTGTCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAAT	448834

Sbjct	54961	CATGGTCTCTTACAATCTGTCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAAT	55020
Query	448835	TCAGGAATAATTCTGATAGGTCTGCCTTTATTTCTTACTTGGTGTTCTTCCCTTGCAGCT	448894
Sbjct	55021	TCAGGAATAATTCTGATAGGTCTGCCTTTATTTCTTACTTGGTGTTCTTCCCTTGCAGCT	55080
Query	448895	TTAATCAGTTTTTCTTGATCTGTATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAAC	448954
Sbjct	55081	TTAATCAGTTTTTCTTGATCTGTATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAAC	55140
Query	448955	TTGCTTTCTGGTCCAAATTATGTAGTGTGTGTATGCTCCTTGACTATTACAAGCATCT	449014
Sbjct	55141	TTGCTTTCTGGTCCAAATTATGTAGTGTGTGTATGCTCCTTGACTATTACAAGCATCT	55200
Query	449015	CCTTCTTTAGCTTCAAAGTTTTTCTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTGGGCCTTT	449074
Sbjct	55201	CCTTCTTTAGCTTCAAAGTTTTTCTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTGGGCCTTT	55260
Query	449075	GAGTAAGGCATCTTAGTTGGGAGTTTTCATAGTGCCCGAGTTGCTGTCCATGGTTGTTT	449134
Sbjct	55261	GAGTAAGGCATCTTAGTTGGGAGTTTTCATAGTGCCCGAGTTGCTGTCCATGGTTGTTT	55320
Query	449135	TGTGAGAGGAAatttttacatttaaatgttttgtttgaaagatgtatccatttttctgtc	449194
Sbjct	55321	TGTGAGAGGAAATTTTACATTTAATGTTTTGTTTTGAAAGATGTATCCATTTTCTGTCT	55380
Query	449195	atatttttAAGGTCAGAGATTCTTTCCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCC	449254
Sbjct	55381	ATATTTTAAAGGTCAGAGATTCTTTCCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCC	55440
Query	449255	TCTGTAGTTCTTGTTCCAGCTCCAAATTTTCACTTCCAGGATCCCGAGGTTTGGGATT	449314
Sbjct	55441	TCTGTAGTTCTTGTTCCAGCTCCAAATTTTCACTTCCAGGATCCCGAGGTTTGGGATT	55500
Query	449315	GATTTATTGATTCTGTTTCCACTTTCAAGTCTAGAATGGATTTGTTTCATTTCTTCCAAC	449374
Sbjct	55501	GATTTATTGATTCTGTTTCCACTTTCAAGTCTAGAATGGATTTGTTTCATTTCTTCCAAC	55560
Query	449375	GTCTGTGCTTGCTAGATTTTCCTTAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTGTGTTT	449434
Sbjct	55561	GTCTGTGCTTGCTAGATTTTCCTTAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTGTGTTT	55620
Query	449435	TCCGGATTTACTTACGGGCTTTATTAATTTACCCTTAAGGAGCTTCTTTTTCATACGCT	449494
Sbjct	55621	TCCGGATTTACTTACGGGCTTTATTAATTTACCCTTAAGGAGCTTCTTTTTCATACGCT	55680
Query	449495	TTATCTCTCTTGAACATTTTGGGGCCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATAT	449554
Sbjct	55681	TTATCTCTCTTGAACATTTTGGGGCCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATAT	55740
Query	449555	GCATTTCCCTGCTATTATTCTGTTCTGACCCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGT	449614
Sbjct	55741	GCATTTCCCTGCTATTATTCTGTTCTGACCCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGT	55800
Query	449615	GATTACAGATCTTGCTGCTGATTTCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTGTT	449674
Sbjct	55801	GATTACAGATCTTGCTGCTGATTTCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTGTT	55860
Query	449675	CCTTGGTTTTCTGTTTCCTCTCTGGATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTT	449734
Sbjct	55861	CCTTGGTTTTCTGTTTCCTCTCTGGATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTT	55920
Query	449735	GGAAGTACCAAGTAAATTGGTTTCTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAG	449794
Sbjct	55921	GGAAGTACCAAGTAAATTGGTTTCTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAG	55980
Query	449795	GCTAGGGACACTTCATCGCTGGGTAAACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAG	449854
Sbjct	55981	GCTAGGGACACTTCATCGCTGGGTAAACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAG	56040
Query	449855	AATCACTGAATGTAAATTAAGTCCTGGTCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGT	449914
Sbjct	56041	AATCACTGAATGTAAATTAAGTCCTGGTCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGT	56100
Query	449915	CCTCCAGATACAAGCACCTGGAGTTGTCCTTCTCCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCT	449974
Sbjct	56101	CCTCCAGATACAAGCACCTGGAGTTGTCCTTCTCCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCT	56160
Query	449975	GCTGCGTGTAGACACCTACAGTGATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGGCCATGGTTGCT	450034
Sbjct	56161	GCTGCGTGTAGACACCTACAGTGATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGGCCATGGTTGCT	56220
Query	450035	TCTTGCTTGCTGCCTGTTCTATGGACAGCCTCTGCTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACC	450094
Sbjct	56221	TCTTGCTTGCTGCCTGTTCTATGGACAGCCTCTGCTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACC	56280
Query	450095	ACCCCAAAGAATATGCTATGGCTTTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCC	450154
Sbjct	56281	ACCCCAAAGAATATGCTATGGCTTTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCC	56340

Query	450155	TTTGCACCTCGCACCAGGCTACTAAGGCAAAGACACCATTTCCACGATTGGCATCATGCC	450214
Sbjct	56341	TTTGCACCTCGCACCAGGCTACTAAGGCAAAGACACCATTTCCACGATTGGCATCATGCC	56400
Query	450215	ATATTATATTGTACACTAAACTGCAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAA	450274
Sbjct	56401	ATATTATATTGTACACTAAACTGCAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAA	56460
Query	450275	CAGCTCATGCCTACAAAATGCTAAGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCC	450334
Sbjct	56461	CAGCTCATGCCTACAAAATGCTAAGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCC	56520
Query	450335	TAGTTCTGTATCTTTTCTCCAGCCACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTT	450394
Sbjct	56521	TAGTTCTGTATCTTTTCTCCAGCCACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTT	56580
Query	450395	AATAGATCCAGTCTCTTGGAACCTTTTGGTCTCTGGCATTCTCAACTACTTTCCAATAA	450454
Sbjct	56581	AATAGATCCAGTCTCTTGGAACCTTTTGGTCTCTGGCATTCTCAACTACTTTCCAATAA	56640
Query	450455	TATGTCTCTATGCTGGGAATAGGAGCGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGA	450514
Sbjct	56641	TATGTCTCTATGCTGGGAATAGGAGCGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGA	56700
Query	450515	CCAACTTATTTACTGTATTGCCAGTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACG	450574
Sbjct	56701	CCAACTTATTTACTGTATTGCCAGTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACG	56760
Query	450575	GGGGCATCACCACCCACACTGAAGCTTGAACCCTGAGGTAAAGAGCACTGTTCTGATGCT	450634
Sbjct	56761	GGGGCATCACCACCCACACTGAAGCTTGAACCCTGAGGTAAAGAGCACTGTTCTGATGCT	56820
Query	450635	GTTGTTGACCTGGACAGTCCCAGCTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAG	450694
Sbjct	56821	GTTGTTGACCTGGACAGTCCCAGCTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAG	56880
Query	450695	CAAAGTGGACAAACGCAGGGGAGGAGAACACAACATGCCAGCCAAAGAACCTTCATCA	450754
Sbjct	56881	CAAAGTGGACAAACGCAGGGGAGGAGAACACAACATGCCAGCCAAAGAACCTTCATCA	56940
Query	450755	GGGACACTCCTGTCTCAACCATTGTTCCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGG	450814
Sbjct	56941	GGGACACTCCTGTCTCAACCATTGTTCCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGG	57000
Query	450815	GAAATGATCCAGGCTTCCCAGGGAAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCT	450874
Sbjct	57001	GAAATGATCCAGGCTTCCCAGGGAAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCT	57060
Query	450875	ACCCTCCCTGACTCCTCACTCTTATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTG	450934
Sbjct	57061	ACCCTCCCTGACTCCTCACTCTTATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTG	57120
Query	450935	CCACAGTGGGTGCACCCATATATACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGG	450994
Sbjct	57121	CCACAGTGGGTGCACCCATATATACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGG	57180
Query	450995	GTTATTAGGGACCTTGTGTCTTTGTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAAT	451054
Sbjct	57181	GTTATTAGGGACCTTGTGTCTTTGTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAAT	57240
Query	451055	CCCCTGTATCTTAAGCCTTTGGAGCTCCTGTCTTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCA	451114
Sbjct	57241	CCCCTGTATCTTAAGCCTTTGGAGCTCCTGTCTTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCA	57300
Query	451115	TGGTGGGTAGTCAAGGAACATTTGCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCC	451174
Sbjct	57301	TGGTGGGTAGTCAAGGAACATTTGCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCC	57360
Query	451175	TTGGAACCTTTTCTTAGCACAAAACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAA	451234
Sbjct	57361	TTGGAACCTTTTCTTAGCACAAAACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAA	57420
Query	451235	AAGCTTCTCTAGGAGAAGGAAGTTCATGTCTGCTGTACACACCCACAGGTAAGTGGA AAA	451294
Sbjct	57421	AAGCTTCTCTAGGAGAAGGAAGTTCATGTCTGCTGTACACACCCACAGGTAAGTGGA AAA	57480
Query	451295	AGATCcacatacactcacactcgagtgcacattcacagaacacacagcagacaactcag	451354
Sbjct	57481	AGATCCACATACACTCACACTCGAGTGACATTACAAGAACACACAGCAGACAACCTCAG	57540
Query	451355	acacacagGCAGTCTCCAAGTACATTAACATAAGCACCTAGGGTCTGTAGCCACCTAACT	451414
Sbjct	57541	ACACACAGGCAGTCTCCAAGTACATTAACATAAGCACCTAGGGTCTGTAGCCACCTAACT	57600
Query	451415	ACCCAGCAAACCTTGTCACAACTGTTACACACCAACATTTCCACATACAGGTTCCCTTGCT	451474
Sbjct	57601	ACCCAGCAAACCTTGTCACAACTGTTACACACCAACATTTCCACATACAGGTTCCCTTGCT	57660
Query	451475	GCTGTTGTAGATAACCTTCTAACTAAAGTTTGTAAGTTCACACTCAAATGGTAAGATACA	451534



Sbjct	57661	T T G T A G A T A A C C T T C T A A C T A A A G T T T G T A A G T T C A C A C T C A A A T G G T A A G A T A C A	57720
Query	451535	A G T G G G G G T T G G A A G A A A G T C T G C C A G G A G A G C C A G G T G C T T T T A T C T G C T G A A A T G T A	451594
Sbjct	57721	A G T G G G G G T T G G A A G A A A G T C T G C C A G G A G A G C C A G G T G C T T T T A T C T G C T G A A A T G T A	57780
Query	451595	G A T A G G A G A A T A T G C A G T A A A T A T T C A T G T A A A A G C C A A G G C T G C C C C A G T G C T A A G C A A	451654
Sbjct	57781	G A T A G G A G A A T A T G C A G T A A A T A T T C A T G T A A A A G C C A A G G C T G C C C C A G T G C T A A G C A A	57840
Query	451655	G C A G C A G A A G G A C A C A A G T A T G C T G C C C A T G G A T T A T A A G G G C C A C A G A C T G G A A T G G A G	451714
Sbjct	57841	G C A G C A G A A G G A C A C A A G T A T G C T G C C C A T G G A T T A T A A G G G C C A C A G A C T G G A A T G G A G	57900
Query	451715	G C A G G G A A C C T G C A G T A A G A C C A T G A A A C C C T G G A A T C C T G C T A G G C C A C C A C G G G T T T A	451774
Sbjct	57901	G C A G G G A A C C T G C A G T A A G A C C A T G A A A C C C T G G A A T C C T G C T A G G C C A C C A C G G G T T T A	57960
Query	451775	G A T C A G G T A A G G A G A G A A A G G C A C A T T A A G A G G G T T T C T A T A C C A T G T C T G A T G G C T A G A	451834
Sbjct	57961	G A T C A G G T A A G G A G A G A A A G G C A C A T T A A G A G G G T T T C T A T A C C A T G T C T G A T G G C T A G A	58020
Query	451835	T C T T T G A G G T C C C C C A C A A A T T C T G A G T G A A A G C A G G G T G C T A C T C T G C A T C T G T G C C G G	451894
Sbjct	58021	T C T T T G A G G T C C C C C A C A A A T T C T G A G T G A A A G C A G G G T G C T A C T C T G C A T C T G T G C C G G	58080
Query	451895	G A T T G C A G A A G G G T T T T T A A G C T C A G T G T T T C A A A A T G G T C C C T G A A C T A C A G G A A G C C A	451954
Sbjct	58081	G A T T G C A G A A G G G T T T T T A A G C T C A G T G T T T C A A A A T G G T C C C T G A A C T A C A G G A A G C C A	58140
Query	451955	A C T C T T C C T T G A A T G A G C T T G C A C A G A A G A A A G A C C C T G G T C C A C A C T G G T A A G A A A A G C	452014
Sbjct	58141	A C T C T T C C T T G A A T G A G C T T G C A C A G A A G A A A G A C C C T G G T C C A C A C T G G T A A G A A A A G C	58200
Query	452015	C T C T G G T T T C A C A G A C G C T C A G G G A A G T G T T G T C T G G A A G A C C C T G T G C T C C T C A G A G T T	452074
Sbjct	58201	C T C T G G T T T C A C A G A C G C T C A G G G A A G T G T T G T C T G G A A G A C C C T G T G C T C C T C A G A G T T	58260
Query	452075	T T A A G C A A A A A C C G A G C G T C C G T C A C T G A T A G A A C A C A G T G T G C T G A A T G G A A T C C A T T	452134
Sbjct	58261	T T A A G C A A A A A C C G A G C G T C C G T C A C T G A T A G A A C A C A G T G T G C T G A A T G G A A T C C A T T	58320
Query	452135	G C C A T G G A A G A C T G T C A G G A G C C T G A A G T G G A G G G T C G G A C C C G G C A A C A G A G T T G A C T T	452194
Sbjct	58321	G C C A T G G A A G A C T G T C A G G A G C C T G A A G T G G A G G G T C G G A C C C G G C A A C A G A G T T G A C T T	58380
Query	452195	C T G A C C T G G T T G T C A T A T T C T G A G C A T T G C C C A C C A T T C C T G A A G G C A A C C A T G C T T G G A	452254
Sbjct	58381	C T G A C C T G G T T G T C A T A T T C T G A G C A T T G C C C A C C A T T C C T G A A G G C A A C C A T G C T T G G A	58440
Query	452255	G C T G A A G C C G T T G G C T T G G A G G C A C A T C A G C A A C A G G T G G C A A C A C T T G G G C G A T T T G A A	452314
Sbjct	58441	G C T G A A G C C G T T G G C T T G G A G G C A C A T C A G C A A C A G G T G G C A A C A C T T G G G C G A T T T G A A	58500
Query	452315	G C A G C C C T A A G A A A G T G G C C T T A C T G C T G C T G C T G G A A G T C C A G A G C T G G C A G A G G T G G A	452374
Sbjct	58501	G C A G C C C T A A G A A A G T G G C C T T A C T G C T G C T G C T G G A A G T C C A G A G C T G G C A G A G G T G G A	58560
Query	452375	C A C C A T A G T G C A G G C A G A A C A G A C G G G G A T G A G G C C A G A G A C A A A G T T C A G G A A G G T C T G	452434
Sbjct	58561	C A C C A T A G T G C A G G C A G A A C A G A C G G G G A T G A G G C C A G A G A C A A A G T T C A G G A A G G T C T G	58620
Query	452435	T G G G A A T G G G C A G G G A A T G G T C C A G C A A A A C A C C A T T T C C C T G T G G A G G A A C T G G A G C T G	452494
Sbjct	58621	T G G G A A T G G G C A G G G A A T G G T C C A G C A A A A C A C C A T T T C C C T G T G G A G G A A C T G G A G C T G	58680
Query	452495	C T G T A G T C C C T A A T A G G C T C A G T C A A T G C C C A A G C A G G A A C T G G A G C T G C T G C A G T C C C T	452554
Sbjct	58681	C T G T A G T C C C T A A T A G G C T C A G T C A A T G C C C A A G C A G G A A C T G G A G C T G C T G C A G T C C C T	58740
Query	452555	A A T A G G T T C A G T C A A T G C C C A A G C C A A C A G G A T C C A G G A G A G C C T C A A G A G A T A T G T A G C	452614
Sbjct	58741	A A T A G G T T C A G T C A A T G C C C A A G C C A A C A G G A T C C A G G A G A G C C T C A A G A G A T A T G T A G C	58800
Query	452615	T C A G A A C A G G T C C C A C C T G G A A A G C A G G C A G G C T G T G A T T A G G G C A T C C A A G G C T T C T G	452674
Sbjct	58801	T C A G A A C A G G T C C C A C C T G G A A A G C A G G C A G G C T G T G A T T A G G G C A T C C A A G G C T T C T G	58860
Query	452675	A G T C A C G C A T T A T C T T T A G T G A T G A T C A C A C T T C g g g g g g g g T G A G C A A A T A T G G A A G A A G	452734
Sbjct	58861	A G T C A C G C A T T A T C T T T A G T G A T G A T C A C A C T T C G G G G G G G T G A G C A A A T A T G G A A G A A G	58920
Query	452735	A T A T T G G T A G G G C A T C A G T G A A A A T A G A A G G T C A C T G T A T G G T T G C T C T A T G C T G T G G A A	452794
Sbjct	58921	A T A T T G G T A G G G C A T C A G T G A A A A T A G A A G G T C A C T G T A T G G T T G C T C T A T G C T G T G G A A	58980
Query	452795	G G A G T G A G A C C A G T T A A C T T G A C A T G A A C A G C A G T T T T A C T G C A T C C T T G T C T G G C C T T G	452854
Sbjct	58981	G G A G T G A G A C C A G T T A A C T T G A C A T G A A C A G C A G T T T T A C T G C A T C C T T G T C T G G C C T T G	59040

Query	452855	GATATGGTAGAAATGCCTGAAGCAATGGTCTTTCTGTGCATTTTGTGTCTCTGTCTGTC	452914
Sbjct	59041	GATATGGTAGAAATGCCTGAAGCAATGGTCTTTCTGTGCATTTTGTGTCTCTGTCTGTC	59100
Query	452915	TGTCAGGTATGTTTTATGCTTTACATTCCCACAGCATATGCAGCTACTTCTCAGAATAA	452974
Sbjct	59101	TGTCAGGTATGTTTTATGCTTTACATTCCCACAGCATATGCAGCTACTTCTCAGAATAA	59160
Query	452975	CAGTCCCTGCCCCGAGGGGACTATAGAGACCCTTGGGAGATTGAGGTAGAAGAGTTTCAT	453034
Sbjct	59161	CAGTCCCTGCCCCGAGGGGACTATAGAGACCCTTGGGAGATTGAGGTAGAAGAGTTTCAT	59220
Query	453035	ATTGATGCCATCCATGTAGGTGTGGAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGGTGTG	453094
Sbjct	59221	ATTGATGCCATCCATGTAGGTGTGGAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGGTGTG	59280
Query	453095	GAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGCTACTCTCGGGTAAGCACTTCCCATCAAC	453154
Sbjct	59281	GAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGCTACTCTCGGGTAAGCACTTCCCATCAAC	59340
Query	453155	ACAATCTCTCACTATCTCCAGATGGTGTCTGACCTGGTCCTCACGTTAGACAGAGAAA	453214
Sbjct	59341	ACAATCTCTCACTATCTCCAGATGGTGTCTGACCTGGTCCTCACGTTAGACAGAGAAA	59400
Query	453215	GCCTAGATGTGTTTCAGTGAGTGGGATTCCCTGTTAATACTGAAGTTGGAGTGTCCCAAAG	453274
Sbjct	59401	GCCTAGATGTGTTTCAGTGAGTGGGATTCCCTGTTAATACTGAAGTTGGAGTGTCCCAAAG	59460
Query	453275	ACACAAGTGTCCACAGGACCCTGTTGTACTTTTTACACGAGTGACAGTTTTGCTCTCTGA	453334
Sbjct	59461	ACACAAGTGTCCACAGGACCCTGTTGTACTTTTTACACGAGTGACAGTTTTGCTCTCTGA	59520
Query	453335	CCACGGGCCATCTAGCTTTAGACACGGTAGATGTCAAGGGGCAACCACCAAGTCACAAGA	453394
Sbjct	59521	CCACGGGCCATCTAGCTTTAGACACGGTAGATGTCAAGGGGCAACCACCAAGTCACAAGA	59580
Query	453395	TATCCTCCTGTGTCTAGACGAAGTGGTCCTGAGTTCCTGTCAGGCAACAGAAGAGAGTTC	453454
Sbjct	59581	TATCCTCCTGTGTCTAGACGAAGTGGTCCTGAGTTCCTGTCAGGCAACAGAAGAGAGTTC	59640
Query	453455	TTGAGGAAGAGGGAGTGCCATACATACTTCCAGGGACTCTGACAGCGTTGGGGCTGATAC	453514
Sbjct	59641	TTGAGGAAGAGGGAGTGCCATACATACTTCCAGGGACTCTGACAGCGTTGGGGCTGATAC	59700
Query	453515	TGCTTTCTTCTGGTTGCAGGGTCACCGTTTTACAGTCAGCAGGACTCCATGACAAAAAGT	453574
Sbjct	59701	TGCTTTCTTCTGGTTGCAGGGTCACCGTTTTACAGTCAGCAGGACTCCATGACAAAAAGT	59760
Query	453575	AGATGAGGAACCAGGCCAATATCTTAGTTATGCTCAGTGAGCAAGATGAAGACTTGCTGA	453634
Sbjct	59761	AGATGAGGAACCAGGCCAATATCTTAGTTATGCTCAGTGAGCAAGATGAAGACTTGCTGA	59820
Query	453635	GGTACATGTTGAAAGACCACTGCTTCCTAGGGAATGGTGTCTGAACTCAGCAGTGGGGAG	453694
Sbjct	59821	GGTACATGTTGAAAGACCACTGCTTCCTAGGGAATGGTGTCTGAACTCAGCAGTGGGGAG	59880
Query	453695	TGTTAATGAAAAGTACTCTTTGAGCTCCTGTGGGGACGGGGTAGTGTTGCCTCCCTTCA	453754
Sbjct	59881	TGTTAATGAAAAGTACTCTTTGAGCTCCTGTGGGGACGGGGTAGTGTTGCCTCCCTTCA	59940
Query	453755	AGCAGGCCCCCTCTGTGTTGGCTCTGGTAGACACAGTTTCCTCTTAATTGTGCTGTGCTCT	453814
Sbjct	59941	AGCAGGCCCCCTCTGTGTTGGCTCTGGTAGACACAGTTTCCTCTTAATTGTGCTGTGCTCT	60000
Query	453815	GACAGGTGGGGGAGGTAAACAGGGCCAGGAGGCTGAGCAGGTTACCTTTCTCCTTGGCA	453874
Sbjct	60001	GACAGGTGGGGGAGGTAAACAGGGCCAGGAGGCTGAGCAGGTTACCTTTCTCCTTGGCA	60060
Query	453875	TCAACCCCTTCCTTCCACAAGAGAGTGATGATAGTTAAGGAGTCACAGGCTCAGCCTCTCT	453934
Sbjct	60061	TCAACCCCTTCCTTCCACAAGAGAGTGATGATAGTTAAGGAGTCACAGGCTCAGCCTCTCT	60120
Query	453935	GGTAATAGGCCTGTCCATAAACAGACAGACACAGGCCATCCATGTTGGTACTTCTTCAGA	453994
Sbjct	60121	GGTAATAGGCCTGTCCATAAACAGACAGACACAGGCCATCCATGTTGGTACTTCTTCAGA	60180
Query	453995	AGGAAGGAGAGAGAGTGTTGTACCCAGACCTCATACACTCTCTTTATCACATCTCCGATG	454054
Sbjct	60181	AGGAAGGAGAGAGAGTGTTGTACCCAGACCTCATACACTCTCTTTATCACATCTCCGATG	60240
Query	454055	ACATGATGAGTCCTGGTCCAGCACTCTGTAGCTGTTTACTATCCCTGGCCCTGTTTCATA	454114
Sbjct	60241	ACATGATGAGTCCTGGTCCAGCACTCTGTAGCTGTTTACTATCCCTGGCCCTGTTTCATA	60300
Query	454115	TAGCTACTGGTAGGAAACTTGGAGCCTGAGTTTTCCAGGAGTGCATGTGTGCTCACAACT	454174
Sbjct	60301	TAGCTACTGGTAGGAAACTTGGAGCCTGAGTTTTCCAGGAGTGCATGTGTGCTCACAACT	60360
Query	454175	GAGCAGGAGGTAAGAGGCTGGTCATGCTGGAGTATTGCTGGCCACACTACTCCCAAATA	454234

Sbjct	60361	GAGCAGGAGGTAAGAGGCTGGTCATGCTGGAGTATTGCTGGCCACACTACTCCCAAAATA	60420
Query	454235	AGTTTCTGTGACCTCGAAATTCTTTACCAGTGTAAGGGACCCCCATCCAGAAGCTAGAGA	454294
Sbjct	60421	AGTTTCTGTGACCTCGAAATTCTTTACCAGTGTAAGGGACCCCCATCCAGAAGCTAGAGA	60480
Query	454295	CATTTGCCTCAGGTCACCTGCAGAAGACATCTGTCTGGATCTCCAGAAGTACTTCTCTCTC	454354
Sbjct	60481	CATTTGCCTCAGGTCACCTGCAGAAGACATCTGTCTGGATCTCCAGAAGTACTTCTCTCTC	60540
Query	454355	CGACAGAGAAGGCTGGAGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCTGCCTGGTATATGAG	454414
Sbjct	60541	CGACAGAGAAGGCTGGAGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCTGCCTGGTATATGAG	60600
Query	454415	AGTTCACAGAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGT	454474
Sbjct	60601	AGTTCACAGAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGT	60660
Query	454475	GTACAAGGGATGGTAGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTACAGAGTGCCAGAC	454534
Sbjct	60661	GTACAAGGGATGGTAGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTACAGAGTGCCAGAC	60720
Query	454535	AAACCATCTCTTAGTTCAAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCGGTAAG	454594
Sbjct	60721	AAACCATCTCTTAGTTCAAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCGGTAAG	60780
Query	454595	TAGAGTAATGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAGGGAAAAGCCATTTGCTAT	454654
Sbjct	60781	TAGAGTAATGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAGGGAAAAGCCATTTGCTAT	60840
Query	454655	AGGTCCCTCCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGT	454714
Sbjct	60841	AGGTCCCTCCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGT	60900
Query	454715	CTCTCCCAGTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGCCCTAC	454774
Sbjct	60901	CTCTCCCAGTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGCCCTAC	60960
Query	454775	CACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACTTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGG	454834
Sbjct	60961	CACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACTTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGG	61020
Query	454835	ACCAACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCA	454894
Sbjct	61021	ACCAACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCA	61080
Query	454895	AGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCAGCTC	454954
Sbjct	61081	AGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCAGCTC	61140
Query	454955	TTGGGCAGGAAGGTATTGTGCGGTGTTTGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAG	455014
Sbjct	61141	TTGGGCAGGAAGGTATTGTGCGGTGTTTGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAG	61200
Query	455015	AGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAATAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCACT	455074
Sbjct	61201	AGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAATAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCACT	61260
Query	455075	GTTCAGACTTGTTACAACCTTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTGATTTAGACGTGGTGGG	455134
Sbjct	61261	GTTCAGACTTGTTACAACCTTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTGATTTAGACGTGGTGGG	61320
Query	455135	CTCCAGAAAGAAAGCCGCTGTTTCTCTGGACCACCAGATGCTGTCAGCCTAGGACAACC	455194
Sbjct	61321	CTCCAGAAAGAAAGCCGCTGTTTCTCTGGACCACCAGATGCTGTCAGCCTAGGACAACC	61380
Query	455195	AGAAGTAGTGGGATCTAGGATGTCAGAGGCTAGGCTCTGGACCTTCAGATACTCTATACT	455254
Sbjct	61381	AGAAGTAGTGGGATCTAGGATGTCAGAGGCTAGGCTCTGGACCTTCAGATACTCTATACT	61440
Query	455255	CTGGAAAGGGGAACGTGTGGGCTATGTTGAGTAGAGATGCTGTGGGGTTGGGACAGTTGA	455314
Sbjct	61441	CTGGAAAGGGGAACGTGTGGGCTATGTTGAGTAGAGATGCTGTGGGGTTGGGACAGTTGA	61500
Query	455315	GTGCTGAGGGTCCTAGACAGAGTGTAAGTACCTGGGAAGTTTGAAGCTATGTGCCCTGGA	455374
Sbjct	61501	GTGCTGAGGGTCCTAGACAGAGTGTAAGTACCTGGGAAGTTTGAAGCTATGTGCCCTGGA	61560
Query	455375	CAGTTTAAAGCCATAGTTCTTGGAGACAGATACTGAAGGGAATCTGGCCAGGCTTACCCT	455434
Sbjct	61561	CAGTTTAAAGCCATAGTTCTTGGAGACAGATACTGAAGGGAATCTGGCCAGGCTTACCCT	61620
Query	455435	ACTCACCATTCCCTCTGCCTTGCTACAAATCAACTAGGTTACATTCCCAAAGCAAGCCAC	455494
Sbjct	61621	ACTCACCATTCCCTCTGCCTTGCTACAAATCAACTAGGTTACATTCCCAAAGCAAGCCAC	61680
Query	455495	CAAGGGACTATTTTCCTTATTTGGCCACTTACTTCCTCCTCCTGCACAGTTTAATACTGTA	455554
Sbjct	61681	CAAGGGACTATTTTCCTTATTTGGCCACTTACTTCCTCCTCCTGCACAGTTTAATACTGTA	61740

Query	455555	ACTCTTTATATCAGTATAGGATGCAATCTGGAGAGTGGGTCATGGGCTATGGACTTTAGA	455614
Sbjct	61741	ACTCTTTATATCAGTATAGGATGCAATCTGGAGAGTGGGTCATGGGCTATGGACTTTAGA	61800
Query	455615	AAGGTATTCTTCTTGAACATGCACTGAACACACAGCAGCTGGACTCTGAAGTCAGGTGTA	455674
Sbjct	61801	AAGGTATTCTTCTTGAACATGCACTGAACACACAGCAGCTGGACTCTGAAGTCAGGTGTA	61860
Query	455675	GGCATGAGAAAAGTGAGGATGTTGTTTTAATGACAGATTAATGTTAGACTATGTTAGCTCT	455734
Sbjct	61861	GGCATGAGAAAAGTGAGGATGTTGTTTTAATGACAGATTAATGTTAGACTATGTTAGCTCT	61920
Query	455735	GGGCAGGCTGCATTGTGACCCTCCTAGAATCAGTTTGTGTCCTTCATCTCTGGTTAATT	455794
Sbjct	61921	GGGCAGGCTGCATTGTGACCCTCCTAGAATCAGTTTGTGTCCTTCATCTCTGGTTAATT	61980
Query	455795	GGATAACATGGGCTATGTACCTCTGGATGCTGAGGATTGATTACAGCCCAAAGGAGCGGG	455854
Sbjct	61981	GGATAACATGGGCTATGTACCTCTGGATGCTGAGGATTGATTACAGCCCAAAGGAGCGGG	62040
Query	455855	CCTAAACAGCCAGCCAGTTCATTCTGTAGATGTCAAATATTGTTGTATCTGAATATAGAG	455914
Sbjct	62041	CCTAAACAGCCAGCCAGTTCATTCTGTAGATGTCAAATATTGTTGTATCTGAATATAGAG	62100
Query	455915	GTGCTCTGTGTTCTACAGAGCCTGAAGTATAGAATGTCACCGCCTGCTGATGTATGCACC	455974
Sbjct	62101	GTGCTCTGTGTTCTACAGAGCCTGAAGTATAGAATGTCACCGCCTGCTGATGTATGCACC	62160
Query	455975	ATGCAAATCCATGCATCATGTCTTCTGGACACTTCGGTGCCCTGAGTCATATAGAATTGA	456034
Sbjct	62161	ATGCAAATCCATGCATCATGTCTTCTGGACACTTCGGTGCCCTGAGTCATATAGAATTGA	62220
Query	456035	ATGCTCTAGGCACTACATGCAGGGTGTAGAGACTTCTCAACAGTTGAACAATGTGTGCCC	456094
Sbjct	62221	ATGCTCTAGGCACTACATGCAGGGTGTAGAGACTTCTCAACAGTTGAACAATGTGTGCCC	62280
Query	456095	AGCACAGTCTCCTTCTATGAGATTCTGATCAATGCTGTGGGAACGGATAATCAACTGCT	456154
Sbjct	62281	AGCACAGTCTCCTTCTATGAGATTCTGATCAATGCTGTGGGAACGGATAATCAACTGCT	62340
Query	456155	GTGAACACTTCTTTGTGAGATTCCGTGGACTCTGGAGGACAAGAGTCATCCAGAAGCTGA	456214
Sbjct	62341	GTGAACACTTCTTTGTGAGATTCCGTGGACTCTGGAGGACAAGAGTCATCCAGAAGCTGA	62400
Query	456215	GAGCTTCGATAGTGGATACTCCATGAGGACTGCTAGTTTCAAAGAGCTGTCTCTTGCCCTG	456274
Sbjct	62401	GAGCTTCGATAGTGGATACTCCATGAGGACTGCTAGTTTCAAAGAGCTGTCTCTTGCCCTG	62460
Query	456275	TGCTCCTGTTGTGTGACAAGACTTCTCGTGGGGTCAGGGAACACAGGTTTGAGCACCCCA	456334
Sbjct	62461	TGCTCCTGTTGTGTGACAAGACTTCTCGTGGGGTCAGGGAACACAGGTTTGAGCACCCCA	62520
Query	456335	GGTTGGGAGTTCATGACAGACCAAAGTGCACATATTAGGACAGTCCGACTTGGTGGACCA	456394
Sbjct	62521	GGTTGGGAGTTCATGACAGACCAAAGTGCACATATTAGGACAGTCCGACTTGGTGGACCA	62580
Query	456395	GTGAGTTTAATTGGGGTTACTTACGGGAGCAGAAGTGAAGTCAAGACAGCTTCCATTCAA	456454
Sbjct	62581	GTGAGTTTAATTGGGGTTACTTACGGGAGCAGAAGTGAAGTCAAGACAGCTTCCATTCAA	62640
Query	456455	ACCAACCCCCCAGTGTGGGTGACAGTTCACGAAGCTGGGAACATGGAGCACAGACTGCAG	456514
Sbjct	62641	ACCAACCCCCCAGTGTGGGTGACAGTTCACGAAGCTGGGAACATGGAGCACAGACTGCAG	62700
Query	456515	GGTAGAGAATGTCCTTTTTCAAGAGATTGCTGGTCTAAACCTCTTCCAGGTGACTCAACTT	456574
Sbjct	62701	GGTAGAGAATGTCCTTTTTCAAGAGATTGCTGGTCTAAACCTCTTCCAGGTGACTCAACTT	62760
Query	456575	GTGTTTGCTTCTTCTGGGCAACTGGTCTTGTCTCAAGAGTTTTCTTTGAGGCTTGGCTTC	456634
Sbjct	62761	GTGTTTGCTTCTTCTGGGCAACTGGTCTTGTCTCAAGAGTTTTCTTTGAGGCTTGGCTTC	62820
Query	456635	TTTGCACTGGGGGGAGGGGCTACTGAATCTAGTCAGTTTCAGATGCTTGCTGAGCTCTT	456694
Sbjct	62821	TTTGCACTGGGGGGAGGGGCTACTGAATCTAGTCAGTTTCAGATGCTTGCTGAGCTCTT	62880
Query	456695	TTGAGTGGCTTTATCTCTGCCTATGGAGCTTCCCTGCGAGCTGGAATAGAGTTGTCTTCT	456754
Sbjct	62881	TTGAGTGGCTTTATCTCTGCCTATGGAGCTTCCCTGCGAGCTGGAATAGAGTTGTCTTCT	62940
Query	456755	CACTCTGCTTCCCTGCAGGATGGAATGTCCCAACTGTTTCAGGATCCTCGGGAACGTCA	456814
Sbjct	62941	CACTCTGCTTCCCTGCAGGATGGAATGTCCCAACTGTTTCAGGATCCTCGGGAACGTCA	63000
Query	456815	GTTACTGAAGGTTCTGGACAATGTAGATTTAGAAATTTGGGGTTGTGAGTCATCGAGAGA	456874
Sbjct	63001	GTTACTGAAGGTTCTGGACAATGTAGATTTAGAAATTTGGGGTTGTGAGTCATCGAGAGA	63060
Query	456875	TCTGGACAATGATTGCCTTTTCCCCCTGCAAAGTCCTAATCTGTAGGCTTGTGGGCAGTC	456934

Sbjct	63061	TCTGGACAATGATTGCCTTTTCCCCCTGCAAAGTCCTAATCTGTAGGCTTGTGGGCAGTC	63120
Query	456935	ACACCAGGTTGGCTCTGACCGTGACATGATGCCTGACATACGGACGATGTGAGGAATGGA	456994
Sbjct	63121	ACACCAGGTTGGCTCTGACCGTGACATGATGCCTGACATACGGACGATGTGAGGAATGGA	63180
Query	456995	CATCATTTAGTCACTTTTGTGCTGGTGGCTATCAGAAGGTCCAGATTACGGACAGTCATAA	457054
Sbjct	63181	CATCATTTAGTCACTTTTGTGCTGGTGGCTATCAGAAGGTCCAGATTACGGACAGTCATAA	63240
Query	457055	GATTTGGGCTGTGGGCTGTCAGACCCTTGGGTTCTGAAAAC TTGGACAGCAGACTGTACG	457114
Sbjct	63241	GATTTGGGCTGTGGGCTGTCAGACCCTTGGGTTCTGAAAAC TTGGACAGCAGACTGTACG	63300
Query	457115	CACATATTAAC TCTAGCTGGCCAAAGGCTGTGGGTAATACACTGTCAGAAATCATTGCTC	457174
Sbjct	63301	CACATATTAAC TCTAGCTGGCCAAAGGCTGTGGGTAATACACTGTCAGAAATCATTGCTC	63360
Query	457175	ATGCTGGGCCGTTGACCATGCATATTCTGGAAGCTAGATCCTGTGGACAGTGGGCAGTC	457234
Sbjct	63361	ATGCTGGGCCGTTGACCATGCATATTCTGGAAGCTAGATCCTGTGGACAGTGGGCAGTC	63420
Query	457235	AGATACTCTGGGACCTAAAGTCACACAGACTGTCTATAAAGGTAGAAGCTGTTGATCTTG	457294
Sbjct	63421	AGATACTCTGGGACCTAAAGTCACACAGACTGTCTATAAAGGTAGAAGCTGTTGATCTTG	63480
Query	457295	CATAGTAAGAGAGTGAGGGGTTCTGTATACTTGGAAGCTATGGGCTTTGGGCAGTTAAAT	457354
Sbjct	63481	CATAGTAAGAGAGTGAGGGGTTCTGTATACTTGGAAGCTATGGGCTTTGGGCAGTTAAAT	63540
Query	457355	GCTGTGGTCTCTCAACAGTGACAAGCTGTGAGACTGGAAGATGAAGGACTGCAC TTGTGA	457414
Sbjct	63541	GCTGTGGTCTCTCAACAGTGACAAGCTGTGAGACTGGAAGATGAAGGACTGCAC TTGTGA	63600
Query	457415	GGGAGGTGGAAGTTGTGAACTGAGACAGTTAATAGTGGTGGATTTAGAATTGACAGACTC	457474
Sbjct	63601	GGGAGGTGGAAGTTGTGAACTGAGACAGTTAATAGTGGTGGATTTAGAATTGACAGACTC	63660
Query	457475	TGTGGTCTCTGGCCAGTCATTTGCTTTCAAGTCTGTGGAGTTTCATTCACTGTCTTACAT	457534
Sbjct	63661	TGTGGTCTCTGGCCAGTCATTTGCTTTCAAGTCTGTGGAGTTTCATTCACTGTCTTACAT	63720
Query	457535	AGTCAGAAGCTGTGAGGACTGGGCATTATAGGCACTGTGAAGTCTAAAGCTGTGGGAACC	457594
Sbjct	63721	AGTCAGAAGCTGTGAGGACTGGGCATTATAGGCACTGTGAAGTCTAAAGCTGTGGGAACC	63780
Query	457595	AGAAACTCTACAGATGGGTCCCTCTGCAGAGCTAGACCTGGGTATGAGC tttttttttttt	457654
Sbjct	63781	AGAAACTCTACAGATGGGTCCCTCTGCAGAGCTAGACCTGGGTATGAGCTTTTTTTTTTTTT	63840
Query	457655	ttttttttttt GATTACTTTTTTACTCATTCACTTTCCATCACTTCCCTTCACCAGGTCACT	457714
Sbjct	63841	TTTTTTTTTTGATTACTTTTTTACTCATTCACTTTCCATCACTTCCCTTCACCAGGTCACT	63900
Query	457715	CCCTACCCTAATCCTACTCCCCTGCTCTTCTAAATGTGTGGGGTTGGGGGGACAGTAACA	457774
Sbjct	63901	CCCTACCCTAATCCTACTCCCCTGCTCTTCTAAATGTGTGGGGTTGGGGGGACAGTAACA	63960
Query	457775	AGTCTTAACAGTCACTTGTGTGGACTTTTACATGGGTGATAGGAGGTTTGGACTGTCTGA	457834
Sbjct	63961	AGTCTTAACAGTCACTTGTGTGGACTTTTACATGGGTGATAGGAGGTTTGGACTGTCTGA	64020
Query	457835	AGCTCTAGTCTTTCCACAGTGAGACTTTGGATGCTCTGGTGATTAGACAGGTGACAGCCT	457894
Sbjct	64021	AGCTCTAGTCTTTCCACAGTGAGACTTTGGATGCTCTGGTGATTAGACAGGTGACAGCCT	64080
Query	457895	GAGTTTGCATGCAGATGATATGGTGGTCTGGACAGTTAGGTTTTGTTTGTCTGAACAG	457954
Sbjct	64081	GAGTTTGCATGCAGATGATATGGTGGTCTGGACAGTTAGGTTTTGTTTGTCTGAACAG	64140
Query	457955	CTCTCTATGTATGACATTTTTTTCACAGCATACCATGACAATGACCGCCACTTAAAAAGGG	458014
Sbjct	64141	CTCTCTATGTATGACATTTTTTTCACAGCATACCATGACAATGACCGCCACTTAAAAAGGG	64200
Query	458015	TGGCATCTGGGACCCTGAGAAGCAGGACACACATCACTCCAGGGGACTGACCATCTGAAA	458074
Sbjct	64201	TGGCATCTGGGACCCTGAGAAGCAGGACACACATCACTCCAGGGGACTGACCATCTGAAA	64260
Query	458075	TAAGAGGCTGCCTGCAGTAGGCTGGGATGGGGACATCTCAGTAACCTGAAGCAGCTCTTT	458134
Sbjct	64261	TAAGAGGCTGCCTGCAGTAGGCTGGGATGGGGACATCTCAGTAACCTGAAGCAGCTCTTT	64320
Query	458135	ATAAAAAGCCAGTTGTTCCCATTTCTCCTAAACTTAGTCCTGCACAACAGCTGTGTAGCT	458194
Sbjct	64321	ATAAAAAGCCAGTTGTTCCCATTTCTCCTAAACTTAGTCCTGCACAACAGCTGTGTAGCT	64380
Query	458195	TTCATTTGTGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGGCCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATC	458254
Sbjct	64381	TTCATTTGTGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGGCCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATC	64440

Query	458255	TGACCTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAAATTTGTGTAACTAGATGTTCCCT	458314
Sbjct	64441	TGACCTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAAATTTGTGTAACTAGATGTTCCCT	64500
Query	458315	GATGCAATGATTCTTAAACAATTGGAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGCACAGTCC	458374
Sbjct	64501	GATGCAATGATTCTTAAACAATTGGAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGCACAGTCC	64560
Query	458375	TAATGGCCCAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGGAAATCAATGTAGTAACGCACAAT	458434
Sbjct	64561	TAATGGCCCAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGGAAATCAATGTAGTAACGCACAAT	64620
Query	458435	AATAGTTCAGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAAACTTTAAAGGATTATTAGAAAATGAA	458494
Sbjct	64621	AATAGTTCAGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAAACTTTAAAGGATTATTAGAAAATGAA	64680
Query	458495	TTAGCACCAACATTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTT	458554
Sbjct	64681	TTAGCACCAACATTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTT	64740
Query	458555	TATATAACACTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGAATAAAATACGTAAAATTACGTAC	458614
Sbjct	64741	TATATAACACTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGAATAAAATACGTAAAATTACGTAC	64800
Query	458615	TAGTAAAACTAAGTCAAAATAGTGGAATTCCTAGGAGAGTGTTTGTGTGCAATATAAAGG	458674
Sbjct	64801	TAGTAAAACTAAGTCAAAATAGTGGAATTCCTAGGAGAGTGTTTGTGTGCAATATAAAGG	64860
Query	458675	AGCAGAAAGCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACTACTGCC	458734
Sbjct	64861	AGCAGAAAGCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACTACTGCC	64920
Query	458735	TGGCAGTTTTGTCTGTCAATTATCATTAGAGCTTCCAGGAAATTGCAACAGGCTGAGCT	458794
Sbjct	64921	TGGCAGTTTTGTCTGTCAATTATCATTAGAGCTTCCAGGAAATTGCAACAGGCTGAGCT	64980
Query	458795	CAGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTTAACTAATGATAAGTT	458854
Sbjct	64981	CAGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTTAACTAATGATAAGTT	65040
Query	458855	TGCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATTAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGT	458914
Sbjct	65041	TGCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATTAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGT	65100
Query	458915	AACAACTGTAATTCTTAATCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATTGGCA	458974
Sbjct	65101	AACAACTGTAATTCTTAATCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATTGGCA	65160
Query	458975	ATGATTGTGCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAAATAGTGGGGC	459034
Sbjct	65161	ATGATTGTGCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAAATAGTGGGGC	65220
Query	459035	aagaaggagggcagagagaaacgagaggagcatgtgaagctaagcgtagtggaagagagag	459094
Sbjct	65221	AAGAAGGAGGCGAGAGAGAACGAGAGGAGCATGTGAAGCTAAGCGTAGTGAAGAGAGAG	65280
Query	459095	tgtgaagagtgaagtgaagagagaatgtgaggtgtgtatgaagaatgtgtgtgtgaagttaa	459154
Sbjct	65281	TGTGAAGAGTGAAGTGAAGAGAGAATGTGAGGTGTGTATGAAGAATGTGTGTGTGAGTGAA	65340
Query	459155	aggaaaagtgcattgtgatattgtgtgagatatgtgtgaggtgtgtatgaccagttgtgttga	459214
Sbjct	65341	AGGAAAAGTGCATGTGATATGTGTGAGATATGTGTGAGGTGTGTATGACGAGTGTGTGTGA	65400
Query	459215	gagtgaaaagaggaattaagacatctgtgttatgtgtgtgtgagTTTGAGAAAAGAAAAGTA	459274
Sbjct	65401	GAGTGAAAGAGGAATTAAGACATCTGTGTATGTGTGTGTGAGTTTGAGAAAAGAAAAGTA	65460
Query	459275	CAGAGGAGAAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAGgtg	459334
Sbjct	65461	CAGAGGAGAAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAGGTG	65520
Query	459335	tgttgttttgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtATgagagagagag	459394
Sbjct	65521	TGTGTGTTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTATGAGAGAGAGAG	65580
Query	459395	acagacagacagacagacacagagagacagagaggagagagagagatggaggaggagaaa	459454
Sbjct	65581	ACAGACAGACAGACAGACACAGAGAGACAGAGAGGGAGAGAGAGAGATGGAGGAGGAGAA	65640
Query	459455	gaagaatgaaaggaagaagagggaagaggaggaggaggagggaagatgacaaagaca	459514
Sbjct	65641	GAAGAATGAAAGGAAGAAGAGGAAGAGGAGGGAGGGAGGAGGGAAGATGACAAAGACA	65700
Query	459515	acgaagaagaagaaTTGAAGAAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTGCGTTTGTACTC	459574
Sbjct	65701	ACGAAGAAGAAGAAATTGAAGAAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTGCGTTTGTACTC	65760
Query	459575	CAAAGTAGTCTTTTATACTTTTTCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTTCAGAATTGA	459634

Sbjct	65761	 CAAAGTAGTCTTTTATACTTTTTCCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTCAGAATTGA	65820
Query	459635	GGCTGGACCCTGACAATAGTCAGAGACGGCCAGCTGCACTTGGCTCTGGACGGTTGCTAA	459694
Sbjct	65821	GGCTGGACCCTGACAATAGTCAGAGACGGCCAGCTGCACTTGGCTCTGGACGGTTGCTAA	65880
Query	459695	ATGCTCTGAGCACAAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGAC	459754
Sbjct	65881	ATGCTCTGAGCACAAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGAC	65940
Query	459755	GCCAGCCCTCTGGTACTGTGAGCTCCCAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTG	459814
Sbjct	65941	GCCAGCCCTCTGGTACTGTGAGCTCCCAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTG	66000
Query	459815	TTCATGGGGTACTTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTT	459874
Sbjct	66001	TTCATGGGGTACTTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTT	66060
Query	459875	CAGATGTCACATGTGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTC	459934
Sbjct	66061	CAGATGTCACATGTGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTC	66120
Query	459935	TGTGAGTTCATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACTATTGACCTGTAGCC	459994
Sbjct	66121	TGTGAGTTCATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACTATTGACCTGTAGCC	66180
Query	459995	ATCCACATCCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTTCCACCCCTACCATTCCACAATGGATC	460054
Sbjct	66181	ATCCACATCCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTTCCACCCCTACCATTCCACAATGGATC	66240
Query	460055	TCTGATCCTTGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTTCCACTGGCTTTGCTGCAACTGG	460114
Sbjct	66241	TCTGATCCTTGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTTCCACTGGCTTTGCTGCAACTGG	66300
Query	460115	TGAGTCTGACAAAAGCCACCTAATGGGTTAAGAGACTTGAGAGATGGCTTCGTGGTTAAG	460174
Sbjct	66301	TGAGTCTGACAAAAGCCACCTAATGGGTTAAGAGACTTGAGAGATGGCTTCGTGGTTAAG	66360
Query	460175	AGTGATTTCGTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCAGCTAC	460234
Sbjct	66361	AGTGATTTCGTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCAGCTAC	66420
Query	460235	AGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACTTAAGACATATGCCCCAACCATG	460294
Sbjct	66421	AGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACTTAAGACATATGCCCCAACCATG	66480
Query	460295	CACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAG	460354
Sbjct	66481	CACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAG	66540
Query	460355	AACACAGTCTTTGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAA	460414
Sbjct	66541	AACACAGTCTTTGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAA	66600
Query	460415	AACTTTTTCTTTCTCCAACAACCTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTA	460474
Sbjct	66601	AACTTTTTCTTTCTCCAACAACCTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTA	66660
Query	460475	AATGAACTTAGGTTTGTGATTATAAACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATA	460534
Sbjct	66661	AATGAACTTAGGTTTGTGATTATAAACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATA	66720
Query	460535	TCATGGACTTGCATAGAGaagcaaaacacacaaagtcaaaaagcaaacaagctataaaac	460594
Sbjct	66721	TCATGGACTTGCATAGAGAAGCAAACACACAAAGTCAAAAAGCAAACAAGCTATAAAAC	66780
Query	460595	accaaaaccaacgggcgcaaaagAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCAATGGCTGAGCCC	460654
Sbjct	66781	ACCAAACCAACGGGCGCAAAGAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCAATGGCTGAGCCC	66840
Query	460655	AAATGAATGATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGTGACATCTGATATCCTTTGTTTAGACAGG	460714
Sbjct	66841	AAATGAATGATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGTGACATCTGATATCCTTTGTTTAGACAGG	66900
Query	460715	CTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGC	460774
Sbjct	66901	CTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGC	66960
Query	460775	TGCATAACCATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCA	460834
Sbjct	66961	TGCATAACCATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCA	67020
Query	460835	CAGAACTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGGAGGAAG	460894
Sbjct	67021	CAGAACTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGGAGGAAG	67080
Query	460895	GCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCT	460954
Sbjct	67081	GCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCT	67140

[illegible]



Sbjct	68461	CTAAGTCACTCTTTTTGACTGAGGGTTGTTGACCCCTACATCTTGACTTGATTCCCT	68520
Query	462335	CATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCAACATAGCCCAATTCTGGAAGGGTAAAAAGAAG	462394
Sbjct	68521	CATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCAACATAGCCCAATTCTGGAAGGGTAAAAAGAAG	68580
Query	462395	ATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGAGTGGAAGGCCGGGTGGCAAGTGGGGATGGGA	462454
Sbjct	68581	ATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGAGTGGAAGGCCGGGTGGCAAGTGGGGATGGGA	68640
Query	462455	CATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGATGGGTATGTTCTGAATGGTGAAGGAGCATGC	462514
Sbjct	68641	CATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGATGGGTATGTTCTGAATGGTGAAGGAGCATGC	68700
Query	462515	TGAGACCCCTTCCAGGTAGGATAGGCAGGGACTGTGAGGTTTGGACCATAAAGGACTCTGT	462574
Sbjct	68701	TGAGACCCCTTCCAGGTAGGATAGGCAGGGACTGTGAGGTTTGGACCATAAAGGACTCTGT	68760
Query	462575	GACCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGTCTACATTGGAGAACTCGGTGAGACAGCAGAA	462634
Sbjct	68761	GACCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGTCTACATTGGAGAACTCGGTGAGACAGCAGAA	68820
Query	462635	AGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCACAAATCATAATGTTAGTACCTGACTAGGAAGC	462694
Sbjct	68821	AGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCACAAATCATAATGTTAGTACCTGACTAGGAAGC	68880
Query	462695	AAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAATGCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGT	462754
Sbjct	68881	AAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAATGCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGT	68940
Query	462755	TCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCC	462814
Sbjct	68941	TCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCC	69000
Query	462815	TTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCTTCCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATT	462874
Sbjct	69001	TTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCTTCCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATT	69060
Query	462875	GCATTTTGGGAGGAACACTACAGCCAGGCAATCTATTTGGTTTCACTAGGGTGACTATACT	462934
Sbjct	69061	GCATTTTGGGAGGAACACTACAGCCAGGCAATCTATTTGGTTTCACTAGGGTGACTATACT	69120
Query	462935	TTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTCCTTTGGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGCTCAATTGCT	462994
Sbjct	69121	TTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTCCTTTGGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGCTCAATTGCT	69180
Query	462995	CGTACGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGTGCTGGTGAGATCCACTGGGAGAGCTGCTTACA	463054
Sbjct	69181	CGTACGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGTGCTGGTGAGATCCACTGGGAGAGCTGCTTACA	69240
Query	463055	TGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTCACTAGGGTGAAGACGGTGTAAAAGTGTG	463114
Sbjct	69241	TGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTCACTAGGGTGAAGACGGTGTAAAAGTGTG	69300
Query	463115	AAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAA	463174
Sbjct	69301	AAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAA	69360
Query	463175	CTCATGGCCCATGCATAAGAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCCTTGTGTATTT	463234
Sbjct	69361	CTCATGGCCCATGCATAAGAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCCTTGTGTATTT	69420
Query	463235	CAACCACCTTTCAAACCAGTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGA	463294
Sbjct	69421	CAACCACCTTTCAAACCAGTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGA	69480
Query	463295	GGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTGCAGCAG	463354
Sbjct	69481	GGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTGCAGCAG	69540
Query	463355	CCATGGTTCTGAAGGGCTAGAAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGAC	463414
Sbjct	69541	CCATGGTTCTGAAGGGCTAGAAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGAC	69600
Query	463415	ATTAAAAGGATATAGTTCACCCGTTTTTCGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGG	463474
Sbjct	69601	ATTAAAAGGATATAGTTCACCCGTTTTTCGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGG	69660
Query	463475	CCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGACTT	463534
Sbjct	69661	CCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGACTT	69720
Query	463535	TAGCATGCAGATTCTTTTTGAGCTGACAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGT	463594
Sbjct	69721	TAGCATGCAGATTCTTTTTGAGCTGACAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGT	69780
Query	463595	TGCACACTAAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCT	463654
Sbjct	69781	TGCACACTAAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCT	69840

Query	463655	TGGGGACTGTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTTCCCCCTCATG	463714
Sbjct	69841	TGGGGACTGTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTTCCCCCTCATG	69900
Query	463715	TCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTT	463774
Sbjct	69901	TCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTT	69960
Query	463775	TCATTCAATTCAATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATGTCAGTCCACAGCTATAGGTTC	463834
Sbjct	69961	TCATTCAATTCAATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATGTCAGTCCACAGCTATAGGTTC	70020
Query	463835	CAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCC	463894
Sbjct	70021	CAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCC	70080
Query	463895	AGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAG	463954
Sbjct	70081	AGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAG	70140
Query	463955	ATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTTCTTACTGGTGTTTATTTACAT	464014
Sbjct	70141	ATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTTCTTACTGGTGTTTATTTACAT	70200
Query	464015	GCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCTTGGGTCATTGCTTTCTTTGTGCACATCCGTGTAC	464074
Sbjct	70201	GCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCTTGGGTCATTGCTTTCTTTGTGCACATCCGTGTAC	70260
Query	464075	AAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTAC	464134
Sbjct	70261	AAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTAC	70320
Query	464135	AGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCTAGGTTGTGAGGTCCAACAAGAAGAATAGCA	464194
Sbjct	70321	AGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCTAGGTTGTGAGGTCCAACAAGAAGAATAGCA	70380
Query	464195	GGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACGATAAAACTCAACAGATGGCAAAG	464254
Sbjct	70381	GGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACGATAAAACTCAACAGATGGCAAAG	70440
Query	464255	ATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACA	464314
Sbjct	70441	ATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACA	70500
Query	464315	GTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGT	464374
Sbjct	70501	GTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGT	70560
Query	464375	ACCAGAGTTTTGTAGGAAAAAACAACGTGAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTCCCAGA	464434
Sbjct	70561	ACCAGAGTTTTGTAGGAAAAAACAACGTGAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTCCCAGA	70620
Query	464435	TAAAGAAAGACCACCTGGAAGCttttttttaaaaaaaCTCCATGGAATTCGGCATCTAAT	464494
Sbjct	70621	TAAAGAAAGACCACCTGGAAGCTTTTTTTTAAAAAAACTCCATGGAATTCGGCATCTAAT	70680
Query	464495	CGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCATTCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCT	464554
Sbjct	70681	CGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCATTCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCT	70740
Query	464555	AAGTTTCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATG	464614
Sbjct	70741	AAGTTTCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATG	70800
Query	464615	GCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATG	464674
Sbjct	70801	GCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATG	70860
Query	464675	AAATTAGCTCCTGTTAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAA	464734
Sbjct	70861	AAATTAGCTCCTGTTAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAA	70920
Query	464735	CTAGCACGCAGGTCCCATAACCAGTCCAGTGATAGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTA	464794
Sbjct	70921	CTAGCACGCAGGTCCCATAACCAGTCCAGTGATAGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTA	70980
Query	464795	TAGCATCCTCACATGTGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCCAGAGTAGTTGATTTTCACTCT	464854
Sbjct	70981	TAGCATCCTCACATGTGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCCAGAGTAGTTGATTTTCACTCT	71040
Query	464855	CTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGC	464914
Sbjct	71041	CTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGC	71100
Query	464915	TGGTCAGGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCA	464974
Sbjct	71101	TGGTCAGGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCA	71160
Query	464975	GCCTTTTGACATCCTATTTTCTCTATGCATATTTCTCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCT	465034

Sbjct	71161	GCCTTTTGACATCCTATTTTCCTATGCATATTTCTCCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCT	71220
Query	465035	TACTCTTGCTCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAG	465094
Sbjct	71221	TACTCTTGCTCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAG	71280
Query	465095	TGTATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGCatttattttttcataaaaaatagttttgt	465154
Sbjct	71281	TGTATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGCATTTATTTTTCATAAAAAATAGTTTGT	71340
Query	465155	ttttgcttctagtagtattccaattttgaatattattttACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTT	465214
Sbjct	71341	TTTTGCTTCTAGTATTCCAATTTTGAATATTATTTTACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTT	71400
Query	465215	GCTTCGAGATACTTGATTTCGACTTAACTTTGACAACATATACAGATGGGAGATGTAGTT	465274
Sbjct	71401	GCTTCGAGATACTTGATTTCGACTTAACTTTGACAACATATACAGATGGGAGATGTAGTT	71460
Query	465275	TGTCCATCCTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAGAAAGAAATAGATCTGCATTAGCTTGACTACAA	465334
Sbjct	71461	TGTCCATCCTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAGAAAGAAATAGATCTGCATTAGCTTGACTACAA	71520
Query	465335	TCACAGTTCTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTATAAGGAGACTGACCATTAATTTG	465394
Sbjct	71521	TCACAGTTCTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTATAAGGAGACTGACCATTAATTTG	71580
Query	465395	TATGGCTTAAATGTCTTTAAGAGCTTACAATAACTAATGTTTCAGGACACTAGATTTTTAT	465454
Sbjct	71581	TATGGCTTAAATGTCTTTAAGAGCTTACAATAACTAATGTTTCAGGACACTAGATTTTTAT	71640
Query	465455	AATTTTATCTTAATGAGTCTTAGAAATTATCATTTTGAATTGAAGCTCTTTTACAATGAA	465514
Sbjct	71641	AATTTTATCTTAATGAGTCTTAGAAATTATCATTTTGAATTGAAGCTCTTTTACAATGAA	71700
Query	465515	AATAAATTTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGTAGGAACCCATTTCTTTCTA	465574
Sbjct	71701	AATAAATTTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGTAGGAACCCATTTCTTTCTA	71760
Query	465575	TGAATCCTTCTACAAACCACCAAGGCTTTTTATGTGACTCAGGGACTCTAAATAGATAAA	465634
Sbjct	71761	TGAATCCTTCTACAAACCACCAAGGCTTTTTATGTGACTCAGGGACTCTAAATAGATAAA	71820
Query	465635	GCTTAACAAAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACATACATCTTTCAGTCATATTTGT	465694
Sbjct	71821	GCTTAACAAAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACATACATCTTTCAGTCATATTTGT	71880
Query	465695	CAACATGTGTTGACTATGATAATTATGGGAATGTATGCTGGCATATTGTACAAGAGAAGA	465754
Sbjct	71881	CAACATGTGTTGACTATGATAATTATGGGAATGTATGCTGGCATATTGTACAAGAGAAGA	71940
Query	465755	TTACCTTATATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTTCATAGGTGCTAGGTTAACAAGAAC	465814
Sbjct	71941	TTACCTTATATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTTCATAGGTGCTAGGTTAACAAGAAC	72000
Query	465815	TAAGAAGGTGGAGGCAGTAGACAGAGTGGTAGACACCCATAATTATTTTTATGCATTGA	465874
Sbjct	72001	TAAGAAGGTGGAGGCAGTAGACAGAGTGGTAGACACCCATAATTATTTTTATGCATTGA	72060
Query	465875	AAATACTCTTCAAgtgtgtgtatgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgagagagagagaga	465934
Sbjct	72061	AAATACTCTTCAATGTGTGTGTATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGA	72120
Query	465935	gagagagacagagagagagagagagaAATTTATGTGATTTTAAATGTATATACAACATTGAAA	465994
Sbjct	72121	GAGAGAGACAGAGAGAGAGAGAGAAATTTATGTGATTTTAAATGTATATACAACATTGAAA	72180
Query	465995	ACAACATCTTAACTACCATGAGATATAAAATAGTAGGCAGAGACATCATTTGTTATAAGA	466054
Sbjct	72181	ACAACATCTTAACTACCATGAGATATAAAATAGTAGGCAGAGACATCATTTGTTATAAGA	72240
Query	466055	AAATTTTCAAGGGGAAATGTTAGGCAATATTGAGGCCTTCTTCAGTATATCTTCTTTG	466114
Sbjct	72241	AAATTTTCAAGGGGAAATGTTAGGCAATATTGAGGCCTTCTTCAGTATATCTTCTTTG	72300
Query	466115	AAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACCTTGCGGTCTCAT	466174
Sbjct	72301	AAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACCTTGCGGTCTCAT	72360
Query	466175	ATAACTAGAGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAA	466234
Sbjct	72361	ATAACTAGAGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAA	72420
Query	466235	GCCCAGTGATCTTGCTGTCTCCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAGTCCAG	466294
Sbjct	72421	GCCCAGTGATCTTGCTGTCTCCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAGTCCAG	72480
Query	466295	CTGTGTTTTAGGCAGTCTCAGTAGAGTTCTGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCA	466354
Sbjct	72481	CTGTGTTTTAGGCAGTCTCAGTAGAGTTCTGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCA	72540

Query	466355	CATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTA	466414
Sbjct	72541	CATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTA	72600
Query	466415	ATATTAACGTGTGTACACCCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAACCTTGT	466474
Sbjct	72601	ATATTAACGTGTGTACACCCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAACCTTGT	72660
Query	466475	AGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTTCGGC	466534
Sbjct	72661	AGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTTCGGC	72720
Query	466535	TTGTATCAGAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGA	466594
Sbjct	72721	TTGTATCAGAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGA	72780
Query	466595	ACCCAGTTAAAACTATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTT	466654
Sbjct	72781	ACCCAGTTAAAACTATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTT	72840
Query	466655	TATTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCT	466714
Sbjct	72841	TATTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCT	72900
Query	466715	GGTTTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGA	466774
Sbjct	72901	GGTTTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGA	72960
Query	466775	CAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGaaaaagaaaaacaaaaaGGGA	466834
Sbjct	72961	CAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGAAAAGAAAAACAAAAAGGGA	73020
Query	466835	GGATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAA	466894
Sbjct	73021	GGATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAA	73080
Query	466895	CAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTT	466954
Sbjct	73081	CAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTT	73140
Query	466955	TTCTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAA	467014
Sbjct	73141	TTCTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAA	73200
Query	467015	TTATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTaaaaaaaTTAGAACATT	467074
Sbjct	73201	TTATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTAAAAAAATTAGAACATT	73260
Query	467075	AGGGGAAATCAATTATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGtttttttt	467134
Sbjct	73261	AGGGGAAATCAATTATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGTTTTTTT	73320
Query	467135	tttATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTG	467194
Sbjct	73321	TTTATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTG	73380
Query	467195	CCAGTTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCC	467254
Sbjct	73381	CCAGTTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCC	73440
Query	467255	TTCACCCACACCCCCACTCCGTCCCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACA	467314
Sbjct	73441	TTCACCCACACCCCCACTCCGTCCCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACA	73500
Query	467315	TCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTA	467374
Sbjct	73501	TCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTA	73560
Query	467375	CATATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCC	467434
Sbjct	73561	CATATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCC	73620
Query	467435	CTCGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCT	467494
Sbjct	73621	CTCGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCT	73680
Query	467495	CCTTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCAGTTCAATGGTTGGCT	467554
Sbjct	73681	CCTTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCAGTTCAATGGTTGGCT	73740
Query	467555	GAAAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTT	467614
Sbjct	73741	GAAAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTT	73800
Query	467615	AGGAGGCTCCTGTCTCAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCCTCAGCCAAAGTCCTAGGACC	467674
Sbjct	73801	AGGAGGCTCCTGTCTCAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCCTCAGCCAAAGTCCTAGGACC	73860
Query	467675	AAGCAGAAATGTCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCC	467734

Sbjct	73861	 AAGCAGAAATTGCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCC	73920
Query	467735	AGTGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTT	467794
Sbjct	73921	 AGTGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTT	73980
Query	467795	ATGAATCTATGTGTCACCTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAA	467854
Sbjct	73981	 ATGAATCTATGTGTCACCTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAA	74040
Query	467855	ATGGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCC	467914
Sbjct	74041	 ATGGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCC	74100
Query	467915	AGCAAGAGTGAATGGTTTTCTGGGACTGTGGTGGGTCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATG	467974
Sbjct	74101	 AGCAAGAGTGAATGGTTTTCTGGGACTGTGGTGGGTCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATG	74160
Query	467975	ATGATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCCTGTCTAGCTTGGCACTGGTG	468034
Sbjct	74161	 ATGATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCCTGTCTAGCTTGGCACTGGTG	74220
Query	468035	GGGAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTTATAAGCATTGCAATACCTAGAACACCTTA	468094
Sbjct	74221	 GGGAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTTATAAGCATTGCAATACCTAGAACACCTTA	74280
Query	468095	GGAGTCATTCTTGGCAGGGCACCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATAT	468154
Sbjct	74281	 GGAGTCATTCTTGGCAGGGCACCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATAT	74340
Query	468155	GGGATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATG	468214
Sbjct	74341	 GGGATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATG	74400
Query	468215	ATAAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGgtgtgt	468274
Sbjct	74401	 ATAAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGGTGTGT	74460
Query	468275	gtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtCaaaatataaa	468334
Sbjct	74461	 GTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	74520
Query	468335	aaataaaaaaaGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGTGTCCTCAAG	468394
Sbjct	74521	 AAATAAAAAAGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGTGTCCTCAAG	74580
Query	468395	ATATCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTGCTCCAACC	468454
Sbjct	74581	 ATATCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTGCTCCAACC	74640
Query	468455	CATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTCTCTCTATTTAGTT	468514
Sbjct	74641	 CATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTCTCTCTATTTAGTT	74700
Query	468515	CCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCAGACAGCCA	468574
Sbjct	74701	 CCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCAGACAGCCA	74760
Query	468575	GTGCACACTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACAATAACCTTTG	468634
Sbjct	74761	 GTGCACACTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACAATAACCTTTG	74820
Query	468635	GCCCAATTAATAAGATACAATCGCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACATATCCATCC	468694
Sbjct	74821	 GCCCAATTAATAAGATACAATCGCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACATATCCATCC	74880
Query	468695	CTTAAAAACATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATCCCCTGTCA	468754
Sbjct	74881	 CTTAAAAACATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATCCCCTGTCA	74940
Query	468755	TATTGTTCTGTACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTtctctcttttccgttccaatct	468814
Sbjct	74941	 TATTGTTCTGTACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTtctctcttttccgttccaatct	75000
Query	468815	tctcatcttctcttcaaaacttttctcctgcctgtccttctcttcTCATTCAAACACAGACCT	468874
Sbjct	75001	 TCTCATCTTCTCTCAAACCTTTCTCCTGCCTGTCTTCTCTCATTCAAACACAGACCT	75060
Query	468875	CCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTtctatctc	468934
Sbjct	75061	 CCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTTCTATCTC	75120
Query	468935	cctctcactctctgtctctctctccatctccctgtctctctctgtctctctctctctcc	468994
Sbjct	75121	 CCTCTCACTCTCTGTCTCTCTCCATCTCCCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTCTTCC	75180
Query	468995	tgtttttcttttgatgtgtttgtgtgtgtgtttgtttccctctctctcaatctctctctctc	469054
Sbjct	75181	 TGTTTTTCTTTGTATGTGTTGTGTGTGTTGTTTCCCTCTCTCTCAATCTCTCTCTCTC	75240

Query	469055	cctgcttttcttctgtgtttctctctcagtcctgtctctgtctgtctttctctctgtctgtc	469114
Sbjct	75241	CCTGCTTTTCTTTGTGTGTTTCTCTCTCAGTCTGTCTCTGTCTGTCTTTCTCTGTCTGTC	75300
Query	469115	tctctatatctatatctatatctatatctatatctatatctatatctatatctatc	469174
Sbjct	75301	TCTCTATATCTATATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATC	75360
Query	469175	tatAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTCTTgtgtgtgtgtgtTAGCACATATGTGAATAA	469234
Sbjct	75361	TATAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTCTTGTGTGTGTGTGTGTAGCACATATGTGAATAA	75420
Query	469235	TGTTGACGTTCTTCTATATACATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATGAGAGATATG	469294
Sbjct	75421	TGTTGACGTTCTTCTATATACATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATGAGAGATATG	75480
Query	469295	CTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGCTGTTCCCTG	469354
Sbjct	75481	CTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGCTGTTCCCTG	75540
Query	469355	AAGTGTTAGGAGACATTTCAGAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGA	469414
Sbjct	75541	AAGTGTTAGGAGACATTTCAGAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGA	75600
Query	469415	TGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAGGACAG	469474
Sbjct	75601	TGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAGGACAG	75660
Query	469475	AGAGGGTTCCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAAAGAGAGGCTAGTACATATTTGGCT	469534
Sbjct	75661	AGAGGGTTCCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAAAGAGAGGCTAGTACATATTTGGCT	75720
Query	469535	ATTTGCTGTGTGTGGATTTCGGTGGAAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGTCTAGCCTTA	469594
Sbjct	75721	ATTTGCTGTGTGTGGATTTCGGTGGAAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGTCTAGCCTTA	75780
Query	469595	GTCAC TGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTT	469654
Sbjct	75781	GTCAC TGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTT	75840
Query	469655	TGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAGAATTGAAAC	469714
Sbjct	75841	TGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAGAATTGAAAC	75900
Query	469715	AGTTTGGTCTCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCAC TGACCCCAAGGACCACACA	469774
Sbjct	75901	AGTTTGGTCTCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCAC TGACCCCAAGGACCACACA	75960
Query	469775	GGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAAGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGA	469834
Sbjct	75961	GGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAAGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGA	76020
Query	469835	TGATGATAGGACCCCCAGTGCTCTTGCCCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATAGATA	469894
Sbjct	76021	TGATGATAGGACCCCCAGTGCTCTTGCCCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATAGATA	76080
Query	469895	ACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCCCTCTCCTAACCTGACA	469954
Sbjct	76081	ACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCCCTCTCCTAACCTGACA	76140
Query	469955	AAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCT	470014
Sbjct	76141	AAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCT	76200
Query	470015	GGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCTGTGAGGAGAATTATAAAGGC	470074
Sbjct	76201	GGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCTGTGAGGAGAATTATAAAGGC	76260
Query	470075	AGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGC AAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCAGCCTGTA	470134
Sbjct	76261	AGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGC AAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCAGCCTGTA	76320
Query	470135	CACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCT	470194
Sbjct	76321	CACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCT	76380
Query	470195	GATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTG	470254
Sbjct	76381	GATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTG	76440
Query	470255	TGCTTGAGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACTACTCCCTCA	470314
Sbjct	76441	TGCTTGAGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACTACTCCCTCA	76500
Query	470315	GCAACTGGTAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTAC	470374
Sbjct	76501	GCAACTGGTAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTAC	76560
Query	470375	TTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGATGGAGAGCCAAA	470434

Sbjct	76561	TTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGAATGGAGAGCCAAA	76620
Query	470435	GCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGT	470494
Sbjct	76621	GCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGT	76680
Query	470495	CAGAGAGAAAGGTAGTTCTCTCTCTAATAGGTTACGTGCACCTCTCTTAGGAAGACAGCA	470554
Sbjct	76681	CAGAGAGAAAGGTAGTTCTCTCTCTAATAGGTTACGTGCACCTCTCTTAGGAAGACAGCA	76740
Query	470555	CACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGC	470614
Sbjct	76741	CACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGC	76800
Query	470615	ATTTGGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCT	470674
Sbjct	76801	ATTTGGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCT	76860
Query	470675	CATGTGGGAAATCACAGAAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCCTCCAGTGCA	470734
Sbjct	76861	CATGTGGGAAATCACAGAAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCCTCCAGTGCA	76920
Query	470735	GTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTCAAGAG	470794
Sbjct	76921	GTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTCAAGAG	76980
Query	470795	TAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTG	470854
Sbjct	76981	TAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTG	77040
Query	470855	CAGCTTCATTGTCAGCACGGTTATGGAACCTCCCAACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAA	470914
Sbjct	77041	CAGCTTCATTGTCAGCACGGTTATGGAACCTCCCAACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAA	77100
Query	470915	ACTGACTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCCTGTTATTGTGTCCACAACACAGGAAAAC	470974
Sbjct	77101	ACTGACTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCCTGTTATTGTGTCCACAACACAGGAAAAC	77160
Query	470975	GCTAGGCCTCACCTGGGTGCTGCTGGTGCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCT	471034
Sbjct	77161	GCTAGGCCTCACCTGGGTGCTGCTGGTGCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCT	77220
Query	471035	GCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTG	471094
Sbjct	77221	GCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTG	77280
Query	471095	ATTCTCAAGAAGATGTGGCCCTTCTACTTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAA	471154
Sbjct	77281	ATTCTCAAGAAGATGTGGCCCTTCTACTTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAA	77340
Query	471155	GACCTATCCGGCATGAATATACAGAAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCT	471214
Sbjct	77341	GACCTATCCGGCATGAATATACAGAAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCT	77400
Query	471215	GGCTGGGCATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATTGAGAC	471274
Sbjct	77401	GGCTGGGCATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATTGAGAC	77460
Query	471275	TCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCTTCCTGCCCAAGAGCTG	471334
Sbjct	77461	TCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCTTCCTGCCCAAGAGCTG	77520
Query	471335	ACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCC	471394
Sbjct	77521	ACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCC	77580
Query	471395	AAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCT	471454
Sbjct	77581	AAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCT	77640
Query	471455	TGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGT	471514
Sbjct	77641	TGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGT	77700
Query	471515	CATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTG	471574
Sbjct	77701	CATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTG	77760
Query	471575	GTAGGTCCTTGAAGCAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACC	471634
Sbjct	77761	GTAGGTCCTTGAAGCAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACC	77820
Query	471635	TGTCCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCT	471694
Sbjct	77821	TGTCCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCT	77880
Query	471695	GCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGCTCCTCTGGTAGGCCATCTA	471754
Sbjct	77881	GCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGCTCCTCTGGTAGGCCATCTA	77940

Query	471755	CCGTCCACTGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCT	471814
Sbjct	77941	CCGTCCACTGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCT	78000
Query	471815	AAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATC	471874
Sbjct	78001	AAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATC	78060
Query	471875	CAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCTGCTCAGCCATGATTGCATG	471934
Sbjct	78061	CAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCTGCTCAGCCATGATTGCATG	78120
Query	471935	TGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATG	471994
Sbjct	78121	TGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATG	78180
Query	471995	TCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGTCCCTCTGCAGCC	472054
Sbjct	78181	TCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGTCCCTCTGCAGCC	78240
Query	472055	CACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAgtgtgtttctgttgta	472114
Sbjct	78241	CACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAGTGTGTTTCTGTTGTA	78300
Query	472115	tttgtctgagtgctctgtgcggtgattacctgcatgtggagtgtgtgtgtcagtggtAT	472174
Sbjct	78301	TTTGTCTGAGTGTCTGTGCGTGATTACCTGCATGTGGAGTGTGTGTGTCTCAGTGTGTAT	78360
Query	472175	CTGCAAATAAATTGAGTCTCAAATGCACCTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGT	472234
Sbjct	78361	CTGCAAATAAATTGAGTCTCAAATGCACCTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGT	78420
Query	472235	ATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACG	472294
Sbjct	78421	ATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACG	78480
Query	472295	AGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTG	472354
Sbjct	78481	AGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTG	78540
Query	472355	AGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGtttttggtttgg	472414
Sbjct	78541	AGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGTTTTTGTTTTGG	78600
Query	472415	tttttCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATT	472474
Sbjct	78601	TTTTTCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATT	78660
Query	472475	CTTTTTCTTCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTACTTA	472534
Sbjct	78661	CTTTTTCTTCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTACTTA	78720
Query	472535	TCTTTGACCCCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAA	472594
Sbjct	78721	TCTTTGACCCCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAA	78780
Query	472595	TATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATG	472654
Sbjct	78781	TATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATG	78840
Query	472655	CTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGAAAAGTGCA	472714
Sbjct	78841	CTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGAAAAGTGCA	78900
Query	472715	GTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGTGCC	472774
Sbjct	78901	GTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGTGCC	78960
Query	472775	TTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTT	472834
Sbjct	78961	TTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTT	79020
Query	472835	TCTGACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTAC	472894
Sbjct	79021	TCTGACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTAC	79080
Query	472895	CCCTTACACTTTATATCTTGACTtctgtctctgtctgtctctgtctctctgtttctgtct	472954
Sbjct	79081	CCCTTACACTTTATATCTTGACTTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGTCTCTGTCT	79140
Query	472955	ctatctctgtctctctctcatctcatctctgACTTCCTGGTTGCAATTCTAATTCTTCCACT	473014
Sbjct	79141	CTATCTCTGTCTCTCTCATCTCATCTCTGACTTCCTGGTTGCAATTCTAATTCTTCCACT	79200
Query	473015	ACATTTCAGCATTTTCAGATCTTCACTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTA	473074
Sbjct	79201	ACATTTCAGCATTTTCAGATCTTCACTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTA	79260
Query	473075	ATCTCTGGAGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCC	473134



Sbjct	79261	ATCTCTGGAGAAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCC	79320
Query	473135	ATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAGTTGG	473194
Sbjct	79321	ATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAGTTGG	79380
Query	473195	CTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGA	473254
Sbjct	79381	CTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGA	79440
Query	473255	AAAGCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCC	473314
Sbjct	79441	AAAGCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCC	79500
Query	473315	TACACAGAGAGAAAATATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCAC	473374
Sbjct	79501	TACACAGAGAGAAAATATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCAC	79560
Query	473375	AGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACGTACAACCTGTTGCAAT	473434
Sbjct	79561	AGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACGTACAACCTGTTGCAAT	79620
Query	473435	GGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGT	473494
Sbjct	79621	GGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGT	79680
Query	473495	CCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCAC	473554
Sbjct	79681	CCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCAC	79740
Query	473555	TACagcagaaacagcagcaccagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagc	473614
Sbjct	79741	TACAGCAGAAACAGCAGCACCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGC	79800
Query	473615	agcagcagcaccagttccactagcagcagcTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTG	473674
Sbjct	79801	AGCAGCAGCACCAGTTCCACTAGCAGCAGCTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTG	79860
Query	473675	GTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGAT	473734
Sbjct	79861	GTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGAT	79920
Query	473735	ACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATTC	473794
Sbjct	79921	ACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATTC	79980
Query	473795	CTACTTGGTTTTGGATACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCttttttt	473854
Sbjct	79981	CTACTTGGTTTTGGATACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCTTTTTTT	80040
Query	473855	ttCTGGTGGGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGA	473914
Sbjct	80041	TTCTGGTGGGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGA	80100
Query	473915	AAGGAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTTGTTTAAACAGCGTACTACTCGCAT	473974
Sbjct	80101	AAGGAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTTGTTTAAACAGCGTACTACTCGCAT	80160
Query	473975	TCTTATGGCATTTAATCGATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTA	474034
Sbjct	80161	TCTTATGGCATTTAATCGATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTA	80220
Query	474035	CTGCCAGCTCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGG	474094
Sbjct	80221	CTGCCAGCTCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGG	80280
Query	474095	GAGGTGGGAGAGGGGAAGGTGGAGTTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAA	474154
Sbjct	80281	GAGGTGGGAGAGGGGAAGGTGGAGTTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAA	80340
Query	474155	TATCCAGCTGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTTC	474214
Sbjct	80341	TATCCAGCTGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTTC	80400
Query	474215	AATCCCTTTCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCC	474274
Sbjct	80401	AATCCCTTTCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCC	80460
Query	474275	AGCCCATTGTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAAGGCATTCCAAT	474334
Sbjct	80461	AGCCCATTGTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAAGGCATTCCAAT	80520
Query	474335	GCAAAGGTCAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAA	474394
Sbjct	80521	GCAAAGGTCAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAA	80580
Query	474395	GGGGAACATATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTT	474454
Sbjct	80581	GGGGAACATATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTT	80640

Query	474455	CATTTCTGAGCAGGCAAAAACACAGTGCCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCTGTCTCTTC	474514
Sbjct	80641	CATTTCTGAGCAGGCAAAAACACAGTGCCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCTGTCTCTTC	80700
Query	474515	AGCATCACCATGGAACCATTTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACA	474574
Sbjct	80701	AGCATCACCATGGAACCATTTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACA	80760
Query	474575	TACATAATGCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCCCTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAG	474634
Sbjct	80761	TACATAATGCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCCCTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAG	80820
Query	474635	ATCAGACACATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAAACACATCATA	474694
Sbjct	80821	ATCAGACACATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAAACACATCATA	80880
Query	474695	TATGACTTCTGTCACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTT	474754
Sbjct	80881	TATGACTTCTGTCACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTT	80940
Query	474755	GTCTTTTTCACTTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTC	474814
Sbjct	80941	GTCTTTTTCACTTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTC	81000
Query	474815	TGTAACATCGTTTGATAAAAATAAGCATTTATACAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCT	474874
Sbjct	81001	TGTAACATCGTTTGATAAAAATAAGCATTTATACAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCT	81060
Query	474875	GCTTCTCTTTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTTATTACAAAATTTTGTATAAA	474934
Sbjct	81061	GCTTCTCTTTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTTATTACAAAATTTTGTATAAA	81120
Query	474935	AGCAGTACAGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACA	474994
Sbjct	81121	AGCAGTACAGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACA	81180
Query	474995	AAGCACCAAGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCAT	475054
Sbjct	81181	AAGCACCAAGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCAT	81240
Query	475055	ATACAAAATGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTTAAGTGG	475114
Sbjct	81241	ATACAAAATGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTTAAGTGG	81300
Query	475115	CCATTTACCCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAA	475174
Sbjct	81301	CCATTTACCCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAA	81360
Query	475175	ACTCTTACAAGCAAGCTTAAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAA	475234
Sbjct	81361	ACTCTTACAAGCAAGCTTAAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAA	81420
Query	475235	GCTCAAGGAACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAG	475294
Sbjct	81421	GCTCAAGGAACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAG	81480
Query	475295	CCTCTTCCAGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTTCCTCTCATACAAACTGTTCCCC	475354
Sbjct	81481	CCTCTTCCAGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTTCCTCTCATACAAACTGTTCCCC	81540
Query	475355	GTAAGCTCTTGAATCGACTATGTAACCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCA	475414
Sbjct	81541	GTAAGCTCTTGAATCGACTATGTAACCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCA	81600
Query	475415	TGGAGCTTCAATTGTGATATCTTACACCCTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGAT	475474
Sbjct	81601	TGGAGCTTCAATTGTGATATCTTACACCCTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGAT	81660
Query	475475	GTATTGAACTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAACCTTTGAGCTTTAA	475534
Sbjct	81661	GTATTGAACTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAACCTTTGAGCTTTAA	81720
Query	475535	TTGATTTTCAAACCATTTAGTGTTACACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAAT	475594
Sbjct	81721	TTGATTTTCAAACCATTTAGTGTTACACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAAT	81780
Query	475595	CAGTTAAAAGACTGTTCTCCAGAATTCAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCT	475654
Sbjct	81781	CAGTTAAAAGACTGTTCTCCAGAATTCAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCT	81840
Query	475655	AAGTCAGGGCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTATGTCTTTG	475714
Sbjct	81841	AAGTCAGGGCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTATGTCTTTG	81900
Query	475715	GGTAGACTTCTAATATAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTT	475774
Sbjct	81901	GGTAGACTTCTAATATAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTT	81960
Query	475775	TCGCTGGAGAGTTTCTGCATGTGTTCCCGTGTCTTTTGTCTTTTGTCTCTCCATTGTGT	475834

Sbjct	81961	TCGCTGGAGAGTTTCTGCATGTGTTCCCGTGTCTTTTGTCTTTTGTTCCTCCATTGTGT	82020
Query	475835	GGATTATAAGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCC	475894
Sbjct	82021	GGATTATAAGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCC	82080
Query	475895	ACAGGcttccctctttctcacctggacctatttgcttcttatcttccctccttttctctctc	475954
Sbjct	82081	ACAGGCTTCCTCTTTCTCACCTGGACCTATTTGCTTCTTATCTTCCTCCTTTTCTCTCTC	82140
Query	475955	ttcccttttccactacctcctcctccttccctcctcctcctcctcactctccttcATCTTTG	476014
Sbjct	82141	TTCCTTTTCCACTACCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTG	82200
Query	476015	TGCACAGGAGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAA	476074
Sbjct	82201	TGCACAGGAGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAA	82260
Query	476075	GCAGTGCTCTGCCTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAAATGTTACCCCACTATCAGCT	476134
Sbjct	82261	GCAGTGCTCTGCCTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAAATGTTACCCCACTATCAGCT	82320
Query	476135	TAGAGGTCAGTACTGGGATTGGTGGCTATTCTTGGAGAACTCATGAGATTCATTCTTTTG	476194
Sbjct	82321	TAGAGGTCAGTACTGGGATTGGTGGCTATTCTTGGAGAACTCATGAGATTCATTCTTTTG	82380
Query	476195	TTAGATGCCACCCCATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATAACCAAGGAGTCCAAA	476254
Sbjct	82381	TTAGATGCCACCCCATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATAACCAAGGAGTCCAAA	82440
Query	476255	CGAAGGCACTGATCACTGCACCGATATCTGGGAGAAACTTGTACAACGATGGTGAACGTG	476314
Sbjct	82441	CGAAGGCACTGATCACTGCACCGATATCTGGGAGAAACTTGTACAACGATGGTGAACGTG	82500
Query	476315	GGGTTTACAGTCCTGAAACACTTTGTTCGGTCCCTCCAACTTTAAAGTAAGTTGTATAGC	476374
Sbjct	82501	GGGTTTACAGTCCTGAAACACTTTGTTCGGTCCCTCCAACTTTAAAGTAAGTTGTATAGC	82560
Query	476375	AAAAGGGGAGTTGCAAGCAAATTGCATGAGATTTCACTGAAAATCTAAACTAGACAGGGA	476434
Sbjct	82561	AAAAGGGGAGTTGCAAGCAAATTGCATGAGATTTCACTGAAAATCTAAACTAGACAGGGA	82620
Query	476435	AAACTATAAGTAAATAAACACCAAACTATAAATAAGTAAATACTAAGTATCCTTGTTCT	476494
Sbjct	82621	AAACTATAAGTAAATAAACACCAAACTATAAATAAGTAAATACTAAGTATCCTTGTTCT	82680
Query	476495	TTTTGTTTTGTTATGTTTTTCCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGACAAGAAGT	476554
Sbjct	82681	TTTTGTTTTGTTATGTTTTTCCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGACAAGAAGT	82740
Query	476555	ATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAACTGTAAAATTAA	476614
Sbjct	82741	ATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAACTGTAAAATTAA	82800
Query	476615	ACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAATAAGCAGT	476674
Sbjct	82801	ACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAATAAGCAGT	82860
Query	476675	TTTTGGTCCCTGGATATTAACCTCCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTGTTCTCTG	476734
Sbjct	82861	TTTTGGTCCCTGGATATTAACCTCCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTGTTCTCTG	82920
Query	476735	ATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAACcacacacacacacacacaca	476794
Sbjct	82921	ATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAACCACACACACACACACACACA	82980
Query	476795	cacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCATTAGAAAAGAATTTCTGAG	476854
Sbjct	82981	CACACACACACACACACACACACACACACACACACACACCATTAGAAAAGAATTTCTGAG	83040
Query	476855	AGACTGTTCTTCTAGGAACCAAGCTTAGTTAGCACCTGGCTTTCAGACATCAACAGTTAC	476914
Sbjct	83041	AGACTGTTCTTCTAGGAACCAAGCTTAGTTAGCACCTGGCTTTCAGACATCAACAGTTAC	83100
Query	476915	TTGTTACAAAGGTAAGGGAAAACACCCAAATGAAGTCTAAACACTACTGAGCCAGAAC	476974
Sbjct	83101	TTGTTACAAAGGTAAGGGAAAACACCCAAATGAAGTCTAAACACTACTGAGCCAGAAC	83160
Query	476975	CACAAATTCTGATTGTCATTCTTGTCAATTACTCATCTTTACAAGTAGTTCAAATGCCAG	477034
Sbjct	83161	CACAAATTCTGATTGTCATTCTTGTCAATTACTCATCTTTACAAGTAGTTCAAATGCCAG	83220
Query	477035	TAATAAAGGATTCTGAAATGTTATTGATGGCAAACCTTTGATTTCCAAATACAGCAAGGC	477094
Sbjct	83221	TAATAAAGGATTCTGAAATGTTATTGATGGCAAACCTTTGATTTCCAAATACAGCAAGGC	83280
Query	477095	TGAGAAAGAAAACCATAAGGGGCATAGCCAAGCCAGCTTAGGGTATTGGTGGTGGGAGGC	477154
Sbjct	83281	TGAGAAAGAAAACCATAAGGGGCATAGCCAAGCCAGCTTAGGGTATTGGTGGTGGGAGGC	83340

Query	477155	CAAGTAGGGAAC TGGCTCAGACTGCATGTGAGGGGAGCAGGGTCAGGGAGCCTGAGGTGG	477214
Sbjct	83341	CAAGTAGGGAAC TGGCTCAGACTGCATGTGAGGGGAGCAGGGTCAGGGAGCCTGAGGTGG	83400
Query	477215	CCAGTGGCAATTTGTGGGTGGACAGGTGGCGGCAGCCAGACCATCTGAGACAGCATTTG	477274
Sbjct	83401	CCAGTGGCAATTTGTGGGTGGACAGGTGGCGGCAGCCAGACCATCTGAGACAGCATTTG	83460
Query	477275	GTTCAGTTTTTTGTTTTTCTGGAATGTCCTTCTATGTCACTCTGTGTGTATTCTGTTT	477334
Sbjct	83461	GTTCAGTTTTTTGTTTTTCTGGAATGTCCTTCTATGTCACTCTGTGTGTATTCTGTTT	83520
Query	477335	GTGCTTTTTGTCTCTCTCTACAAATTTTCTTTAATTCTTAGGACGGGGCAGGCACAAAG	477394
Sbjct	83521	GTGCTTTTTGTCTCTCTCTACAAATTTTCTTTAATTCTTAGGACGGGGCAGGCACAAAG	83580
Query	477395	CATTCCACTGGGGCTGATCCTGAACCATTTTAGGACCTCACAGAGTCACAGAAGACTTGG	477454
Sbjct	83581	CATTCCACTGGGGCTGATCCTGAACCATTTTAGGACCTCACAGAGTCACAGAAGACTTGG	83640
Query	477455	GTCTGGTTGTTTATGATGTGTTTATGAAAAGATAAAGAGTGGGGATATGTTCTATGGAGG	477514
Sbjct	83641	GTCTGGTTGTTTATGATGTGTTTATGAAAAGATAAAGAGTGGGGATATGTTCTATGGAGG	83700
Query	477515	TGTGGTGAGGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATCCCTTCCC	477574
Sbjct	83701	TGTGGTGAGGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATCCCTTCCC	83760
Query	477575	CTGAGGAACCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCATggggaga	477634
Sbjct	83761	CTGAGGAACCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCATGGGGAGA	83820
Query	477635	ggagttaagagggtagtagaggcacaggagagaggggagagtgggagagagaggggtgagtg	477694
Sbjct	83821	GGAGTTAAGAGGGTAGTAGAGGCACAGGAGAGAGGGAGAGTGGGAGAGAGAGGGTGAGTG	83880
Query	477695	ggaggggagagggagacagagggggaggaggaggaggagaggggaggggacaaagggagtgag	477754
Sbjct	83881	GGAGGGAGAGGGAGACAGAGGGGGAGGAGGAGGAGGAGAGGGAGGGACAAAGGGAGTGAG	83940
Query	477755	ggagaggggaggggagggagagagagaggggtgagggggagggagaggggagggggagaggtgg	477814
Sbjct	83941	GGAGAGGGAGGGAGGGAGAGAGAGAGGGTGAGGGGGAGGGAGAGGGAGGGGGAGAGGTGG	84000
Query	477815	aggggagaaggagtagaggagtagagaagtagagagggcagagaggCCAGCTGTGAGCATGT	477874
Sbjct	84001	AGGGAGAAGGAGTAGAGGAGTAGAGAAGTAGAGAGGCAGAGAGGCCAGCTGTGAGCATGT	84060
Query	477875	GGAGGTggagggggaggggaatgggggggagaaggggacaaggggaaagagttggtaagaaagca	477934
Sbjct	84061	GGAGGTGAGAGGGGAGGGAATGGGGGGAGAAAGGGACAAGGGAAAGAGTTGGTAAGAAAGCA	84120
Query	477935	agaggggaggaagagaaacaagagagTGAGGAGGGGAAGCATCCCCTTTTATATAGTCAGGC	477994
Sbjct	84121	AGAGGGAGGAAGAGAAACAAGAGAGTGAGGAGGGGAAGCATCCCCTTTTATATAGTCAGGC	84180
Query	477995	ATACCTGACTCTTGTTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGTAAACATT	478054
Sbjct	84181	ATACCTGACTCTTGTTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGTAAACATT	84240
Query	478055	CCCCTGTTTGGGTTTAATAaaaaaaagaaaaaTTCAAAGAGATGATGGTGAAGCAGGAAT	478114
Sbjct	84241	CCCCTGTTTGGGTTTAATAAAAAAAGAAAAATTCAAAGAGATGATGGTGAAGCAGGAAT	84300
Query	478115	AGGGTTGTCATTGTTGTGATCTCTACTTCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTCCTTAGGG	478174
Sbjct	84301	AGGGTTGTCATTGTTGTGATCTCTACTTCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTCCTTAGGG	84360
Query	478175	AACCTAGAAAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTTCCTTGTT	478234
Sbjct	84361	AACCTAGAAAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTTCCTTGTT	84420
Query	478235	GTCCAGGGTCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGTCCAATCGAAGCGT	478294
Sbjct	84421	GTCCAGGGTCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGTCCAATCGAAGCGT	84480
Query	478295	CTGTGCTGTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGTCCTAGAT	478354
Sbjct	84481	CTGTGCTGTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGTCCTAGAT	84540
Query	478355	GTACTAAGTGTCTGGACTTGCGAAGATGCTGGAacacacacacacacacacacacacaca	478414
Sbjct	84541	GTACTAAGTGTCTGGACTTGCGAAGATGCTGGAACACACACACACACACACACACACACA	84600
Query	478415	cacacacacacacacacacacacacacacatatatatatatattataGGCAGAGAATAAGAT	478474
Sbjct	84601	CACACACACACACACACACACACACACATATATATATATATTATAGGCAGAGAATAAGAT	84660
Query	478475	TAAGTGTATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTTCTTAGATGTACATTTGAAACCCAGAGGAAT	478534

Sbjct	84661	TAAGTGTATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTCTTAGATGTACATTGAAACCCAGAGGAAT	84720
Query	478535	CCCACCCTTTGGAAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGAT	478594
Sbjct	84721	CCCACCCTTTGGAAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGAT	84780
Query	478595	TATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCCTGTAGTTT	478654
Sbjct	84781	TATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCCTGTAGTTT	84840
Query	478655	ACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGGCTGGAGAGGTG	478714
Sbjct	84841	ACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGGCTGGAGAGGTG	84900
Query	478715	GCCCAGAGGTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAAC	478774
Sbjct	84901	GCCCAGAGGTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAAC	84960
Query	478775	CACATGGTGGCACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAA	478834
Sbjct	84961	CACATGGTGGCACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAA	85020
Query	478835	GACAGAGACAGTGTAATCGCATATATAAAATAAAATAATCCTTaaaaaaaaaGAGTTAA	478894
Sbjct	85021	GACAGAGACAGTGTAATCGCATATATAAAATAAAATAATCCTTAAAAAAAAAAGAGTTAA	85080
Query	478895	CGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGAT	478954
Sbjct	85081	CGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGAT	85140
Query	478955	TATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGC	479014
Sbjct	85141	TATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGC	85200
Query	479015	TCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCAGCCTCTTGACCCGAAGCGGTCC	479074
Sbjct	85201	TCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCAGCCTCTTGACCCGAAGCGGTCC	85260
Query	479075	CCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCAGCCTTCTTGGCTTGGCATC	479134
Sbjct	85261	CCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCAGCCTTCTTGGCTTGGCATC	85320
Query	479135	TCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAG	479194
Sbjct	85321	TCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAG	85380
Query	479195	GCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAG	479254
Sbjct	85381	GCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAG	85440
Query	479255	TCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTAC	479314
Sbjct	85441	TCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTAC	85500
Query	479315	CCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGTTTCTGTTGCGAA	479374
Sbjct	85501	CCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGTTTCTGTTGCGAA	85560
Query	479375	CACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTATGTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCA	479434
Sbjct	85561	CACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTATGTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCA	85620
Query	479435	AACCTCACTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAA	479494
Sbjct	85621	AACCTCACTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAA	85680
Query	479495	AACACCACGTGGAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAGACAGCCTGAG	479554
Sbjct	85681	AACACCACGTGGAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAGACAGCCTGAG	85740
Query	479555	ACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCAATGGGAAGGACT	479614
Sbjct	85741	ACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCAATGGGAAGGACT	85800
Query	479615	TGGGCTTGGGGGAGCAGGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGGTTTCAGGCATAA	479674
Sbjct	85801	TGGGCTTGGGGGAGCAGGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGGTTTCAGGCATAA	85860
Query	479675	GGCTCTGCTCCAGGATTCTTGCCTTTCCTTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATT	479734
Sbjct	85861	GGCTCTGCTCCAGGATTCTTGCCTTTCCTTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATT	85920
Query	479735	GGAGTTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCACAAGTCCAG	479794
Sbjct	85921	GGAGTTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCACAAGTCCAG	85980
Query	479795	CTTCCCTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGTGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCA	479854
Sbjct	85981	CTTCCCTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGTGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCA	86040

Query	479855	AGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCTCCCCAGCTACCTCTGCCC	479914
Sbjct	86041	AGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCTCCCCAGCTACCTCTGCCC	86100
Query	479915	CTTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCA	479974
Sbjct	86101	CTTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCA	86160
Query	479975	TAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTT	480034
Sbjct	86161	TAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTT	86220
Query	480035	GGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTCTTAGAGCCTCAGCTGACC	480094
Sbjct	86221	GGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTCTTAGAGCCTCAGCTGACC	86280
Query	480095	GGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGG	480154
Sbjct	86281	GGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGG	86340
Query	480155	TTTAAAAATGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACCTAGG	480214
Sbjct	86341	TTTAAAAATGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACCTAGG	86400
Query	480215	AAGCGCAAGGCCTTGGGTTTCGGTCCCCACCTCCGaaaaaaaaagaaccccccccccccaaaa	480274
Sbjct	86401	AAGCGCAAGGCCTTGGGTTTCGGTCCCCACCTCCGAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAAAAA	86460
Query	480275	atgttttaaaactgaaaacaaaaaaaaGGGGGAGGGGATATGAAACATTTAATCAACGGGATC	480334
Sbjct	86461	ATGTTTAAACTGAAAACAAAAAAGGGGGAGGGGATATGAAACATTTAATCAACGGGATC	86520
Query	480335	CAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAAGTAGTCGC	480394
Sbjct	86521	CAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAAGTAGTCGC	86580
Query	480395	TAGAAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAA	480454
Sbjct	86581	TAGAAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAA	86640
Query	480455	TGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAACATGA	480514
Sbjct	86641	TGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAACATGA	86700
Query	480515	CAGAGTGTACTIONACCAACAGTTCCCTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCT	480574
Sbjct	86701	CAGAGTGTACTIONACCAACAGTTCCCTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCT	86760
Query	480575	GGCTTTGGAGCCCGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTGAAGGGATAGGTGTGACATGA	480634
Sbjct	86761	GGCTTTGGAGCCCGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTGAAGGGATAGGTGTGACATGA	86820
Query	480635	GATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTTGTA	480694
Sbjct	86821	GATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTTGTA	86880
Query	480695	CACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTCA	480754
Sbjct	86881	CACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTCA	86940
Query	480755	TATCTTCTGAAACCTTTTGGGGCAAACCTGTTAGAGATTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAA	480814
Sbjct	86941	TATCTTCTGAAACCTTTTGGGGCAAACCTGTTAGAGATTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAA	87000
Query	480815	CTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAA	480874
Sbjct	87001	CTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAA	87060
Query	480875	TATCTGAATAGACATAACCATAATTTAAAGGCAGTAGCAAAAATCCTATCAGACAGGATA	480934
Sbjct	87061	TATCTGAATAGACATAACCATAATTTAAAGGCAGTAGCAAAAATCCTATCAGACAGGATA	87120
Query	480935	AGAATGAAAGTCATAATACGGAACCTTTGACAGGTTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGA	480994
Sbjct	87121	AGAATGAAAGTCATAATACGGAACCTTTGACAGGTTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGA	87180
Query	480995	AAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGAATGGCT	481054
Sbjct	87181	AAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGAATGGCT	87240
Query	481055	AGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGCA	481114
Sbjct	87241	AGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGCA	87300
Query	481115	CATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCT	481174
Sbjct	87301	CATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCT	87360
Query	481175	AGTTCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGCCCCTGACCACTGT	481234

Sbjct	87361	AGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGCCCCTGACCACTGT	87420
Query	481235	TTCAGGCCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCA	481294
Sbjct	87421	TTCAGGCCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCA	87480
Query	481295	TCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACAG	481354
Sbjct	87481	TCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACAG	87540
Query	481355	GGCGAAAGCTGGAtttttttttCTTTTGAGCCTGCTGTGGGcagagagcaggagcagagtc	481414
Sbjct	87541	GGCGAAAGCTGGATTTTTTTTCTTTTGAGCCTGCTGTGGGCAGAGAGCAGGAGCAGAGTC	87600
Query	481415	ccaaacacacatacacacgcaggacacacagacagagacagagagagggagagagagaca	481474
Sbjct	87601	CCAAACACACATACACACGCAGGACACACAGACAGAGACAGAGAGAGGGAGAGAGAGACA	87660
Query	481475	gagagggagacagaaagagagagtcattggagagagacagagagactgagagtcagagaga	481534
Sbjct	87661	GAGAGGGAGACAGAAAGAGAGAGTCATGGAGAGAGACAGAGAGACTGAGAGTCAGAGAGA	87720
Query	481535	gagagacacagagagagagagagagacagagagagagtcagaggggagacagagacaaa	481594
Sbjct	87721	GAGAGACACAGAGAGAGAGAGAGAGACAGAGAGAGAGTCAGAGGGAGACAGAGACAAA	87780
Query	481595	gatagagagatagagagagtcagagaggagagacagaaggacagagaggcagacagagag	481654
Sbjct	87781	GATAGAGAGATAGAGAGAGTCAGAGAGGAGAGACAGAAGGACAGAGAGGCAGACAGAGAG	87840
Query	481655	agaaagagagacagagagatagacagcggagaaaacagagaaaagacagaaagacagaggca	481714
Sbjct	87841	AGAAAGAGAGACAGAGAGATAGACAGCGGAGAAACAGAGAAAGACAGAAAGACAGAGGCA	87900
Query	481715	gagtgcagagagagacagacagagagtcagagagactgaggagaaaagagaaaagacagag	481774
Sbjct	87901	GAGTGACAGAGAGAGACAGACAGAGAGTCAGAGAGACTGAGGAGAAAGAGAAAGACAGAG	87960
Query	481775	agagacagagagacagacacagagagacagacagagacagacagagagacagacaaacag	481834
Sbjct	87961	AGAGACAGAGAGACAGACACAGAGAGACAGACAGAGACAGACAGAGAGACAGACAAACAG	88020
Query	481835	agagacagagagaaaatagagagatagagagatagagacagagaaaagagagagcgagaaa	481894
Sbjct	88021	AGAGACAGAGAGAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGACAGAGAAAGAGAGAGCGAGAAAG	88080
Query	481895	agaaatagagaaaagcaacatagagacagagagaatccgtgagagacagagaaacgagagag	481954
Sbjct	88081	AGAAATAGAGAAAGCAACATAGAGACAGAGAGAATCCGTGAGAGACAGAGAACGAGAGAG	88140
Query	481955	acacagacagagagagagaatagagacagacagagagacagagaaaatagagagtcaaaagaaa	482014
Sbjct	88141	ACACAGACAGAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGAAAATAGAGAGTCAAAGAAA	88200
Query	482015	gacagagaggggagagacagaggggagacagagagagagaaaagagagagatacagagagagaca	482074
Sbjct	88201	GACAGAGAGGGAGAGACAGAGGGAGACAGAGAGAGAAAGAGAGAGATACAGAGAGAGACA	88260
Query	482075	gaaagacagagaaaagagaaaagacaggggagacagagaccatgagagacagagacagagaga	482134
Sbjct	88261	GAAAGACAGAGAAAGAGAAAGACAGGGGAGACAGAGACCATGAGAGACAGAGACAGAGAGA	88320
Query	482135	gacatagtcagagagacagacagacacagagggcagagagacagacagatacagacagaga	482194
Sbjct	88321	GACATAGTCAGAGAGACAGACAGACACAGAGGCAGAGAGACAGACAGATACAGACAGAGA	88380
Query	482195	gacagagagagaaaatagagagatagagagatagagagagtcagagaggagagacagaggg	482254
Sbjct	88381	GACAGAGAGAGAAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCAGAGAGGAGAGACAGAGGG	88440
Query	482255	acagagagggcagacagagagagagaaaagagagacagagagatagacagaggagaaaacagaga	482314
Sbjct	88441	ACAGAGAGGCAGACAGAGAGAGAAAGAGAGACAGAGAGATAGACAGAGGAGAGAAACAGAGA	88500
Query	482315	aagacagaaaagacagagggcagagtgacagagatagatagacagagagtcagagagactga	482374
Sbjct	88501	AAGACAGAAAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGATAGATAGACAGAGAGTCAGAGAGACTGA	88560
Query	482375	ggagaaaagagaaaagacagagagagacagagagacagagggcagagagacagacagagacag	482434
Sbjct	88561	GGAGAAAAGAGAAAAGACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGGCAGAGAGACAGACAGAGACAG	88620
Query	482435	acagagagacagacaaacggagagacagagagagagaaaatagagatagagaaaatagagacag	482494
Sbjct	88621	ACAGAGAGACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAGAGAAAATAGAGATAGAGAAAATAGAGACAG	88680
Query	482495	agagaaaagagagagagaaaagagaaaatagagaaaagcaagagacagagaaaagtccatgagag	482554
Sbjct	88681	AGAGAAAAGAGAGAGAGAAAAGAGAAAATAGAGAAAAGCAAGAGACAGAGAAAAGTCCATGAGAG	88740

Query	482555	acagagaccgagagagacacggagagagagaatagagacagacagagagacagagaaata	482614
Sbjct	88741	ACAGAGACCGAGAGAGACACGGAGAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGAAATA	88800
Query	482615	gagagacaaagaaagacagagagagagacagaggggagacagagagagagaaagagagaga	482674
Sbjct	88801	GAGAGACAAAGAAAGACAGAGAGAGAGACAGAGGGGAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGA	88860
Query	482675	tacagagagagacagagagtaacagagaaaagagaaaagacagggagacagagaaaagcaagaga	482734
Sbjct	88861	TACAGAGAGAGACAGAGTAACAGAGAAAGAGAAAAGACAGGGAGACAGAGAAAGCAAGAGA	88920
Query	482735	gagccagaaaacagagagaatatagagacagagacatatagagagacagacagatggagacacac	482794
Sbjct	88921	GAGCCAGAAAACAGAGAGAATAGAGACAGAGACATAGAGAGACAGACAGATGGAGACACAC	88980
Query	482795	agagagaaaagagagagacagaaggagaaaagagagagacagagagacacagagaaaagacag	482854
Sbjct	88981	AGAGAGAAAAGAGAGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGAGACAGAGAGACACAGAGAAAAGACAG	89040
Query	482855	agagaaaagagagagacagagaaaagagaaatatagagaaaacaagagacagagagagaccatg	482914
Sbjct	89041	AGAGAAAAGAGAGAGACAGAGAAAAGAGAAATAGAGAAAACAAGAGACAGAGAGAGACCATG	89100
Query	482915	agagacagagggcagagagagacagagggcagagagagaatatagagagacagagagagaaataca	482974
Sbjct	89101	AGAGACAGAGGCAGAGAGAGACAGAGGCAGAGAGAATAGAGAGACAGAGAGAGAAATACA	89160
Query	482975	gagacagagaaaaatagagagacagagagacacacacagagagagaaggagagacagaagga	483034
Sbjct	89161	GAGACAGAGAAATAGAGAGACAGAGAGACACACACAGAGAGAGAAGGAGAGACAGAAGGA	89220
Query	483035	gaaagagagacagagagacagagaaaagagagacagagagaatatagagtccagacagagacat	483094
Sbjct	89221	GAAAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAAGAGAGACAGAGAGAATAGAGTCAGACAGAGACAT	89280
Query	483095	agacagacagatggagacacagaggggaaagagagcgagacagaaggagagagacagagag	483154
Sbjct	89281	AGACAGACAGATGGAGACACAGAGGGAAAGAGAGCGAGACAGAAGGAGAGAGACAGAGAG	89340
Query	483155	acagagaaaatatagagagacagagaaaagcaagagagatatagagacagagagaaacagagaaaaga	483214
Sbjct	89341	ACAGAGAAATAGAGAGACAGAGAAAAGCAAGAGAGATAGAGACAGAGAGAACAGAGAAAAGA	89400
Query	483215	cagagacatatagacagacagatggagacacgggaaagagaaaagagagcaagacagaaggaga	483274
Sbjct	89401	CAGAGACATAGACAGACAGATGGAGACACGGAAAGAGAAAAGAGAGCAAGACAGAAGGAGA	89460
Query	483275	aagagagagagagagatatagggagagagagacagagagCTAGCGAGCACTGGAACACTTGG	483334
Sbjct	89461	AAGAGAGAGAGAGAGATAGGGAGAGAGAGACAGAGAGCTAGCGAGCACTGGAACACTTGG	89520
Query	483335	GAGGGAAGATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGAC	483394
Sbjct	89521	GAGGGAAGATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGAC	89580
Query	483395	TCAAGGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTG	483454
Sbjct	89581	TCAAGGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTG	89640
Query	483455	CAAAGTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAA	483514
Sbjct	89641	CAAAGTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAA	89700
Query	483515	TAAGAGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGaagagtaggggaga	483574
Sbjct	89701	TAAGAGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAAAGTAGGGGAGA	89760
Query	483575	ggggaatgtggagagacggacaaaagggggaagagagtaagagcaagagagCAACAGAATG	483634
Sbjct	89761	GGGGAATGTGGAGAGACGGACAAAGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAACAGAATG	89820
Query	483635	AGGAGGGGGCCATCAGCCCCTTTTATAGTGTTCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACT	483694
Sbjct	89821	AGGAGGGGGCCATCAGCCCCTTTTATAGTGTTCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACT	89880
Query	483695	gggggggggTGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGC	483754
Sbjct	89881	GGGGGGGGTGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGC	89940
Query	483755	AGGAATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACA	483814
Sbjct	89941	AGGAATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACA	90000
Query	483815	GGGTGAAGGTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTCCA	483874
Sbjct	90001	GGGTGAAGGTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTCCA	90060
Query	483875	CGTGGCAATACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCT	483934



Sbjct	90061	GCAATACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTC TTTTTGT TATGGGCCT	90120
Query	483935	CTCTGCTCCCCACCCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTT	483994
Sbjct	90121	CTCTGCTCCCCACCCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTT	90180
Query	483995	CCTCTTTCTGCTCCCAAGGATTTCTGTCCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTG	484054
Sbjct	90181	CCTCTTTCTGCTCCCAAGGATTTCTGTCCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTG	90240
Query	484055	CCACTACCCTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACC	484114
Sbjct	90241	CCACTACCCTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACC	90300
Query	484115	CCACTTGAGTCCACCTCACATTAGGCCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCC	484174
Sbjct	90301	CCACTTGAGTCCACCTCACATTAGGCCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCC	90360
Query	484175	TTACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGTATCTCCCCCAGATGTTTCAAGGGAATATG	484234
Sbjct	90361	TTACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGTATCTCCCCCAGATGTTTCAAGGGAATATG	90420
Query	484235	TGTTTCATGACACATGTGCCATTTGCAGGAAGTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTATAGAT	484294
Sbjct	90421	TGTTTCATGACACATGTGCCATTTGCAGGAAGTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTATAGAT	90480
Query	484295	AGAACATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATTAGTTCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTG	484354
Sbjct	90481	AGAACATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATTAGTTCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTG	90540
Query	484355	TCAGTCAACCCAGGTGTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAGAGAGAGAGGGT	484414
Sbjct	90541	TCAGTCAACCCAGGTGTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAGAGAGAGAGGGT	90600
Query	484415	TCTTGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGG	484474
Sbjct	90601	TCTTGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGG	90660
Query	484475	CTGATATAGGTGCAGCCTTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTA	484534
Sbjct	90661	CTGATATAGGTGCAGCCTTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTA	90720
Query	484535	AAGAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCC	484594
Sbjct	90721	AAGAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCC	90780
Query	484595	CACAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATA	484654
Sbjct	90781	CACAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATA	90840
Query	484655	TCTAGAGTTTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAA	484714
Sbjct	90841	TCTAGAGTTTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAA	90900
Query	484715	CAGTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGTTAACCAAAGTGGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCT	484774
Sbjct	90901	CAGTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGTTAACCAAAGTGGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCT	90960
Query	484775	TCAGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGA	484834
Sbjct	90961	TCAGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGA	91020
Query	484835	CTGGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAAGTGCATGGACACACCTGCATCAAGGATTTCAGGAC	484894
Sbjct	91021	CTGGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAAGTGCATGGACACACCTGCATCAAGGATTTCAGGAC	91080
Query	484895	TGCAGGCTGTTAGTGCCACTAAATATTAACCGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCA	484954
Sbjct	91081	TGCAGGCTGTTAGTGCCACTAAATATTAACCGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCA	91140
Query	484955	CATGAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGA	485014
Sbjct	91141	CATGAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGA	91200
Query	485015	CTTCTTTTGTGTTGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGC	485074
Sbjct	91201	CTTCTTTTGTGTTGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGC	91260
Query	485075	AGCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGG	485134
Sbjct	91261	AGCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGG	91320
Query	485135	CCTTTAGTTTAACTGGCTGGTGTCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTC	485194
Sbjct	91321	CCTTTAGTTTAACTGGCTGGTGTCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTC	91380
Query	485195	TGCATTGGTGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGT	485254
Sbjct	91381	TGCATTGGTGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGT	91440

Query	485255	AACCTGGGGCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTGGGGGTG	485314
Sbjct	91441	AACCTGGGGCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTGGGGGTG	91500
Query	485315	TAACTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTT	485374
Sbjct	91501	TAACTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTT	91560
Query	485375	GTTgggggggtgggggctggggCGTAACCTGGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCA	485434
Sbjct	91561	GTTGGGGGGTGGGGGCTGGGGCGTAACCTGGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCA	91620
Query	485435	AACTTAGGGCAGGTTCTCTAAAATGGAGTCTGGATTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTA	485494
Sbjct	91621	AACTTAGGGCAGGTTCTCTAAAATGGAGTCTGGATTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTA	91680
Query	485495	TCACCTTGGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTCAGCAGCTGTGGGCCACCCCCAAA	485554
Sbjct	91681	TCACCTTGGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTCAGCAGCTGTGGGCCACCCCCAAA	91740
Query	485555	TAACTGTGGTCTGTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCCAGGAGGCCGCA	485614
Sbjct	91741	TAACTGTGGTCTGTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCCAGGAGGCCGCA	91800
Query	485615	TGAGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACCTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCC	485674
Sbjct	91801	TGAGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACCTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCC	91860
Query	485675	CAGCTTTGTCTATCTTGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACA	485734
Sbjct	91861	CAGCTTTGTCTATCTTGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACA	91920
Query	485735	TGCTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCCTAAAGC	485794
Sbjct	91921	TGCTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCCTAAAGC	91980
Query	485795	AAGTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGTTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAG	485854
Sbjct	91981	AAGTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGTTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAG	92040
Query	485855	CTAGCCAAAGCCTTATGAGGTCGTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAG	485914
Sbjct	92041	CTAGCCAAAGCCTTATGAGGTCGTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAG	92100
Query	485915	AGGAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTTGGCCCTC	485974
Sbjct	92101	AGGAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTTGGCCCTC	92160
Query	485975	CTAGAGAGTCACAAACCATTTCACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGG	486034
Sbjct	92161	CTAGAGAGTCACAAACCATTTCACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGG	92220
Query	486035	GTGCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGCTG	486094
Sbjct	92221	GTGCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGCTG	92280
Query	486095	GACCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCCTTCTA	486154
Sbjct	92281	GACCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCCTTCTA	92340
Query	486155	GTCAAAGATGCTGGCAACGTAACCATGGGTGAGGACTTGTTATCACTATCTCCCCTCCC	486214
Sbjct	92341	GTCAAAGATGCTGGCAACGTAACCATGGGTGAGGACTTGTTATCACTATCTCCCCTCCC	92400
Query	486215	CCATGCTACTGAGGGGACCCCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTGCAACCCAGTTG	486274
Sbjct	92401	CCATGCTACTGAGGGGACCCCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTGCAACCCAGTTG	92460
Query	486275	GTGCACTTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCC	486334
Sbjct	92461	GTGCACTTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCC	92520
Query	486335	TAAACCCAGCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGT	486394
Sbjct	92521	TAAACCCAGCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGT	92580
Query	486395	ATAGTTCTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATA	486454
Sbjct	92581	ATAGTTCTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATA	92640
Query	486455	GGAGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGGACTTGGACC	486514
Sbjct	92641	GGAGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGGACTTGGACC	92700
Query	486515	TGTTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAAGGC	486574
Sbjct	92701	TGTTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAAGGC	92760
Query	486575	TCTTACCCAGGCCTTAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTTACTGACAGCAG	486634

Sbjct	92761	T C T T A C C C A G G C C T T A A A A C T G G C A A A A A G A G C C A T A G C C A A C A T T T A C A C T G A C A G C A G	92820
Query	486635	A T A G G A C T A A T A A C T G C C C A A G G A A A A A C C A T C A A A A A T A A G G A A G G A A T A C T T G C T T T A	486694
Sbjct	92821	A T A G G A C T A A T A A C T G C C C A A G G A A A A A C C A T C A A A A A T A A G G A A G G A A T A C T T G C T T T A	92880
Query	486695	T T C A A A A C A C T C T C A A A A T G G C T A T A G T T C A T T G C C C T G G G C A T C A A T C A G A C A G G G A C A	486754
Sbjct	92881	T T C A A A A C A C T C T C A A A A T G G C T A T A G T T C A T T G C C C T G G G C A T C A A T C A G A C A G G G A C A	92940
Query	486755	T C A G A A A T T G T C T G A G G G A A C A G G C T A G C T G A T A A G C C A A A A G G G A G G C T A C T C A A G C T	486814
Sbjct	92941	T C A G A A A T T G T C T G A G G G A A C A G G C T A G C T G A T A A G C C A A A A G G G A G G C T A C T C A A G C T	93000
Query	486815	G C C A A C T C C T G A T A G C T T T T G C T G C C C A G T G C A C T C C T A A C C A T C C C T G A G T A T A C T A C T G	486874
Sbjct	93001	G C C A A C T C C T G A T A G C T T T T G C T G C C C A G T G C A C T C C T A A C C A T C C C T G A G T A T A C T A C T G	93060
Query	486875	A A G A C A A A C G A C A T C A G G T G A A A T G C C A A G G A G T T T T C A G A A G A G A C T G A C A G T T G C T G A	486934
Sbjct	93061	A A G A C A A A C G A C A T C A G G T G A A A T G C C A A G G A G T T T T C A G A A G A G A C T G A C A G T T G C T G A	93120
Query	486935	C C T C T G A A G G C T G C A C C A T C C T A C C T A A G A A G T T T T G C T A A G C C A G T C A T C C A T C A G A T C C	486994
Sbjct	93121	C C T C T G A A G G C T G C A C C A T C C T A C C T A A G A A G T T T T G C T A A G C C A G T C A T C C A T C A G A T C C	93180
Query	486995	A T T A A A C T T C A C T G T T G G T C A C T G C A A A C T G A A G T A A T T T T T G T G A G G G G C A A G G T A C A A	487054
Sbjct	93181	A T T A A A C T T C A C T G T T G G T C A C T G C A A A C T G A A G T A A T T T T T G T G A G G G G C A A G G T A C A A	93240
Query	487055	A A T A T T T G A C T T A C G A C A A G T G G T T G A T C A G G T A A T C T C A G A C T G A G C C A T C T G C C A G G C	487114
Sbjct	93241	A A T A T T T G A C T T A C G A C A A G T G G T T G A T C A G G T A A T C T C A G A C T G A G C C A T C T G C C A G G C	93300
Query	487115	T G T G A A C T C C T C A G A C T A C A G G A A C C A G A A T C A G G G G T C A A C A G C C A G G G G C T A A T T G G G	487174
Sbjct	93301	T G T G A A C T C C T C A G A C T A C A G G A A C C A G A A T C A G G G G T C A A C A G C C A G G G G C T A A T T G G G	93360
Query	487175	A A A T A G A C T A C A G A A A T A A A A C C A G G A A C T T A T G G A C A C A A G T A T T T G C T A A T T G T T A T G	487234
Sbjct	93361	A A A T A G A C T A C A G A A A T A A A A C C A G G A A C T T A T G G A C A C A A G T A T T T G C T A A T T G T T A T G	93420
Query	487235	G A T A C C T T T T C A G G A T G G G T T G A A G C C T A C C C C A C A G A G A G G G A G A C T G C C A A A A T A G T G	487294
Sbjct	93421	G A T A C C T T T T C A G G A T G G G T T G A A G C C T A C C C C A C A G A G A G G G A G A C T G C C A A A A T A G T G	93480
Query	487295	G G a a a a a a a G C T T C T G G A G G A C A T C A T A C C C A G A T A T G G T T T G C C T A C C C T G C T T C G G T C	487354
Sbjct	93481	G G A A A A A A A G C T T C T G G A G G A C A T C A T A C C C A G A T A T G G T T T G C C T A C C C T G C T T C G G T C	93540
Query	487355	T G A C A A T G A A C C A G C A T T C C T C T C T T A G G T A A C T C C A C C T C T A C C A T A G G T A G A G A T T C T	487414
Sbjct	93541	T G A C A A T G A A C C A G C A T T C C T C T C T T A G G T A A C T C C A C C T C T A C C A T A G G T A G A G A T T C T	93600
Query	487415	G G G G A A C C A A T A G A A A A T T A T A T T A T G C A T A C C T T C C C C A T G G T T T A G G G C A A G T A G A A G	487474
Sbjct	93601	G G G G A A C C A A T A G A A A A T T A T A T T A T G C A T A C C T T C C C C A T G G T T T A G G G C A A G T A G A A G	93660
Query	487475	G G A T G A A T C G G A C C C T G A A G G C G G C C T T T A C C A A A T C T A C A C C T G A A A C T G G C A G C G A C T	487534
Sbjct	93661	G G A T G A A T C G G A C C C T G A A G G C G G C C T T T A C C A A A T C T A C A C C T G A A A C T G G C A G C G A C T	93720
Query	487535	G G G A A T C T C T C C T A C T T T T A T G C C T T A T T T A C A G C T A G G A A C A C T G C C T A T A T T T T A G G T T	487594
Sbjct	93721	G G G A A T C T C T C C T A C T T T T A T G C C T T A T T T A C A G C T A G G A A C A C T G C C T A T A T T T T A G G T T	93780
Query	487595	T C T C T G C T T T T T T G A G A T C C T A T A T G G G A G G C C C C C T C C C A T G C T G C C C T A C C T C C A G T C G	487654
Sbjct	93781	T C T C T G C T T T T T G A G A T C C T A T A T G G G A G G C C C C C T C C C A T G C T G C C C T A C C T C C A G T C G	93840
Query	487655	G T A T C T T A G C T G A A T A T G A C C A G C A A A C G T T T T A A A A A T C C T T G G G A G C C C T C C A T A G G A	487714
Sbjct	93841	G T A T C T T A G C T G A A T A T G A C C A G C A A A C G T T T T A A A A A T C C T T G G G A G C C C T C C A T A G G A	93900
Query	487715	T C T A C A C G C A A C T C T G G C C T T C C A T C A G C C A G G T T T A T G A G T T T G T C C C T C T C C G T A G C C	487774
Sbjct	93901	T C T A C A C G C A A C T C T G G C C T T C C A T C A G C C A G G T T T A T G A G T T T G T C C C T C T C C G T A G C C	93960
Query	487775	C C C A T T A C T T T T G A A C C A T G T G A C A A A T C T G G T T T A A C A G A T A T A A C C A C A A G A C T C T G G A	487834
Sbjct	93961	C C C A T T A C T T T T G A A C C A T G T G A C A A A T C T G G T T T A A C A G A T A T A A C C A C A A G A C T C T G G A	94020
Query	487835	A C C T T G C T G G A A A G G G C C T T A C A C C T T G T T C C T G A C C A C A C A T A G G G C T G A T A A G G T G G A	487894
Sbjct	94021	A C C T T G C T G G A A A G G G C C T T A C A C C T T G T T C C T G A C C A C A C A T A G G G C T G A T A A G G T G G A	94080
Query	487895	C A G G A T C A G A A T G T G G A T A C A T C A C T C T C G T G T T A A C C C T A C G A G G A G A G A C G A T C C A G C	487954
Sbjct	94081	C A G G A T C A G A A T G T G G A T A C A T C A C T C T C G T G T T A A C C C T A C G A G G A G A G A C G A T C C A G C	94140

Query	487955	AGTCAAGGTCCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATA	488014
Sbjct	94141	AGTCAAGGTCCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATA	94200
Query	488015	CCCTGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGTTTGCTGCCTA	488074
Sbjct	94201	CCCTGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGTTTGCTGCCTA	94260
Query	488075	CATTTTGCTGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTA	488134
Sbjct	94261	CATTTTGCTGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTA	94320
Query	488135	CAAACCTTGTTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTT	488194
Sbjct	94321	CAAACCTTGTTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTT	94380
Query	488195	AACTCCTCTCTCCCTGGACTTAACAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATT	488254
Sbjct	94381	AACTCCTCTCTCCCTGGACTTAACAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATT	94440
Query	488255	GGAAAGAAGATATCCCCAACTGATTCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCA	488314
Sbjct	94441	GGAAAGAAGATATCCCCAACTGATTCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCA	94500
Query	488315	GGGCTTACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTA	488374
Sbjct	94501	GGGCTTACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTA	94560
Query	488375	GTACACCATGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGGAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCA	488434
Sbjct	94561	GTACACCATGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGGAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCA	94620
Query	488435	CCTCCACACAATCAGGTCACTTCTGTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGC	488494
Sbjct	94621	CCTCCACACAATCAGGTCACTTCTGTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGC	94680
Query	488495	TGGCTGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGG	488554
Sbjct	94681	TGGCTGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGG	94740
Query	488555	CCCTACAGATAGAGATAGATACAGGAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAA	488614
Sbjct	94741	CCCTACAGATAGAGATAGATACAGGAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAA	94800
Query	488615	GTGGTCTGAGAGAACAGAAGAGGCCCTAGACTTGCTGTTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGT	488674
Sbjct	94801	GTGGTCTGAGAGAACAGAAGAGGCCCTAGACTTGCTGTTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGT	94860
Query	488675	GCAGCCTTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCC	488734
Sbjct	94861	GCAGCCTTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCC	94920
Query	488735	ATGCCAGATTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGT	488794
Sbjct	94921	ATGCCAGATTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGT	94980
Query	488795	TTGGTTTGTTTCAGAACAGTTTTATTAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAGT	488854
Sbjct	94981	TTGGTTTGTTTCAGAACAGTTTTATTAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAGT	95040
Query	488855	AGGGTGAAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGA	488914
Sbjct	95041	AGGGTGAAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGA	95100
Query	488915	TTAGGACTAAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCCTTGGCCTA	488974
Sbjct	95101	TTAGGACTAAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCCTTGGCCTA	95160
Query	488975	AAGTAAGGACAATGGCTCAGCAGCAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAA	489034
Sbjct	95161	AAGTAAGGACAATGGCTCAGCAGCAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAA	95220
Query	489035	TGTCCTTAAGAGATAGAACAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTA	489094
Sbjct	95221	TGTCCTTAAGAGATAGAACAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTA	95280
Query	489095	GGAATCCCAAGGCCCTGGGTTCGGTCGCCAGCCCCGaaaaaaaaaaaaaagaacccaaaaa	489154
Sbjct	95281	GGAATCCCAAGGCCCTGGGTTCGGTCGCCAGCCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCAAAAA	95340
Query	489155	aaaaaaaaaGAGAGATATAACAAGGT CAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGA	489214
Sbjct	95341	AAAAAAAAAAGAGAGATATAACAAGGT CAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGA	95400
Query	489215	TTCCAGGCTCCATGCTCCAATAACATTCCTTAAGAGGTAGAGCAGGATAAGGTCACCTAC	489274
Sbjct	95401	TTCCAGGCTCCATGCTCCAATAACATTCCTTAAGAGGTAGAGCAGGATAAGGTCACCTAC	95460
Query	489275	CTGGGAATCCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTG	489334

Sbjct	95461	GGAATTC CCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTG	95520
Query	489335	ATAATGGGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCATTTTACAT	489394
Sbjct	95521	ATAATGGGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCATTTTACAT	95580
Query	489395	GCTACTTGAATCTGGATATCATTCTTCTTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAG	489454
Sbjct	95581	GCTACTTGAATCTGGATATCATTCTTCTTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAG	95640
Query	489455	GACAGGTACATGTACATACACACATATGGGGAACCTACAGCTATTTTTAACCCTGGCCTC	489514
Sbjct	95641	GACAGGTACATGTACATACACACATATGGGGAACCTACAGCTATTTTTAACCCTGGCCTC	95700
Query	489515	TTGTAATGCTCTTGCAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGAGAT	489574
Sbjct	95701	TTGTAATGCTCTTGCAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGAGAT	95760
Query	489575	TCCTTCCTTACCTTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGA	489634
Sbjct	95761	TCCTTCCTTACCTTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGA	95820
Query	489635	TTACGGATGGGTCCCATGATTCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACA	489694
Sbjct	95821	TTACGGATGGGTCCCATGATTCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACA	95880
Query	489695	TCGGACTCCGCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAAT	489754
Sbjct	95881	TCGGACTCCGCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAAT	95940
Query	489755	GAATAGTGTTTACATCTATTTCCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTA	489814
Sbjct	95941	GAATAGTGTTTACATCTATTTCCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTA	96000
Query	489815	TTGTGAGCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCCCTG	489874
Sbjct	96001	TTGTGAGCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCCCTG	96060
Query	489875	AAGGCCAGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAA	489934
Sbjct	96061	AAGGCCAGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAA	96120
Query	489935	GACATGCTATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGAC	489994
Sbjct	96121	GACATGCTATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGAC	96180
Query	489995	TTACGGCTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGAC	490054
Sbjct	96181	TTACGGCTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGAC	96240
Query	490055	TAAAGAGCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAG	490114
Sbjct	96241	TAAAGAGCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAG	96300
Query	490115	ATCCCAACAAATTACTGTTAAGGGCATTTCGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATC	490174
Sbjct	96301	ATCCCAACAAATTACTGTTAAGGGCATTTCGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATC	96360
Query	490175	AAAGCTTCCTCCTGCAGCGGATGGG aaaaaaaTACAGAAT ggggggggggggTAGAAAGA	490234
Sbjct	96361	AAAGCTTCCTCCTGCAGCGGATGGG AAAAAAAAATACAGAAT GGGGGGGGGGGGTAGAAAGA	96420
Query	490235	GGGCGTGGGGAGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAAT	490294
Sbjct	96421	GGGCGTGGGGAGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAAT	96480
Query	490295	CCTCCTGTCAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACTGGAAAGATTGTAAGAGCCAA	490354
Sbjct	96481	CCTCCTGTCAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACTGGAAAGATTGTAAGAGCCAA	96540
Query	490355	AGGGAATGGAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTACGCAAGCTCATA	490414
Sbjct	96541	AGGGAATGGAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTACGCAAGCTCATA	96600
Query	490415	TGAACTCACAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCCTC	490474
Sbjct	96601	TGAACTCACAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCCTC	96660
Query	490475	TGTGTGTATATTATGGGTTTCAGTTT AGTGT TTGTATGGTATT TGTGAGTGGGTCTCTGA	490534
Sbjct	96661	TGTGTGTATATTATGGGTTTCAGTTT AGTGT TTGTATGGTATT TGTGAGTGGGTCTCTGA	96720
Query	490535	TTCTTGTACCTACT ttttt gtttcttttctttctgttattgttttttttagtatgtttta	490594
Sbjct	96721	TTCTTGTACCTACT TTTTT GTTCTTTTCTTTCTGTTATTGTTTTTTTTTAGTATGTTTTA	96780
Query	490595	tttt gttataatttattattaaacattaaaagcctgtttttta CAATAAGAGATAGAAAG	490654
Sbjct	96781	TTTT GTTATAATTTATTATTAAACATTTAAAGCCTGTTTTTTTACAATAAGAGATAGAAAG	96840

Query	490655	GAAGGGGATCAAAAAGGGGCAGAATTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGG	490714
Sbjct	96841	GAAGGGGATCAAAAAGGGGCAGAATTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGG	96900
Query	490715	AGATACCATAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAAAAA	490774
Sbjct	96901	AGATACCATAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAAAAA	96960
Query	490775	ATAAACCACAACCAATCAAAGAAGAACAAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAA	490834
Sbjct	96961	ATAAACCACAACCAATCAAAGAAGAACAAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAA	97020
Query	490835	ATCAAATGTCGCCTGCTTCCTGCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTCA	490894
Sbjct	97021	ATCAAATGTCGCCTGCTTCCTGCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTCA	97080
Query	490895	GTGGGAGAGTTCTTTTCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTTGACATTTGTGATGT	490954
Sbjct	97081	GTGGGAGAGTTCTTTTCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTTGACATTTGTGATGT	97140
Query	490955	GGTGGCTTGAGGTGGGATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAAT	491014
Sbjct	97141	GGTGGCTTGAGGTGGGATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAAT	97200
Query	491015	CTAGTCCCATGTCAGCTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCTAA	491074
Sbjct	97201	CTAGTCCCATGTCAGCTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCTAA	97260
Query	491075	GTATTCTTGACTTCGGGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGAC	491134
Sbjct	97261	GTATTCTTGACTTCGGGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGAC	97320
Query	491135	TAGGTACCAAATCTTGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGTGTAGGGGTAGGCACAGT	491194
Sbjct	97321	TAGGTACCAAATCTTGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGTGTAGGGGTAGGCACAGT	97380
Query	491195	AGGGCGGATGTCAGCCACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCCTGCATTCAAGTAGTAAGT	491254
Sbjct	97381	AGGGCGGATGTCAGCCACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCCTGCATTCAAGTAGTAAGT	97440
Query	491255	ATTAGTGCCTGGCTGCTTAACTTGCAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGT	491314
Sbjct	97441	ATTAGTGCCTGGCTGCTTAACTTGCAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGT	97500
Query	491315	TCCAAGAAGCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTT	491374
Sbjct	97501	TCCAAGAAGCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTT	97560
Query	491375	TCTCCAGAAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGAACAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAAC	491434
Sbjct	97561	TCTCCAGAAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGAACAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAAC	97620
Query	491435	TTCTCCTAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCT	491494
Sbjct	97621	TTCTCCTAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCT	97680
Query	491495	CCTACGAAACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTCCTTGTGATTTTTCACTGTTATTCTA	491554
Sbjct	97681	CCTACGAAACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTCCTTGTGATTTTTCACTGTTATTCTA	97740
Query	491555	CACACTTTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGC	491614
Sbjct	97741	CACACTTTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGC	97800
Query	491615	TCTTCTCCCAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGCCCTGCGTGGGATACAAGTCTTGAC	491674
Sbjct	97801	TCTTCTCCCAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGCCCTGCGTGGGATACAAGTCTTGAC	97860
Query	491675	CCCAGTGCACCTGGTTGCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGT	491734
Sbjct	97861	CCCAGTGCACCTGGTTGCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGT	97920
Query	491735	GAGTTCTTATGGGGTCGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCACTACTCCGGGGGT	491794
Sbjct	97921	GAGTTCTTATGGGGTCGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCACTACTCCGGGGGT	97980
Query	491795	CTTTTGCTACTGACAAGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGA	491854
Sbjct	97981	CTTTTGCTACTGACAAGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGA	98040
Query	491855	TGTTTAATGGGGTAGATTCACTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGAGTTCAAGTCAA	491914
Sbjct	98041	TGTTTAATGGGGTAGATTCACTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGAGTTCAAGTCAA	98100
Query	491915	gaacacaaaaatgagataactaacaccaacaaacacagagaaagacaacacacaaacacTT	491974
Sbjct	98101	GAACACAAAATGAGATAACTAACACCAACAAACACAGAGAAAGACAACACACAAACACTT	98160
Query	491975	TGGCCCTGCTGTGAGTGAGTAAGAACAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGATCCTACCAGTA	492034

Sbjct	98161	 TGGCCCTGCTGTGAGTGTAGAAACAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGGATCCTACCAGTA	98220
Query	492035	TGGAGTTTtagcaagTTTCAATAGTGCAGAGTCCTCCTGACTCCCTCCAGGGGCCTGAAGT	492094
Sbjct	98221	TGGAGTTTtagcaagTTTCAATAGTGCAGAGTCCTCCTGACTCCCTCCAGGGGCCTGAAGT	98280
Query	492095	GTCCTCCAGAATCCCCAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCA	492154
Sbjct	98281	GTCCTCCAGAATCCCCAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCA	98340
Query	492155	CACCAGGGTAGAGGCTTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAAGTGAAAGCAAAAG	492214
Sbjct	98341	CACCAGGGTAGAGGCTTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAAGTGAAAGCAAAAG	98400
Query	492215	ACCAGAGACAAACAGCAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTCTTTGCACTCTGATAGG	492274
Sbjct	98401	ACCAGAGACAAACAGCAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTCTTTGCACTCTGATAGG	98460
Query	492275	TCTCCAGGGATGGGGGCAGGGGTGTCTACCCAAATTcagGACGACCCTCCCACCCACAA	492334
Sbjct	98461	TCTCCAGGGATGGGGGCAGGGGTGTCTACCCAAATTcagGACGACCCTCCCACCCACAA	98520
Query	492335	CCCTCTTTCAGTGGTACTTACTTCGAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCA	492394
Sbjct	98521	CCCTCTTTCAGTGGTACTTACTTCGAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCA	98580
Query	492395	ATGGAAAAGCAAGAGGTTTATTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCA	492454
Sbjct	98581	ATGGAAAAGCAAGAGGTTTATTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCA	98640
Query	492455	AGGTGAGTGACTAGAAAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTAT	492514
Sbjct	98641	AGGTGAGTGACTAGAAAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTAT	98700
Query	492515	GGGAACCTTGcAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTC	492574
Sbjct	98701	GGGAACCTTGcAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTC	98760
Query	492575	CTAGGGCTATAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAAACTAG	492634
Sbjct	98761	CTAGGGCTATAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAAACTAG	98820
Query	492635	CTGACCATAAATCTTAGAGAACAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGA	492694
Sbjct	98821	CTGACCATAAATCTTAGAGAACAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGA	98880
Query	492695	GCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAAACAATCT	492754
Sbjct	98881	GCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAAACAATCT	98940
Query	492755	TGGGAGACAGAGAGTTTTTCTTGATTTTTCTACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGA	492814
Sbjct	98941	TGGGAGACAGAGAGTTTTTCTTGATTTTTCTACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGA	99000
Query	492815	CACCATCCCTGCCCCCTCAGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCAGCAAGGTTACTG	492874
Sbjct	99001	CACCATCCCTGCCCCCTCAGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCAGCAAGGTTACTG	99060
Query	492875	CTTATCGGCTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGAATCAGTCAGTACAGTCTGAGA	492934
Sbjct	99061	CTTATCGGCTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGAATCAGTCAGTACAGTCTGAGA	99120
Query	492935	ATTTTCTACTCAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGCCTAGTCTTGCCCCG	492994
Sbjct	99121	ATTTTCTACTCAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGCCTAGTCTTGCCCCG	99180
Query	492995	GAGACAGTGGGTGTAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACAAGTAAGCATTTATT	493054
Sbjct	99181	GAGACAGTGGGTGTAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACAAGTAAGCATTTATT	99240
Query	493055	TGAAGATTAGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAATCACACAGCTGAT	493114
Sbjct	99241	TGAAGATTAGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAATCACACAGCTGAT	99300
Query	493115	CTGTTTTACTTTTcAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGcAGTCCTCTGGTGATCCC	493174
Sbjct	99301	CTGTTTTACTTTTcAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGcAGTCCTCTGGTGATCCC	99360
Query	493175	TGGATGGAGTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAGACTCCCAGGGGCAC	493234
Sbjct	99361	TGGATGGAGTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAGACTCCCAGGGGCAC	99420
Query	493235	AAGGTATAATTTCTTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGAGAAAGAGGGGGAAT	493294
Sbjct	99421	AAGGTATAATTTCTTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGAGAAAGAGGGGGAAT	99480
Query	493295	CTCATTTTgAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGGATGTACTTATCTAGAGTCATATGA	493354
Sbjct	99481	CTCATTTTgAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGGATGTACTTATCTAGAGTCATATGA	99540

Query	493355	CATGTGGCGGGTAGATCAAGGTCTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGAAGTTTATATGAAAT	493414
Sbjct	99541	CATGTGGCGGGTAGATCAAGGTCTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGAAGTTTATATGAAAT	99600
Query	493415	TTAGCTCACAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTTAAATTCATATTTaaaaaaaGCA	493474
Sbjct	99601	TTAGCTCACAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTTAAATTCATATTTAAAAAAGCA	99660
Query	493475	GTTAATATGTGTCTGTATGACAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGAGTCTTAGCAAAAAT	493534
Sbjct	99661	GTTAATATGTGTCTGTATGACAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGAGTCTTAGCAAAAAT	99720
Query	493535	GATAGCTTTTAGATTTAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTTTGTGCCAGAGAGCTAGG	493594
Sbjct	99721	GATAGCTTTTAGATTTAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTTTGTGCCAGAGAGCTAGG	99780
Query	493595	TACAAAGGTTGGACAGAAATGTTTTAGCCTAATGAAAACCATTGTGAAGTCAGGAGACAA	493654
Sbjct	99781	TACAAAGGTTGGACAGAAATGTTTTAGCCTAATGAAAACCATTGTGAAGTCAGGAGACAA	99840
Query	493655	CTAAAGAAAACCTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAGTCTTTGTTCTttttt	493714
Sbjct	99841	CTAAAGAAAACCTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAGTCTTTGTTCTTTTT	99900
Query	493715	ttttttttttttttttttttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGTGCTTCCT	493774
Sbjct	99901	TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGTGCTTCCT	99960
Query	493775	AGGTAAGCGCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCCAGCCAGTAGTGGGCAGTCTTACTCCAG	493834
Sbjct	99961	AGGTAAGCGCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCCAGCCAGTAGTGGGCAGTCTTACTCCAG	100020
Query	493835	CAAATCTTGCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGGGTCAAGAAATCTGA	493894
Sbjct	100021	CAAATCTTGCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGGGTCAAGAAATCTGA	100080
Query	493895	AATATTacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCT	493954
Sbjct	100081	AATATTACACACACACACACACACACACACACACACACACAAACACACACACACACACCT	100140
Query	493955	TTAATAGTTTTTTGAGACCTCAGACTCAGAACTTATCTTCAAACCTCTACATATCTTAGA	494014
Sbjct	100141	TTAATAGTTTTTTGAGACCTCAGACTCAGAACTTATCTTCAAACCTCTACATATCTTAGA	100200
Query	494015	ACAAttttttATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGAGATTACTGATACTTTATTTC	494074
Sbjct	100201	ACATTTTTTTATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGAGATTACTGATACTTTATTTC	100260
Query	494075	TCTGCTGGTGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTATATTTAAAGGAATAATTCTGG	494134
Sbjct	100261	TCTGCTGGTGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTATATTTAAAGGAATAATTCTGG	100320
Query	494135	AAAGCTGCTTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGAGGTCAAGGGAGTTGCCATGC	494194
Sbjct	100321	AAAGCTGCTTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGAGGTCAAGGGAGTTGCCATGC	100380
Query	494195	TGAGTCAGgagagagaagagaaaaagagaaaggtgtgtggagagaaaagagaaagaaag	494254
Sbjct	100381	TGAGTCAGGAGAGAGAAGAGAAAAGAGAAAGGTGTGTGGAGAGAAAAGAGAAAGAAAG	100440
Query	494255	aggaagaagaaagttaaaggagaacaagaggagcaggaggagaaagagagagagggagagaga	494314
Sbjct	100441	AGGAAGAAGAAAGTAAAGGAGAAACAAGAGGAGCAGGAGGAGAAGAGAGAGGGAGAGAGA	100500
Query	494315	gagacagagacagagagacacagagacagagagagacagagacagagagagacagagaga	494374
Sbjct	100501	GAGACAGAGACAGAGAGACACAGAGACAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGACAGAGAGA	100560
Query	494375	gaaacagagagagagacagagacagagagacagacagagagacagagacagagagagaca	494434
Sbjct	100561	GAAACAGAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGACAGACAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGACA	100620
Query	494435	gagaTTCGTCCATAGTTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCAGGCTCCTGTGGTCTCCATGG	494494
Sbjct	100621	GAGATTTCGTCCATAGTTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCAGGCTCCTGTGGTCTCCATGG	100680
Query	494495	CATATCTCAGTTAAGCGATCCTtggtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	494554
Sbjct	100681	CATATCTCAGTTAAGCGATCCTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	100740
Query	494555	tggtgtgtgtgtgtgtgtgtTTGCAATCTGAACATATTCAACAATTTGGTCATTGATAAGGTG	494614
Sbjct	100741	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTTGCAATCTGAACATATTCAACAATTTGGTCATTGATAAGGTG	100800
Query	494615	ACTATGAACATGCATTTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTAACTTAATAGCTTTTGT	494674
Sbjct	100801	ACTATGAACATGCATTTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTAACTTAATAGCTTTTGT	100860
Query	494675	AAGACTAGGACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTAACATAACTATTTTAAAT	494734



Sbjct	100861	TAGGACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTAACATAACTATTTTAAAT	100920
Query	494735	TGAAGCTATAAGTTTTTAACTTATAAACATAATTCATAAAGAATCTGGGGAATTTTTTAA	494794
Sbjct	100921	TGAAGCTATAAGTTTTTAACTTATAAACATAATTCATAAAGAATCTGGGGAATTTTTTAA	100980
Query	494795	TCTTTATGTAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTAGTGTATAAAACATAGCTA	494854
Sbjct	100981	TCTTTATGTAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTAGTGTATAAAACATAGCTA	101040
Query	494855	TATCGTAGTAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTAAATCAATCTCTGTTAG	494914
Sbjct	101041	TATCGTAGTAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTAAATCAATCTCTGTTAG	101100
Query	494915	CGTGAATAGACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCCTTTAAATGATTTTTAATCA	494974
Sbjct	101101	CGTGAATAGACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCCTTTAAATGATTTTTAATCA	101160
Query	494975	ACCCTAAACCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAA tatttttagcttcttcttttattgttt	495034
Sbjct	101161	ACCCTAAACCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAATATTTTAGCTTCTTCTTTATTGTTT	101220
Query	495035	ttcagtttttaaaattagttattttctttattttaCACCCAAATGTTGCCTCCTCCCAGTCT	495094
Sbjct	101221	TTCAGTTTTTAAATTAGTTATTTTCTTTATTTACACCCAAATGTTGCCTCCTCCCAGTCT	101280
Query	495095	CCCGTCCCAGAGCTCTTCACCCCATTTCCCATCCTTTCACCTCTGAGATGGTGCGCCCAT	495154
Sbjct	101281	CCCGTCCCAGAGCTCTTCACCCCATTTCCCATCCTTTCACCTCTGAGATGGTGCGCCCAT	101340
Query	495155	CCCTGGGCATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGATTAGCTGAGTCTCTGC	495214
Sbjct	101341	CCCTGGGCATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGATTAGCTGAGTCTCTGC	101400
Query	495215	CACTGGGGACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCATGTACGCTCTTTGGTTG	495274
Sbjct	101401	CACTGGGGACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCATGTACGCTCTTTGGTTG	101460
Query	495275	GTGACTGAGTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGTACTGTTGTTCTTCCTC	495334
Sbjct	101461	GTGACTGAGTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGTACTGTTGTTCTTCCTC	101520
Query	495335	TGAGGTTGCCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACTTTCCACACTGCACCA	495394
Sbjct	101521	TGAGGTTGCCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACTTTCCACACTGCACCA	101580
Query	495395	CCGACCTCAGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCTCAGTCAGCTGCTGGCA	495454
Sbjct	101581	CCGACCTCAGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCTCAGTCAGCTGCTGGCA	101640
Query	495455	GAGCCTCTCAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCACAGCAGAGCATCAGTA	495514
Sbjct	101641	GAGCCTCTCAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCACAGCAGAGCATCAGTA	101700
Query	495515	ACAGTGTCAGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCACATTGGACCAGTCATGG	495574
Sbjct	101701	ACAGTGTCAGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCACATTGGACCAGTCATGG	101760
Query	495575	GATCGCCTTTCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTTCTTTTACACAGGAACA	495634
Sbjct	101761	GATCGCCTTTCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTTCTTTTACACAGGAACA	101820
Query	495635	ATTGTGGGTCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCTCCACTGGTGACCCTGT	495694
Sbjct	101821	ATTGTGGGTCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCTCCACTGGTGACCCTGT	101880
Query	495695	CTGACTACTAGAGGTGAGCACTTCCGGTCCCATCTCCTCACTGGTGGGCATTTGGGCCAA	495754
Sbjct	101881	CTGACTACTAGAGGTGAGCACTTCCGGTCCCATCTCCTCACTGGTGGGCATTTGGGCCAA	101940
Query	495755	GGTCTCTCACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCACCTTCCATGATGGCAT	495814
Sbjct	101941	GGTCTCTCACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCACCTTCCATGATGGCAT	102000
Query	495815	ACCCCCCTCTCCCCGAGTGCCCTCAACTCCCATCACCCACCCCTGAGAACAGCATGTTTCT	495874
Sbjct	102001	ACCCCCCTCTCCCCGAGTGCCCTCAACTCCCATCACCCACCCCTGAGAACAGCATGTTTCT	102060
Query	495875	ATTCATTCTCTGGCCCTCTGGGctttctctctcctgtcttcccccaatgtctgatcctg	495934
Sbjct	102061	ATTCATTCTCTGGCCCTCTGGGCTTCTCTCTCTGTCTTCCCCCAATGTCTGATCCTG	102120
Query	495935	ttctcccttttcccttctccctccctctgcccactcaggtccctccctccctctgctcc	495994
Sbjct	102121	TTCTCCCTTTTCCCTTCTCCCTCCCTCTGCCACTCAGGTCCCTCCCTCCCTCTGCCTCC	102180
Query	495995	cATGATTATTTTGTTCCTTGTAAAGTGAGATTGAAGCACCCCTCACTTGGGAGTTCCTT	496054
Sbjct	102181	CATGATTATTTTGTTCCTTGTAAAGTGAGATTGAAGCACCCCTCACTTGGGAGTTCCTT	102240

Query	496055	CTTGTTTAACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTGTACATTTTGGCTGATA	496114
Sbjct	102241	CTTGTTTAACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTGTACATTTTGGCTGATA	102300
Query	496115	TCCATTTTTTCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCTGGGTATTATGAATAAG	496174
Sbjct	102301	TCCATTTTTTCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCTGGGTATTATGAATAAG	102360
Query	496175	GCTGCTGTGAACATAATGGAGCATGTGTCTTGTGGTATTGTGGAGCATCTTTTGGGCAT	496234
Sbjct	102361	GCTGCTGTGAACATAATGGAGCATGTGTCTTGTGGTATTGTGGAGCATCTTTTGGGCAT	102420
Query	496235	ATGCCCAGGAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTCCAGTTTTCTGGGGGAA	496294
Sbjct	102421	ATGCCCAGGAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTCCAGTTTTCTGGGGGAA	102480
Query	496295	CTGCCAGACTGATTTCCAGAGTGGTTGTTGCTGCTGAACATTTAAGTGATTGTCAGCCAT	496354
Sbjct	102481	CTGCCAGACTGATTTCCAGAGTGGTTGTTGCTGCTGAACATTTAAGTGATTGTCAGCCAT	102540
Query	496355	TTGAGATTCTCTGTTTAGAATTCTCTGCTTAGCTCTGTACCCCAATTGTTAATCAAATT	496414
Sbjct	102541	TTGAGATTCTCTGTTTAGAATTCTCTGCTTAGCTCTGTACCCCAATTGTTAATCAAATT	102600
Query	496415	GTTTGGTTTTGTTGGAGTCTAACTTCTTGGATTGTTTATAAttttttGGATATTAGCGCTC	496474
Sbjct	102601	GTTTGGTTTTGTTGGAGTCTAACTTCTTGGATTGTTTATAATTTTTTGGATATTAGCGCTC	102660
Query	496475	TATCAGATGTAGGGTTAGTGAAAAATCTTTTCCCAATATTTAGGTTGCCATTTTGTCTTA	496534
Sbjct	102661	TATCAGATGTAGGGTTAGTGAAAAATCTTTTCCCAATATTTAGGTTGCCATTTTGTCTTA	102720
Query	496535	TTGACAGGGTCCTTTTCTTACAGAAGCTTTCAGTTTCAAGAGGTCTCATTTATCAATG	496594
Sbjct	102721	TTGACAGGGTCCTTTTCTTACAGAAGCTTTCAGTTTCAAGAGGTCTCATTTATCAATG	102780
Query	496595	GATGATTGTACAATCTGAGCCAGTGATGTTCTGTTGAAGAAAATATCCCCTCTGCCAATG	496654
Sbjct	102781	GATGATTGTACAATCTGAGCCAGTGATGTTCTGTTGAAGAAAATATCCCCTCTGCCAATG	102840
Query	496655	CATTTGAGGCTATTTTCTACTTTCTCTTCGGTTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTG	496714
Sbjct	102841	CATTTGAGGCTATTTTCTACTTTCTCTTCGGTTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTG	102900
Query	496715	AGGTCCTTGATCCACTTGACTTGAAATTTCTGCAAGGTGATAAATACGGATCATTTTGC	496774
Sbjct	102901	AGGTCCTTGATCCACTTGACTTGAAATTTCTGCAAGGTGATAAATACGGATCATTTTGC	102960
Query	496775	ATTCTTCTAAGTGCAGACTGACAGCTAGACCAGCACCCTTGTGAAGATGCTTTCTTTTC	496834
Sbjct	102961	ATTCTTCTAAGTGCAGACTGACAGCTAGACCAGCACCCTTGTGAAGATGCTTTCTTTTC	103020
Query	496835	TCAACTGTTTCACTTTGGTTCTTTGTCAAAGATCAAGTTTCCTTAGGTACGTGGATTATT	496894
Sbjct	103021	TCAACTGTTTCACTTTGGTTCTTTGTCAAAGATCAAGTTTCCTTAGGTACGTGGATTATT	103080
Query	496895	TCTGAGTTTTTGATTTTATTCCTTGATCAACTTGTCTGTCTCTGTACCCATGCCATGCA	496954
Sbjct	103081	TCTGAGTTTTTGATTTTATTCCTTGATCAACTTGTCTGTCTCTGTACCCATGCCATGCA	103140
Query	496955	GTTTTTATCACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGAGCAGGGATGATGATTCTTTATTGT	497014
Sbjct	103141	GTTTTTATCACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGAGCAGGGATGATGATTCTTTATTGT	103200
Query	497015	TCAGAATGGttttggctcttttgctttttgcttttgcttttgTATTCGGTACGAAGTTCGGAA	497074
Sbjct	103201	TCAGAATGGTTTTGGCTCTTGTTTTTGCTTTTGTTTTGTATTTCGGTACGAAGTTCGGAA	103260
Query	497075	TTGCTATCTCCATGCCAGTGAACATTGTGATGGAATTTTCATGGGTATTGCATTGAATCT	497134
Sbjct	103261	TTGCTATCTCCATGCCAGTGAACATTGTGATGGAATTTTCATGGGTATTGCATTGAATCT	103320
Query	497135	GTAGATTGCTTTTGGGATGATGGCCATTTTCACTATGTAAATCCAAGCAATCCATGGACA	497194
Sbjct	103321	GTAGATTGCTTTTGGGATGATGGCCATTTTCACTATGTAAATCCAAGCAATCCATGGACA	103380
Query	497195	TGGGAGAGCTTTCCATCTTTTCAGGTCTTTTTTGATTTCTTTCTTCAAAGACTAAATTTT	497254
Sbjct	103381	TGGGAGAGCTTTCCATCTTTTCAGGTCTTTTTTGATTTCTTTCTTCAAAGACTAAATTTT	103440
Query	497255	CTGTCATACAGTTTTTGTCACTTGATTGGTTAGAGTTACACCAAGATATTTTATACTAACT	497314
Sbjct	103441	CTGTCATACAGTTTTTGTCACTTGATTGGTTAGAGTTACACCAAGATATTTTATACTAACT	103500
Query	497315	GTGGCTATTGTGAAGGTTGCAGTTTCTCTTATTTCTTTTCCAGCCTCTTAGAAAGGAAGA	497374
Sbjct	103501	GTGGCTATTGTGAAGGTTGCAGTTTCTCTTATTTCTTTTCCAGCCTCTTAGAAAGGAAGA	103560
Query	497375	CTCCTGATTTGTTTGAGTTAATTGTATATTCCTTCATTTTGTGAAGTTGTTAATCAGGT	497434

Sbjct	103561	CTCCTGATTTGTTTGAGTTAATTGTATATTCCTTCATTTTGTGGAAGTTGTTAATCAGGT	103620
Query	497435	GTAGGAGTTCTCTGGTAGAATTTAGTGGTCTCTTATGTATCATCCCTGTATAGTGATACC	497494
Sbjct	103621	GTAGGAGTTCTCTGGTAGAATTTAGTGGTCTCTTATGTATCATCCCTGTATAGTGATACC	103680
Query	497495	TTGACTTCTACCTTTCCAGTTTGTATCCCTTGATCTCCCTTAGTTGTCTAATAGCTCCA	497554
Sbjct	103681	TTGACTTCTACCTTTCCAGTTTGTATCCCTTGATCTCCCTTAGTTGTCTAATAGCTCCA	103740
Query	497555	GGTGGAAATCCAAATTCTGTATTGAATAGACAGGGAGAGAGTGGGCAAAC TTGTCTTGTT	497614
Sbjct	103741	GGTGGAAATCCAAATTCTGTATTGAATAGACAGGGAGAGAGTGGGCAAAC TTGTCTTGTT	103800
Query	497615	CCAGATTTT TAGTGGGATTGTCCGAGTTTCTCTCCATTTAACTTGATGTTGACTCTTGGCT	497674
Sbjct	103801	CCAGATTTT TAGTGGGATTGTCCGAGTTTCTCTCCATTTAACTTGATGTTGACTCTTGGCT	103860
Query	497675	GGCTGTATACTGCTTTTATTTTGTTTAGGCTAGTTTCTGAATTTGTTATCTCTCCAAGA	497734
Sbjct	103861	GGCTGTATACTGCTTTTATTTTGTTTAGGCTAGTTTCTGAATTTGTTATCTCTCCAAGA	103920
Query	497735	TTTTGAACATGAAAGGGTGTGGATTTTGTCAAGGGCTTTTTTCATCATCTAATGAGATGA	497794
Sbjct	103921	TTTTGAACATGAAAGGGTGTGGATTTTGTCAAGGGCTTTTTTCATCATCTAATGAGATGA	103980
Query	497795	TCATGA tttttttt CTTTCAGGTGTTTTACATAGTGGACCACATTGATGAATGTTCTTATA	497854
Sbjct	103981	TCATGATTTTTTTCTTT CAGGTGTTTTACATAGTGGACCACATTGATGAATGTTCTTATA	104040
Query	497855	TTAGTCTATCCTTCCATTCTGGAATAAAGCCTACTTGATTTTGGTGAAGACATTTTTCA	497914
Sbjct	104041	TTAGTCTATCCTTCCATTCTGGAATAAAGCCTACTTGATTTTGGTGAAGACATTTTTCA	104100
Query	497915	TGTGTTCTTAGAGTCAGTTTGCAAGAATTTATTGTTTTTGCACTGACGTT CAGAAGTAAA	497974
Sbjct	104101	TGTGTTCTTAGAGTCAGTTTGCAAGAATTTATTGTTTTTGCACTGACGTT CAGAAGTAAA	104160
Query	497975	ATTCATTTGAAGTTCCTTTTGTGGGTCTTTGTGTGCTTTAGGTATCAAAGTGATCCTGG	498034
Sbjct	104161	ATTCATTTGAAGTTCCTTTTGTGGGTCTTTGTGTGCTTTAGGTATCAAAGTGATCCTGG	104220
Query	498035	CTTCAAAGAATGAATTAAGTAATGTTCCTTTTCTTCTATTTTGTGGCACAGTTTGAGGA	498094
Sbjct	104221	CTTCAAAGAATGAATTAAGTAATGTTCCTTTTCTTCTATTTTGTGGCACAGTTTGAGGA	104280
Query	498095	ATGTTGATATTAGCTGTTTGAATGTCTGGTAGTATTGTGCACTTAAACCATCTTGTCAG	498154
Sbjct	104281	ATGTTGATATTAGCTGTTTGAATGTCTGGTAGTATTGTGCACTTAAACCATCTTGTCAG	104340
Query	498155	GCTTTTTGGGTGGGAGGTTTTTGATTACTACTTTTTCTTATGGATTATAGGAGGTTTT	498214
Sbjct	104341	GCTTTTTGGGTGGGAGGTTTTTGATTACTACTTTTTCTTATGGATTATAGGAGGTTTT	104400
Query	498215	AGATAGTTTACCTGATCTTGAGTTAACTTTGGATGTGTGTCTCAAAAATCATCTATTTCA	498274
Sbjct	104401	AGATAGTTTACCTGATCTTGAGTTAACTTTGGATGTGTGTCTCAAAAATCATCTATTTCA	104460
Query	498275	TGTAAATTTTACAGTTTTTGTCAAATGTAGGCTCTTATGGAAGACTTTTTCTTTATTTCC	498334
Sbjct	104461	TGTAAATTTTACAGTTTTTGTCAAATGTAGGCTCTTATGGAAGACTTTTTCTTTATTTCC	104520
Query	498335	TCAGTTTCTTTTGTTATGTCTCCCTTTTCATTTCTGGATACTGTCTCTGTGCTCTTTATG	498394
Sbjct	104521	TCAGTTTCTTTTGTTATGTCTCCCTTTTCATTTCTGGATACTGTCTCTGTGCTCTTTATG	104580
Query	498395	TAGATTGGTGTATCTCTTTTG tttttt CAAAGAAATCTTTGCTTGGATTGTCTTACAGT	498454
Sbjct	104581	TAGATTGGTGTATCTCTTTTGTTTTTTTCAAAGAAATCTTTGCTTGGATTGTCTTACAGT	104640
Query	498455	TGGATATACTATAGTTGTGGGATACCTGTTGAGGTAAGCTTCTACCAAAAAGTGGAATGG	498514
Sbjct	104641	TGGATATACTATAGTTGTGGGATACCTGTTGAGGTAAGCTTCTACCAAAAAGTGGAATGG	104700
Query	498515	TAATGTATATCCTGTGCTATGTACATGTTGAAATATGTAATCTGCTTCTTCATTTTTATT	498574
Sbjct	104701	TAATGTATATCCTGTGCTATGTACATGTTGAAATATGTAATCTGCTTCTTCATTTTTATT	104760
Query	498575	TTACAGGGATGACTGTTTTCCCGAGAAAATCAGGGATCAGTTTACCTCAATCCCAGCTAT	498634
Sbjct	104761	TTACAGGGATGACTGTTTTCCCGAGAAAATCAGGGATCAGTTTACCTCAATCCCAGCTAT	104820
Query	498635	ACCTCTCCTGGGCATATAGTCAAAGGACAGTCTATCCTATCACAAGGACATCTGCTTATA	498694
Sbjct	104821	ACCTCTCCTGGGCATATAGTCAAAGGACAGTCTATCCTATCACAAGGACATCTGCTTATA	104880
Query	498695	GCAGTTTTATTAAATAATAGCTAGAACTGGAAGCATCCTAGATCTTCTCCAACCAATGAA	498754
Sbjct	104881	GCAGTTTTATTAAATAATAGCTAGAACTGGAAGCATCCTAGATCTTCTCCAACCAATGAA	104940

Query	498755	TGATTAAACAAAATGTACATTGATAAGTGGAATATTACTGAGGTTAAAAAACTAACATCA	498814
Sbjct	104941	TGATTAAACAAAATGTACATTGATAAGTGGAATATTACTGAGGTTAAAAAACTAACATCA	105000
Query	498815	TGAAATTTTCAGGCCAAATGGATGGAACAAGaaaaaaaTCATCCTGTGTAAGGTAACCCAG	498874
Sbjct	105001	TGAAATTTTCAGGCCAAATGGATGGAACAAGAAAAAATCATCCTGTGTAAGGTAACCCAG	105060
Query	498875	ACTATATACAAATATAAAACCATATAAAAAACATGGTATATATTCACTTATAAGGCGGATAT	498934
Sbjct	105061	ACTATATACAAATATAAAACCATATAAAAAACATGGTATATATTCACTTATAAGGCGGATAT	105120
Query	498935	AAGCTGTAAAGTAAAGGGCAATTATGGTCAGTTTCAGACCCAGAAAGACCCAAAAAAGG	498994
Sbjct	105121	AAGCTGTAAAGTAAAGGGCAATTATGGTCAGTTTCAGACCCAGAAAGACCCAAAAAAGG	105180
Query	498995	ATGGGTCAATCAGGGATTCTAGATCTCTATGGAAAGAGAGATGTGGTGAGTGGGGATGC	499054
Sbjct	105181	ATGGGTCAATCAGGGATTCTAGATCTCTATGGAAAGAGAGATGTGGTGAGTGGGGATGC	105240
Query	499055	GAACAGAAGATTGTGCTTTGGAGATGGAAGGAGAGTATATTGTAGTGAACAAGTAGAAGT	499114
Sbjct	105241	GAACAGAAGATTGTGCTTTGGAGATGGAAGGAGAGTATATTGTAGTGAACAAGTAGAAGT	105300
Query	499115	GTGAGCCATTTTAGAGACAAGGTAGAGATGTTGTGCAATGGAAACTCCTAGGAGTCTAAG	499174
Sbjct	105301	GTGAGCCATTTTAGAGACAAGGTAGAGATGTTGTGCAATGGAAACTCCTAGGAGTCTAAG	105360
Query	499175	AAGGTGACAGGAAATGAGAGATATAGTAATGAGGGATATGGAGACTAATCCAGCCATCGT	499234
Sbjct	105361	AAGGTGACAGGAAATGAGAGATATAGTAATGAGGGATATGGAGACTAATCCAGCCATCGT	105420
Query	499235	CTGTAAC TAAGCAAGGTTTCCAGGAATTGGAACACCAACCCAGCCATAAAACATTTGACG	499294
Sbjct	105421	CTGTAAC TAAGCAAGGTTTCCAGGAATTGGAACACCAACCCAGCCATAAAACATTTGACG	105480
Query	499295	TACAATTTGTCTGCCTACAAGATGTGCTGTGATAAAAGTGGTGTAGAAATTGATGTAGT	499354
Sbjct	105481	TACAATTTGTCTGCCTACAAGATGTGCTGTGATAAAAGTGGTGTAGAAATTGATGTAGT	105540
Query	499355	AACCTGTGGGTGTTGTGCCTCTAAGTGGTGCCAGTGACATTGAGGGAGGCTCCTATAC	499414
Sbjct	105541	AACCTGTGGGTGTTGTGCCTCTAAGTGGTGCCAGTGACATTGAGGGAGGCTCCTATAC	105600
Query	499415	TATTCTAATATTATGAGTGCACATCTCTGATGGCATATCAAATGGCATAAGATAGAAGAT	499474
Sbjct	105601	TATTCTAATATTATGAGTGCACATCTCTGATGGCATATCAAATGGCATAAGATAGAAGAT	105660
Query	499475	CTCAGAAAGCTAGTGAGTCTCAGATTGGTACAGTATAGGATGATGGCTGCTTCTCCCAAC	499534
Sbjct	105661	CTCAGAAAGCTAGTGAGTCTCAGATTGGTACAGTATAGGATGATGGCTGCTTCTCCCAAC	105720
Query	499535	TTCACTGAAGTCCCCTTAGGTCCTGGCAGTGGCACTGGGGTGATCGGCTACTCCAGAACT	499594
Sbjct	105721	TTCACTGAAGTCCCCTTAGGTCCTGGCAGTGGCACTGGGGTGATCGGCTACTCCAGAACT	105780
Query	499595	CATGTCAGTGGTCCAAAGGCTATACTaaaaaaaTGCTTACAGCTGTATTCTGGTCTTGAG	499654
Sbjct	105781	CATGTCAGTGGTCCAAAGGCTATACTAAAAAATGCTTACAGCTGTATTCTGGTCTTGAG	105840
Query	499655	AGTCTGTTTCCCTTGTTAGTGATTCCACCTCCCTCAGTCCTCCTAGATCTTGGTTCCTAC	499714
Sbjct	105841	AGTCTGTTTCCCTTGTTAGTGATTCCACCTCCCTCAGTCCTCCTAGATCTTGGTTCCTAC	105900
Query	499715	AGTTGCCAACCAATATCTGCTGGTCCAGCCTGAGATCAATGCCATGAGAGGGAACACTGC	499774
Sbjct	105901	AGTTGCCAACCAATATCTGCTGGTCCAGCCTGAGATCAATGCCATGAGAGGGAACACTGC	105960
Query	499775	CTGGAGGGCCAGGAACACAAGTCTAGATATACCAGAGTCCTAGAATAGAAGCAAACAAGA	499834
Sbjct	105961	CTGGAGGGCCAGGAACACAAGTCTAGATATACCAGAGTCCTAGAATAGAAGCAAACAAGA	106020
Query	499835	TCAGaaaaaaaaTTAATGAATGGATCACTAAATGTATTCCtttttttttttgggttctttt	499894
Sbjct	106021	TCAGAAAAAAAAATTAATGAATGGATCACTAAATGTATTCTTTTTTTTTTTGGTTCTTT	106080
Query	499895	ttttCAGAGATGGGGATCGAACCCAGGGCCTTGCACTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACT	499954
Sbjct	106081	TTTTCAGAGATGGGGATCGAACCCAGGGCCTTGCACTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACT	106140
Query	499955	GAGCTAAATCCCCAACTCCTAAATGTATTCTTTTATTCTCATAGCCGTGTGCTGTGATAA	500014
Sbjct	106141	GAGCTAAATCCCCAACTCCTAAATGTATTCTTTTATTCTCATAGCCGTGTGCTGTGATAA	106200
Query	500015	GGGTAGTATAGAATGGGGGGAGTGGCATGTGGGTGCTTTGGCCTCTGAATGGGCTTCAAT	500074
Sbjct	106201	GGGTAGTATAGAATGGGGGGAGTGGCATGTGGGTGCTTTGGCCTCTGAATGGGCTTCAAT	106260
Query	500075	GGACAGTGAGGGAGGCTTCCATATACTCTAATACAAATAATTGTCTTCATCTTCAGAGAG	500134

Sbjct	106261	AGTGAAGGAGGCTTCCATATACCTAATACAAATAATTGTCTTCATCTTCAGAGAG	106320
Query	500135	GCTCCACACAAACTGATGGAAGCCAATGCAGGGAAGCACAGCTAAACATTAGGTGGAGCT	500194
Sbjct	106321	GCTCCACACAAACTGATGGAAGCCAATGCAGGGAAGCACAGCTAAACATTAGGTGGAGCT	106380
Query	500195	CTGGGAATCATATGGAAGAGGGGAAGAAAGAATTTTAGGAGGCAGAGGTTAAGAACACAA	500254
Sbjct	106381	CTGGGAATCATATGGAAGAGGGGAAGAAAGAATTTTAGGAGGCAGAGGTTAAGAACACAA	106440
Query	500255	CAAGAAAACCCACAGAATCGACTAACCTGGTCTTGTAGGAACCAGGGTCTCACAAAGCCT	500314
Sbjct	106441	CAAGAAAACCCACAGAATCGACTAACCTGGTCTTGTAGGAACCAGGGTCTCACAAAGCCT	106500
Query	500315	GAACCATCAACCAGGAAGTCTGCATGGATCTTACCCAGGCCCTCTGTATGTTTTATGATT	500374
Sbjct	106501	GAACCATCAACCAGGAAGTCTGCATGGATCTTACCCAGGCCCTCTGTATGTTTTATGATT	106560
Query	500375	GTGTAGCTTGGCCTtttttttAAATTTATTTCATCTATTTTATGTATATGAGTACACTGTA	500434
Sbjct	106561	GTGTAGCTTGGCCTTTTTTTTAAATTTATTTCATCTATTTTATGTATATGAGTACACTGTA	106620
Query	500435	GCTGTTTTTGTAGACACACCAGAAGAGTGTATCAGATATCATTACAGATGGCTGTGAGCCAC	500494
Sbjct	106621	GCTGTTTTTGTAGACACACCAGAAGAGTGTATCAGATATCATTACAGATGGCTGTGAGCCAC	106680
Query	500495	CATGTGGTTGCTGGGATTTGAACTCAGAACCTCTGGAAGAGCAGTCAGTGTCTTAACCAC	500554
Sbjct	106681	CATGTGGTTGCTGGGATTTGAACTCAGAACCTCTGGAAGAGCAGTCAGTGTCTTAACCAC	106740
Query	500555	TGAGCCACCTCTCCAGTCTTCTTGTGAGACTCCTAACATTGGAAGCAGGAGCTGTCTTTG	500614
Sbjct	106741	TGAGCCACCTCTCCAGTCTTCTTGTGAGACTCCTAACATTGGAAGCAGGAGCTGTCTTTG	106800
Query	500615	TCTCTGTTGCCTGCCTTTAGGATACTTTGCTCCTCCTGTGTTGCTTTGTCTAGCCTTCAT	500674
Sbjct	106801	TCTCTGTTGCCTGCCTTTAGGATACTTTGCTCCTCCTGTGTTGCTTTGTCTAGCCTTCAT	106860
Query	500675	AGGAAAAGAAGTGCCTAATCTTACTGCAAGTTGATTGCCAAGGCTGGTTGATATGCATG	500734
Sbjct	106861	AGGAAAAGAAGTGCCTAATCTTACTGCAAGTTGATTGCCAAGGCTGGTTGATATGCATG	106920
Query	500735	GGAGTCTCTCCCTTTGTTCAGTGAAAGAAGGATGATGGGGGTGAAAAGTGGGGTGGGA	500794
Sbjct	106921	GGAGTCTCTCCCTTTGTTCAGTGAAAGAAGGATGATGGGGGTGAAAAGTGGGGTGGGA	106980
Query	500795	GGGAGTAGAGGCTGAGAAGGGAGGGGAAACTGTGTTTGATGtaatatatgagagaaaaa	500854
Sbjct	106981	GGGAGTAGAGGCTGAGAAGGGAGGGGAAACTGTGTTTGATGTAATATATGAGAGAAAAA	107040
Query	500855	taaataactataaataaataaataaataaataaagaataaaaCTTGGTCTTTTACAACAC	500914
Sbjct	107041	TAAATAACTATAAATAAATAAATAAATAAATAAAGAATAAACTTTGGTCTTTTACAACAC	107100
Query	500915	TGCTGAGACTTTTACAGACTAAAGAATTTTGAAAGTGGAATAAGTGCATTTTGCATTAT	500974
Sbjct	107101	TGCTGAGACTTTTACAGACTAAAGAATTTTGAAAGTGGAATAAGTGCATTTTGCATTAT	107160
Query	500975	GATATTGCCACCAACCTATGTATGCCAGAGAATGTGGTGATTGGAATAAGAATGACTCAT	501034
Sbjct	107161	GATATTGCCACCAACCTATGTATGCCAGAGAATGTGGTGATTGGAATAAGAATGACTCAT	107220
Query	501035	ATATTTGAATATTTTGTATCAGGAAGTAGCACTTTTTGGAGGTGTGGCATTTTTGGAAG	501094
Sbjct	107221	ATATTTGAATATTTTGTATCAGGAAGTAGCACTTTTTGGAGGTGTGGCATTTTTGGAAG	107280
Query	501095	AAATGCATCATCAAAGGTGAGATTTGAAGTTCAAATATCTTCATTTCAATTAAGTCTAC	501154
Sbjct	107281	AAATGCATCATCAAAGGTGAGATTTGAAGTTCAAATATCTTCATTTCAATTAAGTCTAC	107340
Query	501155	TTCAGTGTTCAAGCCAGGCCAAATGTCTCTCTCTTCTGTTGTTGTGGATCCAGAACCA	501214
Sbjct	107341	TTCAGTGTTCAAGCCAGGCCAAATGTCTCTCTCTTCTGTTGTTGTGGATCCAGAACCA	107400
Query	501215	CAAttttttttACCAGGACCATTTTTACCTGTACTCTGCTATGCTTTTCACTATGTTGAC	501274
Sbjct	107401	CAATTTTTTTTACCAGGACCATTTTTACCTGTACTCTGCTATGCTTTTCACTATGTTGAC	107460
Query	501275	AATGGACAAAAACTCTGAACCAGCAAACCAGCTCCAATCCTTTACAAGAATTGATGTGGT	501334
Sbjct	107461	AATGGACAAAAACTCTGAACCAGCAAACCAGCTCCAATCCTTTACAAGAATTGATGTGGT	107520
Query	501335	CATGGTGTCTCTACACAGCAATAGAACAAAGTAGACTAAGATTGGTAAAACCTACTTAGA	501394
Sbjct	107521	CATGGTGTCTCTACACAGCAATAGAACAAAGTAGACTAAGATTGGTAAAACCTACTTAGA	107580
Query	501395	AAAATATTGTAATGTAACGTAAGAGTTGTCATCAAATTAAGATTTTCATATTTCAAACCT	501454
Sbjct	107581	AAAATATTGTAATGTAACGTAAGAGTTGTCATCAAATTAAGATTTTCATATTTCAAACCT	107640

Query	501455	GGGAAAATATAAAAAATAGTTTCCATATTATAATAGTAAAGCTGTTAAGAGTGTGGAAAAT	501514
Sbjct	107641	GGGAAAATATAAAAAATAGTTTCCATATTATAATAGTAAAGCTGTTAAGAGTGTGGAAAAT	107700
Query	501515	CTCCTACTATACATATTTGTGGTGATAAAttttttGAAATATATATATTATTAAATGGTC	501574
Sbjct	107701	CTCCTACTATACATATTTGTGGTGATAATTTTTTTGAAATATATATATTATTAAATGGTC	107760
Query	501575	ATCCACTGGATTGTGTTTGATTAATTACCAGGGGCAACTGTGGAACTTTTTATAATTTT	501634
Sbjct	107761	ATCCACTGGATTGTGTTTGATTAATTACCAGGGGCAACTGTGGAACTTTTTATAATTTT	107820
Query	501635	TAACCTATGATACTCATATGTCTTAGTTAGGGTCTTATTGCTATGAACAGATACCATATC	501694
Sbjct	107821	TAACCTATGATACTCATATGTCTTAGTTAGGGTCTTATTGCTATGAACAGATACCATATC	107880
Query	501695	TACATCTTTACCTGAAGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCACCTTCAGGCAGCTAGGAGGAG	501754
Sbjct	107881	TACATCTTTACCTGAAGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCACCTTCAGGCAGCTAGGAGGAG	107940
Query	501755	GGTCTCCAAGCCCTCAGTGACACACTTCCTTCAACAAGGTCACACCTCCTAATAATGCCA	501814
Sbjct	107941	GGTCTCCAAGCCCTCAGTGACACACTTCCTTCAACAAGGTCACACCTCCTAATAATGCCA	108000
Query	501815	TTCCGTGGGCCAACCATATTCACATTCCACTCCCTGACCTCCATAGGCTTGTTTTAAAC	501874
Sbjct	108001	TTCCGTGGGCCAACCATATTCACATTCCACTCCCTGACCTCCATAGGCTTGTTTTAAAC	108060
Query	501875	CAAGGAGTCTATGGAGGCCATACCTAAACATAGCATAATAAAAAAGTACATTTAGTTCAA	501934
Sbjct	108061	CAAGGAGTCTATGGAGGCCATACCTAAACATAGCATAATAAAAAAGTACATTTAGTTCAA	108120
Query	501935	CTTCCAAAGTCTCCATAGTCTATAGCAGCGTCAACAATGTTAAAAGTCCAAAGTTCAAAG	501994
Sbjct	108121	CTTCCAAAGTCTCCATAGTCTATAGCAGCGTCAACAATGTTAAAAGTCCAAAGTTCAAAG	108180
Query	501995	TCTCTTCTGAGATCCATCCAGTCACTTAACTGTAATCCCGGAATTAAGACAGGCAACCAG	502054
Sbjct	108181	TCTCTTCTGAGATCCATCCAGTCACTTAACTGTAATCCCGGAATTAAGACAGGCAACCAG	108240
Query	502055	CTGGGCAAAC TCCAAACTCTGCCATTTCCATGTCTGATGTCAGTGTGGTCTTCAGATCTT	502114
Sbjct	108241	CTGGGCAAAC TCCAAACTCTGCCATTTCCATGTCTGATGTCAGTGTGGTCTTCAGATCTT	108300
Query	502115	CAACTCCCTTTTCATCTTTGTTGACTACAACAAACTTCTTTCTCCTGAGCTGACTCCACT	502174
Sbjct	108301	CAACTCCCTTTTCATCTTTGTTGACTACAACAAACTTCTTTCTCCTGAGCTGACTCCACT	108360
Query	502175	CCCTGTTAGCAGCTTTCTCAGCAGATGGCCCGTGACTCTGGCATCTTTAACATCTTTGG	502234
Sbjct	108361	CCCTGTTAGCAGCTTTCTCAGCAGATGGCCCGTGACTCTGGCATCTTTAACATCTTTGG	108420
Query	502235	GTCTCCAAGGCAGCTTCAATGTTACAGCTTGTTTTCAATGTCTGGGATCCACACATGATCC	502294
Sbjct	108421	GTCTCCAAGGCAGCTTCAATGTTACAGCTTGTTTTCAATGTCTGGGATCCACACATGATCC	108480
Query	502295	TCCAAAGGGCTGCCTTCACTTCTCCAGCTCTGCCCTCTGTAGCAGTTTAACTGCAGGCTG	502354
Sbjct	108481	TCCAAAGGGCTGCCTTCACTTCTCCAGCTCTGCCCTCTGTAGCAGTTTAACTGCAGGCTG	108540
Query	502355	ACCCACACCACACTGTTGCTGTTGTTCTTAGTGATCATACCATAGTGCTGGCGTCTCCAA	502414
Sbjct	108541	ACCCACACCACACTGTTGCTGTTGTTCTTAGTGATCATACCATAGTGCTGGCGTCTCCAA	108600
Query	502415	TACACTGGGGTCTTCTGTTGCATCTAGGCTTCACCAATAGCCTCTCCTAGCTCTCTTCAT	502474
Sbjct	108601	TACACTGGGGTCTTCTGTTGCATCTAGGCTTCACCAATAGCCTCTCCTAGCTCTCTTCAT	108660
Query	502475	GGTGTCAAGCCTTAACTCCTTTGCCTGACCCCTTCAGTCCTGGGCCATCAGATGCAACTG	502534
Sbjct	108661	GGTGTCAAGCCTTAACTCCTTTGCCTGACCCCTTCAGTCCTGGGCCATCAGATGCAACTG	108720
Query	502535	AGGCTGCACCTTCACCAATGGCCTTCCAAGGCCTCTCACAGTGCCCAGCCTCAGCTGCTC	502594
Sbjct	108721	AGGCTGCACCTTCACCAATGGCCTTCCAAGGCCTCTCACAGTGCCCAGCCTCAGCTGCTC	108780
Query	502595	TCCATGACCCTTTCATGCCTTCAAACACAGTACCAGCTGGGTGACTCTTACACATTGCCA	502654
Sbjct	108781	TCCATGACCCTTTCATGCCTTCAAACACAGTACCAGCTGGGTGACTCTTACACATTGCCA	108840
Query	502655	AGTACAGCCACAGCATGAGGTACAACCTTGGCATCTCTGGAACACAGCTCTCAAAAAACA	502714
Sbjct	108841	AGTACAGCCACAGCATGAGGTACAACCTTGGCATCTCTGGAACACAGCTCTCAAAAAACA	108900
Query	502715	CTTCCCAGAGATTTACCTCAGTGATGCTGGTCTCTTTCTTAGCTCCAGTTAACCAGCAT	502774
Sbjct	108901	CTTCCCAGAGATTTACCTCAGTGATGCTGGTCTCTTTCTTAGCTCCAGTTAACCAGCAT	108960
Query	502775	CAATTGTCCCAGGAATCTCCTTCTCCTCTTGAATATAAAGCTAGAGATATGGCTGAAGCT	502834

Sbjct	108961	TGTCCCAGGAATCTCCTTCTCCTCTTGAATATAAAGCTAGAGATATGGCTGAAGCT	109020
Query	502835	GCTGAGTTCTGCCACTTGCAAGGAGCTGGAACATGGGCCCCTTGTTCATTACATTTCTAA	502894
Sbjct	109021	GCTGAGTTCTGCCACTTGCAAGGAGCTGGAACATGGGCCCCTTGTTCATTACATTTCTAA	109080
Query	502895	CTCCTTCACTGCCTAAACTTGGCTGTCTGGATCTTGCTCTATAGATTGACCTTGAATTT	502954
Sbjct	109081	CTCCTTCACTGCCTAAACTTGGCTGTCTGGATCTTGCTCTATAGATTGACCTTGAATTT	109140
Query	502955	AGAGATCTGTACACCAGTCTCCTGGGATTAAAGATTTGTACTAAGTTGCCTGGAGCTAAC	503014
Sbjct	109141	AGAGATCTGTACACCAGTCTCCTGGGATTAAAGATTTGTACTAAGTTGCCTGGAGCTAAC	109200
Query	503015	CTAGCTGGGTGGGATCTTACCCCAAGGTCATTACTCCCTTAATTCAATTTAATAATCTTG	503074
Sbjct	109201	CTAGCTGGGTGGGATCTTACCCCAAGGTCATTACTCCCTTAATTCAATTTAATAATCTTG	109260
Query	503075	AACACAGGATTCAAGTTCCATTTCACTCCTGGTGTTCCTTTAATACTTGAACCATATATT	503134
Sbjct	109261	AACACAGGATTCAAGTTCCATTTCACTCCTGGTGTTCCTTTAATACTTGAACCATATATT	109320
Query	503135	TGTATTTTTCTTTTATCAACCTCCCTTTTTTCATTTAAGATGTTCTTCATGAGACCTAGA	503194
Sbjct	109321	TGTATTTTTCTTTTATCAACCTCCCTTTTTTCATTTAAGATGTTCTTCATGAGACCTAGA	109380
Query	503195	GAACAAAATCTATGATGGGTGTTTCTGAGACTTCCTTTGTCAATGCAATTAATCTGAGTA	503254
Sbjct	109381	GAACAAAATCTATGATGGGTGTTTCTGAGACTTCCTTTGTCAATGCAATTAATCTGAGTA	109440
Query	503255	TTTTACCTTATCCTCAGGCAGACTCTTCAGACAGGGCAAAAAGCAGCCACATTCTTCAC	503314
Sbjct	109441	TTTTACCTTATCCTCAGGCAGACTCTTCAGACAGGGCAAAAAGCAGCCACATTCTTCAC	109500
Query	503315	CAAAATACCACAAAAGCAATCTTTACAGCACATATTGAAATTCTTCTCTTCTGAAACCTC	503374
Sbjct	109501	CAAAATACCACAAAAGCAATCTTTACAGCACATATTGAAATTCTTCTCTTCTGAAACCTC	109560
Query	503375	TTGGGCCAGGCCATTCTACTGCTTTCCCAAAATCCACATTCTTCTAAACAAAAACATGGT	503434
Sbjct	109561	TTGGGCCAGGCCATTCTACTGCTTTCCCAAAATCCACATTCTTCTAAACAAAAACATGGT	109620
Query	503435	AAGGCCTATCACAGCAATATCACAGCTGGTCCCTGGTACCAGTTTCTGTCTTAGTGATTA	503494
Sbjct	109621	AAGGCCTATCACAGCAATATCACAGCTGGTCCCTGGTACCAGTTTCTGTCTTAGTGATTA	109680
Query	503495	TTTCTGGGAACAGACACCATGACCAATGTAAGTTTATAAAGGACAACATTTAATTGGGG	503554
Sbjct	109681	TTTCTGGGAACAGACACCATGACCAATGTAAGTTTATAAAGGACAACATTTAATTGGGG	109740
Query	503555	CTGGCTTACAGGTTTCAAGGTTTAGTCCATTACCATCAAGGCAGGAGGGTGGCAGCATCG	503614
Sbjct	109741	CTGGCTTACAGGTTTCAAGGTTTAGTCCATTACCATCAAGGCAGGAGGGTGGCAGCATCG	109800
Query	503615	CAATATCCAGGCAGGCCTGATGCAGGAGGAGATGTGTTCTATGTCTTCACCCGAAGGAAG	503674
Sbjct	109801	CAATATCCAGGCAGGCCTGATGCAGGAGGAGATGTGTTCTATGTCTTCACCCGAAGGAAG	109860
Query	503675	CCAGGAACAGACTGAGCATCCCTTGGCAGCTAGGAGAAGGGTCTCCAAGCCCACCCCA	503734
Sbjct	109861	CCAGGAACAGACTGAGCATCCCTTGGCAGCTAGGAGAAGGGTCTCCAAGCCCACCCCA	109920
Query	503735	GTGACACACCTCCTCCAATGAGGTCACACTTTCTAATAGTGCCACTCCCTGGGCCAAGCA	503794
Sbjct	109921	GTGACACACCTCCTCCAATGAGGTCACACTTTCTAATAGTGCCACTCCCTGGGCCAAGCA	109980
Query	503795	TATGCAAACCATCACATTCCACTCCCTGGGCCAAGCATATGCAAACATATCACACCATAGA	503854
Sbjct	109981	TATGCAAACCATCACATTCCACTCCCTGGGCCAAGCATATGCAAACATATCACACCATAGA	110040
Query	503855	ACCCAATATCACCTGTAATACATAAATATGTATACATTATTAATATAGCAGCTTT	503914
Sbjct	110041	ACCCAATATCACCTGTAATACATAAATATGTATACATTATTAATATAGCAGCTTT	110100
Query	503915	CAAATAGCATAAAATAAAAAAATCTATGAACACCGGTCAAACAAAATGTAATGTCTCTC	503974
Sbjct	110101	CAAATAGCATAAAATAAAAAAATCTATGAACACCGGTCAAACAAAATGTAATGTCTCTC	110160
Query	503975	TATAATTGTGGGTTGCAATTTATAAAATACAATAAAATTTTTATATACCTATAATGCTTT	504034
Sbjct	110161	TATAATTGTGGGTTGCAATTTATAAAATACAATAAAATTTTTATATACCTATAATGCTTT	110220
Query	504035	ATTCTAAAAGTGTTAAAATATATTTATCTTAGCCATTAAAACAAAATACATATAAATGTA	504094
Sbjct	110221	ATTCTAAAAGTGTTAAAATATATTTATCTTAGCCATTAAAACAAAATACATATAAATGTA	110280
Query	504095	ATATATGTGCAATTTGTAGTACTATCTTACAAAACAGATAAGAAAAGGAATAACATATAT	504154
Sbjct	110281	ATATATGTGCAATTTGTAGTACTATCTTACAAAACAGATAAGAAAAGGAATAACATATAT	110340

Query	504155	TGTTCAAATCTATTTTAAACAGATGTTCAAATATATAAAATGCAAAGTAACATAAGTAGTT	504214
Sbjct	110341	TGTTCAAATCTATTTTAAACAGATGTTCAAATATATAAAATGCAAAGTAACATAAGTAGTT	110400
Query	504215	TAATAATTCTAAGTGGAATATCCTGTTAGGCTTATATTAACTTATATGTCTGGCTTTA	504274
Sbjct	110401	TAATAATTCTAAGTGGAATATCCTGTTAGGCTTATATTAACTTATATGTCTGGCTTTA	110460
Query	504275	TGAAATAGAAAAGGCTATTTAGAATATTTTAAATAATGATTTTTACAACCTAAATTGGAT	504334
Sbjct	110461	TGAAATAGAAAAGGCTATTTAGAATATTTTAAATAATGATTTTTACAACCTAAATTGGAT	110520
Query	504335	AAAGTTCTAGTATGAAGAAATGTCAAAGTAGCATAAAATGAAGTATCATCTACATTATA	504394
Sbjct	110521	AAAGTTCTAGTATGAAGAAATGTCAAAGTAGCATAAAATGAAGTATCATCTACATTATA	110580
Query	504395	GTAACAAATCTAGTGTTCTTGAAATGAAGTCCACTATTATTTTACTCTTTGCTATAAAAA	504454
Sbjct	110581	GTAACAAATCTAGTGTTCTTGAAATGAAGTCCACTATTATTTTACTCTTTGCTATAAAAA	110640
Query	504455	TTTATTTTTCCAGATTGACTTTTAAAGAAAACCCATGATTCTTTGTGAGTATATTGTTCAA	504514
Sbjct	110641	TTTATTTTTCCAGATTGACTTTTAAAGAAAACCCATGATTCTTTGTGAGTATATTGTTCAA	110700
Query	504515	AATATAGAAGAAAGGATACTACAAAATGAATTTGAAAGTATAAAGTTGGGGTCAGGGTAC	504574
Sbjct	110701	AATATAGAAGAAAGGATACTACAAAATGAATTTGAAAGTATAAAGTTGGGGTCAGGGTAC	110760
Query	504575	AGATAGGTTATTTTTCTGCCAGCGAAATGAGCCAATTTAGATTATATTATCCAAATTAGA	504634
Sbjct	110761	AGATAGGTTATTTTTCTGCCAGCGAAATGAGCCAATTTAGATTATATTATCCAAATTAGA	110820
Query	504635	TTATACTAAATGGCCAAGGAAGTTGCCATGGGGAGGGTAGTTTGGAGCAAAaagagaga	504694
Sbjct	110821	TTATACTAAATGGCCAAGGAAGTTGCCATGGGGAGGGTAGTTTGGAGCAAAAAGAGAGA	110880
Query	504695	aagggccagaaaggaagagagagagaagatagaCCTTAACATCTGGATTTACATAGTGAAGAG	504754
Sbjct	110881	AAGGGCCAGAAGGAAGAGAGAGAAGATAGACCTTAACATCTGGATTTACATAGTGAAGAG	110940
Query	504755	ACACTGGGCAAAAGACAGCCCAATCTCTGTGCTGGAAAGTTCAAGGTAGGGGGAAGGGCA	504814
Sbjct	110941	ACACTGGGCAAAAGACAGCCCAATCTCTGTGCTGGAAAGTTCAAGGTAGGGGGAAGGGCA	111000
Query	504815	TGCCAAGTAGGGAGAACCTGGAGGCCAGGTTTACTTTGATATGTAAATAGATAGCTCAG	504874
Sbjct	111001	TGCCAAGTAGGGAGAACCTGGAGGCCAGGTTTACTTTGATATGTAAATAGATAGCTCAG	111060
Query	504875	TTTCTTTATCTTGGGTCTTAAACCAAAATGGTACGTTTTATGGTACTTGCGTACATATCa	504934
Sbjct	111061	TTTCTTTATCTTGGGTCTTAAACCAAAATGGTACGTTTTATGGTACTTGCGTACATATCA	111120
Query	504935	aaacaaaaataaaacaaaaagaagattaaaaggaaggaaagTACAGTCCACTTCGAAGAT	504994
Sbjct	111121	AAACAAAAATAAAACAAAGAAAGATTAAAAGGAAGGAAAGTACAGTCCACTTCGAAGAT	111180
Query	504995	AATAAACTGCAAATTACTGTGGATTTCCTTTAATAACAAACATGTAAAAAGCTATAAAC	505054
Sbjct	111181	AATAAACTGCAAATTACTGTGGATTTCCTTTAATAACAAACATGTAAAAAGCTATAAAC	111240
Query	505055	AAAATTACAGGCAGAAATGTAGAACAGCATGTTTAAAAATAAACTAAATGTTAGAATGT	505114
Sbjct	111241	AAAATTACAGGCAGAAATGTAGAACAGCATGTTTAAAAATAAACTAAATGTTAGAATGT	111300
Query	505115	ATATATTTTATACTCATAAAAAGCAAAAAGTAATTTAATGAGGTCTACACAGCTTGTTCCA	505174
Sbjct	111301	ATATATTTTATACTCATAAAAAGCAAAAAGTAATTTAATGAGGTCTACACAGCTTGTTCCA	111360
Query	505175	TAAAAAGTAAATAATGGAATTCTCTGTTTAAACagagggaggaagagtaaggagaaaaag	505234
Sbjct	111361	TAAAAAGTAAATAATGGAATTCTCTGTTTAAACAGAGGGAGGAAGAGTAAGGAGAAAAAG	111420
Query	505235	aagaggaaaaaaagggaggtaggggaataaagTCATGATAATTTTCTAGAAAGAATATGGTT	505294
Sbjct	111421	AAGAGGAAAAAAGGGAGGTAGGGAATAAAGTCATGATAATTTTCTAGAAAGAATATGGTT	111480
Query	505295	TTCTGTTTGTTCAAATTTGCTACCCaaaaaaAGGTACGAATTTTATTTCTAAGTATCTC	505354
Sbjct	111481	TTCTGTTTGTTCAAATTTGCTACCCAAAAAAGGTACGAATTTTATTTCTAAGTATCTC	111540
Query	505355	AGAAAGTTTTTGGTTTTTTCATGTAGTAAATAAAATCTTTACTTACCAGTAACTGTGTATT	505414
Sbjct	111541	AGAAAGTTTTTGGTTTTTTCATGTAGTAAATAAAATCTTTACTTACCAGTAACTGTGTATT	111600
Query	505415	TAAATAACATGCCTATTTTTCATACAGTATGTCCGTTATTAAATTTTCAGTTTTTAATGGA	505474
Sbjct	111601	TAAATAACATGCCTATTTTTCATACAGTATGTCCGTTATTAAATTTTCAGTTTTTAATGGA	111660
Query	505475	AGATATTGTCGCGAAATTCATCTTGAATATGTTTAAATATTATAATAAATATATGCATA	505534



Sbjct	111661	ATATTGTCGCGAAATTC AATCTTGAATATGTTTAAATATTATAATAAATATATGCATA	111720
Query	505535	GCAAGTGCAGTATTAGTTAAATAATGTGCATGGAAATACCCGGGGCACTAGAAATTACAGT	505594
Sbjct	111721	GCAAGTGCAGTATTAGTTAAATAATGTGCATGGAAATACCCGGGGCACTAGAAATTACAGT	111780
Query	505595	CACCTATTCACTGCACAAAGCCAAAGTCTTGCGACCAGGTCGTATAGGGACAAAGGaaaa	505654
Sbjct	111781	CACCTATTCACTGCACAAAGCCAAAGTCTTGCGACCAGGTCGTATAGGGACAAAGGAAAA	111840
Query	505655	aaaaaaaaaaaaaaaaGCTGTTACTATTTGCATAAAGATCAAGTTCCTTGAGCCACAAATT	505714
Sbjct	111841	AAAAAAAAAAAAAAAAAGCTGTTACTATTTGCATAAAGATCAAGTTCCTTGAGCCACAAATT	111900
Query	505715	GCTTCCGGGTTGTTAGGTTCCCTTATCCTTTTACTGCGCAGGCGTCCATGTGCAGTGATAT	505774
Sbjct	111901	GCTTCCGGGTTGTTAGGTTCCCTTATCCTTTTACTGCGCAGGCGTCCATGTGCAGTGATAT	111960
Query	505775	CTTAAAGTaaaaaaaGATCCGGCTGAGTAAACAGTCGGGtttttttttttttcttttAA	505834
Sbjct	111961	CTTAAAGTAAAAAAGATCCGGCTGAGTAAACAGTCGGGTTTTTTTTTTTCTTTTTTAA	112020
Query	505835	AATACTGTTTAAATTAGGAAGATAAAATAGTTTGTGTTTGTGTTTTCTTTGGCCGTCTCGTT	505894
Sbjct	112021	AATACTGTTTAAATTAGGAAGATAAAATAGTTTGTGTTTGTGTTTTCTTTGGCCGTCTCGTT	112080
Query	505895	TCCGCAACTTTAACTTTTACCTATGTGTGGAACGACTTCCAGGTTAATAAATAACACTTG	505954
Sbjct	112081	TCCGCAACTTTAACTTTTACCTATGTGTGGAACGACTTCCAGGTTAATAAATAACACTTG	112140
Query	505955	AAAAATATCTCGGCGGAGCAACACAACCTCGTATCACATTGTGATCTAAAAATGGTGGACC	506014
Sbjct	112141	AAAAATATCTCGGCGGAGCAACACAACCTCGTATCACATTGTGATCTAAAAATGGTGGACC	112200
Query	506015	TGAACAGGGAGGTGAATATTTAAGGATGTGGAATTAAGCCGACTCTGAAATTTGGaaaaa	506074
Sbjct	112201	TGAACAGGGAGGTGAATATTTAAGGATGTGGAATTAAGCCGACTCTGAAATTTGGAAAAA	112260
Query	506075	aaTAAGTTCCTGTGGGTCATCGCAGTGAGTAGGAAATTCCATTGCGCTTTTAAATCGAA	506134
Sbjct	112261	AATAAGTTCCTGTGGGTCATCGCAGTGAGTAGGAAATTCCATTGCGCTTTTAAATCGAA	112320
Query	506135	TCACGTTTTTATAACCGCGTTTTGGGAGGACATGAAGCCAGAATCTGACGACTTTCTACCG	506194
Sbjct	112321	TCACGTTTTTATAACCGCGTTTTGGGAGGACATGAAGCCAGAATCTGACGACTTTCTACCG	112380
Query	506195	CCGCCCCAGTGCCCCGTGTTTGAGCCGAGTTGGGCGGAATCCGAGATCCACTTGGCTAT	506254
Sbjct	112381	CCGCCCCAGTGCCCCGTGTTTGAGCCGAGTTGGGCGGAATCCGAGATCCACTTGGCTAT	112440
Query	506255	ATAGCTAAAATCAGACCTATTGCGGAGAAGTCAGGCATTTGCAAGATCCGCCACCTGCG	506314
Sbjct	112441	ATAGCTAAAATCAGACCTATTGCGGAGAAGTCAGGCATTTGCAAGATCCGCCACCTGCG	112500
Query	506315	GTAAGCTTCTAAAATGAAACTTGAAGTTAAATAATATGATCGACAGTGGGTCTACTGTGT	506374
Sbjct	112501	GTAAGCTTCTAAAATGAAACTTGAAGTTAAATAATATGATCGACAGTGGGTCTACTGTGT	112560
Query	506375	CCCTTAACAAGGCCTTGGATTTAAGAACAaatatatataaatatataaataataactAT	506434
Sbjct	112561	CCCTTAACAAGGCCTTGGATTTAAGAACAAATATATATAAATATATAAATAATATACTAT	112620
Query	506435	TTGAATCTTTCCAGTTCCTTGTGTTTCATACTGTAGAAGAGTCCTGTAGCCATCCAAATTCC	506494
Sbjct	112621	TTGAATCTTTCCAGTTCCTTGTGTTTCATACTGTAGAAGAGTCCTGTAGCCATCCAAATTCC	112680
Query	506495	TTGTGGTTAGAACTTGAAATGCTTCTGCAGCTGTGCAATTAGTACATTTTCAGTTAACGA	506554
Sbjct	112681	TTGTGGTTAGAACTTGAAATGCTTCTGCAGCTGTGCAATTAGTACATTTTCAGTTAACGA	112740
Query	506555	GTTGCCTTTTTCTACGTTTCAAGTAAGAAAAATTTCAGTATACTAGCAGCCGATAACTGGA	506614
Sbjct	112741	GTTGCCTTTTTCTACGTTTCAAGTAAGAAAAATTTCAGTATACTAGCAGCCGATAACTGGA	112800
Query	506615	AAAAGAGATGGTATACAAGTTTATATTTCTATATTTATATTGTTATTGGTCACTTTCCCT	506674
Sbjct	112801	AAAAGAGATGGTATACAAGTTTATATTTCTATATTTATATTGTTATTGGTCACTTTCCCT	112860
Query	506675	CTCACAGTTTCAATATCAGGATTTGCTTGACTTGTTTTCTTTAAAAAGGCGAAATGAAA	506734
Sbjct	112861	CTCACAGTTTCAATATCAGGATTTGCTTGACTTGTTTTCTTTAAAAAGGCGAAATGAAA	112920
Query	506735	AGGGTGTCGAATCCTTGCTTCAGTTTAAATTTCTGTTGATTGGCAGGATATGCCTGCACT	506794
Sbjct	112921	AGGGTGTCGAATCCTTGCTTCAGTTTAAATTTCTGTTGATTGGCAGGATATGCCTGCACT	112980
Query	506795	CTGTTTTTACCATGAACAATTACTTGTGGCTTCACTAGCAAGCCACATTTAAATGAGCTT	506854
Sbjct	112981	CTGTTTTTACCATGAACAATTACTTGTGGCTTCACTAGCAAGCCACATTTAAATGAGCTT	113040

Query	506855	GCAGCATCATATTAAACAGCTAACATTTACAGAATATAAACTTTTGCACAAAATGCTGC	506914
Sbjct	113041	GCAGCATCATATTAAACAGCTAACATTTACAGAATATAAACTTTTGCACAAAATGCTGC	113100
Query	506915	TCTTATGTTTTCAATCTGTAGACATTTTCTTTTCTATTACTTACGTGTTTCATCTTTTCCT	506974
Sbjct	113101	TCTTATGTTTTCAATCTGTAGACATTTTCTTTTCTATTACTTACGTGTTTCATCTTTTCCT	113160
Query	506975	AAGCATTATGATTTTATTACACACACTTTCCCCAAGTGCTTGAAATAGGGTTATATTGGG	507034
Sbjct	113161	AAGCATTATGATTTTATTACACACACTTTCCCCAAGTGCTTGAAATAGGGTTATATTGGG	113220
Query	507035	GTAAGGTATATTAGTATTTTATCTGTTAGAACACTTGTAAGACTGACATCTGAGTTTAT	507094
Sbjct	113221	GTAAGGTATATTAGTATTTTATCTGTTAGAACACTTGTAAGACTGACATCTGAGTTTAT	113280
Query	507095	GCAGATTTGTCTTAAATTGttttggttgctccttattttggagttccttgggaagcatatta	507154
Sbjct	113281	GCAGATTTGTCTTAAATTGTTTTGTTTGTCTTATTTTGAGTTCTTTGGAAGCATATTA	113340
Query	507155	acttttgaggatcctttattttttttGTCTATTTTTAAAAGATGATTAAGAATTTTAGAAA	507214
Sbjct	113341	ACTTTGTGGATCTTTTATTTTTTTTGTCTATTTTTAAAAGATGATTAAGAATTTTAGAAA	113400
Query	507215	ACAAATAGCAACTTTAACTGACATAAAGCATTAAATATGAGAGTATAACAGTTCTCCCTAT	507274
Sbjct	113401	ACAAATAGCAACTTTAACTGACATAAAGCATTAAATATGAGAGTATAACAGTTCTCCCTAT	113460
Query	507275	CTTCATCTTTAAGTTCTTGATCTATTTCAAGTGTGTCATAATCATCAGTTTTATTCCTTCT	507334
Sbjct	113461	CTTCATCTTTAAGTTCTTGATCTATTTCAAGTGTGTCATAATCATCAGTTTTATTCCTTCT	113520
Query	507335	AGGATTGGCAGCCTCCTTTTGCTGTAGAAATTGATAACTTCAGATTTACTCCTCGAATTC	507394
Sbjct	113521	AGGATTGGCAGCCTCCTTTTGCTGTAGAAATTGATAACTTCAGATTTACTCCTCGAATTC	113580
Query	507395	AGAGACTTAATGAAGCTGGAGGTAAAAAATTTGTTTCTATAGAACAATTACAATTCTAATC	507454
Sbjct	113581	AGAGACTTAATGAAGCTGGAGGTAAAAAATTTGTTTCTATAGAACAATTACAATTCTAATC	113640
Query	507455	TTTCTGATTTTACAATGACTTGTATTTAATTTCTGATATCAAATATAGTTTATTGCAACC	507514
Sbjct	113641	TTTCTGATTTTACAATGACTTGTATTTAATTTCTGATATCAAATATAGTTTATTGCAACC	113700
Query	507515	CACTGTTATCTTAAAAATATTAATTTATGAAGCATCTTCTTTAAACAAAATATTGATT	507574
Sbjct	113701	CACTGTTATCTTAAAAATATTAATTTATGAAGCATCTTCTTTAAACAAAATATTGATT	113760
Query	507575	ATAAAATTCAGAACATGAAGGTTTTAACATCCAATTATATGGGAGACTAAGGTTAAAGC	507634
Sbjct	113761	ATAAAATTCAGAACATGAAGGTTTTAACATCCAATTATATGGGAGACTAAGGTTAAAGC	113820
Query	507635	TACAAAGAAAGTAAAGATAGGATGTAAGTAATCCTAAATAGGAAATAAGAAAAATGGGGT	507694
Sbjct	113821	TACAAAGAAAGTAAAGATAGGATGTAAGTAATCCTAAATAGGAAATAAGAAAAATGGGGT	113880
Query	507695	CTAGAATTTTAAATCATACCTCTTGATAAAtttttttAAAGCATAGGTTATTTATCAGCTA	507754
Sbjct	113881	CTAGAATTTTAAATCATACCTCTTGATAAATTTTTTAAAGCATAGGTTATTTATCAGCTA	113940
Query	507755	GTCCCCCTCTATTACTTCTTCCCCCACTCTGAAGTGGTTGCCTTTTCCTTTTCTAGTTTA	507814
Sbjct	113941	GTCCCCCTCTATTACTTCTTCCCCCACTCTGAAGTGGTTGCCTTTTCCTTTTCTAGTTTA	114000
Query	507815	TTCTCTCCTGCACCTAAGGGTTAGAGATCATTGTGGAAAAGGGAATAGTGATGTTGAACA	507874
Sbjct	114001	TTCTCTCCTGCACCTAAGGGTTAGAGATCATTGTGGAAAAGGGAATAGTGATGTTGAACA	114060
Query	507875	AGCAAAGGAACAGGAAGTTTGCTTTGAGAGTATATCTCCTGGAAATGTTAAAGAACTAT	507934
Sbjct	114061	AGCAAAGGAACAGGAAGTTTGCTTTGAGAGTATATCTCCTGGAAATGTTAAAGAACTAT	114120
Query	507935	GCATAAGAAATCTTACCAACAAGGGAGTGTAACATGATCTAAACAGGGATGACACCAAT	507994
Sbjct	114121	GCATAAGAAATCTTACCAACAAGGGAGTGTAACATGATCTAAACAGGGATGACACCAAT	114180
Query	507995	AATAGAAAACCTCAGGAGCTCTCAACCTTAGAGAAATAACTATAGGGCTCTAAGGAAAGCT	508054
Sbjct	114181	AATAGAAAACCTCAGGAGCTCTCAACCTTAGAGAAATAACTATAGGGCTCTAAGGAAAGCT	114240
Query	508055	GAACGTGGGAGAAATAGTGTGGTGCCCTCACAAGGAATAATGTACCAGTTTGTATTTTCA	508114
Sbjct	114241	GAACGTGGGAGAAATAGTGTGGTGCCCTCACAAGGAATAATGTACCAGTTTGTATTTTCA	114300
Query	508115	TACCATTTGGTGAGCCCTGAAAACATATACATACACATACAGACTGAGCAAATCATATTT	508174
Sbjct	114301	TACCATTTGGTGAGCCCTGAAAACATATACATACACATACAGACTGAGCAAATCATATTT	114360
Query	508175	ATGTATTTAGAAATAATAAGAAATATTTGAATGTACATCTATTTGCATTATCAGACTA	508234

Sbjct	114361	ATGTTATTTAGAAATAAATAATAGAAATATTTTGAATGTACATCTATTTGCATTATCAGACTA	114420
Query	508235	AGAAGTCATGTATTTGAAAGAGAACAAAGGAGATAGTAAACTGGAAGGTTTGGAGAAAGGA	508294
Sbjct	114421	AGAAGTCATGTATTTGAAAGAGAACAAAGGAGATAGTAAACTGGAAGGTTTGGAGAAAGGA	114480
Query	508295	ATGGGAAGAGGGAAATTATGATAATATAATTATAAAATATATTTTAAAAAGCAACCCAA	508354
Sbjct	114481	ATGGGAAGAGGGAAATTATGATAATATAATTATAAAATATATTTTAAAAAGCAACCCAA	114540
Query	508355	CAGGAAGTTGAAAGTGGGACAAAAAGTAAGCCCAAGTTACTGACCTTCTTCTTTCCCAGG	508414
Sbjct	114541	CAGGAAGTTGAAAGTGGGACAAAAAGTAAGCCCAAGTTACTGACCTTCTTCTTTCCCAGG	114600
Query	508415	CCCAGACTAGAGTAAAACTGAACTATTTGGATCAAATTGCAAAATTCTGGGAAATTCAAG	508474
Sbjct	114601	CCCAGACTAGAGTAAAACTGAACTATTTGGATCAAATTGCAAAATTCTGGGAAATTCAAG	114660
Query	508475	GCTCTTCCTTAAAGATACCTAATGTGGAAGGAAAATCTTGGACCTTTACAGCCTTAATA	508534
Sbjct	114661	GCTCTTCCTTAAAGATACCTAATGTGGAAGGAAAATCTTGGACCTTTACAGCCTTAATA	114720
Query	508535	AGGTAAGAGTAGTTCATAAGaaaaaaaaaGGCATAACTAGAAAACATACTTTCTTTTA	508594
Sbjct	114721	AGGTAAGAGTAGTTCATAAGAAAAAAAAAAGGCATAACTAGAAAACATACTTTCTTTTA	114780
Query	508595	TATATGCTTAGAAAGGAGTACTAAAGTACCTGACAATAATTCTTGGCTTAATGTTTGAGT	508654
Sbjct	114781	TATATGCTTAGAAAGGAGTACTAAAGTACCTGACAATAATTCTTGGCTTAATGTTTGAGT	114840
Query	508655	TATACAGTGGTTAAGTATTGGAAGGATGTGATATTTTTCTGCATTAAGGGTCATTGCAA	508714
Sbjct	114841	TATACAGTGGTTAAGTATTGGAAGGATGTGATATTTTTCTGCATTAAGGGTCATTGCAA	114900
Query	508715	AATTTAGATTTCCCTAGTGTGTTTCATGATTTATATCCTTTTCTTATCCTTTCAGATTGTG	508774
Sbjct	114901	AATTTAGATTTCCCTAGTGTGTTTCATGATTTATATCCTTTTCTTATCCTTTCAGATTGTG	114960
Query	508775	ATAGAGGAAGGTGGATATGAAGCAATCTGCAAAGACCGTCGGTGGGCCCGTGTGCCCAA	508834
Sbjct	114961	ATAGAGGAAGGTGGATATGAAGCAATCTGCAAAGACCGTCGGTGGGCCCGTGTGCCCAA	115020
Query	508835	CGCCTTAATTACCCATCAGGAAAAAACATTGGTTCCTTCTACGGTCTCACTATGAACGG	508894
Sbjct	115021	CGCCTTAATTACCCATCAGGAAAAAACATTGGTTCCTTCTACGGTCTCACTATGAACGG	115080
Query	508895	ATCATTTACCCTTATGAAATGTTTCAGTCTGGAGCTAATCATGTGGTAAGGGTTGTAACA	508954
Sbjct	115081	ATCATTTACCCTTATGAAATGTTTCAGTCTGGAGCTAATCATGTGGTAAGGGTTGTAACA	115140
Query	508955	GACTTGGAACCTTGATACAAGatttgatttcttttgttttatattctttctttgtaatctt	509014
Sbjct	115141	GACTTGGAACCTTGATACAAGATTGATTTCCTTTGTTTTATTCTTTCTTTGTAATCTT	115200
Query	509015	ggcattttattttgaatttgGGGACATTTAAATTTATTAGTATATTTTGAAATTTAGGA	509074
Sbjct	115201	GGCATTATTTTGAATTGTGGGACATTTAAATTTATTAGTATATTTTGAAATTTAGGA	115260
Query	509075	ATAGGCCTTCGGACACTTGCTTATATAAAGCTTTATTATTCTGCCTATGGTAGGTAAACT	509134
Sbjct	115261	ATAGGCCTTCGGACACTTGCTTATATAAAGCTTTATTATTCTGCCTATGGTAGGTAAACT	115320
Query	509135	TTACTGAGCTCCTTTTTATCTTGGGAAGTTATTATTATAAATGAAATCATATACTAGAGA	509194
Sbjct	115321	TTACTGAGCTCCTTTTTATCTTGGGAAGTTATTATTATAAATGAAATCATATACTAGAGA	115380
Query	509195	AGTGCAATTACATCAGATTGTTATCTGAAACTATTAAGCTTCCTTGTTTTATCAGTTTCA	509254
Sbjct	115381	AGTGCAATTACATCAGATTGTTATCTGAAACTATTAAGCTTCCTTGTTTTATCAGTTTCA	115440
Query	509255	TAGTTTAGGTGTCTAAATGAGTAAACTAGGATTTGGTTTAACTGAATGATTAATTAGGT	509314
Sbjct	115441	TAGTTTAGGTGTCTAAATGAGTAAACTAGGATTTGGTTTAACTGAATGATTAATTAGGT	115500
Query	509315	ATTTTAAATATTACATATATATATGTTAATGTTTTGTTGCTGAACTCACATTCTTTATAC	509374
Sbjct	115501	ATTTTAAATATTACATATATATATGTTAATGTTTTGTTGCTGAACTCACATTCTTTATAC	115560
Query	509375	ATATATATGAGTTTATATGATAATAAATACATATTTTTCTCCATACCAGCAATGTAACAC	509434
Sbjct	115561	ATATATATGAGTTTATATGATAATAAATACATATTTTTCTCCATACCAGCAATGTAACAC	115620
Query	509435	AGATCCATTTGACAGTGAAGAAAAAGACAAGGAGTACAAACCTCATAGCATCCCTCTGAG	509494
Sbjct	115621	AGATCCATTTGACAGTGAAGAAAAAGACAAGGAGTACAAACCTCATAGCATCCCTCTGAG	115680
Query	509495	ACAGTCTGTTTCAGCCATTTAAATTCAGTTGCTACAGTAGACGAGCAAAAAGGCTACAACC	509554
Sbjct	115681	ACAGTCTGTTTCAGCCATTTAAATTCAGTTGCTACAGTAGACGAGCAAAAAGGCTACAACC	115740

Query	509555	TGAGGTAAACTGTGTTTTCTTTTAATAAGCTTCCAGAGTTAGTTTACAAATTGAGTTTA	509614
Sbjct	115741	TGAGGTAAACTGTGTTTTCTTTTAATAAGCTTCCAGAGTTAGTTTACAAATTGAGTTTA	115800
Query	509615	GGTGAAAAATCCATGTTTCAGAGGACATTTAAACAAATAAATAAACAATCAGGAAAAGGGG	509674
Sbjct	115801	GGTGAAAAATCCATGTTTCAGAGGACATTTAAACAAATAAATAAACAATCAGGAAAAGGGG	115860
Query	509675	AAAAAAGCTGACATGAATTATTAAGCTGAAACTAGTAAGAAATGGGCACTTTCATTTATA	509734
Sbjct	115861	AAAAAAGCTGACATGAATTATTAAGCTGAAACTAGTAAGAAATGGGCACTTTCATTTATA	115920
Query	509735	ATTAATAGTA ttttttat ttttttat tttGTTCCTTACTTGTTTCAGAGTGAATATTCCTTATAG	509794
Sbjct	115921	ATTAATAGTATTTTTTATTTTTATTTGTTCCTTACTTGTTTCAGAGTGAATATTCCTTATAG	115980
Query	509795	CTCTAAACTCATTTTTTATTAATC Catatata tata tata ttttttttttttttggttc tttt	509854
Sbjct	115981	CTCTAAACTCATTTTTTATTAATCATATATATATATATATTTTTTTTTTTTTTGGTTCCTTT	116040
Query	509855	ttttGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTG	509914
Sbjct	116041	TTTTGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTG	116100
Query	509915	AGCTAAATCCCCAACCCCTTATTAATCATATTTTTTATAAGGTATATAATGAGCTTTGAAA	509974
Sbjct	116101	AGCTAAATCCCCAACCCCTTATTAATCATATTTTTTATAAGGTATATAATGAGCTTTGAAA	116160
Query	509975	ATAACAAATATGCC taaaaatataaaactttgtgtgtgttcaaaatgtcatgaaaatg tt	510034
Sbjct	116161	ATAACAAATATGCCATAAAATATAAAACTTTGTGTGTGTTCAAAATGTCATGAAAATGTT	116220
Query	510035	aaaatacctaaaaatgtaaaatatataat tttttataaaatg tttcaaaatgtcatgaaaaat	510094
Sbjct	116221	AAAATACCTAAAAATGTAAAAATATATAATTTTTATAAAATGTTCAAAATGTCATGAAAAAT	116280
Query	510095	gttatatCTAGCATACTTTTTTATTGGATTTTTTAAAATTTACATTTCAAATAGTATCCC	510154
Sbjct	116281	GTTATATCTAGCATACTTTTTTATTGGATTTTTTAAAATTTACATTTCAAATAGTATCCC	116340
Query	510155	CTTTTCTGGTTTCCCATGCATAAACTGTCTATCCCATCCCCACAATAAGGGTGTTTCCTC	510214
Sbjct	116341	CTTTTCTGGTTTCCCATGCATAAACTGTCTATCCCATCCCCACAATAAGGGTGTTTCCTC	116400
Query	510215	CTCCCCAACCACTACCCCTTCCCTGACATTCCCTTACACTGGGAGGTCCAACCTTGGCA	510274
Sbjct	116401	CTCCCCAACCACTACCCCTTCCCTGACATTCCCTTACACTGGGAGGTCCAACCTTGGCA	116460
Query	510275	GGACCTTCCACTGGTGCCCAACAAGACCATCCTCTGCTACATATGTAGCTGGAGCCATGG	510334
Sbjct	116461	GGACCTTCCACTGGTGCCCAACAAGACCATCCTCTGCTACATATGTAGCTGGAGCCATGG	116520
Query	510335	GTCTCTCCATGTATAGTCTTAGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGGAAACATGTTGTTCTTATG	510394
Sbjct	116521	GTCTCTCCATGTATAGTCTTAGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGGAAACATGTTGTTCTTATG	116580
Query	510395	GGGTTGCAAGCCCTTCAGCTCTTTCAGTACTTTCTCTAATTTCTCCAACCAGGACTCTG	510454
Sbjct	116581	GGGTTGCAAGCCCTTCAGCTCTTTCAGTACTTTCTCTAATTTCTCCAACCAGGACTCTG	116640
Query	510455	TTCTCAGTTTAAATGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTAGTCATTCTCTGCAGAGC	510514
Sbjct	116641	TTCTCAGTTTAAATGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTAGTCATTCTCTGCAGAGC	116700
Query	510515	CTCTCAGGAGACAGGGATATTAGGCTCCTGTCAGCATGCACCTCTTGATTTTATCAATAT	510574
Sbjct	116701	CTCTCAGGAGACAGGGATATTAGGCTCCTGTCAGCATGCACCTCTTGATTTTATCAATAT	116760
Query	510575	TGTCTGGGTTTGGTGGTTG tatatata catatata tGTATGGGCTGGATTCCAGATGGGG	510634
Sbjct	116761	TGTCTGGGTTTGGTGGTTGTATATATACATATATATGTATGGGCTGGATTCCAGATGGGG	116820
Query	510635	CAGTCTGTGAATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCACCTCCTAAGAA	510694
Sbjct	116821	CAGTCTGTGAATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCACCTCCTAAGAA	116880
Query	510695	TATTTTTGTTTTCCCTTTTGAGACGGACTGAAATATCTGTCCTTTGGTTGTCCTTCTTCT	510754
Sbjct	116881	TATTTTTGTTTTCCCTTTTGAGACGGACTGAAATATCTGTCCTTTGGTTGTCCTTCTTCT	116940
Query	510755	TGAGCTTCATGGGGTCTTTGGATTGTATCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATG	510814
Sbjct	116941	TGAGCTTCATGGGGTCTTTGGATTGTATCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATG	117000
Query	510815	TGTTGCT ttttttttttttAATTGGGGTACCTCAGGATGATATTTTCTAGTTCCATCTATTT	510874
Sbjct	117001	TGTTGCTTTTTTTTTTAAATTGGGGTACCTCAGGATGATATTTTCTAGTTCCATCTATTT	117060
Query	510875	GCCTATGAATTCATAAAGTCA tttttttttGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGAT	510934

Sbjct	117061	GCCTATGAATTTTCATAAAGTCATTTTTTTTGTAGAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGAT	117120
Query	510935	GAACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCT	510994
Sbjct	117121	GAACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCT	117180
Query	510995	GGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTGTATGTTGG	511054
Sbjct	117181	GGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTGTATGTTGG	117240
Query	511055	GGCATCATTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTC	511114
Sbjct	117241	GGCATCATTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTC	117300
Query	511115	CAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCA	511174
Sbjct	117301	CAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCA	117360
Query	511175	CCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGA	511234
Sbjct	117361	CCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGA	117420
Query	511235	GTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTG	511294
Sbjct	117421	GTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTG	117480
Query	511295	CATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTAGGTGCTTCTCAGCCATTCGGCA	511354
Sbjct	117481	CATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTAGGTGCTTCTCAGCCATTCGGCA	117540
Query	511355	TTCCTCAGCTGTGACTTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTAAATAGGGTTATTTGTC	511414
Sbjct	117541	TTCCTCAGCTGTGACTTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTAAATAGGGTTATTTGTC	117600
Query	511415	TCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCCTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTCTATCTGTT	511474
Sbjct	117601	TCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCCTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTCTATCTGTT	117660
Query	511475	GTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGTCGTTCTGTCTAACCACAGTT	511534
Sbjct	117661	GTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGTCGTTCTGTCTAACCACAGTT	117720
Query	511535	TCCTTTACCTTACAGAAGGTTTGCAGTTTTATGAGATGCCATTTGTCAATTCTTGATCTT	511594
Sbjct	117721	TCCTTTACCTTACAGAAGGTTTGCAGTTTTATGAGATGCCATTTGTCAATTCTTGATCTT	117780
Query	511595	AGAGCATAAGCCTTTGGTGTTTTTTCGGGATTTTTCCCCAGTACCCATGTGTTTGAGACT	511654
Sbjct	117781	AGAGCATAAGCCTTTGGTGTTTTTTCGGGATTTTTCCCCAGTACCCATGTGTTTGAGACT	117840
Query	511655	TTTCCCACATTTTCTTCTATTAGTTTGATTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGAT	511714
Sbjct	117841	TTTCCCACATTTTCTTCTATTAGTTTGATTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGAT	117900
Query	511715	CCACTTGACCTTAAGCTTTGTACAGGATAATGAGCATGGATTGATCTGCATTCTTCTACA	511774
Sbjct	117901	CCACTTGACCTTAAGCTTTGTACAGGATAATGAGCATGGATTGATCTGCATTCTTCTACA	117960
Query	511775	TGCTGACCTCTAGTTGAACCAGCACCATTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGAAT	511834
Sbjct	117961	TGCTGACCTCTAGTTGAACCAGCACCATTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGAAT	118020
Query	511835	GGTTTCTGCTCCTTTTTTCAAAAATCAAGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAATTCTGGGTC	511894
Sbjct	118021	GGTTTCTGCTCCTTTTTTCAAAAATCAAGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAATTCTGGGTC	118080
Query	511895	TTCAATTCTGTTCAATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAGTACCATGCAGTTTTTTAT	511954
Sbjct	118081	TTCAATTCTGTTCAATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAGTACCATGCAGTTTTTTAT	118140
Query	511955	CACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTT	512014
Sbjct	118141	CACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTT	118200
Query	512015	ATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTGTATTATCCAGATGAATTTGCAAATT	512074
Sbjct	118201	ATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTGTATTATCCAGATGAATTTGCAAATT	118260
Query	512075	GTTCTGTCTAATTCTTTGAAGAATTGGATTGGAATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTG	512134
Sbjct	118261	GTTCTGTCTAATTCTTTGAAGAATTGGATTGGAATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTG	118320
Query	512135	TAGATTGCTTTTGGTAAAAATGGCCATTTTTACTATGTTAATCCTGCCAATCCATGAGCAT	512194
Sbjct	118321	TAGATTGCTTTTGGTAAAAATGGCCATTTTTACTATGTTAATCCTGCCAATCCATGAGCAT	118380
Query	512195	GGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGATCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAGTTC	512254
Sbjct	118381	GGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGATCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAGTTC	118440

Query	512255	TTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAGTCACACCGAGGTACTTTATATTATTG	512314
Sbjct	118441	TTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAGTCACACCGAGGTACTTTATATTATTG	118500
Query	512315	GGTCTATTATGAAGGGTGTCTGTTTCCCAAATTTCTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTGT	512374
Sbjct	118501	GGTCTATTATGAAGGGTGTCTGTTTCCCAAATTTCTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTGT	118560
Query	512375	AGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGGTGTTTA	512434
Sbjct	118561	AGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGGTGTTTA	118620
Query	512435	TCAGCTTTAGTAGTTCTCTCGTGGAACTTTTCGGATCATTTAAATATACTATCATATCAT	512494
Sbjct	118621	TCAGCTTTAGTAGTTCTCTCGTGGAACTTTTCGGATCATTTAAATATACTATCATATCAT	118680
Query	512495	CTGCAAATAGTGATATTTTGACTTCTTCCTTTCCAATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTT	512554
Sbjct	118681	CTGCAAATAGTGATATTTTGACTTCTTCCTTTCCAATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTT	118740
Query	512555	GTTGTCTGCTTGCTCTGGCTAGGACTTTGAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTG	512614
Sbjct	118741	GTTGTCTGCTTGCTCTGGCTAGGACTTTGAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTG	118800
Query	512615	GGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGCGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTT	512674
Sbjct	118801	GGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGCGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTT	118860
Query	512675	TAATATTAGCTACTTGTTTGTGTAATATGGTTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAA	512734
Sbjct	118861	TAATATTAGCTACTTGTTTGTGTAATATGGTTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAA	118920
Query	512735	TTCTGTCTCTTTCCAGGACTTACAAAGCGGTGTTGAATTTTGTGAGATGCTTTCTCAGCA	512794
Sbjct	118921	TTCTGTCTCTTTCCAGGACTTACAAAGCGGTGTTGAATTTTGTGAGATGCTTTCTCAGCA	118980
Query	512795	TCTAATGAAATGATCATATGGTTTTTATCTTTTCAGTTTGTTTATGCAGTGGATTACGTTG	512854
Sbjct	118981	TCTAATGAAATGATCATATGGTTTTTATCTTTTCAGTTTGTTTATGCAGTGGATTACGTTG	119040
Query	512855	ATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGTCTACTTGATCATGG	512914
Sbjct	119041	ATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGTCTACTTGATCATGG	119100
Query	512915	TGGATGATTGTTTGTGATGTCTCTTGATTGAGTTGCAAGAATTTTATTGAGTATTTTTT	512974
Sbjct	119101	TGGATGATTGTTTGTGATGTCTCTTGATTGAGTTGCAAGAATTTTATTGAGTATTTTTT	119160
Query	512975	GCATTGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTTTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGT	513034
Sbjct	119161	GCATTGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTTTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGT	119220
Query	513035	GGTTTAGGTATAAGAGTAATTCTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGCACTCCATCTGTT	513094
Sbjct	119221	GGTTTAGGTATAAGAGTAATTCTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGCACTCCATCTGTT	119280
Query	513095	TCAATTTTGTGGAATAGGTTGGATAAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGATCTGATAG	513154
Sbjct	119281	TCAATTTTGTGGAATAGGTTGGATAAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGATCTGATAG	119340
Query	513155	AATTCTGCACTGAACCCATCTGGACCTGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACTTTTAATAATG	513214
Sbjct	119341	AATTCTGCACTGAACCCATCTGGACCTGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACTTTTAATAATG	119400
Query	513215	GCTTCTATTTCTTTACGAGATACTGGGTTGTTTAAATGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAAC	513274
Sbjct	119401	GCTTCTATTTCTTTACGAGATACTGGGTTGTTTAAATGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAAC	119460
Query	513275	TTGGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCTTTTCTCCAGATTTTCAAGTTTGT	513334
Sbjct	119461	TTGGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCTTTTCTCCAGATTTTCAAGTTTGT	119520
Query	513335	GAATATAGGCCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTGAATTTCCCTCTGATTCTGTAGTT	513394
Sbjct	119521	GAATATAGGCCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTGAATTTCCCTCTGATTCTGTAGTT	119580
Query	513395	ATATCTCCCTTTTCATTTTCATTTCTGATTTTGTTAATTTGAACACACTCTCTGTGCCCT	513454
Sbjct	119581	ATATCTCCCTTTTCATTTTCATTTCTGATTTTGTTAATTTGAACACACTCTCTGTGCCCT	119640
Query	513455	TTGGTTAGTCTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTG	513514
Sbjct	119641	TTGGTTAGTCTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTG	119700
Query	513515	GTTCTGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGATTTTCACTCTGAGT	513574
Sbjct	119701	GTTCTGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGATTTTCACTCTGAGT	119760
Query	513575	TTGATTATTTCTGCCTTCTCATCTCTGGGTGTATTGCTTCTTTTTGTCTAGAGCT	513634

Sbjct	119761	TTGATTATTTCTGCCTTCTCATCCTCCTGGGTGTATTGCTTCTTTTGTCTAGAGCT	119820
Query	513635	TTTAGGTGTGCTGTCAAGGTGGTGACATATGCTCTTTCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTC	513694
Sbjct	119821	TTTAGGTGTGCTGTCAAGGTGGTGACATATGCTCTTTCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTC	119880
Query	513695	AGAGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGGAATGTT	513754
Sbjct	119881	AGAGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGGAATGTT	119940
Query	513755	GTACCTTCATTTTCATTAATTTCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTGTTTATTCTTCCTTG	513814
Sbjct	119941	GTACCTTCATTTTCATTAATTTCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTGTTTATTCTTCCTTG	120000
Query	513815	ACCAGGATATCATTTAAGTAGAGAATTGTTCAACTTCCATGTATATATGGGCGTTCTTCC	513874
Sbjct	120001	ACCAGGATATCATTTAAGTAGAGAATTGTTCAACTTCCATGTATATATGGGCGTTCTTCC	120060
Query	513875	CTTATTGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGTTCTGATAGGACACATGGGATTAT	513934
Sbjct	120061	CTTATTGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGTTCTGATAGGACACATGGGATTAT	120120
Query	513935	TTCTATCTTTCTGTATCTGTTGAGGTCTGTTTTATGACCAATTATATGTTCAATTTTGGA	513994
Sbjct	120121	TTCTATCTTTCTGTATCTGTTGAGGTCTGTTTTATGACCAATTATATGTTCAATTTTGGA	120180
Query	513995	GAAAGTACCATGAGGTGGAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCT	514054
Sbjct	120181	GAAAGTACCATGAGGTGGAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCT	120240
Query	514055	ATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTCTCCTAGTCTGTCTAAGTCTCTGTT	514114
Sbjct	120241	ATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTCTCCTAGTCTGTCTAAGTCTCTGTT	120300
Query	514115	TAATTTCTGTTTCCATGATCCGTCGGTTGATGAGAGTGGGGTCTTGAAATCTCCAACAT	514174
Sbjct	120301	TAATTTCTGTTTCCATGATCCGTCGGTTGATGAGAGTGGGGTCTTGAAATCTCCAACAT	120360
Query	514175	TATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTGTAGCTTTAGTAAGGTTTATGTATGTAGTTGCC	514234
Sbjct	120361	TATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTGTAGCTTTAGTAAGGTTTATGTATGTAGTTGCC	120420
Query	514235	TTGTATTTGGAGCATAGACATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTTGTGGTTTTTTCCTTTGA	514294
Sbjct	120421	TTGTATTTGGAGCATAGACATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTTGTGGTTTTTTCCTTTGA	120480
Query	514295	TGAATATAGAGTGACCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTAGTTGAAAATTGATTTTATT	514354
Sbjct	120481	TGAATATAGAGTGACCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTAGTTGAAAATTGATTTTATT	120540
Query	514355	TGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTT	514414
Sbjct	120541	TGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTT	120600
Query	514415	CCCGCCTTTCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCA	514474
Sbjct	120601	CCCGCCTTTCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCA	120660
Query	514475	GCAGAATGCAGGGTCCTCATTGCGTATCTAGTTTATTAATCTATGTCATTTTATTGGGGA	514534
Sbjct	120661	GCAGAATGCAGGGTCCTCATTGCGTATCTAGTTTATTAATCTATGTCATTTTATTGGGGA	120720
Query	514535	GTTGAGTCCATTGATACTGAGAGATATTA AAAAATAGTGATTATTGCTTCCTATTATATTC	514594
Sbjct	120721	GTTGAGTCCATTGATACTGAGAGATATTA AAAAATAGTGATTATTGCTTCCTATTATATTC	120780
Query	514595	ATATTTAGATGTGAGATTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGCAAACGA	514654
Sbjct	120781	ATATTTAGATGTGAGATTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGCAAACGA	120840
Query	514655	TTAGTTTCTTGCTTTGTGTAGGGTGTAGCTTGTCTCTTTGTGTTGGGCTTTACCATTTAT	514714
Sbjct	120841	TTAGTTTCTTGCTTTGTGTAGGGTGTAGCTTGTCTCTTTGTGTTGGGCTTTACCATTTAT	120900
Query	514715	TATCCTTTGTAGGGTTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAA	514774
Sbjct	120901	TATCCTTTGTAGGGTTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAA	120960
Query	514775	TATCTTGGTTTTTCCATCTATGTTAATTGAGAATTTGTAGGTTACAGTAACCTGGGCTG	514834
Sbjct	120961	TATCTTGGTTTTTCCATCTATGTTAATTGAGAATTTGTAGGTTACAGTAACCTGGGCTG	121020
Query	514835	GTATTTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGT	514894
Sbjct	121021	GTATTTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGT	121080
Query	514895	CTCTGGTTAAAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGCTGCCTTTTATATGTTACTTGACCTTT	514954
Sbjct	121081	CTCTGGTTAAAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGCTGCCTTTTATATGTTACTTGACCTTT	121140

Query	514955	TTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTAT	515014
Sbjct	121141	TTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTAT	121200
Query	515015	GTGACGGGAGTAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGTA	515074
Sbjct	121201	GTGACGGGAGTAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGTA	121260
Query	515075	ACCTATGGGTATCTCtttttttAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGAT	515134
Sbjct	121261	ACCTATGGGTATCTCTTTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGAT	121320
Query	515135	ATTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTT	515194
Sbjct	121321	ATTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTT	121380
Query	515195	TGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTT	515254
Sbjct	121381	TGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTT	121440
Query	515255	TACATTATCTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTCCTGCTCCTGAGATTCT	515314
Sbjct	121441	TACATTATCTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTCCTGCTCCTGAGATTCT	121500
Query	515315	CTCTTCTATCTCTTGATTTCTGTTGGTGAAGCTTGATTTATGGCTCCTTGCTCTTCCCT	515374
Sbjct	121501	CTCTTCTATCTCTTGATTTCTGTTGGTGAAGCTTGATTTATGGCTCCTTGCTCTTCCCT	121560
Query	515375	TTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTTTCTTTATTGCTTCTCtttacat	515434
Sbjct	121561	TTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTTTCTTTATTGCTTCTCTTTACAT	121620
Query	515435	ttttaattccttttacctgtttgggtgtgttttcctttcatttttttcagggatttttgtga	515494
Sbjct	121621	TTTTAATTCCTTTACCTGTTTGGTTGTGTTTTCCTTTCATTTTTCAGGGATTTTGTGA	121680
Query	515495	ttcatctctataggcttctatttttttcGTGTCCTCCTGCTTTTCTCTAAAGGAGTTCCTT	515554
Sbjct	121681	TTCATCTCTATAGGCTTCTATTTTTTCGTGCTTCTCCTGCTTTTCTCTAAAGGAGTTCCTT	121740
Query	515555	ATGTCCTTCTTGAAGTCCTCCAGCATTATGATCAAATGTGATTTAAATTTAGATCTTGT	515614
Sbjct	121741	ATGTCCTTCTTGAAGTCCTCCAGCATTATGATCAAATGTGATTTAAATTTAGATCTTGT	121800
Query	515615	TTTCTGTTGTGTTTGGATATTCAAGTGTGTTTCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGAT	515674
Sbjct	121801	TTTCTGTTGTGTTTGGATATTCAAGTGTGTTTCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGAT	121860
Query	515675	GCGATGAAGTTTGGGTTCTGTTATTTGGGTTCTGTGCTTGCCCTCTTGCCATCAGGTTG	515734
Sbjct	121861	GCGATGAAGTTTGGGTTCTGTTATTTGGGTTCTGTGCTTGCCCTCTTGCCATCAGGTTG	121920
Query	515735	TCTCTGGTGTTACCTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGATCGTCCTATAGGCCTGT	515794
Sbjct	121921	TCTCTGGTGTTACCTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGATCGTCCTATAGGCCTGT	121980
Query	515795	GTGTCAGGAGTGCTCTAGGCCTATTTTCTGTTTTCTCTCAGCCATTTATGGGAACAGAT	515854
Sbjct	121981	GTGTCAGGAGTGCTCTAGGCCTATTTTCTGTTTTCTCTCAGCCATTTATGGGAACAGAT	122040
Query	515855	TGTTCTGCTTTTCAGCTGTGTTGTCTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGTTGTTTCTGTGGGT	515914
Sbjct	122041	TGTTCTGCTTTTCAGCTGTGTTGTCTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGTTGTTTCTGTGGGT	122100
Query	515915	GTATGTGCTGAGTCCAAAAGGCAGGTCACCTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTAACTCTGGT	515974
Sbjct	122101	GTATGTGCTGAGTCCAAAAGGCAGGTCACCTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTAACTCTGGT	122160
Query	515975	CTTGGGCCTGAAGTTACTCCCCATGGCTGTGTTCCAGCTTTCTGTGAGAGCAGCAACCAG	516034
Sbjct	122161	CTTGGGCCTGAAGTTACTCCCCATGGCTGTGTTCCAGCTTTCTGTGAGAGCAGCAACCAG	122220
Query	516035	AAGGTCCTGCCCTGCCTTCTCTCATGACCCTGTGAACAGGGGGCCAGATGGTGCTAGGC	516094
Sbjct	122221	AAGGTCCTGCCCTGCCTTCTCTCATGACCCTGTGAACAGGGGGCCAGATGGTGCTAGGC	122280
Query	516095	GTTTTCCTCTAGAGTCAGAAATGTGGGCAGAGAATAGTTTACTCTTGCTTCCCAGGCGTT	516154
Sbjct	122281	GTTTTCCTCTAGAGTCAGAAATGTGGGCAGAGAATAGTTTACTCTTGCTTCCCAGGCGTT	122340
Query	516155	TCTGCCCCCTCTGAAGGTCCTTCTCTCCTTCCCAGGGGATTCGAGTGCAGGGAGCTATTTG	516214
Sbjct	122341	TCTGCCCCCTCTGAAGGTCCTTCTCTCCTTCCCAGGGGATTCGAGTGCAGGGAGCTATTTG	122400
Query	516215	ACTGGGTCCCTTCAGATCTGGGGGGTGTGAGGACTGCAGGGGACCTGCAACTTGAGTGCC	516274
Sbjct	122401	ACTGGGTCCCTTCAGATCTGGGGGGTGTGAGGACTGCAGGGGACCTGCAACTTGAGTGCC	122460
Query	516275	TCTATCTTCCGTGCCAGAGACCCTGTACAGTTTCTCTTGTCCTGGGATGTGGGCAA	516334



Sbjct	122461	TCTATCTTCCTGTTCCAGAGACCCGTACAGTTTCCTCTTGTGCCTGGGATGTGGGCAA	122520
Query	516335	AGGTGGGCTTTACTGGCAGTCTCTCCTGCCAGCAATCTCAGGGATGCCACCTGTCTGG	516394
Sbjct	122521	AGGTGGGCTTTACTGGCAGTCTCTCCTGCCAGCAATCTCAGGGATGCCACCTGTCTGG	122580
Query	516395	GCAGTGAGCTCTCTCTCCCCAGTCATTTCCTTACTTTACCACCTCTGTCTAGTCTCCAT	516454
Sbjct	122581	GCAGTGAGCTCTCTCTCCCCAGTCATTTCCTTACTTTACCACCTCTGTCTAGTCTCCAT	122640
Query	516455	TTGCACCTCTACCTCATGTTCTTTCCCTCATCCCTAATATCTATATTTTCGCTATGTCAACT	516514
Sbjct	122641	TTGCACCTCTACCTCATGTTCTTTCCCTCATCCCTAATATCTATATTTTCGCTATGTCAACT	122700
Query	516515	CCGTCACAGtttttttttCTCTGCTCAATGACTACTTTATTATTTCCTGACTTCTATAAT	516574
Sbjct	122701	CCGTCACAGTTTTTTTTTCTCTGCTCAATGACTACTTTATTATTTCCTGACTTCTATAAT	122760
Query	516575	ACCTGAATTTAAAGAAATATATCTACATCTGTAGATCTGCCATCTACATGTGACAGAAAA	516634
Sbjct	122761	ACCTGAATTTAAAGAAATATATCTACATCTGTAGATCTGCCATCTACATGTGACAGAAAA	122820
Query	516635	TGAGTGGTCTATATCTTTTTGGTTTCAGAATTATTTTCAGTATTCTTTTACAGTTCCTTGCA	516694
Sbjct	122821	TGAGTGGTCTATATCTTTTTGGTTTCAGAATTATTTTCAGTATTCTTTTACAGTTCCTTGCA	122880
Query	516695	GTTATCTAAAATTTAATAATATTTTGCTTTAAAGATACATAAAATTCCATTGTATGGATT	516754
Sbjct	122881	GTTATCTAAAATTTAATAATATTTTGCTTTAAAGATACATAAAATTCCATTGTATGGATT	122940
Query	516755	AAGtttttttttttAAATCACCTTTTCATTTTGTGGAAATCTGTGATGATTCCATTTTCT	516814
Sbjct	122941	AAGTTTTTTTTTTTAAATCACCTTTTCATTTTGTGGAAATCTGTGATGATTCCATTTTCT	123000
Query	516815	GACTTTTGTGAATGGAGCTATAGTGAATATGATATACATGTGTTCCATGGTACGATGAA	516874
Sbjct	123001	GACTTTTGTGAATGGAGCTATAGTGAATATGATATACATGTGTTCCATGGTACGATGAA	123060
Query	516875	GATCCTTTTAGGAAATATACAAGAAATATACCATTGGTATGTATTGGTCTCCTCATTGATC	516934
Sbjct	123061	GATCCTTTTAGGAAATATACAAGAAATATACCATTGGTATGTATTGGTCTCCTCATTGATC	123120
Query	516935	TATCTCCAATGTTTTGTGGGATTACTATGGTAATTTGTAAAACAGTGAGACTACCCTTTT	516994
Sbjct	123121	TATCTCCAATGTTTTGTGGGATTACTATGGTAATTTGTAAAACAGTGAGACTACCCTTTT	123180
Query	516995	ACCAGCAGTATAAGGAttttttgtttgtttgtttgttgCCTACATCTAAACCATTG	517054
Sbjct	123181	ACCAGCAGTATAAGGATTTTTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTTCTACATCTAAACCATTG	123240
Query	517055	TTTATTGTGATGTATATCGTTAGTGATGGTCGTAGGGGTATTTTCAACTTTTAGAGGACT	517114
Sbjct	123241	TTTATTGTGATGTATATCGTTAGTGATGGTCGTAGGGGTATTTTCAACTTTTAGAGGACT	123300
Query	517115	TTTTACTCTGAATTTAACTGATAACTAGAGTATAGAAGAATATCATTAGGAATACTTATA	517174
Sbjct	123301	TTTTACTCTGAATTTAACTGATAACTAGAGTATAGAAGAATATCATTAGGAATACTTATA	123360
Query	517175	TTGActttttttccattccctttccctttcttttattctttgttttttctttttgttttca	517234
Sbjct	123361	TTGACTTTTTTCCATTCCTTTCCTTTCTTTTTATTCTTTGTTTTTCTTTTGTTTTCA	123420
Query	517235	agtcatttttGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGGTGGTCCTCCTCTGGTTTCTGGC	517294
Sbjct	123421	AGTCATTTTTGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGGTGGTCCTCCTCTGGTTTCTGGC	123480
Query	517295	CCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTC	517354
Sbjct	123481	CCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTC	123540
Query	517355	AGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTA	517414
Sbjct	123541	AGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTA	123600
Query	517415	TGCATTGAAGGTTTTATGGATGGGTTAATGTACCAGTCCCGCACTGGGACCCTTGTGTAG	517474
Sbjct	123601	TGCATTGAAGGTTTTATGGATGGGTTAATGTACCAGTCCCGCACTGGGACCCTTGTGTAG	123660
Query	517475	TTCAGAAGATGGTTGGTTCAGACTCACTGTCCCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTC	517534
Sbjct	123661	TTCAGAAGATGGTTGGTTCAGACTCACTGTCCCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTC	123720
Query	517535	ACCTGGACAGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTAT	517594
Sbjct	123721	ACCTGGACAGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTAT	123780
Query	517595	GATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTGTTTACATTTCCCTTGATAACCTAAGGATATTGAGCAT	517654
Sbjct	123781	GATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTGTTTACATTTCCCTTGATAACCTAAGGATATTGAGCAT	123840

Query	517655	CTCTTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCCCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGT	517714
Sbjct	123841	CTCTTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCCCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGT	123900
Query	517715	ACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTCAATTTGTCGATGTCCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAA	517774
Sbjct	123901	ACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTCAATTTGTCGATGTCCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAA	123960
Query	517775	TATTTTGGATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTGTTTGTGAGATGTGGAGTTGGTA	517834
Sbjct	123961	TATTTTGGATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTGTTTGTGAGATGTGGAGTTGGTA	124020
Query	517835	AAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTTGTCTCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTT	517894
Sbjct	124021	AAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTTGTCTCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTT	124080
Query	517895	CACGAGGTCCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGTTTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTG	517954
Sbjct	124081	CACGAGGTCCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGTTTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTG	124140
Query	517955	TCTCCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACTTTCTCTCTGTTAGGTTTAGTGTA	518014
Sbjct	124141	TCTCCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACTTTCTCTCTGTTAGGTTTAGTGTA	124200
Query	518015	TCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCACTTGGACTGGAGTTTGTGTCAGGGTGGTAGA	518074
Sbjct	124201	TCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCACTTGGACTGGAGTTTGTGTCAGGGTGGTAGA	124260
Query	518075	TATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCACTTAGACCAGCACCATTGTCA	518134
Sbjct	124261	TATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCACTTAGACCAGCACCATTGTCA	124320
Query	518135	AAGAGGCTTTCTTTTTTCCAGTGTGTAATTGAGCTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCAT	518194
Sbjct	124321	AAGAGGCTTTCTTTTTTCCAGTGTGTAATTGAGCTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCAT	124380
Query	518195	AAGTGTGTAGATTTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCttttttt	518254
Sbjct	124381	AAGTGTGTAGATTTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCTTTTTT	124440
Query	518255	tattttatttttAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTT	518314
Sbjct	124441	TATTTATTTTTAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTT	124500
Query	518315	GAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCtttttttttttttttttttttttCT	518374
Sbjct	124501	GAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCT	124560
Query	518375	CTCCGGAGTTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCTCGGCAAGCGCTCTACCACTG	518434
Sbjct	124561	CTCCGGAGTTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCTCGGCAAGCGCTCTACCACTG	124620
Query	518435	AGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAATATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTttt	518494
Sbjct	124621	AGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAATATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTTT	124680
Query	518495	tttggttttttCCATTTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTG	518554
Sbjct	124681	TTTGTTTTTTCCATTTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTG	124740
Query	518555	GTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCA	518614
Sbjct	124741	GTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCA	124800
Query	518615	CTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTTCCATCTTCTGATCTCTTCTT	518674
Sbjct	124801	CTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTTCCATCTTCTGATCTCTTCTT	124860
Query	518675	CAATTTCTTTGACGTTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACTTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTA	518734
Sbjct	124861	CAATTTCTTTGACGTTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACTTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTA	124920
Query	518735	AGATATTTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTAGCAGA	518794
Sbjct	124921	AGATATTTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTAGCAGA	124980
Query	518795	CTAATTGTTATTGGTATAAAATAGTGCTAGTGAtttttttttCAATCTAGTTATGTATCC	518854
Sbjct	124981	CTAATTGTTATTGGTATAAAATAGTGCTAGTGAATTTTTTTTCAATCTAGTTATGTATCC	125040
Query	518855	AGTCACTTCAATAATTGTGTTTCATCGTTTGTATGAGGTTTCTGATAAATATTTTGGTGTT	518914
Sbjct	125041	AGTCACTTCAATAATTGTGTTTCATCGTTTGTATGAGGTTTCTGATAAATATTTTGGTGTT	125100
Query	518915	GCTCATGTATACTGTCATATTATCTGTAAATATGTTTGAGTTTTCATTCTTCGATTTGTA	518974
Sbjct	125101	GCTCATGTATACTGTCATATTATCTGTAAATATGTTTGAGTTTTCATTCTTCGATTTGTA	125160
Query	518975	TCTCCTTGATCTCTATTAATTGTCTTATTGATCTAGCTAGAACTATAAGTATTATATTGA	519034

Sbjct	125161	TCTCCTTGATCTCTATTAATTGTCTTATTGATCTAGCTAGAACTATAAGTATTATATTGA	125220
Query	519035	GTAGAGTGAACAACCTTGTGGTTTTCTGATGTTAGTGGAAATTGGTTTAATTTCTCTCCAT	519094
Sbjct	125221	GTAGAGTGAACAACCTTGTGGTTTTCTGATGTTAGTGGAAATTGGTTTAATTTCTCTCCAT	125280
Query	519095	TTTATTTGATGTTGGCTATTGGCTTGCTTCATATTGTTTAAATTATATTTAGGTATGTGT	519154
Sbjct	125281	TTTATTTGATGTTGGCTATTGGCTTGCTTCATATTGTTTAAATTATATTTAGGTATGTGT	125340
Query	519155	CTGTCTTATATTTTTATCTTAAAGGTGATTGAAAATTGTCAAAGGtttttttttAATA	519214
Sbjct	125341	CTGTCTTATATTTTTATCTTAAAGGTGATTGAAAATTGTCAAAGGTTTTTTTTTAATA	125400
Query	519215	TCTAGTTAAGATGATCTTGTGtttttttttGTTTTCTTTCAGTTTGTTTATATGGTGAATC	519274
Sbjct	125401	TCTAGTTAAGATGATCTTGTGTTTTTTTTGTTTTCTTTCAGTTTGTTTATATGGTGAATC	125460
Query	519275	ACATATATTAATtttttttAATATATTGAACTGTTCTTACATCTCTGTGATAAAGCCATCT	519334
Sbjct	125461	ACATATATTAATTTTTTTAATATATTGAACTGTTCTTACATCTCTGTGATAAAGCCATCT	125520
Query	519335	TGATCATGGTATGTTTTGGTGTAGCGATTGGTTTGATGTATTTTATTTAGTATTTTTG	519394
Sbjct	125521	TGATCATGGTATGTTTTGGTGTAGCGATTGGTTTGATGTATTTTATTTAGTATTTTTG	125580
Query	519395	CATATGTGTTTCAGGAGATTGATTTATAAATCTTTTTCCATGTTCAATTCCTGTGTGTCTT	519454
Sbjct	125581	CATATGTGTTTCAGGAGATTGATTTATAAATCTTTTTCCATGTTCAATTCCTGTGTGTCTT	125640
Query	519455	GGGTAATTTTGTACACTACTGCTTCCTGAAGATATAAGTTGTAAATTTTAGGATAGCTT	519514
Sbjct	125641	GGGTAATTTTGTACACTACTGCTTCCTGAAGATATAAGTTGTAAATTTTAGGATAGCTT	125700
Query	519515	AGGCTCTGTATTACatataggtaggttaggttaggttaggtcggctctgtaggttaggtcggtag	519574
Sbjct	125701	AGGCTCTGTATTACATATAGGTAGGTAGGTAGGTAGGTAGGTCGGTCTGTAGGTAGGTCTGGTAG	125760
Query	519575	atagatagatatagatataTGCCAAGTCCATAAATGGATTTTAAATCTGTTCCTAATAT	519634
Sbjct	125761	ATAGATAGATATAGATATATGGCCAAGTCCATAAATGGATTTTAAATCTGTTCCTAATAT	125820
Query	519635	GAGTATTAACCTTTTTCTAGTGAATACCTGACAAGATGTGTTTTCTATTCTCTAGATT	519694
Sbjct	125821	GAGTATTAACCTTTTTCTAGTGAATACCTGACAAGATGTGTTTTCTATTCTCTAGATT	125880
Query	519695	ACCTTTTTCTGTGGAATACTTACCTAGTTTTAGTGAAGGTTTTTATTTATTTTAGTTC	519754
Sbjct	125881	ACCTTTTTCTGTGGAATACTTACCTAGTTTTAGTGAAGGTTTTTATTTATTTTAGTTC	125940
Query	519755	TTATTGTCAATATTCACCTTAACTTCCCATTGTGCTTCTGGGttttttttttttttttt	519814
Sbjct	125941	TTATTGTCAATATTCACCTTAACTTCCCATTGTGCTTCTGGGTTTTTTTTTTTTTTTTT	126000
Query	519815	aagaaaaccaacatcttaaactttttttcaatttaatttttctcaattttaaatAGTATT	519874
Sbjct	126001	AAGAAAACCAACATCTTAAACTTTTTTCAATTTAATTTTTCTCAATTTTAAATAGTATT	126060
Query	519875	TAGGTCCTGGTCTTCAGTAAAATAGTATTTGATCTTTTAGATTATATTTGTACAGGACGA	519934
Sbjct	126061	TAGGTCCTGGTCTTCAGTAAAATAGTATTTGATCTTTTAGATTATATTTGTACAGGACGA	126120
Query	519935	GAAACTGATGTCAATCTTTTATCTGTGGATATTCACTTTTGACAACACTAGAATGTCTTT	519994
Sbjct	126121	GAAACTGATGTCAATCTTTTATCTGTGGATATTCACTTTTGACAACACTAGAATGTCTTT	126180
Query	519995	GGTATTTTGTTGTGGAAAATAAGTCCATACTTAATTGACTTCTGCTtggttttcattgctgt	520054
Sbjct	126181	GGTATTTTGTTGTGGAAAATAAGTCCATACTTAATTGACTTCTGCTTGTTTCATTGCTGT	126240
Query	520055	ttgtttgcttttgctgtttgtttgtttgtttttACATAGGTTATTCCTATATGTCCTGGTT	520114
Sbjct	126241	TTGTTTGCTTTGTGTTTGTGTTGTTGTTTTTACATAGGTTATTCCTATATGTCCTGGTT	126300
Query	520115	TGTCTTCACATTTGAAATTGTCTGCTCTGCAGGTCATAGCTTTACTTATAGACATTACT	520174
Sbjct	126301	TGTCTTCACATTTGAAATTGTCTGCTCTGCAGGTCATAGCTTTACTTATAGACATTACT	126360
Query	520175	ACAATGCTTAACTTCCATCtttttttctgttggttttttCTTACTACTTTCCTTACACTG	520234
Sbjct	126361	ACAATGCTTAACTTCCATCTTTTTTCTGTGTTTTTTCTTACTACTTTCCTTACACTG	126420
Query	520235	TTTCAGTAATGTATCTTGAAATTAATTATTGTGATATTTTAAATTTATCTTTCTGCTCA	520294
Sbjct	126421	TTTCAGTAATGTATCTTGAAATTAATTATTGTGATATTTTAAATTTATCTTTCTGCTCA	126480
Query	520295	AGAATACTTGATTATTAGTGATTTTCTTTGCTTCCTTGATTTTTTATAGATTGTTTTTC	520354
Sbjct	126481	AGAATACTTGATTATTAGTGATTTTCTTTGCTTCCTTGATTTTTTATAGATTGTTTTTC	126540

Query	520355	TAGTTCTCAGAAAAATGCTTTGATATTTTCATTAGAGTTCTATTTTGTGAATATTTTAA	520414
Sbjct	126541	TAGTTCTCAGAAAAATGCTTTGATATTTTCATTAGAGTTCTATTTTGTGAATATTTTAA	126600
Query	520415	GAATATTAATTCTGTAGTGTATCATGATTTTTATTTTAGAAATCTTTTGTGTTGGGT	520474
Sbjct	126601	GAATATTAATTCTGTAGTGTATCATGATTTTTATTTTAGAAATCTTTTGTGTTGGGT	126660
Query	520475	AAGTTTATTCTAGGCTAATTTTGTTTCCACGGTATGGAATTGTTTCATGTTTACTTGCT	520534
Sbjct	126661	AAGTTTATTCTAGGCTAATTTTGTTTCCACGGTATGGAATTGTTTCATGTTTACTTGCT	126720
Query	520535	TTAAAAATTTTATTATTGGTAAATTAAAAAGCAATCTTGATGTCTAAAtctttttttcttt	520594
Sbjct	126721	TTAAAAATTTTATTATTGGTAAATTAAAAAGCAATCTTGATGTCTAAATCTTTTTTCTTT	126780
Query	520595	tctttttctttttttttCGGAGCTGGGGACCAAAACCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGC	520654
Sbjct	126781	TCTTTTCTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCAAAACCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGC	126840
Query	520655	ACTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTGATGTCTAAATCTTGTTACTTGACTAAA	520714
Sbjct	126841	ACTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTGATGTCTAAATCTTGTTACTTGACTAAA	126900
Query	520715	TTCACCTTATCAGTTATAATATTTCATGATAGAATCCTTAGGATTTTTATTTTCTTTATATT	520774
Sbjct	126901	TTCACCTTATCAGTTATAATATTTCATGATAGAATCCTTAGGATTTTTATTTTCTTTATATT	126960
Query	520775	CATATCCTTGTGAGTGAGGTAATTTTCAGTTCCTCATATGACTTTTCTTTGTCTCTCTTAC	520834
Sbjct	126961	CATATCCTTGTGAGTGAGGTAATTTTCAGTTCCTCATATGACTTTTCTTTGTCTCTCTTAC	127020
Query	520835	CTTACCTTAGTGACATGAAGAAGTGAATACCATTGAAAAGAGAATTTAATCTTATTAATA	520894
Sbjct	127021	CTTACCTTAGTGACATGAAGAAGTGAATACCATTGAAAAGAGAATTTAATCTTATTAATA	127080
Query	520895	ATATTAAATAAGAAGCAGATACATCACTTGAGTTTTTATAGTTTCTGCAGGAAGAGTAAA	520954
Sbjct	127081	ATATTAAATAAGAAGCAGATACATCACTTGAGTTTTTATAGTTTCTGCAGGAAGAGTAAA	127140
Query	520955	GAGGAGACACTGAATGATTTAATGATTAATGCCATTAGGTTTCTATTGCTATGAACAGAC	521014
Sbjct	127141	GAGGAGACACTGAATGATTTAATGATTAATGCCATTAGGTTTCTATTGCTATGAACAGAC	127200
Query	521015	ACCATGACCAAGGCAACTTTTATAACGGCCAACATTAAC TGGGGCTGGTTTACAGGTTTA	521074
Sbjct	127201	ACCATGACCAAGGCAACTTTTATAACGGCCAACATTAAC TGGGGCTGGTTTACAGGTTTA	127260
Query	521075	CAGGTTTCAGTCCATTATTATTAAGGTGGGAGAATTGCAGTGTCCAAGCAACCATGGTCCT	521134
Sbjct	127261	CAGGTTTCAGTCCATTATTATTAAGGTGGGAGAATTGCAGTGTCCAAGCAACCATGGTCCT	127320
Query	521135	GGAGAACAAGCTGACAGTTCTACAAC TTCCATCCAAAGGAAGCCAGGAGCAGAGTGTTTC	521194
Sbjct	127321	GGAGAACAAGCTGACAGTTCTACAAC TTCCATCCAAAGGAAGCCAGGAGCAGAGTGTTTC	127380
Query	521195	TCATAGAGCTAAGAGGAAAGGCCACACCCACAGTGATACATTTTCTCCTAATAGTGTC	521254
Sbjct	127381	TCATAGAGCTAAGAGGAAAGGCCACACCCACAGTGATACATTTTCTCCTAATAGTGTC	127440
Query	521255	ATCTCTGTGCCAGACATTCAAACCATGACAGCTAGGGTCTGTCCCTAGTTTCTGCTCCTT	521314
Sbjct	127441	ATCTCTGTGCCAGACATTCAAACCATGACAGCTAGGGTCTGTCCCTAGTTTCTGCTCCTT	127500
Query	521315	AGGCCATAATTGAACCTTAAGAGAAATGTGAAATTTGTAAGTCAAAGTCAGGATACATTAG	521374
Sbjct	127501	AGGCCATAATTGAACCTTAAGAGAAATGTGAAATTTGTAAGTCAAAGTCAGGATACATTAG	127560
Query	521375	TTTATATTTGGAATAAAATGTCAC TAGCAAGTTGTTTGCCAGCTCATAGGGAGTTCTTTG	521434
Sbjct	127561	TTTATATTTGGAATAAAATGTCAC TAGCAAGTTGTTTGCCAGCTCATAGGGAGTTCTTTG	127620
Query	521435	ACTGATTAGGGTAATTTCCATAGTCAAGGACTATGGGAGAGTTAAAGAACATTATaaaaa	521494
Sbjct	127621	ACTGATTAGGGTAATTTCCATAGTCAAGGACTATGGGAGAGTTAAAGAACATTATAAAAA	127680
Query	521495	ataagaaaaaaTATGTATATCAAAGATTAAATATAGTTACCAGAAATTTTGGAAATTGGCCA	521554
Sbjct	127681	ATAAGAAAAAATATGTATATCAAAGATTAAATATAGTTACCAGAAATTTTGGAAATTGGCCA	127740
Query	521555	TGATATTATAAAGAAAAAGATTCAAttttttttCTGAAGAAACAGACTGTTGAGGTAGAT	521614
Sbjct	127741	TGATATTATAAAGAAAAAGATTCAATTTTTTTTTCTGAAGAAACAGACTGTTGAGGTAGAT	127800
Query	521615	ATATGTAGATACTATCATATAGAACATCTGACTTTCAATAATTACCATAGAAATACAAAT	521674
Sbjct	127801	ATATGTAGATACTATCATATAGAACATCTGACTTTCAATAATTACCATAGAAATACAAAT	127860
Query	521675	AAAAACAAGGTTATTTTTATATTGTATTTTATGGGAGAACATTATGCATCTTAAGTGA	521734

Sbjct	127861	AAAAACAAGGTTATTTTATATTGTAATTTATGGGAGAACATTTATGCATCTTAAGTGA	127920
Query	521735	ATCAAAACTTATTTTAAACTGATTTACACATGACTACTCAGTGGAAAGAAGAACTACAGT	521794
Sbjct	127921	ATCAAAACTTATTTTAAACTGATTTACACATGACTACTCAGTGGAAAGAAGAACTACAGT	127980
Query	521795	GATAATAATTTAAAAATAGGTCTGTTTTTACTAAAGATATACACTACAAATCTAGGTTA	521854
Sbjct	127981	GATAATAATTTAAAAATAGGTCTGTTTTTACTAAAGATATACACTACAAATCTAGGTTA	128040
Query	521855	CATGTTAataactgtatatattagcatattaatatgtatgctatacatagcatatataggcat	521914
Sbjct	128041	CATGTTAATACTGTATATTAGCATATTAATATGTATGCTATACATAGCATATATAGGCAT	128100
Query	521915	atattagcatatttaattgtacattaataatttatattagtatCACAAATGGTATGTTAATA	521974
Sbjct	128101	ATATTAGCATATTAATTGTACATTAATAATTTATATTAGTATCACAAATGGTATGTTAATA	128160
Query	521975	GACTTAGAGGGTTATAATTCTAGCTGCCTTGAAACCTAAGCTAATTGTTGTTGCCTCA	522034
Sbjct	128161	GACTTAGAGGGTTATAATTCTAGCTGCCTTGAAACCTAAGCTAATTGTTGTTGCCTCA	128220
Query	522035	ACTACAAAGTAAATTCAGAGATAATTGTGGCAATTTACTCAATACTTGTCTCaaaaaaa	522094
Sbjct	128221	ACTACAAAGTAAATTCAGAGATAATTGTGGCAATTTACTCAATACTTGTCTCAAAAAAA	128280
Query	522095	aaaaaGACAAGTATAAAAGTTGGAGATACATAGTTCAGTGGTAAGTACTCGATTATTAGT	522154
Sbjct	128281	AAAAAGACAAGTATAAAAGTTGGAGATACATAGTTCAGTGGTAAGTACTCGATTATTAGT	128340
Query	522155	TATTGATTAATGTTATAAatatttgtccttttgttttcaaaatttgccctatttttatTTTT	522214
Sbjct	128341	TATTGATTAATGTTATAAATTTGTCCTTTGTTTTCAAAATTTGCCCTATTTTATTTTTT	128400
Query	522215	taaattggatatttaagatttttttctttttattaattaCCTTATGATCACAGCTTtccctc	522274
Sbjct	128401	TAAATTGGTATTTAAGATTTTTTCTTTTATTAATTACCTTATGATCACAGCTTTCCTC	128460
Query	522275	catcctctcctcccagtcctccctctcacctgtcctcttttctactacttttctcccttt	522334
Sbjct	128461	CATCCTCTCCTCCCAGTCCCTCCCTCTCACCTGTCTCTTTCTACTACTTTTCTCCCTT	128520
Query	522335	CTTTTCAGAGAAGGGAGACCTCTCATGGATATCAAATCTCCTTGACATATCAAGTTGCAG	522394
Sbjct	128521	CTTTTCAGAGAAGGGAGACCTCTCATGGATATCAAATCTCCTTGACATATCAAGTTGCAG	128580
Query	522395	TAAGATCAGGCAGATCTTCTCTGAAGACAAACAGGGCACCCCATTTAATAGGAAAGGGAT	522454
Sbjct	128581	TAAGATCAGGCAGATCTTCTCTGAAGACAAACAGGGCACCCCATTTAATAGGAAAGGGAT	128640
Query	522455	CCAGAGGCAGGCAACAGAGACAGAAACAGTCCCCGTTCCTTTGTTAGGGCGTCCACAT	522514
Sbjct	128641	CCAGAGGCAGGCAACAGAGACAGAAACAGTCCCCGTTCCTTTGTTAGGGCGTCCACAT	128700
Query	522515	GAAGACCAAGATGGATATCTTCTATATAAGTGTACATCTGCTGCATAAATGTAGAGGACA	522574
Sbjct	128701	GAAGACCAAGATGGATATCTTCTATATAAGTGTACATCTGCTGCATAAATGTAGAGGACA	128760
Query	522575	CTTAACAGGTTTACTTTCTGAAGTCTTTGATAATACAGGGGAGGAGAGTTATGTTTTT	522634
Sbjct	128761	CTTAACAGGTTTACTTTCTGAAGTCTTTGATAATACAGGGGAGGAGAGTTATGTTTTT	128820
Query	522635	GATGGTATGTATATGCTTCTTGAATAAAATTATTTTGTCTTACTATTTACCTGTTTAT	522694
Sbjct	128821	GATGGTATGTATATGCTTCTTGAATAAAATTATTTTGTCTTACTATTTACCTGTTTAT	128880
Query	522695	GTGAAGGAGCTTATTTTTATTGCATTCTAATATGTAAAttgtattttaatcttttaaagg	522754
Sbjct	128881	GTGAAGGAGCTTATTTTTATTGCATTCTAATATGTAAATTTGTATTTAATCTTTTAAAGG	128940
Query	522755	tgtcttttagatttttaaaattttatgaatatgagtgttttttCTCTGTCTCTGCTCATTA	522814
Sbjct	128941	TGCTCTTTTAGATTTTAAATTTTATGAATATGAGTGTTTTTCTCTGTCTCTGCTCATTA	129000
Query	522815	AATCTCCTGCCCTTAGTGGTGGGAAGAGGTCACCTGAATACCCCGAAACTGGAGTTAGTTA	522874
Sbjct	129001	AATCTCCTGCCCTTAGTGGTGGGAAGAGGTCACCTGAATACCCCGAAACTGGAGTTAGTTA	129060
Query	522875	GTTGTAAGTCATTATGTAAGGGCTATAAACTGAACACTGGGATGCAAAAACAGTGAGTGC	522934
Sbjct	129061	GTTGTAAGTCATTATGTAAGGGCTATAAACTGAACACTGGGATGCAAAAACAGTGAGTGC	129120
Query	522935	TTTTAACCAGTGAGCCAGTTCTTTATCCCATGTCCAGTCTTGAAAATATTTAatTTTT	522994
Sbjct	129121	TTTTAACCAGTGAGCCAGTTCTTTATCCCATGTCCAGTCTTGAAAATATTTATTTTTT	129180
Query	522995	tACAACATGAAAAATAATTAGAATATGAACTTTATATGTTTCATACATATGTAAAGTACG	523054
Sbjct	129181	TACAACATGAAAAATAATTAGAATATGAACTTTATATGTTTCATACATATGTAAAGTACG	129240

Query	523055	TTCTGATATATTTTCTTCttttttttttATAATCTCCGTTCCACCTGTGTTACCTACCA	523114
Sbjct	129241	TTCTGATATATTTTCTTCTTTTTTTTTTTATAATCTCCGTTCCACCTGTGTTACCTACCA	129300
Query	523115	CTTGTAACCTATAAGTCTTTTCAATTTATTTTGAGACCCACTGTATTTAACCATTACTGT	523174
Sbjct	129301	CTTGTAACCTATAAGTCTTTTCAATTTATTTTGAGACCCACTGTATTTAACCATTACTGT	129360
Query	523175	CTGTGTGACTGTGGGCTTGGACTGTGTCCTTTAAAGCCTGCTGTCTCTTCAGCAATACA	523234
Sbjct	129361	CTGTGTGACTGTGGGCTTGGACTGTGTCCTTTAAAGCCTGCTGTCTCTTCAGCAATACA	129420
Query	523235	TAGAATTATTGTTTTTGTATATTATTAGAAGTATTGGGAATTTTGTGTGCATGAATA	523294
Sbjct	129421	TAGAATTATTGTTTTTGTATATTATTAGAAGTATTGGGAATTTTGTGTGCATGAATA	129480
Query	523295	GGGTTTCATCAAATCTACCTTTCACTCTATTTCTCCAAACTACTCTAGTAAATTCCTT	523354
Sbjct	129481	GGGTTTCATCAAATCTACCTTTCACTCTATTTCTCCAAACTACTCTAGTAAATTCCTT	129540
Query	523355	CCACTTTCTCTTTGAAATTATGTGCTCTTTTTTAAACTCACTGCATGCCTTTAGTGCTTG	523414
Sbjct	129541	CCACTTTCTCTTTGAAATTATGTGCTCTTTTTTAAACTCACTGCATGCCTTTAGTGCTTG	129600
Query	523415	CTAGTTACTGTAAAGGTAAAGGTTTCATCTACTAGATGAACCTATCTGGGGCTGACT	523474
Sbjct	129601	CTAGTTACTGTAAAGGTAAAGGTTTCATCTACTAGATGAACCTATCTGGGGCTGACT	129660
Query	523475	TTTTAAGATATTCTGCTAATAATAATGCTAGACATTCTCTGTAAACTATTGTGTCCTTTT	523534
Sbjct	129661	TTTTAAGATATTCTGCTAATAATAATGCTAGACATTCTCTGTAAACTATTGTGTCCTTTT	129720
Query	523535	ATTTACTGTCTCCTCTGAAtttttttAATAGCCAGAACCACAGAAGAAGACATTGAGAA	523594
Sbjct	129721	ATTTACTGTCTCCTCTGAATTTTTTAAATAGCCAGAACCACAGAAGAAGACATTGAGAA	129780
Query	523595	AAACCCAGAGCTaaaaaaaCTACAGATATATGGGGCAGGCCCAAGATGATAGGCTTGGG	523654
Sbjct	129781	AAACCCAGAGCTAAAAAACTACAGATATATGGGGCAGGCCCAAGATGATAGGCTTGGG	129840
Query	523655	CCTCATGGCAAAGGAGAAGACTCTGAGAAAGAAAGGTAGCATTCAACCAGGTGAGATTAA	523714
Sbjct	129841	CCTCATGGCAAAGGAGAAGACTCTGAGAAAGAAAGGTAGCATTCAACCAGGTGAGATTAA	129900
Query	523715	AATACAAATTAGTGATATAGTAAAGAATCATGAGATGTTCTGTTAATTGTGATGTAAAAA	523774
Sbjct	129901	AATACAAATTAGTGATATAGTAAAGAATCATGAGATGTTCTGTTAATTGTGATGTAAAAA	129960
Query	523775	GTCTGTTTTCCCTTACTTTTGATGCTCCTAGATAAAGAAGAAGTGACATGCCCTGCAACT	523834
Sbjct	129961	GTCTGTTTTCCCTTACTTTTGATGCTCCTAGATAAAGAAGAAGTGACATGCCCTGCAACT	130020
Query	523835	GTTATAGTGAAGGGGAAGCCAGTGGGTTTGAAAAAGTGACATCAGCATTTTCTGACAAG	523894
Sbjct	130021	GTTATAGTGAAGGGGAAGCCAGTGGGTTTGAAAAAGTGACATCAGCATTTTCTGACAAG	130080
Query	523895	AACTTAAATCACAATTTCAAACCTTGTAAGTACTGAGATGACTACGCAGCTACGGAACAATCAC	523954
Sbjct	130081	AACTTAAATCACAATTTCAAACCTTGTAAGTACTGAGATGACTACGCAGCTACGGAACAATCAC	130140
Query	523955	AGCAATACCCAGTTTGTAAGAATTCACCAGTGATTTTGTGATAACTGTTTTAACTGTTG	524014
Sbjct	130141	AGCAATACCCAGTTTGTAAGAATTCACCAGTGATTTTGTGATAACTGTTTTAACTGTTG	130200
Query	524015	ATATTAGAATGCACCTAAAGTTACattgttttaattcattattttggtattttggtatt	524074
Sbjct	130201	ATATTAGAATGCACCTAAAGTTACATTGTTTTAATTCATTATTTTGTATTTTGTTATT	130260
Query	524075	tttggtattttatggttcaatattttattaaaattttatttaATCTCATGTAGTCCAGTCTG	524134
Sbjct	130261	TTTGTTATTTTATGTTCAATATTTTATTAAATTTATTTAATCTCATGTAGTCCAGTCTG	130320
Query	524135	GACTTTTAAACATGTTACATAGCAAGGGTGATCTGATTCAACCATTCCAGCGCTATGACTG	524194
Sbjct	130321	GACTTTTAAACATGTTACATAGCAAGGGTGATCTGATTCAACCATTCCAGCGCTATGACTG	130380
Query	524195	CAGATGTGGATTTTGAGGCATAGATCTTTGTTTTTACCTTTATGGAACCATAACCTTTTT	524254
Sbjct	130381	CAGATGTGGATTTTGAGGCATAGATCTTTGTTTTTACCTTTATGGAACCATAACCTTTTT	130440
Query	524255	TATAATTTAATGAACTATACAGCTCCCTTCTCTGAGTTGTAATAATATTTTCAAGAGCTA	524314
Sbjct	130441	TATAATTTAATGAACTATACAGCTCCCTTCTCTGAGTTGTAATAATATTTTCAAGAGCTA	130500
Query	524315	TGATTCTGTAGTATAATTTCAAGATAAGGTGTGATTGTTTGGAGTCAATGTTTCTTTAAT	524374
Sbjct	130501	TGATTCTGTAGTATAATTTCAAGATAAGGTGTGATTGTTTGGAGTCAATGTTTCTTTAAT	130560
Query	524375	TTGAAtttttttCTATAAAGAATATAACTGGGATTTTGATGAAGATTGGATGTAATATGT	524434

[illegible]

Query	525755	ACAGAGGTATAAGGTGGGAGTTTTTCAGTTCACCTTTATTTTTTGAGGCATGATAGACTGGC	525814
Sbjct	131941	ACAGAGGTATAAGGTGGGAGTTTTTCAGTTCACCTTTATTTTTTGAGGCATGATAGACTGGC	132000
Query	525815	TAATAGACTGGCTGTTAAAAAGTCTAGGCATTGCAGCACAGATATTAAGATTGAACACTGG	525874
Sbjct	132001	TAATAGACTGGCTGTTAAAAAGTCTAGGCATTGCAGCACAGATATTAAGATTGAACACTGG	132060
Query	525875	ATTAATGTCAGATGTTTGAAACTATTCTGTTTTCACTATGATGGCCAAATTGGCGTGCGC	525934
Sbjct	132061	ATTAATGTCAGATGTTTGAAACTATTCTGTTTTCACTATGATGGCCAAATTGGCGTGCGC	132120
Query	525935	tctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctcactctctctctctc	525994
Sbjct	132121	TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACTCTCTCTCTC	132180
Query	525995	tctctctatCtatacatacatacatacatatatatatatgtatatatatatGCT	526054
Sbjct	132181	TCTCTCTATCTATACATACATACATACATACATATATATATATATGTATATATATATGCT	132240
Query	526055	CACTGAAAATGGGAGTGCAGGCGTCTGGTATCAATTCACTTTACTGGAGTACTGGTTTGT	526114
Sbjct	132241	CACTGAAAATGGGAGTGCAGGCGTCTGGTATCAATTCACTTTACTGGAGTACTGGTTTGT	132300
Query	526115	TGTATTATTGACACACCAGCTATAAAGTTCTCTGGGCTTCTGGGAGGAGAACAATGAATG	526174
Sbjct	132301	TGTATTATTGACACACCAGCTATAAAGTTCTCTGGGCTTCTGGGAGGAGAACAATGAATG	132360
Query	526175	ATATAACAATGTCAAATGAAGTGCAGTCAGTTTTACCTAGAACTCACTGTAGAAATATTT	526234
Sbjct	132361	ATATAACAATGTCAAATGAAGTGCAGTCAGTTTTACCTAGAACTCACTGTAGAAATATTT	132420
Query	526235	TTCTTAGACTTAATGTTCCCAACAAAGCTGCTTTAATATGCAAATGATCTGAAAATTGTT	526294
Sbjct	132421	TTCTTAGACTTAATGTTCCCAACAAAGCTGCTTTAATATGCAAATGATCTGAAAATTGTT	132480
Query	526295	GAACATGAAATATTGCTGAATGTTGAAGCATAAAAATTCCTTGAATCATTAGGACCTAC	526354
Sbjct	132481	GAACATGAAATATTGCTGAATGTTGAAGCATAAAAATTCCTTGAATCATTAGGACCTAC	132540
Query	526355	CAGGTTACTCATAAGATTTACCTATTGCTATGCCAATAGATGCTGGGCATCCTCTGAAAG	526414
Sbjct	132541	CAGGTTACTCATAAGATTTACCTATTGCTATGCCAATAGATGCTGGGCATCCTCTGAAAG	132600
Query	526415	ACGCCCTTAACATACAGTTCTCTGAGTCTATTTTAGCTGTCACCCACAGAATGTCTTACT	526474
Sbjct	132601	ACGCCCTTAACATACAGTTCTCTGAGTCTATTTTAGCTGTCACCCACAGAATGTCTTACT	132660
Query	526475	GCATTTTTTATACAGATGAATGGATCTGTATTGTACTGCATTTAAACATTAATCTGTAGT	526534
Sbjct	132661	GCATTTTTTATACAGATGAATGGATCTGTATTGTACTGCATTTAAACATTAATCTGTAGT	132720
Query	526535	AACCAGAGAAAGGtttttttttttAAGTGTTTTTCAATTAATTATTTTTTGGTTAACAAAGC	526594
Sbjct	132721	AACCAGAGAAAGGTTTTTTTTTTAAGTGTTTTTCAATTAATTATTTTTTGGTTAACAAAGC	132780
Query	526595	ATTGCTGAGTGTTTCTTAAATATGGTGCTTATGTGTCAGCTAGAGAGAATGAGACAATCT	526654
Sbjct	132781	ATTGCTGAGTGTTTCTTAAATATGGTGCTTATGTGTCAGCTAGAGAGAATGAGACAATCT	132840
Query	526655	GATTATTTATTATTACTTACTTTTTTGTAAATAAATGTTTTGACCTCCAAAAAGAA	526714
Sbjct	132841	GATTATTTATTATTACTTACTTTTTTGTAAATAAATGTTTTGACCTCCAAAAAGAA	132900
Query	526715	AGGCTAGACATTGGACTACTTTCCTCTATTTCTCTTGACACTTGCCAACAGATCCATACC	526774
Sbjct	132901	AGGCTAGACATTGGACTACTTTCCTCTATTTCTCTTGACACTTGCCAACAGATCCATACC	132960
Query	526775	ACCCGAGCTTTATCTCAGGCTCTAGTGACCAAAAATTAGGTTCTCAAGTTGTGGGTGGGC	526834
Sbjct	132961	ACCCGAGCTTTATCTCAGGCTCTAGTGACCAAAAATTAGGTTCTCAAGTTGTGGGTGGGC	133020
Query	526835	ACTTGGTCTATTGAGACATATCCCAGCTCTTCTCTGAgttttttgtttgtttgttggtt	526894
Sbjct	133021	ACTTGGTCTATTGAGACATATCCCAGCTCTTCTCTGAGTTTTTTGTTTGTTTGTTTGTT	133080
Query	526895	tgtttggttttttggggtttttgtttgtttgtttgtttgtttgtttgttttaatttta	526954
Sbjct	133081	TGTTTGTTTTTTGGGTTTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTAAATTTTA	133140
Query	526955	attccttagcccatttaaatcttccttcatttttttaGTGGTTCATTTGAAACTATATTAGC	527014
Sbjct	133141	ATTCTTAGCCCATTTAAATTCCTTCATTTTTTTAGTGGTTCATTTGAAACTATATTAGC	133200
Query	527015	CTCCATGTATTTATGTAGttttacttttccttttttaaacttggggattttttattttgttt	527074
Sbjct	133201	CTCCATGTATTTATGTAGTTTTACTTTTCCTTTTTTAAACTTGGGGATTTTTTATTTGTTT	133260
Query	527075	tGTATGAGTGTTATATTTGTGTGCATGTCTGTGTACCATGTGGTAGTTTAGTATTCAGGT	527134



Sbjct	133261	TGTATGAGTGTATATTTGTGTGCATGTCTGTGTACCATGTGGTAGTTTAGTATTCAGGT	133320
Query	527135	CAGAAGAGGTCAGAGAGAATATTGAATCTATTAGAACTGGGCATATAGAACTGCTTTGT	527194
Sbjct	133321	CAGAAGAGGTCAGAGAGAATATTGAATCTATTAGAACTGGGCATATAGAACTGCTTTGT	133380
Query	527195	AGTGTGGTACTTCTGAAATATCAACTAGGATTCTTAACTTGCTGAGCCATTCTTTTAGT	527254
Sbjct	133381	AGTGTGGTACTTCTGAAATATCAACTAGGATTCTTAACTTGCTGAGCCATTCTTTTAGT	133440
Query	527255	TTTTCTATGCTTTTTCTTACTATTGATTCTGGTTTTATTCCATTATGTCGTAGTAAGAT	527314
Sbjct	133441	TTTTCTATGCTTTTTCTTACTATTGATTCTGGTTTTATTCCATTATGTCGTAGTAAGAT	133500
Query	527315	ATAAGGAATTATTTTAACATTTATTGTATTTATTAAATCCCAATTTAATGCTGATAACAT	527374
Sbjct	133501	ATAAGGAATTATTTTAACATTTATTGTATTTATTAAATCCCAATTTAATGCTGATAACAT	133560
Query	527375	GATTGATTTTAAATGATGATTCCTTGTGCTGCAGAGTTGTTTTCTCTATCTGCCAGATGTG	527434
Sbjct	133561	GATTGATTTTAAATGATGATTCCTTGTGCTGCAGAGTTGTTTTCTCTATCTGCCAGATGTG	133620
Query	527435	ATATTCTGTAGCTGTCCATTAAATTAATCTGCAGGATACATTTCTTTTCTGAtttttttt	527494
Sbjct	133621	ATATTCTGTAGCTGTCCATTAAATTAATCTGCAGGATACATTTCTTTTCTGATTTTTTTTT	133680
Query	527495	CTTGTTTGTTTAAACTAACTGTTGGAAGGTAAGAATTGACTACATGATTATTGCCTGAGA	527554
Sbjct	133681	CTTGTTTGTTTAAACTAACTGTTGGAAGGTAAGAATTGACTACATGATTATTGCCTGAGA	133740
Query	527555	CAGAACCACTTATGCTTTaaaaaaaCTAAAGCATAAGAAACACTTATGCTTTaaaaaaaa	527614
Sbjct	133741	CAGAACCACTTATGCTTTAAAAAACTAAAGCATAAGAAACACTTATGCTTTAAAAAAA	133800
Query	527615	aGTGTTTCTTTTGTAAAGTTCAAACCTCACCAGTTTAGTACAAAAGTATGTACAAATTAT	527674
Sbjct	133801	AGTGTTCCTTTTGTAAAGTTCAAACCTCACCAGTTTAGTACAAAAGTATGTACAAATTAT	133860
Query	527675	ATTTTCTTGATGAATCTTTACCTATATAGTGGCTGTTTTAATCTTCTCCTGCAAGCTTT	527734
Sbjct	133861	ATTTTCTTGATGAATCTTTACCTATATAGTGGCTGTTTTAATCTTCTCCTGCAAGCTTT	133920
Query	527735	GTTTGAAGTCTACTTTATTACACATAAAAAATAGGCAAGCCTTTTCCAGTAGtaaacaaat	527794
Sbjct	133921	GTTTGAAGTCTACTTTATTACACATAAAAAATAGGCAAGCCTTTTCCAGTAGTAAACAAAT	133980
Query	527795	taaacacaaaagtataaaaagatacaaaattaacagtaataaaaaaataactaaaagaaa	527854
Sbjct	133981	TAAAAACAAAAAGTATAAAAGATACAAAATTAACAGTAATAAAAAAATAACTAAAAGAAA	134040
Query	527855	ataaactatagtaaaaaacAGTGTGTGGTTTCTATCTTTTAGTACTTCTTCCTAGCTGTG	527914
Sbjct	134041	ATAAACTATAGTAAAAACAGTGTTGTGGTTTCTATCTTTTAGTACTTCTTCCTAGCTGTG	134100
Query	527915	TTGAGTTGATGCAGAAGTCTTTAATCCTTTGGCTTAAGTTGCAACAATTTCTGATTTTCA	527974
Sbjct	134101	TTGAGTTGATGCAGAAGTCTTTAATCCTTTGGCTTAAGTTGCAACAATTTCTGATTTTCA	134160
Query	527975	GCTGTTACTTTTCTGTGCAAGGGTTTATGTCAATTATTTTGAGAGAGTGCAAGATGGGTA	528034
Sbjct	134161	GCTGTTACTTTTCTGTGCAAGGGTTTATGTCAATTATTTTGAGAGAGTGCAAGATGGGTA	134220
Query	528035	CTGGGATGGGAGTAAATAACTCACATAAGGCTGGCTCTAGGACAAGTGGATGAGATGGAT	528094
Sbjct	134221	CTGGGATGGGAGTAAATAACTCACATAAGGCTGGCTCTAGGACAAGTGGATGAGATGGAT	134280
Query	528095	GATGTTATAACAGAAGTTATGTTTCTAGAGGGTGAACGAAGTGCATGCAGGGAAGATAGG	528154
Sbjct	134281	GATGTTATAACAGAAGTTATGTTTCTAGAGGGTGAACGAAGTGCATGCAGGGAAGATAGG	134340
Query	528155	TAGAGTAGGTTGGAGTGACAGTTGTAGAGGACTAATATCATCTAGGTTCTTCAGCTAGAA	528214
Sbjct	134341	TAGAGTAGGTTGGAGTGACAGTTGTAGAGGACTAATATCATCTAGGTTCTTCAGCTAGAA	134400
Query	528215	ATGGGAATAGACAAGGACTCTCACAGGGAATTCGATAAGCTGTACAAGATGGAGCTCCTT	528274
Sbjct	134401	ATGGGAATAGACAAGGACTCTCACAGGGAATTCGATAAGCTGTACAAGATGGAGCTCCTT	134460
Query	528275	GCCCTATCCAAATGTGCAGGAAATAGTACAGTGAGTGGGTCAAGTGTGTTCCAAGGACTAG	528334
Sbjct	134461	GCCCTATCCAAATGTGCAGGAAATAGTACAGTGAGTGGGTCAAGTGTGTTCCAAGGACTAG	134520
Query	528335	TCCAGAGAGTGGGAAGAGCTTTAGTCCTTTCTCCTGGAGCAGGGAGGTCCTGGGGAGGGG	528394
Sbjct	134521	TCCAGAGAGTGGGAAGAGCTTTAGTCCTTTCTCCTGGAGCAGGGAGGTCCTGGGGAGGGG	134580
Query	528395	TTGAGGGTAGTTGGCTGAGCAAATTCGATGGCTGCTTAGAGAACTGACTAGAGATCTGT	528454
Sbjct	134581	TTGAGGGTAGTTGGCTGAGCAAATTCGATGGCTGCTTAGAGAACTGACTAGAGATCTGT	134640

Query	528455	AGCAGAGGTTAGAGTAGGTAGCTGTGGTGAGTGAATGGGAAC TGGGGAAGGCTCTAGGTT	528514
Sbjct	134641	AGCAGAGGTTAGAGTAGGTAGCTGTGGTGAGTGAATGGGAAC TGGGGAAGGCTCTAGGTT	134700
Query	528515	TCCTGGCTAGGGAAAGGGGCAAACAGGTC TTTTAGTGGAAGGTAGGTTAGGTTAGCTATA	528574
Sbjct	134701	TCCTGGCTAGGGAAAGGGGCAAACAGGTC TTTTAGTGGAAGGTAGGTTAGGTTAGCTATA	134760
Query	528575	CAAGTGCAAGTTAAGTTTATGGAAGAGACCAAGTGAATTTTCTGTCATTGAATATTTTTC	528634
Sbjct	134761	CAAGTGCAAGTTAAGTTTATGGAAGAGACCAAGTGAATTTTCTGTCATTGAATATTTTTC	134820
Query	528635	TTTACTTTTTGCTGTGTGAGACAGGGTTATAATATATCCCTGACTAGCCTACCTATATAT	528694
Sbjct	134821	TTTACTTTTTGCTGTGTGAGACAGGGTTATAATATATCCCTGACTAGCCTACCTATATAT	134880
Query	528695	CTAAATAGAGTCTTGAATCATCTTACCTCCATCCCAAGTGTTAGAATTATAAGTGTGCAT	528754
Sbjct	134881	CTAAATAGAGTCTTGAATCATCTTACCTCCATCCCAAGTGTTAGAATTATAAGTGTGCAT	134940
Query	528755	GGACATACTTTCTTTATGTACTACACTGGAGAGAACTCAGGGCATCATGAATGATAAATA	528814
Sbjct	134941	GGACATACTTTCTTTATGTACTACACTGGAGAGAACTCAGGGCATCATGAATGATAAATA	135000
Query	528815	AACATTTTGCCAACTTAGCTGCATCTTGAACCCCACTACTGATTTTTCAAAGAATACT	528874
Sbjct	135001	AACATTTTGCCAACTTAGCTGCATCTTGAACCCCACTACTGATTTTTCAAAGAATACT	135060
Query	528875	TCATTGTTGCTTTTTGAACATTTTGAACATGAGCCACTTATTACTGTGTTGTTATGATTA	528934
Sbjct	135061	TCATTGTTGCTTTTTGAACATTTTGAACATGAGCCACTTATTACTGTGTTGTTATGATTA	135120
Query	528935	TTTTTATACTATTGTGCTTTCAGTCAGACTGGAGTTTTTCATAGTGTATGTTTACTGAAAT	528994
Sbjct	135121	TTTTTATACTATTGTGCTTTCAGTCAGACTGGAGTTTTTCATAGTGTATGTTTACTGAAAT	135180
Query	528995	CCAGATACAATAGACCAAAGACTTGGGATAGGTATATAAAAGAACCTTACTTATTTACTT	529054
Sbjct	135181	CCAGATACAATAGACCAAAGACTTGGGATAGGTATATAAAAGAACCTTACTTATTTACTT	135240
Query	529055	TCTTTACCCTACCAGATGGATT CATATGTTTGCCGAATATGCTCTCGTGGGGATGAAGAT	529114
Sbjct	135241	TCTTTACCCTACCAGATGGATT CATATGTTTGCCGAATATGCTCTCGTGGGGATGAAGAT	135300
Query	529115	GATAGATTTCTGCTCTGTGTTGGGTGCAACGACAATTACCATATCTTTTGCCTATTGCCA	529174
Sbjct	135301	GATAGATTTCTGCTCTGTGTTGGGTGCAACGACAATTACCATATCTTTTGCCTATTGCCA	135360
Query	529175	CCGCTTTCTGAAGTCCCCAAGGGGGTATGGAGGTGCCCAAAGTGTATCTTAGCGGTAAGA	529234
Sbjct	135361	CCGCTTTCTGAAGTCCCCAAGGGGGTATGGAGGTGCCCAAAGTGTATCTTAGCGGTAAGA	135420
Query	529235	TTTGTCCATCTTGAGACAGTTTAATCATAACCTAGTCCACTTCTTTAATCTATCCTTTTG	529294
Sbjct	135421	TTTGTCCATCTTGAGACAGTTTAATCATAACCTAGTCCACTTCTTTAATCTATCCTTTTG	135480
Query	529295	GACATGGATGGACTAAAATTAGTAGAGAAGATTCTGATTAGCTTGTAGTCAATAAGAAAA	529354
Sbjct	135481	GACATGGATGGACTAAAATTAGTAGAGAAGATTCTGATTAGCTTGTAGTCAATAAGAAAA	135540
Query	529355	ATTGGACAGAATAGCTAAAAGATGTTAACAATTTACATGAAGCAGATAAAAATTATAATTT	529414
Sbjct	135541	ATTGGACAGAATAGCTAAAAGATGTTAACAATTTACATGAAGCAGATAAAAATTATAATTT	135600
Query	529415	ATAAATTGTGAAAAATATTGGCTAAAAGGAAAAATTAATATTGAACAAC TTGAAACTGTTT	529474
Sbjct	135601	ATAAATTGTGAAAAATATTGGCTAAAAGGAAAAATTAATATTGAACAAC TTGAAACTGTTT	135660
Query	529475	AAACATGTAGAATTTTTGATGTAAAATACTTACTTTCCTGAAAATCTAC ttttttttct	529534
Sbjct	135661	AAACATGTAGAATTTTTGATGTAAAATACTTACTTTCCTGAAAATCTACTTTTTTTTCT	135720
Query	529535	ttttttctttttCTTCATTTATTTATTTCACTTTATATCCTAGTTATAGCCTATACTCTTTC	529594
Sbjct	135721	TTTTTCTTTTTCTTCATTTATTTATTTCACTTTATATCCTAGTTATAGCCTATACTCTTTC	135780
Query	529595	CTCTCTTTCCAGCCCCACCTTCACACACCACTCTTCCAGATCCTCCTCTCCAGAGAGAT	529654
Sbjct	135781	CTCTCTTTCCAGCCCCACCTTCACACACCACTCTTCCAGATCCTCCTCTCCAGAGAGAT	135840
Query	529655	GGGAAGTCCCCCATGAGTAGCGTACCTCCCTGGGACATTCAAATGCAGTAGGACTAAGAA	529714
Sbjct	135841	GGGAAGTCCCCCATGAGTAGCGTACCTCCCTGGGACATTCAAATGCAGTAGGACTAAGAA	135900
Query	529715	TATTCTTTCCCACTGATGCCCAATAAGACAGCCCAGATAGGAGAAGATGATGCAAAGGGA	529774
Sbjct	135901	TATTCTTTCCCACTGATGCCCAATAAGACAGCCCAGATAGGAGAAGATGATGCAAAGGGA	135960
Query	529775	GCAACAGAATCAGAGACAGACCTCATTCAGTTGTTAAGGGACCCACATGAACACCAAGC	529834

Sbjct	135961	GCAACAGAATCAGAGACAGACCTCATTCCAGTTGTTAAGGGACCCACATGAACACCAAGC	136020
Query	529835	TGCACATCTATTACATATGTTTAAGGGGCTTACATCTAGCCCCTGCATGCTCTTTGGTTG	529894
Sbjct	136021	TGCACATCTATTACATATGTTTAAGGGGCTTACATCTAGCCCCTGCATGCTCTTTGGTTG	136080
Query	529895	CTGGTTCAGTCTCTGTGAGCCTCCTGCAGGCACAGATTAGTTGCCTCTATTGGTTTTCTT	529954
Sbjct	136081	CTGGTTCAGTCTCTGTGAGCCTCCTGCAGGCACAGATTAGTTGCCTCTATTGGTTTTCTT	136140
Query	529955	GTGGTGTCCTTAACACCTCTCCAGCTCTCAGTCTATTCCCCAATCTTCCACAAGATGCT	530014
Sbjct	136141	GTGGTGTCCTTAACACCTCTCCAGCTCTCAGTCTATTCCCCAATCTTCCACAAGATGCT	136200
Query	530015	AAGAGCTCCATCTAATAGTTGACTGTGGTTCTCTGCAACCTGCTTCCATCCTATGCTGGA	530074
Sbjct	136201	AAGAGCTCCATCTAATAGTTGACTGTGGTTCTCTGCAACCTGCTTCCATCCTATGCTGGA	136260
Query	530075	TGAAGCCTCTCAGGAAACAGTTATACCAGGCTATAAGCATACCACAATATCATTAATAGT	530134
Sbjct	136261	TGAAGCCTCTCAGGAAACAGTTATACCAGGCTATAAGCATACCACAATATCATTAATAGT	136320
Query	530135	GTCAGGGCTTCTCTCCCATGGTCTCAAGTTGACCCAGTCATTGTTTGGCTGTTCTTCAG	530194
Sbjct	136321	GTCAGGGCTTCTCTCCCATGGTCTCAAGTTGACCCAGTCATTGTTTGGCTGTTCTTCAG	136380
Query	530195	TCATCTTGTAGGCAGGACATATTTTGGGTTGAAGGTTTTGTGGGTGAGTTAGTGTTCCAT	530254
Sbjct	136381	TCATCTTGTAGGCAGGACATATTTTGGGTTGAAGGTTTTGTGGGTGAGTTAGTGTTCCAT	136440
Query	530255	TCCTCTAATAGAAATCCTGCCTAACTACATTATAGGAGTTAGTCACTTCAGTTGCCATAC	530314
Sbjct	136441	TCCTCTAATAGAAATCCTGCCTAACTACATTATAGGAGTTAGTCACTTCAGTTGCCATAC	136500
Query	530315	CTCCAACCTGTTAGAAGTCTCAGCTAGGGAGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGGCCCTGG	530374
Sbjct	136501	CTCCAACCTGTTAGAAGTCTCAGCTAGGGAGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGGCCCTGG	136560
Query	530375	GTTCAATCCTCAGCTCCAAAAACGAAAAGAAGTCTCAGCTAAAGTCACATCCATAGACT	530434
Sbjct	136561	GTTCAATCCTCAGCTCCAAAAACGAAAAGAAGTCTCAGCTAAAGTCACATCCATAGACT	136620
Query	530435	CTGGGGAGAATCCCTTGCTCAGGTCTCCTGCTCATCCCAGAGATGCCAGCCCAGTGATT	530494
Sbjct	136621	CTGGGGAGAATCCCTTGCTCAGGTCTCCTGCTCATCCCAGAGATGCCAGCCCAGTGATT	136680
Query	530495	TCCATTTTTCTTAGCCCTCTCCTCACACCTGATTCCTCGTCCACGATCGCCTCTCCATCCC	530554
Sbjct	136681	TCCATTTTTCTTAGCCCTCTCCTCACACCTGATTCCTCGTCCACGATCGCCTCTCCATCCC	136740
Query	530555	TTTCCTTACTCCTCCCTTTATTCACTTCTAATGTCTATTTTATTTCCCACTTTGAGTGAA	530614
Sbjct	136741	TTTCCTTACTCCTCCCTTTATTCACTTCTAATGTCTATTTTATTTCCCACTTTGAGTGAA	136800
Query	530615	ATTCACATACCTCACTTGGGCCCTTCTGTACTTAGTTTTTCTTTTCATCTGTGGATC	530674
Sbjct	136801	ATTCACATACCTCACTTGGGCCCTTCTGTACTTAGTTTTTCTTTTCATCTGTGGATC	136860
Query	530675	ATAACATGTACTTAATGACTAATATCCACTTATAAGTGAGTATATACTATGTCTGTCTTT	530734
Sbjct	136861	ATAACATGTACTTAATGACTAATATCCACTTATAAGTGAGTATATACTATGTCTGTCTTT	136920
Query	530735	CTGGGTTTAGGTTACTTCACTCAGGATTTTCCAGTTTTTATCCATTTGCCAACAAATTTCTC	530794
Sbjct	136921	CTGGGTTTAGGTTACTTCACTCAGGATTTTCCAGTTTTTATCCATTTGCCAACAAATTTCTC	136980
Query	530795	ATGATGTCTTTGTTTTTAATACTTACACAATTGTATTACATTGTGTAAAGTCTTTACTTA	530854
Sbjct	136981	ATGATGTCTTTGTTTTTAATACTTACACAATTGTATTACATTGTGTAAAGTCTTTACTTA	137040
Query	530855	TTTTTCAGTTAACGGACATCTAGATTGTTTCCAGTTTTTGAAATTCAGTTATTACAAAT	530914
Sbjct	137041	TTTTTCAGTTAACGGACATCTAGATTGTTTCCAGTTTTTGAAATTCAGTTATTACAAAT	137100
Query	530915	AAAGCTGCTGTGAATGTAGTTGAGCAAGTGTAGTATAGTGGGACATCTTTTGACTATATG	530974
Sbjct	137101	AAAGCTGCTGTGAATGTAGTTGAGCAAGTGTAGTATAGTGGGACATCTTTTGACTATATG	137160
Query	530975	CCCAGGAGTGATATAGCTGTGTCTTGAAGTAGAAAACCTTCTAGTTCTGTGTAGTTGCTGTT	531034
Sbjct	137161	CCCAGGAGTGATATAGCTGTGTCTTGAAGTAGAAAACCTTCTAGTTCTGTGTAGTTGCTGTT	137220
Query	531035	TTGTCCTAATGACAGTGTCTTTGTCTTGCAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATT	531094
Sbjct	137221	TTGTCCTAATGACAGTGTCTTTGTCTTGCAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATT	137280
Query	531095	TGTTGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTCTATTACAGGAAATTTTCCTCTG	531154
Sbjct	137281	TGTTGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTCTATTACAGGAAATTTTCCTCTG	137340

Query	531155	TCCTATGGGATTGAGACTCTTCCTCAGTTTGTCTTCTATTAGGTTGAATGTATCTGGTT	531214
Sbjct	137341	TCCTATGGGATTGAGACTCTTCCTCAGTTTGTCTTCTATTAGGTTGAATGTATCTGGTT	137400
Query	531215	TGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGAATGGAT	531274
Sbjct	137401	TGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGAATGGAT	137460
Query	531275	CAATTTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGAACCATTACTGAAAATGC	531334
Sbjct	137461	CAATTTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGAACCATTACTGAAAATGC	137520
Query	531335	TGTCtttttttcactggatgtttttgtttttGATGAGTGGATACCAAGTGTGTTTTCTGT	531394
Sbjct	137521	TGTCTTTTTTTCACTGGATGTTTTGTGTTTGTATGAGTGGATACCAAGTGTGTTTTCTGT	137580
Query	531395	GATTGGGCTACCTCACTCACGATGGTATTTTCAGTTCCATCCATTGCGCTATGAATTC	531454
Sbjct	137581	GATTGGGCTACCTCACTCACGATGGTATTTTCAGTTCCATCCATTGCGCTATGAATTC	137640
Query	531455	AGAAAGGCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATATACCACATTTTC	531514
Sbjct	137641	AGAAAGGCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATATACCACATTTTC	137700
Query	531515	TGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAAT	531574
Sbjct	137701	TGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAAT	137760
Query	531575	AAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCtttttttATATGTTGGGGCATCTTTTGG	531634
Sbjct	137761	AAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGG	137820
Query	531635	GTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTCTGAG	531694
Sbjct	137821	GTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTCTGAG	137880
Query	531695	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAGTCCCACCAACAATGGAG	531754
Sbjct	137881	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAGTCCCACCAACAATGGAG	137940
Query	531755	GAGTGTTCCTCTTTCTCCGCAACCTCGCCAGCATTGGTGTCACTTGAGTTTTGATCTT	531814
Sbjct	137941	GAGTGTTCCTCTTTCTCCGCAACCTCGCCAGCATTGGTGTCACTTGAGTTTTGATCTT	138000
Query	531815	AGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTAGAATCTCAGGATTCTCTTGATTTCATTTCCCTTAT	531874
Sbjct	138001	AGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTAGAATCTCAGGATTCTCTTGATTTCATTTCCCTTAT	138060
Query	531875	GACTAAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTGATATTCCTCAGCTGT	531934
Sbjct	138061	GACTAAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTGATATTCCTCAGCTGT	138120
Query	531935	GACTTCTTTGTTTACCTCTGTACCCCATTTTAAATTAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTC	531994
Sbjct	138121	GACTTCTTTGTTTACCTCTGTACCCCATTTTAAATTAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTC	138180
Query	531995	TGAGTTCTTTTGTATTTTGGATATTAGCCCTCTATCAAGTATAGGATTGGTAAAGATCTG	532054
Sbjct	138181	TGAGTTCTTTTGTATTTTGGATATTAGCCCTCTATCAAGTATAGGATTGGTAAAGATCTG	138240
Query	532055	TAGGTTGCCTTTTGTCTATTGACAGTGTCTTTTGTCTTACAGAAGCTTTTCAGTTTCA	532114
Sbjct	138241	TAGGTTGCCTTTTGTCTATTGACAGTGTCTTTTGTCTTACAGAAGCTTTTCAGTTTCA	138300
Query	532115	TAAGGACCCTTTATCAAATGTTGATCTTAGAGCCTAACCCATTGTTGTTTTCTCAGGAAA	532174
Sbjct	138301	TAAGGACCCTTTATCAAATGTTGATCTTAGAGCCTAACCCATTGTTGTTTTCTCAGGAAA	138360
Query	532175	TTTTCTCCTGTGCCAAGGTGTTTAAAGGGAGTTCCTTAATTTCTCTCCattagatttagt	532234
Sbjct	138361	TTTTCTCCTGTGCCAAGGTGTTTAAAGGGAGTTCCTTAATTTCTCTCCATTAGATTTAGT	138420
Query	532235	gtgtttgaattttatgttacttatttatttatttatttttaccttttgctttcagcttac	532294
Sbjct	138421	GTGTTTGAATTTTATGTTACTTATTTATTTATTTATTTTACCTTTTGCTTTCAGCTTAC	138480
Query	532295	tgaatttttcttttcttttttttttttcttttcttttCAGGAATGTAAGCGTCCCCTGGA	532354
Sbjct	138481	TGAATTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTTCTCAGGAATGTAAGCGTCCCCTGGA	138540
Query	532355	AGCTTTTGGCTTTGAGCAAGCTACACAGGAGTATACGTTGCAGAGTTTGGTGAGATGGC	532414
Sbjct	138541	AGCTTTTGGCTTTGAGCAAGCTACACAGGAGTATACGTTGCAGAGTTTGGTGAGATGGC	138600
Query	532415	TGATTCTTCAAGGCTGACTACTTCAACATGCCTGTACATGTATGTGACTGTATGATTAA	532474
Sbjct	138601	TGATTCTTCAAGGCTGACTACTTCAACATGCCTGTACATGTATGTGACTGTATGATTAA	138660
Query	532475	TGTCTGCTAGTCTTATGAAAGGAAATACAAGTGAACCGTGAGAATCTTTTACCTTTCTC	532534

Sbjct	138661	TGTCTGCTAGTCTTATGAAAGGAAATACAAGTGAACCGTGAGAATCTTTTCACCTTTCTC	138720
Query	532535	ATAGATGGTACCTACAGAAAGTTGTGGAAAAGGAATTCTGGAGGCTGGTGAGCAGCATTGA	532594
Sbjct	138721	ATAGATGGTACCTACAGAAAGTTGTGGAAAAGGAATTCTGGAGGCTGGTGAGCAGCATTGA	138780
Query	532595	GGAGGATGTGACAGTTGAGTATGGAGCAGACATTCACTCCAAAGAATTTGGCAGTGGGTT	532654
Sbjct	138781	GGAGGATGTGACAGTTGAGTATGGAGCAGACATTCACTCCAAAGAATTTGGCAGTGGGTT	138840
Query	532655	TCCTGTCAACAATAGCAAATGGACCTTATCTCCTGAAGAAAAGGTAATTTGCCTAATATC	532714
Sbjct	138841	TCCTGTCAACAATAGCAAATGGACCTTATCTCCTGAAGAAAAGGTAATTTGCCTAATATC	138900
Query	532715	TACTTTGCCCCGTTTCATTTCATATGATTGCATTTTGTGGATTTTTATTGCTCTCCCTTT	532774
Sbjct	138901	TACTTTGCCCCGTTTCATTTCATATGATTGCATTTTGTGGATTTTTATTGCTCTCCCTTT	138960
Query	532775	ATTTCAATTTCTCATGCAAATAGTATTCTTACTACATTTTCCCTCTCTCAACTCCAAACA	532834
Sbjct	138961	ATTTCAATTTCTCATGCAAATAGTATTCTTACTACATTTTCCCTCTCTCAACTCCAAACA	139020
Query	532835	TTCCCCAGCTCTCCTCTACTCCATTTCTGTCTCTGATTAGAGAGAACAGGCTTCTAAGA	532894
Sbjct	139021	TTCCCCAGCTCTCCTCTACTCCATTTCTGTCTCTGATTAGAGAGAACAGGCTTCTAAGA	139080
Query	532895	GATAGTAACCAAACATGACAAAATAAAGTATAATAAAACAAAAACATTATTATGTAGAAG	532954
Sbjct	139081	GATAGTAACCAAACATGACAAAATAAAGTATAATAAAACAAAAACATTATTATGTAGAAG	139140
Query	532955	TTGGACAAGGTAACCCATGGAATGAAAGGAGTCCCAAGAGGAGACATAAGGATCAGAGA	533014
Sbjct	139141	TTGGACAAGGTAACCCATGGAATGAAAGGAGTCCCAAGAGGAGACATAAGGATCAGAGA	139200
Query	533015	CTCACTTATTTCACACACTGAGGAGTCCAATAAAAAATACTAAGCTGAAAGCTGTATATACA	533074
Sbjct	139201	CTCACTTATTTCACACACTGAGGAGTCCAATAAAAAATACTAAGCTGAAAGCTGTATATACA	139260
Query	533075	CCGAGGACCTGGTATAGAAGTCTGAGAACCCCTATGATTACTGCTTCAGTCTTAGTGAGTA	533134
Sbjct	139261	CCGAGGACCTGGTATAGAAGTCTGAGAACCCCTATGATTACTGCTTCAGTCTTAGTGAGTA	139320
Query	533135	CATATGAGCCTTCTCTCAGTTGTTTTAGAGAACCTTGTTCTTGTTGCTCTCTGCTCTA	533194
Sbjct	139321	CATATGAGCCTTCTCTCAGTTGTTTTAGAGAACCTTGTTCTTGTTGCTCTCTGCTCTA	139380
Query	533195	TCACTAACCCCTTTTCTCTTCTTCCACAGGGTTTCCCTGAGCTGTAAGGGGAGGAATTTGTG	533254
Sbjct	139381	TCACTAACCCCTTTTCTCTTCTTCCACAGGGTTTCCCTGAGCTGTAAGGGGAGGAATTTGTG	139440
Query	533255	Gtctctgtctcttctgtctcttctctctctccctctctctctctgctctctctctctctcc	533314
Sbjct	139441	GTCTCTGTCTTTGTCTCTTTCTCTCTCCCTCTCTCCTCTGCCTCCTCTTCTCTTCTCTCC	139500
Query	533315	tcttctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctct	533374
Sbjct	139501	TCTTCTTCTCTCTCTATACTTTCCCTTCCTCTTTCCCTTCCCTCCCTCCTTTTCTGTCTGT	139560
Query	533375	gtctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctct	533434
Sbjct	139561	GTCTCTCTTTTCTCTTTCTCCCTCTGACATCCAATTTAGAGAGGAATATTTCAAGATGCCT	139620
Query	533435	TTCTTTTCTCTCTGCATAATGGCTGACTGTGGGTCTCTGTATTTGTTCCAATTTACTGCAG	533494
Sbjct	139621	TTCTTTTCTCTCTGCATAATGGCTGACTGTGGGTCTCTGTATTTGTTCCAATTTACTGCAG	139680
Query	533495	GAGTAAGCTTTTCTGATTGTAGATGGCTGTCTAGTCTCTGGTTCTTAGTCACCCAAGGTC	533554
Sbjct	139681	GAGTAAGCTTTTCTGATTGTAGATGGCTGTCTAGTCTCTGGTTCTTAGTCACCCAAGGTC	139740
Query	533555	TGTTATGATTGGCTTCCATTTTGTAGGGGAACCTTAAGTCAAATCATACATTGTTGGTC	533614
Sbjct	139741	TGTTATGATTGGCTTCCATTTTGTAGGGGAACCTTAAGTCAAATCATACATTGTTGGTC	139800
Query	533615	ATTCCTTACAAGGTTTGTGCCACTTTTGCACCTAACGCATTTTACAGTCAAGATCGCTCTA	533674
Sbjct	139801	ATTCCTTACAAGGTTTGTGCCACTTTTGCACCTAACGCATTTTACAGTCAAGATCGCTCTA	139860
Query	533675	TTGATCAAAGAATTTGTAGCTTTCTCTTTTAGCAGCCTGCAAAGTACCTTTTATAACAA	533734
Sbjct	139861	TTGATCAAAGAATTTGTAGCTTTCTCTTTTAGCAGCCTGCAAAGTACCTTTTATAACAA	139920
Query	533735	GACTTTAGAAAGTAGGGATGAATGTTCTCAGTACTAGCCCTATCTTTTCATGTTCAATAA	533794
Sbjct	139921	GACTTTAGAAAGTAGGGATGAATGTTCTCAGTACTAGCCCTATCTTTTCATGTTCAATAA	139980
Query	533795	GTTGTGTGGGTGTTGATTTTCAGCAATGAGGCCCTGCTTTTCAGCTTATGGAGAGCATTTAC	533854
Sbjct	139981	GTTGTGTGGGTGTTGATTTTCAGCAATGAGGCCCTGCTTTTCAGCTTATGGAGAGCATTTAC	140040

Query	533855	TGTC AATTGT CAGTCTGGATTGTTTGGGGATTTTCATGGTATGTCTTTGGCAGAAACTAA	533914
Sbjct	140041	TGTC AATTGT CAGTCTGGATTGTTTGGGGATTTTCATGGTATGTCTTTGGCAGAAACTAA	140100
Query	533915	ATTGGATAGGCCCCGATATCAGTACTAGAAGCTTCATTTGGTGACATGAGATGGCCAGTT	533974
Sbjct	140101	ATTGGATAGGCCCCGATATCAGTACTAGAAGCTTCATTTGGTGACATGAGATGGCCAGTT	140160
Query	533975	GGGACTCAATCTCCCTCATTATTTTAAAGACCTCAATAGGATACTATTCATATATTTTAT	534034
Sbjct	140161	GGGACTCAATCTCCCTCATTATTTTAAAGACCTCAATAGGATACTATTCATATATTTTAT	140220
Query	534035	GGAGTTTCTACTTAAACTAGATTTCCATATTAATTGTTAGATGCCCTGCAGTTTATAGCTG	534094
Sbjct	140221	GGAGTTTCTACTTAAACTAGATTTCCATATTAATTGTTAGATGCCCTGCAGTTTATAGCTG	140280
Query	534095	TCTCTCTTTACATTtcctccctcaatcctccctcctgtgttcctctccacttgaacctct	534154
Sbjct	140281	TCTCTCTTTACATTTCTCCCTCAATCTCCCTCCTGTGTTCCTCTCCACTGAACCTCT	140340
Query	534155	ccttcctGCAAAAGACCTTTCCACTCCTAATCCAGCCAGGCTGACACCATGCATAAAAT	534214
Sbjct	140341	CCTTCCTGCAAAAGACCTTTCCACTCCTAATCCAGCCAGGCTGACACCATGCATAAAAT	140400
Query	534215	GTATTCTAATTATCACTGCCAGAGAGATTTCATGTGTTATCTCTACTCACTTTAAAAATAC	534274
Sbjct	140401	GTATTCTAATTATCACTGCCAGAGAGATTTCATGTGTTATCTCTACTCACTTTAAAAATAC	140460
Query	534275	CTAttttttttCTTGGTCTATGGACTGTTGCTTGGATATCACTTAGTTAGTGGCTACTAT	534334
Sbjct	140461	CTATTTTTTTTCTTGGTCTATGGACTGTTGCTTGGATATCACTTAGTTAGTGGCTACTAT	140520
Query	534335	GCAATTATGACCAAATACCTACCCTACTTATCTTTCTGATTTAGGTTACCTCCCTCTGGT	534394
Sbjct	140521	GCAATTATGACCAAATACCTACCCTACTTATCTTTCTGATTTAGGTTACCTCCCTCTGGT	140580
Query	534395	AGATGGACTATTTGATTATTTATTTGTTATTTGGTTCATCATTTCCATGAAAATATCAC	534454
Sbjct	140581	AGATGGACTATTTGATTATTTATTTGTTATTTGGTTCATCATTTCCATGAAAATATCAC	140640
Query	534455	AATGTTAtttttttCATTATTTCTGACAGCAGTTTCCTCTTCTCCACTCTTCCCAGTTC	534514
Sbjct	140641	AATGTTATTTTTTTTCATTATTTCTGACAGCAGTTTCCTCTTCTCCACTCTTCCCAGTTC	140700
Query	534515	CCCTCTTTACCCCATTTCCCCCACATCCACTAACTACTCttttgttactgttttttgc	534574
Sbjct	140701	CCCTCTTTACCCCATTTCCCCCACATCCACTAACTACTCTTTTGTTACTGTTTTTGC	140760
Query	534575	tttgttttattttCAAAGAAAACATCAGGCCTCACAGTTATATCAACCAGAGACAGCATA	534634
Sbjct	140761	TTTGTTTTATTTTCAAAGAAAACATCAGGCCTCACAGTTATATCAACCAGAGACAGCATA	140820
Query	534635	ACAAGTTACAGTAGTACTAGACACAACCATTTTATCAAGGCTGAACCAGGCAACCCCAGG	534694
Sbjct	140821	ACAAGTTACAGTAGTACTAGACACAACCATTTTATCAAGGCTGAACCAGGCAACCCCAGG	140880
Query	534695	AGGATGAAGAGAAAGTGAAAGAGTAAGAGATGAATGCCCCATTCCCATTTAGGAACCCCA	534754
Sbjct	140881	AGGATGAAGAGAAAGTGAAAGAGTAAGAGATGAATGCCCCATTCCCATTTAGGAACCCCA	140940
Query	534755	TGAGGACTTCACACTGACACAAACCACAGCACTTACACAGAGGATCTAGAGGATCTAGCA	534814
Sbjct	140941	TGAGGACTTCACACTGACACAAACCACAGCACTTACACAGAGGATCTAGAGGATCTAGCA	141000
Query	534815	TACAGGGTCCAGGAGTGTAACCTTGACTTACTGCAAGTCCTTTTGATTCCCTGCTTAGTTG	534874
Sbjct	141001	TACAGGGTCCAGGAGTGTAACCTTGACTTACTGCAAGTCCTTTTGATTCCCTGCTTAGTTG	141060
Query	534875	TTCTGTGGGCCTTGCTCTCCTGGTGTCTTCACCCCTCTGGCCCCACAAATCTTCTCTCC	534934
Sbjct	141061	TTCTGTGGGCCTTGCTCTCCTGGTGTCTTCACCCCTCTGGCCCCACAAATCTTCTCTCC	141120
Query	534935	CCTCTTCCAAAGGATTCACATGGCTCCCCCTAATTTTGGTGGAGGGTCTCTGCATCTGC	534994
Sbjct	141121	CCTCTTCCAAAGGATTCACATGGCTCCCCCTAATTTTGGTGGAGGGTCTCTGCATCTGC	141180
Query	534995	TCCCATAGTTGCTAGATGACTCCTCTTTGATAATACTTGAGCTAGGTACTGATCTATGG	535054
Sbjct	141181	TCCCATAGTTGCTAGATGACTCCTCTTTGATAATACTTGAGCTAGGTACTGATCTATGG	141240
Query	535055	GTATAGAGAATATCATTAGGAATACTTGTACTGActtttttccattcctttcctttcctt	535114
Sbjct	141241	GTATAGAGAATATCATTAGGAATACTTGTACTGACTTTTTTCCATTCTTTCTTTCTCTT	141300
Query	535115	tttattcctttgttttttctttttgttttcaagtcatttttGAGTCTGATTCTATGCTGGG	535174
Sbjct	141301	TTTATTCTTTGTTTTTTCTTTTGTTTTCAAGTCATTTTGGAGTCTGATTCTATGCTGGG	141360
Query	535175	TTTCTGGGTGGTCTCTCTGTTTCTGGCCCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTC	535234

Sbjct	141361	TTTCTGGGTGGTCCTCCTCTGGTTTCTGGCCCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTC	141420
Query	535235	TTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTAT	535294
Sbjct	141421	TTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTAT	141480
Query	535295	CCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGAAGGTTTATGGATGGGTTAATG	535354
Sbjct	141481	CCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGAAGGTTTATGGATGGGTTAATG	141540
Query	535355	TACCAGTCCCGCACTGGGACCCCTTGTGTAGTTTCTGAGATGGTTGGTTTCACTACTGT	535414
Sbjct	141541	TACCAGTCCCGCACTGGGACCCCTTGTGTAGTTTCTGAGATGGTTGGTTTCACTACTGT	141600
Query	535415	CCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGACAGAGTCCAGGCACCTCTGGTGTT	535474
Sbjct	141601	CCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGACAGAGTCCAGGCACCTCTGGTGTT	141660
Query	535475	TTTAAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTTTTACA	535534
Sbjct	141661	TTTAAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTTTTACA	141720
Query	535535	TTTCCTTGATAACCTAAGGATATTGAGCATCTCTTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGT	535594
Sbjct	141721	TTTCCTTGATAACCTAAGGATATTGAGCATCTCTTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGT	141780
Query	535595	TCCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTTCATTT	535654
Sbjct	141781	TCCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTTCATTT	141840
Query	535655	GTCGATGTCCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTGATACTAGCCAAATAATGTGCAC	535714
Sbjct	141841	GTCGATGTCCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTGATACTAGCCAAATAATGTGCAC	141900
Query	535715	TCACACTGTTTGTGAGATGTGGAGTTGGTAAAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTT	535774
Sbjct	141901	TCACACTGTTTGTGAGATGTGGAGTTGGTAAAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTT	141960
Query	535775	TGTCCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGTCCCATTATCAGTTGTTGAAGC	535834
Sbjct	141961	TGTCCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGTCCCATTATCAGTTGTTGAAGC	142020
Query	535835	TGAGTGGTTTTGTGTTCTGTTTCAAAAATTGTCTCCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTT	535894
Sbjct	142021	TGAGTGGTTTTGTGTTCTGTTTCAAAAATTGTCTCCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTT	142080
Query	535895	CCCACCTTCTCTTCTGTTAGGTTTAGTGATCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCAC	535954
Sbjct	142081	CCCACCTTCTCTTCTGTTAGGTTTAGTGATCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCAC	142140
Query	535955	TTGGACTGGAGTTTTGTGCAGGGTGGTAGATATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCT	536014
Sbjct	142141	TTGGACTGGAGTTTTGTGCAGGGTGGTAGATATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCT	142200
Query	536015	GACATGCACTTAGACCAGCACCATTGTCAAAGAGGCTTTCTTTTTTCCAGTGTGTAATT	536074
Sbjct	142201	GACATGCACTTAGACCAGCACCATTGTCAAAGAGGCTTTCTTTTTTCCAGTGTGTAATT	142260
Query	536075	CAGCTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGTAGATTATCTCTGAGTCTTAGA	536134
Sbjct	142261	CAGCTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGTAGATTATCTCTGAGTCTTAGA	142320
Query	536135	TTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCtttttttattttttAATATCAATACCATGCAGT	536194
Sbjct	142321	TTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCTTTTTTTATTTATTTTAAATATCAATACCATGCAGT	142380
Query	536195	TTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTAT	536254
Sbjct	142381	TTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTAT	142440
Query	536255	TATTCtttttttttttttttttttttCTCTCCGGAGTTGGGGACCGAACCAGGGCCTTG	536314
Sbjct	142441	TATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTCTCCGGAGTTGGGGACCGAACCAGGGCCTTG	142500
Query	536315	CGCTTCCTCGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAAT	536374
Sbjct	142501	CGCTTCCTCGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAAT	142560
Query	536375	ATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTtttttgtttttCCATTTGAAGTTGAATATTGTT	536434
Sbjct	142561	ATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTTTTTTGTTTTTTCCATTTGAAGTTGAATATTGTT	142620
Query	536435	CTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAG	536494
Sbjct	142621	CTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAG	142680
Query	536495	ATTTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGG	536554
Sbjct	142681	ATTTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGG	142740

Query	536555	AAACCTTTCCATCTTCTGATCTCTTCTTCAATTTCTTTGACGTTTTGGTCATAGAAGTCT	536614
Sbjct	142741	AAACCTTTCCATCTTCTGATCTCTTCTTCAATTTCTTTGACGTTTTGGTCATAGAAGTCT	142800
Query	536615	TTCACCTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAG	536674
Sbjct	142801	TTCACCTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAG	142860
Query	536675	GGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTTTCAGTCTCCCCCTCCCCCTTTTTATTTAGGAAGAGTA	536734
Sbjct	142861	GGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTTTCAGTCTCCCCCTCCCCCTTTTTATTTAGGAAGAGTA	142920
Query	536735	CTGTTTTCTCAGTTAATTTTCTGTCTAGCTACCTTGATGAAAGTGTTACCAAGTGTGAG	536794
Sbjct	142921	CTGTTTTCTCAGTTAATTTTCTGTCTAGCTACCTTGATGAAAGTGTTACCAAGTGTGAG	142980
Query	536795	TACATCTGAGTTTCTGTTGGAATTTTGAGGGCTAGTTATGTATACTGTCATATCttttt	536854
Sbjct	142981	TACATCTGAGTTTCTGTTGGAATTTTGAGGGCTAGTTATGTATACTGTCATATCTTTTT	143040
Query	536855	tttttttCTGTCCGGAGCTGAGGACCGAACCACGGCCTTGCTGCTGCTAGGCAAGTGCT	536914
Sbjct	143041	TTTTTTTCTGTCCGGAGCTGAGGACCGAACCACGGCCTTGCTGCTGCTAGGCAAGTGCT	143100
Query	536915	CTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCATATCtttttttttttttggttctttttttCGG	536974
Sbjct	143101	CTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCATATCTTTTTTTTTTTTTTGTCTTTTTTTCGG	143160
Query	536975	AGCTGGTGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAA	537034
Sbjct	143161	AGCTGGTGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAA	143220
Query	537035	ATCCCCAGCCCCATATCtttttttttAAAATAATGAACTTTGACTTCCATTCTTTGATT	537094
Sbjct	143221	ATCCCCAGCCCCATATCTTTTTTTTAAAATAATGAACTTTGACTTCCATTCTTTGATT	143280
Query	537095	TTCTCTCATTCAATTTAGCCATGTCTGCATGCACATATTTGAAATGAGATGAGAAAGTGGG	537154
Sbjct	143281	TTCTCTCATTCAATTTAGCCATGTCTGCATGCACATATTTGAAATGAGATGAGAAAGTGGG	143340
Query	537155	CAACCTGATTTTAGTGGAATTGGTTTTAGTTTCTCTCCATTTAAGTTGATTTCGACTACT	537214
Sbjct	143341	CAACCTGATTTTAGTGGAATTGGTTTTAGTTTCTCTCCATTTAAGTTGATTTCGACTACT	143400
Query	537215	ATGGGTTTGTGCAAAATACCTTCATTATGTATGTATTATGTATGTGTAGTGTATCTTTT	537274
Sbjct	143401	ATGGGTTTGTGCAAAATACCTTCATTATGTATGTATTATGTATGTGTAGTGTATCTTTT	143460
Query	537275	TTCCAGAATTTTATTTTGAAGCATTGTTGAATTTTGTCAAAGGTCTTTTCTCCATCTCA	537334
Sbjct	143461	TTCCAGAATTTTATTTTGAAGCATTGTTGAATTTTGTCAAAGGTCTTTTCTCCATCTCA	143520
Query	537335	TAAGATAATCACAACCTGTTTATAGTCCTTCAATTTCAATTTATCAATACTTATCAATTTTA	537394
Sbjct	143521	TAAGATAATCACAACCTGTTTATAGTCCTTCAATTTCAATTTATCAATACTTATCAATTTTA	143580
Query	537395	TATATTGAGCCATCCTTGCACTCTGCAATGAAGCTTACTGAGTCATGGTTGATGATCTT	537454
Sbjct	143581	TATATTGAGCCATCCTTGCACTCTGCAATGAAGCTTACTGAGTCATGGTTGATGATCTT	143640
Query	537455	TTTGATGTGTTCTTGGTTTCAGTTTTCTAGTATTTTAGTGAAAAAATTTGCATGTGTCAC	537514
Sbjct	143641	TTTGATGTGTTCTTGGTTTCAGTTTTCTAGTATTTTAGTGAAAAAATTTGCATGTGTCAC	143700
Query	537515	GAAGGCCGGTAATTCTGTTGAAACTGTGTAGTTTGGGCATCAGAGTAAATGTAGCATCTT	537574
Sbjct	143701	GAAGGCCGGTAATTCTGTTGAAACTGTGTAGTTTGGGCATCAGAGTAAATGTAGCATCTT	143760
Query	537575	AAAATGAATTGGGCGGTTTTTCTATTCTGTTTCTAGTTTGTGAAACAATTTACAGAGTAC	537634
Sbjct	143761	AAAATGAATTGGGCGGTTTTTCTATTCTGTTTCTAGTTTGTGAAACAATTTACAGAGTAC	143820
Query	537635	TGTCCTCAGCTCCTCTCTGGTAGAGGAAGTCTGGTAGAATTCTGTGCTAAAAGTATCAGA	537694
Sbjct	143821	TGTCCTCAGCTCCTCTCTGGTAGAGGAAGTCTGGTAGAATTCTGTGCTAAAAGTATCAGA	143880
Query	537695	CCCTGGGGTTGGGGATTTAGCTGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGG	537754
Sbjct	143881	CCCTGGGGTTGGGGATTTAGCTGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGG	143940
Query	537755	TTCACTCCCCAGCTCCGAGaaaaagaaaaaagaaaaaaaaaGTGTCAGACCCTGGGCAT	537814
Sbjct	143941	TTCACTCCCCAGCTCCGAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGTGTGTCAGACCCTGGGCAT	144000
Query	537815	TTGTTTTTTGGGAAACGTATGATGGCTTCTATTTCTCTAGTGGTTATATGTTCAATTTAAT	537874
Sbjct	144001	TTGTTTTTTGGGAAACGTATGATGGCTTCTATTTCTCTAGTGGTTATATGTTCAATTTAAT	144060
Query	537875	TTGcttttttttttttGGTCTTAATTTAACTTTGGTTTGTGCTACATAGCAGGAAATTA	537934



Sbjct	144061	TTGCTTTTTTTTTTTTTTGGTCTTAATTTAACTTTGGTTTGTGCTACATAGCAGGAAAATTA	144120
Query	537935	TTTATTTCCTTTAGATTTTGCAGTTATGTGAAC TACAGGTTTAAAGGTATGCCTCCATGC	537994
Sbjct	144121	TTTATTTCCTTTAGATTTTGCAGTTATGTGAAC TACAGGTTTAAAGGTATGCCTCCATGC	144180
Query	537995	ATTTCCTTGATGTCTGATTTTGAATATTTCTCTTTATGGTTTAGGTAGTTCAGATTAGAGG	538054
Sbjct	144181	ATTTCCTTGATGTCTGATTTTGAATATTTCTCTTTATGGTTTAGGTAGTTCAGATTAGAGG	144240
Query	538055	tttccttcccttcctccctccccccctccttcccttccttcttttcctatctttcttttttG	538114
Sbjct	144241	TTTCCTTCCTTCCTCCCTCCCCCTCCTTCCTTCCTTCTTTCCTATCTTTCTTTTTTG	144300
Query	538115	AACCATGTTGTTGATGTTCTAGAAGAACCAATTCTTTGTTTCAGTGAATCTTTAAATTGT	538174
Sbjct	144301	AACCATGTTGTTGATGTTCTAGAAGAACCAATTCTTTGTTTCAGTGAATCTTTAAATTGT	144360
Query	538175	TATCTTTTTGATTTTACTGATTTTCAGCCCCGAGCTTGATTAAATTATTGCCATCAGTCTTT	538234
Sbjct	144361	TATCTTTTTGATTTTACTGATTTTCAGCCCCGAGCTTGATTAAATTATTGCCATCAGTCTTT	144420
Query	538235	TTGGGTGTGCTTGCTTCTTTTCCTTCTAAAGCTTTTAGGTATGTTGTTAATTTGCTGGTA	538294
Sbjct	144421	TTGGGTGTGCTTGCTTCTTTTCCTTCTAAAGCTTTTAGGTATGTTGTTAATTTGCTGGTA	144480
Query	538295	TGAGATTGAACAAggttggtggtgttggttggttggttggttttaagtgttcacacaacttgc	538354
Sbjct	144481	TGAGATTGAACAAAGTTGTGTGGTTTGTTGTTTGTTGTTTAAATGTTACACAACCTTGC	144540
Query	538355	atctttggaactgttttcttttggtgtgtCCTTTAAGTTTGGTTATGGTTTGTGTTcattttc	538414
Sbjct	144541	ATCTTTGAACGTTTTCTTTGTGTGTCTTTAAGTTTGGTTATGGTTTGTGTTCAATTTTC	144600
Query	538415	attgaattatagaaagtcttttttaattacttccatttttaacccattttttctca	538474
Sbjct	144601	ATTGAATTATAGAAAGTCTTTTTTAATTACTTCATTTCCATTTTAACCCATTTTCTCA	144660
Query	538475	gttacataaatttatttGAGCTAAATTAGCCATCTCCTGATTCACGCAACTTAGTGTTGTT	538534
Sbjct	144661	GTTACATAAATTATTTGAGCTAAATTAGCCATCTCCTGATTCACGCAACTTAGTGTTGTT	144720
Query	538535	TTAATGGATGTGGAATTTTCTATAATTTCATAATCTGCCAAATGTCATTACTCTTGATA	538594
Sbjct	144721	TTAATGGATGTGGAATTTTCTATAATTTCATAATCTGCCAAATGTCATTACTCTTGATA	144780
Query	538595	ATGTGATGAATAAACTTATTTTTATTACTATGATACATCATTTCTTGAAAACA tttttttt	538654
Sbjct	144781	ATGTGATGAATAAACTTATTTTTATTACTATGATACATCATTTCTTGAAAACATTTTTTTT	144840
Query	538655	AACTCTGTATCGAGTTGTTTAAATTTCCACAAGTTTGTAACCTTCTGTTCTTTCTGTCAT	538714
Sbjct	144841	AACTCTGTATCGAGTTGTTTAAATTTCCACAAGTTTGTAACCTTCTGTTCTTTCTGTCAT	144900
Query	538715	TGTTGATATCCAGCCTTAATCCATGGTAGTTAGACAGGATGAAGAGAATTACTGCAGCTT	538774
Sbjct	144901	TGTTGATATCCAGCCTTAATCCATGGTAGTTAGACAGGATGAAGAGAATTACTGCAGCTT	144960
Query	538775	TCTTGTTTTTTGTGAAACTTTCTTTGTGTTCAAGAATATGGTCAAGTTTTGAGGAAGTTC	538834
Sbjct	144961	TCTTGTTTTTTGTGAAACTTTCTTTGTGTTCAAGAATATGGTCAAGTTTTGAGGAAGTTC	145020
Query	538835	CATGAGGTACTGAGAAGAAGGTATCTTCTTTTGTGTTTGTGTTGAAGTATTCTGTAAATGG	538894
Sbjct	145021	CATGAGGTACTGAGAAGAAGGTATCTTCTTTTGTGTTTGTGTTGAAGTATTCTGTAAATGG	145080
Query	538895	ATTAAGACTTTTTGATTCATAAAATTTACAAGCTTCAGCATTTCTGTTTTTGTCTAGATG	538954
Sbjct	145081	ATTAAGACTTTTTGATTCATAAAATTTACAAGCTTCAGCATTTCTGTTTTTGTCTAGATG	145140
Query	538955	GTATGTACAGCAGTAAGAGCAGGGTATTGAACTCTTGACTATTAGTGTTAAATGGTCCA	539014
Sbjct	145141	GTATGTACAGCAGTAAGAGCAGGGTATTGAACTCTTGACTATTAGTGTTAAATGGTCCA	145200
Query	539015	TATGTGATTTAAGCTGTGGTAGTATTTCTTTTGCAAAAATGGATGTTCTTGAATTTGGGA	539074
Sbjct	145201	TATGTGATTTAAGCTGTGGTAGTATTTCTTTTGCAAAAATGGATGTTCTTGAATTTGGGA	145260
Query	539075	CATAGATATTTAAGAATTGAGATGTCATCCTCATGCATTTTCTTTTGATGACTATGAAGT	539134
Sbjct	145261	CATAGATATTTAAGAATTGAGATGTCATCCTCATGCATTTTCTTTTGATGACTATGAAGT	145320
Query	539135	ACACTTTTCTATCTCTTTAAATTAGTTTGTATTCTATTTTGTTAGATATTAAAA	539194
Sbjct	145321	ACACTTTTCTATCTCTTTAAATTAGTTTGTATTCTATTTTGTTAGATATTAAAA	145380
Query	539195	TGGTTATATCAACTTCTTTCTTAGGCCCATTTATTCAAAATATCCTTTTCCAAGCCTTTG	539254
Sbjct	145381	TGGTTATATCAACTTCTTTCTTAGGCCCATTTATTCAAAATATCCTTTTCCAAGCCTTTG	145440

Query	539255	ATATCTATTTCATTATTTTAAAGATGTGTTTCTTGGGTGCAGCAAAAGGATTCAATTCCTTAA	539314
Sbjct	145441	ATATCTATTTCATTATTTTAAAGATGTGTTTCTTGGGTGCAGCAAAAGGATTCAATTCCTTAA	145500
Query	539315	CATATGTTGTGTTCTAGATTTCCTTAAAGGGGATTGTTCAATTCATTAAAAGAGCCTCTA	539374
Sbjct	145501	CATATGTTGTGTTCTAGATTTCCTTAAAGGGGATTGTTCAATTCATTAAAAGAGCCTCTA	145560
Query	539375	CTGTATTTTATAGAGTGTTTTAAAGTCTTTTTCTTTTCTTGTGTTGTAATATTCAGACCTT	539434
Sbjct	145561	CTGTATTTTATAGAGTGTTTTAAAGTCTTTTTCTTTTCTTGTGTTGTAATATTCAGACCTT	145620
Query	539435	GCAGACATAGGATAGCTTGCTTTATCGGAGACATTGTCTGCGCCATTTCTGTGTTTTTAA	539494
Sbjct	145621	GCAGACATAGGATAGCTTGCTTTATCGGAGACATTGTCTGCGCCATTTCTGTGTTTTTAA	145680
Query	539495	GCTGGTGCCTGTGCATCTGGGATTGAGATGGTTATGTCCAGGTGCTGATTTTTGGTCCAG	539554
Sbjct	145681	GCTGGTGCCTGTGCATCTGGGATTGAGATGGTTATGTCCAGGTGCTGATTTTTGGTCCAG	145740
Query	539555	TGTTTGTTGGATACA ttttggtttttggtttttggtttttggtttttggtttttggttttt	539614
Sbjct	145741	TGTTTGTTGGATACATTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTT	145800
Query	539615	CCTCTCTAAATTTTAGGAGACTAGTTGGCTGTGCGTTGTCTGGTAGAAGATTATCTGTGG	539674
Sbjct	145801	CCTCTCTAAATTTTAGGAGACTAGTTGGCTGTGCGTTGTCTGGTAGAAGATTATCTGTGG	145860
Query	539675	ATCTGTTAGTTGTGGCTACTGAGGGTTCTGGGTAAAATGTGTTTCTGAGTATTGGAAGCT	539734
Sbjct	145861	ATCTGTTAGTTGTGGCTACTGAGGGTTCTGGGTAAAATGTGTTTCTGAGTATTGGAAGCT	145920
Query	539735	GATACTTAGGAATGGGCCAGGCATTCTCAGAAGAGAGGAGAACAAGTATTCAGCAGAAT	539794
Sbjct	145921	GATACTTAGGAATGGGCCAGGCATTCTCAGAAGAGAGGAGAACAAGTATTCAGCAGAAT	145980
Query	539795	CTACTTATTTGGTCTCTTTGAAATGGGAACAGAGTGTGAAGAGAGGTGAGCTATAGGGCT	539854
Sbjct	145981	CTACTTATTTGGTCTCTTTGAAATGGGAACAGAGTGTGAAGAGAGGTGAGCTATAGGGCT	146040
Query	539855	GGGCAGTTGGATCTGGAGGAAGCCAAGGAGAGGTCTATAATCAACCTACCTGTTTCCCTG	539914
Sbjct	146041	GGGCAGTTGGATCTGGAGGAAGCCAAGGAGAGGTCTATAATCAACCTACCTGTTTCCCTG	146100
Query	539915	AAAGGGGGTGCCCTATGGCAAGGAGGGCCTCTGGAGTTGGGAGTGGGATAAAGCAATTAG	539974
Sbjct	146101	AAAGGGGGTGCCCTATGGCAAGGAGGGCCTCTGGAGTTGGGAGTGGGATAAAGCAATTAG	146160
Query	539975	TAGGTGGAGGGAGATTAGGAGGGGAAATTTCTGTGGGATCCAGAGGAGTTGAGGGCTGTGA	540034
Sbjct	146161	TAGGTGGAGGGAGATTAGGAGGGGAAATTTCTGTGGGATCCAGAGGAGTTGAGGGCTGTGA	146220
Query	540035	GGGCAAGAAGAAGGCTACAACAGGTATTCTGTTTTCAGAGATTGGAGTGTAAGAGGAACT	540094
Sbjct	146221	GGGCAAGAAGAAGGCTACAACAGGTATTCTGTTTTCAGAGATTGGAGTGTAAGAGGAACT	146280
Query	540095	GGTTATTTTTTCAGTTCCCTACCTAATTTCCAGGCTGGCTCATTGGCATGGTCTCAGGGA	540154
Sbjct	146281	GGTTATTTTTTCAGTTCCCTACCTAATTTCCAGGCTGGCTCATTGGCATGGTCTCAGGGA	146340
Query	540155	ATACCTGCTGGTGTGGAGCCTGGAATAATAGAATGAGTCAGGGGAAGGAAGTTTTAGGA	540214
Sbjct	146341	ATACCTGCTGGTGTGGAGCCTGGAATAATAGAATGAGTCAGGGGAAGGAAGTTTTAGGA	146400
Query	540215	GAAGAGCTTCATGATCGTGGTAGGTTATTTTTCCACTGATGAAGTGAGCTAATTCAAACC	540274
Sbjct	146401	GAAGAGCTTCATGATCGTGGTAGGTTATTTTTCCACTGATGAAGTGAGCTAATTCAAACC	146460
Query	540275	AGATTAGATTATATAAAAGGCAGATTTATTGGGAAGCTGTTTCAGAGGGAGTTCACTGGCC	540334
Sbjct	146461	AGATTAGATTATATAAAAGGCAGATTTATTGGGAAGCTGTTTCAGAGGGAGTTCACTGGCC	146520
Query	540335	CAAGAATCAAAGCCAAGGTCACCATGGGAAGGGAGGAAGAGAATGAGATAAAGAGTACAC	540394
Sbjct	146521	CAAGAATCAAAGCCAAGGTCACCATGGGAAGGGAGGAAGAGAATGAGATAAAGAGTACAC	146580
Query	540395	ATGCACagagaaaaggagaggggaagtggggagaggaagagggagggagggagggagggag	540454
Sbjct	146581	ATGCACAGAGAAAGGAGAGGGAAGTGGGGAGAGGAAAGAGGGAGGGAGGGAGGGAGGGAG	146640
Query	540455	ggagtggagagagagagagagagagagagagacagacagacagacaaacagacagacacac	540514
Sbjct	146641	GGAGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGACAGACAGACAAACAGACAGACACAC	146700
Query	540515	aaagacagagacacagaggcagaaagacaaagagacaaagagagacagagagacacacaa	540574
Sbjct	146701	AAAGACAGAGACACAGAGGCAGAAAGACAAAGAGACAAAGAGAGACAGAGAGACACACAA	146760
Query	540575	agacagagacacagagacaaagagagacagagagaggggaggaaggagaccacagagTT	540634

Sbjct	146761	AGAGACACAGAGACAAAGAGAGACAGAGAGAGGGGAGGAAGGGAGACCACAGAGTT	146820
Query	540635	GTGATAAGTGGGGAATTGAATGAAGATGCAGCATAAATGAAGATCTGTGTTTCAGACTACC	540694
Sbjct	146821	GTGATAAGTGGGGAATTGAATGAAGATGCAGCATAAATGAAGATCTGTGTTTCAGACTACC	146880
Query	540695	GGCTGAAGTTGGGAAC TAGGACAAAGCAACAACTGGGAATGGAGGTTAGAAGGAAAAGC	540754
Sbjct	146881	GGCTGAAGTTGGGAAC TAGGACAAAGCAACAACTGGGAATGGAGGTTAGAAGGAAAAGC	146940
Query	540755	TCTGTGGGGTCCATGGGAAGTAGAGATGGGGGCAAAGAAGGCTGAGCCTGCTGTTTTAAT	540814
Sbjct	146941	TCTGTGGGGTCCATGGGAAGTAGAGATGGGGGCAAAGAAGGCTGAGCCTGCTGTTTTAAT	147000
Query	540815	GCAGGGCTGGATGTGATACTGGGGAGTCTTGGAGAGCAGAGGGAAAGGGTGAGGTGAAGA	540874
Sbjct	147001	GCAGGGCTGGATGTGATACTGGGGAGTCTTGGAGAGCAGAGGGAAAGGGTGAGGTGAAGA	147060
Query	540875	TCTGCAGTCAGCCTACCTGCTCTTCTTCTGGAATTGTTATTGGGTAAAGACCCAAAGACC	540934
Sbjct	147061	TCTGCAGTCAGCCTACCTGCTCTTCTTCTGGAATTGTTATTGGGTAAAGACCCAAAGACC	147120
Query	540935	ACTCAGTACAACCAAAGTTTGTAGATTAAGCCTTCTGCTTGGAGAAAAACACTTCTCACA	540994
Sbjct	147121	ACTCAGTACAACCAAAGTTTGTAGATTAAGCCTTCTGCTTGGAGAAAAACACTTCTCACA	147180
Query	540995	AAAGCAGCCATGAATGCAATTAAAGGAAtttttttAAAAGATAACACAGAAAAAGTACAT	541054
Sbjct	147181	AAAGCAGCCATGAATGCAATTAAAGGAATTTTTTTAAAAGATAACACAGAAAAAGTACAT	147240
Query	541055	TCTGGTTAGCAGTAGGTAGGGGAAGATGCAAGCAGTTCACAAAGTATTGAGAGGCTTTTG	541114
Sbjct	147241	TCTGGTTAGCAGTAGGTAGGGGAAGATGCAAGCAGTTCACAAAGTATTGAGAGGCTTTTG	147300
Query	541115	GGGTCCTGATTGAGGTTTGATAATAATAAAGACATGGACACATCTATATAGTTTAGAAAT	541174
Sbjct	147301	GGGTCCTGATTGAGGTTTGATAATAATAAAGACATGGACACATCTATATAGTTTAGAAAT	147360
Query	541175	GTTTGCCTGCTTGCTGGGGGAGTCTCTCAAATAACTTCCTAACTTAACCAGACTTCTCTG	541234
Sbjct	147361	GTTTGCCTGCTTGCTGGGGGAGTCTCTCAAATAACTTCCTAACTTAACCAGACTTCTCTG	147420
Query	541235	CCATTCCCATCTTCCCTACCTCAGCCTCAGCTGGTTTTTTATTCTACAAAAAGCTACAGTC	541294
Sbjct	147421	CCATTCCCATCTTCCCTACCTCAGCCTCAGCTGGTTTTTTATTCTACAAAAAGCTACAGTC	147480
Query	541295	CTTTTTGTTGTGTATTTTTTATCAAAAAGAAAGGGAAGCCAGGAGTATGTTTGGTAGAGGC	541354
Sbjct	147481	CTTTTTGTTGTGTATTTTTTATCAAAAAGAAAGGGAAGCCAGGAGTATGTTTGGTAGAGGC	147540
Query	541355	CTGGTATGGTAGCCGGGTGAGAGTGGGAGAAGGAGGTGTCTCTGCAGGGCCATGCTAAGG	541414
Sbjct	147541	CTGGTATGGTAGCCGGGTGAGAGTGGGAGAAGGAGGTGTCTCTGCAGGGCCATGCTAAGG	147600
Query	541415	CATCCTTTCCACCTGAGGTATCAGCCATAAGGTGCATGGAGTGTGGAATAGTGTTTATTT	541474
Sbjct	147601	CATCCTTTCCACCTGAGGTATCAGCCATAAGGTGCATGGAGTGTGGAATAGTGTTTATTT	147660
Query	541475	AGGGCATggggaggaaagttaggggggtagagacagagaaaggcagagagagggagagag	541534
Sbjct	147661	AGGGCATGGGGAGGAAAGTTGAGGGGGTAGAGACAGAGAAAGGCAGAGAGAGGGAGAGAG	147720
Query	541535	tgagggggagggagagagacatacaaagagggagggagggagggagagaggaaggtaggt	541594
Sbjct	147721	TGAGGGGGAGGGAGAGAGACATACAAAGAGGGAGGGAGGGAGGGAGAGAGGAAGGTAGGT	147780
Query	541595	aggtaggttagggagggaggaaggttaggttagggagggagggaggaagtaggttaggttaggg	541654
Sbjct	147781	AGGTAGGTAGGGAGGGAGGAAGGTAGGTAGGGAGGGAGGGAGGAAAGTAGGTAGGTAGGG	147840
Query	541655	agggaggggagggagggagggaggggaagaaggaaaggaaggaaggaaggaaggaagga	541714
Sbjct	147841	AGGGAGGGAGGGAGGGAGGGAGGGAAGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGA	147900
Query	541715	aggaaggaaggaaggaaggaagaaTAGAGGCCAGCCAGGAACACTTggagagagcaagagggg	541774
Sbjct	147901	AGGAAGGAAGGAAGGAAGGAATAGAGGCCAGCCAGGAACACTTGGAAGAGAGCAAGAGGGG	147960
Query	541775	aatggggagacaaaggacagagaggggaagaggggtaagaggttaagagagcaagagaggag	541834
Sbjct	147961	AATGGGGAGACAAGGACAGAGAGGGAAGAGGGTAAGAGGTTAAGAGAGCAAGAGAGGAGG	148020
Query	541835	gggCAAGCAGCTCTTTTTACTGAGTTGTCTATACCTGGCTATTGCCACCTAATTGTGGG	541894
Sbjct	148021	GGGCAAGCAGCTCTTTTTACTGAGTTGTCTATACCTGGCTATTGCCACCTAATTGTGGG	148080
Query	541895	GCAGAGCCTAGAAGAAATGCTAACACTAAATCACGAAGTCAGAACCAATCAGACCAGCAG	541954
Sbjct	148081	GCAGAGCCTAGAAGAAATGCTAACACTAAATCACGAAGTCAGAACCAATCAGACCAGCAG	148140

Query	541955	AACAACACCTAGTACTTCTCTTTTGGTTGATTTTTTGGCATTGAGGGCTACTTAATCTTAA	542014
Sbjct	148141	AACAACACCTAGTACTTCTCTTTTGGTTGATTTTTTGGCATTGAGGGCTACTTAATCTTAA	148200
Query	542015	CTAAGACAACCTTGCCCTCTAACATGATTATCTCAAACAATCATCTTTGGAGCAGGTGAGG	542074
Sbjct	148201	CTAAGACAACCTTGCCCTCTAACATGATTATCTCAAACAATCATCTTTGGAGCAGGTGAGG	148260
Query	542075	AAAGACAAGTATTTACATACAGAAAGCATAGAAATGGACCATAGAAAGGACGATACCAAA	542134
Sbjct	148261	AAAGACAAGTATTTACATACAGAAAGCATAGAAATGGACCATAGAAAGGACGATACCAAA	148320
Query	542135	TACTTGCCAACACTTGGCTCTGCCAACACAGCAGTTAAAAATTGAAAATGCAGGGACATA	542194
Sbjct	148321	TACTTGCCAACACTTGGCTCTGCCAACACAGCAGTTAAAAATTGAAAATGCAGGGACATA	148380
Query	542195	CCTACATAGCCATTTGATAAAATGGATGTGTGGGGTAGATTATCCCAACAAACAAGAGCC	542254
Sbjct	148381	CCTACATAGCCATTTGATAAAATGGATGTGTGGGGTAGATTATCCCAACAAACAAGAGCC	148440
Query	542255	AAGAACCTGGGGAATTTTCGACCCTGAGTTTCTAGAACAGGTTTGAGTGTTTTCCCATAGA	542314
Sbjct	148441	AAGAACCTGGGGAATTTTCGACCCTGAGTTTCTAGAACAGGTTTGAGTGTTTTCCCATAGA	148500
Query	542315	ATTTTTTTCAGGGCAAGCAGTAGAAATCAGATAGTTTCAGCTAAGACAAACTAGAGAAACC	542374
Sbjct	148501	ATTTTTTTCAGGGCAAGCAGTAGAAATCAGATAGTTTCAGCTAAGACAAACTAGAGAAACC	148560
Query	542375	TTTGCCCTGTTTTGAGCAGCCTTGACTGAAAAGTTTTAGGAACCAGAACAGTTGAAGAA	542434
Sbjct	148561	TTTGCCCTGTTTTGAGCAGCCTTGACTGAAAAGTTTTAGGAACCAGAACAGTTGAAGAA	148620
Query	542435	AATGCTCCATTAATTTTACCATTGTGTTGTATTTCATACAAAACCCATATAAAACAGCAT	542494
Sbjct	148621	AATGCTCCATTAATTTTACCATTGTGTTGTATTTCATACAAAACCCATATAAAACAGCAT	148680
Query	542495	AACAAACAAATTTGATCAATTATAaaaaaaTTTGCAAGTTCATACAAAATTCATTTATGG	542554
Sbjct	148681	AACAAACAAATTTGATCAATTATAAAAAAATTTGCAAGTTCATACAAAATTCATTTATGG	148740
Query	542555	TAGAAATAACTAATTGAGTTATAACGGAAGTTATAACGAAGTATTTTAGAAGCTATATAT	542614
Sbjct	148741	TAGAAATAACTAATTGAGTTATAACGGAAGTTATAACGAAGTATTTTAGAAGCTATATAT	148800
Query	542615	TATTGTTGAACATCAAGGAATTATTTTACTCAAGGGCACGTTATTTTGGTGAACATCA	542674
Sbjct	148801	TATTGTTGAACATCAAGGAATTATTTTACTCAAGGGCACGTTATTTTGGTGAACATCA	148860
Query	542675	CAAAATTATGTAATCATTATATAATTATTGTTTCAGCATCATGACATAGTACTAGA	542734
Sbjct	148861	CAAAATTATGTAATCATTATATAATTATTGTTTCAGCATCATGACATAGTACTAGA	148920
Query	542735	GAATTAATATTTTACTTTATGTAAAATACTGGTTTtaggagagatttatTTTCACAAAAC	542794
Sbjct	148921	GAATTAATATTTTACTTTATGTAAAATACTGGTTTtaggagagatttatTTTCACAAAAC	148980
Query	542795	ATAGGCTACTGAAGGTAATCAATTCAGCAAATGTGACTGAAATTTTTTGTGAGGTATATC	542854
Sbjct	148981	ATAGGCTACTGAAGGTAATCAATTCAGCAAATGTGACTGAAATTTTTTGTGAGGTATATC	149040
Query	542855	TGTATAATTGTTAACTTAACAGTTTCTTTTTTACTGGATATTTGTATTTACATTAGAAA	542914
Sbjct	149041	TGTATAATTGTTAACTTAACAGTTTCTTTTTTACTGGATATTTGTATTTACATTAGAAA	149100
Query	542915	TGTTATTCCCTTTCCAGTTTTCCTGTTCATGATTCTCAccctctccccctccccctccc	542974
Sbjct	149101	TGTTATTCCCTTTCCAGTTTTCCTGTTCATGATTCTCACCCCTCTCCCCCTCCCCCTCCC	149160
Query	542975	cctACTTCTTTAAGGGTTTTCTCTCCCAAACCAGCCTCCCTTTCTGCCTCCTGGCCTGG	543034
Sbjct	149161	CCTACTTCTTTAAGGGTTTTCTCTCCCAAACCAGCCTCCCTTTCTGCCTCCTGGCCTGG	149220
Query	543035	ACATTGACCTACACTGTGGGGACCAGTCATGACAGGACCAAGGGCCTCTCCCACCGTTGG	543094
Sbjct	149221	ACATTGACCTACACTGTGGGGACCAGTCATGACAGGACCAAGGGCCTCTCCCACCGTTGG	149280
Query	543095	TGCCCAACAAGGTCATCCTGTGCTACATATGCAGCTGGAGCCATGGGTCACTCCATGAGA	543154
Sbjct	149281	TGCCCAACAAGGTCATCCTGTGCTACATATGCAGCTGGAGCCATGGGTCACTCCATGAGA	149340
Query	543155	ACTCTTTGGATGGTGCTTTAGTCCCTGGGAGATCCCTCCGGTTGGTTGGCATTGTTATTC	543214
Sbjct	149341	ACTCTTTGGATGGTGCTTTAGTCCCTGGGAGATCCCTCCGGTTGGTTGGCATTGTTATTC	149400
Query	543215	TTAATGGTGTTGCAAGCCCTTTGGCTCCATCAATCCTTTCTCTAACTTCTCCAACGGGG	543274
Sbjct	149401	TTAATGGTGTTGCAAGCCCTTTGGCTCCATCAATCCTTTCTCTAACTTCTCCAACGGGG	149460
Query	543275	ACCCCATAAATTGGTACAGTGGTTTGCTGCTAGCATTCGCCCCGTATTTGTATGCTCTC	543334

Sbjct	149461	CATAATTGGTACAGTGGTTTGGCTGCTAGCATTCGCCCCGTATTTGTTATGCTCTC	149520
Query	543335	ACTGAGCTTCCAAGGAGACAGCTATGTCAGGCTCCTCTCAACATGCACTTCTTGGTTTCA	543394
Sbjct	149521	ACTGAGCTTCCAAGGAGACAGCTATGTCAGGCTCCTCTCAACATGCACTTCTTGGTTTCA	149580
Query	543395	TCCGTATTGTCTAGGTTTGGTAGATGTATATATAAAGGGCTGGATCCCCAGGTAGATCAGG	543454
Sbjct	149581	TCCGTATTGTCTAGGTTTGGTAGATGTATATATAAAGGGCTGGATCCCCAGGTAGATCAGG	149640
Query	543455	GTATAAAGGGACATTCCCTTCAGTCACTGCTTCAAACCTTTGTCTCCATATATGCTCCTAAG	543514
Sbjct	149641	GTATAAAGGGACATTCCCTTCAGTCACTGCTTCAAACCTTTGTCTCCATATATGCTCCTAAG	149700
Query	543515	AATATTTTTGTTCCTCCCTTTTAATAAGGACTGAAACATCTGCCCTTTGGTTGTCCTTCTT	543574
Sbjct	149701	AATATTTTTGTTCCTCCCTTTTAATAAGGACTGAAACATCTGCCCTTTGGTTGTCCTTCTT	149760
Query	543575	GAACCTTCATGTGGTCTGTGGATAGTATCTTGGGTAATTTGAGGTTTTGGGCTAATATCCA	543634
Sbjct	149761	GAACCTTCATGTGGTCTGTGGATAGTATCTTGGGTAATTTGAGGTTTTGGGCTAATATCCA	149820
Query	543635	GTTATCAGTGATTGTTTACCATGTGTGTTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATG	543694
Sbjct	149821	GTTATCAGTGATTGTTTACCATGTGTGTTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATG	149880
Query	543695	ATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTATGAATTCATAAAGTCATTGTTTTTGATGGCT	543754
Sbjct	149881	ATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTATGAATTCATAAAGTCATTGTTTTTGATGGCT	149940
Query	543755	GAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGG	543814
Sbjct	149941	GAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGG	150000
Query	543815	CATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAG	543874
Sbjct	150001	CATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAG	150060
Query	543875	CACGTGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTGTAGCT	543934
Sbjct	150061	CACGTGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTGTAGCT	150120
Query	543935	GGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAAT	543994
Sbjct	150121	GGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAAT	150180
Query	543995	GGTGTGACCAGTTTGCAGTCCCAACGATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCT	544054
Sbjct	150181	GGTGTGACCAGTTTGCAGTCCCAACGATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCT	150240
Query	544055	CGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGA	544114
Sbjct	150241	CGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGA	150300
Query	544115	AATCTCAGGGTTGTTTTGATTTCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTT	544174
Sbjct	150301	AATCTCAGGGTTGTTTTGATTTCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTT	150360
Query	544175	AGGTGCTTCTCAGCCATTGGGCATTCTCAGCTATGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCC	544234
Sbjct	150361	AGGTGCTTCTCAGCCATTGGGCATTCTCAGCTATGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCC	150420
Query	544235	CATTGtttttttGGTTCTTTTATTTTCGAGCTGGGGACCGAACCCAGGACCTTACGCTTC	544294
Sbjct	150421	CATTGTTTTTTTGGTTCTTTTATTTTCGAGCTGGGGACCGAACCCAGGACCTTACGCTTC	150480
Query	544295	CTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAAccccccccccccATTTTTTAATA	544354
Sbjct	150481	CTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCCCCCCCCCCATTTTTTAATA	150540
Query	544355	GGGTTATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTCTGGATACAAGC	544414
Sbjct	150541	GGGTTATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTCTGGATACAAGC	150600
Query	544415	TCTCTATCAGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGATGGCTGCGGTTTTGTC	544474
Sbjct	150601	TCTCTATCAGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGATGGCTGCGGTTTTGTC	150660
Query	544475	CTAACAACACTGTCCTTTGCCTTACAAAAGCTTTGAAGTTTTATGAGATCCCATTGTGCG	544534
Sbjct	150661	CTAACAACACTGTCCTTTGCCTTACAAAAGCTTTGAAGTTTTATGAGATCCCATTGTGCG	150720
Query	544535	ATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTTCAGAAAATTTTCTCCAGTGCCG	544594
Sbjct	150721	ATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTTCAGAAAATTTTCTCCAGTGCCG	150780
Query	544595	ATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACTtttttttCTGTTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGT	544654
Sbjct	150781	ATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACTTTTTTTCTGTTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGT	150840

Query	544655	GGAGGTCCTTGATCCACTTGCACCTTAAGATTGTGCAGTGTGATAAGAATGAATCGATCTA	544714
Sbjct	150841	GGAGGTCCTTGATCCACTTGCACCTTAAGATTGTGCAGTGTGATAAGAATGAATCGATCTA	150900
Query	544715	CATTCTTGCTCATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTGTCTGAAAATGCTATCTTT	544774
Sbjct	150901	CATTCTTGCTCATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTGTCTGAAAATGCTATCTTT	150960
Query	544775	TTTCCATTGGATGGTTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTT	544834
Sbjct	150961	TTTCCATTGGATGGTTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTT	151020
Query	544835	CATTCTGGGTCTTCAATTCTAGTCCACTTGTCTATCTCTGTCTCTGTACCAATACCATG	544894
Sbjct	151021	CATTCTGGGTCTTCAATTCTAGTCCACTTGTCTATCTCTGTCTCTGTACCAATACCATG	151080
Query	544895	CAGTTTTTATCACTATTCCCTCAGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCTGG	544954
Sbjct	151081	CAGTTTTTATCACTATTCCCTCAGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCTGG	151140
Query	544955	AAATCCTTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAATAGTTTTTATTATTCCAGATGAATTTGCAA	545014
Sbjct	151141	AAATCCTTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAATAGTTTTTATTATTCCAGATGAATTTGCAA	151200
Query	545015	AGTGTTCTGTCTAACTCTATGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAAGGGGATTGCATTGAAT	545074
Sbjct	151201	AGTGTTCTGTCTAACTCTATGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAAGGGGATTGCATTGAAT	151260
Query	545075	CTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTTACTATATTGATCCTGCCAATCCATGAG	545134
Sbjct	151261	CTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTTACTATATTGATCCTGCCAATCCATGAG	151320
Query	545135	CATGGGAGATCTTTCATCTTCTGACATCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGACTTGAAGTTC	545194
Sbjct	151321	CATGGGAGATCTTTCATCTTCTGACATCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGACTTGAAGTTC	151380
Query	545195	TTGTCATACAGATCTTTCAGTTGCTTGGTTAGAGTCACACCAAAACATTTTATATTTTTT	545254
Sbjct	151381	TTGTCATACAGATCTTTCAGTTGCTTGGTTAGAGTCACACCAAAACATTTTATATTTTTT	151440
Query	545255	ATGATTATTGTGAATGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGAG	545314
Sbjct	151441	ATGATTATTGTGAATGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGAG	151500
Query	545315	TATAGGAAAGCTAGTGACTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCCCTGGTTTTTGTGATTCTT	545374
Sbjct	151501	TATAGGAAAGCTAGTGACTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCCCTGGTTTTTGTGATTCTT	151560
Query	545375	TGTATAGCCCTTTTGGTTTCTACTGGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCC	545434
Sbjct	151561	TGTATAGCCCTTTTGGTTTCTACTGGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCC	151620
Query	545435	TCTACTTCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTCTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAA	545494
Sbjct	151621	TCTACTTCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTCTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAA	151680
Query	545495	GCTGCTGACATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCC	545554
Sbjct	151681	GCTGCTGACATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCC	151740
Query	545555	TATTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGGTTTGGGTGTGTTGTACCTTCATTTTCATT	545614
Sbjct	151741	TATTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGGTTTGGGTGTGTTGTACCTTCATTTTCATT	151800
Query	545615	AAATTCTAAAAAGCCTTAATGTTCTTTATTTCTtttttttATCAAGTTATCATTTCAATAGA	545674
Sbjct	151801	AAATTCTAAAAAGCCTTAATGTTCTTTATTTCTTTTTTTATCAAGTTATCATTTCAATAGA	151860
Query	545675	GCATTATTTACCTTCCATGTGCATGTGGGCTTTCTGCCttttttttttCATATTGTCTGT	545734
Sbjct	151861	GCATTATTTACCTTCCATGTGCATGTGGGCTTTCTGCCTTTTTTTTTTTCATATTGTCTGT	151920
Query	545735	GGTGATCTGATAGGAAGCATGGGATTATTTTCAGTCTTCTTCTATCTGTGCGAGGCCTGTTT	545794
Sbjct	151921	GGTGATCTGATAGGAAGCATGGGATTATTTTCAGTCTTCTTCTATCTGTGCGAGGCCTGTTT	151980
Query	545795	TGACTGATTATATGGTCAATTTTGGAGAAGGTGGTACAGTGAGGTGCTGAGAAGGTATAT	545854
Sbjct	151981	TGACTGATTATATGGTCAATTTTGGAGAAGGTGGTACAGTGAGGTGCTGAGAAGGTATAT	152040
Query	545855	TCTTTTGTTTTAGAATGAAATGTTGTATAGATGTCTGTTTAATCCCATTTGGTTCTGTTG	545914
Sbjct	152041	TCTTTTGTTTTAGAATGAAATGTTGTATAGATGTCTGTTTAATCCCATTTGGTTCTGTTG	152100
Query	545915	TTTCTCTATGTCTGTTTTTAGTTTCTATTTCCATGATCTGTCCATTGATAAGAGTGGGGT	545974
Sbjct	152101	TTTCTCTATGTCTGTTTTTAGTTTCTATTTCCATGATCTGTCCATTGATAAGAGTGGGGT	152160
Query	545975	GTTGAAATCTCCCACTATCATTGTGTGGTATACAAATGTGTTCTTTGAGTTTTAGTAAGGT	546034

Sbjct	152161	GAAATCTCCCACTATCATTGTGTGGTATACAATGTGTTCTTTGAGTTT TAGTAAGGT	152220
Query	546035	TTCTTTTATGACTGAATGTAGGTGCCCTTGCAATTGGAGCATTATTGATATTCAGAATTG	546094
Sbjct	152221	TTCTTTTATGACTGAATGTAGGTGCCCTTGCAATTGGAGCATTATTGATATTCAGAATTG	152280
Query	546095	GATGAGAATTTATCCTGGTGGATTTTCTGTTGTTGAGTATGTCCTTCCTTATC t t t t t t	546154
Sbjct	152281	GATGAGAATTTATCCTGGTGGATTTTCTGTTGTTGAGTATGTCCTTCCTTATCTTTTTT	152340
Query	546155	t GAAACCTTTT GAGTAAAAGGTCTAGTTC CCTAATTGTTTCTTGATT TGGTCAATAAAGG	546214
Sbjct	152341	TGAAACCTTTT GAGTAAAAGGTCTAGTTC CCTAATTGTTTCTTGATT TGGTCAATAAAGG	152400
Query	546215	AGGCCAGGAAATGCTCAGTGGAAAGGACAGGTAGGACTTCTAGGTCCCAGGTGGAAAAGG	546274
Sbjct	152401	AGGCCAGGAAATGCTCAGTGGAAAGGACAGGTAGGACTTCTAGGTCCCAGGTGGAAAAGG	152460
Query	546275	AAACACAGGGAAAGAGTGGGGGCCTTTTCTGACAGACTTTGGAATGAGTAGGAAGCAATT	546334
Sbjct	152461	AAACACAGGGAAAGAGTGGGGGCCTTTTCTGACAGACTTTGGAATGAGTAGGAAGCAATT	152520
Query	546335	AGGGAAGATCTCTGGGAACCTAGAACCAACCTCTTCCACGAGGTTGGTGGAGGCTAGCTG	546394
Sbjct	152521	AGGGAAGATCTCTGGGAACCTAGAACCAACCTCTTCCACGAGGTTGGTGGAGGCTAGCTG	152580
Query	546395	ATAGGAGCCATTAAGCTTAGGGCAGGAGGAGAGATGGGATTAATAAATTGTTAAGGACAC	546454
Sbjct	152581	ATAGGAGCCATTAAGCTTAGGGCAGGAGGAGAGATGGGATTAATAAATTGTTAAGGACAC	152640
Query	546455	ACATTTTCAAGTGGAAACGTCCTTC t t t t t t AATTGGATATATTTT AATTTACATTTCA	546514
Sbjct	152641	ACATTTTCAAGTGGAAACGTCCTTC T T T T T T AATTGGATATATTTT AATTTACATTTCA	152700
Query	546515	AATGCTATTCTTTTATGGTTTCCTGTT CATCAGCCCTTAACTCCTCCCCCTCCACTTCT	546574
Sbjct	152701	AATGCTATTCTTTTATGGTTTCCTGTT CATCAGCCCTTAACTCCTCCCCCTCCACTTCT	152760
Query	546575	ATGTGGGCGTTCCCTTCCCCATTCACTCCTCCACCACTCCAACACATTCCCTGCACTGG	546634
Sbjct	152761	ATGTGGGCGTTCCCTTCCCCATTCACTCCTCCACCACTCCAACACATTCCCTGCACTGG	152820
Query	546635	GAGTCCAACCTTTGCAGCACCAGGGCTTTCCCTTCCACTGGTGCCCCAACAAAGGCTATTC	546694
Sbjct	152821	GAGTCCAACCTTTGCAGCACCAGGGCTTTCCCTTCCACTGGTGCCCCAACAAAGGCTATTC	152880
Query	546695	TCTGCTGCAGATGTAGTTGCAGCCCTGGGT CAGTCCAAGTATAGTCTTTGAGTAGT GACT	546754
Sbjct	152881	TCTGCTGCAGATGTAGTTGCAGCCCTGGGT CAGTCCAAGTATAGTCTTTGAGTAGT GACT	152940
Query	546755	TTGGGAGCTCTGGATGGTTGGTATTGTTGTT CATGTGGGGTTGCAAACCCCTTCAGTTCC	546814
Sbjct	152941	TTGGGAGCTCTGGATGGTTGGTATTGTTGTT CATGTGGGGTTGCAAACCCCTTCAGTTCC	153000
Query	546815	TGCAGTCCTTTCTCTAACTCCTCCAATGGGGACCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTAC	546874
Sbjct	153001	TGCAGTCCTTTCTCTAACTCCTCCAATGGGGACCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTAC	153060
Query	546875	TCGCTTTTGCCTTGGTATT TGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCTCAGGAGACAGCCATATTA	546934
Sbjct	153061	TCGCTTTTGCCTTGGTATT TGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCTCAGGAGACAGCCATATTA	153120
Query	546935	GGTTCCTGTAAGCATGAACCTCATGGCATCATCAATATTGTCTGGGTTTGGTGGCTGTAT	546994
Sbjct	153121	GGTTCCTGTAAGCATGAACCTCATGGCATCATCAATATTGTCTGGGTTTGGTGGCTGTAT	153180
Query	546995	GTATATGGGCTGGATCTCTAGATGGAACAGGCTCTGAATGGCCATTCTTCAGTCTCTGC	547054
Sbjct	153181	GTATATGGGCTGGATCTCTAGATGGAACAGGCTCTGAATGGCCATTCTTCAGTCTCTGC	153240
Query	547055	TCCAAACTTTTGTCTCCATATCCCCTCCTATGAATATTTTGT TCTCATATTAAGAAGGA	547114
Sbjct	153241	TCCAAACTTTTGTCTCCATATCCCCTCCTATGAATATTTTGT TCTCATATTAAGAAGGA	153300
Query	547115	CTGAAGCATAACACACTTTGGTCATCTTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGTCTGTGGATTGTA	547174
Sbjct	153301	CTGAAGCATAACACACTTTGGTCATCTTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGTCTGTGGATTGTA	153360
Query	547175	TCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATGTGTTGC t t t t t t t AAAATTGGTTTAC	547234
Sbjct	153361	TCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATGTGTTGCTTTTTTTTT AAAATTGGTTTAC	153420
Query	547235	CTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCTTCTATTTGCCTATGAATTCATAAAGTCATTGTTT	547294
Sbjct	153421	CTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCTTCTATTTGCCTATGAATTCATAAAGTCATTGTTT	153480
Query	547295	TTGATACCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTCT	547354
Sbjct	153481	TTGATACCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTCT	153540

Query	547355	GTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCTGTCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAAC	547414
Sbjct	153541	GTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCTGTCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAAC	153600
Query	547415	ATAGTGGAGCACGTGTCCTTTGTTGTATGTTGGGGCATCTTTTCAGTTTACACCAACGAGA	547474
Sbjct	153601	ATAGTGGAGCACGTGTCCTTTGTTGTATGTTGGGGCATCTTTTCAGTTTACACCAACGAGA	153660
Query	547475	GGTATAGCTGGGTCGTCAAGTAGTACAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	547534
Sbjct	153661	GGTATAGCTGGGTCGTCAAGTAGTACAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	153720
Query	547535	ATCTAGAGAGGCTGTACCAGTTTAAATCCCATCAGCAATTGAAGCGCCTACCTCGACCA	547594
Sbjct	153721	ATCTAGAGAGGCTGTACCAGTTTAAATCCCATCAGCAATTGAAGCGCCTACCTCGACCA	153780
Query	547595	GCAAGAAAGACGCAACACCGGTAGATTCTTCTCAACAGCCTTTATTGCAGGAACACCTTG	547654
Sbjct	153781	GCAAGAAAGACGCAACACCGGTAGATTCTTCTCAACAGCCTTTATTGCAGGAACACCTTG	153840
Query	547655	ATACGAGGGACCCGGGGAAACAAAGGCACTCGCCTTAAATACAAGACAGACAGTGACTGT	547714
Sbjct	153841	ATACGAGGGACCCGGGGAAACAAAGGCACTCGCCTTAAATACAAGACAGACAGTGACTGT	153900
Query	547715	AAACTTATCCCTGCGGATTGGTGGAGTATGAGATACCTTATTAGCATGCATATCACTCT	547774
Sbjct	153901	AAACTTATCCCTGCGGATTGGTGGAGTATGAGATACCTTATTAGCATGCATATCACTCT	153960
Query	547775	GGCCTTGTAATGCCAAAGGAAGGCCAAAGACACTGCCATAATGGTTGTAATACCACAAA	547834
Sbjct	153961	GGCCTTGTAATGCCAAAGGAAGGCCAAAGACACTGCCATAATGGTTGTAATACCACAAA	154020
Query	547835	TGACCACTAGATGTCTAGCGCCGTCTTTAGCCGCTCCCAACAAGCAATGGGGGAATGTTCC	547894
Sbjct	154021	TGACCACTAGATGTCTAGCGCCGTCTTTAGCCGCTCCCAACAAGCAATGGGGGAATGTTCC	154080
Query	547895	CTCTTTGTCCACATCTGGACCAGCATCTGTTGTCACCTGAGtttttttttttttttttttt	547954
Sbjct	154081	CTCTTTGTCCACATCTGGACCAGCATCTGTTGTCACCTGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	154140
Query	547955	tttttttaatttggttcctttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCC	548014
Sbjct	154141	TTTTTTTAATTTGGTTCCTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCC	154200
Query	548015	TAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGAGTTTTTATCTTAGCCAT	548074
Sbjct	154201	TAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGAGTTTTTATCTTAGCCAT	154260
Query	548075	TCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAA	548134
Sbjct	154261	TCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAA	154320
Query	548135	GGATGTTGAACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTTTATATTCCCTCAGCTGAAAATTC	548194
Sbjct	154321	GGATGTTGAACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTTTATATTCCCTCAGCTGAAAATTC	154380
Query	548195	TTTGTTTAGCTCTGTACCTCATATTTAAGCGGGTTTATCGATCCTACTGATTTTCTCAA	548254
Sbjct	154381	TTTGTTTAGCTCTGTACCTCATATTTAAGCGGGTTTATCGATCCTACTGATTTTCTCAA	154440
Query	548255	TAACCAGTTCCTGttttttttctttttctttttattctttgtataatcctttttatattgatt	548314
Sbjct	154441	TAACCAGTTCCTGTTTTTTTCTTTTTCTTTATTCTTTGTATAATCCTTTTTATTGATT	154500
Query	548315	tcAACCCTGAGTTTCATTATTTCTGCTCTTTACTCCTCTTGACTATATTGCTTCTTTC	548374
Sbjct	154501	TCAACCCTGAGTTTCATTATTTCTGCTCTTTACTCCTCTTGACTATATTGCTTCTTTC	154560
Query	548375	TGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGATGTATGCTCTCTCCTGTATCTTT	548434
Sbjct	154561	TGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGATGTATGCTCTCTCCTGTATCTTT	154620
Query	548435	CTGTAGGCACTAAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAG	548494
Sbjct	154621	CTGTAGGCACTAAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAG	154680
Query	548495	TTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCCTTTCACCTTTTGTAGTAGTCCATT	548554
Sbjct	154681	TTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCCTTTCACCTTTTGTAGTAGTCCATT	154740
Query	548555	TTGCATCATTTTGTATATGGGGAGTGTTACCTGCAGGCTAAGTGTCACCTTAGCTTGCCT	548614
Sbjct	154741	TTGCATCATTTTGTATATGGGGAGTGTTACCTGCAGGCTAAGTGTCACCTTAGCTTGCCT	154800
Query	548615	ATGTAATTTGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCGGTCTGGAAAACATAG	548674
Sbjct	154801	ATGTAATTTGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCGGTCTGGAAAACATAG	154860
Query	548675	CTTTGTCTGTACTGCTTTTATACAAAATTTGTGAATAAACTGTTTATTCTTTAAAGA	548734



Sbjct	154861	TGTCTGTACTGCTTTTATACAAAAATTTTGTGAATAAACTGTTTATTCTTTAAAGA	154920
Query	548735	TAGGTAAAAGAGAAGCAGAATGTGACTTCCTGTGCATGAAC TTGTATAAATGCTTATTTT	548794
Sbjct	154921	TAGGTAAAAGAGAAGCAGAATGTGACTTCCTGTGCATGAAC TTGTATAAATGCTTATTTT	154980
Query	548795	ATCAAACGATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAAC TGGGTTTATCATAGTGTGAAG	548854
Sbjct	154981	ATCAAACGATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAAC TGGGTTTATCATAGTGTGAAG	155040
Query	548855	GAGAAGTGAAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCAC GTGCACACGCAAGCACACAC	548914
Sbjct	155041	GAGAAGTGAAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCAC GTGCACACGCAAGCACACAC	155100
Query	548915	AGTGACAGAAGTCATATATGATGTAGTTTTGTGTGCTGGAG AGAGAGACCCTGATAAACA	548974
Sbjct	155101	AGTGACAGAAGTCATATATGATGTAGTTTTGTGTGCTGGAG AGAGAGACCCTGATAAACA	155160
Query	548975	GATAGATGTGCTGATCTACAAAGGAGTACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTT	549034
Sbjct	155161	GATAGATGTGCTGATCTACAAAGGAGTACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTT	155220
Query	549035	TTTACAGCATTATGTATGTTTTTCAGAGATGAGTACTGACCA CTTACAGATAGACAATGG	549094
Sbjct	155221	TTTACAGCATTATGTATGTTTTTCAGAGATGAGTACTGACCA CTTACAGATAGACAATGG	155280
Query	549095	TTTCCATGGTGATGCTGAAAGGACAGGACAGCCAGCCAGAC CTGAGGGCACTGTGTTTT	549154
Sbjct	155281	TTTCCATGGTGATGCTGAAAGGACAGGACAGCCAGCCAGAC CTGAGGGCACTGTGTTTT	155340
Query	549155	TGCCTGCTCAGAAATGAACTACTGTATCCTAGTCATTAGAATA CTCAACCTAAGTGATAA	549214
Sbjct	155341	TGCCTGCTCAGAAATGAACTACTGTATCCTAGTCATTAGAATA CTCAACCTAAGTGATAA	155400
Query	549215	TTTACATATGTTCCCTTGGTGGCTAAAGAAC TTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAA	549274
Sbjct	155401	TTTACATATGTTCCCTTGGTGGCTAAAGAAC TTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAA	155460
Query	549275	GTCCCTTGACCTTTGCATTGGAATGCCTGCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAG	549334
Sbjct	155461	GTCCCTTGACCTTTGCATTGGAATGCCTGCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAG	155520
Query	549335	AATAGAACAATGGGCTGGGAAGAATTAACAGCTGCCTCTGTTCCTGTAAACACCTTCTTAT	549394
Sbjct	155521	AATAGAACAATGGGCTGGGAAGAATTAACAGCTGCCTCTGTTCCTGTAAACACCTTCTTAT	155580
Query	549395	CTGTGGGAAAGGGATTGAAATAGTCCTTTATTCCATCAAACAGGAATGAAAAGAATTC	549454
Sbjct	155581	CTGTGGGAAAGGGATTGAAATAGTCCTTTATTCCATCAAACAGGAATGAAAAGAATTC	155640
Query	549455	CTTGCCCAGCTGGATATTTGTAGTGTGTACCCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCT	549514
Sbjct	155641	CTTGCCCAGCTGGATATTTGTAGTGTGTACCCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCT	155700
Query	549515	TCCCTCTCCCACCTCCCACCTTTAGCATGTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCT	549574
Sbjct	155701	TCCCTCTCCCACCTCCCACCTTTAGCATGTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCT	155760
Query	549575	GCCTTTGAGCTGGCAGTACAGATAAATTCATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCG	549634
Sbjct	155761	GCCTTTGAGCTGGCAGTACAGATAAATTCATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCG	155820
Query	549635	ATTAAATGCCATAAGAATGCGAGTAGTACGCTGTTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCT	549694
Sbjct	155821	ATTAAATGCCATAAGAATGCGAGTAGTACGCTGTTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCT	155880
Query	549695	TCTAAGCATTCTCCTTTCTTACACACTACACATCCTTACACACATTTTGGTCTCCTCCCC	549754
Sbjct	155881	TCTAAGCATTCTCCTTTCTTACACACTACACATCCTTACACACATTTTGGTCTCCTCCCC	155940
Query	549755	CACACCCCCACCAGaaaaaaaGGGGAGCAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAAC TCAG	549814
Sbjct	155941	CACACCCCCACCAGAAAAAAAAAGGGGAGCAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAAC TCAG	156000
Query	549815	TATCCAAACCAAGTAGGAATCTCAAGCTGTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTGGGATAGG	549874
Sbjct	156001	TATCCAAACCAAGTAGGAATCTCAAGCTGTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTGGGATAGG	156060
Query	549875	TAGGAGCAGAGCCAGTATCATGAGATTACCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGC	549934
Sbjct	156061	TAGGAGCAGAGCCAGTATCATGAGATTACCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGC	156120
Query	549935	TATGGTGCAGGGTCGGTCACCAAGTGATATCAGCGGACAGTAAGTAGGTTAgctgctgcta	549994
Sbjct	156121	TATGGTGCAGGGTCGGTCACCAAGTGATATCAGCGGACAGTAAGTAGGTTAGCTGCTGCTA	156180
Query	549995	gtggaactggtgctgctgctgctgctgtttctgctgTAGTGGGTATCCAGTGGGGATGTC	550054
Sbjct	156181	GTGGAAC TGGTGCTGCTGCTGCTGTTTCTGCTGTAGTGGGTATCCAGTGGGGATGTC	156240



Sbjct	153354	GAGAAATCCAGGGATTGTCACTTCTTGGAGGAAACCCGGCATGGATTGAAAGTGG	153295
Query	427603	TGACTTTGTCTCTTTTCACAGAAGTTCAAGGCATGAGTGAACGAATGGCATTGGTCCTAT	427662
Sbjct	153294	TGACTTTGTCTCTTTTCACAGAAGTTCAAGGCATGAGTGAACGAATGGCATTGGTCCTAT	153235
Query	427663	GGAGATCAAAGTTCTGGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGGTGGCAGAG	427722
Sbjct	153234	GGAGATCAAAGTTCTGGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGGTGGCAGAG	153175
Query	427723	GACAAAGGGAAGGTTGGCCCTGTGATGTGGGCTTGTCTCAGAAGCTAAGAGGTCACCTCTA	427782
Sbjct	153174	GACAAAGGGAAGGTTGGCCCTGTGATGTGGGCTTGTCTCAGAAGCTAAGAGGTCACCTCTA	153115
Query	427783	GAACTTTCCAGCAGACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCCTGAGTGCTGAT	427842
Sbjct	153114	GAACTTTCCAGCAGACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCCTGAGTGCTGAT	153055
Query	427843	TCCTGAGTGCTGGCATTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTTGTGTTTCC	427902
Sbjct	153054	TCCTGAGTGCTGGCATTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTTGTGTTTCC	152995
Query	427903	CACCTCCACTGTGGGAGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAGACAGCCCA	427962
Sbjct	152994	CACCTCCACTGTGGGAGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAGACAGCCCA	152935
Query	427963	CTTATTCCTTGGTTTCTTATTCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTATTTTAGACAA	428022
Sbjct	152934	CTTATTCCTTGGTTTCTTATTCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTATTTTAGACAA	152875
Query	428023	TTAAATCTTCTCTTTTAAAGCTATAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCTAGTGTGTG	428082
Sbjct	152874	TTAAATCTTCTCTTTTAAAGCTATAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCTAGTGTGTG	152815
Query	428083	TGATTACTAAGCTAGGTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCATCACAAC	428142
Sbjct	152814	TGATTACTAAGCTAGGTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCATCACAAC	152755
Query	428143	GTAATGAGATCTCATGCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACACAGTGTACTTATATA	428202
Sbjct	152754	GTAATGAGATCTCATGCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACACAGTGTACTTATATA	152695
Query	428203	GAATAAGTAAATAAATTTTGTAGttttttttctttttAAAGaaaaaaaaaaaaGGAAAATT	428262
Sbjct	152694	GAATAAGTAAATAAATTTTGTAGTTTTTTTCTTTTTTAAAGAAAAAAAAAAAAAGGAAAATT	152635
Query	428263	GGGTGTCACTGTGGATGATGTCGTTACCTGTAGCCTGGCACTCAGGAGGTGGTGGATGC	428322
Sbjct	152634	GGGTGTCACTGTGGATGATGTCGTTACCTGTAGCCTGGCACTCAGGAGGTGGTGGATGC	152575
Query	428323	AGGAGTATTAGAAGTTCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCCATTGGAAT	428382
Sbjct	152574	AGGAGTATTAGAAGTTCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCCATTGGAAT	152515
Query	428383	CCCTGTCTCCGAATGAACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACAAGTACAGG	428442
Sbjct	152514	CCCTGTCTCCGAATGAACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACAAGTACAGG	152455
Query	428443	GtttttgggttttttttttttttCTTCTCTTTAGTCACTAGATGTTAGTAAAGTACTGGACA	428502
Sbjct	152454	GTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTCTTCTCTTTAGTCACTAGATGTTAGTAAAGTACTGGACA	152395
Query	428503	TTAATATAGCAAATCAGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTTGAGTTTCA	428562
Sbjct	152394	TTAATATAGCAAATCAGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTTGAGTTTCA	152335
Query	428563	GCCCCAGAAACTGTGTAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGATCTTTACAGAGCTTGTTG	428622
Sbjct	152334	GCCCCAGAAACTGTGTAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGATCTTTACAGAGCTTGTTG	152275
Query	428623	CGTAGCGCCTGGGAGATGGAGACAAGTAGattttcttttggcttggtttaatttattct	428682
Sbjct	152274	CGTAGCGCCTGGGAGATGGAGACAAGTAGATTTCTTTTGTCTTGTTTTAAATTTATTCT	152215
Query	428683	atttttgcatgtgtgtatatatgttttttGGGTATGTCTGAGACATACAGACACTTGTGA	428742
Sbjct	152214	ATTTTTGCATGTGTGTATATATGTTTTTGGGTATGTCTGAGACATACAGACACTTGTGA	152155
Query	428743	GTGGCCCAGAGAGCAGGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAGACAGAGGA	428802
Sbjct	152154	GTGGCCCAGAGAGCAGGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAGACAGAGGA	152095
Query	428803	GACATCTGTTCCCTCCCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGATGTGTCAG	428862
Sbjct	152094	GACATCTGTTCCCTCCCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGATGTGTCAG	152035
Query	428863	TTCCCCAGCACCCCTGGAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCTGTTGGTA	428922
Sbjct	152034	TTCCCCAGCACCCCTGGAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCTGTTGGTA	151975

Query	428923	TGGGTAGCCCTCAGCTAGCTTTGAACTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGTGATAGTTG	428982
Sbjct	151974	TGGGTAGCCCTCAGCTAGCTTTGAACTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGTGATAGTTG	151915
Query	428983	TGTACTCCCATGCGCTTTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTATCGCTTTGC	429042
Sbjct	151914	TGTACTCCCATGCGCTTTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTATCGCTTTGC	151855
Query	429043	tttttttGCTTGCTTGTGTGCTTGCTCACTTGTCCCTATCTGAGTAGAGTTTGAGTTTTT	429102
Sbjct	151854	TTTTTTTGCTTGCTTGTGTGCTTGCTCACTTGTCCCTATCTGAGTAGAGTTTGAGTTTTT	151795
Query	429103	TAAAAACCTGGTGTGTCTTAAGACTTGGAATATGAGTTTTTTGTACTTGACGTTTCAGAGG	429162
Sbjct	151794	TAAAAACCTGGTGTGTCTTAAGACTTGGAATATGAGTTTTTTGTACTTGACGTTTCAGAGG	151735
Query	429163	GTGGCAAGGGCACGATTGGACTGGAAGTGTCTCCATCTTGTGATCTTTTCAGGTCCCTA	429222
Sbjct	151734	GTGGCAAGGGCACGATTGGACTGGAAGTGTCTCCATCTTGTGATCTTTTCAGGTCCCTA	151675
Query	429223	TTCTTTTAGTATCTGTGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGCATTGTCAG	429282
Sbjct	151674	TTCTTTTAGTATCTGTGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGCATTGTCAG	151615
Query	429283	TCAAGTGAAAGTATCTCAGAAGATCAGTTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCTGTGAATGG	429342
Sbjct	151614	TCAAGTGAAAGTATCTCAGAAGATCAGTTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCTGTGAATGG	151555
Query	429343	AAGGACTCCTGCTTTTGAGATTACATCGTTGTTTCATATCTGGTTTTGATGCTTCGTTATC	429402
Sbjct	151554	AAGGACTCCTGCTTTTGAGATTACATCGTTGTTTCATATCTGGTTTTGATGCTTCGTTATC	151495
Query	429403	CACAGAAATCCCTAGTTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGATTTTGCTA	429462
Sbjct	151494	CACAGAAATCCCTAGTTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGATTTTGCTA	151435
Query	429463	AGTGCTGTCGCCCTGCTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTTCTGTACTC	429522
Sbjct	151434	AGTGCTGTCGCCCTGCTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTTCTGTACTC	151375
Query	429523	AGCACAGCAGGCCTCCTCGGCCCCATAATGAGGTAAGTGGGAAGCCAGCCCGGGAC	429582
Sbjct	151374	AGCACAGCAGGCCTCCTCGGCCCCATAATGAGGTAAGTGGGAAGCCAGCCCGGGAC	151315
Query	429583	CTCTGGTATGTCTGTTTCTGTACCTGTTCTTCCTGCAGTAGGACCTGATAGACTGTTAT	429642
Sbjct	151314	CTCTGGTATGTCTGTTTCTGTACCTGTTCTTCCTGCAGTAGGACCTGATAGACTGTTAT	151255
Query	429643	CTTGGTTTCGTTTTGACCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGCACAGGCTG	429702
Sbjct	151254	CTTGGTTTCGTTTTGACCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGCACAGGCTG	151195
Query	429703	TGAATGCTCAATCTTTGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCTCATCCGGA	429762
Sbjct	151194	TGAATGCTCAATCTTTGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCTCATCCGGA	151135
Query	429763	AGTTGGCCTATGTAGCAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTTCATTGGTGGTTTGG	429822
Sbjct	151134	AGTTGGCCTATGTAGCAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTTCATTGGTGGTTTGG	151075
Query	429823	CTGCCCAGGAGGTCATGAAGGTCAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGGACTGCTGTGTGCT	429882
Sbjct	151074	CTGCCCAGGAGGTCATGAAGGTCAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGGACTGCTGTGTGCT	151015
Query	429883	TCTGGTTCCCTCACTGCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGACAACACTC	429942
Sbjct	151014	TCTGGTTCCCTCACTGCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGACAACACTC	150955
Query	429943	TTTCTCCAGGCTTGTCTGGAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACTTTGATGCC	430002
Sbjct	150954	TTTCTCCAGGCTTGTCTGGAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACTTTGATGCC	150895
Query	430003	CTCGAATGTCTCCCGGAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGCCGGTAGGT	430062
Sbjct	150894	CTCGAATGTCTCCCGGAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGCCGGTAGGT	150835
Query	430063	CTGTGGGAACACTAGGGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAACCTGTCTGT	430122
Sbjct	150834	CTGTGGGAACACTAGGGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAACCTGTCTGT	150775
Query	430123	ACTCATTACGTAAATCCAGCGCCAGAACCGTTACGATGGGCAAGTGGCGGTATTTGGAT	430182
Sbjct	150774	ACTCATTACGTAAATCCAGCGCCAGAACCGTTACGATGGGCAAGTGGCGGTATTTGGAT	150715
Query	430183	CAGACCTACAAGAGAAGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCTGGTGATTGACACTAGCAATA	430242
Sbjct	150714	CAGACCTACAAGAGAAGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCTGGTGATTGACACTAGCAATA	150655
Query	430243	GGCTCTGCCCACTCTTTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATCTTTTGGTT	430302

Sbjct	150654	CTGCCCACCTCTTTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATCTTTTGGTT	150595
Query	430303	TTCATGTCCTGATCACATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGGCTTTGTGT	430362
Sbjct	150594	TTCATGTCCTGATCACATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGGCTTTGTGT	150535
Query	430363	AtctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctCTTCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAGGAATATCT	430422
Sbjct	150534	ATCTCTCTCTCTCTCTTTTTTTTTTTTTCTTCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAGGAATATCT	150475
Query	430423	GTCATCCCTTTGAATTGAATGTTTGTACTACACAATCTTGTGTTCTGTTGGTGTCTTTCT	430482
Sbjct	150474	GTCATCCCTTTGAATTGAATGTTTGTACTACACAATCTTGTGTTCTGTTGGTGTCTTTCT	150415
Query	430483	TTTGGGAGTAAGGAATTGTGGGTTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGATCAGAGGGT	430542
Sbjct	150414	TTTGGGAGTAAGGAATTGTGGGTTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGATCAGAGGGT	150355
Query	430543	TTACCAAACCTCCAGGTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGAACTTTGCC	430602
Sbjct	150354	TTACCAAACCTCCAGGTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGAACTTTGCC	150295
Query	430603	ATGATTGGCCTTGGCTGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGGACACCATT	430662
Sbjct	150294	ATGATTGGCCTTGGCTGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGGACACCATT	150235
Query	430663	GAGAAGTCAAACCTGAACAGACAGTTTCTCTTTCGCCCCTGGGATGTCACAGTGAGTAGG	430722
Sbjct	150234	GAGAAGTCAAACCTGAACAGACAGTTTCTCTTTCGCCCCTGGGATGTCACAGTGAGTAGG	150175
Query	430723	ATGGCTTCTGTTTGATTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTGCTTTCTCTCTCTCTTC	430782
Sbjct	150174	ATGGCTTCTGTTTGATTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTGCTTTCTCTCTCTCTTC	150115
Query	430783	TTTATTTCCCTCCTATTTTTTCAGGCATTTCAGATGTAAGGTCAGTAGACATAATTACCTGT	430842
Sbjct	150114	TTTATTTCCCTCCTATTTTTTCAGGCATTTCAGATGTAAGGTCAGTAGACATAATTACCTGT	150055
Query	430843	CACGTTTTTTTCATTTGCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTGTGCATTGC	430902
Sbjct	150054	CACGTTTTTTTCATTTGCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTGTGCATTGC	149995
Query	430903	AGATGTGACATTGTAAGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATAGGTCAGTG	430962
Sbjct	149994	AGATGTGACATTGTAAGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATAGGTCAGTG	149935
Query	430963	TTACCTTGATTGACTCGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTTTTACCCTA	431022
Sbjct	149934	TTACCTTGATTGACTCGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTTTTACCCTA	149875
Query	431023	AGCATCCTAGCCTCTAGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCTCTCTAAGA	431082
Sbjct	149874	AGCATCCTAGCCTCTAGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCTCTCTAAGA	149815
Query	431083	TTGGGAAGATTGGAGCAAGTGAGAATCTTCCTGAGTGCATTTTGGTATCCTCCTGTAACA	431142
Sbjct	149814	TTGGGAAGATTGGAGCAAGTGAGAATCTTCCTGAGTGCATTTTGGTATCCTCCTGTAACA	149755
Query	431143	CTGAGTCTGCCAGACTCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATCTTTCTCTCA	431202
Sbjct	149754	CTGAGTCTGCCAGACTCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATCTTTCTCTCA	149695
Query	431203	CCCAGATTGCTCTAACAGTGGAAGGACAAATTTCTTCATACTTTTAGAAAGCCAGGTC	431262
Sbjct	149694	CCCAGATTGCTCTAACAGTGGAAGGACAAATTTCTTCATACTTTTAGAAAGCCAGGTC	149635
Query	431263	AGGGAAGCTGGGATGCTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAACATagaag	431322
Sbjct	149634	AGGGAAGCTGGGATGCTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAACATAGAAG	149575
Query	431323	gggagggagggggagaggggaaatggaagaagaggagggggggggaggagggaggaAAGAAA	431382
Sbjct	149574	GGGAGGAGGGGGAGAGGGGAAATGGAAGAAGAGGAGGGGGGGGAGGAGGAGGAAAGAAA	149515
Query	431383	GAAAGAAAGCTACGTACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATTCCTACTAGT	431442
Sbjct	149514	GAAAGAAAGCTACGTACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATTCCTACTAGT	149455
Query	431443	Tcatgcatgtactatgtatgtatatatgcatatgtatatatgcatatgtgagaggtgtgt	431502
Sbjct	149454	TCATGCATGTACTATGTATGTATATATGCATATGTATATATGCATATGTGAGAGGTGTGT	149395
Query	431503	gtgtgtgtatccccatgtgtgtatagctgtgtacatacatagcttcatacatacaaaagt	431562
Sbjct	149394	GTGTGTGTATCCCCATGTGTGTATACGTGTGTACATACATACGTTTCATACATACAAAAGT	149335
Query	431563	acatacataTGGACACAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTATAAAATGT	431622
Sbjct	149334	ACATACATATGGACACAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTATAAAATGT	149275

Query	431623	GAGTATGGTATGAGTCCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGATAAATAAC	431682
Sbjct	149274	GAGTATGGTATGAGTCCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGATAAATAAC	149215
Query	431683	TTATGCTTATCTCGTATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAATATTCTGCT	431742
Sbjct	149214	TTATGCTTATCTCGTATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAATATTCTGCT	149155
Query	431743	TAAAAATCTAACATGGGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGCTGTTGGGA	431802
Sbjct	149154	TAAAAATCTAACATGGGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGCTGTTGGGA	149095
Query	431803	GACTGTTCTTCAGCATCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAATGAAGGAA	431862
Sbjct	149094	GACTGTTCTTCAGCATCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAATGAAGGAA	149035
Query	431863	TGAGGAACAGAGAGGCAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTCTACTGCTTATG	431922
Sbjct	149034	TGAGGAACAGAGAGGCAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTCTACTGCTTATG	148975
Query	431923	AAGACTTTTGTCTAAGGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAGCAAACAGT	431982
Sbjct	148974	AAGACTTTTGTCTAAGGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAGCAAACAGT	148915
Query	431983	TGACCATGCAAAAGTAGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTACAGAGAGAG	432042
Sbjct	148914	TGACCATGCAAAAGTAGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTACAGAGAGAG	148855
Query	432043	GGGCTAAGAACAGAGAGGAGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAGAAACCGAG	432102
Sbjct	148854	GGGCTAAGAACAGAGAGGAGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAGAAACCGAG	148795
Query	432103	GAGGTTATTGAGAAGTGGAAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTGGGTTACTCTA	432162
Sbjct	148794	GAGGTTATTGAGAAGTGGAAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTGGGTTACTCTA	148735
Query	432163	GATGTCATTAATTGAAAAGAGAGTAGCTGTCGGGTCATTCTGTTTTAGTACTCACAGTAT	432222
Sbjct	148734	GATGTCATTAATTGAAAAGAGAGTAGCTGTCGGGTCATTCTGTTTTAGTACTCACAGTAT	148675
Query	432223	CCTGTGGGGCCAGATTTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAATTTTATGAA	432282
Sbjct	148674	CCTGTGGGGCCAGATTTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAATTTTATGAA	148615
Query	432283	TAATGTAAATGTAGCTGTCTATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTTTATAATAT	432342
Sbjct	148614	TAATGTAAATGTAGCTGTCTATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTTTATAATAT	148555
Query	432343	CTGTTGTTGGTAGCCAGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTCTCTGGAGT	432402
Sbjct	148554	CTGTTGTTGGTAGCCAGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTCTCTGGAGT	148495
Query	432403	TTCGTTGCATCGGTGTGTGGGAAACAGTCTATTTTTCATATTCCCATCTAGAAATTAAA	432462
Sbjct	148494	TTCGTTGCATCGGTGTGTGGGAAACAGTCTATTTTTCATATTCCCATCTAGAAATTAAA	148435
Query	432463	GTCTGAGACTGCTGCTGCAGCAGTACGTGACATAAATCCACACATCAGGGTGTGCAGCCA	432522
Sbjct	148434	GTCTGAGACTGCTGCTGCAGCAGTACGTGACATAAATCCACACATCAGGGTGTGCAGCCA	148375
Query	432523	CCAGAATCGAGTAGGCCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTCCAAAACCT	432582
Sbjct	148374	CCAGAATCGAGTAGGCCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTCCAAAACCT	148315
Query	432583	GGATGGTGTGGCCAATGCTCTAGACAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGGAGTTGAGTGAGG	432642
Sbjct	148314	GGATGGTGTGGCCAATGCTCTAGACAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGGAGTTGAGTGAGG	148255
Query	432643	AGGGCAAGGGCAGGGTAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCTGTCTTGTCTTGGGT	432702
Sbjct	148254	AGGGCAAGGGCAGGGTAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCTGTCTTGTCTTGGGT	148195
Query	432703	TTTGGAGACAGGGTTTCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTGGAACCAATTTCGGAAGACCAAGC	432762
Sbjct	148194	TTTGGAGACAGGGTTTCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTGGAACCAATTTCGGAAGACCAAGC	148135
Query	432763	TGACCCGTGTTCTGTGTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTTCTTCCCATC	432822
Sbjct	148134	TGACCCGTGTTCTGTGTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTTCTTCCCATC	148075
Query	432823	TCCCTGAAGGATTATACATGGACCGCGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCTGCTGGAAT	432882
Sbjct	148074	TCCCTGAAGGATTATACATGGACCGCGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCTGCTGGAAT	148015
Query	432883	CCGGCACATTGGGCACCAAGGGCAACGTGCAAGTGTTGTTCCCTTCTTGACAGAATCTT	432942
Sbjct	148014	CCGGCACATTGGGCACCAAGGGCAACGTGCAAGTGTTGTTCCCTTCTTGACAGAATCTT	147955
Query	432943	ACAGCTCTAGCCAGGACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAAGAACTTCC	433002

Sbjct	147954	CTCTAGCCAGGACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAAGAACTTCC	147895
Query	433003	CCAATGCCATTGAGCATACCCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAGGTGGAAGG	433062
Sbjct	147894	CCAATGCCATTGAGCATACCCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAGGTGGAAGG	147835
Query	433063	GTTAGGTCATCAAGCCTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTGCTCTCGTC	433122
Sbjct	147834	GTTAGGTCATCAAGCCTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTGCTCTCGTC	147775
Query	433123	TTTATACCACTATCCAGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTCACAAAGAACTTTGACC	433182
Sbjct	147774	TTTATACCACTATCCAGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTCACAAAGAACTTTGACC	147715
Query	433183	TTTGGGTACACCTTGTGTGTGCTGTGTCACAAGTCTCTGAGATCATATGTGTATCAACCCAC	433242
Sbjct	147714	TTTGGGTACACCTTGTGTGTGCTGTGTCACAAGTCTCTGAGATCATATGTGTATCAACCCAC	147655
Query	433243	ATGTGTATCTATCAGATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTGACAGCACT	433302
Sbjct	147654	ATGTGTATCTATCAGATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTGACAGCACT	147595
Query	433303	CATAAAATTGTATAAGTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGAGGTCCGCA	433362
Sbjct	147594	CATAAAATTGTATAAGTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGAGGTCCGCA	147535
Query	433363	CAATGTTCCAGCTCAGAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCATTGTCTACAA	433422
Sbjct	147534	CAATGTTCCAGCTCAGAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCATTGTCTACAA	147475
Query	433423	TGGAATGTTACCGTATCTAGCAACCACATTTTCAGGGTGGATGTCATGCCTAGAAGTACGT	433482
Sbjct	147474	TGGAATGTTACCGTATCTAGCAACCACATTTTCAGGGTGGATGTCATGCCTAGAAGTACGT	147415
Query	433483	GGCCAGATGGACTTCAGGttttttgtttttgtttttgttttgcgcacttctttctgtttt	433542
Sbjct	147414	GGCCAGATGGACTTCAGGTTTTTTGTTTTTGTTTTTGTTTTGCGCACTTCTTCTGTTTT	147355
Query	433543	ggtatttcttgtcttctgctgctgggtttttatttatttcttttgggttttactttttCTCG	433602
Sbjct	147354	GGTATTTCTTGTCTTGCTGCTGGGTTTTTATTTATTTCTTTTGGGTTTTACTTTTTCTCG	147295
Query	433603	GGAGATGGCACACGGGTAAAGCAGCTAGGGAGTTGAGGAGGTCTGGGAGGGTCTGGCAG	433662
Sbjct	147294	GGAGATGGCACACGGGTAAAGCAGCTAGGGAGTTGAGGAGGTCTGGGAGGGTCTGGCAG	147235
Query	433663	AAAGAAAAAACATCCAAACTCTAGTGTATGAAAGATACCTTAAGTAGAGTAATTAACGTT	433722
Sbjct	147234	AAAGAAAAAACATCCAAACTCTAGTGTATGAAAGATACCTTAAGTAGAGTAATTAACGTT	147175
Query	433723	AACCTTTTAATTGGAAGACTTAAAGAGAACATCACGGGACATGTGCCTGAACAGTGAG	433782
Sbjct	147174	AACCTTTTAATTGGAAGACTTAAAGAGAACATCACGGGACATGTGCCTGAACAGTGAG	147115
Query	433783	GATGGTCTGTAAATGATGCTTTTTGCTGCACAAATCGGCTAATGTTGTTTCTGCTGACTT	433842
Sbjct	147114	GATGGTCTGTAAATGATGCTTTTTGCTGCACAAATCGGCTAATGTTGTTTCTGCTGACTT	147055
Query	433843	TCTAAATTAACCTGTAATAGTGAGTGC GTTTTTGGTTTGTTAAACTCTTACCCAAAGTGA	433902
Sbjct	147054	TCTAAATTAACCTGTAATAGTGAGTGC GTTTTTGGTTTGTTAAACTCTTACCCAAAGTGA	146995
Query	433903	GTTAGACGGCTGGTTTTTTAAGTGC GGCTTCTGTCTGTGTAGTCAAGTACATAATCTTGTG	433962
Sbjct	146994	GTTAGACGGCTGGTTTTTTAAGTGC GGCTTCTGTCTGTGTAGTCAAGTACATAATCTTGTG	146935
Query	433963	TACCCCTCTGGCTGGAGAAATTGAATGCTGCACTGGAAACTAAAACCAGAGCCTAGTCCTG	434022
Sbjct	146934	TACCCCTCTGGCTGGAGAAATTGAATGCTGCACTGGAAACTAAAACCAGAGCCTAGTCCTG	146875
Query	434023	CTTATGTTCTTCCAGTCCAACAGTGCC TGGGGCAGGGGGGTTGTTTGTTTCTGTTTGCT	434082
Sbjct	146874	CTTATGTTCTTCCAGTCCAACAGTGCC TGGGGCAGGGGGGTTGTTTGTTTCTGTTTGCT	146815
Query	434083	TGTAGGCTCATAGTGTCAGTACATCGAGGCCATGCTAAGCAGTTGGAGATAAGGAAGGAC	434142
Sbjct	146814	TGTAGGCTCATAGTGTCAGTACATCGAGGCCATGCTAAGCAGTTGGAGATAAGGAAGGAC	146755
Query	434143	TAGACTGGAGAGTTCCAACCACATTACCTTGCCCTGTTTCTTGTTCAGGTTATAAAATG	434202
Sbjct	146754	TAGACTGGAGAGTTCCAACCACATTACCTTGCCCTGTTTCTTGTTCAGGTTATAAAATG	146695
Query	434203	GTTCTCTGTGCTGTGTCAGCAGACAGAGAAGTGCAAAAGGTTTACAAATGTTCAAGTAGCT	434262
Sbjct	146694	GTTCTCTGTGCTGTGTCAGCAGACAGAGAAGTGCAAAAGGTTTACAAATGTTCAAGTAGCT	146635
Query	434263	TTGTAGGAGCCATGTCTGGTCCTCAGATTCCTTATCTGCAAAATGAGCATTGAAGTGAGA	434322
Sbjct	146634	TTGTAGGAGCCATGTCTGGTCCTCAGATTCCTTATCTGCAAAATGAGCATTGAAGTGAGA	146575

Query	434323	TTTTGTAAAGCACTTAAGCACTGGATATGGGCTGCTCATATACTTTGGTAAAGTTCTTAG	434382
Sbjct	146574	TTTTGTAAAGCACTTAAGCACTGGATATGGGCTGCTCATATACTTTGGTAAAGTTCTTAG	146515
Query	434383	CTGTGGGTTTGTAGTTGACACCATTCTCAATCTTGTGGTATGAATGTACTCATTCACTAA	434442
Sbjct	146514	CTGTGGGTTTGTAGTTGACACCATTCTCAATCTTGTGGTATGAATGTACTCATTCACTAA	146455
Query	434443	CATTGATGAGTGTAATGCTAGCTATATCAGAGACTTAAACAGGGATGTTTATTCTTCTG	434502
Sbjct	146454	CATTGATGAGTGTAATGCTAGCTATATCAGAGACTTAAACAGGGATGTTTATTCTTCTG	146395
Query	434503	CAACAGGTCATAAAAGCAGGTTAGTATGTGTGAGAGTGAAAATTTAGAAGCTGTATGTCT	434562
Sbjct	146394	CAACAGGTCATAAAAGCAGGTTAGTATGTGTGAGAGTGAAAATTTAGAAGCTGTATGTCT	146335
Query	434563	AGTGTCTGTATAGATGCCCCAGACCATTTCAGCAGTGACCTCCTAGTTCTTAGAAACCGG	434622
Sbjct	146334	AGTGTCTGTATAGATGCCCCAGACCATTTCAGCAGTGACCTCCTAGTTCTTAGAAACCGG	146275
Query	434623	GTTGaaaacaaataaacaacaaacaaaagaccaagaaacaaaGGAGGAGTTCCTATTGA	434682
Sbjct	146274	GTTGAAAACAAATAAACAAACAAACAAAAGACCAAGAAACAAAGGAGGAGTTCCTATTGA	146215
Query	434683	GACCTGGGTGACTTCTTCCTCTCTGTGTCTCTTTGTTATAAACCAGACACCTCACACCCA	434742
Sbjct	146214	GACCTGGGTGACTTCTTCCTCTCTGTGTCTCTTTGTTATAAACCAGACACCTCACACCCA	146155
Query	434743	TATTGCCATTTCAGTTTCTCACAAGATACATAATTGGCTGCCAAGTACAACCACTGGTCTG	434802
Sbjct	146154	TATTGCCATTTCAGTTTCTCACAAGATACATAATTGGCTGCCAAGTACAACCACTGGTCTG	146095
Query	434803	GAACACGTGGGTGCCCTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAACAAGCATTA	434862
Sbjct	146094	GAACACGTGGGTGCCCTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAACAAGCATTA	146035
Query	434863	CTAATATGTACAGAGACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTGTAGTGGGC	434922
Sbjct	146034	CTAATATGTACAGAGACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTGTAGTGGGC	145975
Query	434923	TCGGGATGAGTTTGAAGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACCAATACCTCAT	434982
Sbjct	145974	TCGGGATGAGTTTGAAGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACCAATACCTCAT	145915
Query	434983	GTAAGTAACAGACAAACCAACAGCAGACAGACGCAACCAACAAAGGCATCCTTGTCTG	435042
Sbjct	145914	GTAAGTAACAGACAAACCAACAGCAGACAGACGCAACCAACAAAGGCATCCTTGTCTG	145855
Query	435043	CTCTCCTCAGGCACATCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCGGGTTGACT	435102
Sbjct	145854	CTCTCCTCAGGCACATCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCGGGTTGACT	145795
Query	435103	TTTTCCATAGAGAAAGAAGGCTTGTCTAGAAACTTTACTTCTAGGCCTCTGAAGTAATCC	435162
Sbjct	145794	TTTTCCATAGAGAAAGAAGGCTTGTCTAGAAACTTTACTTCTAGGCCTCTGAAGTAATCC	145735
Query	435163	AGGTCTTTGCATTGGATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCTAGCTGGCA	435222
Sbjct	145734	AGGTCTTTGCATTGGATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCTAGCTGGCA	145675
Query	435223	CCCAGCCTTTGGAAGTACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCCTGCAGAGGCCACAGA	435282
Sbjct	145674	CCCAGCCTTTGGAAGTACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCCTGCAGAGGCCACAGA	145615
Query	435283	CTTGGGCCGACTGTGTGACTTGGGCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTCTCACAACA	435342
Sbjct	145614	CTTGGGCCGACTGTGTGACTTGGGCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTCTCACAACA	145555
Query	435343	TCCAGCAGTTGCTGCACAACTTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTGGGTATATT	435402
Sbjct	145554	TCCAGCAGTTGCTGCACAACTTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTGGGTATATT	145495
Query	435403	TGGCCCAAACACATTTCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCTCTGTCTGGACCTGGCTTC	435462
Sbjct	145494	TGGCCCAAACACATTTCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCTCTGTCTGGACCTGGCTTC	145435
Query	435463	TTCCAGGTAGCCTAAGTGCCACAAGCACCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTTCTCCGTGT	435522
Sbjct	145434	TTCCAGGTAGCCTAAGTGCCACAAGCACCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTTCTCCGTGT	145375
Query	435523	AAGCATTTGCGTTTTCTCCTCCTGCCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCTTTCCAGCT	435582
Sbjct	145374	AAGCATTTGCGTTTTCTCCTCCTGCCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCTTTCCAGCT	145315
Query	435583	GCACTTGTGGGCTGAGTCATATCTGAGTTCCCTCGGAGGGTTGCAGTTTTAAGTGAGAAA	435642
Sbjct	145314	GCACTTGTGGGCTGAGTCATATCTGAGTTCCCTCGGAGGGTTGCAGTTTTAAGTGAGAAA	145255
Query	435643	TATGATAGTTAAATATACAGCGGTCTATGGGTTTATGGGTCTATGGGTCTATGGCTGTGT	435702



Sbjct	145254	TATGATAGTTAAATATACAGCGGTCTATGGGTTTCATGGGTCATGGGTCATGGGTCATGGCTGTGT	145195
Query	435703	TTGACAGTGGGGTCATGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGTGAAGTAGG	435762
Sbjct	145194	TTGACAGTGGGGTCATGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGTGAAGTAGG	145135
Query	435763	TATGATAATGGCTTGTGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTTAGTATTGC	435822
Sbjct	145134	TATGATAATGGCTTGTGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTTAGTATTGC	145075
Query	435823	ATTGGTTTAGCCTAAGCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAACTTGCTGTGTGTTTTTGGCT	435882
Sbjct	145074	ATTGGTTTAGCCTAAGCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAACTTGCTGTGTGTTTTTGGCT	145015
Query	435883	CATCATGGGTCCAAGAATGGTGAACCTTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCTGAGAGTGC	435942
Sbjct	145014	CATCATGGGTCCAAGAATGGTGAACCTTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCTGAGAGTGC	144955
Query	435943	TTCTCCTTCAGTCTCTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTGGGGTACTT	436002
Sbjct	144954	TTCTCCTTCAGTCTCTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTGGGGTACTT	144895
Query	436003	TTTTGGTCAGGACCTAAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACAATGTAAGT	436062
Sbjct	144894	TTTTGGTCAGGACCTAAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACAATGTAAGT	144835
Query	436063	GTCCTTGGGATCTCCCAGGTGGTTGGGTGGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTTACTCTGTG	436122
Sbjct	144834	GTCCTTGGGATCTCCCAGGTGGTTGGGTGGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTTACTCTGTG	144775
Query	436123	GTTGTTAAGCTAACTTTTCTTTGCCATACCTTTCTTTAGCCCTTACATCTGGATTATGT	436182
Sbjct	144774	GTTGTTAAGCTAACTTTTCTTTGCCATACCTTTCTTTAGCCCTTACATCTGGATTATGT	144715
Query	436183	TATGGCTGCTGCCAACCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAGGACTGTGC	436242
Sbjct	144714	TATGGCTGCTGCCAACCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAGGACTGTGC	144655
Query	436243	TGCTGTGACCACACTCCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCAAGTTTGCTCCCAAGTCTGGCAT	436302
Sbjct	144654	TGCTGTGACCACACTCCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCAAGTTTGCTCCCAAGTCTGGCAT	144595
Query	436303	CAGGATCCATGTTTCTGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGTGAGAATGC	436362
Sbjct	144594	CAGGATCCATGTTTCTGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGTGAGAATGC	144535
Query	436363	TTCAACATTAGTTTCAGGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTCCCTCTGGT	436422
Sbjct	144534	TTCAACATTAGTTTCAGGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTCCCTCTGGT	144475
Query	436423	ATTTGCCACTGGCCATGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGAGGTGGATG	436482
Sbjct	144474	ATTTGCCACTGGCCATGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGAGGTGGATG	144415
Query	436483	GGTGGAAAAACAAAGTTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAATGGTTCAT	436542
Sbjct	144414	GGTGGAAAAACAAAGTTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAATGGTTCAT	144355
Query	436543	TCCCTTCCTGGTGTAATTAACTTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTGATCTATTT	436602
Sbjct	144354	TCCCTTCCTGGTGTAATTAACTTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTGATCTATTT	144295
Query	436603	TCATGCAAAAAGAACCTGAGTGCTCCCTGTCTGTGGGCATCTTGATACTTTTGCTACAG	436662
Sbjct	144294	TCATGCAAAAAGAACCTGAGTGCTCCCTGTCTGTGGGCATCTTGATACTTTTGCTACAG	144235
Query	436663	GTCACCTCTATTTTGCCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCTGTATCTGC	436722
Sbjct	144234	GTCACCTCTATTTTGCCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCTGTATCTGC	144175
Query	436723	TTAAAGCACACCTCGCTTTCTGCACTCCTGTGTCCGCTCTGTTTCCTCTTCTGATCTCT	436782
Sbjct	144174	TTAAAGCACACCTCGCTTTCTGCACTCCTGTGTCCGCTCTGTTTCCTCTTCTGATCTCT	144115
Query	436783	GTGCAGAATCTCTTCTCTTGTAAAGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCCTCGATTTCCCTTC	436842
Sbjct	144114	GTGCAGAATCTCTTCTCTTGTAAAGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCCTCGATTTCCCTTC	144055
Query	436843	CAGAGTAGTTGTCTCCTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGCCATTTCTT	436902
Sbjct	144054	CAGAGTAGTTGTCTCCTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGCCATTTCTT	143995
Query	436903	CCCATTAACTAATTTCTATCTTTCTGTGAACCTTAATCTGAATCACTTTTCCCAGCTCTG	436962
Sbjct	143994	CCCATTAACTAATTTCTATCTTTCTGTGAACCTTAATCTGAATCACTTTTCCCAGCTCTG	143935
Query	436963	TCTTCATCTTCTAAACATAAACCCCTATGCCCATTTGAACAACCTTCTCCACCCCTTACCA	437022
Sbjct	143934	TCTTCATCTTCTAAACATAAACCCCTATGCCCATTTGAACAACCTTCTCCACCCCTTACCA	143875

Query	437023	TCCCCGAAAACCTTTTTGTTTCAATCTTTTGACCACTAGCTATATCATATTAGTGGAAC	437082
Sbjct	143874	TCCCCGAAAACCTTTTTGTTTCAATCTTTTGACCACTAGCTATATCATATTAGTGGAAC	143815
Query	437083	CACAGAGAAACGAAATCATACCAGATTTTCTTCCTGTGTCCTTCCATTCTATCTAGTG	437142
Sbjct	143814	CACAGAGAAACGAAATCATACCAGATTTTCTTCCTGTGTCCTTCCATTCTATCTAGTG	143755
Query	437143	TAATGGCTGTACATTAATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTCTATTAAC	437202
Sbjct	143754	TAATGGCTGTACATTAATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTCTATTAAC	143695
Query	437203	TATTGATGGGTAATTGAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCTTCTTTGTG	437262
Sbjct	143694	TATTGATGGGTAATTGAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCTTCTTTGTG	143635
Query	437263	TGAGGTGTTTCATTTTTGTTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTTGTATTCTCATC	437322
Sbjct	143634	TGAGGTGTTTCATTTTTGTTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTTGTATTCTCATC	143575
Query	437323	CCTGCGTCCCTGTACTCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTTCTCTCTTCGCCTTTCCTTCCCTT	437382
Sbjct	143574	CCTGCGTCCCTGTACTCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTTCTCTCTTCGCCTTTCCTTCCCTT	143515
Query	437383	ACACCTTCCAGGATGCCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCTCCTCCCAG	437442
Sbjct	143514	ACACCTTCCAGGATGCCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCTCCTCCCAG	143455
Query	437443	TCCTGATTTTACCCTGGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATGACAGCCAC	437502
Sbjct	143454	TCCTGATTTTACCCTGGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATGACAGCCAC	143395
Query	437503	CTAGAGGAACTCAAGACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGAATTCAAGATGCAT	437562
Sbjct	143394	CTAGAGGAACTCAAGACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGAATTCAAGATGCAT	143335
Query	437563	CCCATTGATTTTCGAGAAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGATGGTGGGCA	437622
Sbjct	143334	CCCATTGATTTTCGAGAAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGATGGTGGGCA	143275
Query	437623	CAGATGCCTAGCAGTAGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCCTGTTTAAA	437682
Sbjct	143274	CAGATGCCTAGCAGTAGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCCTGTTTAAA	143215
Query	437683	AGAGAAGTTTCTTTGATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAGTTGAAACA	437742
Sbjct	143214	AGAGAAGTTTCTTTGATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAGTTGAAACA	143155
Query	437743	TAGAATGCAGTTAGGAAC	437802
Sbjct	143154	TAGAATGCAGTTAGGAAC	143095
Query	437803	CCATTGGTTCACTAGTCCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCACTATGTCCAGTGGATAC	437862
Sbjct	143094	CCATTGGTTCACTAGTCCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCACTATGTCCAGTGGATAC	143035
Query	437863	ATCTGCAACACAAGTGCACCTaagaaatgggaagagaaggtagaaaaaaaaatgtaaaagca	437922
Sbjct	143034	ATCTGCAACACAAGTGCACCTAAGAAATGGAAGAGAAGGTAGAAAAAAATGTAAAAGCA	142975
Query	437923	aggggatttaaaaaaaaaagaagaaaaaacccaaaaaaCTGGTATCTCCTAGAAATGACAGAA	437982
Sbjct	142974	AGGGGATTTAAAAAAGAAGAAAAACCCAAAAAACTGGTATCTCCTAGAAATGACAGAA	142915
Query	437983	AGAAGACGTGAACAAAGACAACACCAGAAGAATATTTTACTATTTATTTTCAACTTAA	438042
Sbjct	142914	AGAAGACGTGAACAAAGACAACACCAGAAGAATATTTTACTATTTATTTTCAACTTAA	142855
Query	438043	GTGTACTTTGAGCATATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTCCCTCTCT	438102
Sbjct	142854	GTGTACTTTGAGCATATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTCCCTCTCT	142795
Query	438103	ACCTACCAAACCTTTTAAGTTCTTTCTCAGAACCAAACAAAACCTTAGTACAACAACAAGAC	438162
Sbjct	142794	ACCTACCAAACCTTTTAAGTTCTTTCTCAGAACCAAACAAAACCTTAGTACAACAACAAGAC	142735
Query	438163	TTCCCAAAGCCAGAAAACAAAATGTCACCCAAAGAGAGGACAACAGCAAAACCCACCAA	438222
Sbjct	142734	TTCCCAAAGCCAGAAAACAAAATGTCACCCAAAGAGAGGACAACAGCAAAACCCACCAA	142675
Query	438223	CTTCTTTTTCTTGGTTATTTTACTTATTTACATTTCAAATGTCCCCCTTTCTGGTTTCCC	438282
Sbjct	142674	CTTCTTTTTCTTGGTTATTTTACTTATTTACATTTCAAATGTCCCCCTTTCTGGTTTCCC	142615
Query	438283	CACCTAACCCCGCACCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGGGTGCTCCC	438342
Sbjct	142614	CACCTAACCCCGCACCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGGGTGCTCCC	142555
Query	438343	CCGCCCATCTACCCACCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCCTCCTCTCC	438402

Sbjct	142554	CCCCATCTACCCACCCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCCTCCTCTCC	142495
Query	438403	CACTGATGTACCTAAGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTCCCCCTCAT	438462
Sbjct	142494	CACTGATGTACCTAAGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTCCCCCTCAT	142435
Query	438463	GTGTACTCTTTGGTGGGTGGTTTAGTCCCTCGAAGCTCtgtgtgtgtgtgtgtggggggggg	438522
Sbjct	142434	GTGTACTCTTTGGTGGGTGGTTTAGTCCCTCGAAGCTCTGTGTGTGTGTGTGGGGGGGGG	142375
Query	438523	CGTTGATTAGTTGGTAGTGGTGTTCCTATGGATTTGCAGATCCCTTCAGCTCCTTCA	438582
Sbjct	142374	CGTTGATTAGTTGGTAGTGGTGTTCCTATGGATTTGCAGATCCCTTCAGCTCCTTCA	142315
Query	438583	GTCAGTCCTTCCTCTGACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGTTTGGCTGA	438642
Sbjct	142314	GTCAGTCCTTCCTCTGACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGTTTGGCTGA	142255
Query	438643	GAGCATCTATGTCTGTATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCCTGTACCA	438702
Sbjct	142254	GAGCATCTATGTCTGTATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCCTGTACCA	142195
Query	438703	GGCTCCTTTTCAGCAAGCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGTGTCTGCAG	438762
Sbjct	142194	GGCTCCTTTTCAGCAAGCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGTGTCTGCAG	142135
Query	438763	TTGGGATGGATCCCTAGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCCTCAGTCTCTGCTCCA	438822
Sbjct	142134	TTGGGATGGATCCCTAGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCCTCAGTCTCTGCTCCA	142075
Query	438823	CTCTTGTGACAGGAACCATTCCTTGGTTAAAATTTTGAGATGGGTAGGTGAGCCCATCCT	438882
Sbjct	142074	CTCTTGTGACAGGAACCATTCCTTGGTTAAAATTTTGAGATGGGTAGGTGAGCCCATCCT	142015
Query	438883	TCAACCTATCCACTGGATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGGGTATTGCG	438942
Sbjct	142014	TCAACCTATCCACTGGATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGGGTATTGCG	141955
Query	438943	CCTAATGTCATCTCTCCTGGGTCCTGGGAAAACCCCTTGTTTCCCTGTCATCTGGGACTT	439002
Sbjct	141954	CCTAATGTCATCTCTCCTGGGTCCTGGGAAAACCCCTTGTTTCCCTGTCATCTGGGACTT	141895
Query	439003	TCTAGTGGTTATCCCCAATTTCCACCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCACTTGCCTG	439062
Sbjct	141894	TCTAGTGGTTATCCCCAATTTCCACCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCACTTGCCTG	141835
Query	439063	CCATTTTCAGCAGGACTCCTTTCTCACCACCCTGACCACAATAGACCTGTGCTCTGTC	439122
Sbjct	141834	CCATTTTCAGCAGGACTCCTTTCTCACCACCCTGACCACAATAGACCTGTGCTCTGTC	141775
Query	439123	CGGGCTCAAAAGCAGCTTTCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCAAGTAGTGA	439182
Sbjct	141774	CGGGCTCAAAAGCAGCTTTCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCAAGTAGTGA	141715
Query	439183	GTGACCTCTCCCAACCTCTCTCTTTCCAGATAAATTCAGATAATTTGATTTTTCCCCCTCC	439242
Sbjct	141714	GTGACCTCTCCCAACCTCTCTCTTTCCAGATAAATTCAGATAATTTGATTTTTCCCCCTCC	141655
Query	439243	CCTACATCTTTTGTACAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCAAATAAGTC	439302
Sbjct	141654	CCTACATCTTTTGTACAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCAAATAAGTC	141595
Query	439303	TGAGTGTTAAAGAGCTTTAGGGAGGTAGCTACCTCATAACAAGGTATGTCACCTTGTTCAA	439362
Sbjct	141594	TGAGTGTTAAAGAGCTTTAGGGAGGTAGCTACCTCATAACAAGGTATGTCACCTTGTTCAA	141535
Query	439363	GCTATTTTTTGTCTTTGTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCTCTGTCCAGA	439422
Sbjct	141534	GCTATTTTTTGTCTTTGTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCTCTGTCCAGA	141475
Query	439423	GACTATTTGCTGTTGGTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCGAGGGTGAC	439482
Sbjct	141474	GACTATTTGCTGTTGGTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCGAGGGTGAC	141415
Query	439483	TTGAACTTGAGGTCATTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCATGCAGTAC	439542
Sbjct	141414	TTGAACTTGAGGTCATTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCATGCAGTAC	141355
Query	439543	TGTGACTCCTGTGGGCTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGAGATTTGGT	439602
Sbjct	141354	TGTGACTCCTGTGGGCTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGAGATTTGGT	141295
Query	439603	GAGCAGCACCATCAGTTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGCCTTGGTGA	439662
Sbjct	141294	GAGCAGCACCATCAGTTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGCCTTGGTGA	141235
Query	439663	CATTGCCCAAGCTGCTAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCATTGCTGATCGTCA	439722
Sbjct	141234	CATTGCCCAAGCTGCTAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCATTGCTGATCGTCA	141175

Query	439723	TCAGGAGCTTCTTGGGCAAACCCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACaaaaaaGCAGTCT	439782
Sbjct	141174	TCAGGAGCTTCTTGGGCAAACCCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACAAAAAAGCAGTCT	141115
Query	439783	ATCTCATTACGTATTGACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTTCTTcccc	439842
Sbjct	141114	ATCTCATTACGTATTGACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTTCTTCCCC	141055
Query	439843	ccccccccAGTCCCATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATATATTTGCA	439902
Sbjct	141054	CCCCCCCCCAGTCCCATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATATATTTGCA	140995
Query	439903	GATACTTTGACCATATAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTATAATCCAT	439962
Sbjct	140994	GATACTTTGACCATATAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTATAATCCAT	140935
Query	439963	TTGCTTTGATCTACGTTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTACAGTTCCATGTGTCTA	440022
Sbjct	140934	TTGCTTTGATCTACGTTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTACAGTTCCATGTGTCTA	140875
Query	440023	TTTTGTAACATCTTCCCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAGAATTCTTTCT	440082
Sbjct	140874	TTTTGTAACATCTTCCCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAGAATTCTTTCT	140815
Query	440083	GCCTCCAGGATGGCCACCTTCTATTCTACCCTTTCTACATAGGCCATTGGGTTTTTAA	440142
Sbjct	140814	GCCTCCAGGATGGCCACCTTCTATTCTACCCTTTCTACATAGGCCATTGGGTTTTTAA	140755
Query	440143	TTGACAGGTATATCCTGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCAGTTGTTTTTA	440202
Sbjct	140754	TTGACAGGTATATCCTGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCAGTTGTTTTTA	140695
Query	440203	GAGGGCCTTGTTCTCCTGGTGTCTCCTCCATTCTCTGGTGCTCTCCACTCATATGCTTAC	440262
Sbjct	140694	GAGGGCCTTGTTCTCCTGGTGTCTCCTCCATTCTCTGGTGCTCTCCACTCATATGCTTAC	140635
Query	440263	ACTCATGCACACTCGctgtctgtctgtctgtctgtctgtctgtctgtgtgtgtc	440322
Sbjct	140634	ACTCATGCACACTCGCTGTCTGTCTGTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGTGTGTGTGTC	140575
Query	440323	tgtgtgtgtgCAGCTGCACATGTGAGCTCAAACCTTAAAGTTTCTACTTTATTAGGTTTC	440382
Sbjct	140574	TGTGTGTGTGCAGCTGCACATGTGAGCTCAAACCTTAAAGTTTCTACTTTATTAGGTTTC	140515
Query	440383	TGCAAACCCCTCACATCACCATAATTTTAAAGTGCCTCTCCCCTATTCTCTCTTATTCCC	440442
Sbjct	140514	TGCAAACCCCTCACATCACCATAATTTTAAAGTGCCTCTCCCCTATTCTCTCTTATTCCC	140455
Query	440443	TGCACTAGCCCAGTCTAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGCCCACTTGA	440502
Sbjct	140454	TGCACTAGCCCAGTCTAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGCCCACTTGA	140395
Query	440503	TCATGGTGGATGATCTTTTTGAAATGTTCTTGGATTATGTTTGCAAGTACTTCGCTGAGT	440562
Sbjct	140394	TCATGGTGGATGATCTTTTTGAAATGTTCTTGGATTATGTTTGCAAGTACTTCGCTGAGT	140335
Query	440563	ATTTTTGCATCTGTGTTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTCAGTCTTTA	440622
Sbjct	140334	ATTTTTGCATCTGTGTTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTCAGTCTTTA	140275
Query	440623	TGTGGTTTGATTATCAGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTTCCATTTTG	440682
Sbjct	140274	TGTGGTTTGATTATCAGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTTCCATTTTG	140215
Query	440683	TAGAGTGATTTTAAAGTATTAGCATTAACCTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTCTGTGCTAA	440742
Sbjct	140214	TAGAGTGATTTTAAAGTATTAGCATTAACCTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTCTGTGCTAA	140155
Query	440743	GATTATCTGGCTCTGGATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTAGAATTGAA	440802
Sbjct	140154	GATTATCTGGCTCTGGATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTAGAATTGAA	140095
Query	440803	TTTTCATTACAGTTGTAGAAAGTGTTGTATTTTACAAGTTTGTGTCTGGACGCAttttttt	440862
Sbjct	140094	TTTTCATTACAGTTGTAGAAAGTGTTGTATTTTACAAGTTTGTGTCTGGACGCATTTTTTT	140035
Query	440863	CATTACAGTAGAAGATTGTTTCAGTTTCCTTGATTTGTAAGAGTTCTATTGTTGTGTTGTT	440922
Sbjct	140034	CATTACAGTAGAAGATTGTTTCAGTTTCCTTGATTTGTAAGAGTTCTATTGTTGTGTTGTT	139975
Query	440923	GATCTCCATGGTGATCAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGATGTGTTAA	440982
Sbjct	139974	GATCTCCATGGTGATCAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGATGTGTTAA	139915
Query	440983	GACTTTGTGTCTGAGCACATGGTCAATAATTTTAAAGGAAGTTCCATGGGGTCTTAGAAGA	441042
Sbjct	139914	GACTTTGTGTCTGAGCACATGGTCAATAATTTTAAAGGAAGTTCCATGGGGTCTTAGAAGA	139855
Query	441043	AGGCATGTTCCCTTTGTGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAACTTCCATTGGT	441102

Sbjct	139854	ATGTTCCCTTTGTGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAACTTCCATTGGT	139795
Query	441103	TGCACCATATCTCTGTTTAGTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGATTGGGGTA	441162
Sbjct	139794	TGCACCATATCTCTGTTTAGTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGATTGGGGTA	139735
Query	441163	TTGAAGACTCCCACAATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTACAAACTTGGGTGCCC	441222
Sbjct	139734	TTGAAGACTCCCACAATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTACAAACTTGGGTGCCC	139675
Query	441223	TGGTGTTTGGGGCATAGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTGTGAATTCTTTTGAT	441282
Sbjct	139674	TGGTGTTTGGGGCATAGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTGTGAATTCTTTTGAT	139615
Query	441283	GAGTACATACTGTCCTTTCCTATCTCTTTTGATTAGTTTTAGTTTGAGACTTATTTGTTA	441342
Sbjct	139614	GAGTACATACTGTCCTTTCCTATCTCTTTTGATTAGTTTTAGTTTGAGACTTATTTGTTA	139555
Query	441343	AGTATTAAAATGGCCACACGAGCTTGTTCCTTGGGCATATA <b>ttttttt</b> CTGTCTTTT <b>TA</b>	441402
Sbjct	139554	AGTATTAAAATGGCCACACGAGCTTGTTCCTTGGGCATATA <b>ATTTTTT</b> CTGTCTTTT <b>TA</b>	139495
Query	441403	TGCTGAGCCGATTGGTGTCTATCCTTTAGTGTTGAACTGTACTTCTTACATGAAGCCAAA	441462
Sbjct	139494	TGCTGAGCCGATTGGTGTCTATCCTTTAGTGTTGAACTGTACTTCTTACATGAAGCCAAA	139435
Query	441463	ACATAAGATTGTATTTCCCCGTCCATTCTGTTAGTGTTTGCCTTTTATGTGAGGGTTTGA	441522
Sbjct	139434	ACATAAGATTGTATTTCCCCGTCCATTCTGTTAGTGTTTGCCTTTTATGTGAGGGTTTGA	139375
Query	441523	GACTGTTGATTTTGATAGATACCAATGGTCAGTGACTGTTGATACATGTAACCTTTGTTGT	441582
Sbjct	139374	GACTGTTGATTTTGATAGATACCAATGGTCAGTGACTGTTGATACATGTAACCTTTGTTGT	139315
Query	441583	TGTTGGTGAAGTAAGTACGTCAGAGGGATGTGTATGTGTGTGCCACGTCCATCTGTCTG	441642
Sbjct	139314	TGTTGGTGAAGTAAGTACGTCAGAGGGATGTGTATGTGTGTGCCACGTCCATCTGTCTG	139255
Query	441643	TCCATCCGTCTGTCCATTATGCCCCCTCCCTTCTTTTGATGTGCTAGTCTGGGATTATAT	441702
Sbjct	139254	TCCATCCGTCTGTCCATTATGCCCCCTCCCTTCTTTTGATGTGCTAGTCTGGGATTATAT	139195
Query	441703	AGTTCCTGTGTGTCTTTGGTGTAACTAACCTACTTAGGTTGAAGTTTTCTTTCTAGCCC	441762
Sbjct	139194	AGTTCCTGTGTGTCTTTGGTGTAACTAACCTACTTAGGTTGAAGTTTTCTTTCTAGCCC	139135
Query	441763	CTTTTTACAGCTGAGTTTGTAAACAGATACTGCCTAAATGTGGGTGGG <b>tttcttccttcc</b>	441822
Sbjct	139134	CTTTTTACAGCTGAGTTTGTAAACAGATACTGCCTAAATGTGGGTGGG <b>TTTCTTCCTTCC</b>	139075
Query	441823	<b>ttccttccttcctcccttcctttctttctttctctctttctttctttctttctttctttc</b>	441882
Sbjct	139074	<b>TTCTTCTCTTCTCCCTTCCCTTCTTTCTTTCTTCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTC</b>	139015
Query	441883	<b>tctcagaatgtcttattttcttccatct</b> ACAGTGATCAAAAGTTTTGCTGGGTGTGGTGT	441942
Sbjct	139014	<b>TCTCAGAATGTCTTATTTTCTTCATCT</b> ACAGTGATCAAAAGTTTTGCTGGGTGTGGTGT	138955
Query	441943	CTGACCATCGTCTAGAACATCATCTCACCAGGCTTTTAAGGCTTTGAAGGTCTCTCTCTA	442002
Sbjct	138954	CTGACCATCGTCTAGAACATCATCTCACCAGGCTTTTAAGGCTTTGAAGGTCTCTCTCTA	138895
Query	442003	GGTCAGGTTTAAATTCTAATAGGTCTGTCTGCCTTTATTTGTTACTTGGTCCTTTTCCCTT	442062
Sbjct	138894	GGTCAGGTTTAAATTCTAATAGGTCTGTCTGCCTTTATTTGTTACTTGGTCCTTTTCCCTT	138835
Query	442063	TAATCTTCTTTTCATTGTTGTGTATGTTTAGTGTTTGAATTATTACATGGCAAGAGGTCTT	442122
Sbjct	138834	TAATCTTCTTTTCATTGTTGTGTATGTTTAGTGTTTGAATTATTACATGGCAAGAGGTCTT	138775
Query	442123	TCTTTTATGATCCAAATCTACTTGGTGTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGATAGGCATT	442182
Sbjct	138774	TCTTTTATGATCCAAATCTACTTGGTGTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGATAGGCATT	138715
Query	442183	TATTTCTTTAGGGCAGGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGAAAATCCTTCCTGGGTCT	442242
Sbjct	138714	TATTTCTTTAGGGCAGGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGAAAATCCTTCCTGGGTCT	138655
Query	442243	TGATACTTGGGGATTCTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGGTCTTTTCA	442302
Sbjct	138654	TGATACTTGGGGATTCTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGGTCTTTTCA	138595
Query	442303	TGGTGCCTCAGATTTTCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTTCAACACCT	442362
Sbjct	138594	TGGTGCCTCAGATTTTCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTTCAACACCT	138535
Query	442363	GAGAATCTCTTCCATCTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCTCCGTAGTTCCTGTCCA	442422
Sbjct	138534	GAGAATCTCTTCCATCTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCTCCGTAGTTCCTGTCCA	138475

Query	442423	AGTTCCTATGCTTTTCACTTCCAGTTTCCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTGAATCCGTT	442482
Sbjct	138474	AGTTCCTATGCTTTTCACTTCCAGTTTCCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTGAATCCGTT	138415
Query	442483	TTCACCTTTCAGGTGGTGTCTCATAGATTACTCTAGGAGATTTACTGATTTCTCTTTAA	442542
Sbjct	138414	TTCACCTTTCAGGTGGTGTCTCATAGATTACTCTAGGAGATTTACTGATTTCTCTTTAA	138355
Query	442543	GGACCTTTTATCAAATCCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTTGTGCCTCA	442602
Sbjct	138354	GGACCTTTTATCAAATCCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTTGTGCCTCA	138295
Query	442603	GATATGTTGGTCCTGAGGAGTGTGGGGTCCAGATAGGTGTGGGGACTGGGTTTTCCAGGT	442662
Sbjct	138294	GATATGTTGGTCCTGAGGAGTGTGGGGTCCAGATAGGTGTGGGGACTGGGTTTTCCAGGT	138235
Query	442663	GTAAAATGTGTTTCTTAGTATTGGGACCTGAGACTTGGGAACGGGAATGGGCTTGGGGTT	442722
Sbjct	138234	GTAAAATGTGTTTCTTAGTATTGGGACCTGAGACTTGGGAACGGGAATGGGCTTGGGGTT	138175
Query	442723	ATGACAGGGCTTTACGAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGATGAATCATT	442782
Sbjct	138174	ATGACAGGGCTTTACGAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGATGAATCATT	138115
Query	442783	GCCATGGTTATAGGGTCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACCAAAGAGCT	442842
Sbjct	138114	GCCATGGTTATAGGGTCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACCAAAGAGCT	138055
Query	442843	GGGGATGAGACTGGATCTTGAACCTTGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCATGCAGTTA	442902
Sbjct	138054	GGGGATGAGACTGGATCTTGAACCTTGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCATGCAGTTA	137995
Query	442903	GCTTCTGTGCTTCTGGTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAATGGAACAA	442962
Sbjct	137994	GCTTCTGTGCTTCTGGTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAATGGAACAA	137935
Query	442963	AGCAATTAGGAGAGTTAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGTGGGCTGGG	443022
Sbjct	137934	AGCAATTAGGAGAGTTAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGTGGGCTGGG	137875
Query	443023	TAGCGGCCACAGATAGTCTGCCCAAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTTGATTGAA	443082
Sbjct	137874	TAGCGGCCACAGATAGTCTGCCCAAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTTGATTGAA	137815
Query	443083	GGAACCTGAGAGGGAGATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTGTACCAGAG	443142
Sbjct	137814	GGAACCTGAGAGGGAGATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTGTACCAGAG	137755
Query	443143	CGGCCTGTAGTTTCTTAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTTCAGATCTGGGACAAAGCAAGGAAT	443202
Sbjct	137754	CGGCCTGTAGTTTCTTAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTTCAGATCTGGGACAAAGCAAGGAAT	137695
Query	443203	GTGTGGATGGAGGGAAGGAGGGAAAGATCTGCAGGGACCCTAGAAATGAGCGGAAAGAC	443262
Sbjct	137694	GTGTGGATGGAGGGAAGGAGGGAAAGATCTGCAGGGACCCTAGAAATGAGCGGAAAGAC	137635
Query	443263	TGCTATAGCTATTCTTCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGTGGGCAGGATTAGACTT	443322
Sbjct	137634	TGCTATAGCTATTCTTCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGTGGGCAGGATTAGACTT	137575
Query	443323	GGAGGATCAGAAGGAGAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTAAGTGGCCT	443382
Sbjct	137574	GGAGGATCAGAAGGAGAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTAAGTGGCCT	137515
Query	443383	ATGAATTTGCAGAGAGTCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAGCGGTATTA	443442
Sbjct	137514	ATGAATTTGCAGAGAGTCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAGCGGTATTA	137455
Query	443443	TTGGAAACCATAACCTCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAACTAAGGAA	443502
Sbjct	137454	TTGGAAACCATAACCTCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAACTAAGGAA	137395
Query	443503	GTCTGAGGGCAGGAAAAATGTCTTCTGATGGTTTTATTCATTACCAAGATGTTATCCCTGA	443562
Sbjct	137394	GTCTGAGGGCAGGAAAAATGTCTTCTGATGGTTTTATTCATTACCAAGATGTTATCCCTGA	137335
Query	443563	AATCGTGGCATAAAAGTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGTTATATTTA	443622
Sbjct	137334	AATCGTGGCATAAAAGTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGTTATATTTA	137275
Query	443623	AATATAAGCAAGACAGGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAGTAGTTGGG	443682
Sbjct	137274	AATATAAGCAAGACAGGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAGTAGTTGGG	137215
Query	443683	AGGGATTTGAACGAGGGAATTGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGACAAAATCA	443742
Sbjct	137214	AGGGATTTGAACGAGGGAATTGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGACAAAATCA	137155
Query	443743	AAGACACCTGTACTACAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAACAGTACATA	443802

Sbjct	137154	AAGACACCTGTACTACAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAACAGTACATA	137095
Query	443803	GTTGGGAGAGACAGTGGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGATGACAGCA	443862
Sbjct	137094	GTTGGGAGAGACAGTGGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGATGACAGCA	137035
Query	443863	ACTTTTCACATGGATTTCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAACATGACATTC	443922
Sbjct	137034	ACTTTTCACATGGATTTCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAACATGACATTC	136975
Query	443923	CCCCTGCAGACCGGCATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCTTGCCCGAG	443982
Sbjct	136974	CCCCTGCAGACCGGCATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCTTGCCCGAG	136915
Query	443983	CTGATTTTTCTTCATTTGGGCCCTTCTGTGGTCCCCCACTTCCTCCTAAACAGTAATCCCT	444042
Sbjct	136914	CTGATTTTTCTTCATTTGGGCCCTTCTGTGGTCCCCCACTTCCTCCTAAACAGTAATCCCT	136855
Query	444043	GGTGCCCACTGTCTGTCTTACAGAGCAAAC TGATTGCAGGGAAGATCATCCCAGCTATTG	444102
Sbjct	136854	GGTGCCCACTGTCTGTCTTACAGAGCAAAC TGATTGCAGGGAAGATCATCCCAGCTATTG	136795
Query	444103	CAACCACTACATCAGCTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGTGGTTCAGG	444162
Sbjct	136794	CAACCACTACATCAGCTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGTGGTTCAGG	136735
Query	444163	GTCACCAACAAC TGGATTCTTTTAAAAACAGTTTTATCAACTTGGCTCTGCCTTTCTTCA	444222
Sbjct	136734	GTCACCAACAAC TGGATTCTTTTAAAAACAGTTTTATCAACTTGGCTCTGCCTTTCTTCA	136675
Query	444223	GCTTCTCTGCACCTCTAGCTCCAGGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGCATAGGAAA	444282
Sbjct	136674	GCTTCTCTGCACCTCTAGCTCCAGGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGCATAGGAAA	136615
Query	444283	TATTGATATTACCATT CAGGAAATCTGAGTACACCAGTAT acacaaacacacacgcacgc	444342
Sbjct	136614	TATTGATATTACCATT CAGGAAATCTGAGTACACCAGTATACACAAACACACACGCACGC	136555
Query	444343	acacacacGctctctcttttctctttctctctgtgtgcgtgtgtgtgcgtgtgtgtgtgtg	444402
Sbjct	136554	ACACACACGCTCTCTCTTTCTCTTCTCTCTGTGCGTGTGTGTGCGTGTGTGTGTGTGTG	136495
Query	444403	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt TAGTGTGGGATGGGGAATGGGGACTTCACAGCGG	444462
Sbjct	136494	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTAGTGTGGGATGGGGAATGGGGACTTCACAGCGG	136435
Query	444463	ATAAGGGGTCATTTCCCTGAGATATAAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCAAACACATG	444522
Sbjct	136434	ATAAGGGGTCATTTCCCTGAGATATAAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCAAACACATG	136375
Query	444523	GACAACATAAACTGTAGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGTCTCAAGAA	444582
Sbjct	136374	GACAACATAAACTGTAGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGTCTCAAGAA	136315
Query	444583	AGCAGAAAAATCAGCCAGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACAGGGGATGT	444642
Sbjct	136314	AGCAGAAAAATCAGCCAGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACAGGGGATGT	136255
Query	444643	TAAATGAGAGAAGGAGAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCTTTTCCTTTACAAAGATT	444702
Sbjct	136254	TAAATGAGAGAAGGAGAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCTTTTCCTTTACAAAGATT	136195
Query	444703	CAAGCTGCCTAATCATGGTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTTGACAATAGAGCTGCAG	444762
Sbjct	136194	CAAGCTGCCTAATCATGGTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTTGACAATAGAGCTGCAG	136135
Query	444763	TTGTAACAAATGTTAAGAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCCTCTAGTACTATGATAAAA	444822
Sbjct	136134	TTGTAACAAATGTTAAGAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCCTCTAGTACTATGATAAAA	136075
Query	444823	AGTGGACATTGTGGGATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGAAGAGATGA	444882
Sbjct	136074	AGTGGACATTGTGGGATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGAAGAGATGA	136015
Query	444883	CCCTCAAGCAGTTTCTAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACTCCCCCTTCGT	444942
Sbjct	136014	CCCTCAAGCAGTTTCTAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACTCCCCCTTCGT	135955
Query	444943	GGGGACTTGTATATTTGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACCTCTGCAGA	445002
Sbjct	135954	GGGGACTTGTATATTTGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACCTCTGCAGA	135895
Query	445003	CAGAGCACAAGCTGGAAAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTATTCCCTTCT	445062
Sbjct	135894	CAGAGCACAAGCTGGAAAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTATTCCCTTCT	135835
Query	445063	TTATGCCAGCCACCAAAC TCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCTCCGGGCTG	445122
Sbjct	135834	TTATGCCAGCCACCAAAC TCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCTCCGGGCTG	135775

Query	445123	GTGGGAGTGGAAACCTTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCATGGTTCCCC	445182
Sbjct	135774	GTGGGAGTGGAAACCTTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCATGGTTCCCC	135715
Query	445183	ATTCTTTTTCTGCAATCTGCTACCACCTTTCCTTCTGTGTTTGTTCCTTTCTTTAAG	445242
Sbjct	135714	ATTCTTTTTCTGCAATCTGCTACCACCTTTCCTTCTGTGTTTGTTCCTTTCTTTAAG	135655
Query	445243	TCTCGTGTTCCCTTGATTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAGCGGAAACT	445302
Sbjct	135654	TCTCGTGTTCCCTTGATTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAGCGGAAACT	135595
Query	445303	GGGCCAGCACGTGAAGTCCCTTGTGTTTGAGCTGTGCTGCAACAATGAGAGTGGAGACGA	445362
Sbjct	135594	GGGCCAGCACGTGAAGTCCCTTGTGTTTGAGCTGTGCTGCAACAATGAGAGTGGAGACGA	135535
Query	445363	CATTGAAGTTCCTTATGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCCATTCTTTC	445422
Sbjct	135534	CATTGAAGTTCCTTATGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCCATTCTTTC	135475
Query	445423	AGTTCTGTCAGTCTGTACCAAAACCTTTCAGTTGTGATAAAACCTGATTTCAGACTTCC	445482
Sbjct	135474	AGTTCTGTCAGTCTGTACCAAAACCTTTCAGTTGTGATAAAACCTGATTTCAGACTTCC	135415
Query	445483	TTGTTCTCTAAGACCTTTGTTTAGTGCTGTTTTTATTTACAATGCTTAGAACTGAAATTCTG	445542
Sbjct	135414	TTGTTCTCTAAGACCTTTGTTTAGTGCTGTTTTTATTTACAATGCTTAGAACTGAAATTCTG	135355
Query	445543	TAATAATACATTTTCAGCCAGTAAGTAGTGTGCTTCCTCTCCTTTTAAGGGCGGGTGTG	445602
Sbjct	135354	TAATAATACATTTTCAGCCAGTAAGTAGTGTGCTTCCTCTCCTTTTAAGGGCGGGTGTG	135295
Query	445603	CTGATGTCCCTAGGAAGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCtctttttttttttt	445662
Sbjct	135294	CTGATGTCCCTAGGAAGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCTTTTTTTTTTTT	135235
Query	445663	tctttttctcttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGTATGCTAGGCAAGC	445722
Sbjct	135234	TCTTTTTCTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGTATGCTAGGCAAGC	135175
Query	445723	GCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTAAAAGGTGACATTCA	445782
Sbjct	135174	GCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTAAAAGGTGACATTCA	135115
Query	445783	GAGTCCAGCGGCACAGAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTCAGATAGAGTACTGAAG	445842
Sbjct	135114	GAGTCCAGCGGCACAGAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTCAGATAGAGTACTGAAG	135055
Query	445843	ATGAAACTTAAGCTGTTCTCATTCTCTTGCTATTCTTGCTTAGGGAGAAATGAAGCCTG	445902
Sbjct	135054	ATGAAACTTAAGCTGTTCTCATTCTCTTGCTATTCTTGCTTAGGGAGAAATGAAGCCTG	134995
Query	445903	TGGCAGCAAGGCCATAATGAGGCGGTGAGCCCTTGCCATAAAATTAATACCCTTTCTTTTC	445962
Sbjct	134994	TGGCAGCAAGGCCATAATGAGGCGGTGAGCCCTTGCCATAAAATTAATACCCTTTCTTTTC	134935
Query	445963	TCTTGCCACATACCAGTCTTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGTCTGGCTAG	446022
Sbjct	134934	TCTTGCCACATACCAGTCTTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGTCTGGCTAG	134875
Query	446023	GCTGGGCTGGGATCCTGTGTCTTACTTTATCTTGTTTCCTGATTGTTTTTCCCTGCCAG	446082
Sbjct	134874	GCTGGGCTGGGATCCTGTGTCTTACTTTATCTTGTTTCCTGATTGTTTTTCCCTGCCAG	134815
Query	446083	TTGCTCATCTGAGATAAGAGGATAAAAAAGTTGTTGTTAGAAATAAGGGCCTTAAAATTAG	446142
Sbjct	134814	TTGCTCATCTGAGATAAGAGGATAAAAAAGTTGTTGTTAGAAATAAGGGCCTTAAAATTAG	134755
Query	446143	TTGCCGCTTAACTTGTGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCATGTAATCT	446202
Sbjct	134754	TTGCCGCTTAACTTGTGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCATGTAATCT	134695
Query	446203	GTCTCCTTTACTTTGGGCAGCTCTTTTGGGTACACGTGATTTGACTTCGAAATGTCTCCT	446262
Sbjct	134694	GTCTCCTTTACTTTGGGCAGCTCTTTTGGGTACACGTGATTTGACTTCGAAATGTCTCCT	134635
Query	446263	GTATTTGCATGTGCACACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCTTCCATTGA	446322
Sbjct	134634	GTATTTGCATGTGCACACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCTTCCATTGA	134575
Query	446323	ACTTTTATTCACTTAATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATATATGGAtt	446382
Sbjct	134574	ACTTTTATTCACTTAATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATATATGGATT	134515
Query	446383	tcttttttAAATTGAGTTCATGTTCAATTCATATGTATGAAGTATGTACATGAATGACCCA	446442
Sbjct	134514	TTTTTTTAAATTGAGTTCATGTTCAATTCATATGTATGAAGTATGTACATGAATGACCCA	134455
Query	446443	ATACCTCTCTTCGTTTCTACAGACCTCTGTATCATCTTACACACATGGCTTCGTTTCTT	446502



Sbjct	134454	CTCTCTTCGTTTCTACAGACCTCTGTATCATTTCTTACACACATGGCTTCGTTTCTT	134395
Query	446503	TTTATTCAAGTTGTCTGTTTtagTTAACATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGCTCCCCACC	446562
Sbjct	134394	TTTATTCAAGTTGTCTGTTTtagTTAACATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGCTCCCCACC	134335
Query	446563	CTGCCTTCCTCCTCCCAGAGTTCTTCGCCACATGCCCCCTCCTTTTGCTTGAGAGGGTGC	446622
Sbjct	134334	CTGCCTTCCTCCTCCCAGAGTTCTTCGCCACATGCCCCCTCCTTTTGCTTGAGAGGGTGC	134275
Query	446623	TACCTCACCTACCCACACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGCATCAAGTT	446682
Sbjct	134274	TACCTCACCTACCCACACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGCATCAAGTT	134215
Query	446683	TGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGCTGCTACAT	446742
Sbjct	134214	TGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGCTGCTACAT	134155
Query	446743	ATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTtagCCTCTGGGAGCCGTGAGGGATCCAGG	446802
Sbjct	134154	ATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTtagCCTCTGGGAGCCGTGAGGGATCCAGG	134095
Query	446803	GCCTTCCTACAGGGTTGGGAACCCCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTAATTCTTCCATA	446862
Sbjct	134094	GCCTTCCTACAGGGTTGGGAACCCCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTAATTCTTCCATA	134035
Query	446863	GGGGCCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTCAGTCAGCA	446922
Sbjct	134034	GGGGCCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTCAGTCAGCA	133975
Query	446923	CCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAGCAGAACAT	446982
Sbjct	133974	CCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAGCAGAACAT	133915
Query	446983	GAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTGGGCCCAGT	447042
Sbjct	133914	GAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTGGGCCCAGT	133855
Query	447043	CACTGGAAGTCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTCTGTCCCTGCATTTCTTTAGAAA	447102
Sbjct	133854	CACTGGAAGTCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTCTGTCCCTGCATTTCTTTAGAAA	133795
Query	447103	TGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCAGGCCTCAG	447162
Sbjct	133794	TGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCAGGCCTCAG	133735
Query	447163	CTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTACTGTTGGGC	447222
Sbjct	133734	CTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTACTGTTGGGC	133675
Query	447223	ATTTTGGCTAAAATTATTCCTCATCCAGTCTCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGGGGGTTCCC	447282
Sbjct	133674	ATTTTGGCTAAAATTATTCCTCATCCAGTCTCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGGGGGTTCCC	133615
Query	447283	CCTGCCCCCACCACACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCCTCTTCCCT	447342
Sbjct	133614	CCTGCCCCCACCACACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCCTCTTCCCT	133555
Query	447343	TGTCTCCTGCCATACTTCATTCTGCCCGCTCCCCGCCCCCTTTCCTTCCCCTCTCCTGT	447402
Sbjct	133554	TGTCTCCTGCCATACTTCATTCTGCCCGCTCCCCGCCCCCTTTCCTTCCCCTCTCCTGT	133495
Query	447403	CCAAACTCACTCTTGCCCTCTGGTGATTATTTTGTTTCACGATCTAAGTGGGTTTGAAATA	447462
Sbjct	133494	CCAAACTCACTCTTGCCCTCTGGTGATTATTTTGTTTCACGATCTAAGTGGGTTTGAAATA	133435
Query	447463	ACCACACTTGGGCCTGCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTATCTTGGGT	447522
Sbjct	133434	ACCACACTTGGGCCTGCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTATCTTGGGT	133375
Query	447523	ATTCTGAACTTTTTGCTAATTCCCACCTTACAGTGAGTACATACAAGGCATGTCCTTTTG	447582
Sbjct	133374	ATTCTGAACTTTTTGCTAATTCCCACCTTACAGTGAGTACATACAAGGCATGTCCTTTTG	133315
Query	447583	GTTCTGGGTTTCCTGACTTAGGATATTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAACCACTTTTT	447642
Sbjct	133314	GTTCTGGGTTTCCTGACTTAGGATATTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAACCACTTTTT	133255
Query	447643	CTGTATCTAGGTTGTTTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAAAATATGATG	447702
Sbjct	133254	CTGTATCTAGGTTGTTTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAAAATATGATG	133195
Query	447703	GATGGAGCACATGTCCTTGAGATATGGTGGAGCATCTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTA	447762
Sbjct	133194	GATGGAGCACATGTCCTTGAGATATGGTGGAGCATCTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTA	133135
Query	447763	TAGCTGGGTCTCCGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCC	447822
Sbjct	133134	TAGCTGGGTCTCCGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCC	133075

Query	447823	AGAATGGTTGTACCACTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATGTTGAGCAT	447882
Sbjct	133074	AGAATGGTTGTACCACTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATGTTGAGCAT	133015
Query	447883	TTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCACTCAATATTCCTCAGCTGAAAATTCTCTTACATGGATT	447942
Sbjct	133014	TTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCACTCAATATTCCTCAGCTGAAAATTCTCTTACATGGATT	132955
Query	447943	CTTAAATGCTCTCTAAGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTTTATTTTTT	448002
Sbjct	132954	CTTAAATGCTCTCTAAGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTTTATTTTTT	132895
Query	448003	CTGTGTGGGTATCCCCAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTTCTTTCTGTTGATTTA	448062
Sbjct	132894	CTGTGTGGGTATCCCCAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTTCTTTCTGTTGATTTA	132835
Query	448063	GTTTAGCGATGATGCTTACCCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCTGTTCTGAGGTTTC	448122
Sbjct	132834	GTTTAGCGATGATGCTTACCCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCTGTTCTGAGGTTTC	132775
Query	448123	TGTTGTTCCACAGGAGCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTCATCAAGA	448182
Sbjct	132774	TGTTGTTCCACAGGAGCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTCATCAAGAT	132715
Query	448183	ttttttATACTGATGTTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTTTCATTGATAATTTTAGA	448242
Sbjct	132714	TTTTTTATACTGATGTTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTTTCATTGATAATTTTAGA	132655
Query	448243	AACTAACTTGAATTCTTTGGCTTTTCAACCATTGTCTAATTTGACTGATGAAGTGTTTTA	448302
Sbjct	132654	AACTAACTTGAATTCTTTGGCTTTTCAACCATTGTCTAATTTGACTGATGAAGTGTTTTA	132595
Query	448303	GACATCTTGTACAGTAGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACATGTTGTGAA	448362
Sbjct	132594	GACATCTTGTACAGTAGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACATGTTGTGAA	132535
Query	448363	GGGGAAAGCAAAAATAATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGTGAAATGTT	448422
Sbjct	132534	GGGGAAAGCAAAAATAATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGTGAAATGTT	132475
Query	448423	TGCATGCTACATCAAGTGAAGAAAGTTCAGCTCCCAGCACTCACAGAAATGCCTGTCAC	448482
Sbjct	132474	TGCATGCTACATCAAGTGAAGAAAGTTCAGCTCCCAGCACTCACAGAAATGCCTGTCAC	132415
Query	448483	CTAATCCCAGCATCTGGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGAGCAAGTCGACTAGCTAG	448542
Sbjct	132414	CTAATCCCAGCATCTGGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGAGCAAGTCGACTAGCTAG	132355
Query	448543	ATAGGCTCAATCTGCCAGACCCCATGGGACACTCGGCCCCATGTTTGAAAGTAAATAACA	448602
Sbjct	132354	ATAGGCTCAATCTGCCAGACCCCATGGGACACTCGGCCCCATGTTTGAAAGTAAATAACA	132295
Query	448603	AACGAGGAAGATACCAGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCTTCTGTAGG	448662
Sbjct	132294	AACGAGGAAGATACCAGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCTTCTGTAGG	132235
Query	448663	ACTCGTTTTGTATATACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTCTTATTTTC	448722
Sbjct	132234	ACTCGTTTTGTATATACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTCTTATTTTC	132175
Query	448723	TCTACAAATTATGATTGAACGTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGCAATCCATG	448782
Sbjct	132174	TCTACAAATTATGATTGAACGTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGCAATCCATG	132115
Query	448783	GTCTCTTACAATCTGTCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAATTCAGGAAT	448842
Sbjct	132114	GTCTCTTACAATCTGTCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAATTCAGGAAT	132055
Query	448843	AATTCTGATAGGTCTGCCTTTATTTCTTACTTGGTGTCTTCCCTTGCAGCTTTAATCAG	448902
Sbjct	132054	AATTCTGATAGGTCTGCCTTTATTTCTTACTTGGTGTCTTCCCTTGCAGCTTTAATCAG	131995
Query	448903	TTTTTCTTGATCTGTATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAACCTTGCTTTC	448962
Sbjct	131994	TTTTTCTTGATCTGTATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAACCTTGCTTTC	131935
Query	448963	TGGTCCAAATTATGTAGTGTGTGTATGCTCCTTGTAATTACAAGCATCTCCTTCTTT	449022
Sbjct	131934	TGGTCCAAATTATGTAGTGTGTGTATGCTCCTTGTAATTACAAGCATCTCCTTCTTT	131875
Query	449023	AGCTTCAAAGTTTTTCTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTGGGCCTTTGAGTAAGG	449082
Sbjct	131874	AGCTTCAAAGTTTTTCTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTGGGCCTTTGAGTAAGG	131815
Query	449083	CATCTTAGTTGGGAGTTTTTCATAGTGCCCCAGTTGTCTGTCCATGGTTGTTTGTGAGAG	449142
Sbjct	131814	CATCTTAGTTGGGAGTTTTTCATAGTGCCCCAGTTGTCTGTCCATGGTTGTTTGTGAGAG	131755
Query	449143	GAAattttttacatttaatgttttgttttgaaagatgtatccatttttctgtcatattttt	449202

Sbjct	131754	 GAAATTTTACATTTAATGTTTGTGTTTGAAAGATGTATCCATTTTCTGTGCATATTTT	131695
Query	449203	AAGGTCAGAGATTCTTTCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCCCTCTGTAGT	449262
Sbjct	131694	AAGGTCAGAGATTCTTTCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCCCTCTGTAGT	131635
Query	449263	TCTTGTTCCAGCTCCAAATTTTTCACCTCCAGGATTCCCAGGTTTGGGATTGATTTATT	449322
Sbjct	131634	TCTTGTTCCAGCTCCAAATTTTTCACCTCCAGGATTCCCAGGTTTGGGATTGATTTATT	131575
Query	449323	GATTCTGTTTCCACTTTCAAGTCTAGAATGGATTTGTTTCATTTCTTCCAACGTCTGTGT	449382
Sbjct	131574	GATTCTGTTTCCACTTTCAAGTCTAGAATGGATTTGTTTCATTTCTTCCAACGTCTGTGT	131515
Query	449383	CTTGCTAGATTTCCTTAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTTGTGTTTTCCGGATT	449442
Sbjct	131514	CTTGCTAGATTTCCTTAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTTGTGTTTTCCGGATT	131455
Query	449443	TACTTACGGGCTTTATTAATTTACCTTTAAGGAGCTTCTTTTTCATACGCTTTATCTCT	449502
Sbjct	131454	TACTTACGGGCTTTATTAATTTACCTTTAAGGAGCTTCTTTTTCATACGCTTTATCTCT	131395
Query	449503	CTTGAACATTTTGGGGCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATATGCATTTCC	449562
Sbjct	131394	CTTGAACATTTTGGGGCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATATGCATTTCC	131335
Query	449563	CTGCTATTATTTCTGTTCTGACCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGTGATTACAG	449622
Sbjct	131334	CTGCTATTATTTCTGTTCTGACCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGTGATTACAG	131275
Query	449623	ATCTTGCTGCTGATTTCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTGTTTCCTTGGTT	449682
Sbjct	131274	ATCTTGCTGCTGATTTCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTGTTTCCTTGGTT	131215
Query	449683	TCTGTTTCCTCTCTGGATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTTGGAAGTAC	449742
Sbjct	131214	TCTGTTTCCTCTCTGGATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTTGGAAGTAC	131155
Query	449743	CAAGTAAATTGGTTTCTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAGGCTAGGGA	449802
Sbjct	131154	CAAGTAAATTGGTTTCTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAGGCTAGGGA	131095
Query	449803	CACTTCATCGCCTGGGTAAACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAGAATCACTG	449862
Sbjct	131094	CACTTCATCGCCTGGGTAAACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAGAATCACTG	131035
Query	449863	AATGTAAATTAAAGTCTGGTCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGTCCTCCAGA	449922
Sbjct	131034	AATGTAAATTAAAGTCTGGTCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGTCCTCCAGA	130975
Query	449923	TACAAGCACCTGGAGTTGTCTTCTCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCTGCTGCGTG	449982
Sbjct	130974	TACAAGCACCTGGAGTTGTCTTCTCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCTGCTGCGTG	130915
Query	449983	TAGACACCTACAGTGATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGGCCATGGTTGCTTCTTGCTT	450042
Sbjct	130914	TAGACACCTACAGTGATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGGCCATGGTTGCTTCTTGCTT	130855
Query	450043	GCTGCCTGTTTCTATGGACAGCCTCTGCTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACCACCCAAA	450102
Sbjct	130854	GCTGCCTGTTTCTATGGACAGCCTCTGCTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACCACCCAAA	130795
Query	450103	AGAATATGCTATGGCTTTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCCTTTGCACC	450162
Sbjct	130794	AGAATATGCTATGGCTTTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCCTTTGCACC	130735
Query	450163	TCGCACCAGGCTACTAAGGCAAAGACACCATTTCACGATTGGCATCATGCCATATTATA	450222
Sbjct	130734	TCGCACCAGGCTACTAAGGCAAAGACACCATTTCACGATTGGCATCATGCCATATTATA	130675
Query	450223	TTGTACACTAAACTGCAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAAACAGCTCAT	450282
Sbjct	130674	TTGTACACTAAACTGCAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAAACAGCTCAT	130615
Query	450283	GCCTACAAAATGCTAAGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCCTAGTTCTG	450342
Sbjct	130614	GCCTACAAAATGCTAAGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCCTAGTTCTG	130555
Query	450343	TATCTTTTCTCCAGCCACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTTAATAGATC	450402
Sbjct	130554	TATCTTTTCTCCAGCCACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTTAATAGATC	130495
Query	450403	CAGTCTCTTGGGAACCTTTTGGTCCTCTGGCATTCTCAACTACTTTCCAATAATATGTCTC	450462
Sbjct	130494	CAGTCTCTTGGGAACCTTTTGGTCCTCTGGCATTCTCAACTACTTTCCAATAATATGTCTC	130435
Query	450463	TATGCTGGGAATAGGAGCGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGACCAACTTA	450522
Sbjct	130434	TATGCTGGGAATAGGAGCGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGACCAACTTA	130375

Query	450523	TTTACTGTATTGCCAGTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACGGGGGCATC	450582
Sbjct	130374	TTTACTGTATTGCCAGTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACGGGGGCATC	130315
Query	450583	ACCACCCACACTGAAGCTTGAACCCTGAGGTAAAGAGCACTGTTCTGATGCTGTTGTTGA	450642
Sbjct	130314	ACCACCCACACTGAAGCTTGAACCCTGAGGTAAAGAGCACTGTTCTGATGCTGTTGTTGA	130255
Query	450643	CCTGGACAGTCCCAGCTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAGCAAAGTGG	450702
Sbjct	130254	CCTGGACAGTCCCAGCTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAGCAAAGTGG	130195
Query	450703	ACAAACGCAGGGGAGGAGAACACAACATGCCCAGCCAAAGAACCCTTCATCAGGGACACT	450762
Sbjct	130194	ACAAACGCAGGGGAGGAGAACACAACATGCCCAGCCAAAGAACCCTTCATCAGGGACACT	130135
Query	450763	CCTGTCTCAACCATTTGTTCTCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGGGAAATGAT	450822
Sbjct	130134	CCTGTCTCAACCATTTGTTCTCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGGGAAATGAT	130075
Query	450823	CCAGGCTTCCCAGGGAAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCTACCCTCCC	450882
Sbjct	130074	CCAGGCTTCCCAGGGAAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCTACCCTCCC	130015
Query	450883	TGACTCCTCACTCTTATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTGCCACAGTG	450942
Sbjct	130014	TGACTCCTCACTCTTATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTGCCACAGTG	129955
Query	450943	GGTGCACCCATATATACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGGGTATTAG	451002
Sbjct	129954	GGTGCACCCATATATACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGGGTATTAG	129895
Query	451003	GGACCTTGTGTCTTTGTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAATCCCCTGTA	451062
Sbjct	129894	GGACCTTGTGTCTTTGTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAATCCCCTGTA	129835
Query	451063	TCTTAAGCCTTTGGAGCTCCTGTCTTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCATGGTGGGT	451122
Sbjct	129834	TCTTAAGCCTTTGGAGCTCCTGTCTTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCATGGTGGGT	129775
Query	451123	AGTCAAGGAACATTTGCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCCTTGGAACC	451182
Sbjct	129774	AGTCAAGGAACATTTGCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCCTTGGAACC	129715
Query	451183	TTTCTTAGCACAAAACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAAAAGCTTCT	451242
Sbjct	129714	TTTCTTAGCACAAAACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAAAAGCTTCT	129655
Query	451243	CTAGGAGAAGGAAGTTCATGTCTGCTGTACACACCCACAGGTAAGTGGA AAAAGATCcac	451302
Sbjct	129654	CTAGGAGAAGGAAGTTCATGTCTGCTGTACACACCCACAGGTAAGTGGA AAAAGATCCAC	129595
Query	451303	atacactcacactcgagtgcacattcacaagaacacacagcagacaactcagacacacag	451362
Sbjct	129594	ATACACTCACACTCGAGTGCACATTCAAGAACACACAGCAGACAACCTCAGACACACAG	129535
Query	451363	GCAGTCTCCAAGTACATTAAACATAAGCACCTAGGGTCTGTAGCCACCTAACTACCCAGCA	451422
Sbjct	129534	GCAGTCTCCAAGTACATTAAACATAAGCACCTAGGGTCTGTAGCCACCTAACTACCCAGCA	129475
Query	451423	AACTTGTCACAACACTGTTACACACCAACATTTCCACATACAGGTTCTTGCTGCTGTTGT	451482
Sbjct	129474	AACTTGTCACAACACTGTTACACACCAACATTTCCACATACAGGTTCTTGCTGCTGTTGT	129415
Query	451483	AGATAACCTTCTAACTAAAGTTTGTAAGTTCACACTCAAATGGTAAGATACAAGTGGGGG	451542
Sbjct	129414	AGATAACCTTCTAACTAAAGTTTGTAAGTTCACACTCAAATGGTAAGATACAAGTGGGGG	129355
Query	451543	TTGGAAAGAAAGTCTGCCAGGAGAGCCAGGTGCTTTTATCTGCTGAAATGTAGATAGGAG	451602
Sbjct	129354	TTGGAAAGAAAGTCTGCCAGGAGAGCCAGGTGCTTTTATCTGCTGAAATGTAGATAGGAG	129295
Query	451603	AATATGCAGTAAATATTTCATGTAAAAGCCAAGGCTGCCCCAGTGCTAAGCAAGCAGCAGA	451662
Sbjct	129294	AATATGCAGTAAATATTTCATGTAAAAGCCAAGGCTGCCCCAGTGCTAAGCAAGCAGCAGA	129235
Query	451663	AGGACACAAGTATGCTGCCCATGGATTATAAGGGCCACAGACTGGAATGGAGGCAGGGAA	451722
Sbjct	129234	AGGACACAAGTATGCTGCCCATGGATTATAAGGGCCACAGACTGGAATGGAGGCAGGGAA	129175
Query	451723	CCTGCAGTAAGACCATGAAACCCTGGAATCCTGCTAGGCCACCACGGGTTTAGATCAGGT	451782
Sbjct	129174	CCTGCAGTAAGACCATGAAACCCTGGAATCCTGCTAGGCCACCACGGGTTTAGATCAGGT	129115
Query	451783	AAGGAGAGAAAGGCACATTAAAGAGGGTTTCTATACCATGTCTGATGGCTAGATCTTTGAG	451842
Sbjct	129114	AAGGAGAGAAAGGCACATTAAAGAGGGTTTCTATACCATGTCTGATGGCTAGATCTTTGAG	129055
Query	451843	GTCCCCACAAATTCTGAGTGAAAGCAGGGTGCTACTCTGCATCTGTGCCGGGATTGCAG	451902

Sbjct	129054	CCCCACAAATTCCTGAGTGAAAGCAGGGTGCTACTCTGCATCTGTGCCGGGATTGCAG	128995
Query	451903	AAGGGTTTTTTAAGCTCAGTGTTTTCAAAATGGTCCCTGAACTACAGGAAGCCAACTCTTCC	451962
Sbjct	128994	AAGGGTTTTTTAAGCTCAGTGTTTTCAAAATGGTCCCTGAACTACAGGAAGCCAACTCTTCC	128935
Query	451963	TTGAATGAGCTTGCACAGAAGAAAGACCTGGTCCACACTGGTAAGAAAAGCCTCTGGTT	452022
Sbjct	128934	TTGAATGAGCTTGCACAGAAGAAAGACCTGGTCCACACTGGTAAGAAAAGCCTCTGGTT	128875
Query	452023	TCACAGACGCTCAGGGAAGTGTGTCTGGAAGACCCTGTGCTCCTCAGAGTTTTAAGCAA	452082
Sbjct	128874	TCACAGACGCTCAGGGAAGTGTGTCTGGAAGACCCTGTGCTCCTCAGAGTTTTAAGCAA	128815
Query	452083	AAACCGAGCGTCCGTCCTGACTGATAGAACACAGTGTGCTGAATGGAAATCCATTGCCATGGA	452142
Sbjct	128814	AAACCGAGCGTCCGTCCTGACTGATAGAACACAGTGTGCTGAATGGAAATCCATTGCCATGGA	128755
Query	452143	AGACTGTCTCAGGAGCCTGAAAGTGGAGGGTCGGACCCGGCAACAGAGTTGACTTCTGACCTG	452202
Sbjct	128754	AGACTGTCTCAGGAGCCTGAAAGTGGAGGGTCGGACCCGGCAACAGAGTTGACTTCTGACCTG	128695
Query	452203	GTTGTTCATATTCTGAGCATTGCCCACCATTCTCTGAAGGCAACCATGCTTGGAGCTGAAGC	452262
Sbjct	128694	GTTGTTCATATTCTGAGCATTGCCCACCATTCTCTGAAGGCAACCATGCTTGGAGCTGAAGC	128635
Query	452263	CGTTGGCTTGAGGGCACATCAGCAACAGGTGGCAACACTTGGGCGATTGTAAGCAGCCCT	452322
Sbjct	128634	CGTTGGCTTGAGGGCACATCAGCAACAGGTGGCAACACTTGGGCGATTGTAAGCAGCCCT	128575
Query	452323	AAGAAAGTGGCCTTACTGCTGCTGCTGGAAGTCCAGAGCTGGCAGAGGTGGACACCATAG	452382
Sbjct	128574	AAGAAAGTGGCCTTACTGCTGCTGCTGGAAGTCCAGAGCTGGCAGAGGTGGACACCATAG	128515
Query	452383	TGCAGGCAGAACAGACGGGGATGAGGCCAGAGACAAAGTTTCAGGAAGGTCTGTGGGAATG	452442
Sbjct	128514	TGCAGGCAGAACAGACGGGGATGAGGCCAGAGACAAAGTTTCAGGAAGGTCTGTGGGAATG	128455
Query	452443	GGCAGGGAATGGTCCAGCAAAAACACCATTTCCTGTGGAGGAACTGGAGCTGCTGTAGTC	452502
Sbjct	128454	GGCAGGGAATGGTCCAGCAAAAACACCATTTCCTGTGGAGGAACTGGAGCTGCTGTAGTC	128395
Query	452503	CCTAATAGGCTCAGTCAATGCCCAAGCAGGAACCTGGAGCTGCTGCAGTCCCTAATAGGTT	452562
Sbjct	128394	CCTAATAGGCTCAGTCAATGCCCAAGCAGGAACCTGGAGCTGCTGCAGTCCCTAATAGGTT	128335
Query	452563	CAGTCAATGCCCAAGCCAACAGGATCCAGGAGAGCCTCAAGAGATATGTAGCTCAGAACA	452622
Sbjct	128334	CAGTCAATGCCCAAGCCAACAGGATCCAGGAGAGCCTCAAGAGATATGTAGCTCAGAACA	128275
Query	452623	GGTCCCACCTGGAAAGCAGGCAGGCTGTGATTGAGGGCATCCAAGGCTTCTGAGTCACGC	452682
Sbjct	128274	GGTCCCACCTGGAAAGCAGGCAGGCTGTGATTGAGGGCATCCAAGGCTTCTGAGTCACGC	128215
Query	452683	ATTATCTTTAGTGATGATCACACTTCgggggggTGAGCAAATATGGAAGAAGATATTGGT	452742
Sbjct	128214	ATTATCTTTAGTGATGATCACACTTCGGGGGGGTGAGCAAATATGGAAGAAGATATTGGT	128155
Query	452743	AGGGCATCAGTGAAAATAGAAGGTCCTGTATGGTTGCTCTATGCTGTGGAAGGAGTGAG	452802
Sbjct	128154	AGGGCATCAGTGAAAATAGAAGGTCCTGTATGGTTGCTCTATGCTGTGGAAGGAGTGAG	128095
Query	452803	ACCAGTTAACTTGACATGAACAGCAGTTTTACTGCATCCTTGTCTGGCCTTGATATGGT	452862
Sbjct	128094	ACCAGTTAACTTGACATGAACAGCAGTTTTACTGCATCCTTGTCTGGCCTTGATATGGT	128035
Query	452863	AGAAATGCCTGAAGCAATGGTCTTTCTGTGCATTTTTGTGTCTCTGTCTGTCTGTCAGGT	452922
Sbjct	128034	AGAAATGCCTGAAGCAATGGTCTTTCTGTGCATTTTTGTGTCTCTGTCTGTCTGTCAGGT	127975
Query	452923	ATGTTTTTATGCTTTACATTCCCACAGCATATGCAGCTACTTCTCAGAATAACAGTCCCT	452982
Sbjct	127974	ATGTTTTTATGCTTTACATTCCCACAGCATATGCAGCTACTTCTCAGAATAACAGTCCCT	127915
Query	452983	GCCCCGAGGGGACTATAGAGACCCTTGGGAGATTGAGGTAGAAGAGTTTCATATTGATGC	453042
Sbjct	127914	GCCCCGAGGGGACTATAGAGACCCTTGGGAGATTGAGGTAGAAGAGTTTCATATTGATGC	127855
Query	453043	CATCCATGTAGGTGTGGAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGGTGTGGAATGGAG	453102
Sbjct	127854	CATCCATGTAGGTGTGGAATGGAGGTCATTGACATCAACTTGAGTAGGTGTGGAATGGAG	127795
Query	453103	GTCATTGACATCAACTTGAGTAGCTACTCTCGGGTAAGCACTTCCCATCAACACAATCTC	453162
Sbjct	127794	GTCATTGACATCAACTTGAGTAGCTACTCTCGGGTAAGCACTTCCCATCAACACAATCTC	127735
Query	453163	TCACTATCTCCCAGATGGTGTCTGACCTGGTCCTCACGTTAGACAGAGAAAGCCTAGAT	453222
Sbjct	127734	TCACTATCTCCCAGATGGTGTCTGACCTGGTCCTCACGTTAGACAGAGAAAGCCTAGAT	127675

Query	453223	GTGTTTCAGTGAGTGGGATTCCCTGTTAATACTGAAGTTGGAGTGTCCCAAAGACACAAGT	453282
Sbjct	127674	GTGTTTCAGTGAGTGGGATTCCCTGTTAATACTGAAGTTGGAGTGTCCCAAAGACACAAGT	127615
Query	453283	GTCCACAGGACCCTGTTGTACTTTTTACACGAGTGACAGTTTTGCTCTCTGACCACGGGC	453342
Sbjct	127614	GTCCACAGGACCCTGTTGTACTTTTTACACGAGTGACAGTTTTGCTCTCTGACCACGGGC	127555
Query	453343	CATCTAGCTTTTAGACACGGTAGATGTCAAGGGGCAACCACCAAGTCACAAGATATCCTCC	453402
Sbjct	127554	CATCTAGCTTTTAGACACGGTAGATGTCAAGGGGCAACCACCAAGTCACAAGATATCCTCC	127495
Query	453403	TGTGTCTAGACGAAGTGGTCTGAGTTCCTGTCTGAGCAACAGAAGAGAGTTCTTGAGGAA	453462
Sbjct	127494	TGTGTCTAGACGAAGTGGTCTGAGTTCCTGTCTGAGCAACAGAAGAGAGTTCTTGAGGAA	127435
Query	453463	GAGGGAGTGCCATACATACTTCCAGGGACTCTGACAGCGTTGGGGCTGATACTGCTTTCT	453522
Sbjct	127434	GAGGGAGTGCCATACATACTTCCAGGGACTCTGACAGCGTTGGGGCTGATACTGCTTTCT	127375
Query	453523	TCTGGTTGCAGGGTCACCGTTTTACAGTCAGCAGGACTCCATGACAAAAAGTAGATGAGG	453582
Sbjct	127374	TCTGGTTGCAGGGTCACCGTTTTACAGTCAGCAGGACTCCATGACAAAAAGTAGATGAGG	127315
Query	453583	AACCAGGCCAATATCTTAGTTATGCTCAGTGAGCAAGATGAAGACTTGCTGAGGTACATG	453642
Sbjct	127314	AACCAGGCCAATATCTTAGTTATGCTCAGTGAGCAAGATGAAGACTTGCTGAGGTACATG	127255
Query	453643	TTGAAAGACCACTGCTTCCTAGGGAATGGTGTCTGAACTCAGCAGTGGGGAGTGTTAATG	453702
Sbjct	127254	TTGAAAGACCACTGCTTCCTAGGGAATGGTGTCTGAACTCAGCAGTGGGGAGTGTTAATG	127195
Query	453703	AAAAGTACTCTTTGAGCTCCTGTGGGGGACGGGGTAGTGTTCCTCCCTTCAAGCAGGCC	453762
Sbjct	127194	AAAAGTACTCTTTGAGCTCCTGTGGGGGACGGGGTAGTGTTCCTCCCTTCAAGCAGGCC	127135
Query	453763	CCTCTGTGTTGGCTCTGGTAGACACAGTTTCTCTTAATTGTGCTGTGCTCTGACAGGTG	453822
Sbjct	127134	CCTCTGTGTTGGCTCTGGTAGACACAGTTTCTCTTAATTGTGCTGTGCTCTGACAGGTG	127075
Query	453823	GGGGAGGTAAACAGGGCCAGGAGGCTGAGCAGGTTACCTTTCTCCTTGGCATCAACCCT	453882
Sbjct	127074	GGGGAGGTAAACAGGGCCAGGAGGCTGAGCAGGTTACCTTTCTCCTTGGCATCAACCCT	127015
Query	453883	TCCTTCCACAAGAGAGTGATGATAGTTAAGGAGTCACAGGCTCAGCCTCTCTGGTAATAG	453942
Sbjct	127014	TCCTTCCACAAGAGAGTGATGATAGTTAAGGAGTCACAGGCTCAGCCTCTCTGGTAATAG	126955
Query	453943	GCCTGTCCATAAACAGACAGACACAGGCCATCCATGTTGGTACTTCTTCAGAAGGAAGGA	454002
Sbjct	126954	GCCTGTCCATAAACAGACAGACACAGGCCATCCATGTTGGTACTTCTTCAGAAGGAAGGA	126895
Query	454003	GAGAGAGTGTGTGTAACCCAGACCTCATACACTCTCTTTATCACATCTCCGATGACATGATG	454062
Sbjct	126894	GAGAGAGTGTGTGTAACCCAGACCTCATACACTCTCTTTATCACATCTCCGATGACATGATG	126835
Query	454063	AGTCCTGGTCCAGCACTCTGTAGCTGTTTACTATCCCTGGCCCTGTTTCATATAGCTACT	454122
Sbjct	126834	AGTCCTGGTCCAGCACTCTGTAGCTGTTTACTATCCCTGGCCCTGTTTCATATAGCTACT	126775
Query	454123	GGTAGGAAACTTGAGAGCTGAGTTTTCCAGGAGTGCATGTGTGCTCACAACCTGAGCAGGA	454182
Sbjct	126774	GGTAGGAAACTTGAGAGCTGAGTTTTCCAGGAGTGCATGTGTGCTCACAACCTGAGCAGGA	126715
Query	454183	GGTAAGAGGCTGGTCATGCTGGAGTATTGCTGGCCACACTACTCCCAAAATAAGTTTCTG	454242
Sbjct	126714	GGTAAGAGGCTGGTCATGCTGGAGTATTGCTGGCCACACTACTCCCAAAATAAGTTTCTG	126655
Query	454243	TGACCTCGAAATTCCTTACCAGTGTAAGGGACCCCATCCAGAAGCTAGAGACATTTGCC	454302
Sbjct	126654	TGACCTCGAAATTCCTTACCAGTGTAAGGGACCCCATCCAGAAGCTAGAGACATTTGCC	126595
Query	454303	TCAGGTCACTGCAGAAGACATCTGTCTGGATCTCCAGAAGTACTTCTCTCTCCGACAGAG	454362
Sbjct	126594	TCAGGTCACTGCAGAAGACATCTGTCTGGATCTCCAGAAGTACTTCTCTCTCCGACAGAG	126535
Query	454363	AAGGCTGGAGGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCTGCCTGGTATATGAGAGTTCACA	454422
Sbjct	126534	AAGGCTGGAGGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCTGCCTGGTATATGAGAGTTCACA	126475
Query	454423	GAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGTGTACAAGG	454482
Sbjct	126474	GAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGTGTACAAGG	126415
Query	454483	GATGGTAGGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTACAGAGTGCCAGACAAACCATC	454542
Sbjct	126414	GATGGTAGGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTACAGAGTGCCAGACAAACCATC	126355
Query	454543	TCTTAGTTTCAGTGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCCGTAAGTAGAGTAA	454602

Sbjct	126354	TAGTTTCAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCGGTAAGTAGAGTAA	126295
Query	454603	TGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAAGGAAAAGCCATTTGCTATAGGTCCCT	454662
Sbjct	126294	TGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAAGGAAAAGCCATTTGCTATAGGTCCCT	126235
Query	454663	CCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGTCTCTCCCA	454722
Sbjct	126234	CCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGTCTCTCCCA	126175
Query	454723	GTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGCCCTACCACATATG	454782
Sbjct	126174	GTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGCCCTACCACATATG	126115
Query	454783	TCTGCTTGGCCCAAGAAGGACTTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCAACCA	454842
Sbjct	126114	TCTGCTTGGCCCAAGAAGGACTTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCAACCA	126055
Query	454843	CATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGAC	454902
Sbjct	126054	CATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGAC	125995
Query	454903	CTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCTGCTCTTGGGCAG	454962
Sbjct	125994	CTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCTGCTCTTGGGCAG	125935
Query	454963	GAAGGTATTGTCGGGTGTTTGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAGAGAGTCTG	455022
Sbjct	125934	GAAGGTATTGTCGGGTGTTTGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAGAGAGTCTG	125875
Query	455023	AATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAATAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCACTGTTTCAGAC	455082
Sbjct	125874	AATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAATAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCACTGTTTCAGAC	125815
Query	455083	TTGTTACAACCTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTGATTTAGACGTGGTGGGCTCCAGAA	455142
Sbjct	125814	TTGTTACAACCTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTGATTTAGACGTGGTGGGCTCCAGAA	125755
Query	455143	AGAAAGCCGCTGTTTCCTCTGGACCACCAGATGCTGTCTGACCTAGGACAACCAGAAGTAG	455202
Sbjct	125754	AGAAAGCCGCTGTTTCCTCTGGACCACCAGATGCTGTCTGACCTAGGACAACCAGAAGTAG	125695
Query	455203	TGGGATCTAGGATGTCAGAGGCTAGGCTCTGGACCTTCAGATACTCTATACTCTGGAAAG	455262
Sbjct	125694	TGGGATCTAGGATGTCAGAGGCTAGGCTCTGGACCTTCAGATACTCTATACTCTGGAAAG	125635
Query	455263	GGGAACGTGTGGGCTATGTTGAGTAGAGATGCTGTGGGGTTGGGACAGTTGAGTGCTGAG	455322
Sbjct	125634	GGGAACGTGTGGGCTATGTTGAGTAGAGATGCTGTGGGGTTGGGACAGTTGAGTGCTGAG	125575
Query	455323	GGTCCTAGACAGAGTGTAAGTACCTGGGAAGTTTGAAGCTATGTGCCCTGGACAGTTTAA	455382
Sbjct	125574	GGTCCTAGACAGAGTGTAAGTACCTGGGAAGTTTGAAGCTATGTGCCCTGGACAGTTTAA	125515
Query	455383	AGCCATAGTTCTTGGAGACAGATACTGAAGGGAATCTGGCCAGGCTTACCCTACTCACCA	455442
Sbjct	125514	AGCCATAGTTCTTGGAGACAGATACTGAAGGGAATCTGGCCAGGCTTACCCTACTCACCA	125455
Query	455443	TTCCCTCTGCCTTGCTACAAATCAACTAGGTTACATTCCCAAAGCAAGCCACCAAGGGAC	455502
Sbjct	125454	TTCCCTCTGCCTTGCTACAAATCAACTAGGTTACATTCCCAAAGCAAGCCACCAAGGGAC	125395
Query	455503	TATTTCTTTATTTGGCCACTTACTTCTCTCTCTGCACAGTTTAATACTGTAAGTCTTTA	455562
Sbjct	125394	TATTTCTTTATTTGGCCACTTACTTCTCTCTCTGCACAGTTTAATACTGTAAGTCTTTA	125335
Query	455563	TATCAGTATAGGATGCAATCTGGAGAGTGGGTCATGGGCTATGGACTTTAGAAAGGTATT	455622
Sbjct	125334	TATCAGTATAGGATGCAATCTGGAGAGTGGGTCATGGGCTATGGACTTTAGAAAGGTATT	125275
Query	455623	CTTCTTGAACATGCACTGAACACACAGCAGCTGGACTCTGAAGTCAGGTGTAGGCATGAG	455682
Sbjct	125274	CTTCTTGAACATGCACTGAACACACAGCAGCTGGACTCTGAAGTCAGGTGTAGGCATGAG	125215
Query	455683	AAAGTGAGGATGTTGTTTTAATGACAGATTAATGTTAGACTATGTTAGCTCTGGGCAGGC	455742
Sbjct	125214	AAAGTGAGGATGTTGTTTTAATGACAGATTAATGTTAGACTATGTTAGCTCTGGGCAGGC	125155
Query	455743	TGCTATTGTGACCCCTCCTAGAATCAGTTTGTGTCCTTCATCTCTGGTTAATTGGATAACA	455802
Sbjct	125154	TGCTATTGTGACCCCTCCTAGAATCAGTTTGTGTCCTTCATCTCTGGTTAATTGGATAACA	125095
Query	455803	TGGGCTATGTACCTCTGGATGCTGAGGATTGATTACAGCCCAAAGGAGCGGCCTAAACA	455862
Sbjct	125094	TGGGCTATGTACCTCTGGATGCTGAGGATTGATTACAGCCCAAAGGAGCGGCCTAAACA	125035
Query	455863	GCCAGCCAGTTCAATTCTGTAGATGTCAAATATTGTTGTATCTGAATATAGAGGTGCTCTG	455922
Sbjct	125034	GCCAGCCAGTTCAATTCTGTAGATGTCAAATATTGTTGTATCTGAATATAGAGGTGCTCTG	124975

Query	455923	TGTTCTACAGAGCCTGAAGTATAGAATGTCACCGCCTGCTGATGTATGCACCATGCAAAT	455982
Sbjct	124974	TGTTCTACAGAGCCTGAAGTATAGAATGTCACCGCCTGCTGATGTATGCACCATGCAAAT	124915
Query	455983	CCATGCATCATGTCTTCTGGACACTTCGGTGCCCTGAGTCATATAGAATTGAATGCTCTA	456042
Sbjct	124914	CCATGCATCATGTCTTCTGGACACTTCGGTGCCCTGAGTCATATAGAATTGAATGCTCTA	124855
Query	456043	GGCACTACATGCAGGGTGTAGAGACTTCTCAACAGTTGAACAATGTGTGCCAGCACAGT	456102
Sbjct	124854	GGCACTACATGCAGGGTGTAGAGACTTCTCAACAGTTGAACAATGTGTGCCAGCACAGT	124795
Query	456103	CTCCTTCTATGAGATTCTGATCAATGCTGTGGGAACTGGATAATCAACTGCTGTGAACAC	456162
Sbjct	124794	CTCCTTCTATGAGATTCTGATCAATGCTGTGGGAACTGGATAATCAACTGCTGTGAACAC	124735
Query	456163	TTCTTTGTGAGATTCCGTGGACTCTGGAGGACAAGAGTCATCCAGAAGCTGAGAGCTTCG	456222
Sbjct	124734	TTCTTTGTGAGATTCCGTGGACTCTGGAGGACAAGAGTCATCCAGAAGCTGAGAGCTTCG	124675
Query	456223	ATAGTGGATACTCCATGAGGACTGCTAGTTTCAAAGAGCTGTCTCTTGCCCTGTGCTCCTG	456282
Sbjct	124674	ATAGTGGATACTCCATGAGGACTGCTAGTTTCAAAGAGCTGTCTCTTGCCCTGTGCTCCTG	124615
Query	456283	TTGTGTGACAAGACTTCTCGTGGGGTCAGGGAACACAGGTTTGAGCACCCAGGTTGGGA	456342
Sbjct	124614	TTGTGTGACAAGACTTCTCGTGGGGTCAGGGAACACAGGTTTGAGCACCCAGGTTGGGA	124555
Query	456343	GTTTCATGACAGACCAAAGTGACATATTAGGACAGTCCGACTTGGTGGACCAGTGAGTTT	456402
Sbjct	124554	GTTTCATGACAGACCAAAGTGACATATTAGGACAGTCCGACTTGGTGGACCAGTGAGTTT	124495
Query	456403	AATTGGGGTTACTTACGGGAGCAGAAGTGACTCAAAGACAGCTTCCATTCAAACCAACCC	456462
Sbjct	124494	AATTGGGGTTACTTACGGGAGCAGAAGTGACTCAAAGACAGCTTCCATTCAAACCAACCC	124435
Query	456463	CCCAGTGTGGGTGACAGTTCACGAAGCTGGGAACATGGAGCACAGACTGCAGGGTAGAGA	456522
Sbjct	124434	CCCAGTGTGGGTGACAGTTCACGAAGCTGGGAACATGGAGCACAGACTGCAGGGTAGAGA	124375
Query	456523	ATGTCCTTTTCAAGAGATTGCTGGTCTAAACCTCTTCCAGGTGACTCAACTTGTGTTTGC	456582
Sbjct	124374	ATGTCCTTTTCAAGAGATTGCTGGTCTAAACCTCTTCCAGGTGACTCAACTTGTGTTTGC	124315
Query	456583	TTCTTCTGGGCAACTGGTCTTGTCTCAAGAGTTTTCTTTGAGGCTTGGCTTCTTTGCACT	456642
Sbjct	124314	TTCTTCTGGGCAACTGGTCTTGTCTCAAGAGTTTTCTTTGAGGCTTGGCTTCTTTGCACT	124255
Query	456643	GGGGGGAGGGGCTACTGAATCTAGTCAGTTTCAGATGCTTGCTGAGCTCTTTTGAGTGG	456702
Sbjct	124254	GGGGGGAGGGGCTACTGAATCTAGTCAGTTTCAGATGCTTGCTGAGCTCTTTTGAGTGG	124195
Query	456703	CTTTATCTCTGCCTATGGAGCTTCCCTGCGAGCTGGAATAGAGTTGTCTTCTCACTCTGC	456762
Sbjct	124194	CTTTATCTCTGCCTATGGAGCTTCCCTGCGAGCTGGAATAGAGTTGTCTTCTCACTCTGC	124135
Query	456763	TTCCCTGCAGGATGGAATGTCCCACAACGTTCAGGATCCTCGGGAACGTCAGTTACTGA	456822
Sbjct	124134	TTCCCTGCAGGATGGAATGTCCCACAACGTTCAGGATCCTCGGGAACGTCAGTTACTGA	124075
Query	456823	AGGTTCTGGACAATGTAGATTTAGAAATTTGGGGTTGTGAGTCATCGAGAGATCTGGACA	456882
Sbjct	124074	AGGTTCTGGACAATGTAGATTTAGAAATTTGGGGTTGTGAGTCATCGAGAGATCTGGACA	124015
Query	456883	ATGATTGCCTTTTCCCCCTGCAAAGTCCTAATCTGTAGGCTTGTGGGCAGTCACACCAGG	456942
Sbjct	124014	ATGATTGCCTTTTCCCCCTGCAAAGTCCTAATCTGTAGGCTTGTGGGCAGTCACACCAGG	123955
Query	456943	TTGGCTCTGACCGTGACATGATGCCTGACATACGGACGATGTGAGGAATGGACATCATTT	457002
Sbjct	123954	TTGGCTCTGACCGTGACATGATGCCTGACATACGGACGATGTGAGGAATGGACATCATTT	123895
Query	457003	AGTCACCTTTGTGCTGGTGGCTATCAGAAGGTCCAGATTACGGACAGTCATAAGATTTGGG	457062
Sbjct	123894	AGTCACCTTTGTGCTGGTGGCTATCAGAAGGTCCAGATTACGGACAGTCATAAGATTTGGG	123835
Query	457063	CTGTGGGCTGTGAGACCTTGGGTTCTGAAAACCTGGACAGCAGACTGTACGCACATATT	457122
Sbjct	123834	CTGTGGGCTGTGAGACCTTGGGTTCTGAAAACCTGGACAGCAGACTGTACGCACATATT	123775
Query	457123	AACTCTAGCTGGCCAAAGGCTGTGGGTAATACACTGTCAGAAATCATTGCTCATGCTGGG	457182
Sbjct	123774	AACTCTAGCTGGCCAAAGGCTGTGGGTAATACACTGTCAGAAATCATTGCTCATGCTGGG	123715
Query	457183	CCGTTGACCATGCATATTCTGGAAGCTAGATCCTGTGGACAGTGGGCAGTCAGATACTC	457242
Sbjct	123714	CCGTTGACCATGCATATTCTGGAAGCTAGATCCTGTGGACAGTGGGCAGTCAGATACTC	123655
Query	457243	TGGGACCTAAAGTCACACAGACTGTCTATAAAGGTAGAAGCTGTTGATCTTGCATAGTAA	457302



Sbjct	123654	ACCTAAAGTCACACAGACTGTCTATAAAGGTAGAAGCTGTTGATCTTGCATAGTAA	123595
Query	457303	GAGAGTGAGGGTTCTGTATACTTGGAAGCTATGGGCTTTGGGCAGTTAAATGCTGTGGT	457362
Sbjct	123594	GAGAGTGAGGGTTCTGTATACTTGGAAGCTATGGGCTTTGGGCAGTTAAATGCTGTGGT	123535
Query	457363	CTCTCAACAGTGACAAGCTGTGAGACTGGAAGATGAAGGACTGCACTTGTGAGGGAGGTG	457422
Sbjct	123534	CTCTCAACAGTGACAAGCTGTGAGACTGGAAGATGAAGGACTGCACTTGTGAGGGAGGTG	123475
Query	457423	GAAGTTGTGAACTGAGACAGTTAATAGTGGTGGATTTAGAATTGACAGACTCTGTGGTCT	457482
Sbjct	123474	GAAGTTGTGAACTGAGACAGTTAATAGTGGTGGATTTAGAATTGACAGACTCTGTGGTCT	123415
Query	457483	CTGGCCAGTCATTTGCTTTCAAGTCTGTGGAGTTTCATTCACGTCTTACATAGTCAGAA	457542
Sbjct	123414	CTGGCCAGTCATTTGCTTTCAAGTCTGTGGAGTTTCATTCACGTCTTACATAGTCAGAA	123355
Query	457543	GCTGTGAGGACTGGGCATTATAGGCACGTGTGAAGTCTAAAGCTGTGGGAACCAGAAACTC	457602
Sbjct	123354	GCTGTGAGGACTGGGCATTATAGGCACGTGTGAAGTCTAAAGCTGTGGGAACCAGAAACTC	123295
Query	457603	TACAGATGGGTCCTCTGCAGAGCTAGACCTGGGTATGAGCtttttttttttttttttttt	457662
Sbjct	123294	TACAGATGGGTCCTCTGCAGAGCTAGACCTGGGTATGAGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	123235
Query	457663	ttGATTACTTTTTTACTCATTCACTTTCCATCACTTCCCTTCACCAGGTCACTCCCTACCC	457722
Sbjct	123234	TTGATTACTTTTTTACTCATTCACTTTCCATCACTTCCCTTCACCAGGTCACTCCCTACCC	123175
Query	457723	TAATCCTACTCCCCTGCTCTTCTAAATGTGTGGGGTTGGGGGGACAGTAACAAGTCTTAA	457782
Sbjct	123174	TAATCCTACTCCCCTGCTCTTCTAAATGTGTGGGGTTGGGGGGACAGTAACAAGTCTTAA	123115
Query	457783	CAGTCACTTGTGTGGACTTTTACATGGGTGATAGGAGGTTTGGACTGTCTGAAGCTCTAG	457842
Sbjct	123114	CAGTCACTTGTGTGGACTTTTACATGGGTGATAGGAGGTTTGGACTGTCTGAAGCTCTAG	123055
Query	457843	TCTTTCCACAGTGAGACTTTGGATGCTCTGGTGATTAGACAGGTGACAGCCTGAGTTTGC	457902
Sbjct	123054	TCTTTCCACAGTGAGACTTTGGATGCTCTGGTGATTAGACAGGTGACAGCCTGAGTTTGC	122995
Query	457903	ATGCAGATGATATGGTGGTGCTGGACAGTTAGGTTTTGTTTGTCTGAACAGCTCTCTAT	457962
Sbjct	122994	ATGCAGATGATATGGTGGTGCTGGACAGTTAGGTTTTGTTTGTCTGAACAGCTCTCTAT	122935
Query	457963	GTATGACATTTTTTTCACAGCATACCATGACAATGACCGCCACTTAAAAAGGGTGGCATCT	458022
Sbjct	122934	GTATGACATTTTTTTCACAGCATACCATGACAATGACCGCCACTTAAAAAGGGTGGCATCT	122875
Query	458023	GGGACCCTGAGAAGCAGGACACACATCACTCCAGGGGACTGACCATCTGAAATAAGAGGC	458082
Sbjct	122874	GGGACCCTGAGAAGCAGGACACACATCACTCCAGGGGACTGACCATCTGAAATAAGAGGC	122815
Query	458083	TGCCTGCAGTAGGCTGGGATGGGGACATCTCAGTAACCTGAAGCAGCTCTTTATAAAAAG	458142
Sbjct	122814	TGCCTGCAGTAGGCTGGGATGGGGACATCTCAGTAACCTGAAGCAGCTCTTTATAAAAAG	122755
Query	458143	CCAGTTGTTCCCATTTCTCCTAAACTTAGTCCTGCACAACAGCTGTGTAGCTTTCATTTG	458202
Sbjct	122754	CCAGTTGTTCCCATTTCTCCTAAACTTAGTCCTGCACAACAGCTGTGTAGCTTTCATTTG	122695
Query	458203	TGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGGCCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATCTGACCTTC	458262
Sbjct	122694	TGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGGCCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATCTGACCTTC	122635
Query	458263	CTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAATTTTGTGTAAGTATGTTCCCTGATGCAAT	458322
Sbjct	122634	CTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAATTTTGTGTAAGTATGTTCCCTGATGCAAT	122575
Query	458323	GATTCTTAAACAATTGGAAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGTCTTAATGGCC	458382
Sbjct	122574	GATTCTTAAACAATTGGAAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGTCTTAATGGCC	122515
Query	458383	CAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGAATCAATGTAGTAACTGCACAATAATAGTTC	458442
Sbjct	122514	CAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGAATCAATGTAGTAACTGCACAATAATAGTTC	122455
Query	458443	AGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGGATTTATTAGAAAATGAATTAGCACC	458502
Sbjct	122454	AGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGGATTTATTAGAAAATGAATTAGCACC	122395
Query	458503	AACATTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTTATATAAC	458562
Sbjct	122394	AACATTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTTATATAAC	122335
Query	458563	ACTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGAATAAAATACGTAAAATTACGTACTAGTAAAA	458622
Sbjct	122334	ACTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGAATAAAATACGTAAAATTACGTACTAGTAAAA	122275

Query	458623	CTAAGTCAAATAGTGGAAATCTTAGGAGAGTGTTTGTGTGCAATATAAAGGAGCAGAAA	458682
Sbjct	122274	CTAAGTCAAATAGTGGAAATCTTAGGAGAGTGTTTGTGTGCAATATAAAGGAGCAGAAA	122215
Query	458683	GCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTCTGACTACTGCCTGGCAGTT	458742
Sbjct	122214	GCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTCTGACTACTGCCTGGCAGTT	122155
Query	458743	TTGTCTGTCATTTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAATTGCAACAGGCTGAGCTCAGAGCTC	458802
Sbjct	122154	TTGTCTGTCATTTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAATTGCAACAGGCTGAGCTCAGAGCTC	122095
Query	458803	TGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTTAACTAATGATAAGTTTGCAATTG	458862
Sbjct	122094	TGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTTAACTAATGATAAGTTTGCAATTG	122035
Query	458863	TTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATTAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGTAACTG	458922
Sbjct	122034	TTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATTAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGTAACTG	121975
Query	458923	TAATTCTTAATTCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATTGGCAATGATTGT	458982
Sbjct	121974	TAATTCTTAATTCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATTGGCAATGATTGT	121915
Query	458983	GCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAATAGTGGGGCaaagaagga	459042
Sbjct	121914	GCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAATAGTGGGGCAAGAAGGA	121855
Query	459043	ggcgagagagagaacgagaggagcatgtgaagctaagcgtgagtgaaagagagagtgtgaaga	459102
Sbjct	121854	GGCGAGAGAGAACGAGAGGAGCATGTGAAGCTAAGCGTGAGTGAAGAGAGAGTGTGAAGA	121795
Query	459103	gtgagtgaaagagagaatgtgaggtgtgtatgaagaatgtgtgtgtgagtgaaaggaaagt	459162
Sbjct	121794	GTGAGTGAAGAGAGAATGTGAGGTGTGTATGAAGAATGTGTGTGTGAGTGAAGGAAAGT	121735
Query	459163	gcatgtgatatgtgtgagatatgtgtgaggtgtgtatgacgagtggtgtgagagtgaaa	459222
Sbjct	121734	GCATGTGATATGTGTGAGATATGTGTGAGGTGTGTATGACGAGTGTGTGTGAGAGTGAAA	121675
Query	459223	gaggaaattaagacatctgtgtatgtgtgtgtgagTTTGAGAAAAGAAAAGTACAGAGGAG	459282
Sbjct	121674	GAGGAATTAAGACATCTGTGTATGTGTGTGTGAGTTTGAGAAAAGAAAAGTACAGAGGAG	121615
Query	459283	AAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAGgtgtgtgtgtt	459342
Sbjct	121614	AAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAGGTGTGTGTGTT	121555
Query	459343	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtttgtgtgtgtgtgtATgagagagagagacagacag	459402
Sbjct	121554	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTTTGTGTGTGTGTATGAGAGAGAGAGACAGACAG	121495
Query	459403	acagacagacacagagagacagagagggagagagagagatggaggaggagaagaagaatg	459462
Sbjct	121494	ACAGACAGACACAGAGAGACAGAGAGGGAGAGAGAGAGATGGAGGAGGAGAAGAAGAATG	121435
Query	459463	aaaggaagaagagggaagaggaggaggaggaggagggaagatgacaagaacaacgaagaa	459522
Sbjct	121434	AAAGGAAGAAGAGGAAGAGGAGGGAGGGAGGAGGAGGAAGATGACAAAGACAACGAAGAA	121375
Query	459523	gaagaaTTGAAGAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTCGGTTTGTACTCCAAGTAG	459582
Sbjct	121374	GAAGAATTGAAGAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTCGGTTTGTACTCCAAGTAG	121315
Query	459583	TCTTTTATACTTTTTCCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTCAGAATTGAGGCTGGAC	459642
Sbjct	121314	TCTTTTATACTTTTTCCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTCAGAATTGAGGCTGGAC	121255
Query	459643	CCTGACAATAGTTCAGAGACGGCCAGCTGCACCTTGGCTCTGGACGGTTGCTAAATGCTCTG	459702
Sbjct	121254	CCTGACAATAGTTCAGAGACGGCCAGCTGCACCTTGGCTCTGGACGGTTGCTAAATGCTCTG	121195
Query	459703	AGCACAAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGACGCCAGCCC	459762
Sbjct	121194	AGCACAAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGACGCCAGCCC	121135
Query	459763	TCTGGTACTGTGAGCTCCAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGG	459822
Sbjct	121134	TCTGGTACTGTGAGCTCCAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGG	121075
Query	459823	GTACTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTTCAGATGTC	459882
Sbjct	121074	GTACTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTTCAGATGTC	121015
Query	459883	ACATGTGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTCTGTGAGTT	459942
Sbjct	121014	ACATGTGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTCTGTGAGTT	120955
Query	459943	CATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACTATTGACCTGTAGCCATCCACAT	460002

Sbjct	120954	 CATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACTATTGACCTGTAGCCATCCACAT	120895
Query	460003	 CCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCCTACCATTCCACAATGGATCTCTGATCC	460062
Sbjct	120894	 CCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCCTACCATTCCACAATGGATCTCTGATCC	120835
Query	460063	 TTGGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCACCTGGCTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTG	460122
Sbjct	120834	 TTGGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCACCTGGCTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTG	120775
Query	460123	 ACAAAAGCCACCTAATGGGTTAAGAGACTTGAGAGATGGCTTCGTGGTTAAGAGTGATTC	460182
Sbjct	120774	 ACAAAAGCCACCTAATGGGTTAAGAGACTTGAGAGATGGCTTCGTGGTTAAGAGTGATTC	120715
Query	460183	 GTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCCAGCTACAGGGGACC	460242
Sbjct	120714	 GTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCCAGCTACAGGGGACC	120655
Query	460243	 CAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACTTAAGACATATGCCCCAACCATGCACAGCCA	460302
Sbjct	120654	 CAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACTTAAGACATATGCCCCAACCATGCACAGCCA	120595
Query	460303	 GGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAGAACACAGT	460362
Sbjct	120594	 GGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAGAACACAGT	120535
Query	460363	 CTTTGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAAAACTTTTT	460422
Sbjct	120534	 CTTTGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAAAACTTTTT	120475
Query	460423	 CTTTCTCCAACAACTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTAAATGAACT	460482
Sbjct	120474	 CTTTCTCCAACAACTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTAAATGAACT	120415
Query	460483	 TAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATATCATGGAC	460542
Sbjct	120414	 TAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATATCATGGAC	120355
Query	460543	 TTGCATAGAGaagcaaaacacacaaagtcaaaaagcaaacaagctataaaacaccaaacc	460602
Sbjct	120354	 TTGCATAGAGAAGCAAAACACACAAAGTCAAAAAGCAAACAAGCTATAAAACACCAAACC	120295
Query	460603	 aacggggcgcaaaagAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCAATGGCTGAGCCCAATGAAT	460662
Sbjct	120294	 AACGGGCGCAAAGAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCAATGGCTGAGCCCAATGAAT	120235
Query	460663	 GATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGTGACATCTGATATCCTTTGTTTAGACAGGCTGACCCC	460722
Sbjct	120234	 GATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGTGACATCTGATATCCTTTGTTTAGACAGGCTGACCCC	120175
Query	460723	 CTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGCTGCATAAC	460782
Sbjct	120174	 CTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGCTGCATAAC	120115
Query	460783	 CATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCACAGAACTG	460842
Sbjct	120114	 CATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCACAGAACTG	120055
Query	460843	 GCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGAGGAAGGCTAAGAC	460902
Sbjct	120054	 GCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGAGGAAGGCTAAGAC	119995
Query	460903	 TAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCTTGATAAGT	460962
Sbjct	119994	 TAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCTTGATAAGT	119935
Query	460963	 AGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAAGAGCTTGACAGCGTACA	461022
Sbjct	119934	 AGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAAGAGCTTGACAGCGTACA	119875
Query	461023	 TAGTTGGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTGGGTTAACGTCCATGGTCATCTATTGCTTCA	461082
Sbjct	119874	 TAGTTGGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTGGGTTAACGTCCATGGTCATCTATTGCTTCA	119815
Query	461083	 GTGTCACACTTGAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGTTTCAGGCCAAATAGTAGTTATC	461142
Sbjct	119814	 GTGTCACACTTGAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGTTTCAGGCCAAATAGTAGTTATC	119755
Query	461143	 AAGTTTTAATTCACCTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGTATGGGTACACAGAGAGGCAAG	461202
Sbjct	119754	 AAGTTTTAATTCACCTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGTATGGGTACACAGAGAGGCAAG	119695
Query	461203	 GAATGGTTCTTTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGGTAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCTG	461262
Sbjct	119694	 GAATGGTTCTTTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGGTAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCTG	119635
Query	461263	 TCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTCCTAACATTGACCCCAATCG	461322
Sbjct	119634	 TCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTCCTAACATTGACCCCAATCG	119575

[illegible]

Sbjct	118254	AAGAGTGAAGTTAGCACAAATCATAATGTTAGTACCTGACTAGGAAGCAAAACCAT	118195
Query	462703	CACTTGGCAGTCAGGTAATGCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGTTCAGTGAT	462762
Sbjct	118194	CACTTGGCAGTCAGGTAATGCTGTCTGCCCTTTTCTGTTTTTAATTCTGTTCAGTGAT	118135
Query	462763	GGCTTAGCTTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCCTTCTTCCT	462822
Sbjct	118134	GGCTTAGCTTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAGCCAGCATCCTTCTTCCT	118075
Query	462823	CTAGCAAGGCAGAGACACCTTCTCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATTGCATTTTG	462882
Sbjct	118074	CTAGCAAGGCAGAGACACCTTCTCTTTTCGGCAATCATTACATCTAATGCATTGCATTTTG	118015
Query	462883	GGAGGAACACTACAGCCAGGCAATCTATTTGGTTCACTAGGGTGACTATACTTTGCTGTA	462942
Sbjct	118014	GGAGGAACACTACAGCCAGGCAATCTATTTGGTTCACTAGGGTGACTATACTTTGCTGTA	117955
Query	462943	CCAAAGTCAGGTCTTTCCTTTGGCTGTCTGTACCGCTTGAGCTCAATTGCTCGTACGTG	463002
Sbjct	117954	CCAAAGTCAGGTCTTTCCTTTGGCTGTCTGTACCGCTTGAGCTCAATTGCTCGTACGTG	117895
Query	463003	GGTGCCTCTTAATGCCTCGTGCTGGTGAGATCCACTGGGAGAGCTGCTTACATGGAGGGT	463062
Sbjct	117894	GGTGCCTCTTAATGCCTCGTGCTGGTGAGATCCACTGGGAGAGCTGCTTACATGGAGGGT	117835
Query	463063	TTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTCACTAGGGTGAAGACGGTGTAAGTGTGAAAATGCA	463122
Sbjct	117834	TTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTCACTAGGGTGAAGACGGTGTAAGTGTGAAAATGCA	117775
Query	463123	GATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAACTCATGGC	463182
Sbjct	117774	GATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGAGAGAGAACTCATGGC	117715
Query	463183	CCATGCATAAGAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCTTGTGTATTTCAACCACC	463242
Sbjct	117714	CCATGCATAAGAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCTTGTGTATTTCAACCACC	117655
Query	463243	TTTCAAACCACTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGAGGGCACCG	463302
Sbjct	117654	TTTCAAACCACTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGATGAAGAGGGCACCG	117595
Query	463303	ATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTGCAGCAGCCATGGTT	463362
Sbjct	117594	ATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTGCAGCAGCCATGGTT	117535
Query	463363	CTGAAGGGCTAGAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGACATTAAAAG	463422
Sbjct	117534	CTGAAGGGCTAGAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGCAGAGACATTAAAAG	117475
Query	463423	GATATAGTTACCCGTTTTTCGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGGCCAAAAGA	463482
Sbjct	117474	GATATAGTTACCCGTTTTTCGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCAGTGTGGCCAAAAGA	117415
Query	463483	GTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGACTTTAGCATGC	463542
Sbjct	117414	GTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTAGGACTTTAGCATGC	117355
Query	463543	AGATTCTCTTTTGTAGCTGACAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACT	463602
Sbjct	117354	AGATTCTCTTTTGTAGCTGACAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACT	117295
Query	463603	AAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGGACT	463662
Sbjct	117294	AAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGGACT	117235
Query	463663	GTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTTCCCCCTCATGTCCACTTT	463722
Sbjct	117234	GTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTTCCCCCTCATGTCCACTTT	117175
Query	463723	GTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAA	463782
Sbjct	117174	GTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAA	117115
Query	463783	TTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATGTGAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGG	463842
Sbjct	117114	TTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATGTGAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGG	117055
Query	463843	TCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAA	463902
Sbjct	117054	TCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAA	116995
Query	463903	TCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGA	463962
Sbjct	116994	TCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTAACTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGA	116935
Query	463963	AATTGCTGCTCTTGTTAATATTTGTATGTTCTTACTGGTGTATTTTACATGCTTTTCT	464022
Sbjct	116934	AATTGCTGCTCTTGTTAATATTTGTATGTTCTTACTGGTGTATTTTACATGCTTTTCT	116875

Query	464023	CAGTTCAAACAACTGTCCTTGGGGTCATTGCTTTTCTTGTACATCCGTGTACAAAAGTAC	464082
Sbjct	116874	CAGTTCAAACAACTGTCCTTGGGGTCATTGCTTTTCTTGTACATCCGTGTACAAAAGTAC	116815
Query	464083	CTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGT	464142
Sbjct	116814	CTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGT	116755
Query	464143	CAATCACATTCTTTCAGGTCTTAGGTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAA	464202
Sbjct	116754	CAATCACATTCTTTCAGGTCTTAGGTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAA	116695
Query	464203	CGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTACGATAAACTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGA	464262
Sbjct	116694	CGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTACGATAAACTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGA	116635
Query	464263	CAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAA	464322
Sbjct	116634	CAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAA	116575
Query	464323	TAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGT	464382
Sbjct	116574	TAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGT	116515
Query	464383	TTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAA	464442
Sbjct	116514	TTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAA	116455
Query	464443	GACCACCTGGAAGCttttttttaaaaaaaCTCCATGGAATTCGGCATCTAATCGGCAATT	464502
Sbjct	116454	GACCACCTGGAAGCTTTTTTTTAAAAAACTCCATGGAATTCGGCATCTAATCGGCAATT	116395
Query	464503	TACAAGACAAATAGAACCCCATTTCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTCC	464562
Sbjct	116394	TACAAGACAAATAGAACCCCATTTCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTCC	116335
Query	464563	AAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATGGCAGAGAA	464622
Sbjct	116334	AAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTTTGATGGCAGAGAA	116275
Query	464623	CTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGC	464682
Sbjct	116274	CTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGC	116215
Query	464683	TCCTGTTAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACG	464742
Sbjct	116214	TCCTGTTAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACG	116155
Query	464743	CAGGTCCCATAACAGTCCAGTGATAGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCC	464802
Sbjct	116154	CAGGTCCCATAACAGTCCAGTGATAGGCTTACTTTCCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCC	116095
Query	464803	TCACATGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCCAGAGTAGTTGATTTTTCACTCTCTGTTCTT	464862
Sbjct	116094	TCACATGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCCAGAGTAGTTGATTTTTCACTCTCTGTTCTT	116035
Query	464863	TGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGTCAGG	464922
Sbjct	116034	TGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGAAGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGTCAGG	115975
Query	464923	TCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTG	464982
Sbjct	115974	TCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGAACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTG	115915
Query	464983	ACATCCTATTTTCTCTATGCATATTTCTCCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTG	465042
Sbjct	115914	ACATCCTATTTTCTCTATGCATATTTCTCCTGCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTG	115855
Query	465043	TCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGTATTAT	465102
Sbjct	115854	TCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCCTACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGTATTAT	115795
Query	465103	AAATGAAACCTATTTTACCCAAGCatttatattttttcataaaaaatagttttgtttttgctt	465162
Sbjct	115794	AAATGAAACCTATTTTACCCAAGCATTTATTTTTTCATAAAAATAGTTTTGTTTTGCCTT	115735
Query	465163	ctagtattccaattttgaatattattttACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAG	465222
Sbjct	115734	CTAGTATTCCAATTTTGAATATTATTTTACATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAG	115675
Query	465223	ATACTTGATTTCGGACTTAACTTTGACAACATATACAGATGGGAGATGTAGTTTGTCCATC	465282
Sbjct	115674	ATACTTGATTTCGGACTTAACTTTGACAACATATACAGATGGGAGATGTAGTTTGTCCATC	115615
Query	465283	CTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAAAGAAATAGATCTGCATTAGCTTGACTACAATCACAGTT	465342
Sbjct	115614	CTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAAAGAAATAGATCTGCATTAGCTTGACTACAATCACAGTT	115555
Query	465343	CTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTATAAGGAGACTGACCATTAAATTTGTATGGCTT	465402

Sbjct	115554	CTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTATAAGGAGACTGACCATTAAATTTGTATGGCTT	115495
Query	465403	AAATGTCTTTAAGAGCTTACAATAACTAATGTTTCAGGACACTAGATTTTTATAATTTTAT	465462
Sbjct	115494	AAATGTCTTTAAGAGCTTACAATAACTAATGTTTCAGGACACTAGATTTTTATAATTTTAT	115435
Query	465463	CCTAATGAGTCTTAGAAAATTATCATTTTGAAATGAAGCTCTTTTACAATGAAAAATAACT	465522
Sbjct	115434	CCTAATGAGTCTTAGAAAATTATCATTTTGAAATGAAGCTCTTTTACAATGAAAAATAACT	115375
Query	465523	TTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGAGTAGGAACCCCATTTCTTTCTATGAATCCT	465582
Sbjct	115374	TTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGAGTAGGAACCCCATTTCTTTCTATGAATCCT	115315
Query	465583	TCTACAAACCACCAAGGCTTTTTATGTGACTCAGGGACTCTAAATAGATAAAGCTTAACA	465642
Sbjct	115314	TCTACAAACCACCAAGGCTTTTTATGTGACTCAGGGACTCTAAATAGATAAAGCTTAACA	115255
Query	465643	AAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACATACATCTTTCAGTCATATTTGTCAACATGT	465702
Sbjct	115254	AAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACATACATCTTTCAGTCATATTTGTCAACATGT	115195
Query	465703	GTTGACTATGATAATTATGGGAATGTATGCTGGCATATTGTACAAGAGAAGATTACCTTA	465762
Sbjct	115194	GTTGACTATGATAATTATGGGAATGTATGCTGGCATATTGTACAAGAGAAGATTACCTTA	115135
Query	465763	TATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTGCATAGGTGCTAGGTTAACAGAAGCTAAGAAGG	465822
Sbjct	115134	TATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTGCATAGGTGCTAGGTTAACAGAAGCTAAGAAGG	115075
Query	465823	TGGAGGCAGTAGACAGAGTGGTAGACACCCATAATTATTTTATGCATTTGAAAATACTC	465882
Sbjct	115074	TGGAGGCAGTAGACAGAGTGGTAGACACCCATAATTATTTTATGCATTTGAAAATACTC	115015
Query	465883	TTCAAgtgtgtgtatgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgagagagagagagagagagaga	465942
Sbjct	115014	TTCAATGTGTGTATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA	114955
Query	465943	cagagagagagagagagaAATTTATGTGATTTTAATGTATATACAACATTGAAAACAACATC	466002
Sbjct	114954	CAGAGAGAGAGAGAGAAATTTATGTGATTTTAATGTATATACAACATTGAAAACAACATC	114895
Query	466003	TTAACTACCATGAGATATAAAATAGTAGGCAGAGACATCATTTGTTTATAAGAAAATTTTC	466062
Sbjct	114894	TTAACTACCATGAGATATAAAATAGTAGGCAGAGACATCATTTGTTTATAAGAAAATTTTC	114835
Query	466063	AAGGGGAAATGTTAGGCAATATTGAGGCCTTCTTCAGTATATCTTCTTTGAAGGGATC	466122
Sbjct	114834	AAGGGGAAATGTTAGGCAATATTGAGGCCTTCTTCAGTATATCTTCTTTGAAGGGATC	114775
Query	466123	CTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACCTTGCGGTCTCATATAACTAG	466182
Sbjct	114774	CTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACCTTGCGGTCTCATATAACTAG	114715
Query	466183	AGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAAGCCCAGTG	466242
Sbjct	114714	AGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAAGCCCAGTG	114655
Query	466243	ATCTTGCTGTCTCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAGTCCAGCTGTGTTT	466302
Sbjct	114654	ATCTTGCTGTCTCTCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAGTCCAGCTGTGTTT	114595
Query	466303	TAGGCAGTCTCACTAGAGTTCGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCACATCTCCT	466362
Sbjct	114594	TAGGCAGTCTCACTAGAGTTCGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCACATCTCCT	114535
Query	466363	TATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTAATATTAAC	466422
Sbjct	114534	TATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTAATATTAAC	114475
Query	466423	TGTGTACACCCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAACCTTGTAGAAGGCA	466482
Sbjct	114474	TGTGTACACCCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAACCTTGTAGAAGGCA	114415
Query	466483	TAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTTCGGCTTGTATCA	466542
Sbjct	114414	TAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTTCGGCTTGTATCA	114355
Query	466543	GAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGAACCCAGTT	466602
Sbjct	114354	GAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGAACCCAGTT	114295
Query	466603	AAAACATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTTATCTTTC	466662
Sbjct	114294	AAAACATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTTATCTTTC	114235
Query	466663	ATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCTGGTTTTTAA	466722
Sbjct	114234	ATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCTGGTTTTTAA	114175

Query	466723	GAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGC	466782
Sbjct	114174	GAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGC	114115
Query	466783	CAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGaaaaagaaaaacaaaaaGGGAGGATACGA	466842
Sbjct	114114	CAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGAAAAAGAAAAACAAAAAGGAGGATACGA	114055
Query	466843	GGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACAACCTTT	466902
Sbjct	114054	GGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACAACCTTT	113995
Query	466903	TCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTCTTTGT	466962
Sbjct	113994	TCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTCTTTGT	113935
Query	466963	AGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATTATCAGA	467022
Sbjct	113934	AGGTTAGACATTACACATATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATTATCAGA	113875
Query	467023	TATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTaaaaaaaTTAGAACATTAGGGGAAA	467082
Sbjct	113874	TATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTAaaaaaaATTAGAACATTAGGGGAAA	113815
Query	467083	TCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGtttttttttttATATA	467142
Sbjct	113814	TCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGTTTTTTTTTTATATA	113755
Query	467143	TAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTGCCAGTTTT	467202
Sbjct	113754	TAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTACACTCTAAATGTTTTCGCTTTGCCAGTTTT	113695
Query	467203	TTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTTCACCCA	467262
Sbjct	113694	TTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTTCACCCA	113635
Query	467263	CACCCCCACTCCGTCCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACATCAAGCTT	467322
Sbjct	113634	CACCCCCACTCCGTCCACCTCTGCCACCCAACATTGACCTACACTGGGACATCAAGCTT	113575
Query	467323	TGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACATATGCA	467382
Sbjct	113574	TGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACATATGCA	113515
Query	467383	ACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCCCTCGGGGG	467442
Sbjct	113514	ACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTTTAGTCCCTGGGAGCCCTCGGGGG	113455
Query	467443	GCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCTCCTTCAGT	467502
Sbjct	113454	GCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAACCCCTTCAGCTCCTTCAGT	113395
Query	467503	CTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCAGTTCAATGGTTGGCTGAAAGCAT	467562
Sbjct	113394	CTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCAGTTCAATGGTTGGCTGAAAGCAT	113335
Query	467563	CTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTTAGGAGGCT	467622
Sbjct	113334	CTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTTAGGAGACAGCTCCTTAGGAGGCT	113275
Query	467623	CCTGTCAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCTTCAGCCAAAGTCCTAGGACCAAGCAGAA	467682
Sbjct	113274	CCTGTCAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCTTCAGCCAAAGTCCTAGGACCAAGCAGAA	113215
Query	467683	ATTGTCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCCAGTGGCCT	467742
Sbjct	113214	ATTGTCTAGTCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGTCAATTTCTGACTCCAGTGGCCT	113155
Query	467743	GCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTTATGAATCT	467802
Sbjct	113154	GCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTACAGACACAGAATTTATGAATCT	113095
Query	467803	ATGTGTCACTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAAATGGATAC	467862
Sbjct	113094	ATGTGTCACTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGTGGCAATGACATGGAAATGGATAC	113035
Query	467863	CTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCCAGCAAGAG	467922
Sbjct	113034	CTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCTAGTCTCTATACCCTTAGGCGCCAGCAAGAG	112975
Query	467923	TGAATGGTTTCTGGGACTGTGGTGGGTCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATGATGATTAT	467982
Sbjct	112974	TGAATGGTTTCTGGGACTGTGGTGGGTCCTTTTGCCTAATTCCTTCCTATGATGATTAT	112915
Query	467983	AACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCTAGCTTGGCACTGGTGGGGAGCCT	468042
Sbjct	112914	AACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCTAGCTTGGCACTGGTGGGGAGCCT	112855
Query	468043	CGACACCTACATGAATGTTCTTATAAGCATTGCAATACCTAGAAGCACCTTAGGAGTCAT	468102



Sbjct	112854	ACCTACATGAATGTTCTCTATAAGCATTGCAATACCTAGAACACCTTAGGAGTCAT	112795
Query	468103	TCCTGGCAGGGCACCCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATATGGGATAGA	468162
Sbjct	112794	TCCTGGCAGGGCACCCTGTATCTTACAGTTCTGAGTGTGTACCTACAAATATGGGATAGA	112735
Query	468163	AGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATGATAAGGAA	468222
Sbjct	112734	AGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACATGTGATGTGGAGTAGTTGTTGATGATAAGGAA	112675
Query	468223	GGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGgtgtgtgtgtgtgt	468282
Sbjct	112674	GGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTGACTATTGGGGTGTGTGTGTGTGT	112615
Query	468283	gtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtCaaaatataaaaaataaaaa	468342
Sbjct	112614	GTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCTGTTGTTGTTGTCAAAATATAAAAAATAAAA	112555
Query	468343	aaGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTAGGTCTATTCCACAGTGTCCCAAGATATCTGC	468402
Sbjct	112554	AAGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTAGGTCTATTCCACAGTGTCCCAAGATATCTGC	112495
Query	468403	TGGATATCTTAACTGTCTAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTGCTCCAACCCATATCAC	468462
Sbjct	112494	TGGATATCTTAACTGTCTAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTGCTCCAACCCATATCAC	112435
Query	468463	ACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCTATTTAGTTCCCAAGGC	468522
Sbjct	112434	ACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCTATTTAGTTCCCAAGGC	112375
Query	468523	AGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCAGACAGCCAGTGCACAC	468582
Sbjct	112374	AGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCAGACAGCCAGTGCACAC	112315
Query	468583	TTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAATAACCTTTGGCCCAATT	468642
Sbjct	112314	TTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAATAACCTTTGGCCCAATT	112255
Query	468643	AATAAGATACAATCGCCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACATATCCATCCCTTAAAAA	468702
Sbjct	112254	AATAAGATACAATCGCCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACATATCCATCCCTTAAAAA	112195
Query	468703	CATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATCCCCTGTCATATTGTTC	468762
Sbjct	112194	CATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATCCCCTGTCATATTGTTC	112135
Query	468763	TGTCACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTtctctcttttccggtccaatcttctcatct	468822
Sbjct	112134	TGTCACGGCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTTTCTTCTTTTCCGTTCCAATCTTCTCATCT	112075
Query	468823	tccttcaaaccttttctcctgcctgtccttccttcTCATTCAAACACAGACCTCCTTCTAT	468882
Sbjct	112074	TCCTTCAAACCTTTCTCCTGCCTGTCTTCCTTCTCATTCAAACACAGACCTCCTTCTAT	112015
Query	468883	CCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTtctatctccctctcac	468942
Sbjct	112014	CCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTCTATCTCCCTCTCAC	111955
Query	468943	tctctgtctctctccatctccctgtctctctctctgtctctctctctctctctctctctct	469002
Sbjct	111954	TCTCTGTCTCTCTCCATCTCCCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT	111895
Query	469003	tttgatatgtgtttgtgtgtgtttgtttccctctctctcaatctctctctctccctgcttt	469062
Sbjct	111894	TTTGTATGTGTTTGTGTGTGTTTGTTTCCCTCTCTCTCAATCTCTCTCTCTCCCTGCTTT	111835
Query	469063	tctttgtgtgtttctctctcagtcctgtctctgtctgtctttctctgtctgtctctctata	469122
Sbjct	111834	TCTTTGTGTGTTTCTCTCTCAGTCTGTCTCTGTCTGTCTTTCTCTGTCTGTCTCTCTATA	111775
Query	469123	tctatatctatctatctatctatctatctatctatctatctatctatctatAGACC	469182
Sbjct	111774	TCTATATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATAGACC	111715
Query	469183	ACTCTCTCTACCTCTTTTTCTtgtgtgtgtgtgtTAGCACATATGTGAATAATGTTGACG	469242
Sbjct	111714	ACTCTCTCTACCTCTTTTTCTTGTGTGTGTGTGTTAGCACATATGTGAATAATGTTGACG	111655
Query	469243	TTCTTCTATATACATATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATGAGAGATATGCTCATCAA	469302
Sbjct	111654	TTCTTCTATATACATATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATGAGAGATATGCTCATCAA	111595
Query	469303	CAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGTCTCCTGAAGTGTTA	469362
Sbjct	111594	CAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGTCTCCTGAAGTGTTA	111535
Query	469363	GGAGACATTGAGAGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGATGTCCATA	469422
Sbjct	111534	GGAGACATTGAGAGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGATGTCCATA	111475

Query	469423	CCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAGGACAGAGAGGGTT	469482
Sbjct	111474	CCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAGGACAGAGAGGGTT	111415
Query	469483	CCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAAAGAGAGGCTAGTACATATTTTGGCTATTTGCTG	469542
Sbjct	111414	CCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGAAAGAGAGGCTAGTACATATTTTGGCTATTTGCTG	111355
Query	469543	TGTGTGGATTTC CGTGGAA TGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGTCTAGCCTTAGTCACTGC	469602
Sbjct	111354	TGTGTGGATTTC CGTGGAA TGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGTCTAGCCTTAGTCACTGC	111295
Query	469603	AACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTTTGGTTGTT	469662
Sbjct	111294	AACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTTTGGTTGTT	111235
Query	469663	GTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTTGTCTGAAGAATTGAAACAGTTTTTG	469722
Sbjct	111234	GTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTTGTCTGAAGAATTGAAACAGTTTTTG	111175
Query	469723	TCCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCACTGACCCCAAGGACCACACAGGTCAACA	469782
Sbjct	111174	TCCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCACTGACCCCAAGGACCACACAGGTCAACA	111115
Query	469783	AGACAGGGTCGGAGTAAGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGATGATGATA	469842
Sbjct	111114	AGACAGGGTCGGAGTAAGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGATGATGATA	111055
Query	469843	GGACCCCCAGTGCTCTTGCCCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATAGATAACTACATT	469902
Sbjct	111054	GGACCCCCAGTGCTCTTGCCCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATAGATAACTACATT	111095
Query	469903	TGACTTGGTAAACTTG GGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTAACCTGACAAAGAAACA	469962
Sbjct	110994	TGACTTGGTAAACTTG GGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTAACCTGACAAAGAAACA	110935
Query	469963	TTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCTGGTTCTCT	470022
Sbjct	110934	TTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCTGGTTCTCT	110875
Query	470023	AAGCCATTATCATATTGTTTTGGGGTAGTCCTGTGAGGAGAATTATAAAGGCAGAGGCTA	470082
Sbjct	110874	AAGCCATTATCATATTGTTTTGGGGTAGTCCTGTGAGGAGAATTATAAAGGCAGAGGCTA	110815
Query	470083	TCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCAGCCTGTACACATTAC	470142
Sbjct	110814	TCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCAGCCTGTACACATTAC	110755
Query	470143	CTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCTGATGCCCT	470202
Sbjct	110754	CTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCTGATGCCCT	110695
Query	470203	TGATGGGAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTGTGCTTGGA	470262
Sbjct	110694	TGATGGGAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTGTGCTTGGA	110635
Query	470263	GAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCAGTGACACTACTCCCTCAGCAACTGG	470322
Sbjct	110634	GAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCAGTGACACTACTCCCTCAGCAACTGG	110575
Query	470323	TAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTACTTGAGGAT	470382
Sbjct	110574	TAGTCATGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTACTTGAGGAT	110515
Query	470383	ACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGATGGAGGCCAAAGCCAAGGG	470442
Sbjct	110514	ACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGATGGAGGCCAAAGCCAAGGG	110455
Query	470443	CAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGTCAGAGAGA	470502
Sbjct	110454	CAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGTCAGAGAGA	110395
Query	470503	AAGGTAGTTCCTCCTCCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGGAAGACAGCACACAGATC	470562
Sbjct	110394	AAGGTAGTTCCTCCTCCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGGAAGACAGCACACAGATC	110335
Query	470563	ATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGCATTTGGGG	470622
Sbjct	110334	ATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGCATTTGGGG	110275
Query	470623	CACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCTCATGTGGG	470682
Sbjct	110274	CACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCTCATGTGGG	110215
Query	470683	AAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCTGTGCCACCCTCCAGTGCAGTTCTCAA	470742
Sbjct	110214	AAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCTGTGCCACCCTCCAGTGCAGTTCTCAA	110155
Query	470743	TGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTC AAGAGTAAAGTCT	470802

Sbjct	110154	GGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTCAAGAGTAAAGTCT	110095
Query	470803	GGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTGCAGCTTCA	470862
Sbjct	110094	GGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTGCAGCTTCA	110035
Query	470863	TTGTCAGCACGGTTATGGAAC TCCCCA ACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAA ACTGACTT	470922
Sbjct	110034	TTGTCAGCACGGTTATGGAAC TCCCCA ACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAA ACTGACTT	109975
Query	470923	TCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTATTGTGTCCACAACACAGGAAA ACTGCTAGGCC	470982
Sbjct	109974	TCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTATTGTGTCCACAACACAGGAAA ACTGCTAGGCC	109915
Query	470983	TCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCTGCAGAGCA	471042
Sbjct	109914	TCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCTGCAGAGCA	109855
Query	471043	GGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTGATTCTCAA	471102
Sbjct	109854	GGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTGATTCTCAA	109795
Query	471103	GAAGATGTGGCCCTTCTTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAAGACCTATC	471162
Sbjct	109794	GAAGATGTGGCCCTTCTTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAAGACCTATC	109735
Query	471163	CGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCTGGCTGGGC	471222
Sbjct	109734	CGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCTGGCTGGGC	109675
Query	471223	ATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATT CAGACTCTCTGCC	471282
Sbjct	109674	ATTACTCACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATT CAGACTCTCTGCC	109615
Query	471283	TGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCTTCTTGCCCAAGAGCTGACAAACCT	471342
Sbjct	109614	TGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCTTCTTGCCCAAGAGCTGACAAACCT	109555
Query	471343	TTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGAC	471402
Sbjct	109554	TTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGAC	109495
Query	471403	ATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAA	471462
Sbjct	109494	ATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAA	109435
Query	471463	GCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTG	471522
Sbjct	109434	GCAGACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTG	109375
Query	471523	GGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCC	471582
Sbjct	109374	GGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCC	109315
Query	471583	TTGAAGCAA ACTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACCTGTCCTAT	471642
Sbjct	109314	TTGAAGCAA ACTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACCTGTCCTAT	109255
Query	471643	TGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCTGCATCTTC	471702
Sbjct	109254	TGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCTGCATCTTC	109195
Query	471703	TGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGCTCCTCTGGTAGGCCATCTACCGTCCAC	471762
Sbjct	109194	TGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGCTCCTCTGGTAGGCCATCTACCGTCCAC	109135
Query	471763	TGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCTAAGAGTCC	471822
Sbjct	109134	TGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCTAAGAGTCC	109075
Query	471823	CCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATCCAGATAGG	471882
Sbjct	109074	CCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATCCAGATAGG	109015
Query	471883	TCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCTGCTCAGCCATGATTGCATGTGTTCTCC	471942
Sbjct	109014	TCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCTGCTCAGCCATGATTGCATGTGTTCTCC	108955
Query	471943	CTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATGTCTTCTGC	472002
Sbjct	108954	CTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATGTCTTCTGC	108895
Query	472003	AGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGTCCCTCTGCAGCCCACCAAGG	472062
Sbjct	108894	AGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGTCCCTCTGCAGCCCACCAAGG	108835
Query	472063	CTCAGGACACATTTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAgtggtgtttctgttgatttgctctg	472122
Sbjct	108834	CTCAGGACACATTTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAGTGTGTTTCTGTTGTATTGTCTG	108775

Query	472123	agtgtctgtgcgtgattacctgcatgtggagtgtgtgtgtgtcagtggtATCTGCAAAT	472182
Sbjct	108774	AGTGTCTGTGCCGTGATTACCTGCATGTGGAGTGTGTGTGTGTGAGTGTGTATCTGCAAAT	108715
Query	472183	AATTGAGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGTATTGAAAT	472242
Sbjct	108714	AATTGAGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGTATTGAAAT	108655
Query	472243	AATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTAT	472302
Sbjct	108654	AATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTAT	108595
Query	472303	GATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTTAG	472362
Sbjct	108594	GATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTTAG	108535
Query	472363	GTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGtttttgttttggtttttCTT	472422
Sbjct	108534	GTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGTTTTTGTGTTTGGTTTTTCTT	108475
Query	472423	TGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTTCT	472482
Sbjct	108474	TGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTTCT	108415
Query	472483	TCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTACTTATCTTTGAC	472542
Sbjct	108414	TCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTACTTATCTTTGAC	108355
Query	472543	CCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTGTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGT	472602
Sbjct	108354	CCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTGTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGT	108295
Query	472603	ATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTTGA	472662
Sbjct	108294	ATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTTGA	108235
Query	472663	GAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAGTGCAGTCTCTAC	472722
Sbjct	108234	GAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAGTGCAGTCTCTAC	108175
Query	472723	ATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGTGGCTTCAAAGT	472782
Sbjct	108174	ATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGTGGCTTCAAAGT	108115
Query	472783	AGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTTCTGACAC	472842
Sbjct	108114	AGATTAGTTGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTTCTGACAC	108055
Query	472843	ACTTTAAATACTAAAATCTTTGTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTACCCCTTACA	472902
Sbjct	108054	ACTTTAAATACTAAAATCTTTGTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTACCCCTTACA	107995
Query	472903	CTTTATATCTTGACTtctgtctctgtctgtctctgtctctctgtttctgtctctatctct	472962
Sbjct	107994	CTTTATATCTTGACTTCTGTCTGTCTGTCTGTCTGTCTGTCTGTTTCTGTCTCTATCTCT	107935
Query	472963	gtctctctcatctcatctctgACTTCCTGGTTGCAATTCTAATCTTCCACTACATTCAG	473022
Sbjct	107934	GTCTCTCTCATCTCATCTCTGACTTCCTGGTTGCAATTCTAATCTTCCACTACATTCAG	107875
Query	473023	CATTTTCAGATCTTCACTTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGG	473082
Sbjct	107874	CATTTTCAGATCTTCACTTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGG	107815
Query	473083	AGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAG	473142
Sbjct	107814	AGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAG	107755
Query	473143	CGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGAGAGAGGCGCAAGTTGGCTCAACAG	473202
Sbjct	107754	CGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGAGAGAGGCGCAAGTTGGCTCAACAG	107695
Query	473203	AATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGAAAAGCCTT	473262
Sbjct	107694	AATCCCAGCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGAAAAGCCTT	107635
Query	473263	ACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCCTACACAGA	473322
Sbjct	107634	ACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCCTACACAGA	107575
Query	473323	GAGAAATATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCACAGAGGAGT	473382
Sbjct	107574	GAGAAATATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCACAGAGGAGT	107515
Query	473383	TATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACCTGTACAACCTGTTGCAATGGGACAAC	473442
Sbjct	107514	TATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACCTGTACAACCTGTTGCAATGGGACAAC	107455
Query	473443	AACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGTCCTCCAAG	473502

Sbjct	107454	AACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGTCCCTCCAAG	107395
Query	473503	AACCAGAAAAGCATTATTTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCACTA <sup>cagcag</sup>	473562
Sbjct	107394	AACCAGAAAAGCATTATTTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCACTACAGCAG	107335
Query	473563	aaacagcagcaccagcagcagcagcacgtgcacctgcagcagcagcagcagcagcagcag	473622
Sbjct	107334	AAACAGCAGCACACCAGCAGCAGCAGCACGTGCACCTGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG	107275
Query	473623	caccagtccactagcagcagcTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTGGTGACCCT	473682
Sbjct	107274	CACCAGTTCCACTAGCAGCAGCTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTGGTGACCCT	107215
Query	473683	ACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGATACTGGCTC	473742
Sbjct	107214	ACACCATAGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGATACTGGCTC	107155
Query	473743	TGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATT CCTACTTGG	473802
Sbjct	107154	TGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATT CCTACTTGG	107095
Query	473803	TTTGGTACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCttttttttCTGGTG	473862
Sbjct	107094	TTTGGTACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCTTTTTTTCTGGTG	107035
Query	473863	GGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAGGAGAA	473922
Sbjct	107034	GGGGTGTGGGGGAGGAGACCAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAGGAGAA	106975
Query	473923	TGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTGTTTAACAGCGTACTACTCGCATTCTTATGG	473982
Sbjct	106974	TGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTGTTTAACAGCGTACTACTCGCATTCTTATGG	106915
Query	473983	CATTTAATCGATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTACTGCCAGC	474042
Sbjct	106914	CATTTAATCGATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTACTGCCAGC	106855
Query	474043	TCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGGGAGGTGGG	474102
Sbjct	106854	TCAAAGGCAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGGGAGGTGGG	106795
Query	474103	AGAGGGGAAGGTGGAGTTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAATATCCAGC	474162
Sbjct	106794	AGAGGGGAAGGTGGAGTTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAATATCCAGC	106735
Query	474163	TGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTCAATCCCTT	474222
Sbjct	106734	TGGGCAAGGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTCAATCCCTT	106675
Query	474223	TCCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCCAGCCCATT	474282
Sbjct	106674	TCCCACAGATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCCAGCCCATT	106615
Query	474283	GTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGCATTCCAATGCAAAGGT	474342
Sbjct	106614	GTTCTATTCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGCATTCCAATGCAAAGGT	106555
Query	474343	CAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAAGGGGAACA	474402
Sbjct	106554	CAAGGGACTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAAGGGGAACA	106495
Query	474403	TATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTTCATTCTG	474462
Sbjct	106494	TATGTAAATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTTCATTCTG	106435
Query	474463	AGCAGGCAAAAACACAGTGCCCTCAGGCTCTGGGCTGGCTGTCTGTCTTTCAGCATCAC	474522
Sbjct	106434	AGCAGGCAAAAACACAGTGCCCTCAGGCTCTGGGCTGGCTGTCTGTCTTTCAGCATCAC	106375
Query	474523	CATGGA AACATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACATACATAAT	474582
Sbjct	106374	CATGGA AACATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACATACATAAT	106315
Query	474583	GCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCTTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAGATCAGACA	474642
Sbjct	106314	GCTGTAAAAACACTGGCTGTGCCCTTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAGATCAGACA	106255
Query	474643	CATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAAAC TACATCATATATGACTT	474702
Sbjct	106254	CATCTATCTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCTCCAGCACACAAAAC TACATCATATATGACTT	106195
Query	474703	CTGTC ACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTTGTCTTTTT	474762
Sbjct	106194	CTGTC ACTGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTTGTCTTTTT	106135
Query	474763	CAC TTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTCTGTAACAT	474822
Sbjct	106134	CAC TTCTCCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTCTGTAACAT	106075

Query	474823	CGTTTGATAAAATAAGCATTATATACAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCTGCTTCTCT	474882
Sbjct	106074	CGTTTGATAAAATAAGCATTATATACAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCTGCTTCTCT	106015
Query	474883	TTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTTATTACAAAATTTTGTATAAAAGCAGTAC	474942
Sbjct	106014	TTTACCTATCTTTAAAGAATAAACAGTTTTATTACAAAATTTTGTATAAAAGCAGTAC	105955
Query	474943	AGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACAAAGCACCA	475002
Sbjct	105954	AGACAAAGCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACAAAGCACCA	105895
Query	475003	AGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCATATACAAAA	475062
Sbjct	105894	AGTTACATAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCATATACAAAA	105835
Query	475063	TGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTTTAAGTGGCCATTTAC	475122
Sbjct	105834	TGATGCAAAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTTTAAGTGGCCATTTAC	105775
Query	475123	CCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAAACTCTTAC	475182
Sbjct	105774	CCATTAGCTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAAACTCTTAC	105715
Query	475183	AAGCAAGCTTAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAAGCTCAAGG	475242
Sbjct	105714	AAGCAAGCTTAAACAGAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAAGCTCAAGG	105655
Query	475243	AACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAGCCTCTTCC	475302
Sbjct	105654	AACCAGGCATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAGCCTCTTCC	105595
Query	475303	AGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTCTCTCTCATACAACTGTTCCCGTAAGCTC	475362
Sbjct	105594	AGTTTCATCACATTATTCTCCACAGTGTCTCTCTCATACAACTGTTCCCGTAAGCTC	105535
Query	475363	TTGAATCGACTATGTAACCCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCATGGAGCTT	475422
Sbjct	105534	TTGAATCGACTATGTAACCCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCATGGAGCTT	105475
Query	475423	CAATTGTGATATCTTACACCCTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGATGTATTGAA	475482
Sbjct	105474	CAATTGTGATATCTTACACCCTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGATGTATTGAA	105415
Query	475483	CTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTGAGCTTTAATTGATTTT	475542
Sbjct	105414	CTCTTTGAAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTGAGCTTTAATTGATTTT	105355
Query	475543	CAAACCATTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAATCAGTTAAA	475602
Sbjct	105354	CAAACCATTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAATCAGTTAAA	105295
Query	475603	AGACTGTTCTCCAGAATTAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCTAAGTCAGG	475662
Sbjct	105294	AGACTGTTCTCCAGAATTAGTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCTAAGTCAGG	105235
Query	475663	GCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACTCAATAAGGGTTTATGTCTTTGGGTAGACT	475722
Sbjct	105234	GCATGCTTCAGCACATTTCAATGCCAACTCAATAAGGGTTTATGTCTTTGGGTAGACT	105175
Query	475723	TCTAATATAAATGAATGCAAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTTTCGCTGGA	475782
Sbjct	105174	TCTAATATAAATGAATGCAAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTTTCGCTGGA	105115
Query	475783	GAGTTTCTGCATGTGTTCCCGTGTCTTTTGTCTTTTGTCTTCCATTGTGTGGATTATA	475842
Sbjct	105114	GAGTTTCTGCATGTGTTCCCGTGTCTTTTGTCTTTTGTCTTCCATTGTGTGGATTATA	105055
Query	475843	AGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCCACAGGctt	475902
Sbjct	105054	AGCAAAGAGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCCACAGGCTT	104995
Query	475903	cctcttttctcacctggacctatttgcttcttatcttctcctcttttctctctcttctttt	475962
Sbjct	104994	CCTCTTTCTCACCTGGACCTATTTGCTTCTTATCTTCCTCCTTTTCTCTCTTCTCTTTT	104935
Query	475963	ccactacctctctcctccttctcctctcttctcctcctcactctccttcATCTTTGTGCACAGG	476022
Sbjct	104934	CCACTACCTCCTCCTCCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCATCTTTGTGCACAGG	104875
Query	476023	AGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAAGCAGTGCT	476082
Sbjct	104874	AGTATCCTTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAAGCAGTGCT	104815
Query	476083	CTGCCTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAAATGTTACCCCACTATCAGCTTAGAGGTC	476142
Sbjct	104814	CTGCCTAAGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAAATGTTACCCCACTATCAGCTTAGAGGTC	104755
Query	476143	AGTACTGGGATTGGTGGCTATTCTTGGAGAAGTTCATGAGATTCAATTCTTTTGTAGATGC	476202

[illegible]

Query	477523	GGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATCCCTTCCCCTGAGGAA	477582
Sbjct	103374	GGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATCCCTTCCCCTGAGGAA	103315
Query	477583	CCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCATggggagaggagttaa	477642
Sbjct	103314	CCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCATGGGGAGAGGAGTTAA	103255
Query	477643	gagggtagtagagggcacaggagagagggagagtgaggagagagagggtagtgggagggag	477702
Sbjct	103254	GAGGGTAGTAGAGGCACAGGAGAGAGGGAGAGTGGGAGAGAGAGGGTGAGTGGGAGGGAG	103195
Query	477703	agggagacagagggggagaggaggaggagagggaggggacaaagggagtgagggagaggg	477762
Sbjct	103194	AGGGAGACAGAGGGGGAGGAGGAGGAGAGGGAGGGACAAAGGGAGTGAGGGAGAGGG	103135
Query	477763	agggagggagagagagagagggtaggggggagggagagggagggggagaggtggagggagaa	477822
Sbjct	103134	AGGGAGGGAGAGAGAGAGGGGGAGGGGGAGGGAGAGGGAGGGGGAGAGGTGGAGGGAGAA	103075
Query	477823	ggagtagaggagtagagaaagtagagaggcagagaggCCAGCTGTGAGCATGTGGAGGTgg	477882
Sbjct	103074	GGAGTAGAGGAGTAGAGAAGTAGAGAGGCAGAGAGGCCAGCTGTGAGCATGTGGAGGTGG	103015
Query	477883	aggggaggggaatgggggggagaagggacaagggaaagagttggtaagaaagcaagagggag	477942
Sbjct	103014	AGGGGAGGGAATGGGGGGAGAAGGGACAAGGGAAGAGTTGGTAAGAAAGCAAGAGGGAG	102955
Query	477943	gaagagaacaagagagTGAGGAGGGGAAGCATCCCTTTTATATAGTCAGGCATACCTGA	478002
Sbjct	102954	GAAGAGAACAAGAGAGTGAGGAGGGGAAGCATCCCTTTTATATAGTCAGGCATACCTGA	102895
Query	478003	CTCTTGTTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGCTAACATTCCCCTGTT	478062
Sbjct	102894	CTCTTGTTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGCTAACATTCCCCTGTT	102835
Query	478063	TGGGTTTAATaaaaaaagaaaaaTTCAAAAGAGATGATGGTGAAGCAGGAATAGGGTTGT	478122
Sbjct	102834	TGGGTTTAATAAAAAAAGAAAAATTCAAAGAGATGATGGTGAAGCAGGAATAGGGTTGT	102775
Query	478123	CATTGTTGTGATCTCTACTTCCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTCTCTAGGGAACCTAGA	478182
Sbjct	102774	CATTGTTGTGATCTCTACTTCCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTCTCTAGGGAACCTAGA	102715
Query	478183	AAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTTCCTTGTGTCCAGGG	478242
Sbjct	102714	AAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTTCCTTGTGTCCAGGG	102655
Query	478243	TCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGGTCCAATCGAAGCGTCTGTGTCT	478302
Sbjct	102654	TCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGGTCCAATCGAAGCGTCTGTGTCT	102595
Query	478303	GTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGTCCTAGATGTACTAAG	478362
Sbjct	102594	GTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGTCCTAGATGTACTAAG	102535
Query	478363	TGTCTGGACTTGGCAAGATGCTGGAacacacacacacacacacacacacacacacacaca	478422
Sbjct	102534	TGTCTGGACTTGGCAAGATGCTGGAACACACACACACACACACACACACACACACACA	102475
Query	478423	cacacacacacacacacacacatatatatatatattataGGCAGAGAATAAGATTAAGTGTA	478482
Sbjct	102474	CACACACACACACACACACATATATATATATATTATAGGCAGAGAATAAGATTAAGTGTA	102415
Query	478483	TTTGGGAGAAAAGTAAATTTTCTTAGATGTACATTTGAAACCCAGAGGAATCCCACCCT	478542
Sbjct	102414	TTTGGGAGAAAAGTAAATTTTCTTAGATGTACATTTGAAACCCAGAGGAATCCCACCCT	102355
Query	478543	TTGGAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGATTATCTGGG	478602
Sbjct	102354	TTGGAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGATTATCTGGG	102295
Query	478603	TGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCTGTAGTTTACAAGTTT	478662
Sbjct	102294	TGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCTGTAGTTTACAAGTTT	102235
Query	478663	ACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGGCTGGAGAGGTGGCCAGAG	478722
Sbjct	102234	ACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACATGGGGCTGGAGAGGTGGCCAGAG	102175
Query	478723	GTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAACCACATGGT	478782
Sbjct	102174	GTTAAGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAACCACATGGT	102115
Query	478783	GGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGA	478842
Sbjct	102114	GGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGA	102055
Query	478843	CAGTGTAATCGCATATATAAATAAAATAATCCTTaaaaaaaaaGAGTTAACGACATGA	478902



Sbjct	102054	TGAATCGCATATATAAAATAAAATAATCCTTAAAAAAGAGTTAACGACATGA	101995
Query	478903	ACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGATTATACAGT	478962
Sbjct	101994	ACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGATTATACAGT	101935
Query	478963	TAGATCCATGTAGTGAAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGCTCAGGGAC	479022
Sbjct	101934	TAGATCCATGTAGTGAAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGCTCAGGGAC	101875
Query	479023	TACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCAGCCTCTTGACCCGAAGCGGTCCCCAGCGA	479082
Sbjct	101874	TACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCAGCCTCTTGACCCGAAGCGGTCCCCAGCGA	101815
Query	479083	CCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCGAGCCTTCTTGCTTGGCATCTCCTCCAG	479142
Sbjct	101814	CCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCGAGCCTTCTTGCTTGGCATCTCCTCCAG	101755
Query	479143	GGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTT	479202
Sbjct	101754	GGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTT	101695
Query	479203	GTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAG	479262
Sbjct	101694	GTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAG	101635
Query	479263	CTTGCACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTACCCTATGGA	479322
Sbjct	101634	CTTGCACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTACCCTATGGA	101575
Query	479323	GCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCG	479382
Sbjct	101574	GCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCCAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCG	101515
Query	479383	CACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCAAACCTCAC	479442
Sbjct	101514	CACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCAAACCTCAC	101455
Query	479443	TTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAAAACACCAC	479502
Sbjct	101454	TTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAAAACACCAC	101395
Query	479503	GTGGAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAGACAGCCTGAGACCCCTTT	479562
Sbjct	101394	GTGGAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAGACAGCCTGAGACCCCTTT	101335
Query	479563	AACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCTACAGCTGGGCAATGGGAAGGACTTGGGCTTG	479622
Sbjct	101334	AACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCTACAGCTGGGCAATGGGAAGGACTTGGGCTTG	101275
Query	479623	GGGGAGCAGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGGTTTCAGGCATAAGGCTCTGC	479682
Sbjct	101274	GGGGAGCAGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGGTTTCAGGCATAAGGCTCTGC	101215
Query	479683	TCCAGGATTCCCTTGCTTTCCCTTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTT	479742
Sbjct	101214	TCCAGGATTCCCTTGCTTTCCCTTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTT	101155
Query	479743	CACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCACAAGTCCAGCTTCCCTA	479802
Sbjct	101154	CACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCACAAGTCCAGCTTCCCTA	101095
Query	479803	TTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGTGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCT	479862
Sbjct	101094	TTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGTGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCT	101035
Query	479863	CACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCTCCCCAGCTACCTCTGCCCCCTAGCCT	479922
Sbjct	101034	CACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGTCTCCCCAGCTACCTCTGCCCCCTAGCCT	100975
Query	479923	GTTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCATAGATGCC	479982
Sbjct	100974	GTTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCATAGATGCC	100915
Query	479983	ACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCT	480042
Sbjct	100914	ACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCT	100855
Query	480043	AGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTCCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGC	480102
Sbjct	100854	AGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCTCTTCCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGC	100795
Query	480103	AATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGGTTTAAAAA	480162
Sbjct	100794	AATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGGTTTAAAAA	100735
Query	480163	TGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACCTAGGAAGCGCAA	480222
Sbjct	100734	TGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACCTAGGAAGCGCAA	100675

Query	480223	GGCCCTGGGTTCGGTCCCCACCTCCGaaaaaaagaaccaaaaaaaaaaaaaaatgtttaa	480282
Sbjct	100674	GGCCCTGGGTTCGGTCCCCACCTCCGAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAATGTTTAA	100615
Query	480283	actgaaaacaaaaaaaaGGGGGAGGGGATATGAAACATTTAATCAACGGGATCCAGGTTTA	480342
Sbjct	100614	ACTGAAAACAAAAAAGGGGGAGGGGATATGAAACATTTAATCAACGGGATCCAGGTTTA	100555
Query	480343	GATAAGGAAACAACCAATTCCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAACTAGTCGCTAGAACT	480402
Sbjct	100554	GATAAGGAAACAACCAATTCCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAACTAGTCGCTAGAACT	100495
Query	480403	GAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCA	480462
Sbjct	100494	GAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCA	100435
Query	480463	GAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAAACATGACAGAGTGT	480522
Sbjct	100434	GAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAAACATGACAGAGTGT	100375
Query	480523	ACTACCCAACAGTTCCTTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGG	480582
Sbjct	100374	ACTACCCAACAGTTCCTTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGG	100315
Query	480583	AGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAAGGGATAGGTGTGACATGAGATTTTTG	480642
Sbjct	100314	AGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAAGGGATAGGTGTGACATGAGATTTTTG	100255
Query	480643	ACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGT	480702
Sbjct	100254	ACTTACCTTAATTTAGATAAATCATTTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGT	100195
Query	480703	TTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTCATATCTTCT	480762
Sbjct	100194	TTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTCATATCTTCT	100135
Query	480763	GAAACCTTTTGGGGCAAACGTTAGAGATTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAACTTAAATA	480822
Sbjct	100134	GAAACCTTTTGGGGCAAACGTTAGAGATTTCAGAAGATTCTGTCTCATAAACTTAAATA	100075
Query	480823	TATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAATATCTGAA	480882
Sbjct	100074	TATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTAATATCTGAA	100015
Query	480883	TAGAGCATACCATAATTTAAAGGCAGTAGCAAAATCCTATCAGACAGGATAAGAATGAA	480942
Sbjct	100014	TAGAGCATACCATAATTTAAAGGCAGTAGCAAAATCCTATCAGACAGGATAAGAATGAA	99955
Query	480943	AGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTG	481002
Sbjct	99954	AGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTG	99895
Query	481003	CTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGTAATGGCTAGTCTGTG	481062
Sbjct	99894	CTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGTAATGGCTAGTCTGTG	99835
Query	481063	GAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGCACATAGTTG	481122
Sbjct	99834	GAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGCACATAGTTG	99775
Query	481123	AGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCAC	481182
Sbjct	99774	AGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCAC	99715
Query	481183	CTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGCCCCTGACCAGTGTTCAGGCC	481242
Sbjct	99714	CTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGCCCCTGACCAGTGTTCAGGCC	99655
Query	481243	CAGCCCTGGTTGGGGTGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCATCCCAGCA	481302
Sbjct	99654	CAGCCCTGGTTGGGGTGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCCATCCCAGCA	99595
Query	481303	ATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAG	481362
Sbjct	99594	ATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAG	99535
Query	481363	CTGGAAttttttttCTTTTGAGCCTGCTGTGGGcagagagcaggagcagagtcccaaacac	481422
Sbjct	99534	CTGGATTTTTTTTCTTTTGAGCCTGCTGTGGGCAGAGAGCAGGAGCAGAGTCCCAAACAC	99475
Query	481423	acatacacacgcaggacacacagacagagacagagagaggggagagagagacagagagggga	481482
Sbjct	99474	ACATACACACGCAGGACACACAGACAGAGACAGAGAGAGGGAGAGAGACAGAGAGGGA	99415
Query	481483	gacagaaagagagaggtcatggagagagacagagagactgagagtcagagagagagagaca	481542
Sbjct	99414	GACAGAAAGAGAGAGTCATGGAGAGAGACAGAGAGACTGAGAGTCAGAGAGAGAGAGACA	99355
Query	481543	cagagagagagagagagagacagagagagagtcagaggggagacagagacaaagatagaga	481602

Sbjct	99354	 CAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGAGAGAGAGTCTAGAGGGAGACAGAGACAAAGATAGAGA	99295
Query	481603	 gatatagagagagtcagagaggagagacagaaggacagagagggcagacagagagagaaagag	481662
Sbjct	99294	 GATAGAGAGAGTCTAGAGAGGAGAGACAGAAGGACAGAGAGGCAGACAGAGAGAGAAAGAG	99235
Query	481663	 agacacagagatatagacagcgagagaaacagagaaagacagaaagacagagggcagagtgaca	481722
Sbjct	99234	 AGACAGAGAGATAGACAGCGGAGAAACAGAGAAAGACAGAAAGACAGAGGCAGAGTGACA	99175
Query	481723	 gagagagacagacagagagtcagagagactgaggagaaagagaaagacagagagagacag	481782
Sbjct	99174	 GAGAGAGACAGACAGAGAGTCTAGAGAGACTGAGGAGAAAGAGAAAGACAGAGAGAGACAG	99115
Query	481783	 agagacagacacagagagacagacagagacagacagagagacagacaaacagagagacag	481842
Sbjct	99114	 AGAGACAGACACAGAGAGACAGACAGAGACAGACAGAGAGACAGACAAACAGAGAGACAG	99055
Query	481843	 agagaaatagagagatatagagagatatagagacagagaaagagagagcgagaaagagaaatag	481902
Sbjct	99054	 AGAGAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGACAGAGAAAGAGAGAGCGAGAAAGAGAAATAG	98995
Query	481903	 agaaagcaacatagagacagagagaaatccgtgagagacagagaaacgagagagacacagac	481962
Sbjct	98994	 AGAAAGCAACATAGAGACAGAGAGAATCCGTGAGAGACAGAGAACGAGAGAGACACAGAC	98935
Query	481963	 agagagagaaatagagacagacagagagacagagaaatagagagtcaaagaaagacagaga	482022
Sbjct	98934	 AGAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGAAATAGAGAGTCAAAGAAAGACAGAGA	98875
Query	482023	 gggagagacagaggggagacagagagagaaagagagagatacagagagagacagaaagaca	482082
Sbjct	98874	 GGGAGAGACAGAGGGAGACAGAGAGAGAAAGAGAGAGATACAGAGAGAGACAGAAAGACA	98815
Query	482083	 gagaaagagaaaagacagggagacagagaccatgagagacagagacagagagagacatagt	482142
Sbjct	98814	 GAGAAAGAGAAAGACAGGGAGACAGAGACCATGAGAGACAGAGACAGAGAGACATAGT	98755
Query	482143	 cagagagacagacagacacagagggcagagagacagacagatacagacagagagacagaga	482202
Sbjct	98754	 CAGAGAGACAGACAGACACAGAGGCAGAGAGACAGACAGATACAGACAGAGAGACAGAGA	98695
Query	482203	 gagaaatagagagatatagagagatatagagagagtcagagaggagagacagagggacagagag	482262
Sbjct	98694	 GAGAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCTAGAGAGGAGAGACAGAGGGACAGAGAG	98635
Query	482263	 gcagacagagagagagaaagagagacagagagatatagacagaggagaaaacagagaaagacaga	482322
Sbjct	98634	 GCAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGACAGAGAGATAGACAGAGGAGAAAACAGAGAAAGACAGA	98575
Query	482323	 aagacagaggcagagtgacagagatatagatagacagagagtcagagagactgaggagaaaag	482382
Sbjct	98574	 AAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGATAGATAGACAGAGAGTCTAGAGAGACTGAGGAGAAAAG	98515
Query	482383	 agaaagacagagagagacagagagacagagggcagagagacagacagagacagacagagagag	482442
Sbjct	98514	 AGAAAGACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGGCAGAGAGACAGACAGAGACAGACAGAGAG	98455
Query	482443	 acagacaaaacggagagacagagagagaaatagagatatagagaaatagagacagagagaaaag	482502
Sbjct	98454	 ACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAGAAATAGAGATAGAGAAATAGAGACAGAGAGAAAAG	98395
Query	482503	 agagagagaaaagagaaatagagaaaagcaagagacagagaaaagtcctatgagagacagagac	482562
Sbjct	98394	 AGAGAGAGAAAAGAGAAATAGAGAAAAGCAAGAGACAGAGAAAGTCCATGAGAGACAGAGAC	98335
Query	482563	 cgagagagacacggagagagagaaatagagacagacagagagacagagaaatagagagaca	482622
Sbjct	98334	 CGAGAGAGACACGGAGAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGAAATAGAGAGACA	98275
Query	482623	 aagaaagacagagagagagacagaggggagacagagagagagaaaagagagagatacagaga	482682
Sbjct	98274	 AAGAAAGACAGAGAGAGAGACAGAGGGGAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGATACAGAGA	98215
Query	482683	 gagacagagtaacagagaaaagagaaaagacagggagacagagaaaagcaagagagagccaga	482742
Sbjct	98214	 GAGACAGAGTAAACAGAGAAAGAGAAAGACAGGGAGACAGAGAAAGCAAGAGAGAGCCAGA	98155
Query	482743	 aacagagagaaatagagacagagacatatagagagacagacagatggagacacacagagagaa	482802
Sbjct	98154	 AACAGAGAGAATAGAGACAGAGACATAGAGAGACAGACAGATGGAGACACACAGAGAGAA	98095
Query	482803	 agagagagacagaaggagaaaagagagagacagagagacacagagaaaagacagagagaaaag	482862
Sbjct	98094	 AGAGAGAGACAGAAGGAGAAAGAGAGAGACAGAGAGACACAGAGAAAAGACAGAGAGAAAAG	98035
Query	482863	 agagagacagagaaaagagaaatagagaaaacaagagacagagagagaccatgagagacag	482922
Sbjct	98034	 AGAGAGACAGAGAAAAGAGAAATAGAGAAAACAAGAGACAGAGAGAGACCATGAGAGACAG	97975

Query	482923	aggcagagagagacagaggcagagagaaatagagagacagagagagaaatacagagacaga	482982
Sbjct	97974	AGGCAGAGAGAGACAGAGGCAGAGAGAAATAGAGAGACAGAGAGAGAAATACAGAGACAGA	97915
Query	482983	gaaatagagagacagagagacacacacagagagagaaggagagacagaaggagaaagaga	483042
Sbjct	97914	GAAATAGAGAGACAGAGAGACACACACAGAGAGAGAAGGAGAGACAGAAGGAGAAAGAGA	97855
Query	483043	gacagagagacagagaaaagagagacagagagaatagagttagacagagacatagacagac	483102
Sbjct	97854	GACAGAGAGACAGAGAAAGAGAGACAGAGAGAATAGAGTCAGACAGAGACATAGACAGAC	97795
Query	483103	agatggagacacagaggggaaagagagcgcagacagaaggagagagacagagagacagagaa	483162
Sbjct	97794	AGATGGAGACACAGAGGGAAAGAGAGCGAGACAGAAGGAGAGAGACAGAGAGACAGAGAA	97735
Query	483163	atagagagacagagaaaagcaagagagatagagacagagagaaacagagaaaagacagagaca	483222
Sbjct	97734	ATAGAGAGACAGAGAAAGCAAGAGAGATAGAGACAGAGAGAACAGAGAAAGACAGAGACA	97675
Query	483223	tagacagacagatggagacacgggaaagagaaaagagagcaagacagaaggagaaaagagaga	483282
Sbjct	97674	TAGACAGACAGATGGAGACACGGAAAGAGAAAGAGAGCAAGACAGAAGGAGAAAGAGAGA	97615
Query	483283	gagagagataggggagagagagacagagagCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGGGAAG	483342
Sbjct	97614	GAGAGAGATAGGGAGAGAGAGACAGAGAGCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGGGAAG	97555
Query	483343	ATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAAGGGG	483402
Sbjct	97554	ATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAAGGGG	97495
Query	483403	CTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAAGTCA	483462
Sbjct	97494	CTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAAGTCA	97435
Query	483463	GCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAGAGTA	483522
Sbjct	97434	GCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAGAGTA	97375
Query	483523	GAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGaagagtaggggagagggggaatg	483582
Sbjct	97374	GAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAAAGAGTAGGGGAGAGGGGAATG	97315
Query	483583	tggagagacggacaaaaggggggaagagagtaagagcaagagagCAACAGAATGAGGAGGGG	483642
Sbjct	97314	TGGAGAGACGGACAAAGGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAACAGAATGAGGAGGGG	97255
Query	483643	GCCATCAGCCCCCTTTTATAGTGTGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtggggggggg	483702
Sbjct	97254	GCCATCAGCCCCCTTTTATAGTGTGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtggggggggg	97195
Query	483703	TGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGAATGA	483762
Sbjct	97194	TGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGAATGA	97135
Query	483763	ATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACAGGGTGAAG	483822
Sbjct	97134	ATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACAGGGTGAAG	97075
Query	483823	GTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTCCACGTGGCAA	483882
Sbjct	97074	GTTTAGTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTCCACGTGGCAA	97015
Query	483883	TACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCTGCTC	483942
Sbjct	97014	TACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCTGCTC	96955
Query	483943	CCCACCCCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTTCCTCTTTC	484002
Sbjct	96954	CCCACCCCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTTCCTCTTTC	96895
Query	484003	TGCTCCCAAGGATTTCTGTCCCTTCTATGTTTCCTCATCATGCCCTCTCTGCCACTACC	484062
Sbjct	96894	TGCTCCCAAGGATTTCTGTCCCTTCTATGTTTCCTCATCATGCCCTCTCTGCCACTACC	96835
Query	484063	CTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCTGACCTCCCCGACCCCACTTGG	484122
Sbjct	96834	CTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCTGACCTCCCCGACCCCACTTGG	96775
Query	484123	AGTCCACCTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTTACCTCT	484182
Sbjct	96774	AGTCCACCTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTTACCTCT	96715
Query	484183	CCAGGCTATGGAACCCAGGTAGTATCTCCCCCAGATGTTTCAGGGGAATATGTGTTTCATG	484242
Sbjct	96714	CCAGGCTATGGAACCCAGGTAGTATCTCCCCCAGATGTTTCAGGGGAATATGTGTTTCATG	96655
Query	484243	ACACATGTGCCATTTGTCAGGAACTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTTAGATAGAACATG	484302

Sbjct	96654	ATGTGCCATTTGCAGGAAGTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTTAGATAGAACATG	96595
Query	484303	AGCTCTCACAGGTCTTCTAGATTCAATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTCAAGTCAA	484362
Sbjct	96594	AGCTCTCACAGGTCTTCTAGATTCAATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTCAAGTCAA	96535
Query	484363	CCCAGGTGTCAAGTCTAGCTGCACACTACAAACAGAGGAAAGAGAGAGGGTTCTTGGGA	484422
Sbjct	96534	CCCAGGTGTCAAGTCTAGCTGCACACTACAAACAGAGGAAAGAGAGAGGGTTCTTGGGA	96475
Query	484423	GCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCTGATATA	484482
Sbjct	96474	GCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCTGATATA	96415
Query	484483	GGTGCAGCCTTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTAAAGAACAG	484542
Sbjct	96414	GGTGCAGCCTTTTCCTTGGACTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTAAAGAACAG	96355
Query	484543	GTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCACAAATT	484602
Sbjct	96354	GTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCACAAATT	96295
Query	484603	TATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATATCTAGAGT	484662
Sbjct	96294	TATGTAAGGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATATCTAGAGT	96235
Query	484663	TTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACAGTCAGC	484722
Sbjct	96234	TTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACAGTCAGC	96175
Query	484723	TGTGAACATGGCTTTTGTTAAACAACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTCAGACAC	484782
Sbjct	96174	TGTGAACATGGCTTTTGTTAAACAACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTCAGACAC	96115
Query	484783	TGAATAGCTTTTGTCCTTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACTGGGAGA	484842
Sbjct	96114	TGAATAGCTTTTGTCCTTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACTGGGAGA	96055
Query	484843	GAGGCTTCAAGGGACAACCTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATTCAGGACTGCAGGCT	484902
Sbjct	96054	GAGGCTTCAAGGGACAACCTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATTCAGGACTGCAGGCT	95995
Query	484903	GTTAGTGCCACTAAATATTAAACCGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCACATGAGGG	484962
Sbjct	95994	GTTAGTGCCACTAAATATTAAACCGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCACATGAGGG	95935
Query	484963	TTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGACTTCTTTT	485022
Sbjct	95934	TTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGACTTCTTTT	95875
Query	485023	GTTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCAGCAAAGG	485082
Sbjct	95874	GTTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCAGCAAAGG	95815
Query	485083	GGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGCCTTTAGT	485142
Sbjct	95814	GGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGCCTTTAGT	95755
Query	485143	TTAACTGGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCTGCATTGG	485202
Sbjct	95754	TTAACTGGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCTGCATTGG	95695
Query	485203	TGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTAACTGGG	485262
Sbjct	95694	TGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTAACTGGG	95635
Query	485263	GCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTGGGGGTGTAACTGG	485322
Sbjct	95634	GCTGCAGATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTGGGGGTGTAACTGG	95575
Query	485323	AGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTGTGGGGG	485382
Sbjct	95574	AGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTGTGGGGG	95515
Query	485383	gtgggggctggggCGTAACTTGGAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAACCTAGG	485442
Sbjct	95514	GTGGGGGCTGGGGCGTAACTTGGAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAACCTAGG	95455
Query	485443	GCAGGTTCTCTAAAATGGAGTCTGGATTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATCACCTTG	485502
Sbjct	95454	GCAGGTTCTCTAAAATGGAGTCTGGATTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATCACCTTG	95395
Query	485503	GAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCAGCTGTGGGCCACCCCAAATAACTGTG	485562
Sbjct	95394	GAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCAGCTGTGGGCCACCCCAAATAACTGTG	95335
Query	485563	GTCCTGTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCCAGGAGGCCGCATGAGACTC	485622
Sbjct	95334	GTCCTGTGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCCAGGAGGCCGCATGAGACTC	95275

Query	485623	CTACAGGAACCTGAGACAACTTGGCTGCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCAGCTTTG	485682
Sbjct	95274	CTACAGGAACCTGAGACAACTTGGCTGCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCAGCTTTG	95215
Query	485683	TCATCTTGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATGCTGTTG	485742
Sbjct	95214	TCATCTTGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATGCTGTTG	95155
Query	485743	GACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCCTAAAGCAAGTACAG	485802
Sbjct	95154	GACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCCTAAAGCAAGTACAG	95095
Query	485803	GAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCTAGCCAA	485862
Sbjct	95094	GAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCTAGCCAA	95035
Query	485863	AGCCTTATGAGGTCGTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAGAGGAATGT	485922
Sbjct	95034	AGCCTTATGAGGTCGTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAGAGGAATGT	94975
Query	485923	AGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCTAGAGAG	485982
Sbjct	94974	AGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCTAGAGAG	94915
Query	485983	TCACAAACCATTTCACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGTGCTCAC	486042
Sbjct	94914	TCACAAACCATTTCACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGTGCTCAC	94855
Query	486043	CCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGCTGGACCCGGT	486102
Sbjct	94854	CCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGCTGGACCCGGT	94795
Query	486103	GGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCCTTCTAGTCAAAGA	486162
Sbjct	94794	GGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCCTTCTAGTCAAAGA	94735
Query	486163	TGCTGGCAACGTAACCATGGGTGAGGGACTTGTTTACTACTATCTCCCTCCCCCATGCTA	486222
Sbjct	94734	TGCTGGCAACGTAACCATGGGTGAGGGACTTGTTTACTACTATCTCCCTCCCCCATGCTA	94675
Query	486223	CTGAGGGGACCTCAAGAAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTGCAACCCAGTTGGTGCACTT	486282
Sbjct	94674	CTGAGGGGACCTCAAGAAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTGCAACCCAGTTGGTGCACTT	94615
Query	486283	TCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTAAACCCA	486342
Sbjct	94614	TCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTAAACCCA	94555
Query	486343	GCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGTATAGTTCT	486402
Sbjct	94554	GCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGTATAGTTCT	94495
Query	486403	GGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGGAGCAGC	486462
Sbjct	94494	GGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGGAGCAGC	94435
Query	486463	TTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGGACTTGACCTGTTATTT	486522
Sbjct	94434	TTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGGACTTGACCTGTTATTT	94375
Query	486523	GGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACCTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAAGGCTCTTACCC	486582
Sbjct	94374	GGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACCTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAAGGCTCTTACCC	94315
Query	486583	AGGCCTTAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACACTGACAGCAGATAGGACT	486642
Sbjct	94314	AGGCCTTAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACACTGACAGCAGATAGGACT	94255
Query	486643	AATAACTGCCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGCTTTATTCAAAC	486702
Sbjct	94254	AATAACTGCCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGCTTTATTCAAAC	94195
Query	486703	ACTCTCAAAATGGCTATAGTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGACATCAGAAAT	486762
Sbjct	94194	ACTCTCAAAATGGCTATAGTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGACATCAGAAAT	94135
Query	486763	TGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGCCAACTC	486822
Sbjct	94134	TGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGCCAACTC	94075
Query	486823	CTGATAGCTTTGCTGCCAGTGCCTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAAGACAAA	486882
Sbjct	94074	CTGATAGCTTTGCTGCCAGTGCCTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAAGACAAA	94015
Query	486883	CGACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTCAGAAGAGACTGACAGTTGCTGACCTCTGAA	486942
Sbjct	94014	CGACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTCAGAAGAGACTGACAGTTGCTGACCTCTGAA	93955
Query	486943	GGCTGCACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCATTAACT	487002

Sbjct	93954	GGCTGCACCATCTACCTAAGAAGTTTGTCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCATTAAACT	93895
Query	487003	TCACTGTTGGTCACTGCAAACGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAATATTTG	487062
Sbjct	93894	TCACTGTTGGTCACTGCAAACGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAATATTTG	93835
Query	487063	ACTTACGACAAGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTGTGAACT	487122
Sbjct	93834	ACTTACGACAAGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTGTGAACT	93775
Query	487123	CCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAAATAGAC	487182
Sbjct	93774	CCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAAATAGAC	93715
Query	487183	TACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGATACCTT	487242
Sbjct	93714	TACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGATACCTT	93655
Query	487243	TTCAGGATGGGTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCCAAAATAGTGGGaaaaaa	487302
Sbjct	93654	TTCAGGATGGGTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCCAAAATAGTGGGAAAAAA	93595
Query	487303	aGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTGACAATG	487362
Sbjct	93594	AGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTGACAATG	93535
Query	487363	AACCAGCATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGTAGAGATTCTGGGGAACC	487422
Sbjct	93534	AACCAGCATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGTAGAGATTCTGGGGAACC	93475
Query	487423	AATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTTAGGGCAAGTAGAAGGGATGAAT	487482
Sbjct	93474	AATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTTAGGGCAAGTAGAAGGGATGAAT	93415
Query	487483	CGGACCTTGAAGGCGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGGGAATCT	487542
Sbjct	93414	CGGACCTTGAAGGCGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGGGAATCT	93355
Query	487543	CTCCTACTTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTCTCTGCT	487602
Sbjct	93354	CTCCTACTTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTCTCTGCT	93295
Query	487603	TTTTGAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGTATCTTA	487662
Sbjct	93294	TTTTGAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGTATCTTA	93235
Query	487663	GCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATCTACACG	487722
Sbjct	93234	GCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATCTACACG	93175
Query	487723	CAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTCCGTAGCCCCATTAC	487782
Sbjct	93174	CAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTCCGTAGCCCCATTAC	93115
Query	487783	TTTGAACCATGTGACAAATCTGGTTTTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAACCTTGCT	487842
Sbjct	93114	TTTGAACCATGTGACAAATCTGGTTTTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAACCTTGCT	93055
Query	487843	GGAAAGGGCCTTACACCTTGTTTCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACAGGATCA	487902
Sbjct	93054	GGAAAGGGCCTTACACCTTGTTTCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACAGGATCA	92995
Query	487903	GAATGTGGATACATCACTCTCGTGTTAACCCCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAGTCAAGG	487962
Sbjct	92994	GAATGTGGATACATCACTCTCGTGTTAACCCCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAGTCAAGG	92935
Query	487963	TCCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGTTG	488022
Sbjct	92934	TCCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGTTG	92875
Query	488023	ATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGTTTGCTGCCTACATTTTGC	488082
Sbjct	92874	ATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGTTTGCTGCCTACATTTTGC	92815
Query	488083	TGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACCTT	488142
Sbjct	92814	TGCACCAGCCACTAGCCCCATTACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACCTT	92755
Query	488143	GTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACCTCTC	488202
Sbjct	92754	GTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACCTCTC	92695
Query	488203	TCTCCCTGGACTTAACAAAGAACCGTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAAGAA	488262
Sbjct	92694	TCTCCCTGGACTTAACAAAGAACCGTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAAGAA	92635
Query	488263	GATATCCCCAACTGATTCCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTTAC	488322
Sbjct	92634	GATATCCCCAACTGATTCCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTTAC	92575

Query	488323	TACATACATTTATGGCCTGGCTATAAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTAGTACACCA	488382
Sbjct	92574	TACATACATTTATGGCCTGGCTATAAAATATGACTGAGGATTTTATGTTCTAGTACACCA	92515
Query	488383	TGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGGAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCACCTCCACA	488442
Sbjct	92514	TGTACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGGAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCACCTCCACA	92455
Query	488443	CAATCAGGTCAC TTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGCTGGA	488502
Sbjct	92454	CAATCAGGTCAC TTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGCTGGA	92395
Query	488503	GCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTACAG	488562
Sbjct	92394	GCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTACAG	92335
Query	488563	ATAGAGATAGATACAGGAAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTCTG	488622
Sbjct	92334	ATAGAGATAGATACAGGAAAAATAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTCTG	92275
Query	488623	AGAGAACAGAAGAGGCCTAGACTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCCTT	488682
Sbjct	92274	AGAGAACAGAAGAGGCCTAGACTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCCTT	92215
Query	488683	AGATGACGAATGATGTTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCAGA	488742
Sbjct	92214	AGATGACGAATGATGTTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCAGA	92155
Query	488743	TTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTTTG	488802
Sbjct	92154	TTCTACTGATGTTAGCTTTGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTTTG	92095
Query	488803	TTTCAGAACAGTTTTATTAAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAC TGAGGGTGAA	488862
Sbjct	92094	TTTCAGAACAGTTTTATTAAAAATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAC TGAGGGTGAA	92035
Query	488863	ATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGACT	488922
Sbjct	92034	ATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGACT	91975
Query	488923	AAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGTAAGG	488982
Sbjct	91974	AAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGTAAGG	91915
Query	488983	ACAATGGCTCAGCAGCAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCTTTA	489042
Sbjct	91914	ACAATGGCTCAGCAGCAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCTTTA	91855
Query	489043	AGAGATAGAACAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGGAATCCC	489102
Sbjct	91854	AGAGATAGAACAAGGGTTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGGAATCCC	91795
Query	489103	AAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCCAGCCCCGaaaaaaaaaaaaaagaacccccccccaaaaa	489162
Sbjct	91794	AAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCCAGCCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAAA	91735
Query	489163	aGAGAGATATAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAGGC	489222
Sbjct	91734	AGAGAGATATAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAGGC	91675
Query	489223	TCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGGTAGAGCAGGATAAGGTCACCTACCTGGGAAT	489282
Sbjct	91674	TCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGGTAGAGCAGGATAAGGTCACCTACCTGGGAAT	91615
Query	489283	TCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATGGG	489342
Sbjct	91614	TCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATGGG	91555
Query	489343	AGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTTACATGCTACTTG	489402
Sbjct	91554	AGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTTACATGCTACTTG	91495
Query	489403	AATCTGGATATCATTCTTCTTGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGGTA	489462
Sbjct	91494	AATCTGGATATCATTCTTCTTGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGGTA	91435
Query	489463	CATGTACATACACATATGGGGAAC TTACAGCTATTTTTAACCTGGCCTCTTGTAATG	489522
Sbjct	91434	CATGTACATACACATATGGGGAAC TTACAGCTATTTTTAACCTGGCCTCTTGTAATG	91375
Query	489523	CTCTTGACAGCTGATGTAGAAAGGTCA GTGTTTTAGATTCAAGTGCATGAGATTCTTCCT	489582
Sbjct	91374	CTCTTGACAGCTGATGTAGAAAGGTCA GTGTTTTAGATTCAAGTGCATGAGATTCTTCCT	91315
Query	489583	TACCCTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGATTACGGAT	489642
Sbjct	91314	TACCCTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGATTACGGAT	91255
Query	489643	GGGTC CATGATCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGACTC	489702



Sbjct	91254	GGGTCCCATGATTCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGACTC	91195
Query	489703	CGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAATGAATAGTG	489762
Sbjct	91194	CGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAATGAATAGTG	91135
Query	489763	TTTACATCTATTTCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGAGC	489822
Sbjct	91134	TTTACATCTATTTCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGAGC	91075
Query	489823	CTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTGAAGGCCAG	489882
Sbjct	91074	CTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTGAAGGCCAG	91015
Query	489883	CAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATGCT	489942
Sbjct	91014	CAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATGCT	90955
Query	489943	ATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGACTTACGGCT	490002
Sbjct	90954	ATGGTATCTATGTCACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGACTTACGGCT	90895
Query	490003	CCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGACTAAAGAGC	490062
Sbjct	90894	CCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGACTAAAGAGC	90835
Query	490063	CCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAAGATCCCAAC	490122
Sbjct	90834	CCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAAGATCCCAAC	90775
Query	490123	AAATTACTGTTAAGGGCATTTGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGCTTC	490182
Sbjct	90774	AAATTACTGTTAAGGGCATTTGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGCTTC	90715
Query	490183	CTCCTGCAGCGGATGGGaaaaaaaaTACAGAATggggggggggggTAGAAAGAGGGCGTGG	490242
Sbjct	90714	CTCCTGCAGCGGATGGGAAAAAAAAATACAGAATGGGGGGGGGGGTAGAAAGAGGGCGTGG	90655
Query	490243	GGAGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCTGT	490302
Sbjct	90654	GGAGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCTGT	90595
Query	490303	CAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAAGTGGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATG	490362
Sbjct	90594	CAGGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAAGTGGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATG	90535
Query	490363	GAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTGAAGCTCATATGAACTCA	490422
Sbjct	90534	GAGGACAGAAAGAAAAGACAAGTCTCTCTAAATTAAGTGAAGCTCATATGAACTCA	90475
Query	490423	CAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCCTCTGTGTGTA	490482
Sbjct	90474	CAGAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCCTCTGTGTGTA	90415
Query	490483	TATTATGGGTTTCAGTTTAGTGTTTGTATGGTATTTGTGAGTGGGTCTCTGATTCTTGTA	490542
Sbjct	90414	TATTATGGGTTTCAGTTTAGTGTTTGTATGGTATTTGTGAGTGGGTCTCTGATTCTTGTA	90355
Query	490543	CCTACTtttttgtttcttttctttctgttattgttttttttagtatgttttattttgttt	490602
Sbjct	90354	CCTACTTTTTGTTTCTTTTCTTCTGTATTGTTTTTTTTTAGTATGTTTTATTTTGTTA	90295
Query	490603	taattttattattaaacattaaaagcctgtttttttaCAATAAGAGATAGAAAGGAAGGGGA	490662
Sbjct	90294	TAAATTTATTATTAAACATTAAAAGCCTGTTTTTTACAATAAGAGATAGAAAGGAAGGGGA	90235
Query	490663	TCAAAAAGGGGCAGAATTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGGAGATACCA	490722
Sbjct	90234	TCAAAAAGGGGCAGAATTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGGAGATACCA	90175
Query	490723	TAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAATAAATACCA	490782
Sbjct	90174	TAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGGAATAAATACCA	90115
Query	490783	CAACCAATCAAAGAAGAACAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAATCAAATG	490842
Sbjct	90114	CAACCAATCAAAGAAGAACAACCAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAATCAAATG	90055
Query	490843	TCGCCTGCTTCTGCCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTGAGTGGGAGA	490902
Sbjct	90054	TCGCCTGCTTCTGCCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTGAGTGGGAGA	89995
Query	490903	GTTCTTTTCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTCTGACATTGTGATGTGGTGGCTT	490962
Sbjct	89994	GTTCTTTTCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTCTGACATTGTGATGTGGTGGCTT	89935
Query	490963	GAGGTGGGATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAATCTAGTCCC	491022
Sbjct	89934	GAGGTGGGATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAATCTAGTCCC	89875

Query	491023	ATGTCAGCTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCTAAGTATTCTT	491082
Sbjct	89874	ATGTCAGCTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCTAAGTATTCTT	89815
Query	491083	GACTTCGGGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGACTAGGTACC	491142
Sbjct	89814	GACTTCGGGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGACTAGGTACC	89755
Query	491143	AAATTCTGGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGGTAGAGGGTTAGGCACAGTAGGGCGGA	491202
Sbjct	89754	AAATTCTGGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGGTAGAGGGTTAGGCACAGTAGGGCGGA	89695
Query	491203	TGTCAGCCACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCCTGCATTAGTAGTAAGTATTAGTGC	491262
Sbjct	89694	TGTCAGCCACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCCTGCATTAGTAGTAAGTATTAGTGC	89635
Query	491263	CTGGCTGCTTAACTTGCAGGAGGGATATGTTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAA	491322
Sbjct	89634	CTGGCTGCTTAACTTGCAGGAGGGATATGTTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAA	89575
Query	491323	GCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTAAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAG	491382
Sbjct	89574	GCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTAAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAG	89515
Query	491383	AAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGAACAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTA	491442
Sbjct	89514	AAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGAACAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTA	89455
Query	491443	GGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAA	491502
Sbjct	89454	GGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAA	89395
Query	491503	ACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTCTTGATTTTTCACTGTTATTCTACACACTTT	491562
Sbjct	89394	ACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTCTTGATTTTTCACTGTTATTCTACACACTTT	89335
Query	491563	CCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCTCC	491622
Sbjct	89334	CCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCTCC	89275
Query	491623	CAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGCCCTGCGTGGGATACAAGTCTTGACCCCAGTGC	491682
Sbjct	89274	CAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGCCCTGCGTGGGATACAAGTCTTGACCCCAGTGC	89215
Query	491683	ACTGGTTGCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTT	491742
Sbjct	89214	ACTGGTTGCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTT	89155
Query	491743	ATGGGGTCGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCATCACTCCGGGGGTCTTTTGCT	491802
Sbjct	89154	ATGGGGTCGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCATCACTCCGGGGGTCTTTTGCT	89095
Query	491803	ACTGACAAGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGATGTTTAAT	491862
Sbjct	89094	ACTGACAAGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGATGTTTAAT	89035
Query	491863	GGGGTAGATTAGTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGAGTTCAAGTCcaagaacacaa	491922
Sbjct	89034	GGGGTAGATTAGTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGAGTTCAAGTCCAAGAACACAA	88975
Query	491923	aatgagataactaacaccaacaacacagagaaagacaacacacaaaacacTTTGGCCCTG	491982
Sbjct	88974	AATGAGATAACTAACACCAACAAACACAGAGAAAGACAACACACAAACACTTTGGCCCTG	88915
Query	491983	CTGTGAGTGTAGAAACCAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGATCCTACCAGTATGGAGTTT	492042
Sbjct	88914	CTGTGAGTGTAGAAACCAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGATCCTACCAGTATGGAGTTT	88855
Query	492043	AGCAAGTTTCAATAGTGCAGAGTCTCTCTGACTCCCTCCAGGGGCCTGAAGTGTCTCCA	492102
Sbjct	88854	AGCAAGTTTCAATAGTGCAGAGTCTCTCTGACTCCCTCCAGGGGCCTGAAGTGTCTCCA	88795
Query	492103	GAATCCCCAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCACACCAGGG	492162
Sbjct	88794	GAATCCCCAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCACACCAGGG	88735
Query	492163	TAGAGGCTTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAGTGAAAGCAAAAGACCAGAGA	492222
Sbjct	88734	TAGAGGCTTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAGTGAAAGCAAAAGACCAGAGA	88675
Query	492223	CAAACAGCAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTTTTGCCTTTTGCCTCTGATAGGTCTCCAGG	492282
Sbjct	88674	CAAACAGCAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTTTTGCCTTTTGCCTCTGATAGGTCTCCAGG	88615
Query	492283	GATGGGGGCAGGGGTGTCTACCCAAATTCAGGACGACCCTCCCACCCCACAACCCTCTTT	492342
Sbjct	88614	GATGGGGGCAGGGGTGTCTACCCAAATTCAGGACGACCCTCCCACCCCACAACCCTCTTT	88555
Query	492343	CAGTGGTACTTACTTTCAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCAATGGAAAA	492402

Sbjct	88554	GGTACTTACTTCGAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCAATGGAAAA	88495
Query	492403	GCAAGAGGTTTATTTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCAAGGTGAGT	492462
Sbjct	88494	GCAAGAGGTTTATTTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCAAGGTGAGT	88435
Query	492463	GACTAGAAAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTATGGGAACCT	492522
Sbjct	88434	GACTAGAAAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTATGGGAACCT	88375
Query	492523	GCAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTCCTAGGGCT	492582
Sbjct	88374	GCAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTCCTAGGGCT	88315
Query	492583	ATAAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAAACTAGCTGACCAT	492642
Sbjct	88314	ATAAAAATGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAAACTAGCTGACCAT	88255
Query	492643	AAATCTTAGAGAACAACTTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGAGCAGACCA	492702
Sbjct	88254	AAATCTTAGAGAACAACTTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGAGCAGACCA	88195
Query	492703	TGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAAACAATCTTGGGAGAC	492762
Sbjct	88194	TGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCCTACGAAACAATCTTGGGAGAC	88135
Query	492763	AGAGAGTTTTTCTTGTGATTTTTCTACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGACACCATCC	492822
Sbjct	88134	AGAGAGTTTTTCTTGTGATTTTTCTACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGACACCATCC	88075
Query	492823	CTGCCCCCTCAGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCAGCAAGGTTACTGCTTATCGG	492882
Sbjct	88074	CTGCCCCCTCAGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCAGCAAGGTTACTGCTTATCGG	88015
Query	492883	CTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGAATCAGTCAGTACAGTCTGAGAATTTTCTA	492942
Sbjct	88014	CTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGAATCAGTCAGTACAGTCTGAGAATTTTCTA	87955
Query	492943	CTCAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGCCTAGTCTTGCCCCGGAGACAGT	493002
Sbjct	87954	CTCAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGCCTAGTCTTGCCCCGGAGACAGT	87895
Query	493003	GGGTGTAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACAAGTAAGCATTTATTTGAAGATT	493062
Sbjct	87894	GGGTGTAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACAAGTAAGCATTTATTTGAAGATT	87835
Query	493063	AGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAATCACACAGCTGATCTGTTTTA	493122
Sbjct	87834	AGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAATCACACAGCTGATCTGTTTTA	87775
Query	493123	CTTTCAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGAGTCCTCTGGTGATCCCTGGATGGA	493182
Sbjct	87774	CTTTCAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGAGTCCTCTGGTGATCCCTGGATGGA	87715
Query	493183	GTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAGACTCCCAGGGGCACAAGGTATA	493242
Sbjct	87714	GTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAGACTCCCAGGGGCACAAGGTATA	87655
Query	493243	ATTTCTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGAGAAAGAGGGGGAATCTCATTTT	493302
Sbjct	87654	ATTTCTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGAGAAAGAGGGGGAATCTCATTTT	87595
Query	493303	GAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGGATGTACTTATCTAGAGTCATATGACATGTGGC	493362
Sbjct	87594	GAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGGATGTACTTATCTAGAGTCATATGACATGTGGC	87535
Query	493363	GGGTAGATCAAGGTCTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGAAGTTTATATGAAATTTAGCTCA	493422
Sbjct	87534	GGGTAGATCAAGGTTTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGAAGTTTATATGAAATTTAGCTCA	87475
Query	493423	CAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTAAAATTCATATTTaaaaaaGCAGTTAATAT	493482
Sbjct	87474	CAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTAAAATTCATATTTAAAAAAGCAGTTAATAT	87415
Query	493483	GTGTCGTATGACAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGAGTCTTAGCAAAAATGATAGCTT	493542
Sbjct	87414	GTGTCGTATGACAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGAGTCTTAGCAAAAATGATAGCTT	87355
Query	493543	TAGATTAAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTGTTTGTCCAGAGAGCTAGGTACAAAGG	493602
Sbjct	87354	TAGATTAAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTGTTTGTCCAGAGAGCTAGGTACAAAGG	87295
Query	493603	TTGGACAGAAATGTTTTAGCCTAATGAAAACCATTTGTAAGTCAGGAGACAACATAAGAA	493662
Sbjct	87294	TTGGACAGAAATGTTTTAGCCTAATGAAAACCATTTGTAAGTCAGGAGACAACATAAGAA	87235
Query	493663	AACTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAGTCTTTGTTCTttttttttttttt	493722
Sbjct	87234	AACTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAGTCTTTGTTCTTTTTTTTTTTTT	87175

Query	493723	tttttttttttttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGTGCTTCCTAGGTAAGC	493782
Sbjct	87174	TTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGTGCTTCCTAGGTAAGC	87115
Query	493783	GCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCCAGCCAGTAGTGGGCAGTCTTACTCCAGCAAATCTT	493842
Sbjct	87114	GCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCCAGCCAGTAGTGGGCAGTCTTACTCCAGCAAATCTT	87055
Query	493843	GCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGGGTCAAGAAATCTGAAATATTac	493902
Sbjct	87054	GCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGGGTCAAGAAATCTGAAATATTAC	86995
Query	493903	acacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCTTTAATAGT	493962
Sbjct	86994	ACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACCTTTAATAGT	86935
Query	493963	TTTTGAGACCCTCAGACTCAGAACTTATCTTCAAACCTCTACATATCTTAGAACAtttttt	494022
Sbjct	86934	TTTTGAGACCCTCAGACTCAGAACTTATCTTCAAACCTCTACATATCTTAGAACATTTTT	86875
Query	494023	ttATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGAGATTACTGATACTTTATTTCTCTGCTGG	494082
Sbjct	86874	TTATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGAGATTACTGATACTTTATTTCTCTGCTGG	86815
Query	494083	TGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTATATTTAAAGGAATAATTCTGGAAAGCTGC	494142
Sbjct	86814	TGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTATATTTAAAGGAATAATTCTGGAAAGCTGC	86755
Query	494143	TTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGAGGTCAGGGGAGTTGCCATGCTGAGTCAG	494202
Sbjct	86754	TTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGAGGTCAGGGGAGTTGCCATGCTGAGTCAG	86695
Query	494203	gagagagaagagaaaaagagaaaggggtgtgtggagagaaaaagagaaagaaagaggaagaa	494262
Sbjct	86694	GAGAGAGAAGAGAAAAAGAGAAAGGGTGTGTGGAGAGAAAAGAGAAAGAAAGAGGAAGAA	86635
Query	494263	gaaagttaaaggagaaaacaagaggagcaggaggagaaagagagagggagagagagagacaga	494322
Sbjct	86634	GAAAGTAAAGGAGAAAACAAGAGGAGCAGGAGAGAAAGAGAGAGGGAGAGAGAGAGACAGA	86575
Query	494323	gacagagagacacagagacagagagagacagagacagagagagacagagagagagaaacaga	494382
Sbjct	86574	GACAGAGAGACACAGAGACAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGACAGAGAGAGAAACAGA	86515
Query	494383	gagagagacagagacagagagacagagacagagagacagagacagagagagacagagaTTCG	494442
Sbjct	86514	GAGAGAGACAGAGACAGAGAGACAGACAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGACAGAGATTTCG	86455
Query	494443	TCCATAGTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCAGGCTCCTGTGGTCTCCATGGCATATCTC	494502
Sbjct	86454	TCCATAGTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCAGGCTCCTGTGGTCTCCATGGCATATCTC	86395
Query	494503	AGTTAAGCGATCCTTgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	494562
Sbjct	86394	AGTTAAGCGATCCTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG	86335
Query	494563	tgtgtgtgtTTGCAATCTGAACATATTCAACAATTTGGTCATTGATAAGGTGACTATGAA	494622
Sbjct	86334	TGTGTGTGTTTGTCAATCTGAACATATTCAACAATTTGGTCATTGATAAGGTGACTATGAA	86275
Query	494623	CATGCATTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTAACTTAATAGCTTTTGTAAAGACTAG	494682
Sbjct	86274	CATGCATTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTAACTTAATAGCTTTTGTAAAGACTAG	86215
Query	494683	GACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTTAACTAATATTTTAAATTGAAGCTA	494742
Sbjct	86214	GACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTTAACTAATATTTTAAATTGAAGCTA	86155
Query	494743	TAAGTTTTTAACTTATAAACATAATTCATAAAGAATCTGGGGAATTTTTTAATCTTTATG	494802
Sbjct	86154	TAAGTTTTTAACTTATAAACATAATTCATAAAGAATCTGGGGAATTTTTTAATCTTTATG	86095
Query	494803	TAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTTAGTGATAAAAACATAGCTATATCGTAG	494862
Sbjct	86094	TAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTTAGTGATAAAAACATAGCTATATCGTAG	86035
Query	494863	TAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTAAATCAATCTCTGTTAGCGTGAATA	494922
Sbjct	86034	TAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTAAATCAATCTCTGTTAGCGTGAATA	85975
Query	494923	GACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCTTTTAAATGATTTTTAATCAACCCTAAA	494982
Sbjct	85974	GACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCTTTTAAATGATTTTTAATCAACCCTAAA	85915
Query	494983	CCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAAtatttttagcttccttcttttattgtttttcagttt	495042
Sbjct	85914	CCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAATATTTTAGCTTCTTCTTTTATTGTTTTTCAGTTT	85855
Query	495043	taaaattagttatttttctttatttCACCCAAATGTTGCCTCCTCCCAGTCTCCCGTCCC	495102

Sbjct	85854	 TAAAAATTAGTTATTTTCTTTATTTACACCCAAATGTTGCCTCCTCCCAGTCTCCCGTCCC	85795
Query	495103	AGAGCTCTTCACCCCATTTCCCATCCTTTACCTCTGAGATGGTGCGCCCATCCCTGGGC	495162
Sbjct	85794	AGAGCTCTTCACCCCATTTCCCATCCTTTACCTCTGAGATGGTGCGCCCATCCCTGGGC	85735
Query	495163	ATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGATTAGCTGAGTCCTCTGCCACTGGGG	495222
Sbjct	85734	ATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGATTAGCTGAGTCCTCTGCCACTGGGG	85675
Query	495223	ACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCATGTACGCTCTTTGGTTGGTGA	495282
Sbjct	85674	ACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCATGTACGCTCTTTGGTTGGTGA	85615
Query	495283	GTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGTACTGTTGTTCTTCTCTGAGGTTG	495342
Sbjct	85614	GTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGTACTGTTGTTCTTCTCTGAGGTTG	85555
Query	495343	CCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACTTTCCACACTGCACCACCGACCTC	495402
Sbjct	85554	CCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACTTTCCACACTGCACCACCGACCTC	85495
Query	495403	AGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCTCAGTCAGCTGCTGGCAGAGCCTCT	495462
Sbjct	85494	AGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCTCAGTCAGCTGCTGGCAGAGCCTCT	85435
Query	495463	CAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCACAGCAGAGCATCAGTAACAGTGTC	495522
Sbjct	85434	CAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCACAGCAGAGCATCAGTAACAGTGTC	85375
Query	495523	AGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCACATTGGACCAGTCATGGGATCGCCT	495582
Sbjct	85374	AGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCACATTGGACCAGTCATGGGATCGCCT	85315
Query	495583	TTCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTTCTTTTACACAGGAACAATTGTGGG	495642
Sbjct	85314	TTCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTTCTTTTACACAGGAACAATTGTGGG	85255
Query	495643	TCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCTCCACTGGTGACCCTGTCTGACTAC	495702
Sbjct	85254	TCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCTCCACTGGTGACCCTGTCTGACTAC	85195
Query	495703	TAGAGGTGAGCACTTCCGGTCCCATCTCCTCACTGGTGGGCATTGGGGCCAAGGTCTCTC	495762
Sbjct	85194	TAGAGGTGAGCACTTCCGGTCCCATCTCCTCACTGGTGGGCATTGGGGCCAAGGTCTCTC	85135
Query	495763	ACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCACCTTCCATGATGGCATAACCCCT	495822
Sbjct	85134	ACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCACCTTCCATGATGGCATAACCCCT	85075
Query	495823	CTCCCCGAGTGCTCAACTCCCATCACCCACCCCTGAGAACAGCATGTTTCTATTCATTC	495882
Sbjct	85074	CTCCCCGAGTGCTCAACTCCCATCACCCACCCCTGAGAACAGCATGTTTCTATTCATTC	85015
Query	495883	TCCTGGCCCTCTGGGcttctctctctcctgtcttcccccaatgtctgatcctgttctccct	495942
Sbjct	85014	TCCTGGCCCTCTGGGCTTCTCTCTCCTGTCTTCCCCCAATGTCTGATCCTGTTCTCCCT	84955
Query	495943	tttcccttctccctccccctctgcccactcaggtccctccctccctctgacctcccATGATTA	496002
Sbjct	84954	TTTCCCTTCTCCCTCCCTCTGCCACTCAGGTCCCTCCCTCCCTCTGCCTCCCATGATTA	84895
Query	496003	TTTTGTTCCCCCTTGTAAGTGAGATTGAAGCACCTCACTTGGGAGTTCCTTCTTGTTTA	496062
Sbjct	84894	TTTTGTTCCCCCTTGTAAGTGAGATTGAAGCACCTCACTTGGGAGTTCCTTCTTGTTTA	84835
Query	496063	ACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTGTACATTTTGGCTGATATCCATTTT	496122
Sbjct	84834	ACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTGTACATTTTGGCTGATATCCATTTT	84775
Query	496123	TCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCTGGGTATTATGAATAAGGCTGCTGT	496182
Sbjct	84774	TCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCTGGGTATTATGAATAAGGCTGCTGT	84715
Query	496183	GAACATAATGGAGCATGTGTCCTTGTGGTATTGTGGAGCATCTTTTGGGCATATGCCAG	496242
Sbjct	84714	GAACATAATGGAGCATGTGTCCTTGTGGTATTGTGGAGCATCTTTTGGGCATATGCCAG	84655
Query	496243	GAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTCCAGTTTCTGGGGGAAC	496302
Sbjct	84654	GAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTCCAGTTTCTGGGGGAAC	84595
Query	496303	CTGATTTCCAGAGTGGTTGTTGCTGCTGAACATTTAAGTGATTGTCAGCCATTTGAGATT	496362
Sbjct	84594	CTGATTTCCAGAGTGGTTGTTGCTGCTGAACATTTAAGTGATTGTCAGCCATTTGAGATT	84535
Query	496363	CCTCTGTTTAGAATTCTCTGCTTAGCTCTGTACCCCAATTGTTAATCAAATTGTTGGTT	496422
Sbjct	84534	CCTCTGTTTAGAATTCTCTGCTTAGCTCTGTACCCCAATTGTTAATCAAATTGTTGGTT	84475

Query	496423	TGTTGGAGTCTAACTTCTTGGATTGTTTATAAttttttGGATATTAGCGCTCTATCAGAT	496482
Sbjct	84474	TGTTGGAGTCTAACTTCTTGGATTGTTTATAATTTTTTGGATATTAGCGCTCTATCAGAT	84415
Query	496483	GTAGGGTTAGTGAAAAATCTTTCCCAATATTTAGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAGG	496542
Sbjct	84414	GTAGGGTTAGTGAAAAATCTTTCCCAATATTTAGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAGG	84355
Query	496543	GTCCTTTTTCCTTACAGAAGCTTTCCAGTTTCAAGAGGTCTCATTTATCAATGGATGATTG	496602
Sbjct	84354	GTCCTTTTTCCTTACAGAAGCTTTCCAGTTTCAAGAGGTCTCATTTATCAATGGATGATTG	84295
Query	496603	TACAATCTGAGCCAGTGATGTTCTGTTGAAGAAAAATATCCCCTCTGCCAATGCATTTGAG	496662
Sbjct	84294	TACAATCTGAGCCAGTGATGTTCTGTTGAAGAAAAATATCCCCTCTGCCAATGCATTTGAG	84235
Query	496663	GCTATTTTCTACTTTCTCTTCGGTTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTGAGGTCCTT	496722
Sbjct	84234	GCTATTTTCTACTTTCTCTTCGGTTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTGAGGTCCTT	84175
Query	496723	GATCCACTTGGACTTGAAATTTCTGCAAGGTGATAAATACGGATCATTTTGCATTCTTCT	496782
Sbjct	84174	GATCCACTTGGACTTGAAATTTCTGCAAGGTGATAAATACGGATCATTTTGCATTCTTCT	84115
Query	496783	AAGTGCAGACTGACAGCTAGACCAGCACCACCTTGTGAAGATGCTTTCTTTTCTCAACTGT	496842
Sbjct	84114	AAGTGCAGACTGACAGCTAGACCAGCACCACCTTGTGAAGATGCTTTCTTTTCTCAACTGT	84055
Query	496843	TTCACTTTGGTTCTTTGTCAAAGATCAAGTTTCCTTAGGTACGTGGATTATTTCTGAGTT	496902
Sbjct	84054	TTCACTTTGGTTCTTTGTCAAAGATCAAGTTTCCTTAGGTACGTGGATTATTTCTGAGTT	83995
Query	496903	TTTGATTTTATTCCCTTGATCAACTTGTCTGTCTCTGTACCCATGCCATGCAGTTTTTAT	496962
Sbjct	83994	TTTGATTTTATTCCCTTGATCAACTTGTCTGTCTCTGTACCCATGCCATGCAGTTTTTAT	83935
Query	496963	CACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGAGCAGGGATGATGATTCTTTATTGTTTCAGAATG	497022
Sbjct	83934	CACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGAGCAGGGATGATGATTCTTTATTGTTTCAGAATG	83875
Query	497023	GttttggctctttgtttttgcttttgttttgTATTCGGTACGAAGTTCGGAATTGCTATC	497082
Sbjct	83874	GTTTTGGCTCTTTGTTTTTGTCTTTTGTATTTCGGTACGAAGTTCGGAATTGCTATC	83815
Query	497083	TCCATGCCAGTGAACATTGTGATGGAATTTTCATGGGTATTGCATTGAATCTGTAGATTG	497142
Sbjct	83814	TCCATGCCAGTGAACATTGTGATGGAATTTTCATGGGTATTGCATTGAATCTGTAGATTG	83755
Query	497143	CTTTTGGGATGATGGCCATTTTCACTATGTAAATCCAAGCAATCCATGGACATGGGAGAG	497202
Sbjct	83754	CTTTTGGGATGATGGCCATTTTCACTATGTAAATCCAAGCAATCCATGGACATGGGAGAG	83695
Query	497203	CTTTCCATCTTTTCAGGTCCTTTTTTGATTTCTTTCTTCAAAGACTAAATTTTCTGTCATA	497262
Sbjct	83694	CTTTCCATCTTTTCAGGTCCTTTTTTGATTTCTTTCTTCAAAGACTAAATTTTCTGTCATA	83635
Query	497263	CAGTTTTGTCACTTGATTGGTTAGAGTTACACCAAGATATTTTATACTAACTGTGGCTAT	497322
Sbjct	83634	CAGTTTTGTCACTTGATTGGTTAGAGTTACACCAAGATATTTTATACTAACTGTGGCTAT	83575
Query	497323	TGTGAAGGTTGCAGTTTCTCTTATTTCTTTTCCAGCCTCTTAGAAAGGAAGACTCCTGAT	497382
Sbjct	83574	TGTGAAGGTTGCAGTTTCTCTTATTTCTTTTCCAGCCTCTTAGAAAGGAAGACTCCTGAT	83515
Query	497383	TTGTTTGAGTTAATTGTATATTCCTTCATTTTGTGAAGTTGTTAATCAGGTGTAGGAGT	497442
Sbjct	83514	TTGTTTGAGTTAATTGTATATTCCTTCATTTTGTGAAGTTGTTAATCAGGTGTAGGAGT	83455
Query	497443	TCTCTGGTAGAATTTAGTGGTCTCTTATGTATCATCCCTGTATAGTGATACCTTGACTTC	497502
Sbjct	83454	TCTCTGGTAGAATTTAGTGGTCTCTTATGTATCATCCCTGTATAGTGATACCTTGACTTC	83395
Query	497503	TACCTTTCCAGTTTGTATCCCCTTGATCTCCCTTAGTTGTCTAATAGCTCCAGGTGGAAT	497562
Sbjct	83394	TACCTTTCCAGTTTGTATCCCCTTGATCTCCCTTAGTTGTCTAATAGCTCCAGGTGGAAT	83335
Query	497563	TCCAAATTCTGTATTGAATAGACAGGGAGAGAGTGGGCAAACCTGTCTTGTTCAGATTT	497622
Sbjct	83334	TCCAAATTCTGTATTGAATAGACAGGGAGAGAGTGGGCAAACCTGTCTTGTTCAGATTT	83275
Query	497623	TAGTGGGATTGCCAGTTTCTCTCCATTTAACTTGATGTTGACTCTTGGCTGGCTGTAT	497682
Sbjct	83274	TAGTGGGATTGCCAGTTTCTCTCCATTTAACTTGATGTTGACTCTTGGCTGGCTGTAT	83215
Query	497683	ACTGCTTTTATTTGTTTAGGCTAGTTTCTGAATTTGTTATCTCTCCAAGATTTTGAAC	497742
Sbjct	83214	ACTGCTTTTATTTGTTTAGGCTAGTTTCTGAATTTGTTATCTCTCCAAGATTTTGAAC	83155
Query	497743	ATGAAAGGGTGTGGATTTTGTCAAGGGCTTTTTTCATCATCTAATGAGATGATCATGAtt	497802

Sbjct	83154	ATGAAAGGGTGTGGATTTTGTCAAGGGCTTTTTCATCATCTAATGAGATGATCATGATT	83095
Query	497803	tcttttCTTTTCAGGTGTTTTACATAGTGGACCACATTGATGAATGTTCTTATATTAGTCTA	497862
Sbjct	83094	TTTTTCTTTTCAGGTGTTTTACATAGTGGACCACATTGATGAATGTTCTTATATTAGTCTA	83035
Query	497863	TCCTTCCATTCTCGGAATAAAGCCTACTTGGATTTTGGTGAAGACATTTTTCATGTGTTCT	497922
Sbjct	83034	TCCTTCCATTCTCGGAATAAAGCCTACTTGGATTTTGGTGAAGACATTTTTCATGTGTTCT	82975
Query	497923	TAGAGTCAGTTTGCAAGAATTTATTGTTTTTGCCTGACGTTTCTGAGTAAATTCATTT	497982
Sbjct	82974	TAGAGTCAGTTTGCAAGAATTTATTGTTTTTGCCTGACGTTTCTGAGTAAATTCATTT	82915
Query	497983	GAAGTTCCTTTTGTGGGTCTTTGTGTGCTTTAGGTATCAAAGTGATCCTGGCTTCAAAG	498042
Sbjct	82914	GAAGTTCCTTTTGTGGGTCTTTGTGTGCTTTAGGTATCAAAGTGATCCTGGCTTCAAAG	82855
Query	498043	AATGAATTAAGTAATGTTCTTTTCTTCTATTTTGTGGCACAGTTTGAGGAATGTTGAT	498102
Sbjct	82854	AATGAATTAAGTAATGTTCTTTTCTTCTATTTTGTGGCACAGTTTGAGGAATGTTGAT	82795
Query	498103	ATTAGCTGTTTGAATGTCTGGTAGTATTGTGCACTTAAACCATCTTGTCCAGGCTTTTTTG	498162
Sbjct	82794	ATTAGCTGTTTGAATGTCTGGTAGTATTGTGCACTTAAACCATCTTGTCCAGGCTTTTTTG	82735
Query	498163	GGTGGGAGGTTTTTGATTACTACTTTTTTTCCTTATGGATTATAGGAGGTTTTAGATAGTT	498222
Sbjct	82734	GGTGGGAGGTTTTTGATTACTACTTTTTTTCCTTATGGATTATAGGAGGTTTTAGATAGTT	82675
Query	498223	TACCTGATCTTGAGTTAACTTTGGATGTGTGTCTCAAAAATCATCTATTTTCATGTAAATT	498282
Sbjct	82674	TACCTGATCTTGAGTTAACTTTGGATGTGTGTCTCAAAAATCATCTATTTTCATGTAAATT	82615
Query	498283	TTACAGTTTTTGTCAAATGTAGGCTCTTATGGAAGACTTTTTCTTTTATTTCCCTCAGTTTC	498342
Sbjct	82614	TTACAGTTTTTGTCAAATGTAGGCTCTTATGGAAGACTTTTTCTTTTATTTCCCTCAGTTTC	82555
Query	498343	TTTGTATTATGCTCCCTTTTCATTTCTGGATACTGTCTGTGTCTTTTATGTAGATTGG	498402
Sbjct	82554	TTTGTATTATGCTCCCTTTTCATTTCTGGATACTGTCTGTGTCTTTTATGTAGATTGG	82495
Query	498403	TGTATCTCTTTTGTtcttttCAAAGAAATCTTTGCTTGGATTGTCTTACAGTTGGATATA	498462
Sbjct	82494	TGTATCTCTTTTGTTTTTTTCAAAGAAATCTTTGCTTGGATTGTCTTACAGTTGGATATA	82435
Query	498463	CTATAGTTGTGGGATACCTGTTGAGGTAAGCTTCTACCAAAAAGTGGAATGGTAATGTAT	498522
Sbjct	82434	CTATAGTTGTGGGATACCTGTTGAGGTAAGCTTCTACCAAAAAGTGGAATGGTAATGTAT	82375
Query	498523	ATCCTGTGCTATGTACATGTTGAAATATGTAATCTGCTTCTTCATTTTTATTTTACAGGG	498582
Sbjct	82374	ATCCTGTGCTATGTACATGTTGAAATATGTAATCTGCTTCTTCATTTTTATTTTACAGGG	82315
Query	498583	ATGACTGTTTCCCCAGAAAATCAGGGATCAGTTTACCTCAATTCCCAGCTATACCTCTCC	498642
Sbjct	82314	ATGACTGTTTCCCCAGAAAATCAGGGATCAGTTTACCTCAATTCCCAGCTATACCTCTCC	82255
Query	498643	TGGGCATATAGTCAAAGGACAGTCTATCCTATCACAAGGACATCTGCTTATAGCAGTTTT	498702
Sbjct	82254	TGGGCATATAGTCAAAGGACAGTCTATCCTATCACAAGGACATCTGCTTATAGCAGTTTT	82195
Query	498703	ATTAATAATAGCTAGAAACTGGAAGCATCCTAGATCTTCTCCAACCAATGAATGATTAAA	498762
Sbjct	82194	ATTAATAATAGCTAGAAACTGGAAGCATCCTAGATCTTCTCCAACCAATGAATGATTAAA	82135
Query	498763	CAAAATGTACATTGATAAGTGGAATATTACTGAGGTTAAAAAACTAACATCATGAAATTT	498822
Sbjct	82134	CAAAATGTACATTGATAAGTGGAATATTACTGAGGTTAAAAAACTAACATCATGAAATTT	82075
Query	498823	TCAGGCAAATGGATGGAACAAGgaaaaaaTCATCCTGTGTAAGGTAACCCAGACTATATA	498882
Sbjct	82074	TCAGGCAAATGGATGGAACAAGAAAAAATCATCCTGTGTAAGGTAACCCAGACTATATA	82015
Query	498883	CAAATATAAACCATATAAAAAACATGGTATATATTCACTTATAAGGCGGATATAAGCTGTA	498942
Sbjct	82014	CAAATATAAACCATATAAAAAACATGGTATATATTCACTTATAAGGCGGATATAAGCTGTA	81955
Query	498943	AAGTAAAGGGCAATTATGGTCAGTTCACAGACCCAGAAAGACCCAAAAAAGGATGGGTCA	499002
Sbjct	81954	AAGTAAAGGGCAATTATGGTCAGTTCACAGACCCAGAAAGACCCAAAAAAGGATGGGTCA	81895
Query	499003	ATCAGGGATTTCATAGATCTCTATGGAAGAGAGATGTGGTGAGTGGGGATGCGAACAGAA	499062
Sbjct	81894	ATCAGGGATTTCATAGATCTCTATGGAAGAGAGATGTGGTGAGTGGGGATGCGAACAGAA	81835
Query	499063	GATTGTGCTTTGGAGATGGAAGGAGAGTATATTGTAGTGAACAAGTAGAAGTGTGAGCCA	499122
Sbjct	81834	GATTGTGCTTTGGAGATGGAAGGAGAGTATATTGTAGTGAACAAGTAGAAGTGTGAGCCA	81775

Query	499123	TTT TAGAGACAAGGTAGAGATGTTGTGCAATGGAAACTCCTAGGAGTCTAAGAAGGTGAC	499182
Sbjct	81774	TTT TAGAGACAAGGTAGAGATGTTGTGCAATGGAAACTCCTAGGAGTCTAAGAAGGTGAC	81715
Query	499183	AGGAAATGAGAGATATAGTAATGAGGGATATGGAGACTAATCCAGCCATCGTCTGTAACT	499242
Sbjct	81714	AGGAAATGAGAGATATAGTAATGAGGGATATGGAGACTAATCCAGCCATCGTCTGTAACT	81655
Query	499243	AAGCAAGGTTTCCAGGAATTGGAACACCAACCCAGCCATAAAACATTTGACGTACAATTT	499302
Sbjct	81654	AAGCAAGGTTTCCAGGAATTGGAACACCAACCCAGCCATAAAACATTTGACGTACAATTT	81595
Query	499303	GTCCTGCCTACAAGATGTGCTGTGATAAAAGTGGTGTAGAAATTGATGTAGTAACCTGTG	499362
Sbjct	81594	GTCCTGCCTACAAGATGTGCTGTGATAAAAGTGGTGTAGAAATTGATGTAGTAACCTGTG	81535
Query	499363	GGTGTGTGTCCTCTAAGTGGTGCCAGTGGACATTGAGGGAGGCTCCTATACTATTCTAA	499422
Sbjct	81534	GGTGTGTGTCCTCTAAGTGGTGCCAGTGGACATTGAGGGAGGCTCCTATACTATTCTAA	81475
Query	499423	TATTATGAGTGACATCTCTGATGGCATATCAAATGGCATAAGATAGAAGATCTCAGAAA	499482
Sbjct	81474	TATTATGAGTGACATCTCTGATGGCATATCAAATGGCATAAGATAGAAGATCTCAGAAA	81415
Query	499483	GCTAGTGAGTCTCAGATTGGTACAGTATAGGATGATGGCTGCTTCTCCCAACTTCACTGA	499542
Sbjct	81414	GCTAGTGAGTCTCAGATTGGTACAGTATAGGATGATGGCTGCTTCTCCCAACTTCACTGA	81355
Query	499543	AGTCCCCCTTAGTCTGGCAGTGGCACTGGGGTGATCGGCTACTCCAGAACTCATGTCAG	499602
Sbjct	81354	AGTCCCCCTTAGTCTGGCAGTGGCACTGGGGTGATCGGCTACTCCAGAACTCATGTCAG	81295
Query	499603	TGGTCCAAAGGCTATACTaaaaaaTGCTTACAGCTGTATTCTGGTCTTGAGAGTCTGTT	499662
Sbjct	81294	TGGTCCAAAGGCTATACTAAAAAATGCTTACAGCTGTATTCTGGTCTTGAGAGTCTGTT	81235
Query	499663	TCCCTTGTTAGTGATTCCACCTCCCTCAGTCTCCTAGATCTTGCTTCTTACAGTTGCCA	499722
Sbjct	81234	TCCCTTGTTAGTGATTCCACCTCCCTCAGTCTCCTAGATCTTGCTTCTTACAGTTGCCA	81175
Query	499723	ACCAATATCTGCTGGTCCAGCCTGAGATCAATGCCATGAGAGGGAACACTGCCTGGAGGG	499782
Sbjct	81174	ACCAATATCTGCTGGTCCAGCCTGAGATCAATGCCATGAGAGGGAACACTGCCTGGAGGG	81115
Query	499783	CCAGGAACACAAGTCTAGATATACCAGAGTCTTAGAATAGAAGCAAACAAGATCAGaaaa	499842
Sbjct	81114	CCAGGAACACAAGTCTAGATATACCAGAGTCTTAGAATAGAAGCAAACAAGATCAGAAAA	81055
Query	499843	aaaaTTAATGAATGGATCACTAAATGTATTCCtttttttttttgggttctttttttCAGA	499902
Sbjct	81054	AAAATTAATGAATGGATCACTAAATGTATTCTTTTTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTTCAGA	80995
Query	499903	GATGGGGATCGAACCCAGGGCCTTGCACTTCTTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAA	499962
Sbjct	80994	GATGGGGATCGAACCCAGGGCCTTGCACTTCTTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAA	80935
Query	499963	TCCCCAACTCCTAAATGTATTCTTTTATTCTCATAGCCGTGTGCTGTGATAAGGGTAGTA	500022
Sbjct	80934	TCCCCAACTCCTAAATGTATTCTTTTATTCTCATAGCCGTGTGCTGTGATAAGGGTAGTA	80875
Query	500023	TAGAATGGGGGGAGTGGCATGTGGGTGCTTTGGCCTCTGAATGGGCTTCAATGGACAGTG	500082
Sbjct	80874	TAGAATGGGGGGAGTGGCATGTGGGTGCTTTGGCCTCTGAATGGGCTTCAATGGACAGTG	80815
Query	500083	AGGGAGGCTTCCATATACTCTAATACAAATAATTGTCTTCATCTTCAGAGAGGCTCCACA	500142
Sbjct	80814	AGGGAGGCTTCCATATACTCTAATACAAATAATTGTCTTCATCTTCAGAGAGGCTCCACA	80755
Query	500143	CAAACTGATGGAAGCCAATGCAGGGAAGCACAGCTAAACATTAGGTGGAGCTCTGGGAAT	500202
Sbjct	80754	CAAACTGATGGAAGCCAATGCAGGGAAGCACAGCTAAACATTAGGTGGAGCTCTGGGAAT	80695
Query	500203	CATATGGAAGAGGGGAAGAAAGAATTTTAGGAGGCAGAGGTTAAGAACACAACAAGAAAA	500262
Sbjct	80694	CATATGGAAGAGGGGAAGAAAGAATTTTAGGAGGCAGAGGTTAAGAACACAACAAGAAAA	80635
Query	500263	CCCACAGAATCGACTAACCTGGTCTTGTAGGAACCAGGGTCTCACAAGCCTGAACCATC	500322
Sbjct	80634	CCCACAGAATCGACTAACCTGGTCTTGTAGGAACCAGGGTCTCACAAGCCTGAACCATC	80575
Query	500323	AACCAGGAAGTCTGCATGGATCTTACCCAGGCCCTCTGTATGTTTTATGATTGTGTAGCT	500382
Sbjct	80574	AACCAGGAAGTCTGCATGGATCTTACCCAGGCCCTCTGTATGTTTTATGATTGTGTAGCT	80515
Query	500383	TGGCCTtttttttttAAATTTATTCATCTATTTTATGTATATGAGTACACTGTAGCTGTTTT	500442
Sbjct	80514	TGGCCTTTTTTTTAAATTTATTCATCTATTTTATGTATATGAGTACACTGTAGCTGTTTT	80455
Query	500443	TAGACACACCAGAAGAGTGTATCAGATATCATTACAGATGGCTGTGAGCCACCATGTGGT	500502



Sbjct	80454	ACACACCAGAAGAGTGTATCAGATATCATTACAGATGGCTGTGAGCCACCATGTGGT	80395
Query	500503	TGCTGGGATTTGAACTCAGAACCTCTGGAAGAGCAGTCAGTGTCTAACCAGT	500562
Sbjct	80394	TGCTGGGATTTGAACTCAGAACCTCTGGAAGAGCAGTCAGTGTCTAACCAGT	80335
Query	500563	CTCTCCAGTCTTCTTGTGAGACTCCTAACATTGGAAGCAGGAGCTGTCTTTGTCTCTGTT	500622
Sbjct	80334	CTCTCCAGTCTTCTTGTGAGACTCCTAACATTGGAAGCAGGAGCTGTCTTTGTCTCTGTT	80275
Query	500623	GCCTGCCTTTTAGGATACTTTGCTCCTCCTGTGTTGCTTTGTCTAGCCTTCATAGGAAAAG	500682
Sbjct	80274	GCCTGCCTTTTAGGATACTTTGCTCCTCCTGTGTTGCTTTGTCTAGCCTTCATAGGAAAAG	80215
Query	500683	AAGTGCCTAATCTTACTGCAAGTTGATTTGCCAAGGCTGGTTGATATGCATGGGAGTCCT	500742
Sbjct	80214	AAGTGCCTAATCTTACTGCAAGTTGATTTGCCAAGGCTGGTTGATATGCATGGGAGTCCT	80155
Query	500743	CCCCTTTGTTCAAGTGAAAGAAGGATGATGGGGGTGGAAGTGGGGTGGGAGGGAGTAG	500802
Sbjct	80154	CCCCTTTGTTCAAGTGAAAGAAGGATGATGGGGGTGGAAGTGGGGTGGGAGGGAGTAG	80095
Query	500803	AGGCTGAGAAGGGAGGGGAAACTGTGTTTGGATGtaatatatgagagaaaaataaataac	500862
Sbjct	80094	AGGCTGAGAAGGGAGGGGAAACTGTGTTTGGATGTAATATATGAGAGAAAAATAAATAAC	80035
Query	500863	tataaataaataaataaataaataaagaataaaaCTTGGTCTTTTACAACACTGCTGAGA	500922
Sbjct	80034	TATAAATAAATAAATAAATAAATAAAGAATAAACTTTGGTCTTTTACAACACTGCTGAGA	79975
Query	500923	CTTTTACAGACTAAAGAATTTTGAAAGTGAATAAGTGCATTTTGCATTATGATATTGC	500982
Sbjct	79974	CTTTTACAGACTAAAGAATTTTGAAAGTGAATAAGTGCATTTTGCATTATGATATTGC	79915
Query	500983	CACCAACCTATGTATGCCAGAGAATGTGGTGATTTGAATAAGAATGACTCATATATTTGA	501042
Sbjct	79914	CACCAACCTATGTATGCCAGAGAATGTGGTGATTTGAATAAGAATGACTCATATATTTGA	79855
Query	501043	ATATTTTGTCTATCAGGAAGTAGCACTTTTGGAGGTGTGGCATTTTGGAGAAATGCAT	501102
Sbjct	79854	ATATTTTGTCTATCAGGAAGTAGCACTTTTGGAGGTGTGGCATTTTGGAGAAATGCAT	79795
Query	501103	CATCAAAGGTGAGATTTGAAGTTCAAATATCTTCATTTCAATTTAAAGTCTACTTCAGTGT	501162
Sbjct	79794	CATCAAAGGTGAGATTTGAAGTTCAAATATCTTCATTTCAATTTAAAGTCTACTTCAGTGT	79735
Query	501163	TCAAGCCAGGCCAAATGTCTCTCTCTTTCTGTTGTTTGTGGATCCAGAACCACAAttttt	501222
Sbjct	79734	TCAAGCCAGGCCAAATGTCTCTCTCTTTCTGTTGTTTGTGGATCCAGAACCACAAATTTT	79675
Query	501223	tttACCAGGACCATTTTTTACCTGTACTCTGCTATGCTTTTCACTATGTTGACAATGGACA	501282
Sbjct	79674	TTTACCAGGACCATTTTTTACCTGTACTCTGCTATGCTTTTCACTATGTTGACAATGGACA	79615
Query	501283	AAAACCTCTGAACCAGCAAACCAGCTCCAATCCTTTACAAGAATTGATGTGGTCATGGTGT	501342
Sbjct	79614	AAAACCTCTGAACCAGCAAACCAGCTCCAATCCTTTACAAGAATTGATGTGGTCATGGTGT	79555
Query	501343	CTCTACACAGCAATAGAACAAAGTAGACTAAGATTGGTAAAACCTACTTAGAAAAATATT	501402
Sbjct	79554	CTCTACACAGCAATAGAACAAAGTAGACTAAGATTGGTAAAACCTACTTAGAAAAATATT	79495
Query	501403	GTAATGTAACGTAAGAGTTGTCATCAAATTAAGATTTTCATATTTCAAACCTGGGAAAAT	501462
Sbjct	79494	GTAATGTAACGTAAGAGTTGTCATCAAATTAAGATTTTCATATTTCAAACCTGGGAAAAT	79435
Query	501463	ATAAAAATAGTTTCCATATTATAATAGTAAAGCTGTTAAGAGTGTGGAAAATCTCCTACT	501522
Sbjct	79434	ATAAAAATAGTTTCCATATTATAATAGTAAAGCTGTTAAGAGTGTGGAAAATCTCCTACT	79375
Query	501523	ATACATATTTGTGGTGATAAatttttttGAAATATATATATTATTAAATGGTCATCCACTG	501582
Sbjct	79374	ATACATATTTGTGGTGATAAATTTTTTGAATATATATATTATTAAATGGTCATCCACTG	79315
Query	501583	GATTGTGTTTGATTAATTCACCAGGGGCAACTGTGGAACTTTTTATAATTTTAACTTAT	501642
Sbjct	79314	GATTGTGTTTGATTAATTCACCAGGGGCAACTGTGGAACTTTTTATAATTTTAACTTAT	79255
Query	501643	GATACTCATATGTCTTAGTTAGGGTCTTATTGCTATGAACAGATACCATATCTACATCTT	501702
Sbjct	79254	GATACTCATATGTCTTAGTTAGGGTCTTATTGCTATGAACAGATACCATATCTACATCTT	79195
Query	501703	TACCTGAAGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCACCTTCAGGCAGCTAGGAGGAGGGTCTCCA	501762
Sbjct	79194	TACCTGAAGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCACCTTCAGGCAGCTAGGAGGAGGGTCTCCA	79135
Query	501763	AGCCCTCAGTGACACACTTCCTTCAACAAGGTCACACCTCCTAATAATGCCATTCCGTGG	501822
Sbjct	79134	AGCCCTCAGTGACACACTTCCTTCAACAAGGTCACACCTCCTAATAATGCCATTCCGTGG	79075

Query	501823	GCCAACCATATTACATTCCACTCCCTGACCTCCATAGGCTTGTTTTAAACCAAGGAGT	501882
Sbjct	79074	GCCAACCATATTACATTCCACTCCCTGACCTCCATAGGCTTGTTTTAAACCAAGGAGT	79015
Query	501883	CTATGGAGGCCATACCTAAACATAGCATAATAAAAAAGTACATTTAGTTCAACTTCCAAA	501942
Sbjct	79014	CTATGGAGGCCATACCTAAACATAGCATAATAAAAAAGTACATTTAGTTCAACTTCCAAA	78955
Query	501943	GTCTCCATAGTCTATAGCAGCGTCAACAATGTTAAAAAGTCCAAAGTTCAAAGTCTCTTCT	502002
Sbjct	78954	GTCTCCATAGTCTATAGCAGCGTCAACAATGTTAAAAAGTCCAAAGTTCAAAGTCTCTTCT	78895
Query	502003	GAGATCCATCCAGTCACCTTAAGTGAATCCCGGAATTAAGACAGGCAACCAGCTGGGCAA	502062
Sbjct	78894	GAGATCCATCCAGTCACCTTAAGTGAATCCCGGAATTAAGACAGGCAACCAGCTGGGCAA	78835
Query	502063	ACTCCAAACTCTGCCATTTCCATGTCTGATGTGAGTGTGGTCTTCAGATCTTCAACTCCC	502122
Sbjct	78834	ACTCCAAACTCTGCCATTTCCATGTCTGATGTGAGTGTGGTCTTCAGATCTTCAACTCCC	78775
Query	502123	TTTTCATCTTTGTTGACTACAACAAACTTCTTTCTCCTGAGCTGACTCCACTCCCTGTTA	502182
Sbjct	78774	TTTTCATCTTTGTTGACTACAACAAACTTCTTTCTCCTGAGCTGACTCCACTCCCTGTTA	78715
Query	502183	GCAGCTTTCCTCAGCAGATGGCCCGTGAAGTCTGGCATCTTTAACATCTTTGGGTCTCCAA	502242
Sbjct	78714	GCAGCTTTCCTCAGCAGATGGCCCGTGAAGTCTGGCATCTTTAACATCTTTGGGTCTCCAA	78655
Query	502243	GGCAGCTTCAATGTTACAGCTTGTTTCAATGTCTGGGATCCACACATGATCCTCCAAAGG	502302
Sbjct	78654	GGCAGCTTCAATGTTACAGCTTGTTTCAATGTCTGGGATCCACACATGATCCTCCAAAGG	78595
Query	502303	GCTGCCTTCACTTCTCCAGCTCTGCCCTCTGTAGCAGTTTAACTGCAGGCTGACCCACAC	502362
Sbjct	78594	GCTGCCTTCACTTCTCCAGCTCTGCCCTCTGTAGCAGTTTAACTGCAGGCTGACCCACAC	78535
Query	502363	CACACTGTTGCTGTTGTTCTTAGTGATCATACCATAGTGCTGGCGTCTCCAATACACTGG	502422
Sbjct	78534	CACACTGTTGCTGTTGTTCTTAGTGATCATACCATAGTGCTGGCGTCTCCAATACACTGG	78475
Query	502423	GGTCTTCTGTTGCATCTAGGCTTCACCAATAGCCTCTCCTAGCTCTCTTCATGGTGTCAA	502482
Sbjct	78474	GGTCTTCTGTTGCATCTAGGCTTCACCAATAGCCTCTCCTAGCTCTCTTCATGGTGTCAA	78415
Query	502483	GCCTTAACTCCTTTGCCTGACCCCTTCAGTCTGGGCCATCAGATGCAACTGAGGCTGCA	502542
Sbjct	78414	GCCTTAACTCCTTTGCCTGACCCCTTCAGTCTGGGCCATCAGATGCAACTGAGGCTGCA	78355
Query	502543	CCTTCACCAATGGCCTTCCAAGGCCTCTCACAGTGCCAGCCTCAGCTGCTCTCCATGAC	502602
Sbjct	78354	CCTTCACCAATGGCCTTCCAAGGCCTCTCACAGTGCCAGCCTCAGCTGCTCTCCATGAC	78295
Query	502603	CCTTTCATGCCTTCAAAACCAGTACCAGCTGGGTGACTCTTACACATTGCCAAGTACAGC	502662
Sbjct	78294	CCTTTCATGCCTTCAAAACCAGTACCAGCTGGGTGACTCTTACACATTGCCAAGTACAGC	78235
Query	502663	CACAGCATGAGGTACAACCTTGGCATCTCTGGAACACAGCTCTCAAAAAACACTTCCCAG	502722
Sbjct	78234	CACAGCATGAGGTACAACCTTGGCATCTCTGGAACACAGCTCTCAAAAAACACTTCCCAG	78175
Query	502723	AGATTTACCTCAGTGATGCTGGTCTCTTTCTTAGCTCCAGTTAACCAGCATCAATTGTC	502782
Sbjct	78174	AGATTTACCTCAGTGATGCTGGTCTCTTTCTTAGCTCCAGTTAACCAGCATCAATTGTC	78115
Query	502783	CCAGGAATCTCCTTCTCCTCTTGAATATAAAGCTAGAGATATGGCTGAAGCTGCTGAGTT	502842
Sbjct	78114	CCAGGAATCTCCTTCTCCTCTTGAATATAAAGCTAGAGATATGGCTGAAGCTGCTGAGTT	78055
Query	502843	CTGCCACTTGACAGGAGCTGGAACATGGGCCCTTGTCTATTACATTTCTAACTCCTTCA	502902
Sbjct	78054	CTGCCACTTGACAGGAGCTGGAACATGGGCCCTTGTCTATTACATTTCTAACTCCTTCA	77995
Query	502903	CTGCCTAAACTTGGCTGTCTGGATCTTGCTCTATAGATTGACCTTGAATTTAGAGATCT	502962
Sbjct	77994	CTGCCTAAACTTGGCTGTCTGGATCTTGCTCTATAGATTGACCTTGAATTTAGAGATCT	77935
Query	502963	GTACACCAGTCTCCTGGGATTAAAGATTGTACTAAGTTGCCTGGAGCTAACCTAGCTGG	503022
Sbjct	77934	GTACACCAGTCTCCTGGGATTAAAGATTGTACTAAGTTGCCTGGAGCTAACCTAGCTGG	77875
Query	503023	GTGGGATCTTACCCCAAGGTCATTACTCCCTTAATTCAATTTAATAATCTTGAACACAGG	503082
Sbjct	77874	GTGGGATCTTACCCCAAGGTCATTACTCCCTTAATTCAATTTAATAATCTTGAACACAGG	77815
Query	503083	ATTCAGTTCCATTTCACTCCTGGTGTCTTTTAATACTTGAACCATATATTTGTATTTT	503142
Sbjct	77814	ATTCAGTTCCATTTCACTCCTGGTGTCTTTTAATACTTGAACCATATATTTGTATTTT	77755
Query	503143	TCTTTTATCAACCTCCCTTTTTCATTTAAGATGTCTTCATGAGACCTAGAGAACAAAA	503202

Sbjct	77754	T C T T T T A T C A A C C T C C C T T T T T C A T T T A A G A T G T T C T T C A T G A G A C C T A G A G A A C A A A A	77695
Query	503203	T C T A T G A T G G G T G T T T C T G A G A C T T C C T T T G T C A A T G C A A T T A A T C T G A G T A T T T T C A C C	503262
Sbjct	77694	T C T A T G A T G G G T G T T T C T G A G A C T T C C T T T G T C A A T G C A A T T A A T C T G A G T A T T T T C A C C	77635
Query	503263	T T A T C C T C A G G C A G A C T C T T C A G A C A G G G C A A A A A G C A G C C A C A T T C T T C A C C A A A A T A C	503322
Sbjct	77634	T T A T C C T C A G G C A G A C T C T T C A G A C A G G G C A A A A A G C A G C C A C A T T C T T C A C C A A A A T A C	77575
Query	503323	C A C A A A A G C A A T C T T T A C A G C A C A T A T T G A A A T T C T T C T C T T C T G A A A C C T C T T G G G C C A	503382
Sbjct	77574	C A C A A A A G C A A T C T T T A C A G C A C A T A T T G A A A T T C T T C T C T T C T G A A A C C T C T T G G G C C A	77515
Query	503383	G G C C A T T C T A C T G C T T T C C C A A A A T C C A C A T T C T T C T A A A C A A A A A C A T G G T A A G G C C T A	503442
Sbjct	77514	G G C C A T T C T A C T G C T T T C C C A A A A T C C A C A T T C T T C T A A A C A A A A A C A T G G T A A G G C C T A	77455
Query	503443	T C A C A G C A A T A T C A C A G C T G G T C C C T G G T A C C A G T T T C T G T C T T A G T G A T T A T T T C T G G G	503502
Sbjct	77454	T C A C A G C A A T A T C A C A G C T G G T C C C T G G T A C C A G T T T C T G T C T T A G T G A T T A T T T C T G G G	77395
Query	503503	A A C A G A C A C C A T G A C C A A T G T A A G T T T T A T A A A G G A C A A C A T T T A A T T G G G G C T G G C T T A	503562
Sbjct	77394	A A C A G A C A C C A T G A C C A A T G T A A G T T T T A T A A A G G A C A A C A T T T A A T T G G G G C T G G C T T A	77335
Query	503563	C A G G T T C A G A G G T T T A G T C C A T T A C C A T C A A G G C A G G A G G T G G C A G C A T C G C A A T A T C C	503622
Sbjct	77334	C A G G T T C A G A G G T T T A G T C C A T T A C C A T C A A G G C A G G A G G T G G C A G C A T C G C A A T A T C C	77275
Query	503623	A G G C A G G C C T G A T G C A G G A G A G A T G T G T T C T A T G T C T T C A C C C G A A G G A A G C C A G G A A C	503682
Sbjct	77274	A G G C A G G C C T G A T G C A G G A G A G A T G T G T T C T A T G T C T T C A C C C G A A G G A A G C C A G G A A C	77215
Query	503683	A G A C T G A G C A T C C C T T G G C A G C T A G G A G A A G G G T C T C C A A G C C C A C C C C A C A G T G A C A C A	503742
Sbjct	77214	A G A C T G A G C A T C C C T T G G C A G C T A G G A G A A G G G T C T C C A A G C C C A C C C C A C A G T G A C A C A	77155
Query	503743	C C T C C T C C A A T G A G G T C A C A C T T T T C T A A T A G T G C C A C T C C C T G G G C C A A G C A T A T G C A A A	503802
Sbjct	77154	C C T C C T C C A A T G A G G T C A C A C T T T T C T A A T A G T G C C A C T C C C T G G G C C A A G C A T A T G C A A A	77095
Query	503803	C C A T C A C A T T C C A C T C C C T G G G C C A A G C A T A T G C A A A C T A T C A C A C C A T A G A A C C C A A T A	503862
Sbjct	77094	C C A T C A C A T T C C A C T C C C T G G G C C A A G C A T A T G C A A A C T A T C A C A C C A T A G A A C C C A A T A	77035
Query	503863	T C A C C T G T A A T A C A T A A A T A T G T A T A C A T T C A T A A T T A T T C A T A G C A G C T T T C A A A T A G C	503922
Sbjct	77034	T C A C C T G T A A T A C A T A A A T A T G T A T A C A T T C A T A A T T A T T C A T A G C A G C T T T C A A A T A G C	76975
Query	503923	A T A A A A T A A A A C A A T C T A T G A A C A C C G G T C A A A C A A A A T G T A A T G T C T C T C T A T A A T T G	503982
Sbjct	76974	A T A A A A T A A A A C A A T C T A T G A A C A C C G G T C A A A C A A A A T G T A A T G T C T C T C T A T A A T T G	76915
Query	503983	T G G G T T G C A A T T T A T A A A A T A C A A T A A A A T T T T T A T A T A C C T A T A A T G C T T T A T T C T A A A	504042
Sbjct	76914	T G G G T T G C A A T T T A T A A A A T A C A A T A A A A T T T T T A T A T A C C T A T A A T G C T T T A T T C T A A A	76855
Query	504043	A G T G T T A A A A T A T A T T T A T C T T A G C C A T T A A A A C A A A A T A C A T A T A A A T G T A A T A T A T G T	504102
Sbjct	76854	A G T G T T A A A A T A T A T T T A T C T T A G C C A T T A A A A C A A A A T A C A T A T A A A T G T A A T A T A T G T	76795
Query	504103	G C A A T T T G T A G T A C T A T C T T A C A A A C A G A T A A G A A A G G A A T A A C A T A T A T T G T T C A A A	504162
Sbjct	76794	G C A A T T T G T A G T A C T A T C T T A C A A A C A G A T A A G A A A G G A A T A A C A T A T A T T G T T C A A A	76735
Query	504163	T C T A T T T T A A C A G A T G T T C A A A A T A T A T A A A T G C A A A G T A A C A T A A G T A G T T T A A T A A T T	504222
Sbjct	76734	T C T A T T T T A A C A G A T G T T C A A A A T A T A T A A A T G C A A A G T A A C A T A A G T A G T T T A A T A A T T	76675
Query	504223	C T A A G T G G A A A T A T C C T G T T A G G C T T A T A T T A A C T T A T A T G T C T G G C T T T A T G A A A T A G	504282
Sbjct	76674	C T A A G T G G A A A T A T C C T G T T A G G C T T A T A T T A A C T T A T A T G T C T G G C T T T A T G A A A T A G	76615
Query	504283	A A A A G G C T A T T T A G A A T A T T T T A A A T A A T G A T T T T T A C A A C C T A A A T T G G A T A A A G T T C T	504342
Sbjct	76614	A A A A G G C T A T T T A G A A T A T T T T A A A T A A T G A T T T T T A C A A C C T A A A T T G G A T A A A G T T C T	76555
Query	504343	A G T A T G A A G A A A T G T C A A A A G T A G C A T A A A A T G A A G T A T C A T C T A C A T T A T A G T A A C A A A	504402
Sbjct	76554	A G T A T G A A G A A A T G T C A A A A G T A G C A T A A A A T G A A G T A T C A T C T A C A T T A T A G T A A C A A A	76495
Query	504403	T C T A G T G T T C T T G A A A T G A A G T C C A C T A T T A T T T T A C T C T T T G C T A T A A A A A T T T A T T T T	504462
Sbjct	76494	T C T A G T G T T C T T G A A A T G A A G T C C A C T A T T A T T T T A C T C T T T G C T A T A A A A A T T T A T T T T	76435
Query	504463	T C C A G A T T G A C T T T T A A G A A A A C C C A T G A T T C T T T G T G A G T A T A T T G T T C A A A A T A T A G A	504522
Sbjct	76434	T C C A G A T T G A C T T T T A A G A A A A C C C A T G A T T C T T T G T G A G T A T A T T G T T C A A A A T A T A G A	76375

Query	504523	AGAAAGGATACTACAAAATGAATTTGAAAGTATAAAGTTGGGGTCAGGGTACAGATAGGT	504582
Sbjct	76374	AGAAAGGATACTACAAAATGAATTTGAAAGTATAAAGTTGGGGTCAGGGTACAGATAGGT	76315
Query	504583	TATTTTTCTGCCAGCGAAATGAGCCAATTTAGATTATATTATCCAAATTAGATTATACTA	504642
Sbjct	76314	TATTTTTCTGCCAGCGAAATGAGCCAATTTAGATTATATTATCCAAATTAGATTATACTA	76255
Query	504643	AATGGCCAAGGAAGTTGCCATGGGGAGGGTAGTTTTGGAGCAAAaagagagaaagggcca	504702
Sbjct	76254	AATGGCCAAGGAAGTTGCCATGGGGAGGGTAGTTTTGGAGCAAAAAGAGAGAAAGGGCCA	76195
Query	504703	gaagggaagagagagaagatagaCCTTAACATCTGGATTTACATAGTGAAGAGACACTGGG	504762
Sbjct	76194	GAAGGAAGAGAGAGAAGATAGACCTTAACATCTGGATTTACATAGTGAAGAGACACTGGG	76135
Query	504763	CAAAAGACAGCCCAATCTCTGTGCTGGAAAGTTCAAGGTAGGGGGAAGGGCATGCCAAGT	504822
Sbjct	76134	CAAAAGACAGCCCAATCTCTGTGCTGGAAAGTTCAAGGTAGGGGGAAGGGCATGCCAAGT	76075
Query	504823	AGGGAGAACCTGGAGGCCAGGTTTACTTTGATATGTAAAATAGATAGCTCAGTTTCTTTA	504882
Sbjct	76074	AGGGAGAACCTGGAGGCCAGGTTTACTTTGATATGTAAAATAGATAGCTCAGTTTCTTTA	76015
Query	504883	TCTTGGGTCCTAAACCAAAATGGTACGTTTTATGGTACTTGCGTACATATCaaaacaaaa	504942
Sbjct	76014	TCTTGGGTCCTAAACCAAAATGGTACGTTTTATGGTACTTGCGTACATATCAAAACAAAA	75955
Query	504943	ataaaacaaaagaaagattaaaaggaaggaaaagTACAGTCCACTTCGAAGATAATAAAAC	505002
Sbjct	75954	ATAAAACAAAAGAAAGATTAAAAGGAAGGAAAGTACAGTCCACTTCGAAGATAATAAAAC	75895
Query	505003	TGCAAATTACTGTGGATTTCTTTAATAACAAACATGTAAAAAGCTATAAACAAAATTAC	505062
Sbjct	75894	TGCAAATTACTGTGGATTTCTTTAATAACAAACATGTAAAAAGCTATAAACAAAATTAC	75835
Query	505063	AGGCAGAAATGTAGAACAGCATGTTTAAAAATAAACTAAATGTTAGAATGTATATATTT	505122
Sbjct	75834	AGGCAGAAATGTAGAACAGCATGTTTAAAAATAAACTAAATGTTAGAATGTATATATTT	75775
Query	505123	ATACTCATAAAAAGCAAAAAGTAATTTAATGAGGTCTACACAGCTTGTTCCATAAAAAGT	505182
Sbjct	75774	ATACTCATAAAAAGCAAAAAGTAATTTAATGAGGTCTACACAGCTTGTTCCATAAAAAGT	75715
Query	505183	AAATAATGGAATTCTCTGTTTAAACagagggaggaagagtaaggagaaaaagaagaggaa	505242
Sbjct	75714	AAATAATGGAATTCTCTGTTTAAACAGAGGGAGGAAGAGTAAGGAGAAAAAGAAGAGGAA	75655
Query	505243	aaaagggaggtaggggaataaaagTCATGATAATTTTCTAGAAAGAATATGGTTTTCTGTTT	505302
Sbjct	75654	AAAAGGGAGGTAGGGAATAAAGTCATGATAATTTTCTAGAAAGAATATGGTTTTCTGTTT	75595
Query	505303	GTTCAAAATTGCTACCCaaaaaaAGGTAAACGAATTTTATTTCTAAGTATCTCAGAAAGTT	505362
Sbjct	75594	GTTCAAAATTGCTACCCAAAAAAGGTAAACGAATTTTATTTCTAAGTATCTCAGAAAGTT	75535
Query	505363	TTTGGTTTTTTCATGTAGTAAATAAAATCTTTACTTACCAGTAACTGTGTATTTAAATAAC	505422
Sbjct	75534	TTTGGTTTTTTCATGTAGTAAATAAAATCTTTACTTACCAGTAACTGTGTATTTAAATAAC	75475
Query	505423	ATGCCTATTTTTTCATACAGTATGTCCGTTATTAAATTTTCAGTTTTTAATGGAAGATATTG	505482
Sbjct	75474	ATGCCTATTTTTTCATACAGTATGTCCGTTATTAAATTTTCAGTTTTTAATGGAAGATATTG	75415
Query	505483	TCGCGAAATTCAATCTTGAATATGTTTAAATATTATAATAAATATATGCATAGCAAGTGC	505542
Sbjct	75414	TCGCGAAATTCAATCTTGAATATGTTTAAATATTATAATAAATATATGCATAGCAAGTGC	75355
Query	505543	AGTATTAGTTAAATAATGTGCATGGAAATACCCGGGGCACTAGAATTACAGTCACCTATT	505602
Sbjct	75354	AGTATTAGTTAAATAATGTGCATGGAAATACCCGGGGCACTAGAATTACAGTCACCTATT	75295
Query	505603	CACTGCACAAAGCCAAAGTCTTGCGACCAGGTCGTATAGGGACAAAGGaaaaaaaaaaaa	505662
Sbjct	75294	CACTGCACAAAGCCAAAGTCTTGCGACCAGGTCGTATAGGGACAAAGGAAAAAAAAAAAA	75235
Query	505663	aaaaaaaaGCTGTTACTATTTCATAAAGATCAAGTTCCTTGAGCCACAAATTGCTTCCGG	505722
Sbjct	75234	AAAAAAGCTGTTACTATTTCATAAAGATCAAGTTCCTTGAGCCACAAATTGCTTCCGG	75175
Query	505723	GTTGTTAGGTTTCCTTATCCTTTTACTGCGCAGGCGTCCATGTGCAGTGATATCTTAAAG	505782
Sbjct	75174	GTTGTTAGGTTTCCTTATCCTTTTACTGCGCAGGCGTCCATGTGCAGTGATATCTTAAAG	75115
Query	505783	TaaaaaaaaGATCCGGCTGAGTAAACAGTCGGGttttttttttttctttttAAAATACTGT	505842
Sbjct	75114	TAAAAAAGATCCGGCTGAGTAAACAGTCGGGTTTTTTTTTTTCTTTTTAAATACTGT	75055
Query	505843	TTAATTAGGAAGATAAAATAGTTTGTGTTGTTTTCTTTGGCCGTCTCGTTTCCGCAAC	505902

Sbjct	75054	TTAATTAGGAAGATAAAATAGTTTGTGTTTGTGTTTTCTTTGGCCGTCTCGTTTCCGCAAC	74995
Query	505903	TTTAACTTTTACCTATGTGTGGAACGACTTCCAGGTTAATAAATAACACTTGAAAAATAT	505962
Sbjct	74994	TTTAACTTTTACCTATGTGTGGAACGACTTCCAGGTTAATAAATAACACTTGAAAAATAT	74935
Query	505963	CTCGGCGGAGCAACACAACCTCGTATCACATTGTGATCTAAAAATGGTGGACCTGAACAGG	506022
Sbjct	74934	CTCGGCGGAGCAACACAACCTCGTATCACATTGTGATCTAAAAATGGTGGACCTGAACAGG	74875
Query	506023	GAGGTGAATATTTAAGGATGTGGAATTAAGCCGACTCTGAAATTTGGaaaaaaaaTAAGTT	506082
Sbjct	74874	GAGGTGAATATTTAAGGATGTGGAATTAAGCCGACTCTGAAATTTGGAAAAAAAAATAAGTT	74815
Query	506083	CCTGTGGGTCATCGCAGTGAGTAGGAAATTCATTTCGCCTTTTAAAAATCGAATCACGTTT	506142
Sbjct	74814	CCTGTGGGTCATCGCAGTGAGTAGGAAATTCATTTCGCCTTTTAAAAATCGAATCACGTTT	74755
Query	506143	TATAACCGCGTTTGTGGGAGGACATGAAGCCAGAATCTGACGACTTTCTACCGCCGCCCGA	506202
Sbjct	74754	TATAACCGCGTTTGTGGGAGGACATGAAGCCAGAATCTGACGACTTTCTACCGCCGCCCGA	74695
Query	506203	GTGCCCGGTGTTTGAGCCGAGTTGGGCGGAATTCGAGATCCACTTGGCTATATAGCTAA	506262
Sbjct	74694	GTGCCCGGTGTTTGAGCCGAGTTGGGCGGAATTCGAGATCCACTTGGCTATATAGCTAA	74635
Query	506263	AATCAGACCTATTGCGGAGAAGTCAGGCATTTGCAAGATCCGCCACCTGCGGTAAGCTT	506322
Sbjct	74634	AATCAGACCTATTGCGGAGAAGTCAGGCATTTGCAAGATCCGCCACCTGCGGTAAGCTT	74575
Query	506323	CTAAAATGAAACTTGAAGTTAAATAATATGATCGACAGTGGGTCTACTGTGTCCCTTAAC	506382
Sbjct	74574	CTAAAATGAAACTTGAAGTTAAATAATATGATCGACAGTGGGTCTACTGTGTCCCTTAAC	74515
Query	506383	AAGGCCTTGGATTTAAGAACAaatatataaataataataaataataCTATTTGAATCT	506442
Sbjct	74514	AAGGCCTTGGATTTAAGAACAATATATATAAATATATAAATAATATACTATTTGAATCT	74455
Query	506443	TTCCAGTTTCCTTGTTTCATACTGTAGAAGAGTCCTGTAGCCATCCAAATTCCTTGTGGTT	506502
Sbjct	74454	TTCCAGTTTCCTTGTTTCATACTGTAGAAGAGTCCTGTAGCCATCCAAATTCCTTGTGGTT	74395
Query	506503	AGAACTTGAAATGCTTCTGCAGCTGTGCAATTAGTACATTTTCAGTTAACGAGTTGCCTT	506562
Sbjct	74394	AGAACTTGAAATGCTTCTGCAGCTGTGCAATTAGTACATTTTCAGTTAACGAGTTGCCTT	74335
Query	506563	TTCTACGTTTCAAGTAAGAAAAATTTCAGTATACTAGCAGCCGCATAACTGGAAAAAGAGA	506622
Sbjct	74334	TTCTACGTTTCAAGTAAGAAAAATTTCAGTATACTAGCAGCCGCATAACTGGAAAAAGAGA	74275
Query	506623	TGGTATACAAGTTTATATTTCTATATTTATATTGTTATTGGTCACTTTCCTCTCACAGT	506682
Sbjct	74274	TGGTATACAAGTTTATATTTCTATATTTATATTGTTATTGGTCACTTTCCTCTCACAGT	74215
Query	506683	TTCAATATCAGGATTTTCGTTGACTTGTTTTTCTTTAAAAAGGCGAAATGAAAAGGGTGTC	506742
Sbjct	74214	TTCAATATCAGGATTTTCGTTGACTTGTTTTTCTTTAAAAAGGCGAAATGAAAAGGGTGTC	74155
Query	506743	GAATCCTTGCTTCAGTTTAAATTTCTGTTGATTGGCAGGATATGCCTGCACTCTGTTTTA	506802
Sbjct	74154	GAATCCTTGCTTCAGTTTAAATTTCTGTTGATTGGCAGGATATGCCTGCACTCTGTTTTA	74095
Query	506803	CCATGAACAATTACTTGTGCTTCACTAGCAAGCCACATTTAAATGAGCTTGCAGCATC	506862
Sbjct	74094	CCATGAACAATTACTTGTGCTTCACTAGCAAGCCACATTTAAATGAGCTTGCAGCATC	74035
Query	506863	ATATTAAACAGCTAACATTTACAGAATATAAACTTTTTGCACAAAATGCTGCTCTTATGT	506922
Sbjct	74034	ATATTAAACAGCTAACATTTACAGAATATAAACTTTTTGCACAAAATGCTGCTCTTATGT	73975
Query	506923	TTTCAATCTGTAGACATTTTCTTTTCTATTACTTACGTGTTTCATCTTTTCCTAAGCATTA	506982
Sbjct	73974	TTTCAATCTGTAGACATTTTCTTTTCTATTACTTACGTGTTTCATCTTTTCCTAAGCATTA	73915
Query	506983	TGATTTTATTACACACACTTTCCCAAGTGCTTGAAATAGGGTTATATTGGGGTAAAGGT	507042
Sbjct	73914	TGATTTTATTACACACACTTTCCCAAGTGCTTGAAATAGGGTTATATTGGGGTAAAGGT	73855
Query	507043	ATATTAGTATTTTATCTGTTAGAACACTTGTAAGACTGACATCTGAGTTTATGCAGATTT	507102
Sbjct	73854	ATATTAGTATTTTATCTGTTAGAACACTTGTAAGACTGACATCTGAGTTTATGCAGATTT	73795
Query	507103	GTCTTAAATTGttttgtttgtccttatttttgagttcctttggaagcatatttaactttgtg	507162
Sbjct	73794	GTCTTAAATTGTTTTGTTTGCCTTATTTTTGAGTTCTTTGGAAGCATATTAACTTTGTG	73735
Query	507163	gatcttttattttttttGTCTATTTTTAAAAGATGATTAAGAATTTTAGAAAACAAATAG	507222
Sbjct	73734	GATCTTTTATTTTTTTTGTCTATTTTTAAAAGATGATTAAGAATTTTAGAAAACAAATAG	73675

Query	507223	CAACTTTAACTGACATAAAAGCATTAATATGAGAGTATAACAGTTCTCCCTATCTTCATCT	507282
Sbjct	73674	CAACTTTAACTGACATAAAAGCATTAATATGAGAGTATAACAGTTCTCCCTATCTTCATCT	73615
Query	507283	TTAAGTTCTTGATCTATTTTCAGTGTGTCATAATCATCAGTTTTATTCTTCTAGGATTGG	507342
Sbjct	73614	TTAAGTTCTTGATCTATTTTCAGTGTGTCATAATCATCAGTTTTATTCTTCTAGGATTGG	73555
Query	507343	CAGCCTCCTTTTGCTGTAGAAATTGATAACTTCAGATTTACTCCTCGAATTCAGAGACTT	507402
Sbjct	73554	CAGCCTCCTTTTGCTGTAGAAATTGATAACTTCAGATTTACTCCTCGAATTCAGAGACTT	73495
Query	507403	AATGAACTGGAGGTAAAAAATTTGTTTCTATAGAACAATTACAATTCTAATCTTTCTGAT	507462
Sbjct	73494	AATGAACTGGAGGTAAAAAATTTGTTTCTATAGAACAATTACAATTCTAATCTTTCTGAT	73435
Query	507463	TTTACAATGACTTGTATTTAATTTCTGATATCAAATATAGTTTATTGCAACCCACTGTTA	507522
Sbjct	73434	TTTACAATGACTTGTATTTAATTTCTGATATCAAATATAGTTTATTGCAACCCACTGTTA	73375
Query	507523	TCTTAAAAATATTAATTTTATGAAGCATCTTCTTTAAAAACAAAATATTGATTTATAAAATT	507582
Sbjct	73374	TCTTAAAAATATTAATTTTATGAAGCATCTTCTTTAAAAACAAAATATTGATTTATAAAATT	73315
Query	507583	CTAGAACATGAAGGTTTTAACATCCAATTATATGGGAGACTAAGGTTAAAGCTACAAAGA	507642
Sbjct	73314	CTAGAACATGAAGGTTTTAACATCCAATTATATGGGAGACTAAGGTTAAAGCTACAAAGA	73255
Query	507643	AAGTAAAGATAGGATGTAAGTAATCCTAAATAGGAAATAAGAAAAATGGGGTCTAGAATT	507702
Sbjct	73254	AAGTAAAGATAGGATGTAAGTAATCCTAAATAGGAAATAAGAAAAATGGGGTCTAGAATT	73195
Query	507703	TTAATCATACCTCTTGATATAA <b>ttttttt</b> AAAGCATAGGTTATTTATCAGCTAGTCCCCTC	507762
Sbjct	73194	TTAATCATACCTCTTGATATAA <b>TTTTTTT</b> AAAGCATAGGTTATTTATCAGCTAGTCCCCTC	73135
Query	507763	TATTACTTCTTCCCCCACTCTGAAGTGTTGCCTTTTCTTTTCTAGTTTATTCTCTCC	507822
Sbjct	73134	TATTACTTCTTCCCCCACTCTGAAGTGTTGCCTTTTCTTTTCTAGTTTATTCTCTCC	73075
Query	507823	TGCACCTAAGGGTTAGAGATCATTGTGGAAAAGGGAATAGTGATGTTGAACAAGCAAAGG	507882
Sbjct	73074	TGCACCTAAGGGTTAGAGATCATTGTGGAAAAGGGAATAGTGATGTTGAACAAGCAAAGG	73015
Query	507883	AACAGGAAGTTTGCTTTGAGAGTATATCTCCTGGAAATGTTAAAGAAACTATGCATAAGA	507942
Sbjct	73014	AACAGGAAGTTTGCTTTGAGAGTATATCTCCTGGAAATGTTAAAGAAACTATGCATAAGA	72955
Query	507943	AATCTTACCAACAAGGGAGTGTAACATGATCTAAACAGGGATGACACCAATAATAGAAA	508002
Sbjct	72954	AATCTTACCAACAAGGGAGTGTAACATGATCTAAACAGGGATGACACCAATAATAGAAA	72895
Query	508003	ACTCAGGAGCTCTCAACCTTAGAGAAATAACTATAGGGCTCTAAGGAAAGCTGAACGTGG	508062
Sbjct	72894	ACTCAGGAGCTCTCAACCTTAGAGAAATAACTATAGGGCTCTAAGGAAAGCTGAACGTGG	72835
Query	508063	GAGAAATAGTGTGGTGCCCTCACAAGGAATAATGTACCAGTTTGTTATTTTCATACCATT	508122
Sbjct	72834	GAGAAATAGTGTGGTGCCCTCACAAGGAATAATGTACCAGTTTGTTATTTTCATACCATT	72775
Query	508123	GGTGAGCCCTGAAAACATATACATACACATACAGACTGAGCAAATCATATTTATGTATTT	508182
Sbjct	72774	GGTGAGCCCTGAAAACATATACATACACATACAGACTGAGCAAATCATATTTATGTATTT	72715
Query	508183	AGAATAAATAATAGAATATTTTGAATGTACATCTATTTGCATTATCAGACTAAGAAGTCA	508242
Sbjct	72714	AGAATAAATAATAGAATATTTTGAATGTACATCTATTTGCATTATCAGACTAAGAAGTCA	72655
Query	508243	TGTATTTGAAAGAGAACAAGGAGATAGTAAACTGGAAGGTTTGAGAGAAAGGAATGGGAAG	508302
Sbjct	72654	TGTATTTGAAAGAGAACAAGGAGATAGTAAACTGGAAGGTTTGAGAGAAAGGAATGGGAAG	72595
Query	508303	AGGGAAATTATGATAATATAATTATAAAATATATTTTTTAAAAAGCAACCAAACAGGAAGT	508362
Sbjct	72594	AGGGAAATTATGATAATATAATTATAAAATATATTTTTTAAAAAGCAACCAAACAGGAAGT	72535
Query	508363	TGAAAGTGGGACAAAAAGTAAGCCCAAGTTACTGACCTTCTTCTTTCCAGGCCCAGACT	508422
Sbjct	72534	TGAAAGTGGGACAAAAAGTAAGCCCAAGTTACTGACCTTCTTCTTTCCAGGCCCAGACT	72475
Query	508423	AGAGTAAACTGAACTATTTGGATCAAATTGCAAAATCTGGGAAATTCAAGGCTCTTCC	508482
Sbjct	72474	AGAGTAAACTGAACTATTTGGATCAAATTGCAAAATCTGGGAAATTCAAGGCTCTTCC	72415
Query	508483	TTAAAGATACCTAATGTGGAAAGGAAAAATCTTGGACCTTTACAGCCTTAATAAGGTAAGA	508542
Sbjct	72414	TTAAAGATACCTAATGTGGAAAGGAAAAATCTTGGACCTTTACAGCCTTAATAAGGTAAGA	72355
Query	508543	GTAGTTCATAAG <b>aaaaaaaaa</b> GGCATAACTAGAAAACATACTTTCTTTTATATATGCT	508602

Sbjct	72354	TTCATAAGAAAAAAGGCATAACTAGAAAACATACTTTCTTTTATATATGCT	72295
Query	508603	TAGAAAGGAGTACTAAAGTACCTGACAATAATTCTTGGCTTAATGTTTGAGTTATACAGT	508662
Sbjct	72294	TAGAAAGGAGTACTAAAGTACCTGACAATAATTCTTGGCTTAATGTTTGAGTTATACAGT	72235
Query	508663	GGTTAAGTATTGGAAGGATGTGATATTTTTCTGCATTAAGGGTCATTGCAAAATTTAGA	508722
Sbjct	72234	GGTTAAGTATTGGAAGGATGTGATATTTTTCTGCATTAAGGGTCATTGCAAAATTTAGA	72175
Query	508723	TTTCCCTAGTGTGTTTCATGATTTATATCCTTTTCTTATCCTTTCAGATTGTGATAGAGGA	508782
Sbjct	72174	TTTCCCTAGTGTGTTTCATGATTTATATCCTTTTCTTATCCTTTCAGATTGTGATAGAGGA	72115
Query	508783	AGGTGGATATGAAGCAATCTGCAAAGACCGTCGGTGGGCCCGTGTGCCCCAACGCCTTAA	508842
Sbjct	72114	AGGTGGATATGAAGCAATCTGCAAAGACCGTCGGTGGGCCCGTGTGCCCCAACGCCTTAA	72055
Query	508843	TTACCCATCAGGAAAAACATTGGTTCCTTCTACGGTCTCACTATGAACGGATCATTTA	508902
Sbjct	72054	TTACCCATCAGGAAAAACATTGGTTCCTTCTACGGTCTCACTATGAACGGATCATTTA	71995
Query	508903	CCCTTATGAAATGTTTCAGTCTGGAGCTAATCATGTGGTAAGGGTTGTAACAGACTTGGA	508962
Sbjct	71994	CCCTTATGAAATGTTTCAGTCTGGAGCTAATCATGTGGTAAGGGTTGTAACAGACTTGGA	71935
Query	508963	ACTTGATACAAGatttgatttccttttgtttttatttcctttccttgtaaatcttggcattta	509022
Sbjct	71934	ACTTGATACAAGATTTGATTTCTTTTGTTTTATTCTTTCTTTGTAATCTTGGCATTTA	71875
Query	509023	ttttgaatttgTGGGACATTTAAAATTTATTAGTATATTTTGAAATTTTAGGAATAGGCCT	509082
Sbjct	71874	TTTTGAATTGTGGGACATTTAAAATTTATTAGTATATTTTGAAATTTTAGGAATAGGCCT	71815
Query	509083	TCGGACACTTGCTTATATAAAGCTTTATTATTCTGCCTATGGTAGGTAAACTTTACTGAG	509142
Sbjct	71814	TCGGACACTTGCTTATATAAAGCTTTATTATTCTGCCTATGGTAGGTAAACTTTACTGAG	71755
Query	509143	CTCCTTTTTATCTTGGAAGTTATTATTATAAATGAAATCATATACTAGAGAAGTGCAAT	509202
Sbjct	71754	CTCCTTTTTATCTTGGAAGTTATTATTATAAATGAAATCATATACTAGAGAAGTGCAAT	71695
Query	509203	TACATCAGATTGTTATCTGAAACTATTAAGCTTCCTTGTTTTATCAGTTTCATAGTTTAG	509262
Sbjct	71694	TACATCAGATTGTTATCTGAAACTATTAAGCTTCCTTGTTTTATCAGTTTCATAGTTTAG	71635
Query	509263	GTGTCTAAAATGAGTAAACTAGGATTTGGTTTAACTGAATGATTAATTAGGTATTTTAAA	509322
Sbjct	71634	GTGTCTAAAATGAGTAAACTAGGATTTGGTTTAACTGAATGATTAATTAGGTATTTTAAA	71575
Query	509323	TATTACATATATATATGTTAATGTTTTGTGCTGAACTCACATTCTTTATACATATATAT	509382
Sbjct	71574	TATTACATATATATATGTTAATGTTTTGTGCTGAACTCACATTCTTTATACATATATAT	71515
Query	509383	GAGTTTATATGATAATAAATACATATTTTTCTCCATACCAGCAATGTAACACAGATCCAT	509442
Sbjct	71514	GAGTTTATATGATAATAAATACATATTTTTCTCCATACCAGCAATGTAACACAGATCCAT	71455
Query	509443	TTGACAGTGAAGAAAAAGCAAGGAGTACAAACCTCATAGCATCCCTCTGAGACAGTCTG	509502
Sbjct	71454	TTGACAGTGAAGAAAAAGCAAGGAGTACAAACCTCATAGCATCCCTCTGAGACAGTCTG	71395
Query	509503	TTCAGCCATTAAAAATTCAGTTGCTACAGTAGACGAGCAAAAAGGCTACAACCTGAGGTAA	509562
Sbjct	71394	TTCAGCCATTAAAAATTCAGTTGCTACAGTAGACGAGCAAAAAGGCTACAACCTGAGGTAA	71335
Query	509563	ACTGTGTTTTCTTTTAATAAGCTTCCAGAGTTAGTTTACAAATTGAGTTTAGGTGAAAA	509622
Sbjct	71334	ACTGTGTTTTCTTTTAATAAGCTTCCAGAGTTAGTTTACAAATTGAGTTTAGGTGAAAA	71275
Query	509623	ATCCATGTTTCAGAGGACATTTAAACAAATAAATAAACAATCAGGAAAAGGGGAAAAAAGC	509682
Sbjct	71274	ATCCATGTTTCAGAGGACATTTAAACAAATAAATAAACAATCAGGAAAAGGGGAAAAAAGC	71215
Query	509683	TGACATGAATTATTAAGCTGAAACTAGTAAGAAATGGGCACTTTCATTTATAATTAATAG	509742
Sbjct	71214	TGACATGAATTATTAAGCTGAAACTAGTAAGAAATGGGCACTTTCATTTATAATTAATAG	71155
Query	509743	TAttttttatttttatttGTTCTTTACTTGTTCAGAGTGAATATTCTTATAGCTCTAAAC	509802
Sbjct	71154	TATTTTTTATTTTTATTGTTCTTTACTTGTTCAGAGTGAATATTCTTATAGCTCTAAAC	71095
Query	509803	TCATTTTTATTAATCatatatatatatatatttttttttttgggttccttttttttGGAG	509862
Sbjct	71094	TCATTTTTATTAATCATATATATATATATATTTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTTTGGAG	71035
Query	509863	CTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAAT	509922
Sbjct	71034	CTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAAT	70975

Query	509923	CCCCAACCCCTTATTAATCATATTTTATAAGGTATATAATGAGCTTTGAAAAATAACAAA	509982
Sbjct	70974	CCCCAACCCCTTATTAATCATATTTTATAAGGTATATAATGAGCTTTGAAAAATAACAAA	70915
Query	509983	TATGCCtaaaaaatataaaaacttttggtgtgtgttcaaaatgtcatgaaaatgttaaaatacc	510042
Sbjct	70914	TATGCCATAAAATATAAACTTTGTGTGTGTTCAAAATGTCATGAAAATGTTAAAATACC	70855
Query	510043	taaaaatgtaaaatatataaattttttataaatgttcaaaatgtcatgaaaaatgttatatC	510102
Sbjct	70854	TAAAAATGTAAATATATAATTTTTATAAATGTTCAAAATGTCATGAAAAATGTTATATC	70795
Query	510103	TAGCATACTTTTTTATTGGATTTTTTAAATTTTACATTTCAAATAGTATCCCTTTTCTG	510162
Sbjct	70794	TAGCATACTTTTTTATTGGATTTTTTAAATTTTACATTTCAAATAGTATCCCTTTTCTG	70735
Query	510163	GTTTCCCATGCATAAACTGTCTATCCCATCCCCACAATAAGGGTGTTCTCTCTCCCCAA	510222
Sbjct	70734	GTTTCCCATGCATAAACTGTCTATCCCATCCCCACAATAAGGGTGTTCTCTCTCCCCAA	70675
Query	510223	CCACCTACCCCTTCCCTGACATTCCCTTACACTGGGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCTTC	510282
Sbjct	70674	CCACCTACCCCTTCCCTGACATTCCCTTACACTGGGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCTTC	70615
Query	510283	CACTGGTGCCCAACAAGACCATCCTCTGCTACATATGTAGCTGGAGCCATGGGTCTCTCC	510342
Sbjct	70614	CACTGGTGCCCAACAAGACCATCCTCTGCTACATATGTAGCTGGAGCCATGGGTCTCTCC	70555
Query	510343	ATGTATAGTCTTAGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGGAAACATGTTGTTCTTATGGGGTTGCA	510402
Sbjct	70554	ATGTATAGTCTTAGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGGAAACATGTTGTTCTTATGGGGTTGCA	70495
Query	510403	AGCCCCCTTCAGTCTTTTCAGTACTTTCTCTAATTTCTCCAACCAGGACTCTGTTCTCAGT	510462
Sbjct	70494	AGCCCCCTTCAGTCTTTTCAGTACTTTCTCTAATTTCTCCAACCAGGACTCTGTTCTCAGT	70435
Query	510463	TTAATGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTAGTCATTCTCTGCAGAGCCTCTCAGG	510522
Sbjct	70434	TTAATGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTAGTCATTCTCTGCAGAGCCTCTCAGG	70375
Query	510523	AGACAGGGATATTAGGCTCCTGTGTCAGCATGCACCTCTTGATTTTATCAATATTGTCTGGG	510582
Sbjct	70374	AGACAGGGATATTAGGCTCCTGTGTCAGCATGCACCTCTTGATTTTATCAATATTGTCTGGG	70315
Query	510583	TTTGGTGTTGtatatatatacatatatatGTATGGGCTGGATTCCAGATGGGGCAGTCTGT	510642
Sbjct	70314	TTTGGTGTTGTATATATACATATATATGTATGGGCTGGATTCCAGATGGGGCAGTCTGT	70255
Query	510643	GAATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCACCTCCTAAGAATATTTTTG	510702
Sbjct	70254	GAATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCACCTCCTAAGAATATTTTTG	70195
Query	510703	TTTCCCTTTTGGAGACGGACTGAAATATCTGTCCTTTGGTTGTCCTTCTTCTTGAGCTTC	510762
Sbjct	70194	TTTCCCTTTTGGAGACGGACTGAAATATCTGTCCTTTGGTTGTCCTTCTTCTTGAGCTTC	70135
Query	510763	ATGGGGTCTTTGGATTGTATCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATGTGTTGCtt	510822
Sbjct	70134	ATGGGGTCTTTGGATTGTATCTTGGGCCACTTATCAGTGAGTGTTTACCATGTGTTGCTT	70075
Query	510823	ttttttttAATTGGGGTACCTCAGGATGATATTTTCTAGTTCCATCTATTTGCCTATGA	510882
Sbjct	70074	TTTTTTTTAATTGGGGTACCTCAGGATGATATTTTCTAGTTCCATCTATTTGCCTATGA	70015
Query	510883	ATTCATAAAGTCAttttttttGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGAACCACA	510942
Sbjct	70014	ATTCATAAAGTCATTTTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGAACCACA	69955
Query	510943	TTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTA	511002
Sbjct	69954	TTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTA	69895
Query	511003	TAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTGTATGTTGGGGCATCAT	511062
Sbjct	69894	TAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTGTATGTTGGGGCATCAT	69835
Query	511063	TTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTC	511122
Sbjct	69834	TTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTC	69775
Query	511123	TGAGGATCCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAAT	511182
Sbjct	69774	TGAGGATCCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAAT	69715
Query	511183	GGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGA	511242
Sbjct	69714	GGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGA	69655
Query	511243	TCTTAGCTATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTGTTTTGATTTGCATTTCCC	511302



Sbjct	69654	T C T T A G C T A T T C T G A C T G G T G T G A G G T G G A A T C T C A G G G T T G T T T T G A T T T G C A T T T C C C	69595
Query	511303	T T A T G A C T A A A G A T G T T G A A C A T T T C T T T A G G T G C T T C T C A G C C A T T C G G C A T T C C T C A G	511362
Sbjct	69594	T T A T G A C T A A A G A T G T T G A A C A T T T C T T T A G G T G C T T C T C A G C C A T T C G G C A T T C C T C A G	69535
Query	511363	C T G T G A C T T C T T T G T T T A G C T C T G A A C C C C A T T T T T A A T A G G G T T A T T T G T C T C C C T G C G	511422
Sbjct	69534	C T G T G A C T T C T T T G T T T A G C T C T G A A C C C C A T T T T T A A T A G G G T T A T T T G T C T C C C T G C G	69475
Query	511423	G T C T A A C T T C T T G A G T T C T T T G T A T A T T T T G G A T A T A A G C C C T C T A T C T G T T G T A G G A T T	511482
Sbjct	69474	G T C T A A C T T C T T G A G T T C T T T G T A T A T T T T G G A T A T A A G C C C T C T A T C T G T T G T A G G A T T	69415
Query	511483	G G T A A A G A T C T T T T C C C A A T C T G T T G G T T G T C G T T C T G T C C T A A C C A C A G T T T C C T T T A C	511542
Sbjct	69414	G G T A A A G A T C T T T T C C C A A T C T G T T G G T T G T C G T T C T G T C C T A A C C A C A G T T T C C T T T A C	69355
Query	511543	C T T A C A G A A G G T T T G C A G T T T T A T G A G A T G C C A T T T G T C A A T T C T T G A T C T T A G A G C A T A	511602
Sbjct	69354	C T T A C A G A A G G T T T G C A G T T T T A T G A G A T G C C A T T T G T C A A T T C T T G A T C T T A G A G C A T A	69295
Query	511603	A G C C T T T G G T G T T T T T T C G G G A T T T T T C C C C A G T A C C C A T G T G T T T G A G A C T T T T C C C C A	511662
Sbjct	69294	A G C C T T T G G T G T T T T T T C G G G A T T T T T C C C C A G T A C C C A T G T G T T T G A G A C T T T T C C C C A	69235
Query	511663	C T T T T T C T T C T A T T A G T T T G A T T G T A T C T G G T T T G A T G T G G A G G T C C T T G A T C C A C T T G G	511722
Sbjct	69234	C T T T T T C T T C T A T T A G T T T G A T T G T A T C T G G T T T G A T G T G G A G G T C C T T G A T C C A C T T G G	69175
Query	511723	A C T T A A G C T T T T G T A C A G G A T A A T G A G C A T G G A T T G A T C T G C A T T C T T C T A C A T G C T G A C C	511782
Sbjct	69174	A C T T A A G C T T T T G T A C A G G A T A A T G A G C A T G G A T T G A T C T G C A T T C T T C T A C A T G C T G A C C	69115
Query	511783	T C T A G T T G A A C C A G C A C C A T T T G C T G A A A A T G C T A T C T T T T T T C C A T T G A A T G G T T T C T G	511842
Sbjct	69114	T C T A G T T G A A C C A G C A C C A T T T G C T G A A A A T G C T A T C T T T T T T C C A T T G A A T G G T T T C T G	69055
Query	511843	C T C C T T T T T C A A A A A T C A A G T G C C C A T A G G T G T G T G G G T T C A T T T C T G G G T C T T C A A T T C	511902
Sbjct	69054	C T C C T T T T T C A A A A A T C A A G T G C C C A T A G G T G T G T G G G T T C A T T T C T G G G T C T T C A A T T C	68995
Query	511903	T G T T C A A T T G G T C T A T C T G T C T G T C T G T A C C A G T A C C A T G C A G T T T T T A T C A C T A T T G	511962
Sbjct	68994	T G T T C A A T T G G T C T A T C T G T C T G T C T G T A C C A G T A C C A T G C A G T T T T T A T C A C T A T T G	68935
Query	511963	C T C T G T A A T A C T G C T T G A G T T C A G G G A T A G T G A T T C C C C C T G A A G T C C T T T T A T T G T T G A	512022
Sbjct	68934	C T C T G T A A T A C T G C T T G A G T T C A G G G A T A G T G A T T C C C C C T G A A G T C C T T T T A T T G T T G A	68875
Query	512023	G G A T A G T T T T A G C T A T C C T G G G T T T T T G T T A T T C C A G A T G A A T T G C A A A T G T T C T G T C	512082
Sbjct	68874	G G A T A G T T T T A G C T A T C C T G G G T T T T T G T T A T T C C A G A T G A A T T G C A A A T G T T C T G T C	68815
Query	512083	T A A T T C T T T T G A A G A A T T G G A T T G G A A T T T T G A T G G G G A T T G C A T T G A A T C T G T A G A T T G C	512142
Sbjct	68814	T A A T T C T T T T G A A G A A T T G G A T T G G A A T T T T G A T G G G G A T T G C A T T G A A T C T G T A G A T T G C	68755
Query	512143	T T T T G G T A A A A T G G C C A T T T T T A C T A T G T T A A T C C T G C C A A T C C A T G A G C A T G G G A G A T C	512202
Sbjct	68754	T T T T G G T A A A A T G G C C A T T T T T A C T A T G T T A A T C C T G C C A A T C C A T G A G C A T G G G A G A T C	68695
Query	512203	T T T C C A T C T T C T G A G A T C T T C T T C A A T T T C T T T C T T C A G A G G C T T G A A G T T C T T A T T G T A	512262
Sbjct	68694	T T T C C A T C T T C T G A G A T C T T C T T C A A T T T C T T T C T T C A G A G G C T T G A A G T T C T T A T T G T A	68635
Query	512263	C A G A T C T T T T A C T T G C T T G G T T A A G T C A C A C C G A G G T A C T T T A T A T T A T T T G G G T C T A T T	512322
Sbjct	68634	C A G A T C T T T T A C T T G C T T G G T T A A G T C A C A C C G A G G T A C T T T A T A T T A T T T G G G T C T A T T	68575
Query	512323	A T G A A G G G T G T C G T T T C C C A A A T T T C T T T C T C G G C T T G T T T C T T T T G T G T A G A A G G C T	512382
Sbjct	68574	A T G A A G G G T G T C G T T T C C C A A A T T T C T T T C T C G G C T T G T T T C T T T T G T G T A G A A G G C T	68515
Query	512383	A C T G A T T T A T T T G A G T T A A T T T T A T A C C C A G C C A C T T T G C T G A A G G T G T T T A T C A G C T T T	512442
Sbjct	68514	A C T G A T T T A T T T G A G T T A A T T T T A T A C C C A G C C A C T T T G C T G A A G G T G T T T A T C A G C T T T	68455
Query	512443	A G T A G T T C T C T C G T G G A A C T T T T C G G A T C A T T T A A A T A T A C T A T C A T A T C A T C T G C A A A T	512502
Sbjct	68454	A G T A G T T C T C T C G T G G A A C T T T T C G G A T C A T T T A A A T A T A C T A T C A T A T C A T C T G C A A A T	68395
Query	512503	A G T G A T A T T T T G A C T T C T T C C T T T C C A A T C T G T A T C C C T T T G A T C T C C T T T T G T T G T C T G	512562
Sbjct	68394	A G T G A T A T T T T G A C T T C T T C C T T T C C A A T C T G T A T C C C T T T G A T C T C C T T T T G T T G T C T G	68335
Query	512563	C T T G C T C T G G C T A G G A C T T T G A G A A C T A T A T T G A A T A A G T A G G G A G A G A G T G G G C A G C C T	512622
Sbjct	68334	C T T G C T C T G G C T A G G A C T T T G A G A A C T A T A T T G A A T A A G T A G G G A G A G A G T G G G C A G C C T	68275

Query	512623	TGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATATTA	512682
Sbjct	68274	TGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATATTA	68215
Query	512683	GCTACTTGTTTTGTTGAATATGGTTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTGTT	512742
Sbjct	68214	GCTACTTGTTTTGTTGAATATGGTTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTGTT	68155
Query	512743	CTTTCCAGGACTTACAAAGCGGTGTTGAATTTTGTCAGATGCTTTCTCAGCATCTAATGA	512802
Sbjct	68154	CTTTCCAGGACTTACAAAGCGGTGTTGAATTTTGTCAGATGCTTTCTCAGCATCTAATGA	68095
Query	512803	AATGATCATATGGTTTTTATCTTTCAGTTTGTTTATGCAGTGGATTACGTTGATGGTTTT	512862
Sbjct	68094	AATGATCATATGGTTTTTATCTTTCAGTTTGTTTATGCAGTGGATTACGTTGATGGTTTT	68035
Query	512863	CCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGTCTACTTGATCATGGTGGATGAT	512922
Sbjct	68034	CCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGTCTACTTGATCATGGTGGATGAT	67975
Query	512923	TGTTTTGATGTGCTCTTGGATTCAAGTTTGCAAGAATTTATTGAGTATTTTGCATTGAT	512982
Sbjct	67974	TGTTTTGATGTGCTCTTGGATTCAAGTTTGCAAGAATTTATTGAGTATTTTGCATTGAT	67915
Query	512983	ATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTCTTTTTCTTGTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGG	513042
Sbjct	67914	ATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTCTTTTTCTTGTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGG	67855
Query	513043	TATAAGAGTAATTCTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGCACTCCATCTGTTTCAATTTT	513102
Sbjct	67854	TATAAGAGTAATTCTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGCACTCCATCTGTTTCAATTTT	67795
Query	513103	GTGGAATAGGTTGGATAAATTTGGTATGAGGTCCTCTATGAAGATCTGATAGAATTCTGC	513162
Sbjct	67794	GTGGAATAGGTTGGATAAATTTGGTATGAGGTCCTCTATGAAGATCTGATAGAATTCTGC	67735
Query	513163	ACTGAACCCATCTGGACCTGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACTTTTAATAATGGCTTCTAT	513222
Sbjct	67734	ACTGAACCCATCTGGACCTGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACTTTTAATAATGGCTTCTAT	67675
Query	513223	TTCTTTACGAGATACTGGGTTGTTTAAATGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAACTTGGATAC	513282
Sbjct	67674	TTCTTTACGAGATACTGGGTTGTTTAAATGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAACTTGGATAC	67615
Query	513283	CTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCTTTTCTCCAGATTTTCAAGTTTGTGAATATAG	513342
Sbjct	67614	CTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCTTTTCTCCAGATTTTCAAGTTTGTGAATATAG	67555
Query	513343	GCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAGTTATATCTCC	513402
Sbjct	67554	GCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAGTTATATCTCC	67495
Query	513403	CTTTTCATTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGAACACACTCTCTGTGCCCTTTGGTTAG	513462
Sbjct	67494	CTTTTCATTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGAACACACTCTCTGTGCCCTTTGGTTAG	67435
Query	513463	TCTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGGTTCTGTT	513522
Sbjct	67434	TCTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGGTTCTGTT	67375
Query	513523	GATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTAT	513582
Sbjct	67374	GATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTAT	67315
Query	513583	TTCTGCCTTCTCATCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTGTCTAGAGCTTTTAGGTG	513642
Sbjct	67314	TTCTGCCTTCTCATCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTGTCTAGAGCTTTTAGGTG	67255
Query	513643	TGCTGTCAAGGTGGTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAGCTAT	513702
Sbjct	67254	TGCTGTCAAGGTGGTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAGCTAT	67195
Query	513703	GAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGAATGTTGTACCTTC	513762
Sbjct	67194	GAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGAATGTTGTACCTTC	67135
Query	513763	ATTTTCATTAAATTTCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTGTTTATTCTTCCCTTGACCAGGAT	513822
Sbjct	67134	ATTTTCATTAAATTTCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTGTTTATTCTTCCCTTGACCAGGAT	67075
Query	513823	ATCATTTAAGTAGAGAATTGTTCAACTTCCATGTATATATGGGCGTTCTTCCCTTATTGT	513882
Sbjct	67074	ATCATTTAAGTAGAGAATTGTTCAACTTCCATGTATATATGGGCGTTCTTCCCTTATTGT	67015
Query	513883	TATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGTCTGATAGGACACATGGGATTATTTCTATCT	513942
Sbjct	67014	TATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGTCTGATAGGACACATGGGATTATTTCTATCT	66955
Query	513943	TTCTGTATCTGTTGAGGTCTGTTTTATGACCAATTATATGTTCAATTTTGGAGAAAGTAC	514002

Sbjct	66954	TTCTGTATCTGTTGAGGTCGTGTTTATGACCAATTATATGTTCAATTTTGGAGAAAGTAC	66895
Query	514003	CATGAGGTGGAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATAT	514062
Sbjct	66894	CATGAGGTGGAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATAT	66835
Query	514063	CTGTTAAGTCCATTTGGTTTCATGACTTCTCCTAGTCTGTCTAAGTCTCTGTTTAATTTCT	514122
Sbjct	66834	CTGTTAAGTCCATTTGGTTTCATGACTTCTCCTAGTCTGTCTAAGTCTCTGTTTAATTTCT	66775
Query	514123	GTTTCCATGATCCGTCCGTTGATGAGAGTGGGGTCTTGAAATCTCCAACATTATTGTGT	514182
Sbjct	66774	GTTTCCATGATCCGTCCGTTGATGAGAGTGGGGTCTTGAAATCTCCAACATTATTGTGT	66715
Query	514183	GAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTATGTATGTAGTTGCCCTTGATTT	514242
Sbjct	66714	GAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTATGTATGTAGTTGCCCTTGATTT	66655
Query	514243	GGAGCATAGACATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTTGTGGTTTTTTCCTTTGATGAATATA	514302
Sbjct	66654	GGAGCATAGACATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTTGTGGTTTTTTCCTTTGATGAATATA	66595
Query	514303	GAGTGACCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTAGTTGAAAATTGATTTTATTTGATATTA	514362
Sbjct	66594	GAGTGACCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTAGTTGAAAATTGATTTTATTTGATATTA	66535
Query	514363	GAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTTGACCATTTGCTTGGAAGTTGTTTTCCCGCCTT	514422
Sbjct	66534	GAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTTGACCATTTGCTTGGAAGTTGTTTTCCCGCCTT	66475
Query	514423	TCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATG	514482
Sbjct	66474	TCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATG	66415
Query	514483	CAGGGTCCTCATTGCGTATCTAGTTTATTAATCTATGTCATTTTATTGGGGAGTTGAGTC	514542
Sbjct	66414	CAGGGTCCTCATTGCGTATCTAGTTTATTAATCTATGTCATTTTATTGGGGAGTTGAGTC	66355
Query	514543	CATTGATACTGAGAGATATTAAAAATAGTGATTATGCTTCCTATTATATTCATATTTAG	514602
Sbjct	66354	CATTGATACTGAGAGATATTAAAAATAGTGATTATGCTTCCTATTATATTCATATTTAG	66295
Query	514603	ATGTGAGATTATGTTTGTGTGCTTTTCTCTCTTTGTTTTGTTGCAAAACGATTAGTTTC	514662
Sbjct	66294	ATGTGAGATTATGTTTGTGTGCTTTTCTCTCTTTGTTTTGTTGCAAAACGATTAGTTTC	66235
Query	514663	TTGCTTTGTGTAGGGTGTAGCTTGTCTCTTTGTGTTGGGCTTTACCATTTATTATCCTTT	514722
Sbjct	66234	TTGCTTTGTGTAGGGTGTAGCTTGTCTCTTTGTGTTGGGCTTTACCATTTATTATCCTTT	66175
Query	514723	GTAGGGTTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAATTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGG	514782
Sbjct	66174	GTAGGGTTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAATTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGG	66115
Query	514783	TTTTTCCATCTATGTTAATTGAGAATTTGTAGGTTACAGTAACCTGGGCTGGTATTTGT	514842
Sbjct	66114	TTTTTCCATCTATGTTAATTGAGAATTTGTAGGTTACAGTAACCTGGGCTGGTATTTGT	66055
Query	514843	GTTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTT	514902
Sbjct	66054	GTTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTT	65995
Query	514903	AAAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTCCCTTA	514962
Sbjct	65994	AAAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTCCCTTA	65935
Query	514963	CTGCTTTTAATATTCTTTCCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTATGTGACGGG	515022
Sbjct	65934	CTGCTTTTAATATTCTTTCCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTATGTGACGGG	65875
Query	515023	AGTAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCGTAGGCTTCTTGTAACCTATGG	515082
Sbjct	65874	AGTAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCGTAGGCTTCTTGTAACCTATGG	65815
Query	515083	GTATCTCtttttttAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTG	515142
Sbjct	65814	GTATCTCTTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTG	65755
Query	515143	GTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTC	515202
Sbjct	65754	GTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTC	65695
Query	515203	TCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTTTACATTAT	515262
Sbjct	65694	TCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTTTACATTAT	65635
Query	515263	CTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTCCTGCTCCTGAGATTCTCTTCTA	515322
Sbjct	65634	CTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTCCTGCTCCTGAGATTCTCTTCTA	65575

Query	515323	TCTCTTGTAATCTGTTGGTGAAGCTTGTATTTATGGCTCCTTGTCTCTTCCTTTGGT	515382
Sbjct	65574	TCTCTTGTAATCTGTTGGTGAAGCTTGTATTTATGGCTCCTTGTCTCTTCCTTTGGT	65515
Query	515383	CTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTTTCTTTATTGCTTCTCtttacatttttaatt	515442
Sbjct	65514	CTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTTTCTTTATTGCTTCTCTTTACATTTTAAATT	65455
Query	515443	cctttacctggtttggttggttttccctttcattttttcagggatttttgatcatctc	515502
Sbjct	65454	CCTTTACCTGTTTGGTGTGTTTCCCTTTCATTTTTTCAGGGATTTTGTGATTCATCTC	65395
Query	515503	tataggcttctattttttcGTGTCTTCCTGCTTTTCTCTAAAGGAGTTCTTATGTCTTT	515562
Sbjct	65394	TATAGGCTTCTATTTTTTCTGTCTTCCTGCTTTTCTCTAAAGGAGTTCTTATGTCTTT	65335
Query	515563	CTTGAAGTCCTCCAGCATTATGATCAAATGTGATTTAAAATTTAGATCTTGT	515622
Sbjct	65334	CTTGAAGTCCTCCAGCATTATGATCAAATGTGATTTAAAATTTAGATCTTGT	65275
Query	515623	TGTGTTTGGATATTCAAGTGTCTTTCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGATGCGATGAA	515682
Sbjct	65274	TGTGTTTGGATATTCAAGTGTCTTTCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGATGCGATGAA	65215
Query	515683	GTTTTGGGTTCTGTTATTTGGGTTCTGTGCTTGCCTCTTGCCATCAGGTTGTCTCTGGT	515742
Sbjct	65214	GTTTTGGGTTCTGTTATTTGGGTTCTGTGCTTGCCTCTTGCCATCAGGTTGTCTCTGGT	65155
Query	515743	GTTACCTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGATCGTCCATAGGCCTGTGTGTCAGG	515802
Sbjct	65154	GTTACCTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGATCGTCCATAGGCCTGTGTGTCAGG	65095
Query	515803	AGTGCTCTAGGCCTATTTTCTGTTTCTCTCAGCCATTTATGGGAACAGATTGTTCTGC	515862
Sbjct	65094	AGTGCTCTAGGCCTATTTTCTGTTTCTCTCAGCCATTTATGGGAACAGATTGTTCTGC	65035
Query	515863	TTTCAGCTGTGTGTCTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGTTGTTTCTGTGGGTGTATGTGC	515922
Sbjct	65034	TTTCAGCTGTGTGTCTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGTTGTTTCTGTGGGTGTATGTGC	64975
Query	515923	TGAGTCCAAAAGGCAGGTCACTTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTAACTCTGGTCTTGGGCC	515982
Sbjct	64974	TGAGTCCAAAAGGCAGGTCACTTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTAACTCTGGTCTTGGGCC	64915
Query	515983	TGAAGTTACTCCCCATGGCTGTGTTCCAGCTTTCTGTGAGAGCAGCAACCAGAAGGTCCT	516042
Sbjct	64914	TGAAGTTACTCCCCATGGCTGTGTTCCAGCTTTCTGTGAGAGCAGCAACCAGAAGGTCCT	64855
Query	516043	GCCCTGCCTTCTCTCATGACCCTGTGAACAGGGGGCCAGATGGTGCTAGGCGTTTTCT	516102
Sbjct	64854	GCCCTGCCTTCTCTCATGACCCTGTGAACAGGGGGCCAGATGGTGCTAGGCGTTTTCT	64795
Query	516103	CTAGAGTCAGAAATGTGGGCAGAGAATAGTTTACTCTTGCTTCCAGGCGTTTCTGCCCC	516162
Sbjct	64794	CTAGAGTCAGAAATGTGGGCAGAGAATAGTTTACTCTTGCTTCCAGGCGTTTCTGCCCC	64735
Query	516163	TCTGAAGGTCTTTCTCTCCTTCCAGGGGATTCGAGTGCAGGGAGCTATTTGACTGGGTC	516222
Sbjct	64734	TCTGAAGGTCTTTCTCTCCTTCCAGGGGATTCGAGTGCAGGGAGCTATTTGACTGGGTC	64675
Query	516223	CCTTCAGATCTGGGGGGTGTCAAGACTGCAGGGGACCTGCAACTTGAGTGCCTCTATCTT	516282
Sbjct	64674	CCTTCAGATCTGGGGGGTGTCAAGACTGCAGGGGACCTGCAACTTGAGTGCCTCTATCTT	64615
Query	516283	CCTGTTCCCAGAGACCCTGTACAGTTTCTCTTGTGCCTGGGATGTGGGCAAAGGTGGGC	516342
Sbjct	64614	CCTGTTCCCAGAGACCCTGTACAGTTTCTCTTGTGCCTGGGATGTGGGCAAAGGTGGGC	64555
Query	516343	TTTACTGGCAGTCTCTCCTGCCAGCAATCTCAGGGATGCCACCTGTCTGGGCAGTGAG	516402
Sbjct	64554	TTTACTGGCAGTCTCTCCTGCCAGCAATCTCAGGGATGCCACCTGTCTGGGCAGTGAG	64495
Query	516403	CTCTCTCTCCCCAGTCATTTCTTACTTTACCACCTCTGTCTAGTCTCCATTTGCACCT	516462
Sbjct	64494	CTCTCTCTCCCCAGTCATTTCTTACTTTACCACCTCTGTCTAGTCTCCATTTGCACCT	64435
Query	516463	CTACCTCATGTTCTTTCTCATCCCTAATATCTATATTTGCTATGTCAACTCCGTCACA	516522
Sbjct	64434	CTACCTCATGTTCTTTCTCATCCCTAATATCTATATTTGCTATGTCAACTCCGTCACA	64375
Query	516523	GtttttttttCTCTGCTCAATGACTACTTTATTATTTCTGACTTCTATAATACCTGAAT	516582
Sbjct	64374	GTTTTTTTTTCTCTGCTCAATGACTACTTTATTATTTCTGACTTCTATAATACCTGAAT	64315
Query	516583	TTAAAGAAATATATCTACATCTGTAGATCTGCCATCTACATGTGACAGAAAATGAGTGGT	516642
Sbjct	64314	TTAAAGAAATATATCTACATCTGTAGATCTGCCATCTACATGTGACAGAAAATGAGTGGT	64255
Query	516643	CTATATCTTTTTGGTTCAGAATTATTTCAAGTATTTTACAGTTCCTTGCAGTTATCTA	516702

Sbjct	64254	ATATCTTTTGGTTTCAGAAATTATTTAGTATTCTTTACAGTTCCTTGCAGTTATCTA	64195
Query	516703	AAATTTAATAATATTTTGCTTTAAAGATACATAAAATTCCATTGTATGGATTAAGttttt	516762
Sbjct	64194	AAATTTAATAATATTTTGCTTTAAAGATACATAAAATTCCATTGTATGGATTAAGTTTTT	64135
Query	516763	ttttttAAATCACCTTTTCATTTTGTGGAAATCTGTGATGATTCATTTTCTGACTTTTG	516822
Sbjct	64134	TTTTTTAAATCACCTTTTCATTTTGTGGAAATCTGTGATGATTCATTTTCTGACTTTTG	64075
Query	516823	TGAATGGAGCTATAGTGAATATGATATACATGTGTTCCCTATGGTACGATGAAGATCCTTT	516882
Sbjct	64074	TGAATGGAGCTATAGTGAATATGATATACATGTGTTCCCTATGGTACGATGAAGATCCTTT	64015
Query	516883	AGGAAATATACAAGAAATATACCATTGGTATGTATTGGTCTCCTCATTGATCTATCTCCA	516942
Sbjct	64014	AGGAAATATACAAGAAATATACCATTGGTATGTATTGGTCTCCTCATTGATCTATCTCCA	63955
Query	516943	ATGTTTTGTGGGATTACTATGGTAATTGTAAAACAGTGAGACTACCCTTTTACCAGCAG	517002
Sbjct	63954	ATGTTTTGTGGGATTACTATGGTAATTGTAAAACAGTGAGACTACCCTTTTACCAGCAG	63895
Query	517003	TATAAGGAtttttggtttgtttgtttgtttgtttCCTACATCTAAACCATTGTTTATTGT	517062
Sbjct	63894	TATAAGGATTTTTTGTGTTGTTTGTGTTGTTTCTTACATCTAAACCATTGTTTATTGT	63835
Query	517063	GATGTATATCGTTAGTGATGGTCGTAGGGGTATTTTCAACTTTTAGAGGACTTTTTACTC	517122
Sbjct	63834	GATGTATATCGTTAGTGATGGTCGTAGGGGTATTTTCAACTTTTAGAGGACTTTTTACTC	63775
Query	517123	TGAATTTAACTGATAACTAGAGTATAGAAGAATATCATTAGGAATACTTATATTGActtt	517182
Sbjct	63774	TGAATTTAACTGATAACTAGAGTATAGAAGAATATCATTAGGAATACTTATATTGACTTT	63715
Query	517183	tttccatttcctttccttttcctttttattcttttgtttttcttttggtttccaagtcattt	517242
Sbjct	63714	TTTCCATTCTCTTTCCTTTCTTTTATCTTTGTTTTTCTTTTTGTTTTCAAGTCATTT	63655
Query	517243	ttGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGGTGGTCCCTCCTCTGGTTTCTGGCCCTGCAGG	517302
Sbjct	63654	TTGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGGTGGTCCCTCCTCTGGTTTCTGGCCCTGCAGG	63595
Query	517303	CAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTG	517362
Sbjct	63594	CAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTGTGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTG	63535
Query	517363	ACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGA	517422
Sbjct	63534	ACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCACATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGA	63475
Query	517423	AGGTTTTATGGATGGGTAAATGTACCAGTCCCGCACTGGGACCCTTGTTAGTTTCAGAAG	517482
Sbjct	63474	AGGTTTTATGGATGGGTAAATGTACCAGTCCCGCACTGGGACCCTTGTTAGTTTCAGAAG	63415
Query	517483	ATGGTTGGTTTCAGACTCACTGTCCCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGAC	517542
Sbjct	63414	ATGGTTGGTTTCAGACTCACTGTCCCCCATTACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGAC	63355
Query	517543	AGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAAT	517602
Sbjct	63354	AGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATCACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAAT	63295
Query	517603	CCTAAAGTCATTTTGTTTTACATTTCTTTGATAACCTAAGGATATTGAGCATCTCTTTAG	517662
Sbjct	63294	CCTAAAGTCATTTTGTTTTACATTTCTTTGATAACCTAAGGATATTGAGCATCTCTTTAG	63235
Query	517663	GTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTT	517722
Sbjct	63234	GTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCTGTGTTGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTT	63175
Query	517723	TTTTAATTGGATTATTTTCATTTGTCGATGTCCAGTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTG	517782
Sbjct	63174	TTTTAATTGGATTATTTTCATTTGTCGATGTCCAGTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTG	63115
Query	517783	ATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTGTTTGTGATGTGGAGTTGGTAAAACCTTT	517842
Sbjct	63114	ATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTGTTTGTGATGTGGAGTTGGTAAAACCTTT	63055
Query	517843	CCCATTTTGTAGACGGCTCTTTTGTCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGT	517902
Sbjct	63054	CCCATTTTGTAGACGGCTCTTTTGTCTACTGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGT	62995
Query	517903	CCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGTTTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTGTCTCCTGT	517962
Sbjct	62994	CCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGTTTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTGTCTCCTGT	62935
Query	517963	GCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACCTTCTCTTCTGTTAGGTTTAGTGTATCTGGTTG	518022
Sbjct	62934	GCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACCTTCTCTTCTGTTAGGTTTAGTGTATCTGGTTG	62875

Query	518023	TATGTCTATGTCTTTAAGTCACTTGGACTGGAGTTTGTGCAGGGTGGTAGATATGGATC	518082
Sbjct	62874	TATGTCTATGTCTTTAAGTCACTTGGACTGGAGTTTGTGCAGGGTGGTAGATATGGATC	62815
Query	518083	TATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCACCTTAGACCAGCACCATTTGTCAAAGAGGCT	518142
Sbjct	62814	TATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCACCTTAGACCAGCACCATTTGTCAAAGAGGCT	62755
Query	518143	TTCTTTTTTCCAGTGTGTAATTCACTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGT	518202
Sbjct	62754	TTCTTTTTTCCAGTGTGTAATTCACTTCTTTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGT	62695
Query	518203	AGATTTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCtttttttatttatt	518262
Sbjct	62694	AGATTTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTCTGTAGATCAACCTGTCTTTTTTTATTATT	62635
Query	518263	tttAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCA	518322
Sbjct	62634	TTTAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTACTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCA	62575
Query	518323	AGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCtttttttttttttttttttttCTCTCCGGAG	518382
Sbjct	62574	AGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCtttttttttttttttttttttCTCTCCGGAG	62515
Query	518383	TTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTCGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAAT	518442
Sbjct	62514	TTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTCGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAAT	62455
Query	518443	CTCCAACCTCCAGAAGTTCCTAATATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTtttttgtttt	518502
Sbjct	62454	CTCCAACCTCCAGAAGTTCCTAATATGGGGTTGGTTTTAGCTGCCTTGCTTTTTTGTTTT	62395
Query	518503	ttCCATTTTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTG	518562
Sbjct	62394	TTCCATTTTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAGGTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTG	62335
Query	518563	AAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTA	518622
Sbjct	62334	AAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTTCTTTTGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTA	62275
Query	518623	ATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTCCATCTTCTGATCTCTTCTCAATTTCT	518682
Sbjct	62274	ATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTCCATCTTCTGATCTCTTCTCAATTTCT	62215
Query	518683	TTGACGTTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACCTTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATT	518742
Sbjct	62214	TTGACGTTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACCTTAGCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATT	62155
Query	518743	TGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTAGCAGACTAATTGT	518802
Sbjct	62154	TGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATTTTCTTGGTTTCTTTAGCAGACTAATTGT	62095
Query	518803	TATTGGTATAAAATAGTGCTAGTGAtttttttttCAATCTAGTTATGTATCCAGTCACCT	518862
Sbjct	62094	TATTGGTATAAAATAGTGCTAGTGATTTTTTTTCAATCTAGTTATGTATCCAGTCACCT	62035
Query	518863	CAATAATTGTGTTTCATCGTTTGTATGAGGTTTCTGATAAATATTTTGGTGTGCTCATGT	518922
Sbjct	62034	CAATAATTGTGTTTCATCGTTTGTATGAGGTTTCTGATAAATATTTTGGTGTGCTCATGT	61975
Query	518923	ATACTGTCATATTATCTGTAAATATGTTTGAGTTTTTCATTCTTCGATTGTATCTCCTTG	518982
Sbjct	61974	ATACTGTCATATTATCTGTAAATATGTTTGAGTTTTTCATTCTTCGATTGTATCTCCTTG	61915
Query	518983	ATCTCTATTAAATTGTCTTATTGATCTAGCTAGAACTATAAGTATTATATTGAGTAGAGTG	519042
Sbjct	61914	ATCTCTATTAAATTGTCTTATTGATCTAGCTAGAACTATAAGTATTATATTGAGTAGAGTG	61855
Query	519043	AACAACCTTGTGGTTTTCTGATGTTAGTGAATTGGTTTAATTTCTCTCCATTTTATTTG	519102
Sbjct	61854	AACAACCTTGTGGTTTTCTGATGTTAGTGAATTGGTTTAATTTCTCTCCATTTTATTTG	61795
Query	519103	ATGTTGGCTATTGGCTTGCTTCATATTGTTTTAATTATATTTAGGTATGTGTCTGTCTTA	519162
Sbjct	61794	ATGTTGGCTATTGGCTTGCTTCATATTGTTTTAATTATATTTAGGTATGTGTCTGTCTTA	61735
Query	519163	TATTTTTATCTTAAAGGTGATTGAAAATTGTCAAAGGtttttttttAATATCTAGTTA	519222
Sbjct	61734	TATTTTTATCTTAAAGGTGATTGAAAATTGTCAAAGGTTTTTTTAAATATCTAGTTA	61675
Query	519223	AGATGATCTTGTGttttttttGTTTTCTTTCAGTTTGTTTATATGGTGAATCACATATAT	519282
Sbjct	61674	AGATGATCTTGTGTTTTTTTTGTTTTCTTTCAGTTTGTTTATATGGTGAATCACATATAT	61615
Query	519283	TAAtttttttAATATATTGAACGTGTTCTTACATCTCTGTGATAAAGCCATCTTGATCATG	519342
Sbjct	61614	TAATTTTTTAAATATATTGAACGTGTTCTTACATCTCTGTGATAAAGCCATCTTGATCATG	61555
Query	519343	GTATGTTTTGGTGTAGCGATTGGTTTGTATGTATTTTATTTAGTATTTTTGCATATGTG	519402

Sbjct	61554	GTATGTTTTGGTGTAGCGATTGGTTTTGTATGTATTTTATTTAGTATTTTTGCATATGTG	61495
Query	519403	TTCAGGAGATTGATTTATAAATCTTTTTCCATGTTCAATTCCTGTGTGCTTGGGTAATT	519462
Sbjct	61494	TTCAGGAGATTGATTTATAAATCTTTTTCCATGTTCAATTCCTGTGTGCTTGGGTAATT	61435
Query	519463	TTGTACACTACTGCTTCCCTGAAGATATAAGTTGTAAATTTTAGGATAGCTTAGGCTCTG	519522
Sbjct	61434	TTGTACACTACTGCTTCCCTGAAGATATAAGTTGTAAATTTTAGGATAGCTTAGGCTCTG	61375
Query	519523	TATTACatataaggtaggttaggttaggttaggtcggtctgtaggttaggtcggtagatagatag	519582
Sbjct	61374	TATTACATATAGGTAGGTAGGTAGGTAGGTCGGTCTGTAGGTAGGTCGGTAGATAGATAG	61315
Query	519583	atatagatataTGGCAAGTCCATAAATGGATTTTAAATTCTGTTCCCTAATATGAGTATTA	519642
Sbjct	61314	ATATAGATATATGGCAAGTCCATAAATGGATTTTAAATTCTGTTCCCTAATATGAGTATTA	61255
Query	519643	ACCTTTTTCTAGTGAATACCTGACAAGATGTGTTTTCTTATTCTCTAGATTACCTTTTT	519702
Sbjct	61254	ACCTTTTTCTAGTGAATACCTGACAAGATGTGTTTTCTTATTCTCTAGATTACCTTTTT	61195
Query	519703	CCTGTGGAATACTTACCTAGTTTTAGTGAAGGTTTTATTTTATTTTAGTTCTTATTGTC	519762
Sbjct	61194	CCTGTGGAATACTTACCTAGTTTTAGTGAAGGTTTTATTTTATTTTAGTTCTTATTGTC	61135
Query	519763	AATATTCACTTAACTTCCCCATTGTGCTTTCTGGGttttttttttttttttaagaaaac	519822
Sbjct	61134	AATATTCACTTAACTTCCCCATTGTGCTTTCTGGGTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAAAAC	61075
Query	519823	caacatcttaaactttttttcaattttaatttttctcaattttaaatAGTATTTAGGTCTT	519882
Sbjct	61074	CAACATCTTAAACTTTTTTTCAATTTAATTTTCTCAATTTTAAATAGTATTTAGGTCTT	61015
Query	519883	GGTCTTCAGTAAAATAGTATTTGATCTTTTAGATTATATTTGTACAGGACGAGAACTGA	519942
Sbjct	61014	GGTCTTCAGTAAAATAGTATTTGATCTTTTAGATTATATTTGTACAGGACGAGAACTGA	60955
Query	519943	TGTCAATCTTTTATCTGTGGATATTCAGTTTGTACAACACTAGAATGTCCTTGGTATTTT	520002
Sbjct	60954	TGTCAATCTTTTATCTGTGGATATTCAGTTTGTACAACACTAGAATGTCCTTGGTATTTT	60895
Query	520003	GTTGTGGAAAATAAGTCCATACTTAATTGACTTCTGCTtgtgttcattgctgtttgtttgc	520062
Sbjct	60894	GTTGTGGAAAATAAGTCCATACTTAATTGACTTCTGCTTGTTTCATTGCTGTTTGTTC	60835
Query	520063	tttgtgtttgtttgtttgtttttACATAGGTTATTCCTATATGTCCTGGTTTGTCTTCA	520122
Sbjct	60834	TTTGTGTTTGTTTGTGTTGTTTTTACATAGGTTATTCCTATATGTCCTGGTTTGTCTTCA	60775
Query	520123	CATTTGAAATTGTCCTGCTCTGCAGGTCATAGCTTTACTTATAGACATTACTACAATGCT	520182
Sbjct	60774	CATTTGAAATTGTCCTGCTCTGCAGGTCATAGCTTTACTTATAGACATTACTACAATGCT	60715
Query	520183	TAACTTCCATCtttttttctgttggtttttttCTTACTACTTTCCTTACACTGTTTCAGTA	520242
Sbjct	60714	TAACTTCCATCTTTTTTCTGTTGTTTTTCTTACTACTTTCCTTACACTGTTTCAGTA	60655
Query	520243	ATGTATCTTGAAATTAATTATTGTGATATTTTTAATTTTATCTTTCTGCTCAAGAATACT	520302
Sbjct	60654	ATGTATCTTGAAATTAATTATTGTGATATTTTTAATTTTATCTTTCTGCTCAAGAATACT	60595
Query	520303	TGATTATTAGTGATTTTCTTTGCTTCCTTGTATTTTTTATAGATTGTTTTTCTAGTTCTC	520362
Sbjct	60594	TGATTATTAGTGATTTTCTTTGCTTCCTTGTATTTTTTATAGATTGTTTTTCTAGTTCTC	60535
Query	520363	AGAAAAATGCTTTTGATATTTTCATTAGAGTTCATTTTGTGAATATTTTAAGAATATTA	520422
Sbjct	60534	AGAAAAATGCTTTTGATATTTTCATTAGAGTTCATTTTGTGAATATTTTAAGAATATTA	60475
Query	520423	ATTCTGTAGTGATCATGATTTTTATTTTAGAAATCTTTGTTTGTTGGGTAAGTTTAT	520482
Sbjct	60474	ATTCTGTAGTGATCATGATTTTTATTTTAGAAATCTTTGTTTGTTGGGTAAGTTTAT	60415
Query	520483	TCCTAGGCTAATTTTGTTCACGGTATGGAATTGTTTCATGTTTACTTGCTTTAAAATT	520542
Sbjct	60414	TCCTAGGCTAATTTTGTTCACGGTATGGAATTGTTTCATGTTTACTTGCTTTAAAATT	60355
Query	520543	TTATTATTGGTAAATTAAGCAATCTTGATGTCTAAAtcttttttcttttcttttct	520602
Sbjct	60354	TTATTATTGGTAAATTAAGCAATCTTGATGTCTAAATCTTTTTTCTTTTCTTTTCT	60295
Query	520603	tttttttCGGAGCTGGGGACCAACCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCACTCTACC	520662
Sbjct	60294	TTTTTTTCGGAGCTGGGGACCAACCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCACTCTACC	60235
Query	520663	ACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTGATGTCTAAATCTTGTTACTTGACTAAATTCACTTA	520722
Sbjct	60234	ACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTGATGTCTAAATCTTGTTACTTGACTAAATTCACTTA	60175

Query	520723	TCAGTTATAATATTCATGATAGAATCCTTAGGATTTTATTTTCTTTATATTCATATCCT	520782
Sbjct	60174	TCAGTTATAATATTCATGATAGAATCCTTAGGATTTTATTTTCTTTATATTCATATCCT	60115
Query	520783	TGTGAGTGAGGTAATTTCAAGTTCTCATATGACTTTTCTTTGTCTCTCTTACCTTACCTT	520842
Sbjct	60114	TGTGAGTGAGGTAATTTCAAGTTCTCATATGACTTTTCTTTGTCTCTCTTACCTTACCTT	60055
Query	520843	AGTGACATGAAGAAGTGAATACCATTGAAAAGAGAATTTAATCTTATTAATAATATTAAA	520902
Sbjct	60054	AGTGACATGAAGAAGTGAATACCATTGAAAAGAGAATTTAATCTTATTAATAATATTAAA	59995
Query	520903	TAAGAAGCAGATACATCACTTGAGTTTTTATAGTTTCTGCAGGAAGAGTAAAGAGGAGAC	520962
Sbjct	59994	TAAGAAGCAGATACATCACTTGAGTTTTTATAGTTTCTGCAGGAAGAGTAAAGAGGAGAC	59935
Query	520963	ACTGAATGATTTAATGATTAATGCCATTAGGTTTCTATTGCTATGAACAGACACCATGAC	521022
Sbjct	59934	ACTGAATGATTTAATGATTAATGCCATTAGGTTTCTATTGCTATGAACAGACACCATGAC	59875
Query	521023	CAAGGCAACTTTTATAACGGCCAACATTAACTGGGGCTGGTTTACAGGTTTACAGGTTCA	521082
Sbjct	59874	CAAGGCAACTTTTATAACGGCCAACATTAACTGGGGCTGGTTTACAGGTTTACAGGTTCA	59815
Query	521083	GTCCATTATTATTAAGGTGGGAGAATTGCAGTGTCCAAGCAACCATGGTCTCTGGAGAACA	521142
Sbjct	59814	GTCCATTATTATTAAGGTGGGAGAATTGCAGTGTCCAAGCAACCATGGTCTCTGGAGAACA	59755
Query	521143	AGCTGACAGTTCTACAAC TTCCATCCAAAGGAAGCCAGGAGCAGAGTGTTTCTCATAGAG	521202
Sbjct	59754	AGCTGACAGTTCTACAAC TTCCATCCAAAGGAAGCCAGGAGCAGAGTGTTTCTCATAGAG	59695
Query	521203	CTAAGAGGAAAGGCCACACCCACAGTGATACATTTTCTCCTAATAGTGTCAATCTCTGT	521262
Sbjct	59694	CTAAGAGGAAAGGCCACACCCACAGTGATACATTTTCTCCTAATAGTGTCAATCTCTGT	59635
Query	521263	GCCAGACATTCAAACCATGACAGCTAGGGTCTGTCCCTAGTTTCTGCTCCTTAGGCCATA	521322
Sbjct	59634	GCCAGACATTCAAACCATGACAGCTAGGGTCTGTCCCTAGTTTCTGCTCCTTAGGCCATA	59575
Query	521323	ATTGAACTTAAGAGAAATGTGAAATTTGTAAAGTCAAAGTCAGGATACATTAGTTTATATT	521382
Sbjct	59574	ATTGAACTTAAGAGAAATGTGAAATTTGTAAAGTCAAAGTCAGGATACATTAGTTTATATT	59515
Query	521383	TGGAATAAAATGTCACTAGCAAGTTGTTTGCCAGCTCATAGGGAGTTCTTTGACTGATTA	521442
Sbjct	59514	TGGAATAAAATGTCACTAGCAAGTTGTTTGCCAGCTCATAGGGAGTTCTTTGACTGATTA	59455
Query	521443	GGGTAATTTCCATAGTCAAGGACTATGGGAGAGTTAAAGAACATTATaaaaaataagaaa	521502
Sbjct	59454	GGGTAATTTCCATAGTCAAGGACTATGGGAGAGTTAAAGAACATTATAAAAAATAAGAAA	59395
Query	521503	aaaTATGTATATCAAAGATTAATATAGTTACCAGAAATTTTGGAATTGGCCATGATATTA	521562
Sbjct	59394	AAATATGTATATCAAAGATTAATATAGTTACCAGAAATTTTGGAATTGGCCATGATATTA	59335
Query	521563	TAAAGAAAAAGATTCAAAttttttttCTGAAGAAACAGACTGTTGAGGTAGATATATGTAG	521622
Sbjct	59334	TAAAGAAAAAGATTCAAATTTTTTTTCTGAAGAAACAGACTGTTGAGGTAGATATATGTAG	59275
Query	521623	ATACTATCATATAGAACATCTGACTTTCAATAATTACCATAGAAATACAAATAAAAAACA	521682
Sbjct	59274	ATACTATCATATAGAACATCTGACTTTCAATAATTACCATAGAAATACAAATAAAAAACA	59215
Query	521683	AGGTTATTTTATATTGTATTTTATGGGAGAACATTTATGCATCTTAAGTGAATCAAAAC	521742
Sbjct	59214	AGGTTATTTTATATTGTATTTTATGGGAGAACATTTATGCATCTTAAGTGAATCAAAAC	59155
Query	521743	TTATTTTAAACTGATTTACACATGACTACTCAGTGGAAAGAAGAACTACAGTGATAATAA	521802
Sbjct	59154	TTATTTTAAACTGATTTACACATGACTACTCAGTGGAAAGAAGAACTACAGTGATAATAA	59095
Query	521803	TTTAAAAATAGGTCTGTTTTTACTAAAGATATACACTACAAATTCTAGGTTACATGTTAa	521862
Sbjct	59094	TTTAAAAATAGGTCTGTTTTTACTAAAGATATACACTACAAATTCTAGGTTACATGTTAA	59035
Query	521863	tactgtatattagcatattaatatgtatgctatacatagcatatataggcatatattagc	521922
Sbjct	59034	TACTGTATATTAGCATATTAATATGTATGCTATACATAGCATATATAGGCATATATTAGC	58975
Query	521923	atattaattgtacattaataatatttatattagttatCACAATGGTATGTTAATAGACTTAGA	521982
Sbjct	58974	ATATTAATTGTACATTAATAATTTATATTAGTATCACAATGGTATGTTAATAGACTTAGA	58915
Query	521983	GGGTTATAAATCTAGCTGCCTTGGAACCTAAGCTAATTGTTGTTTGCCTCAACTACAAA	522042
Sbjct	58914	GGGTTATAAATCTAGCTGCCTTGGAACCTAAGCTAATTGTTGTTTGCCTCAACTACAAA	58855
Query	522043	GTAAATTCAGAGATAATTGTGGCAATTTACTCAATACTTGTCTCaaaaaaaaaaaaaGAC	522102



Sbjct	58854	ATTCAGAGATAATTGTGGCAATTTACTCAATACTTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAGAC	58795
Query	522103	AAGTATAAAAAGTTGGAGATACATAGTTCAGTGGTAAGTACTCGATTATTAGTTATTGATT	522162
Sbjct	58794	AAGTATAAAAAGTTGGAGATACATAGTTCAGTGGTAAGTACTCGATTATTAGTTATTGATT	58735
Query	522163	AATGTTATAAatatttgctcttttgttttcaaaatttgcctatttttatttttttaaattgg	522222
Sbjct	58734	AATGTTATAAATATTGTCTTTTGTTTTCAAAATTTGCCTATTTTATTTTTTTAAATTGG	58675
Query	522223	tatttaagatttttttcttttattaattaCCTTATGATCACAGCTTtccctccatcctct	522282
Sbjct	58674	TATTTAAGATTTTTTTCTTTTATTAATTACCTTATGATCACAGCTTCCCTCCATCCTCT	58615
Query	522283	cctcccagtcctctccctctcacctgtcctcttttctactacttttctccctttCTTTTCAG	522342
Sbjct	58614	CCTCCCAGTCCCTCCCTCTCACCTGTCCTCTTTCTACTACTTTTCTCCCTTTCTTTTCAG	58555
Query	522343	AGAAGGGAGACCTCTCATGGATATCAAACTCTCCTTGACATATCAAGTTGCAGTAAGATCA	522402
Sbjct	58554	AGAAGGGAGACCTCTCATGGATATCAAACTCTCCTTGACATATCAAGTTGCAGTAAGATCA	58495
Query	522403	GGCAGATCTTCTCTGAAGACAAACAGGGCACCCCATTTAATAGGAAAGGGATCCAGAGGC	522462
Sbjct	58494	GGCAGATCTTCTCTGAAGACAAACAGGGCACCCCATTTAATAGGAAAGGGATCCAGAGGC	58435
Query	522463	AGGCAACAGAGACAGAAACAGTCCCCGTTCCCTTTGTAGGGCGTCCCACATGAAGACCA	522522
Sbjct	58434	AGGCAACAGAGACAGAAACAGTCCCCGTTCCCTTTGTAGGGCGTCCCACATGAAGACCA	58375
Query	522523	AGATGGATATCTTCTATATAAGTGTACATCTGCTGCATAAATGTAGAGGACACTTAACAG	522582
Sbjct	58374	AGATGGATATCTTCTATATAAGTGTACATCTGCTGCATAAATGTAGAGGACACTTAACAG	58315
Query	522583	GTTTTACTTTCTCTGAAGTCTTTGATAATACAGGGGAGGAGAGTTATGTTTTTGATGGTAT	522642
Sbjct	58314	GTTTTACTTTCTCTGAAGTCTTTGATAATACAGGGGAGGAGAGTTATGTTTTTGATGGTAT	58255
Query	522643	GTATATGCTTCTTGGAATAAAATTATTTGTCTTACTATTTACCCTGTTTATGTGAAGGA	522702
Sbjct	58254	GTATATGCTTCTTGGAATAAAATTATTTGTCTTACTATTTACCCTGTTTATGTGAAGGA	58195
Query	522703	GCTTATTTTTATTGCATTCTAATATGTAAAatgtattttaatcttttaaggtgtctttt	522762
Sbjct	58194	GCTTATTTTTATTGCATTCTAATATGTAAATTTGTATTTAATCTTTTAAAGGTGTCTTTT	58135
Query	522763	agatttttaaaattttatgaatatgagtgttttttCTCTGTCTCTGCTCATTAAATCTCCT	522822
Sbjct	58134	AGATTTTAAATTTTATGAATATGAGTGTTTTTCTCTGTCTCTGCTCATTAAATCTCCT	58075
Query	522823	GCCCTTAGTGGTGGGAAGAGGTCACTGAATACCCCGAAACTGGAGTTAGTTAGTTGTAAG	522882
Sbjct	58074	GCCCTTAGTGGTGGGAAGAGGTCACTGAATACCCCGAAACTGGAGTTAGTTAGTTGTAAG	58015
Query	522883	TCATTATGTAAGGGCTATAAACTGAACACTGGGATGCAAAAACAGTGAGTGCTTTTAACC	522942
Sbjct	58014	TCATTATGTAAGGGCTATAAACTGAACACTGGGATGCAAAAACAGTGAGTGCTTTTAACC	57955
Query	522943	AGTGAGCCAGTCTTTATCCCACATGTCCAGTCTTGAAAATATTTAattttttACAACAT	523002
Sbjct	57954	AGTGAGCCAGTCTTTATCCCACATGTCCAGTCTTGAAAATATTTATTTTTTTTACAACAT	57895
Query	523003	GAAAAATAATTAGAATATGAACCTTTATATGTTTCATACATATGTAAAGTACGTTCTGATA	523062
Sbjct	57894	GAAAAATAATTAGAATATGAACCTTTATATGTTTCATACATATGTAAAGTACGTTCTGATA	57835
Query	523063	TATTTTCTTCtttttttttttATAATCTCCGTTCCACCTGTGTTACCTACCACTTGTACC	523122
Sbjct	57834	TATTTTCTTCTTTTTTTTTTTTATAATCTCCGTTCCACCTGTGTTACCTACCACTTGTACC	57775
Query	523123	TATAAGTCTTTTTCAATTTATTTTGAGACCCACTGTATTTAACCATTACTGTCTGTGTGA	523182
Sbjct	57774	TATAAGTCTTTTTCAATTTATTTTGAGACCCACTGTATTTAACCATTACTGTCTGTGTGA	57715
Query	523183	CTGTGGGCTTGGA CTGTGCTCTTTAAAGCCTGCTGTCCTCTTCAGCAATACATAGAATTA	523242
Sbjct	57714	CTGTGGGCTTGGA CTGTGCTCTTTAAAGCCTGCTGTCCTCTTCAGCAATACATAGAATTA	57655
Query	523243	TTGTTTTTGTATATTATTAGAAGTATTTGGGAATTTTTGTGTGCATGAATAGGGTTTCA	523302
Sbjct	57654	TTGTTTTTGTATATTATTAGAAGTATTTGGGAATTTTTGTGTGCATGAATAGGGTTTCA	57595
Query	523303	TCAAATCTACCTTTCACCTCTATTTCTCCAAACTACTCTAGTAAATTCCCTTCCACTTTC	523362
Sbjct	57594	TCAAATCTACCTTTCACCTCTATTTCTCCAAACTACTCTAGTAAATTCCCTTCCACTTTC	57535
Query	523363	TCTTTGAAATTATGTGCTCTTTTTTAAACTCACTGCATGCCTTTAGTGCTTGCTAGTTAC	523422
Sbjct	57534	TCTTTGAAATTATGTGCTCTTTTTTAAACTCACTGCATGCCTTTAGTGCTTGCTAGTTAC	57475

Query	523423	TGTAAAGGTAAAGGTTTCATCTACTAGATGAACCTACCTTATCTGGGGCTGACTTTTTTAAGA	523482
Sbjct	57474	TGTAAAGGTAAAGGTTTCATCTACTAGATGAACCTACCTTATCTGGGGCTGACTTTTTTAAGA	57415
Query	523483	TATTCTGCTAATAATAATGCTAGACATTCTCTGTAAACTATTGTGTCCTTTTATTTACTG	523542
Sbjct	57414	TATTCTGCTAATAATAATGCTAGACATTCTCTGTAAACTATTGTGTCCTTTTATTTACTG	57355
Query	523543	TCTCCTCTGAAtttttttAATAGCCAGAACCCACAGAAGAAGACATTGAGAAAAACCCAG	523602
Sbjct	57354	TCTCCTCTGAATTTTTTTAATAGCCAGAACCCACAGAAGAAGACATTGAGAAAAACCCAG	57295
Query	523603	AGCTaaaaaaaCTACAGATATATGGGGCAGGCCCAAGATGATAGGCTTGGGCCTCATGG	523662
Sbjct	57294	AGCTAAAAAACTACAGATATATGGGGCAGGCCCAAGATGATAGGCTTGGGCCTCATGG	57235
Query	523663	CAAAGGAGAAGACTCTGAGAAAGAAAGGTAGCATTCAACCAGGTGAGATTAAAATACAAA	523722
Sbjct	57234	CAAAGGAGAAGACTCTGAGAAAGAAAGGTAGCATTCAACCAGGTGAGATTAAAATACAAA	57175
Query	523723	TTAGTGATATAGTAAAGAATCATGAGATGTTCTGTTAATTGTGATGTAAAAAGTCTGTTT	523782
Sbjct	57174	TTAGTGATATAGTAAAGAATCATGAGATGTTCTGTTAATTGTGATGTAAAAAGTCTGTTT	57115
Query	523783	TCCCTTACTTTTGATGCTCCTAGATAAAGAAGAAGTGACATGCCCTGCAACTGTTATAGT	523842
Sbjct	57114	TCCCTTACTTTTGATGCTCCTAGATAAAGAAGAAGTGACATGCCCTGCAACTGTTATAGT	57055
Query	523843	GAAGGGGGAAGCCAGTGGGTTTGAAAAAGTGACATCAGCATTTTCTGACAAGAACTTAAA	523902
Sbjct	57054	GAAGGGGGAAGCCAGTGGGTTTGAAAAAGTGACATCAGCATTTTCTGACAAGAACTTAAA	56995
Query	523903	TCACAATTTCAAACCTTGTACTGAGATGACTACGCAGCTACGGAACAATCAGCAATAC	523962
Sbjct	56994	TCACAATTTCAAACCTTGTACTGAGATGACTACGCAGCTACGGAACAATCAGCAATAC	56935
Query	523963	CCAGTTTGTAAGAATTCCACAGTGATTTTGTGATAACTGTTTTAACTGTTGATATTAGA	524022
Sbjct	56934	CCAGTTTGTAAGAATTCCACAGTGATTTTGTGATAACTGTTTTAACTGTTGATATTAGA	56875
Query	524023	ATGCACCTAAAGTTACattgtttttaattcattattttggttattttggttattttggttat	524082
Sbjct	56874	ATGCACCTAAAGTTACATTGTTTTAATTCATTATTTTTGTTATTTTGTTATTTTTGTTAT	56815
Query	524083	tttatgtttcaatatttttattaaaatttattttaATCTCATGTAGTCCAGTCTGGACTTTTA	524142
Sbjct	56814	TTTATGTTCAATATTTTATTAAAAATTATTTAATCTCATGTAGTCCAGTCTGGACTTTTA	56755
Query	524143	ACATGTTACATAGCAAGGGTGATCTGATTCAACCATTCCAGCGCTATGACTGCAGATGTG	524202
Sbjct	56754	ACATGTTACATAGCAAGGGTGATCTGATTCAACCATTCCAGCGCTATGACTGCAGATGTG	56695
Query	524203	GATTTTGAGGCATAGATCTTTGTTTTTACCTTTTATGGAACCATAACCTTTTTTATAATTT	524262
Sbjct	56694	GATTTTGAGGCATAGATCTTTGTTTTTACCTTTTATGGAACCATAACCTTTTTTATAATTT	56635
Query	524263	AATGAACTATACAGCTCCCTTCCTCTGAGTTGTAATAATATTCAGAGCTATGATTCTG	524322
Sbjct	56634	AATGAACTATACAGCTCCCTTCCTCTGAGTTGTAATAATATTCAGAGCTATGATTCTG	56575
Query	524323	TAGTATAATTTTCAGATAAGGTGTGATTTGTTTGGAGTCAATGTTTCTTTAATTTGAAttt	524382
Sbjct	56574	TAGTATAATTTTCAGATAAGGTGTGATTTGTTTGGAGTCAATGTTTCTTTAATTTGAATTT	56515
Query	524383	ttttCTATAAAGAATATAACTGGGATTTTGATGAAGATTGGATGTAATATGTAGACTGTT	524442
Sbjct	56514	TTTTCTATAAAGAATATAACTGGGATTTTGATGAAGATTGGATGTAATATGTAGACTGTT	56455
Query	524443	TTTAGTACTACAGATGTTTAAATAATATAGCCACTTCTTTAGACTGGATGATCTATCTTT	524502
Sbjct	56454	TTTAGTACTACAGATGTTTAAATAATATAGCCACTTCTTTAGACTGGATGATCTATCTTT	56395
Query	524503	TAATACTTTTTACTAAGACTTTGTCTTTGATGTTTTCACTGTTGGAGTTTCTCTCTTTCC	524562
Sbjct	56394	TAATACTTTTTACTAAGACTTTGTCTTTGATGTTTTCACTGTTGGAGTTTCTCTCTTTCC	56335
Query	524563	TAGTTTTATTGGGTCTATTTTGAGGCAtttttttAAAAGATGTTGTAAATTGAATATAT	524622
Sbjct	56334	TAGTTTTATTGGGTCTATTTTGAGGCATTTTTTTAAAAGATGTTGTAAATTGAATATAT	56275
Query	524623	TTTTCTATATTTATCTTTCAAATATTTATTAATGGTGTATAAAAACTTTTTTCTGATAC	524682
Sbjct	56274	TTTTCTATATTTATCTTTCAAATATTTATTAATGGTGTATAAAAACTTTTTTCTGATAC	56215
Query	524683	AGAACACAACAATGTTTTATAGTACTTGCATAGTTCTGTATTTTATAGGAAGTGTTGCC	524742
Sbjct	56214	AGAACACAACAATGTTTTATAGTACTTGCATAGTTCTGTATTTTATAGGAAGTGTTGCC	56155
Query	524743	AttttttttCATTAGTATAATATTTTCTACAGCTAATTCCTTGTGTGTTTTTCAATT	524802

Sbjct	56154	 ATTTTTTTTCATTTAGTATAATATTTTCTACAGCTAATTTCCTTTGTGTGTTTTTCAATT	56095
Query	524803	CAGTATGCAAGTTATATCTGTATAAGGAGAATAACCTATAGTTTCATTGAAGTTGTTTGT	524862
Sbjct	56094	CAGTATGCAAGTTATATCTGTATAAGGAGAATAACCTATAGTTTCATTGAAGTTGTTTGT	56035
Query	524863	TTTAAATCAGTTTACTGTGAGGTTAATTCAGGATTAATAGCATTTGTTCTCTCTCtttt	524922
Sbjct	56034	TTTAAATCAGTTTACTGTGAGGTTAATTCAGGATTAATAGCATTTGTTCTCTCTCTTTT	55975
Query	524923	ttttAAATGCAGTAGTTTGAGAAGTATTCTCTGTTACATGATTCTTAAACATTGATGAATG	524982
Sbjct	55974	TTTAAATGCAGTAGTTTGAGAAGTATTCTCTGTTACATGATTCTTAAACATTGATGAATG	55915
Query	524983	TGTCTGGTCCTAGACTGCTTAGTCATGTTGATTGTGAGGTTATTTATTTTGGTGACTTAA	525042
Sbjct	55914	TGTCTGGTCCTAGACTGCTTAGTCATGTTGATTGTGAGGTTATTTATTTTGGTGACTTAA	55855
Query	525043	TTTACGTCATGTTTTCGAATCTATAGATTTCTTTTCAGATTTTCTGGCATTCTGTACTAA	525102
Sbjct	55854	TTTACGTCATGTTTTCGAATCTATAGATTTCTTTTCAGATTTTCTGGCATTCTGTACTAA	55795
Query	525103	ATTTATGAAGTATTCTTAAATGGTTTTCTGGATTGTATTAGAGTTGTTGTAAAACTCCA	525162
Sbjct	55794	ATTTATGAAGTATTCTTAAATGGTTTTCTGGATTGTATTAGAGTTGTTGTAAAACTCCA	55735
Query	525163	TTTTCATCTCTTTTGTTACTAGTTTGGCTCTTCTTCATTGTTGGTGTAAGGCTTTGTCAA	525222
Sbjct	55734	TTTTCATCTCTTTTGTTACTAGTTTGGCTCTTCTTCATTGTTGGTGTAAGGCTTTGTCAA	55675
Query	525223	TCTTAGTTCTTCAaaaaaaaaaaaaaGAACTGTGTGCTTAACTTCTTTTAAATGTTATTC	525282
Sbjct	55674	TCTTAGTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAGAACTGTGTGCTTAACTTCTTTTAAATGTTATTC	55615
Query	525283	tttttttttttttttttgttctttttttttttttttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCCAG	525342
Sbjct	55614	TTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAG	55555
Query	525343	GGCCTTGAGCTTCTTAGGCAAGCGCTCTACCACCTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTAAATG	525402
Sbjct	55554	GGCCTTGAGCTTCTTAGGCAAGCGCTCTACCACCTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTAAATG	55495
Query	525403	TTATTCttttttttttgttctttttttttttttttttttCCGGAGCTGGGGACCGAACTCAG	525462
Sbjct	55494	TTATTCTTTTTTTTTTGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCGGAGCTGGGGACCGAACTCAG	55435
Query	525463	GGCCTTGCGCTTCTTAGGTAAGCGCTCTACCACCTGAGCTAAATCCCCAGCCCTTAAATG	525522
Sbjct	55434	GGCCTTGCGCTTCTTAGGTAAGCGCTCTACCACCTGAGCTAAATCCCCAGCCCTTAAATG	55375
Query	525523	TTATTCCTTAATTATCAATTTTCATCTGTATTACTTCTTGCCATTGCTTTACTTGTTTCA	525582
Sbjct	55374	TTATTCCTTAATTATCAATTTTCATCTGTATTACTTCTTGCCATTGCTTTACTTGTTTCA	55315
Query	525583	TTCTTTTTGTTTTTCCAGAATTTTGAGGGATATCATAGGGTATTTATTGGAGATCTGATT	525642
Sbjct	55314	TTCTTTTTGTTTTTCCAGAATTTTGAGGGATATCATAGGGTATTTATTGGAGATCTGATT	55255
Query	525643	TTTATTTTTCtggtgtacattgagtggtgtgcatgtgcatatttgtgtgtgtgtgtgtgtg	525702
Sbjct	55254	TTTATTTTTCCTGTGTACATTGAGTGTGTGCATGTGCATATTGTGTGTGTGTGTGTGTG	55195
Query	525703	tggtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtTTGCACATGAATGCTTGTATATATAAAGCACAGAGGT	525762
Sbjct	55194	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGCACATGAATGCTTGTATATATAAAGCACAGAGGT	55135
Query	525763	ATAAGGTGGGAGTTTTTCAGTTCACTTTATTTTTTGAGGCATGATAGACTGGCTAATAGAC	525822
Sbjct	55134	ATAAGGTGGGAGTTTTTCAGTTCACTTTATTTTTTGAGGCATGATAGACTGGCTAATAGAC	55075
Query	525823	TGGCTGTTAAAAAGTCTAGGCATTGCAGCACAGATATTAAGATTGAACACTGGATTAATGT	525882
Sbjct	55074	TGGCTGTTAAAAAGTCTAGGCATTGCAGCACAGATATTAAGATTGAACACTGGATTAATGT	55015
Query	525883	CAGATGTTTGAAACTATTCTGTTTTTCACTATGATGGCCAAATTGGCGTGCGetctctctctc	525942
Sbjct	55014	CAGATGTTTGAAACTATTCTGTTTTTCACTATGATGGCCAAATTGGCGTGCCTCTCTCTC	54955
Query	525943	tctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctA	526002
Sbjct	54954	TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTA	54895
Query	526003	TCtatacacatacacatacacatacatatatatatatgtatatatatatGCTCACTGAAA	526062
Sbjct	54894	TCTATACATACATACATACATACATATATATATATATATATATATATATGCTCACTGAAA	54835
Query	526063	ATGGGAGTGCAGGCGTCTGGTATCAATTCACTTTACTGGAGTACTGGTTTTGTTGTATTAT	526122
Sbjct	54834	ATGGGAGTGCAGGCGTCTGGTATCAATTCACTTTACTGGAGTACTGGTTTTGTTGTATTAT	54775

Query	526123	TGACACACCAGCTATAAAGTTCTCTGGGCTTCTGGGAGGAGAACAATGAATGATATAACA	526182
Sbjct	54774	TGACACACCAGCTATAAAGTTCTCTGGGCTTCTGGGAGGAGAACAATGAATGATATAACA	54715
Query	526183	ATGTCAAATGAAGTGCAGTCAGTTTTACCTAGAACTCACTGTAGAAATATTTTCTTAGA	526242
Sbjct	54714	ATGTCAAATGAAGTGCAGTCAGTTTTACCTAGAACTCACTGTAGAAATATTTTCTTAGA	54655
Query	526243	CTTAATGTTCCCAACAAAGCTGCTTTAATATGCAAATGATCTGAAAATTGTTGAACATGA	526302
Sbjct	54654	CTTAATGTTCCCAACAAAGCTGCTTTAATATGCAAATGATCTGAAAATTGTTGAACATGA	54595
Query	526303	AATATTGCTGAATGTTGAAGCATAAAATTTCTTGAATCATTAGGACCCACCAGGTTAC	526362
Sbjct	54594	AATATTGCTGAATGTTGAAGCATAAAATTTCTTGAATCATTAGGACCCACCAGGTTAC	54535
Query	526363	TCATAAGATTTACCTATTGCTATGCCAATAGATGCTGGGCATCCTCTGAAAGACGCCCTT	526422
Sbjct	54534	TCATAAGATTTACCTATTGCTATGCCAATAGATGCTGGGCATCCTCTGAAAGACGCCCTT	54475
Query	526423	AACATACAGTTCTCTGAGTCTATTTTAGCTGTCACCCACAGAATGTCTTACTGCATTTTT	526482
Sbjct	54474	AACATACAGTTCTCTGAGTCTATTTTAGCTGTCACCCACAGAATGTCTTACTGCATTTTT	54415
Query	526483	ATACAGATGAATGGATCTGTATTGTACTGCATTTAAACATTAATCTTGTAGTAACCAGAG	526542
Sbjct	54414	ATACAGATGAATGGATCTGTATTGTACTGCATTTAAACATTAATCTTGTAGTAACCAGAG	54355
Query	526543	AAAGGttttttttttAAGTGTTTTTCAATTAATTATTTTTGGTTAACAAAGCATTGCTGA	526602
Sbjct	54354	AAAGGTTTTTTTTTTAAGTGTTTTTCAATTAATTATTTTTGGTTAACAAAGCATTGCTGA	54295
Query	526603	GTGTTTCTTAAATATGGTGCTTATGTGTCAGCTAGAGAGAATGAGACAATCTGATTATTT	526662
Sbjct	54294	GTGTTTCTTAAATATGGTGCTTATGTGTCAGCTAGAGAGAATGAGACAATCTGATTATTT	54235
Query	526663	ATTTATTTACTTACTTTTTTGTAAAATAAATGTTTTGACCTCCAAAAAAGAAAGGCTAGA	526722
Sbjct	54234	ATTTATTTACTTACTTTTTTGTAAAATAAATGTTTTGACCTCCAAAAAAGAAAGGCTAGA	54175
Query	526723	CATTGGACTACTTTCCTCTATTTCTCTTGACACTTGGCAACAGATCCATACCACCCGAGC	526782
Sbjct	54174	CATTGGACTACTTTCCTCTATTTCTCTTGACACTTGGCAACAGATCCATACCACCCGAGC	54115
Query	526783	TTTATCTCAGGCTCTAGTGACCAAAAATTAGGTTCTCAAGTTGTGGGTGGGCACTTGGTC	526842
Sbjct	54114	TTTATCTCAGGCTCTAGTGACCAAAAATTAGGTTCTCAAGTTGTGGGTGGGCACTTGGTC	54055
Query	526843	TATTGAGACATATCCCCAGCTCTTCTCTGAgttttttgtttgtttgtttgtttgttg	526902
Sbjct	54054	TATTGAGACATATCCCCAGCTCTTCTCTGAGTTTTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTT	53995
Query	526903	ttttgggtttttgtttgtttgtttgtttgtttgtttgttttaattttaattccttag	526962
Sbjct	53994	TTTTGGGTTTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGTTTAAATTTAATTCTTAG	53935
Query	526963	cccatttaaaatttccttcatttttttaGTGGTTCATTTGAAACTATATTAGCCTCCATGT	527022
Sbjct	53934	CCCATTAAATTTCTTCATTTTTTTAGTGTTTCATTTGAAACTATATTAGCCTCCATGT	53875
Query	527023	ATTTATGTAGttttacttttcctttttaacttggggattttttattttgttttGTATGAG	527082
Sbjct	53874	ATTTATGTAGTTTACTTTCTCTTTTAAACTTGGGGATTTTTTATTTGTTTGTATGAG	53815
Query	527083	TGTTATATTTGTGTGCATGCTGTGTACCATGTGGTAGTTTAGTATTCAGGTCAGAAGAG	527142
Sbjct	53814	TGTTATATTTGTGTGCATGCTGTGTACCATGTGGTAGTTTAGTATTCAGGTCAGAAGAG	53755
Query	527143	GTCAGAGAGAATATTGAATCTATTAGAACTGGGCATATAGAACTGCTTTGTAGTGTTGG	527202
Sbjct	53754	GTCAGAGAGAATATTGAATCTATTAGAACTGGGCATATAGAACTGCTTTGTAGTGTTGG	53695
Query	527203	TACTTCTGAAATATCAACTAGGATTCTTAACTTGCTGAGCCATTTCTTTAGTTTTCTAT	527262
Sbjct	53694	TACTTCTGAAATATCAACTAGGATTCTTAACTTGCTGAGCCATTTCTTTAGTTTTCTAT	53635
Query	527263	GCTTTTTCTTACTATTGATTTCTGGTTTTATTCCATTATGTCGTAGTAAGATATAAGGAA	527322
Sbjct	53634	GCTTTTTCTTACTATTGATTTCTGGTTTTATTCCATTATGTCGTAGTAAGATATAAGGAA	53575
Query	527323	TTATTTTAAACATTTATTGTATTTATTAAATCCCAATTTAATGCTGATAACATGATTGATT	527382
Sbjct	53574	TTATTTTAAACATTTATTGTATTTATTAAATCCCAATTTAATGCTGATAACATGATTGATT	53515
Query	527383	TTAATGATGATTCCTTGCTGCTGCAGAGTTGTTTTCTCTATCTGCCAGATGTGATATTCTG	527442
Sbjct	53514	TTAATGATGATTCCTTGCTGCTGCAGAGTTGTTTTCTCTATCTGCCAGATGTGATATTCTG	53455
Query	527443	TAGCTGTCCATTAAATTAATCTGCAGGATACATTTCTTTCTGAgttttttttCTTGTTTG	527502

Sbjct	53454	 TAGCTGTCCATTAAATTAATCTGCAGGATACATTTCTTTCTGATTTTTTTTCTTGTTTG	53395
Query	527503	TTTAAACTAACTGTTGGAAGGTAAGAATTGACTACATGATTATTGCCTGAGACAGAACCA	527562
Sbjct	53394	TTTAAACTAACTGTTGGAAGGTAAGAATTGACTACATGATTATTGCCTGAGACAGAACCA	53335
Query	527563	CTTATGCTTTaaaaaaCTAAAGCATAAGAAACACTTATGCTTTaaaaaaaaGTGTTTC	527622
Sbjct	53334	CTTATGCTTTAAAAAACTAAAGCATAAGAAACACTTATGCTTTAAAAAAAAGTGTTTC	53275
Query	527623	TTTTGTAAAGTTCAAACCTCACCAGTTTAGTACAAAAGTATGTACAAATTATATTTTCTT	527682
Sbjct	53274	TTTTGTAAAGTTCAAACCTCACCAGTTTAGTACAAAAGTATGTACAAATTATATTTTCTT	53215
Query	527683	GATGAATCTTTACCTATATAGTGGCTGTTTTTAATCTTCTCCTGCAAGCTTTGTTTGAAG	527742
Sbjct	53214	GATGAATCTTTACCTATATAGTGGCTGTTTTTAATCTTCTCCTGCAAGCTTTGTTTGAAG	53155
Query	527743	TCTACTTTATTACACATAAAAAATAGGCAAGCCTTTTCCAGTAGtaaacaaattaaaacac	527802
Sbjct	53154	TCTACTTTATTACACATAAAAAATAGGCAAGCCTTTTCCAGTAGTAAACAAATTAAACAC	53095
Query	527803	aaaagtataaaaagatacaaaaattaacagtaataaaaaaataactaaaagaaaataaacta	527862
Sbjct	53094	AAAAGTATAAAAGATACAAAATTAACAGTAATAAAAAATAACTAAAAGAAAATAAACTA	53035
Query	527863	tagtaaaaacAGTGTTGTGGTTTCTATCTTTTAGTACTTCTTCCTAGCTGTGTTGAGTTG	527922
Sbjct	53034	TAGTAAAAACAGTGTTGTGGTTTCTATCTTTTAGTACTTCTTCCTAGCTGTGTTGAGTTG	52975
Query	527923	ATGCAGAAGTCTTTAATCCTTTGGCTTAAGTTGCAACAATTTCTGATTTTCAGCTGTTAC	527982
Sbjct	52974	ATGCAGAAGTCTTTAATCCTTTGGCTTAAGTTGCAACAATTTCTGATTTTCAGCTGTTAC	52915
Query	527983	TTTTCTGTGCAAGGGTTTATGTCATTATTTTGAGAGAGTGCAAGATGGGTACTGGGATG	528042
Sbjct	52914	TTTTCTGTGCAAGGGTTTATGTCATTATTTTGAGAGAGTGCAAGATGGGTACTGGGATG	52855
Query	528043	GGAGTAAATAACTCACATAAGGCTGGCTCTAGGACAAGTGGATGAGATGGATGATGTTAT	528102
Sbjct	52854	GGAGTAAATAACTCACATAAGGCTGGCTCTAGGACAAGTGGATGAGATGGATGATGTTAT	52795
Query	528103	AACAGAAGTTATGGTTCCTAGAGGGTGAACGAAGTGCATGCAGGGAAGATAGGTAGAGTAG	528162
Sbjct	52794	AACAGAAGTTATGGTTCCTAGAGGGTGAACGAAGTGCATGCAGGGAAGATAGGTAGAGTAG	52735
Query	528163	GTTGGAGTGACAGTTGTAGAGGACTAATATCATCTAGGTTCTTCAGCTAGAAATGGGAAT	528222
Sbjct	52734	GTTGGAGTGACAGTTGTAGAGGACTAATATCATCTAGGTTCTTCAGCTAGAAATGGGAAT	52675
Query	528223	AGACAAGGACTCTCACAGGGAATTCGATAAGCTGTACAAGATGGAGCTCCTTGCCCTATC	528282
Sbjct	52674	AGACAAGGACTCTCACAGGGAATTCGATAAGCTGTACAAGATGGAGCTCCTTGCCCTATC	52615
Query	528283	CAAATGTGCAGGAAATAGTACAGTGAGTGGGTCAGTGTGTTCCAAGGACTAGTCCAGAGA	528342
Sbjct	52614	CAAATGTGCAGGAAATAGTACAGTGAGTGGGTCAGTGTGTTCCAAGGACTAGTCCAGAGA	52555
Query	528343	GTGGGAAGAGCTTTAGTCCTTTCTCCTGGAGCAGGGAGGTCCTGGGGAGGGGTTGAGGGT	528402
Sbjct	52554	GTGGGAAGAGCTTTAGTCCTTTCTCCTGGAGCAGGGAGGTCCTGGGGAGGGGTTGAGGGT	52495
Query	528403	AGTTGGCTGAGCAAATTCTGATGGCTGCTTAGAGAACTGACTAGAGATCTGTAGCAGAGG	528462
Sbjct	52494	AGTTGGCTGAGCAAATTCTGATGGCTGCTTAGAGAACTGACTAGAGATCTGTAGCAGAGG	52435
Query	528463	TTAGAGTAGGTAGCTGTGGTGAGTGAATGGGAACGGGGAAGGCTCTAGGTTTCTGGCT	528522
Sbjct	52434	TTAGAGTAGGTAGCTGTGGTGAGTGAATGGGAACGGGGAAGGCTCTAGGTTTCTGGCT	52375
Query	528523	AGGGAAAGGGGCAAACAGGTCTTTTAGTGGAAGGTAGGTTAGGTTAGCTATACAAGTGCA	528582
Sbjct	52374	AGGGAAAGGGGCAAACAGGTCTTTTAGTGGAAGGTAGGTTAGGTTAGCTATACAAGTGCA	52315
Query	528583	AGTTAAGTTTATGGAAGAGACCAAGTGAATTTTCTGTCATTGAATATTTTCTTTACTTT	528642
Sbjct	52314	AGTTAAGTTTATGGAAGAGACCAAGTGAATTTTCTGTCATTGAATATTTTCTTTACTTT	52255
Query	528643	TTGCTGTGTGAGACAGGGTTATAATATATCCCTGACTAGCCTACCTATATATCTAAATAG	528702
Sbjct	52254	TTGCTGTGTGAGACAGGGTTATAATATATCCCTGACTAGCCTACCTATATATCTAAATAG	52195
Query	528703	AGTCTTGAATCATCTTACCTCCATCCCAAGTGTTAGAATTATAAGTGTGCATGGACATAC	528762
Sbjct	52194	AGTCTTGAATCATCTTACCTCCATCCCAAGTGTTAGAATTATAAGTGTGCATGGACATAC	52135
Query	528763	TTTCTTTATGTACTACACTGGAGAGAACTCAGGGCATCATGAATGATAAATAAACATTTT	528822
Sbjct	52134	TTTCTTTATGTACTACACTGGAGAGAACTCAGGGCATCATGAATGATAAATAAACATTTT	52075

Query	528823	GCCAACTTAGCTGCATCTTGAACCCCACTACTGATTTTTCAAAAAGAATACTTCATTGTT	528882
Sbjct	52074	GCCAACTTAGCTGCATCTTGAACCCCACTACTGATTTTTCAAAAAGAATACTTCATTGTT	52015
Query	528883	GCTTTTTGAACATTTTGAACATGAGCCACTTATTACTGTGTTGTTATGATTATTTTTATA	528942
Sbjct	52014	GCTTTTTGAACATTTTGAACATGAGCCACTTATTACTGTGTTGTTATGATTATTTTTATA	51955
Query	528943	CTATTGTGCTTTCAGTCAGACTGGAGTTTTCATAGTGATGTTTACTGAAATCCAGATAC	529002
Sbjct	51954	CTATTGTGCTTTCAGTCAGACTGGAGTTTTCATAGTGATGTTTACTGAAATCCAGATAC	51895
Query	529003	AATAGACCAAAGACTTGGGATAGGTATATAAAAGAACCTTACTTATTTACTTTCTTTACC	529062
Sbjct	51894	AATAGACCAAAGACTTGGGATAGGTATATAAAAGAACCTTACTTATTTACTTTCTTTACC	51835
Query	529063	CTACCAGATGGATTTCATATGTTTGCCGAATATGCTCTCGTGGGGATGAAGATGATAGATT	529122
Sbjct	51834	CTACCAGATGGATTTCATATGTTTGCCGAATATGCTCTCGTGGGGATGAAGATGATAGATT	51775
Query	529123	TCTGCTCTGTGTTGGGTGCAACGACAATTACCATATCTTTTGCCTATTGCCACCGCTTTC	529182
Sbjct	51774	TCTGCTCTGTGTTGGGTGCAACGACAATTACCATATCTTTTGCCTATTGCCACCGCTTTC	51715
Query	529183	TGAAGTCCCCAAGGGGGTATGGAGGTGCCCAAAGTGATCTTAGCGGTAAGATTTGTCCA	529242
Sbjct	51714	TGAAGTCCCCAAGGGGGTATGGAGGTGCCCAAAGTGATCTTAGCGGTAAGATTTGTCCA	51655
Query	529243	TCTTGAGACAGTTTAATCATAACCTAGTCCACTTCTTTAATCTATCCTTTTGGACATGGA	529302
Sbjct	51654	TCTTGAGACAGTTTAATCATAACCTAGTCCACTTCTTTAATCTATCCTTTTGGACATGGA	51595
Query	529303	TGGACTAAAATTAGTAGAGAAGATTCTGATTAGCTTGTAGTCAATAAGAAAAATTGGACA	529362
Sbjct	51594	TGGACTAAAATTAGTAGAGAAGATTCTGATTAGCTTGTAGTCAATAAGAAAAATTGGACA	51535
Query	529363	GAATAGCTAAAAGATGTTAACAATTTACATGAAGCAGATAAAATTATAATTTATAAATTG	529422
Sbjct	51534	GAATAGCTAAAAGATGTTAACAATTTACATGAAGCAGATAAAATTATAATTTATAAATTG	51475
Query	529423	TGAAAATATTGGCTAAAAGGAAAAATTAATATTGAACAACCTTGAAACTGTTTAAACATGT	529482
Sbjct	51474	TGAAAATATTGGCTAAAAGGAAAAATTAATATTGAACAACCTTGAAACTGTTTAAACATGT	51415
Query	529483	AGAATTTTTGATGTAAATACTTACTTTCCCTGAAAATCTACttttttttcttttttctt	529542
Sbjct	51414	AGAATTTTTGATGTAAATACTTACTTTCCCTGAAAATCTACTTTTTTTCTTTTTCTT	51355
Query	529543	tttCTTCATTTATTTATTCACTTTTATATCCTAGTTATAGCCTATACTCTTTCCTCTCTTT	529602
Sbjct	51354	TTTCTTCATTTATTTATTCACTTTTATATCCTAGTTATAGCCTATACTCTTTCCTCTCTTT	51295
Query	529603	CCAGCCCCACCTTCACACACCACTCTTTCCAGATCCTCCTCTCCAGAGAGATGGGAAGTC	529662
Sbjct	51294	CCAGCCCCACCTTCACACACCACTCTTTCCAGATCCTCCTCTCCAGAGAGATGGGAAGTC	51235
Query	529663	CCCCATGAGTAGCGTACCTCCCTGGGACATTCAAATGCAGTAGGACTAAGAATATTCTTT	529722
Sbjct	51234	CCCCATGAGTAGCGTACCTCCCTGGGACATTCAAATGCAGTAGGACTAAGAATATTCTTT	51175
Query	529723	CCCACTGATGCCCAATAAGACAGCCAGATAGGAGAAGATGATGCAAAGGGAGCAACAGA	529782
Sbjct	51174	CCCACTGATGCCCAATAAGACAGCCAGATAGGAGAAGATGATGCAAAGGGAGCAACAGA	51115
Query	529783	ATCAGAGACAGACCTCATTCCAGTTGTTAAGGGACCCACATGAACACCAAGCTGCACATC	529842
Sbjct	51114	ATCAGAGACAGACCTCATTCCAGTTGTTAAGGGACCCACATGAACACCAAGCTGCACATC	51055
Query	529843	TATTACATATGTTTAAGGGGCTTACATCTAGCCCCTGCATGCTCTTTGGTTGCTGGTTCA	529902
Sbjct	51054	TATTACATATGTTTAAGGGGCTTACATCTAGCCCCTGCATGCTCTTTGGTTGCTGGTTCA	50995
Query	529903	GTCTCTGTGAGCCTCCTGCAGGCACAGATTAGTTGCCTCTATTGGTTTTCTTGTGGTGTC	529962
Sbjct	50994	GTCTCTGTGAGCCTCCTGCAGGCACAGATTAGTTGCCTCTATTGGTTTTCTTGTGGTGTC	50935
Query	529963	CTTAACACCTCTCCAGCTCTCAGTCCTATTCCCCAATCTTCCACAAGATGCTAAGAGCTC	530022
Sbjct	50934	CTTAACACCTCTCCAGCTCTCAGTCCTATTCCCCAATCTTCCACAAGATGCTAAGAGCTC	50875
Query	530023	CATCTAATAGTTGACTGTGGTTCTCTGCAACCTGCTTCCATCCTATGCTGGATGAAGCCT	530082
Sbjct	50874	CATCTAATAGTTGACTGTGGTTCTCTGCAACCTGCTTCCATCCTATGCTGGATGAAGCCT	50815
Query	530083	CTCAGGAAACAGTTATAACCAGGCTATAAGCATACCACAATATCATTAATAGTGTACAGGC	530142
Sbjct	50814	CTCAGGAAACAGTTATAACCAGGCTATAAGCATACCACAATATCATTAATAGTGTACAGGC	50755
Query	530143	TTCTCTCCCATGGTCTCAAGTTGACCCAGTCATTGTTTGGCTGTTCCCTTCAGTCATCTTG	530202

Sbjct	50754	TTCTCTCCCATGGTCTCAAGTTGACCCAGTCATTGTTTGGCTGTTCCCTTCAGTCATCTTG	50695
Query	530203	TAGGCAGGACATATTTTGGGTTGAAGGTTTTGTGGGTGAGTTAGTGTTCCATTCTCTAA	530262
Sbjct	50694	TAGGCAGGACATATTTTGGGTTGAAGGTTTTGTGGGTGAGTTAGTGTTCCATTCTCTAA	50635
Query	530263	TAGAAATCCTGCCTAACTACATTATAGGAGTTAGTCACCTCAGTTGCCATACCTCCAAC	530322
Sbjct	50634	TAGAAATCCTGCCTAACTACATTATAGGAGTTAGTCACCTCAGTTGCCATACCTCCAAC	50575
Query	530323	GTTAGAAGTCTCAGCTAGGGAGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGGCCCTGGGTTCAATC	530382
Sbjct	50574	GTTAGAAGTCTCAGCTAGGGAGCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGGCCCTGGGTTCAATC	50515
Query	530383	CTCAGCTCCAAAAACGAAAAAGAAGTCTCAGCTAAAGTCACATCCATAGACTCTGGGGAG	530442
Sbjct	50514	CTCAGCTCCAAAAACGAAAAAGAAGTCTCAGCTAAAGTCACATCCATAGACTCTGGGGAG	50455
Query	530443	AATCCCTTGTCTCAGGTCTCCTGCTCATCCAGAGATGCCAGCCAGTGATTTCATTTT	530502
Sbjct	50454	AATCCCTTGTCTCAGGTCTCCTGCTCATCCAGAGATGCCAGCCAGTGATTTCATTTT	50395
Query	530503	TCTTAGCCCTCTCCTCACACCTGATTCCCGTCCACGATCGCCTCTCCATCCCTTTCCTTA	530562
Sbjct	50394	TCTTAGCCCTCTCCTCACACCTGATTCCCGTCCACGATCGCCTCTCCATCCCTTTCCTTA	50335
Query	530563	CTCCTCCCTTTATTCACTTCTAATGTCTATTTTATTTCCACTTTGAGTGAAATTCACAT	530622
Sbjct	50334	CTCCTCCCTTTATTCACTTCTAATGTCTATTTTATTTCCACTTTGAGTGAAATTCACAT	50275
Query	530623	ACCCTCACTTGGGCCCTTCTGTACTTAGTTTTTCTTTTCATCTGTGGATCATAACATG	530682
Sbjct	50274	ACCCTCACTTGGGCCCTTCTGTACTTAGTTTTTCTTTTCATCTGTGGATCATAACATG	50215
Query	530683	TACTTAATGACTAATATCCACTTATAAGTGAGTATATACTATGTCTGTCTTTCTGGGTTT	530742
Sbjct	50214	TACTTAATGACTAATATCCACTTATAAGTGAGTATATACTATGTCTGTCTTTCTGGGTTT	50155
Query	530743	AGGTTACTTCACTCAGGATTTTCCAGTTTTTATCCATTTGCCAACAAATTCATGATGTC	530802
Sbjct	50154	AGGTTACTTCACTCAGGATTTTCCAGTTTTTATCCATTTGCCAACAAATTCATGATGTC	50095
Query	530803	TTTGTTTTTAATACTTACACAATTGTATTACATTGTGTAAAGTCTTTACTTATTTTTCAG	530862
Sbjct	50094	TTTGTTTTTAATACTTACACAATTGTATTACATTGTGTAAAGTCTTTACTTATTTTTCAG	50035
Query	530863	TTAACGGACATCTAGATTGTTTCCAGTTTTTGAAATTCCAGTTATTACAAATAAAGCTGC	530922
Sbjct	50034	TTAACGGACATCTAGATTGTTTCCAGTTTTTGAAATTCCAGTTATTACAAATAAAGCTGC	49975
Query	530923	TGTGAATGTAGTTGAGCAAGTGATGATAGTGGGACATCTTTTGACTATATGCCCAGGAG	530982
Sbjct	49974	TGTGAATGTAGTTGAGCAAGTGATGATAGTGGGACATCTTTTGACTATATGCCCAGGAG	49915
Query	530983	TGATATAGCTGTGTCTTGAAGTAGAAAACTTCTAGTTCTGTTAGTTGCTGTTTTGTCCTA	531042
Sbjct	49914	TGATATAGCTGTGTCTTGAAGTAGAAAACTTCTAGTTCTGTTAGTTGCTGTTTTGTCCTA	49855
Query	531043	ATGACAGTGTCTTTGTCTTGCAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTTGATT	531102
Sbjct	49854	ATGACAGTGTCTTTGTCTTGCAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTTGATT	49795
Query	531103	CTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTCTATTTCAGGAAATTTTCTCTGTCCCTATG	531162
Sbjct	49794	CTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTCTATTTCAGGAAATTTTCTCTGTCCCTATG	49735
Query	531163	GGATTCACTCTTCTCACTTTGTCTTCTATTAGGTTGAATGTATCTGGTTTGATGTGG	531222
Sbjct	49734	GGATTCACTCTTCTCACTTTGTCTTCTATTAGGTTGAATGTATCTGGTTTGATGTGG	49675
Query	531223	AGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGAATGGATCAATTTGC	531282
Sbjct	49674	AGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGAATGGATCAATTTGC	49615
Query	531283	ATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGAACCATTTACTGAAAATGCTGTCTtttt	531342
Sbjct	49614	ATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGAACCATTTACTGAAAATGCTGTCTTTT	49555
Query	531343	ttcactgggatgtttttgtttttgatgagtggtatggtgtgttttctgtgattgggc	531402
Sbjct	49554	TTCACTGGATGTTTTTGTTTTTGATGAGTGGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT	49495
Query	531403	TACCTCACTCAGATGGTATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTATGAATTCAGAAAGGC	531462
Sbjct	49494	TACCTCACTCAGATGGTATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTATGAATTCAGAAAGGC	49435
Query	531463	ATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATATACCACATTTTCTGTATCCA	531522
Sbjct	49434	ATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATATACCACATTTTCTGTATCCA	49375

Query	531523	TTCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGC	531582
Sbjct	49374	TTCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGC	49315
Query	531583	TATGAACATAGTGGAGCACGTGTCtttttttATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGC	531642
Sbjct	49314	TATGAACATAGTGGAGCACGTGTCCTTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGC	49255
Query	531643	CCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCC	531702
Sbjct	49254	CCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCC	49195
Query	531703	AGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAGTCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCT	531762
Sbjct	49194	AGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAGTCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCT	49135
Query	531763	CTCTTTCTCCGCAACCTCGCCAGCATTTGGTGTCACTTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCT	531822
Sbjct	49134	CTCTTTCTCCGCAACCTCGCCAGCATTTGGTGTCACTTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCT	49075
Query	531823	TGACTGGTGTGAGGTAGAATCTCAGGATTCTCTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAGG	531882
Sbjct	49074	TGACTGGTGTGAGGTAGAATCTCAGGATTCTCTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAGG	49015
Query	531883	ATGTTGAACATTTCCTTAGGTACTTCTCAGCCATTTGATATTCTCAGCTGTGACTTCTT	531942
Sbjct	49014	ATGTTGAACATTTCCTTAGGTACTTCTCAGCCATTTGATATTCTCAGCTGTGACTTCTT	48955
Query	531943	TGTTTACCTCTGTACCCCATTTTTAATTAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTGAGTTCT	532002
Sbjct	48954	TGTTTACCTCTGTACCCCATTTTTAATTAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTGAGTTCT	48895
Query	532003	TTTGTATTTTGGATATTAGCCCTCTATCAAGTATAGGATTGGTAAAGATCTGTAGGTTGC	532062
Sbjct	48894	TTTGTATTTTGGATATTAGCCCTCTATCAAGTATAGGATTGGTAAAGATCTGTAGGTTGC	48835
Query	532063	CTTTTGTCCATTATGACAGTGTCTTTTGTCTTACAGAAGCTTTTCAGTTTCATAAGGACC	532122
Sbjct	48834	CTTTTGTCCATTATGACAGTGTCTTTTGTCTTACAGAAGCTTTTCAGTTTCATAAGGACC	48775
Query	532123	CTTTATCAAATGTTGATCTTAGAGCCTAACCCATTGTGTTTTCTCAGGAAATTTTCTCC	532182
Sbjct	48774	CTTTATCAAATGTTGATCTTAGAGCCTAACCCATTGTGTTTTCTCAGGAAATTTTCTCC	48715
Query	532183	TGTGCCAAGGTGTTTAAGGGAGTTCCTTAATTTCTCTTCattagatttagtggtttga	532242
Sbjct	48714	TGTGCCAAGGTGTTTAAGGGAGTTCCTTAATTTCTCTTCATTAGATTTAGTGTGTTTGA	48655
Query	532243	attttatgttaacttattttatttatttttaccttttgcttttcagcttaactgaatttt	532302
Sbjct	48654	ATTTTATGTTACTTATTTATTTATTTATTTTACCTTTTGCTTTCAGCTTACTGAATTTT	48595
Query	532303	tcttttctttttttttttttcttttcttttCAGGAATGTAAGCGTCCCCTGGAAGCTTTTG	532362
Sbjct	48594	TCTTTTCTTTTTTTTTTTTCTTTTCTTTTCAGGAATGTAAGCGTCCCCTGGAAGCTTTTG	48535
Query	532363	GCTTTGAGCAAGCTACACAGGAGTATACGTTGCAGAGTTTGGTGAGATGGCTGATTCCT	532422
Sbjct	48534	GCTTTGAGCAAGCTACACAGGAGTATACGTTGCAGAGTTTGGTGAGATGGCTGATTCCT	48475
Query	532423	TCAAGGCTGACTACTTCAACATGCCTGTACATGTATGTGACTGTATGATTAATGTCTGCT	532482
Sbjct	48474	TCAAGGCTGACTACTTCAACATGCCTGTACATGTATGTGACTGTATGATTAATGTCTGCT	48415
Query	532483	AGTCTTATGAAAGGAAATACAAGTGAACCGTGAGAATCTTTTCACCTTTTCTCATAGATGG	532542
Sbjct	48414	AGTCTTATGAAAGGAAATACAAGTGAACCGTGAGAATCTTTTCACCTTTTCTCATAGATGG	48355
Query	532543	TACCTACAGAAGTTGTGGAAAAGGAATTCTGGAGGCTGGTGAGCAGCATTGAGGAGGATG	532602
Sbjct	48354	TACCTACAGAAGTTGTGGAAAAGGAATTCTGGAGGCTGGTGAGCAGCATTGAGGAGGATG	48295
Query	532603	TGACAGTTGAGTATGGAGCAGACATTCACTCCAAAGAATTTGGCAGTGGGTTTCTGTCA	532662
Sbjct	48294	TGACAGTTGAGTATGGAGCAGACATTCACTCCAAAGAATTTGGCAGTGGGTTTCTGTCA	48235
Query	532663	ACAATAGCAAATGGACCTTATCTCCTGAAGAAAAGGTAATTTGCCTAATATCTACTTTGC	532722
Sbjct	48234	ACAATAGCAAATGGACCTTATCTCCTGAAGAAAAGGTAATTTGCCTAATATCTACTTTGC	48175
Query	532723	CCGTTTCATTTCATATGATTGCATTTTGTGTTGGATTTTATTGCTCTCCCTTTATTTTCATT	532782
Sbjct	48174	CCGTTTCATTTCATATGATTGCATTTTGTGTTGGATTTTATTGCTCTCCCTTTATTTTCATT	48115
Query	532783	TCTCATGCAAATAGTATTCTTACTACATTTTCCCCTCTCTCAACTCCAAACATTCCCCAG	532842
Sbjct	48114	TCTCATGCAAATAGTATTCTTACTACATTTTCCCCTCTCTCAACTCCAAACATTCCCCAG	48055
Query	532843	CTCTCCTCTACTCCATTTCTGTCTCTGATTAGAAGAGAACAGGCTTCTAAGAGATAGTAA	532902



Sbjct	48054	CTCTCCTCTACTCCATTTCTGTCTCTGATTAGAAGAGAACAGGCTTCTAAGAGATAGTAA	47995
Query	532903	CCAAACATGACAAAATAAAGTATAATAAAACAAAAACATTATTATGTAGAAGTTGGACAA	532962
Sbjct	47994	CCAAACATGACAAAATAAAGTATAATAAAACAAAAACATTATTATGTAGAAGTTGGACAA	47935
Query	532963	GGTAACCCCTATGGAATGAAAGGAGTCCCAAGAGGAGACATAAGGATCAGAGACTCACTTA	533022
Sbjct	47934	GGTAACCCCTATGGAATGAAAGGAGTCCCAAGAGGAGACATAAGGATCAGAGACTCACTTA	47875
Query	533023	TTACACACTGAGGAGTCCAATAAAAAATACTAAGCTGAAAGCTGTATATACACCGAGGAC	533082
Sbjct	47874	TTACACACTGAGGAGTCCAATAAAAAATACTAAGCTGAAAGCTGTATATACACCGAGGAC	47815
Query	533083	CTGGTATAGAACTGAGAAGACCCCTATGATTACTGCTTCAGTCTTAGTGAGTACATATGAG	533142
Sbjct	47814	CTGGTATAGAACTGAGAAGACCCCTATGATTACTGCTTCAGTCTTAGTGAGTACATATGAG	47755
Query	533143	CCTTCCTCAGTTGTTTTAGAGAACCTTGTTCTTGTGTCCTCTGTCTGCTCTATCACTAAC	533202
Sbjct	47754	CCTTCCTCAGTTGTTTTAGAGAACCTTGTTCTTGTGTCCTCTGTCTGCTCTATCACTAAC	47695
Query	533203	CCTTTTCTCTTCTTCCACAGGGTTTCTGAGCTGTAAGGGGAGGAATTTGTGGTctctgt	533262
Sbjct	47694	CCTTTTCTCTTCTTCCACAGGGTTTCTGAGCTGTAAGGGGAGGAATTTGTGGTCTCTGT	47635
Query	533263	ctttgtctctcttctctctctccctctctctctctgctctctctctctctctctctctct	533322
Sbjct	47634	CTTTGTCTCTTTCTCTCTCCCTCTCTCCTCTGCCTCCTCTTCTCTTCTCCTCTTCTTC	47575
Query	533323	ctcctctatactttcccttccctcttttcccttccctccctccttttctgtctgtgtctctct	533382
Sbjct	47574	CTCCTCTATACTTTCCCTTCCCTCTTTCCCTTCCCTCCCTCCTTTTCTGTCTGTGTCTCTCT	47515
Query	533383	ttctcttttctccctctGACATCCAATTTAGAGAGGAATATTTCAAGATGCCTTTCTTTTC	533442
Sbjct	47514	TTCTCTTTTCTCCCTCTGACATCCAATTTAGAGAGGAATATTTCAAGATGCCTTTCTTTTC	47455
Query	533443	CTCTGCATAATGGCTGACTGTGGGTCTCTGTATTTGTTCCAATTTACTGCAGGAGTAAGC	533502
Sbjct	47454	CTCTGCATAATGGCTGACTGTGGGTCTCTGTATTTGTTCCAATTTACTGCAGGAGTAAGC	47395
Query	533503	TTTTCTGATTGTAGATGGCTGTCTAGTCTCTGGTTCTTAGTCACCCAAGGTCTGTTATGA	533562
Sbjct	47394	TTTTCTGATTGTAGATGGCTGTCTAGTCTCTGGTTCTTAGTCACCCAAGGTCTGTTATGA	47335
Query	533563	TTGGCTTCCATTTTGTAGGGGAACCTTAAAGTCAAATCATACATTTGTTGGTCATTCCCTA	533622
Sbjct	47334	TTGGCTTCCATTTTGTAGGGGAACCTTAAAGTCAAATCATACATTTGTTGGTCATTCCCTA	47275
Query	533623	CAAGGTTTGTGCCACTTTTGCACCTAACGCATTTTACAGTCAAGATCGCTCTATTGATCAA	533682
Sbjct	47274	CAAGGTTTGTGCCACTTTTGCACCTAACGCATTTTACAGTCAAGATCGCTCTATTGATCAA	47215
Query	533683	AGAATTTGTAGCTTTCTCCTTTAGCAGCCTGCAAAGTACCTTTTTATAACAAGACTTTAG	533742
Sbjct	47214	AGAATTTGTAGCTTTCTCCTTTAGCAGCCTGCAAAGTACCTTTTTATAACAAGACTTTAG	47155
Query	533743	AAAGTAGGGATGAATGTTCTCAGTACTAGCCCTATCTTTTCATGTTCAATAAGTTGTGTG	533802
Sbjct	47154	AAAGTAGGGATGAATGTTCTCAGTACTAGCCCTATCTTTTCATGTTCAATAAGTTGTGTG	47095
Query	533803	GGTGTTGATTTCAGCAATGAGGCCCTGCTTTTACAGCTTATGGAGAGCATTTACTGTCAATT	533862
Sbjct	47094	GGTGTTGATTTCAGCAATGAGGCCCTGCTTTTACAGCTTATGGAGAGCATTTACTGTCAATT	47035
Query	533863	GTCAGTCTGGATTGTTTGGGGATTTTCATGGTATGTCTTTGGCAGAACTAAATTGGATA	533922
Sbjct	47034	GTCAGTCTGGATTGTTTGGGGATTTTCATGGTATGTCTTTGGCAGAACTAAATTGGATA	46975
Query	533923	GGCCCCGATATCAGTACTAGAAGCTTCAATTTGGTGACATGAGATGGCCAGTTGGGACTCA	533982
Sbjct	46974	GGCCCCGATATCAGTACTAGAAGCTTCAATTTGGTGACATGAGATGGCCAGTTGGGACTCA	46915
Query	533983	ATCTCCCTCATTATTTTAAAGACCTCAATAGGATACTATTTCATATATTTTATGGAGTTTC	534042
Sbjct	46914	ATCTCCCTCATTATTTTAAAGACCTCAATAGGATACTATTTCATATATTTTATGGAGTTTC	46855
Query	534043	TACTTAAACTAGATTTCCATATTAATTGTTAGATGCCCTGCAGTTTTAGCTGTCTCTCTT	534102
Sbjct	46854	TACTTAAACTAGATTTCCATATTAATTGTTAGATGCCCTGCAGTTTTAGCTGTCTCTCTT	46795
Query	534103	TACATTtctctccctcaatcctccctcctgtgttctctctccacttgaacctctccttccctG	534162
Sbjct	46794	TACATTTCTCCTCCCTCAATCCTCCCTCCTGTGTTCTCTCCACTGAACCTCTCCTTCCTG	46735
Query	534163	CAAAAGACCCTTTCCACTCCTAATCCAGCCAGGCTGACACCATGCATAAAATGTATTCTA	534222
Sbjct	46734	CAAAAGACCCTTTCCACTCCTAATCCAGCCAGGCTGACACCATGCATAAAATGTATTCTA	46675

Query	534223	ATTATCACTGCCAGAGAGATT	CATGTGTTATCTCTACTCACTTTAAAAATACCTA	ttttt	534282
Sbjct	46674	ATTATCACTGCCAGAGAGATT	CATGTGTTATCTCTACTCACTTTAAAAATACCTATTTTT		46615
Query	534283	ttt	CTTGGTCTATGGACTGTTGCTTGGATATCACTTAGTTAGTGGCTACTATGCAATTAT		534342
Sbjct	46614	TTT	CTTGGTCTATGGACTGTTGCTTGGATATCACTTAGTTAGTGGCTACTATGCAATTAT		46555
Query	534343	GACCAAATACCTACCCTACTTATCTTTCTGATTTAGGTTACCTCCCTCTGGTAGATGGAC			534402
Sbjct	46554	GACCAAATACCTACCCTACTTATCTTTCTGATTTAGGTTACCTCCCTCTGGTAGATGGAC			46495
Query	534403	TATTTGATTATTTATTTGTTATTTGGTTCCATCATTTCCATGAAAAATATCACAATGTTA	t		534462
Sbjct	46494	TATTTGATTATTTATTTGTTATTTGGTTCCATCATTTCCATGAAAAATATCACAATGTTAT			46435
Query	534463	tttttt	CATTTATTCTGACAGCAGTTTCTCTTCCCTCCACTCTTCCCAGTTCCCCCTCTT		534522
Sbjct	46434	TTTTTT	CATTTATTCTGACAGCAGTTTCTCTTCCCTCCACTCTTCCCAGTTCCCCCTCTT		46375
Query	534523	TACCCCATTTCCCCC	CACATCCACTAACTACTC	tttttgttactgttttttgctttg	534582
Sbjct	46374	TACCCCATTTCCCCC	CACATCCACTAACTACTC	tttttggttactgttttttgctttg	46315
Query	534583	at	tttCAAAGAAAACATCAGGCCTCACAGTTATATCAACCAGAGACAGCATAACAAGTTA		534642
Sbjct	46314	ATTTT	CAAAGAAAACATCAGGCCTCACAGTTATATCAACCAGAGACAGCATAACAAGTTA		46255
Query	534643	CAGTAGTACTAGACACAACCATT	TTTATCAAGGCTGAACCAGGCAACCCAGGAGGATGAA		534702
Sbjct	46254	CAGTAGTACTAGACACAACCATT	TTTATCAAGGCTGAACCAGGCAACCCAGGAGGATGAA		46195
Query	534703	GAGAAAGTGAAAGAGTAAGAGATGAATGCCCATTTCCCATTTAGGAACCCCATGAGGACT			534762
Sbjct	46194	GAGAAAGTGAAAGAGTAAGAGATGAATGCCCATTTCCCATTTAGGAACCCCATGAGGACT			46135
Query	534763	TCACACTGACACAAACCACAGCACTTACACAGAGGATCTAGAGGATCTAGCATAACAGGT			534822
Sbjct	46134	TCACACTGACACAAACCACAGCACTTACACAGAGGATCTAGAGGATCTAGCATAACAGGT			46075
Query	534823	CCAGGAGTGTA	ACTTGACTTACTGCAAGTC	TTTTTGATTCTGCTTAGTTTGTTCTGTGG	534882
Sbjct	46074	CCAGGAGTGTA	ACTTGACTTACTGCAAGTC	TTTTTGATTCTGCTTAGTTTGTTCTGTGG	46015
Query	534883	GCCTTGCTCTCCTGGTGTCTTCACCCCTCTGGCCCTACAAATCTTCTCCCTCTTCC			534942
Sbjct	46014	GCCTTGCTCTCCTGGTGTCTTCACCCCTCTGGCCCTACAAATCTTCTCCCTCTTCC			45955
Query	534943	AAAGGATTACATGGCTCCCCCTAATTTTTGGTGGAGGGTCTCTGCATCTGCTCCCATAA			535002
Sbjct	45954	AAAGGATTACATGGCTCCCCCTAATTTTTGGTGGAGGGTCTCTGCATCTGCTCCCATAA			45895
Query	535003	GTTGCTAGATGACTCCTCTTTGATAA	ACTTGAGCTAGGTACTGATCTATGGGTATAGAG		535062
Sbjct	45894	GTTGCTAGATGACTCCTCTTTGATAA	ACTTGAGCTAGGTACTGATCTATGGGTATAGAG		45835
Query	535063	AATATCATTAGGAATACTTGTACTGA	cttttttccattcctttccctttccctttttattct		535122
Sbjct	45834	AATATCATTAGGAATACTTGTACTGACTTTTTTCATTCTTTCTTTCTTTTATTCT			45775
Query	535123	ttgttttttctctttt	gttttcaagtcatttttGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGG		535182
Sbjct	45774	TTGTTTTTTCTTTTTGTTTTCAAGTCATTTTTGAGTCTGATTCTATGCTGGGTTTCTGGG			45715
Query	535183	TGGTCCTCCTCTG	TTTTCTGGCCCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTG		535242
Sbjct	45714	TGGTCCTCCTCTG	TTTTCTGGCCCTGCAGGCAGTGGCAGTGTGGGCTCCCTCTTGAGGTG		45655
Query	535243	TGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCAC			535302
Sbjct	45654	TGGGCCTCAAGTTGGACCAGTCAGTGGTTGACTACTTCTGCACCACCATTATCCCAGCAC			45595
Query	535303	ATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGAAGGTTTTATGGATGGGTAAATGTACCAGTC			535362
Sbjct	45594	ATCTTACAGGCAAGGCAGATTATGCATTGAAGGTTTTATGGATGGGTAAATGTACCAGTC			45535
Query	535363	CCGCACTGGGAC	CCTTGTGTAGTTTCAAGATGGTTGGTTCAGACTCACTGTCCCCCATT		535422
Sbjct	45534	CCGCACTGGGAC	CCTTGTGTAGTTTCAAGATGGTTGGTTCAGACTCACTGTCCCCCATT		45475
Query	535423	ACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGACAGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATC			535482
Sbjct	45474	ACTAGAAGTCTTCATTGAGGTCACCTGGACAGAGTCCAGGCACTCTGGTGTTTTTTAATC			45415
Query	535483	ACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTTTTACATTTCTTG			535542
Sbjct	45414	ACAGCCATTCTGACAGGTGTATGATAGAATCCTAAAGTCATTTTGTTTTACATTTCTTG			45355
Query	535543	ATAACCTAAGGATATTGAGCATCTCTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCTCTGTGT			535602

Sbjct	45354	CTAAGGATATTGAGCATCTCTTTAGGTGTTTCTCAGCTATTTGATGTTCTCTGTGT	45295
Query	535603	TGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTTCATTTGTTCGATGT	535662
Sbjct	45294	TGAGAATTCTGTTTAGATCTGTACTCTCTTTTTTAATTGGATTATTTTCATTTGTTCGATGT	45235
Query	535663	CCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTGGATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTG	535722
Sbjct	45234	CCAGTTTCTTGAGTTCTTTGAATATTTTGGATACTAGCCAAATAATGTGCACTCACACTG	45175
Query	535723	TTTGTCTAGATGTGGAGTTGGTAAAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTTTGTCTCTAC	535782
Sbjct	45174	TTTGTCTAGATGTGGAGTTGGTAAAACTCTTCCCATTTTGTAGACGGCTCTTTTGTCTCTAC	45115
Query	535783	TGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGTCCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGT	535842
Sbjct	45114	TGATGGTATACTTTAGCTTCTTCACGAGGTCCCATTTATCAGTTGTTGAAGCTGAGTGGT	45055
Query	535843	TTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTGTCTCTCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACTTT	535902
Sbjct	45054	TTGTGTTCTGTTTCAGAAAATTGTCTCTCTGTGCTAACGTGTTCAAGGTTATTTCCCACTTT	44995
Query	535903	CTCTTCTGTTAGGTTTGTAGTATCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCACCTGGACTG	535962
Sbjct	44994	CTCTTCTGTTAGGTTTGTAGTATCTGGTTGTATGTCTATGTCTTTAAGTCACCTGGACTG	44935
Query	535963	GAGTTTTGTGTCAGGGTGGTAGATATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCA	536022
Sbjct	44934	GAGTTTTGTGTCAGGGTGGTAGATATGGATCTATTTGCATTCTTCTACATCCTGACATGCA	44875
Query	536023	CTTAGACCAGCACCATTTGTCAAAGAGGCTTTCCTTTTTTCCAGTGTGTAATTCAGCTTCT	536082
Sbjct	44874	CTTAGACCAGCACCATTTGTCAAAGAGGCTTTCCTTTTTTCCAGTGTGTAATTCAGCTTCT	44815
Query	536083	TTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGTAGATTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTC	536142
Sbjct	44814	TTATCAAAAATCAGATATCCATAAGTGTGTAGATTATCTCTGAGTCTTAGATTCTATTC	44755
Query	536143	TGTAGATCAACCTGTCtttttttatttatttttAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTA	536202
Sbjct	44754	TGTAGATCAACCTGTCtttttttatttatttttAATATCAATACCATGCAGTTTTTATTA	44695
Query	536203	CTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCTttt	536262
Sbjct	44694	CTGTATCTCTGTGGTAGAGCTTGAAATCCAAGATGGTGATACCTCCAATTATTATTCTTT	44635
Query	536263	tttttttttttttttttttCTCTCCGGAGTTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCT	536322
Sbjct	44634	tttttttttttttttttttCTCTCCGGAGTTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCT	44575
Query	536323	CGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAATATGGGGTT	536382
Sbjct	44574	CGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCTCCAACCTCCAGAAGTTCTTAATATGGGGTT	44515
Query	536383	GGTTTTAGCTGCCTTGCTttttttgttttttCCATTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAG	536442
Sbjct	44514	GGTTTTAGCTGCCTTGCTttttttgttttttCCATTGAAGTTGAATATTGTTCTTGCAAG	44455
Query	536443	GTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTTCCTT	536502
Sbjct	44454	GTCTATAAAGGATTATACTGGTGTTTTGAAGGCTGATGGGTTGAATCTCTAGATTTCCTT	44395
Query	536503	TGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTT	536562
Sbjct	44394	TGATAAGGTGGCCATTTTCACTATGTTAATCCTACTGATTTGTGAGTGTGGGAAACCTTT	44335
Query	536563	CCATCTTCTGATCTCTTCTTCAATTTCTTTGACGTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACCTA	536622
Sbjct	44334	CCATCTTCTGATCTCTTCTTCAATTTCTTTGACGTTTTGGTCATAGAAGTCTTTCACCTA	44275
Query	536623	GCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATTTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATT	536682
Sbjct	44274	GCTTGGTTAGAGTTACCCTAAGATATTTTGTATATTTGTGGCCATTGTGAAGGGCTTATT	44215
Query	536683	TTCTTGGTTTCTTTTTCAGTCTCCCCCTCCCCCTTTTTATTTAGGAAGAGTACTGTTTTTC	536742
Sbjct	44214	TTCTTGGTTTCTTTTTCAGTCTCCCCCTCCCCCTTTTTATTTAGGAAGAGTACTGTTTTTC	44155
Query	536743	TCAGTTAATTTTCTGTCTAGCTACCTTGATGAAAGTGTTACCAAGTGTGAGTACATCTG	536802
Sbjct	44154	TCAGTTAATTTTCTGTCTAGCTACCTTGATGAAAGTGTTACCAAGTGTGAGTACATCTG	44095
Query	536803	AGTTTCCTGTGGAATTTTGAAGGCTAGTTATGTATACTGTCATATCtttttttttttttC	536862
Sbjct	44094	AGTTTCCTGTGGAATTTTGAAGGCTAGTTATGTATACTGTCATATCTTTTTTTTTTTTC	44035
Query	536863	TGTCCGGAGCTGAGGACCGAACCCACGGCCTTGCTGCTTGCTAGGCAAGTGTCTACCACT	536922
Sbjct	44034	TGTCCGGAGCTGAGGACCGAACCCACGGCCTTGCTGCTTGCTAGGCAAGTGTCTACCACT	43975

Query	536923	GAGCTAAATCCCCAACCCCATATCtttttttttttttttgggtctttttttCGGAGCTGGTG	536982
Sbjct	43974	GAGCTAAATCCCCAACCCCATATCTTTTTTTTTTTTTTGTTCTTTTTTTCGGAGCTGGTG	43915
Query	536983	ACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCAG	537042
Sbjct	43914	ACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCAG	43855
Query	537043	CCCCATATCttttttttAAAATAATGAAACTTTGACTTCCATTTCITTGATTTTCTCTCA	537102
Sbjct	43854	CCCCATATCTTTTTTTTAAAATAATGAAACTTTGACTTCCATTTCITTGATTTTCTCTCA	43795
Query	537103	TTCATTTAGCCATGTCTGCATGCACTATATTGAAATGAGATGAGAAAGTGGGCAACCTGA	537162
Sbjct	43794	TTCATTTAGCCATGTCTGCATGCACTATATTGAAATGAGATGAGAAAGTGGGCAACCTGA	43735
Query	537163	TTTTAGTGGAATTGGTTTTAGTTTCTCTCCATTAAAGTTGATTTCGACTACTATGGGTTT	537222
Sbjct	43734	TTTTAGTGGAATTGGTTTTAGTTTCTCTCCATTAAAGTTGATTTCGACTACTATGGGTTT	43675
Query	537223	GTTGCAAATACCTTCATTATGTATGTATTATGTATGTGTAGTGTATCTTTTTTCCAGAA	537282
Sbjct	43674	GTTGCAAATACCTTCATTATGTATGTATTATGTATGTGTAGTGTATCTTTTTTCCAGAA	43615
Query	537283	TTTTTATTTTGAAGCATTGTTGAATTTTGTCAAAGGTCCTTTCTCCATCTCATAAGATAA	537342
Sbjct	43614	TTTTTATTTTGAAGCATTGTTGAATTTTGTCAAAGGTCCTTTCTCCATCTCATAAGATAA	43555
Query	537343	TCACACTGTTTATAGTCCTTCAATTTCAATTATCAATACTTATCAATTTTATATATTGA	537402
Sbjct	43554	TCACACTGTTTATAGTCCTTCAATTTCAATTATCAATACTTATCAATTTTATATATTGA	43495
Query	537403	GCCATCCTTGCATCTCTGCAATGAAGCTTACTGAGTCATGGTTGATGATCTTTTTGATGT	537462
Sbjct	43494	GCCATCCTTGCATCTCTGCAATGAAGCTTACTGAGTCATGGTTGATGATCTTTTTGATGT	43435
Query	537463	GTTCTTGGTTTCAGTTTTCTAGTATTTTAGTGAAAAAATTTGCATGTGTCACGAAGGCCG	537522
Sbjct	43434	GTTCTTGGTTTCAGTTTTCTAGTATTTTAGTGAAAAAATTTGCATGTGTCACGAAGGCCG	43375
Query	537523	GTAATCTGTTGAAACTGTGTAGTTTGGGCATCAGAGTAAATGTAGCATCTTAAATGAA	537582
Sbjct	43374	GTAATCTGTTGAAACTGTGTAGTTTGGGCATCAGAGTAAATGTAGCATCTTAAATGAA	43315
Query	537583	TTGGGCGGTTTTTCTATTCTGTTTCTAGTTTGTGAAACAATTTACAGAGTACTGTCTCA	537642
Sbjct	43314	TTGGGCGGTTTTTCTATTCTGTTTCTAGTTTGTGAAACAATTTACAGAGTACTGTCTCA	43255
Query	537643	GCTCCTCTCTGGTAGAGGAAGCTGGTAGAATTCTGTGCTAAAAGTATCAGACCCTGGGG	537702
Sbjct	43254	GCTCCTCTCTGGTAGAGGAAGCTGGTAGAATTCTGTGCTAAAAGTATCAGACCCTGGGG	43195
Query	537703	TTGGGGATTAGCTGTGGTAGAGCGCTTGCTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCA GTCC	537762
Sbjct	43194	TTGGGGATTAGCTGTGGTAGAGCGCTTGCTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCA GTCC	43135
Query	537763	CCAGCTCCGAGaaaaagaaaaagaaaaaaaaaaAGTGT CAGACCCTGGGCATT TGT TTTT	537822
Sbjct	43134	CCAGCTCCGAGAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAAAAGTGT CAGACCCTGGGCATT TGT TTTT	43075
Query	537823	TGGGAAACGTATGATGGCTTCTATTTCTCTAGTGGTTATATGTT CATTTAATTGCT tttt	537882
Sbjct	43074	TGGGAAACGTATGATGGCTTCTATTTCTCTAGTGGTTATATGTT CATTTAATTGCT TTTT	43015
Query	537883	ttttttttGGTCTTAATTTAACTTTGGTTTGTGCTACATAGCAGGAAAATTATTTATTTT	537942
Sbjct	43014	TTTTTTTTGGTCTTAATTTAACTTTGGTTTGTGCTACATAGCAGGAAAATTATTTATTTT	42955
Query	537943	CTTTAGATTTTGCAGTTATGTGAACTACAGGTTTTAAGGTATGCCTCCATGCATTT CCTT	538002
Sbjct	42954	CTTTAGATTTTGCAGTTATGTGAACTACAGGTTTTAAGGTATGCCTCCATGCATTT CCTT	42895
Query	538003	GATGTCTGATTTTGAATATTCTCTTTATGGTTTAGGTAGTTCAGATTAGAGG tttccttc	538062
Sbjct	42894	GATGTCTGATTTTGAATATTCTCTTTATGGTTTAGGTAGTTCAGATTAGAGGTTTCTTTC	42835
Query	538063	ccttcctccctccccccctccttccttccttccttccttatctttctttttt GAACCATGT	538122
Sbjct	42834	CTTCCTCCCTCCCCCCTCCTTCCCTTCTTCTTCTTCTATCTTCTTTTTTGAACCATGT	42775
Query	538123	TGTTGATGTTCTAGAAGAACCAATTCTTTGTTTCAGTGAATCTTTAAATTGTTATCTTTT	538182
Sbjct	42774	TGTTGATGTTCTAGAAGAACCAATTCTTTGTTTCAGTGAATCTTTAAATTGTTATCTTTT	42715
Query	538183	TGATTTTACTGATTT CAGCCCCGAGCTTGATTAATTATTGCCATCAGTCTTTTTGGGTGT	538242
Sbjct	42714	TGATTTTACTGATTT CAGCCCCGAGCTTGATTAATTATTGCCATCAGTCTTTTTGGGTGT	42655
Query	538243	GCTTGCTTCTTTTCTTCTAAAGCTTTTAGGTATGTTGTTAATTGCTGGTATGAGATTG	538302

Sbjct	42654	GCTTGCTTCTTTTCCTTCTAAAGCTTTTAGGTATGTTGTTAATTGCTGGTATGAGATTG	42595
Query	538303	AACAAggttggtggtgttggttggttggttggtttaaagttcacacaacttgcatctttga	538362
Sbjct	42594	AACAAGTTGTGTGGTTTGTTGTTGTTGTTTAAATGTTACACAACTTGCATCTTTGA	42535
Query	538363	actgtttttctttggtggtCCTTTAAGTTTG GTTATGGTTTGTGTTcatttttcattgaatt	538422
Sbjct	42534	ACTGTTTTCTTTGTGTGTCCTTAAAGTTTG GTTATGGTTTGTGTTCATTTTTCATTGAATT	42475
Query	538423	atagaaagtcttttttaattactttcattttccatttttaacccattttttctcagttacata	538482
Sbjct	42474	ATAGAAAGTCTTTTTTAATTACTTTCATTTCATTTTAACCCATTTTTTCTCAGTTACATA	42415
Query	538483	atttatattGAGCTAAATTAGCCATCTCCTGATTACGCAACTTAGTGTTGTTTTAATGGA	538542
Sbjct	42414	ATTTATTTGAGCTAAATTAGCCATCTCCTGATTACGCAACTTAGTGTTGTTTTAATGGA	42355
Query	538543	TGTGGAATTTTTCTATAATTCATAATCTGCCAAATGTCATTACTCTTGATAATGTGATG	538602
Sbjct	42354	TGTGGAATTTTTCTATAATTCATAATCTGCCAAATGTCATTACTCTTGATAATGTGATG	42295
Query	538603	AATAAACTTATTTTTATTACTATGATACATCATTCCTTGAAAACAttttttttAACTCTGT	538662
Sbjct	42294	AATAAACTTATTTTTATTACTATGATACATCATTCCTTGAAAACATTTTTTTAACTCTGT	42235
Query	538663	ATCGAGTTGTTTAATTTCCACAAGTTTGTAAACTTTCTGTTCTTTCTGTCATTGTTGATA	538722
Sbjct	42234	ATCGAGTTGTTTAATTTCCACAAGTTTGTAAACTTTCTGTTCTTTCTGTCATTGTTGATA	42175
Query	538723	TCCAGCCTTAATCCATGGTAGTTAGACAGGATGAAGAGAATTACTGCAGCTTTCTTGTTT	538782
Sbjct	42174	TCCAGCCTTAATCCATGGTAGTTAGACAGGATGAAGAGAATTACTGCAGCTTTCTTGTTT	42115
Query	538783	TTGTTGAAACTTTCTTTGTGTTCAAGAAATATGGTCAAGTTTTGAGGAAGTTCCATGAGGT	538842
Sbjct	42114	TTGTTGAAACTTTCTTTGTGTTCAAGAAATATGGTCAAGTTTTGAGGAAGTTCCATGAGGT	42055
Query	538843	ACTGAGAAGAAGGTATCTTCTTTTGTGTTTGTGTGAAGTATTCTGTAAATGGATTAAGAC	538902
Sbjct	42054	ACTGAGAAGAAGGTATCTTCTTTTGTGTTTGTGTGAAGTATTCTGTAAATGGATTAAGAC	41995
Query	538903	TTTTTGATTCTATAAAATTTACAAGCTTCAGCATTTCTGTTTTTGTCTAGATGGTATGTAC	538962
Sbjct	41994	TTTTTGATTCTATAAAATTTACAAGCTTCAGCATTTCTGTTTTTGTCTAGATGGTATGTAC	41935
Query	538963	AGCAGTAAGAGCAGGGTATTGAACTCTTTGACTATTAGTGTTAAATGGTCCATATGTGAT	539022
Sbjct	41934	AGCAGTAAGAGCAGGGTATTGAACTCTTTGACTATTAGTGTTAAATGGTCCATATGTGAT	41875
Query	539023	TTAAGCTGTGGTAGTATTTCTTTTGCAAAAATGGATGTTCTTGAATTTGGGACATAGATA	539082
Sbjct	41874	TTAAGCTGTGGTAGTATTTCTTTTGCAAAAATGGATGTTCTTGAATTTGGGACATAGATA	41815
Query	539083	TTAAGAATTGAGATGTCATCCTCATGCATTTTTCTTTTGATGACTATGAAGTACACTTTT	539142
Sbjct	41814	TTAAGAATTGAGATGTCATCCTCATGCATTTTTCTTTTGATGACTATGAAGTACACTTTT	41755
Query	539143	CTATCTCTTTAAATTAGTTTGTATTGTATTCTATTTTGTTAGATATTAAATGGTTATA	539202
Sbjct	41754	CTATCTCTTTAAATTAGTTTGTATTGTATTCTATTTTGTTAGATATTAAATGGTTATA	41695
Query	539203	TCAACTTCTTTCTTAGGCCATTTATTCAAATATCCTTTTCCAAGCCTTTGATATCTAT	539262
Sbjct	41694	TCAACTTCTTTCTTAGGCCATTTATTCAAATATCCTTTTCCAAGCCTTTGATATCTAT	41635
Query	539263	TCATTATTTTAAGATGTGTTTCTTGGGTGCAGCAAAAGGATTCATTCTTAAACATATGTT	539322
Sbjct	41634	TCATTATTTTAAGATGTGTTTCTTGGGTGCAGCAAAAGGATTCATTCTTAAACATATGTT	41575
Query	539323	GTGTTCTAGATTTCCTTAAAGGGGATTGTTCAATTTCCATTAAAAGAGCCTCTACTGTATT	539382
Sbjct	41574	GTGTTCTAGATTTCCTTAAAGGGGATTGTTCAATTTCCATTAAAAGAGCCTCTACTGTATT	41515
Query	539383	ATAGAGTGTTTTAAAGTCTTTTTCTTTTCTTGTGTTGTAATATTCAGACCTTGCAGACAT	539442
Sbjct	41514	ATAGAGTGTTTTAAAGTCTTTTTCTTTTCTTGTGTTGTAATATTCAGACCTTGCAGACAT	41455
Query	539443	AGGATAGCTTGCTTTATCGGAGACATTGTCCTGGCCATTTCTGTGTTTTTAAGCTGGTGC	539502
Sbjct	41454	AGGATAGCTTGCTTTATCGGAGACATTGTCCTGGCCATTTCTGTGTTTTTAAGCTGGTGC	41395
Query	539503	CTGTGCATCTGGGATTGAGATGGTTATGTCCAGGTGCTGATTTTGGTCCAGTGTTTGTT	539562
Sbjct	41394	CTGTGCATCTGGGATTGAGATGGTTATGTCCAGGTGCTGATTTTGGTCCAGTGTTTGTT	41335
Query	539563	GGATACAAttttgtttttgtttttgtttttgtttttgtttttgttttggttttCCTCTCTA	539622
Sbjct	41334	GGATACATTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTTCCTCTCTA	41275

Query	539623	AATTTTAGGAGACTAGTTGGCTGTGCGTTGTCTGGTAGAAGATTATCTGTGGATCTGTTA	539682
Sbjct	41274	AATTTTAGGAGACTAGTTGGCTGTGCGTTGTCTGGTAGAAGATTATCTGTGGATCTGTTA	41215
Query	539683	GTTGTGGCTACTGAGGGTTCTGGGTAAAATGTGTTTCTGAGTATTGGAAGCTGATACTTA	539742
Sbjct	41214	GTTGTGGCTACTGAGGGTTCTGGGTAAAATGTGTTTCTGAGTATTGGAAGCTGATACTTA	41155
Query	539743	GGAATGGGCCAGGCATTCTCAGAAGAGAGGAGAACAAGTATTCCAGCAGAATCTACTTAT	539802
Sbjct	41154	GGAATGGGCCAGGCATTCTCAGAAGAGAGGAGAACAAGTATTCCAGCAGAATCTACTTAT	41095
Query	539803	TTGGTCTCTTTGAAATGGGAACAGAGTGTGAAGAGAGGTGAGCTATAGGGCTGGGCAGTT	539862
Sbjct	41094	TTGGTCTCTTTGAAATGGGAACAGAGTGTGAAGAGAGGTGAGCTATAGGGCTGGGCAGTT	41035
Query	539863	GGATCTGGAGGAAGCCAAGGAGAGGTCTATAATCAACCTACCTGTTTCCCTGAAAGGGGG	539922
Sbjct	41034	GGATCTGGAGGAAGCCAAGGAGAGGTCTATAATCAACCTACCTGTTTCCCTGAAAGGGGG	40975
Query	539923	TGCCCTATGGCAAGGAGGGCCTCTGGAGTTGGGAGTGGGATAAAGCAATTAGTAGGTGGA	539982
Sbjct	40974	TGCCCTATGGCAAGGAGGGCCTCTGGAGTTGGGAGTGGGATAAAGCAATTAGTAGGTGGA	40915
Query	539983	GGGAGATTAGGAGGGGAAATTCTGTGGGATCCAGAGGAGTTGAGGGCTGTGAGGGCAAGA	540042
Sbjct	40914	GGGAGATTAGGAGGGGAAATTCTGTGGGATCCAGAGGAGTTGAGGGCTGTGAGGGCAAGA	40855
Query	540043	AGAAGGCTACAACAGGTATTCTGTTTCAGAGATTTGGAGTGTAAAGAGGAAC TGGTTATTT	540102
Sbjct	40854	AGAAGGCTACAACAGGTATTCTGTTTCAGAGATTTGGAGTGTAAAGAGGAAC TGGTTATTT	40795
Query	540103	TTCAGTTCCCTACCTAATTCCCAGGCTGGCTCATTTGGCATGGTCTCAGGGAATACCTGC	540162
Sbjct	40794	TTCAGTTCCCTACCTAATTCCCAGGCTGGCTCATTTGGCATGGTCTCAGGGAATACCTGC	40735
Query	540163	TGGTGTTGGAGCCTGGAATAATAGAATGAGTCAGGGGAAGGAAGTTTTAGGAGAAGAGCT	540222
Sbjct	40734	TGGTGTTGGAGCCTGGAATAATAGAATGAGTCAGGGGAAGGAAGTTTTAGGAGAAGAGCT	40675
Query	540223	TCATGATCGTGGTAGGTTATTTTTCCACTGATGAAGTGAGCTAATTCAAACCAGATTAGA	540282
Sbjct	40674	TCATGATCGTGGTAGGTTATTTTTCCACTGATGAAGTGAGCTAATTCAAACCAGATTAGA	40615
Query	540283	TTATATAAAAGGCAGATTTATTGGGAAGCTGTTTCGAGGGGAGTTCACTGGCCCAAGAATC	540342
Sbjct	40614	TTATATAAAAGGCAGATTTATTGGGAAGCTGTTTCGAGGGGAGTTCACTGGCCCAAGAATC	40555
Query	540343	AAAGCCAAGGTCACCATGGGAAGGGAGGAAGAGAATGAGATAAAGAGTACACATGCACag	540402
Sbjct	40554	AAAGCCAAGGTCACCATGGGAAGGGAGGAAGAGAATGAGATAAAGAGTACACATGCACAG	40495
Query	540403	agaaaggagaggggaagtggggagaggaagaggggaggggaggggaggggagggagtgag	540462
Sbjct	40494	AGAAAGGAGAGGGAAAGTGGGGAGAGGAAAGAGGGAGGGAGGGAGGGAGGGAGGTGAG	40435
Query	540463	agagagagagagagagagagagagacagacagacagacacacacacacacacacacag	540522
Sbjct	40434	AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGACAGACAGACAAACAGACAGACACACAAAGACAG	40375
Query	540523	agacacagagagcagaaagacaaagagacaaagagagacagagagacacacacacacagag	540582
Sbjct	40374	AGACACAGAGGCAGAAAGACAAAGAGACAAAGAGAGACAGAGAGACACACAAAGACAGAG	40315
Query	540583	acacagagacacaaagagagacagagagaggggaggaaggggagaccacagagTTGTGATAAG	540642
Sbjct	40314	ACACAGAGACAAAGAGAGACAGAGAGAGGGGAGGAAGGGAGACCACAGAGTTGTGATAAG	40255
Query	540643	TGGGGAATTGAATGAAGATGCAGCATAAATGAAGATCTGTGTTCAGACTACCGGCTGAAG	540702
Sbjct	40254	TGGGGAATTGAATGAAGATGCAGCATAAATGAAGATCTGTGTTCAGACTACCGGCTGAAG	40195
Query	540703	TTGGGAACTAGGACAAAGCAACAAACTGGGAATGGAGGTTAGAAGGAAAAGCTCTGTGGG	540762
Sbjct	40194	TTGGGAACTAGGACAAAGCAACAAACTGGGAATGGAGGTTAGAAGGAAAAGCTCTGTGGG	40135
Query	540763	GTCCATGGGAAGTAGAGATGGGGGCAAAGAAGGCTGAGCCTGCTGTTTTAATGCAGGGCT	540822
Sbjct	40134	GTCCATGGGAAGTAGAGATGGGGGCAAAGAAGGCTGAGCCTGCTGTTTTAATGCAGGGCT	40075
Query	540823	GGATGTGATACTGGGGAGTCTTGGAGAGCAGAGGGAAAGGGTGAGGTGAAGATCTGCAGT	540882
Sbjct	40074	GGATGTGATACTGGGGAGTCTTGGAGAGCAGAGGGAAAGGGTGAGGTGAAGATCTGCAGT	40015
Query	540883	CAGCCTACCTGCTCTTCTTCTGGAATTGTTATTGGGTAAAGACCCAAAGACCACTCAGTA	540942
Sbjct	40014	CAGCCTACCTGCTCTTCTTCTGGAATTGTTATTGGGTAAAGACCCAAAGACCACTCAGTA	39955
Query	540943	CAACCAAAGTTGTAGATTAAGCCTTCTGCTTGGAGAAAAACACTTCTCACAAAAGCAGC	541002

Sbjct	39954	CAACCAAAGTTTGTAGATTAAGCCTTCTGCTTGGAGAAAAACACTTCTCACAAAAGCAGC	39895
Query	541003	CATGAATGCAATTAAAGGAA ttttttt AAAAGATAACACAGAAAAAGTACATTCTGGTTA	541062
Sbjct	39894	CATGAATGCAATTAAAGGAATTTTTTTAAAAGATAACACAGAAAAAGTACATTCTGGTTA	39835
Query	541063	GCAGTAGGTAGGGGAAGATGCAAGCAGTTCCACAAGTATTGAGAGGCTTTTGGGGTCCTG	541122
Sbjct	39834	GCAGTAGGTAGGGGAAGATGCAAGCAGTTCCACAAGTATTGAGAGGCTTTTGGGGTCCTG	39775
Query	541123	ATTGAGGTTTGATAATAATAAAGACATGGACACATCTATATAGTTTAGAAATGTTGCCT	541182
Sbjct	39774	ATTGAGGTTTGATAATAATAAAGACATGGACACATCTATATAGTTTAGAAATGTTGCCT	39715
Query	541183	GCTTGCTGGGGGAGTCTCTCAAATAACTTCCTAACTTAACCAGACTTCTCTGCCATTCCC	541242
Sbjct	39714	GCTTGCTGGGGGAGTCTCTCAAATAACTTCCTAACTTAACCAGACTTCTCTGCCATTCCC	39655
Query	541243	ATCTTCCCTACCTCAGCCTCAGCTGGT TTTTATTCTACAAAAAGCTACAGTCCTTTTTGT	541302
Sbjct	39654	ATCTTCCCTACCTCAGCCTCAGCTGGT TTTTATTCTACAAAAAGCTACAGTCCTTTTTGT	39595
Query	541303	TGTGTATTTTTATCAAAAAGAAAGGGAAGCCAGGAGTATGTTTGGTAGAGGCCTGGTATG	541362
Sbjct	39594	TGTGTATTTTTATCAAAAAGAAAGGGAAGCCAGGAGTATGTTTGGTAGAGGCCTGGTATG	39535
Query	541363	GTAGCCGGGTGAGAGTGGGAGAAGGAGGTGTCTCTGCAGGGCCATGCTAAGGCATCCTTT	541422
Sbjct	39534	GTAGCCGGGTGAGAGTGGGAGAAGGAGGTGTCTCTGCAGGGCCATGCTAAGGCATCCTTT	39475
Query	541423	CCACCTGAGGTATCAGCCATAAGGTGCATGGAGTGTGGAATAGTGT TTATTAGGGCATg	541482
Sbjct	39474	CCACCTGAGGTATCAGCCATAAGGTGCATGGAGTGTGGAATAGTGT TTATTAGGGCATG	39415
Query	541483	gggaggaaagttgagggggtagagacagagaaaggcagagagagggagagagtgaggggg	541542
Sbjct	39414	GGGAGGAAAGTTGAGGGGGTAGAGACAGAGAAAGGCAGAGAGGGAGAGAGTGAGGGGG	39355
Query	541543	agggagagagacatacaaaagggaggaggaggaggaggagagaggaaaggtaggttaggttaggt	541602
Sbjct	39354	AGGGAGAGAGACATACAAAGAGGGAGGGAGGGAGGGAGAGAGGAAGGTAGGTAGGTAGGT	39295
Query	541603	agggagggaggaaggttaggtagggagggaggaggaggaaagtaggttaggtagggagggaggg	541662
Sbjct	39294	AGGGAGGGAGGAAGGTAGGTAGGGAGGGAGGGAGGAAAGTAGGTAGGTAGGTAGGGAGGGAGGG	39235
Query	541663	agggagggagggaggggaagaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaagga	541722
Sbjct	39234	AGGGAGGGAGGGAGGGAAGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGA	39175
Query	541723	aggaaggaagga TAGAGGCCAGCCAGGAACACTT ggagagagcaagaggggaatgggg a	541782
Sbjct	39174	AGGAAGGAAGGAATAGAGGCCAGCCAGGAACACTTGGAGAGAGCAAGAGGGGAATGGGGA	39115
Query	541783	gacaaggacagagaggggaagaggggtaagaggttaagagagcaagagaggaggggg CAAGC	541842
Sbjct	39114	GACAAGGACAGAGAGGGAAGAGGGTAAGAGGTTAAGAGAGCAAGAGAGGAGGGGGCAAGC	39055
Query	541843	AGCTCTTTTTTACTGAGTTGTCATACCTGGCTATTGCCACCTAATTGTGGGGCAGAGCC	541902
Sbjct	39054	AGCTCTTTTTTACTGAGTTGTCATACCTGGCTATTGCCACCTAATTGTGGGGCAGAGCC	38995
Query	541903	TAGAAGAAATGCTAACTAAATCACGAAGTCAGAACCAATCAGACCAGCAGAACAACAC	541962
Sbjct	38994	TAGAAGAAATGCTAACTAAATCACGAAGTCAGAACCAATCAGACCAGCAGAACAACAC	38935
Query	541963	CTAGTACTTCTCTTTTGGTTGATTTTTGGCATTGAGGGCTACTTAATCTTAACTAAGACA	542022
Sbjct	38934	CTAGTACTTCTCTTTTGGTTGATTTTTGGCATTGAGGGCTACTTAATCTTAACTAAGACA	38875
Query	542023	ACTTGCCCTCTAACATGATTATCTCAACAATCATCTTTGGAGCAGGTGAGGAAAGACAA	542082
Sbjct	38874	ACTTGCCCTCTAACATGATTATCTCAACAATCATCTTTGGAGCAGGTGAGGAAAGACAA	38815
Query	542083	GTATTTACATACAGAAAGCATAGAAATGGACCATAGAAAGGACGATACCAAATACTTGCC	542142
Sbjct	38814	GTATTTACATACAGAAAGCATAGAAATGGACCATAGAAAGGACGATACCAAATACTTGCC	38755
Query	542143	AACACTTGGCTCTGCCAACACAGCAGTTAAAAATTGAAAATGCAGGGACATACCTACATA	542202
Sbjct	38754	AACACTTGGCTCTGCCAACACAGCAGTTAAAAATTGAAAATGCAGGGACATACCTACATA	38695
Query	542203	GCCATTTGATAAAATGGATGTGTGGGGTAGATTATCCCAACAAACAAGAGCCAAGAACCT	542262
Sbjct	38694	GCCATTTGATAAAATGGATGTGTGGGGTAGATTATCCCAACAAACAAGAGCCAAGAACCT	38635
Query	542263	GGGGAATTTTCGACCCTGAGTTTCTAGAACAGGTTT GAGTGTTTTCCCATAGAAATTTTTTC	542322
Sbjct	38634	GGGGAATTTTCGACCCTGAGTTTCTAGAACAGGTTT GAGTGTTTTCCCATAGAAATTTTTTC	38575

Query	542323	AGGGCAAGCAGTAGAAATCAGATAGTTTCAGCTAAGACAAACTAGAGAAACCTTTGCCCCT	542382
Sbjct	38574	AGGGCAAGCAGTAGAAATCAGATAGTTTCAGCTAAGACAAACTAGAGAAACCTTTGCCCCT	38515
Query	542383	GTTTTGAGCAGCCTTGTACTGAAAAGTTTTAGGAACCAGAACAGTTGAAGAAAATGCTCC	542442
Sbjct	38514	GTTTTGAGCAGCCTTGTACTGAAAAGTTTTAGGAACCAGAACAGTTGAAGAAAATGCTCC	38455
Query	542443	ATTAATTTTACCATTTGTTTGTATTTCATACAAAACCCATATAAAACAGCATAACAAACA	542502
Sbjct	38454	ATTAATTTTACCATTTGTTTGTATTTCATACAAAACCCATATAAAACAGCATAACAAACA	38395
Query	542503	AATTTGATCAATTATaaaaaaTTTGCAGTTTCATACAAAATTCTATTTATGGTAGAAATA	542562
Sbjct	38394	AATTTGATCAATTATAAAAAAATTTGCAGTTTCATACAAAATTCTATTTATGGTAGAAATA	38335
Query	542563	ACTAATTGAGTTATAACGGAAGTTATAACGAAGTATTTTAGAAGCTATATATTATTGTTG	542622
Sbjct	38334	ACTAATTGAGTTATAACGGAAGTTATAACGAAGTATTTTAGAAGCTATATATTATTGTTG	38275
Query	542623	AACATCAAGGAATTATTTATTACTCAAGGGCACGTTATTTTGGTGAACATCACAAAATTA	542682
Sbjct	38274	AACATCAAGGAATTATTTATTACTCAAGGGCACGTTATTTTGGTGAACATCACAAAATTA	38215
Query	542683	TGTAATCATTCAATTATATAATTATTGTTTCAGCATCATGACATAGTACTAGAGAATTAAT	542742
Sbjct	38214	TGTAATCATTCAATTATATAATTATTGTTTCAGCATCATGACATAGTACTAGAGAATTAAT	38155
Query	542743	ATTTTACTTTTATGTAAAATACTGGTTTTAGGAGAGATTTATTTACAAAACATATAGGCTA	542802
Sbjct	38154	ATTTTACTTTTATGTAAAATACTGGTTTTAGGAGAGATTTATTTACAAAACATATAGGCTA	38095
Query	542803	CTGAAGGTAATCAATTCAGCAAATGTGACTGAAATTTTTTGTGAGGTATATCTGTATAAT	542862
Sbjct	38094	CTGAAGGTAATCAATTCAGCAAATGTGACTGAAATTTTTTGTGAGGTATATCTGTATAAT	38035
Query	542863	TGTTAACTTAACAGTTTCTTTTTTACTGGATATTTTGTATTTACATTAGAAATGTTATTC	542922
Sbjct	38034	TGTTAACTTAACAGTTTCTTTTTTACTGGATATTTTGTATTTACATTAGAAATGTTATTC	37975
Query	542923	CCTTTCCAGTTTTCTGTTCATGATTCCCTCAccctctccccctccccctccccctACTTC	542982
Sbjct	37974	CCTTTCCAGTTTTCTGTTCATGATTCCCTCACCCTCTCCCCCTCCCCCTCCCCCTACTTC	37915
Query	542983	TTTAAGGGTTTTCTCTCCCAAACCAGCCTCCCTTTCTGCCTCCTGGCCTGGACATTGAC	543042
Sbjct	37914	TTTAAGGGTTTTCTCTCCCAAACCAGCCTCCCTTTCTGCCTCCTGGCCTGGACATTGAC	37855
Query	543043	CTACACTGTGGGGACCAGTCATGACAGGACCAAGGGCCTCTCCCACCGTTGGTGCCCAAC	543102
Sbjct	37854	CTACACTGTGGGGACCAGTCATGACAGGACCAAGGGCCTCTCCCACCGTTGGTGCCCAAC	37795
Query	543103	AAGGTCATCCTGTGCTACATATGCAGCTGGAGCCATGGGTTCAGTCCATGAGAACTCTTTG	543162
Sbjct	37794	AAGGTCATCCTGTGCTACATATGCAGCTGGAGCCATGGGTTCAGTCCATGAGAACTCTTTG	37735
Query	543163	GATGGTGCTTTAGTCCCTGGGAGATCCCTCCGTTGGTTGGCATTGTTATTCTTAATGGT	543222
Sbjct	37734	GATGGTGCTTTAGTCCCTGGGAGATCCCTCCGTTGGTTGGCATTGTTATTCTTAATGGT	37675
Query	543223	GTTGCAAGCCCTTTGGCTCCATCAATCCTTTCTCTAACTTCTCCAACGGGGACCCCATA	543282
Sbjct	37674	GTTGCAAGCCCTTTGGCTCCATCAATCCTTTCTCTAACTTCTCCAACGGGGACCCCATA	37615
Query	543283	ATTGGTACAGTGGTTTGCTGCTAGCATTGCCCCCTGTATTTGTTATGCTCTCACTGAGCT	543342
Sbjct	37614	ATTGGTACAGTGGTTTGCTGCTAGCATTGCCCCCTGTATTTGTTATGCTCTCACTGAGCT	37555
Query	543343	TCCAAGGAGACAGCTATGTCAGGCTCCTCTCAACATGCACCTTCTGGTTTCATCCGTATT	543402
Sbjct	37554	TCCAAGGAGACAGCTATGTCAGGCTCCTCTCAACATGCACCTTCTGGTTTCATCCGTATT	37495
Query	543403	GTCTAGGTTTGGTAGATGTATATATAAGGGCTGGATCCCCAGGTAGATCAGGGTATAAAG	543462
Sbjct	37494	GTCTAGGTTTGGTAGATGTATATATAAGGGCTGGATCCCCAGGTAGATCAGGGTATAAAG	37435
Query	543463	GGACATTCTTCAGTCACTGCTTCAAACCTTTGTCTCCATATATGCTCCTAAGAATATTTT	543522
Sbjct	37434	GGACATTCTTCAGTCACTGCTTCAAACCTTTGTCTCCATATATGCTCCTAAGAATATTTT	37375
Query	543523	TGTTCCCCCTTTTAATAAGGACTGAAACATCTGCCCTTTGGTTGTCCTTCTTGAACCTCA	543582
Sbjct	37374	TGTTCCCCCTTTTAATAAGGACTGAAACATCTGCCCTTTGGTTGTCCTTCTTGAACCTCA	37315
Query	543583	TGTGGTCTGTGGATAGTATCTTGGGTAATTTGAGGTTTTGGGCTAATATCCAGTTATCAG	543642
Sbjct	37314	TGTGGTCTGTGGATAGTATCTTGGGTAATTTGAGGTTTTGGGCTAATATCCAGTTATCAG	37255
Query	543643	TGATTGTTTACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTC	543702



Sbjct	37254	TGTTTACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTACCTCACTCAGGATGATATTTTC	37195
Query	543703	CAGTTCCATCCATTTGCCATATGAATTCATAAAGTCATTGTTTTTGATGGCTGAGTAATA	543762
Sbjct	37194	CAGTTCCATCCATTTGCCATATGAATTCATAAAGTCATTGTTTTTGATGGCTGAGTAATA	37135
Query	543763	TTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGG	543822
Sbjct	37134	TTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGG	37075
Query	543823	TTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTC	543882
Sbjct	37074	TTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTC	37015
Query	543883	TTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTGTAGCTGGATCCTC	543942
Sbjct	37014	TTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTGTAGCTGGATCCTC	36955
Query	543943	AGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTCCAGAATGGTTGTAC	544002
Sbjct	36954	AGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTCCAGAATGGTTGTAC	36895
Query	544003	CAGTTTGCAGTCCCACCAACGATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCA	544062
Sbjct	36894	CAGTTTGCAGTCCCACCAACGATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCA	36835
Query	544063	TCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAG	544122
Sbjct	36834	TCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAG	36775
Query	544123	GGTGTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTT	544182
Sbjct	36774	GGTGTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTT	36715
Query	544183	CTCAGCCATTTGGCATTCTCAGCTATGAATTCCTTGTGTTAGCTCTGAACCCCATTTGttt	544242
Sbjct	36714	CTCAGCCATTTGGCATTCTCAGCTATGAATTCCTTGTGTTAGCTCTGAACCCCATTTGTTT	36655
Query	544243	ttttGGTTCTTTTATTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGACCTTACGCTTCCTAGGCAA	544302
Sbjct	36654	TTTTGGTTCTTTTATTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGACCTTACGCTTCCTAGGCAA	36595
Query	544303	GCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAAccccccccccccATTTTTTAATAGGGTTATT	544362
Sbjct	36594	GCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCCCCCCCCCCCATTTTTTAATAGGGTTATT	36535
Query	544363	TGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTCTGGATACAAGCTCTCTATC	544422
Sbjct	36534	TGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTCTGGATACAAGCTCTCTATC	36475
Query	544423	AGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGATGGCTGCGGTTTTGTCTAACAAC	544482
Sbjct	36474	AGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGATGGCTGCGGTTTTGTCTAACAAC	36415
Query	544483	ACTGTCTTTTGCCTTACAAAAGCTTTGAAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTTGA	544542
Sbjct	36414	ACTGTCTTTTGCCTTACAAAAGCTTTGAAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTTGA	36355
Query	544543	TCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTGTTTGTTTCAGAAAATTTTCTCCAGTGCCGATGTGTTC	544602
Sbjct	36354	TCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTGTTTGTTTCAGAAAATTTTCTCCAGTGCCGATGTGTTC	36295
Query	544603	AAGATGCTTCCCCACtttttttCTGTTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCC	544662
Sbjct	36294	AAGATGCTTCCCCACTTTTTTTCTGTTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCC	36235
Query	544663	TTGATCCACTTGCACTTAAGATTGTGCAGTGTGATAAGAATGAATCGATCTACATTCTTG	544722
Sbjct	36234	TTGATCCACTTGCACTTAAGATTGTGCAGTGTGATAAGAATGAATCGATCTACATTCTTG	36175
Query	544723	CTCATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATT	544782
Sbjct	36174	CTCATGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATT	36115
Query	544783	GGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTG	544842
Sbjct	36114	GGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTG	36055
Query	544843	GGTCTTCAATTCTAGTCCACTTGTCTATCTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTT	544902
Sbjct	36054	GGTCTTCAATTCTAGTCCACTTGTCTATCTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTT	35995
Query	544903	ATCACTATTCTCAGTAATACTGCTTGAGTTTCAGGGATAGTGATTCCCCTGGAAATCCTT	544962
Sbjct	35994	ATCACTATTCTCAGTAATACTGCTTGAGTTTCAGGGATAGTGATTCCCCTGGAAATCCTT	35935
Query	544963	TTATTGTTGAGGATAGTTTTAATAGTTTTTATTATTCCAGATGAATTTGCAAAGTGTTCT	545022
Sbjct	35934	TTATTGTTGAGGATAGTTTTAATAGTTTTTATTATTCCAGATGAATTTGCAAAGTGTTCT	35875

Query	545023	GTCTAACTCTATGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAAGGGGATTGCATTGAATCTGTAGAT	545082
Sbjct	35874	GTCTAACTCTATGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAAGGGGATTGCATTGAATCTGTAGAT	35815
Query	545083	CGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTACTATATTGATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAG	545142
Sbjct	35814	CGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTACTATATTGATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAG	35755
Query	545143	ATCTTTCCATCTTCTGACATCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGACTTGAAGTTCTTGTGATA	545202
Sbjct	35754	ATCTTTCCATCTTCTGACATCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGACTTGAAGTTCTTGTGATA	35695
Query	545203	CAGATCTTTTCAGTTGCTTGGTTAGAGTCACACCAAACATTTTATATTTTTTATGATTAT	545262
Sbjct	35694	CAGATCTTTTCAGTTGCTTGGTTAGAGTCACACCAAACATTTTATATTTTTTATGATTAT	35635
Query	545263	TGTGAATGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGAGTATAGGAA	545322
Sbjct	35634	TGTGAATGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGAGTATAGGAA	35575
Query	545323	AGCTAGTGACTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCCCCCTGGTTTTTGTGATTCTTTGTATAGC	545382
Sbjct	35574	AGCTAGTGACTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCCCCCTGGTTTTTGTGATTCTTTGTATAGC	35515
Query	545383	CCTTTTGGTTTTCTACTGGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTCTACTTC	545442
Sbjct	35514	CCTTTTGGTTTTCTACTGGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTCTACTTC	35455
Query	545443	TCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTTCTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGA	545502
Sbjct	35454	TCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTTCTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGA	35395
Query	545503	CATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACCTCAGCGCTATGAGTTTTCTATTAGCA	545562
Sbjct	35394	CATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACCTCAGCGCTATGAGTTTTCTATTAGCA	35335
Query	545563	CAGCTTTTCATTGTGTCCCATAGGTTTGGGTGTGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTA	545622
Sbjct	35334	CAGCTTTTCATTGTGTCCCATAGGTTTGGGTGTGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTA	35275
Query	545623	AAAAGCCTTAATGTTCTTTATTTCTtttttttATCAAGTTATCATTCAATAGAGCATTATT	545682
Sbjct	35274	AAAAGCCTTAATGTTCTTTATTTCTTTTTTTATCAAGTTATCATTCAATAGAGCATTATT	35215
Query	545683	TACCTTCCATGTGCATGTGGGCTTTCTGCCtttttttttCATATTGTCTGTGGTGATCT	545742
Sbjct	35214	TACCTTCCATGTGCATGTGGGCTTTCTGCCTTTTTTTTTTTCATATTGTCTGTGGTGATCT	35155
Query	545743	GATAGGAAGCATGGGATTATTTTCAGTCTTCTTCTATCTGTGCGAGGCCTGTTTTGACTGAT	545802
Sbjct	35154	GATAGGAAGCATGGGATTATTTTCAGTCTTCTTCTATCTGTGCGAGGCCTGTTTTGACTGAT	35095
Query	545803	TATATGGTCAATTTTGGAGAAGGTGGTACAGTGAGGTGCTGAGAAGGTATATTCTTTTGT	545862
Sbjct	35094	TATATGGTCAATTTTGGAGAAGGTGGTACAGTGAGGTGCTGAGAAGGTATATTCTTTTGT	35035
Query	545863	TTTAGAATGAAATGTTGTATAGATGTCTGTTTAAATCCCATTTGGTTCTGTTGTTTCTCTA	545922
Sbjct	35034	TTTAGAATGAAATGTTGTATAGATGTCTGTTTAAATCCCATTTGGTTCTGTTGTTTCTCTA	34975
Query	545923	TGTCTGTTTTTGTGTTTCTATTTCCATGATCTGTCCATTGATAAGAGTGGGGTGTGAAAT	545982
Sbjct	34974	TGTCTGTTTTTGTGTTTCTATTTCCATGATCTGTCCATTGATAAGAGTGGGGTGTGAAAT	34915
Query	545983	CTCCCACTATCATTGTGTGGTATACAATGTGTTCTTTGAGTTTTAGTAAGGTTTCTTTTA	546042
Sbjct	34914	CTCCCACTATCATTGTGTGGTATACAATGTGTTCTTTGAGTTTTAGTAAGGTTTCTTTTA	34855
Query	546043	TGACTGAATGTAGGTGCCCTTGCATTTGGAGCATTATTGATATTCAGAATTGGATGAGAA	546102
Sbjct	34854	TGACTGAATGTAGGTGCCCTTGCATTTGGAGCATTATTGATATTCAGAATTGGATGAGAA	34795
Query	546103	TTTATCCTGGTGGATTTTTCTGTTGTTGAGTATGTCCTTCCTTATCtttttttGAAACCT	546162
Sbjct	34794	TTTATCCTGGTGGATTTTTCTGTTGTTGAGTATGTCCTTCCTTATCTTTTTTTGAAACCT	34735
Query	546163	TTTGAGTAAAAGGTCTAGTTCCCTAATGTGTTTCTTGATTGGTCAATAAAGGAGGCCAGG	546222
Sbjct	34734	TTTGAGTAAAAGGTCTAGTTCCCTAATGTGTTTCTTGATTGGTCAATAAAGGAGGCCAGG	34675
Query	546223	AAATGCTCAGTGGAAGGACAGGTAGGACTTCTAGGTCCCAGGTGGAAGGAAACACAG	546282
Sbjct	34674	AAATGCTCAGTGGAAGGACAGGTAGGACTTCTAGGTCCCAGGTGGAAGGAAACACAG	34615
Query	546283	GGAAAAGAGTGGGGGCCCTTTCTGACAGACTTTGGAATGAGTAGGAAGCAATTAGGGAAGA	546342
Sbjct	34614	GGAAAAGAGTGGGGGCCCTTTCTGACAGACTTTGGAATGAGTAGGAAGCAATTAGGGAAGA	34555
Query	546343	TCTCTGGGAACCTAGAACCAACCTCTTCCACGAGGTTGGTGGAGGCTAGCTGATAGGAGC	546402

Sbjct	34554	T C T C T G G G A A C C T A G A A C C A A C C T C T T C C A C G A G G T T G G T G G A G G C T A G C T G A T A G G A G C	34495
Query	546403	C A T T A A G C T T A G G G C A G G A G A G A T G G G A T T A A T A A A T T G T T A A G G A C A C A C A T T T T C	546462
Sbjct	34494	C A T T A A G C T T A G G G C A G G A G A G A T G G G A T T A A T A A A T T G T T A A G G A C A C A C A T T T T C	34435
Query	546463	A A G T G G A A C G T C C T T C           A A T T G G A T A T A T T T T A A T T T A C A T T T C A A T G C T A T	546522
Sbjct	34434	A A G T G G A A C G T C C T T C T T T T T T A A T T G G A T A T A T T T T A A T T T A C A T T T C A A T G C T A T	34375
Query	546523	T C T T T T A T G G T T T C C T G T T C A T C A G C C C C T T A A C T C C T C C C C C T C C A C T T C T A T G T G G G C	546582
Sbjct	34374	T C T T T T A T G G T T T C C T G T T C A T C A G C C C C T T A A C T C C T C C C C C T C C A C T T C T A T G T G G G C	34315
Query	546583	G T T C C C T T C C C C A T T C A C T C C T C C A C C A C T C C A A C A C A T T C C C C T G C A C T G G G A G T C C A A	546642
Sbjct	34314	G T T C C C T T C C C C A T T C A C T C C T C C A C C A C T C C A A C A C A T T C C C C T G C A C T G G G A G T C C A A	34255
Query	546643	C C T T T G C A G C A C C A G G G C T T T C C C T T C C A C T G G T G C C C C A A C A A G G C T A T T C T C T G C T G C	546702
Sbjct	34254	C C T T T G C A G C A C C A G G G C T T T C C C T T C C A C T G G T G C C C C A A C A A G G C T A T T C T C T G C T G C	34195
Query	546703	A G A T G T A G T T G C A G C C C T G G G T C A G T C C A A G T A T A G T C T T T G A G T A G T G A C T T T G G G A G C	546762
Sbjct	34194	A G A T G T A G T T G C A G C C C T G G G T C A G T C C A A G T A T A G T C T T T G A G T A G T G A C T T T G G G A G C	34135
Query	546763	T C T G G A T G G T T G G T A T T G T T G T T C A T G T G G G G T T G C A A C C C C T T C A G T T C C T G C A G T C C	546822
Sbjct	34134	T C T G G A T G G T T G G T A T T G T T G T T C A T G T G G G G T T G C A A C C C C T T C A G T T C C T G C A G T C C	34075
Query	546823	T T T C T C T A A C T C C T C C A A T G G G G A C C C A T T C T C A G T T C A G T G G T T T G C T A C T C G C T T T T	546882
Sbjct	34074	T T T C T C T A A C T C C T C C A A T G G G G A C C C A T T C T C A G T T C A G T G G T T T G C T A C T C G C T T T T	34015
Query	546883	G C C T T G G T A T T T G T C A T G C T C T G G C A G A G C C T C T C A G G A G A C A G C C A T A T T A G G T T C C T G	546942
Sbjct	34014	G C C T T G G T A T T T G T C A T G C T C T G G C A G A G C C T C T C A G G A G A C A G C C A T A T T A G G T T C C T G	33955
Query	546943	T A A G C A T G A A C C T C A T G G C A T C A T C A A T A T T G T C T G G G T T T G G T G G C T G T A T G T A T A T G G	547002
Sbjct	33954	T A A G C A T G A A C C T C A T G G C A T C A T C A A T A T T G T C T G G G T T T G G T G G C T G T A T G T A T A T G G	33895
Query	547003	G C T G G A T C T C T A G A T G G A A C A G G C T C T G A A T G G C C A T T C C T T C A G T C T C T G C T C C A A A C T	547062
Sbjct	33894	G C T G G A T C T C T A G A T G G A A C A G G C T C T G A A T G G C C A T T C C T T C A G T C T C T G C T C C A A A C T	33835
Query	547063	T T G T C T C C A T A T C C C C T C C T A T G A A T A T T T T T G T T T C T C A T A T T A A G A A G G A C T G A A G C A	547122
Sbjct	33834	T T G T C T C C A T A T C C C C T C C T A T G A A T A T T T T T G T T T C T C A T A T T A A G A A G G A C T G A A G C A	33775
Query	547123	T A C A C A C T T T G G T C A T C T T T C T T G A G C T T C A T G T G G T C T G T G G A T T G T A T C T T G G G C	547182
Sbjct	33774	T A C A C A C T T T G G T C A T C T T T C T T G A G C T T C A T G T G G T C T G T G G A T T G T A T C T T G G G C	33715
Query	547183	C A C T T A T C A G T A G T G T T T A C C A T G T G T T G C           A A A A T T G G T T T A C C T C A G G A T	547242
Sbjct	33714	C A C T T A T C A G T A G T G T T T A C C A T G T G T T G C T T T T T T A A A A T T G G T T T A C C T C A G G A T	33655
Query	547243	G A T A T T T T C C A G T T C C T T C T A T T T G C C T A T G A A T T T C A T A A A G T C A T T G T T T T G A T A C C	547302
Sbjct	33654	G A T A T T T T C C A G T T C C T T C T A T T T G C C T A T G A A T T T C A T A A A G T C A T T G T T T T G A T A C C	33595
Query	547303	T G A G T A A T A T T C C A T T G T G T A G A T G T A C C A C A T T T T C T G T A T C C A T T C C T C T G T T G A A G G	547362
Sbjct	33594	T G A G T A A T A T T C C A T T G T G T A G A T G T A C C A C A T T T T C T G T A T C C A T T C C T C T G T T G A A G G	33535
Query	547363	G C A T C T G G G T T C T T T C T G T C T T C T G G C T A T T A T A A A T A A G G C T G C T A T G A A C A T A G T G G A	547422
Sbjct	33534	G C A T C T G G G T T C T T T C T G T C T T C T G G C T A T T A T A A A T A A G G C T G C T A T G A A C A T A G T G G A	33475
Query	547423	G C A C G T G T C T T T G T T G T A T G T T G G G G C A T C T T T T C A G T T T A C A C C A A C G A G A G G T A T A G C	547482
Sbjct	33474	G C A C G T G T C T T T G T T G T A T G T T G G G G C A T C T T T T C A G T T T A C A C C A A C G A G A G G T A T A G C	33415
Query	547483	T G G G T C G T C A A G T A G T A C A A T G T C C A A T T T T C T G A G G A A C C T C C A G A C T G A T A T C T A G A G	547542
Sbjct	33414	T G G G T C G T C A A G T A G T A C A A T G T C C A A T T T T C T G A G G A A C C T C C A G A C T G A T A T C T A G A G	33355
Query	547543	A G G C T G T A C C A G T T T A A A A T C C C A T C A G C A A T T G A A G C G C C T A C C T C G A C C A G C A A G A A A	547602
Sbjct	33354	A G G C T G T A C C A G T T T A A A A T C C C A T C A G C A A T T G A A G C G C C T A C C T C G A C C A G C A A G A A A	33295
Query	547603	G A C G C A A C A C C G G T A G A T T C T T C T C A A C A G C C T T T A T T G C A G G A A C A C C T T G A T A C G A G G	547662
Sbjct	33294	G A C G C A A C A C C G G T A G A T T C T T C T C A A C A G C C T T T A T T G C A G G A A C A C C T T G A T A C G A G G	33235
Query	547663	G A C C C G G G G A A C A A A G G C A C T C G C C T T A A A T A C A A G A C A G A C A G T G A C T G T A A A C T T A T	547722
Sbjct	33234	G A C C C G G G G A A C A A A G G C A C T C G C C T T A A A T A C A A G A C A G A C A G T G A C T G T A A A C T T A T	33175

Query	547723	CCCCTGGGGATTGGTGGAGTATGAGATACCTTATTAGCATGCATATCACTCTGGCCTTGT	547782
Sbjct	33174	CCCCTGGGGATTGGTGGAGTATGAGATACCTTATTAGCATGCATATCACTCTGGCCTTGT	33115
Query	547783	AAATGCCAAAGGAAGGCCAAAGACACTGCCATAATGGTTGTAATACCACAAATGACCACT	547842
Sbjct	33114	AAATGCCAAAGGAAGGCCAAAGACACTGCCATAATGGTTGTAATACCACAAATGACCACT	33055
Query	547843	AGATGTCAGCGCCGTCTTTAGCCGCTCCCAACAAGCAATGGGGGAATGTTCCCTCTTTGT	547902
Sbjct	33054	AGATGTCAGCGCCGTCTTTAGCCGCTCCCAACAAGCAATGGGGGAATGTTCCCTCTTTGT	32995
Query	547903	CCACATCTGGACCAGCATCTGTTGTACCTGAGttttttttttttttttttttttttta	547962
Sbjct	32994	CCACATCTGGACCAGCATCTGTTGTACCTGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTA	32935
Query	547963	atttgggttcttttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAG	548022
Sbjct	32934	ATTTGGTTCTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGCAAG	32875
Query	548023	CGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGAGTTTTTATCTTAGCCATTCTGACTG	548082
Sbjct	32874	CGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGAGTTTTTATCTTAGCCATTCTGACTG	32815
Query	548083	GTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAGGATGTTG	548142
Sbjct	32814	GTGTGAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAGGATGTTG	32755
Query	548143	AACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTTTATATTCCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTA	548202
Sbjct	32754	AACATTTCTTTAGGTACTTCTCAGCCATTTTATATTCCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTA	32695
Query	548203	GCTCTGTACCTCATATTTAAGCGGGTTTATCGATCCTACTGATTTTCTCAAATAACCAGT	548262
Sbjct	32694	GCTCTGTACCTCATATTTAAGCGGGTTTATCGATCCTACTGATTTTCTCAAATAACCAGT	32635
Query	548263	TCCTGtttttttcttttttcttttattctttgtataatcctttttatttgatttcAACCCCT	548322
Sbjct	32634	TCCTGTTTTTTTCTTTTTCTTTTATTCTTTGTATAATCCTTTTTATTTGATTTCAACCCT	32575
Query	548323	GAGTTTCATTATTTCTGCCTTTTACTCCTCTTGACTATATTTGCTTCTTTCTGTTCTAG	548382
Sbjct	32574	GAGTTTCATTATTTCTGCCTTTTACTCCTCTTGACTATATTTGCTTCTTTCTGTTCTAG	32515
Query	548383	AGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGATGTATGCTCTCTCCTGTATCTTCTGTAGGC	548442
Sbjct	32514	AGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGATGTATGCTCTCTCCTGTATCTTCTGTAGGC	32455
Query	548443	ACTAAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGTA	548502
Sbjct	32454	ACTAAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGTA	32395
Query	548503	TGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTTTACCTTTTGTAGTAGTCCATTTGCATCA	548562
Sbjct	32394	TGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTTTACCTTTTGTAGTAGTCCATTTGCATCA	32335
Query	548563	TTTTGTATATGGGGAGTGTACCTGCAGGCTAAGTGTCCACTTAGCTTGCTATGTAATT	548622
Sbjct	32334	TTTTGTATATGGGGAGTGTACCTGCAGGCTAAGTGTCCACTTAGCTTGCTATGTAATT	32275
Query	548623	TGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCGGTCCTGGAAAACATAGCTTTGTCT	548682
Sbjct	32274	TGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCGGTCCTGGAAAACATAGCTTTGTCT	32215
Query	548683	GTA CTGCTTTTATACAAAAATTTTGTGAATAAAACTGTTTATTCTTTAAAGATAGGTAAA	548742
Sbjct	32214	GTA CTGCTTTTATACAAAAATTTTGTGAATAAAACTGTTTATTCTTTAAAGATAGGTAAA	32155
Query	548743	AGAGAAGCAGAAATGTGACTTCCTGTGCATGAACCTGTATAAATGCTTATTTTATCAAACG	548802
Sbjct	32154	AGAGAAGCAGAAATGTGACTTCCTGTGCATGAACCTGTATAAATGCTTATTTTATCAAACG	32095
Query	548803	ATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAACCTGGGTTTATCATAGTGTGAAGGAGAAGTG	548862
Sbjct	32094	ATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAACCTGGGTTTATCATAGTGTGAAGGAGAAGTG	32035
Query	548863	AAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCACGTGCACACGCAAGCACACAGTGACAG	548922
Sbjct	32034	AAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCACGTGCACACGCAAGCACACAGTGACAG	31975
Query	548923	AAGTCATATATGATGTAGTTTTGTGTGCTGGAGAGAGAGACCCTGATAAACAGATAGATG	548982
Sbjct	31974	AAGTCATATATGATGTAGTTTTGTGTGCTGGAGAGAGAGACCCTGATAAACAGATAGATG	31915
Query	548983	TGTCTGATCTACAAAGGAGTACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTTTTACAGC	549042
Sbjct	31914	TGTCTGATCTACAAAGGAGTACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTTTTACAGC	31855
Query	549043	ATTATGTATGTTTTTCAGAGATGAGTACTGACCACTTACAGATAGACAATGGTTTCCATG	549102

Sbjct	31854	TGTATGTTTTTTCAGAGATGAGTACTGACCACCTTACAGATAGACAATGGTTTCCATG	31795
Query	549103	GTGATGCTGAAAGGACAGGACAGCCAGCCCAGACCTGAGGGCACTGTGTTTTTGCCTGCT	549162
Sbjct	31794	GTGATGCTGAAAGGACAGGACAGCCAGCCCAGACCTGAGGGCACTGTGTTTTTGCCTGCT	31735
Query	549163	CAGAAATGAACTACTGTATCCTAGTCATTAGAATACTCAACCTAAGTGATAATTTACATA	549222
Sbjct	31734	CAGAAATGAACTACTGTATCCTAGTCATTAGAATACTCAACCTAAGTGATAATTTACATA	31675
Query	549223	TGTTCCCCTTGGTGGCTAAAGAACTTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAAGTCCCTTG	549282
Sbjct	31674	TGTTCCCCTTGGTGGCTAAAGAACTTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAAGTCCCTTG	31615
Query	549283	ACCTTTGCATTGGAATGCCTGCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAGAATAGAAC	549342
Sbjct	31614	ACCTTTGCATTGGAATGCCTGCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAGAATAGAAC	31555
Query	549343	AATGGGCTGGGAAGAATTAACAGCTGCCTCTGTTCTGTAAACACCTTCTTATCTGTGGGA	549402
Sbjct	31554	AATGGGCTGGGAAGAATTAACAGCTGCCTCTGTTCTGTAAACACCTTCTTATCTGTGGGA	31495
Query	549403	AAGGGATTGAAATAGTCCTTTATTCCATCAAAACAGGAATGAAAAGAATTTCTTGCCCA	549462
Sbjct	31494	AAGGGATTGAAATAGTCCTTTATTCCATCAAAACAGGAATGAAAAGAATTTCTTGCCCA	31435
Query	549463	GCTGGATATTTGTAGTGTGTACCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCTTCCCCTCT	549522
Sbjct	31434	GCTGGATATTTGTAGTGTGTACCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCTTCCCCTCT	31375
Query	549523	CCCACCTCCCACCTTTAGCATGTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCTGCCTTTGA	549582
Sbjct	31374	CCCACCTCCCACCTTTAGCATGTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCTGCCTTTGA	31315
Query	549583	GCTGGCAGTACAGATAAAATTCATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCGATTAAATG	549642
Sbjct	31314	GCTGGCAGTACAGATAAAATTCATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCGATTAAATG	31255
Query	549643	CCATAAGAATGCGAGTAGTACGCTGTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCTTCTAAGCA	549702
Sbjct	31254	CCATAAGAATGCGAGTAGTACGCTGTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCTTCTAAGCA	31195
Query	549703	TTCTCCTTTCTTACACACTACACATCCTTACACACATTTTGGTCTCCTCCCCACACCCC	549762
Sbjct	31194	TTCTCCTTTCTTACACACTACACATCCTTACACACATTTTGGTCTCCTCCCCACACCCC	31135
Query	549763	CACCAGaaaaaaaaGGGGAGCAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAACTCAGTATCCAAA	549822
Sbjct	31134	CACCAGAAAAAAAAAGGGGAGCAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAACTCAGTATCCAAA	31075
Query	549823	CCAAGTAGGAATCTCAAGCTGTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTGGGATAGGTAGGAGCA	549882
Sbjct	31074	CCAAGTAGGAATCTCAAGCTGTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTGGGATAGGTAGGAGCA	31015
Query	549883	GAGCCAGTATCATGAGATTACCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGCTATGGTGC	549942
Sbjct	31014	GAGCCAGTATCATGAGATTACCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGCTATGGTGC	30955
Query	549943	AGGGTCGGTCACCAAGTGATATCAGCGGACAGTAAGTAGGTTAgctgctgctagtggaact	550002
Sbjct	30954	AGGGTCGGTCACCAAGTGATATCAGCGGACAGTAAGTAGGTTAGCTGCTGCTAGTGGAAC	30895
Query	550003	ggtgctgctgctgctgctgctgtttctgctgTAGTGGGTATCCAGTGGGGATGTCCACAGGCT	550062
Sbjct	30894	GGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGTTCTGCTGTAGTGGGTATCCAGTGGGGATGTCCACAGGCT	30835
Query	550063	GTAAATAAATGCTTTTCTGGTTCTTGGAGGACTGGTGTGCAGCTCTAGCCCAGTCCTGTC	550122
Sbjct	30834	GTAAATAAATGCTTTTCTGGTTCTTGGAGGACTGGTGTGCAGCTCTAGCCCAGTCCTGTC	30775
Query	550123	CGTATATAATAGTGTGTAGGTTGTTGTCCCATTGCAGCAGGTTGTACAGTTTGTTGAGG	550182
Sbjct	30774	CGTATATAATAGTGTGTAGGTTGTTGTCCCATTGCAGCAGGTTGTACAGTTTGTTGAGG	30715
Query	550183	CAACTTCACGCTGCAAAGTATAACTCCTCTGTGGCACTTTAACCCTTCGATGAGGCTGAT	550242
Sbjct	30714	CAACTTCACGCTGCAAAGTATAACTCCTCTGTGGCACTTTAACCCTTCGATGAGGCTGAT	30655
Query	550243	ATTTATAGTTTGGGTATTTCTCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCTGCGCCTCCTGGAAAA	550302
Sbjct	30654	ATTTATAGTTTGGGTATTTCTCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCTGCGCCTCCTGGAAAA	30595
Query	550303	AGGGCCTTTTTTTCAGCTTCTGTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCAGCTGCTTGCTGATCT	550362
Sbjct	30594	AGGGCCTTTTTTTCAGCTTCTGTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCAGCTGCTTGCTGATCT	30535
Query	550363	CTGAATTCTGCATGCTGGGATTCTGTTGAGCCAACCTGTGCCTCTCTCCGCGGGACCACA	550422
Sbjct	30534	CTGAATTCTGCATGCTGGGATTCTGTTGAGCCAACCTGTGCCTCTCTCCGCGGGACCACA	30475

[illegible]

Sbjct	29154	CTAGAGAAATAGCATTCAAGTTCAATTTGTGTTAGTCAATTTCTCCAGGGCTTAAGG	29095
Query	551803	CCTGCTGTAAAAATGTGATTTATATACACAGTAAGACGTCAGTTGGGAAAATTAACTTTTT	551862
Sbjct	29094	CCTGCTGTAAAAATGTGATTTATATACACAGTAAGACGTCAGTTGGGAAAATTAACTTTTT	29035
Query	551863	CTTGGTCTGTGGGCATGAATTATAGATAACTTCTTCCTTAGAATGTTATGCATCCACTTA	551922
Sbjct	29034	CTTGGTCTGTGGGCATGAATTATAGATAACTTCTTCCTTAGAATGTTATGCATCCACTTA	28975
Query	551923	TCTCTCACTGTTGGGATTCACTGGCCCCGAGGATGAGTGGACCCTATTTGTGTTGTCACAT	551982
Sbjct	28974	TCTCTCACTGTTGGGATTCACTGGCCCCGAGGATGAGTGGACCCTATTTGTGTTGTCACAT	28915
Query	551983	CTTTGGAATTCATATGTGCATCATTCTTCATGTATCAGGAAAACACAATCTATCTTTGAG	552042
Sbjct	28914	CTTTGGAATTCATATGTGCATCATTCTTCATGTATCAGGAAAACACAATCTATCTTTGAG	28855
Query	552043	GTTCTTAGAATCTTTCTACATTCTCTTCCAATAGCTTCCTAAGCACCATGGGAAGTATT	552102
Sbjct	28854	GTTCTTAGAATCTTTCTACATTCTCTTCCAATAGCTTCCTAAGCACCATGGGAAGTATT	28795
Query	552103	TGAGGAAGGTAAAGACCTTTGACTCTCAAATTGCTTTTTGTACATTGTTTAGATATAGTT	552162
Sbjct	28794	TGAGGAAGGTAAAGACCTTTGACTCTCAAATTGCTTTTTGTACATTGTTTAGATATAGTT	28735
Query	552163	CTCAGTTTTTTGTTCCATTTTAGTAAAAGAGGATTTTTACCATGAGGTGAGTTGGATTTGT	552222
Sbjct	28734	CTCAGTTTTTTGTTCCATTTTAGTAAAAGAGGATTTTTACCATGAGGTGAGTTGGATTTGT	28675
Query	552223	CAAAGGCTTTGTAATACATCTCATGAGATGATCATGTGGTTTTGTCTTTCAGATTGTTGA	552282
Sbjct	28674	CAAAGGCTTTGTAATACATCTCATGAGATGATCATGTGGTTTTGTCTTTCAGATTGTTGA	28615
Query	552283	TGTGGGGTGTTAAGTTTATTGATTTACATGTGTTGTAATTCCTACATCTCTGTCATGA	552342
Sbjct	28614	TGTGGGGTGTTAAGTTTATTGATTTACATGTGTTGTAATTCCTACATCTCTGTCATGA	28555
Query	552343	AGTGAACCTTGATCATGTATAATCTTTCTGATGTTTTGTTGAATTTGGTTTACAAGTATT	552402
Sbjct	28554	AGTGAACCTTGATCATGTATAATCTTTCTGATGTTTTGTTGAATTTGGTTTACAAGTATT	28495
Query	552403	TATTATTTTGTCTCATAGTACTATTTGATTTATTTTCATTGGTGAATGTCTTTTTGAAGTTT	552462
Sbjct	28494	TATTATTTTGTCTCATAGTACTATTTGATTTATTTTCATTGGTGAATGTCTTTTTGAAGTTT	28435
Query	552463	TTGTATTAGGGTAATGGTGGCTTCATAAAAAATATGAAGGTTTTAAAAGGTTTTTAAAGGT	552522
Sbjct	28434	TTGTATTAGGGTAATGGTGGCTTCATAAAAAATATGAAGGTTTTAAAAGGTTTTTAAAGGT	28375
Query	552523	AATTGAGGTATATTTGTGTTGGTTATCATTTAAGGTCTGGTAGACTTCTGGGCTGACTA	552582
Sbjct	28374	AATTGAGGTATATTTGTGTTGGTTATCATTTAAGGTCTGGTAGACTTCTGGGCTGACTA	28315
Query	552583	CTCAGCttttttttGTTGGGAGATTTAATTACTCCtttttttCACTAGGGTTATTTGTGT	552642
Sbjct	28314	CTCAGCTTTTTTTTGTGGGAGATTTAATTACTCCTTTTTTCACTAGGGTTATTTGTGT	28255
Query	552643	CTTGTAAGTTGCTTTCTTGATCATACTTTAACAGGCTGTTACTATATCAAAAAATTCATA	552702
Sbjct	28254	CTTGTAAGTTGCTTTCTTGATCATACTTTAACAGGCTGTTACTATATCAAAAAATTCATA	28195
Query	552703	CATTTCTTTTAGATTTTTGTATTTGATGAAATAAAGATTTTAAAGCATGTCATCATGGTT	552762
Sbjct	28194	CATTTCTTTTAGATTTTTGTATTTGATGAAATAAAGATTTTAAAGCATGTCATCATGGTT	28135
Query	552763	CTCTGTGTTTCCTTGGGTATCTAGGGTGGTGTCTCATTTTCATCCCTAATTTTGGATCT	552822
Sbjct	28134	CTCTGTGTTTCCTTGGGTATCTAGGGTGGTGTCTCATTTTCATCCCTAATTTTGGATCT	28075
Query	552823	TCTGTCTCCATCTCTTAATAATTTGACAAAAGTATTGATAATCTGGTTGATTTCTCGAAA	552882
Sbjct	28074	TCTGTCTCCATCTCTTAATAATTTGACAAAAGTATTGATAATCTGGTTGATTTCTCGAAA	28015
Query	552883	AGAATAACTTTTATTTCACTGATTTTTAAAATAGTCTCTCTTGTATTCTATCTCATTG	552942
Sbjct	28014	AGAATAACTTTTATTTCACTGATTTTTAAAATAGTCTCTCTTGTATTCTATCTCATTG	27955
Query	552943	ACTGCAGTCTTTGATTTATTTTTACTCTCTAGAGTTTTGGGGTATTATTGCAATAGGAGA	553002
Sbjct	27954	ACTGCAGTCTTTGATTTATTTTTACTCTCTAGAGTTTTGGGGTATTATTGCAATAGGAGA	27895
Query	553003	TCTTCAATTTATTATGTTGGCATTAGTGTCTGAATTTGCCTCTTAGAACTACCTTCAT	553062
Sbjct	27894	TCTTCAATTTATTATGTTGGCATTAGTGTCTGAATTTGCCTCTTAGAACTACCTTCAT	27835
Query	553063	TCTGTCCCATGGATTGGTTATATTCTCTTTCTATTTTCATTCATTAGTGATTGGTTTAG	553122
Sbjct	27834	TCTGTCCCATGGATTGGTTATATTCTCTTTCTATTTTCATTCATTAGTGATTGGTTTAG	27775

Query	553123	TTTCCATTAGTTTCTAAGGTTTCCGTGTTTTCTGTTTTTCATATCCTACTTTAATCTGTG	553182
Sbjct	27774	TTTCCATTAGTTTCTAAGGTTTCCGTGTTTTCTGTTTTTCATATCCTACTTTAATCTGTG	27715
Query	553183	GTGATCTGATTGTATACAGAACATTACTTTAGTTTTCACTTACTTTGTACCCAAGAATAC	553242
Sbjct	27714	GTGATCTGATTGTATACAGAACATTACTTTAGTTTTCACTTACTTTGTACCCAAGAATAC	27655
Query	553243	TTTCACTGGTTGAGAAAGCTCTATGTACTTCTGGGAAGAAAGAATGTTCTTCTGTGTCAG	553302
Sbjct	27654	TTTCACTGGTTGAGAAAGCTCTATGTACTTCTGGGAAGAAAGAATGTTCTTCTGTGTCAG	27595
Query	553303	GTTCACTTGATTTATGACATTATTTAGCTCTATTTAgttttgttgttttgtttttggtttt	553362
Sbjct	27594	GTTCACTTGATTTATGACATTATTTAGCTCTATTTAGTTTGTGTTTGTGTTTTGTTTTT	27535
Query	553363	tgtttttggtttttCCATCTGAATGATGTATTCAATTGGTCAGAGTGGGGTATTGAAGTCCTT	553422
Sbjct	27534	TGTTTTTGTTTTTCCATCTGAATGATGTATTCAATTGGTCAGAGTGGGGTATTGAAGTCCTT	27475
Query	553423	CCACTATCACCATGTAAGGGCCAGTATATGATTTTAGCAGTAGTATTGATTCTTTTATGG	553482
Sbjct	27474	CCACTATCACCATGTAAGGGCCAGTATATGATTTTAGCAGTAGTATTGATTCTTTTATGG	27415
Query	553483	ATGTGGATGTCCTTGTGTTTCCTGAATAAATGTTTAGAGTTTTAGTACCCTCTTGCTGGA	553542
Sbjct	27414	ATGTGGATGTCCTTGTGTTTCCTGAATAAATGTTTAGAGTTTTAGTACCCTCTTGCTGGA	27355
Query	553543	TATTTTTTCTGTGGATGAATATGTATGAAGCTGTTTTGTCATATATTAAATTGGTTATA	553602
Sbjct	27354	TATTTTTTCTGTGGATGAATATGTATGAAGCTGTTTTGTCATATATTAAATTGGTTATA	27295
Query	553603	CCTGCTTGCTTTTTGTGTGTGTTTCATGGAAATTTTATTTCTGATCTCTTACTCTGATT	553662
Sbjct	27294	CCTGCTTGCTTTTTGTGTGTGTTTCATGGAAATTTTATTTCTGATCTCTTACTCTGATT	27235
Query	553663	TTATGTCTGTCTTTGGTGAGGTGTGTTTCTTGATGCATCAAAAATATGGATCTGGTTTTT	553722
Sbjct	27234	TTATGTCTGTCTTTGGTGAGGTGTGTTTCTTGATGCATCAAAAATATGGATCTGGTTTTT	27175
Query	553723	CTAACTTGCTCTCtttttttAGTCTGTGTCTAAAGGAACTGAAAAATTTAAATCATTGAT	553782
Sbjct	27174	CTAACTTGCTCTCTTTTTTTTAGTCTGTGTCTAAAGGAACTGAAAAATTTAAATCATTGAT	27115
Query	553783	ATTGATAATTATCAATGAATAGAGTTTAATAATTTCTGGGGTTTTGTTAAGGTTCCCCC	553842
Sbjct	27114	ATTGATAATTATCAATGAATAGAGTTTAATAATTTCTGGGGTTTTGTTAAGGTTCCCCC	27055
Query	553843	GCCCCGGATTTGTTCTGAGATGATTTATTCCTTTTGACCTTTTTGATGTTAACATCTTCC	553902
Sbjct	27054	GCCCCGGATTTGTTCTGAGATGATTTATTCCTTTTGACCTTTTTGATGTTAACATCTTCC	26995
Query	553903	AACTGAAGTTCTCCTTCATGTATCCTATGCAGAGTTAGCTTGGTAGATAGGAATAGGTAG	553962
Sbjct	26994	AACTGAAGTTCTCCTTCATGTATCCTATGCAGAGTTAGCTTGGTAGATAGGAATAGGTAG	26935
Query	553963	GATAGGAGTTAAAGTTAGTTTTATTGTTGAATGGTTTCTTTCACCATCTGTTGTCATTGA	554022
Sbjct	26934	GATAGGAGTTAAAGTTAGTTTTATTGTTGAATGGTTTCTTTCACCATCTGTTGTCATTGA	26875
Query	554023	TAGTTTTGCTAGACTTTGGGTTCTTCTATTCCCTTGCTTTTAGATTTTCCATTGAGAAAT	554082
Sbjct	26874	TAGTTTTGCTAGACTTTGGGTTCTTCTATTCCCTTGCTTTTAGATTTTCCATTGAGAAAT	26815
Query	554083	CCAGGGTCattgttattattatttattgttatagttgttattgttattattattgagtt	554142
Sbjct	26814	CCAGGGTCATTGTTATTATTATTTATTGTTATAGTTGTTATTGTTATTATTATTGAGTT	26755
Query	554143	atatattaCTTTACATACTGATTGCAGCTTttcttttccttctctcctcctagtaacctcctt	554202
Sbjct	26754	ATATTTACTTTACATACTGATTGCAGCTTTTCTTTCCTTCTCTCCTCCTAGTACCTCCTT	26695
Query	554203	ctcaccttcctcattaccocatccatttcctccttccttcctcAGAAAAGGGAAGACCTCCC	554262
Sbjct	26694	CTCACCTTCCTCATTACCCATCCATTCCCTCCTTCCCTTCTCAGAAAAGGGAAGACCTCCC	26635
Query	554263	GTGGGTATGAGCCAGCCAGGGCATATTAAGTTGTGGTAGGACTAAATAGATCTTCCTTTT	554322
Sbjct	26634	GTGGGTATGAGCCAGCCAGGGCATATTAAGTTGTGGTAGGACTAAATAGATCTTCCTTTT	26575
Query	554323	CCTATTGTGGTTAGCCAAAGCAGCTCAGGTAGGGGAAAGGGATCCAAAAGCAGACAGCCC	554382
Sbjct	26574	CCTATTGTGGTTAGCCAAAGCAGCTCAGGTAGGGGAAAGGGATCCAAAAGCAGACAGCCC	26515
Query	554383	CTGCTACTGCCATTAGAGTTCTAACATAAAATACCAACATGTACAAGTGTTACATATATGT	554442
Sbjct	26514	CTGCTACTGCCATTAGAGTTCTAACATAAAATACCAACATGTACAAGTGTTACATATATGT	26455
Query	554443	TGGGGGCCTAGGTCCATCCCATCATGCTGTCTGGATGGCAGTTCAGTTACTATGAGCTCA	554502



Sbjct	26454	 TGGGGGCTAGTTCATCCCATCATGCTGTCTGGATGGCAGTTCAGTTACTATGAGCTCA	26395
Query	554503	TACGGGACCATAGTGGTTAGTTGATTCTATATGTTTTCTTATGATATCCTTCTGGCTCTA	554562
Sbjct	26394	TACGGGACCATAGTGGTTAGTTGATTCTATATGTTTTCTTATGATATCCTTCTGGCTCTA	26335
Query	554563	TCAATCCTTGCTCCACCTCTTCTACAGGATTTCCCTCAAGTTCCACTTAATATTTTGTTGT	554622
Sbjct	26334	TCAATCCTTGCTCCACCTCTTCTACAGGATTTCCCTCAAGTTCCACTTAATATTTTGTTGT	26275
Query	554623	GGGTCTCTACATTAGTTTCTGTTGCCTGTAATTTTAAAAACATGCTATGCTACTACTGC	554682
Sbjct	26274	GGGTCTCTACATTAGTTTCTGTTGCCTGTAATTTTAAAAACATGCTATGCTACTACTGC	26215
Query	554683	CTTTGCCTGGGAGTTGCAGCCATGCTCTGTGTCCTTCCGTTGCCCTTTGTTCTTCATGGA	554742
Sbjct	26214	CTTTGCCTGGGAGTTGCAGCCATGCTCTGTGTCCTTCCGTTGCCCTTTGTTCTTCATGGA	26155
Query	554743	ACAAAGTTTTATTACTTTAGAAATTTGCCTGCTAGCAGCACAATGCTGGACTCAAATAAT	554802
Sbjct	26154	ACAAAGTTTTATTACTTTAGAAATTTGCCTGCTAGCAGCACAATGCTGGACTCAAATAAT	26095
Query	554803	TACTGCTGACCTCCTTGGCCAACTGCCACTAGTGGTGTCTGCTGGTTTTAGCTGCTCCAA	554862
Sbjct	26094	TACTGCTGACCTCCTTGGCCAACTGCCACTAGTGGTGTCTGCTGGTTTTAGCTGCTCCAA	26035
Query	554863	GATCTTACATAAATTGTTGCATGCTTCCCATTCCAAAGAATGACCaaaaaaaGCCCCTTCT	554922
Sbjct	26034	GATCTTACATAAATTGTTGCATGCTTCCCATTCCAAAGAATGACCAAAAAAGCCCCTTCT	25975
Query	554923	CTTTCCATGTGTCTTCCCTTTTCCCCCTGGGACCTGGAAGTCCCACCTTGTCCTCAAGCAATT	554982
Sbjct	25974	CTTTCCATGTGTCTTCCCTTTTCCCCCTGGGACCTGGAAGTCCCACCTTGTCCTCAAGCAATT	25915
Query	554983	GACTCCCAGCCTCCTTTATTGACCGAATCAAGAAATAATTAGGGAACCAGAACTTAGCAT	555042
Sbjct	25914	GACTCCCAGCCTCCTTTATTGACCGAATCAAGAAATAATTAGGGAACCAGAACTTAGCAT	25855
Query	555043	CAGCATCTCTCCCTACAACCTACCTTTTCTGTcaaaaacaaaaacgaacaaacaaaaacCC	555102
Sbjct	25854	CAGCATCTCTCCCTACAACCTACCTTTTCTGTCAAAAACAAAACGAACAAACAAAACCC	25795
Query	555103	TCTTTTTCCAGATATAAAATTGAACAAAACCATAACAGTTAAGTAAATTACACAGTAGGAG	555162
Sbjct	25794	TCTTTTTCCAGATATAAAATTGAACAAAACCATAACAGTTAAGTAAATTACACAGTAGGAG	25735
Query	555163	GTACAAATGACATCCAATCCTTCAATTTGTCAATTAGACAAAGTACTCTACCAATTCCCTA	555222
Sbjct	25734	GTACAAATGACATCCAATCCTTCAATTTGTCAATTAGACAAAGTACTCTACCAATTCCCTA	25675
Query	555223	ACCGAAAGATTATGATTCTATCCTAAATTATGTTTAGATATTAAATCCAGGATTGCCAC	555282
Sbjct	25674	ACCGAAAGATTATGATTCTATCCTAAATTATGTTTAGATATTAAATCCAGGATTGCCAC	25615
Query	555283	CTGAAAACCAAGTTCATGTCTCTCTCAATGTTAAATAAAGTGGAGTTTGATATTGACACTAA	555342
Sbjct	25614	CTGAAAACCAAGTTCATGTCTCTCTCAATGTTAAATAAAGTGGAGTTTGATATTGACACTAA	25555
Query	555343	AACTAGTCCTTAACCCCTTCAGAAATCTGAGTATGACTTAAGTATTGCCTGAAAATAGAG	555402
Sbjct	25554	AACTAGTCCTTAACCCCTTCAGAAATCTGAGTATGACTTAAGTATTGCCTGAAAATAGAG	25495
Query	555403	CAAGCACAAAACATAGTTTGCACAACAATCACTTTGTAGAGACAGTTGACTTTCAGGACA	555462
Sbjct	25494	CAAGCACAAAACATAGTTTGCACAACAATCACTTTGTAGAGACAGTTGACTTTCAGGACA	25435
Query	555463	GGCTCTCCCTCCCATCCTCCATCCCCCAATTTTTTCAAACCTAGGAGCATCTGTCTTCAG	555522
Sbjct	25434	GGCTCTCCCTCCCATCCTCCATCCCCCAATTTTTTCAAACCTAGGAGCATCTGTCTTCAG	25375
Query	555523	CCTTCTGGCCAAGGATCATTTTTCTGACAGACTTATAAAGCAGAATTATTTGAACCATTG	555582
Sbjct	25374	CCTTCTGGCCAAGGATCATTTTTCTGACAGACTTATAAAGCAGAATTATTTGAACCATTG	25315
Query	555583	ACAGCATCTGCTGTCACCTGAGtttttttgttttttttttttttgttgttgttgttgtttt	555642
Sbjct	25314	ACAGCATCTGCTGTCACCTGAGTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTTGTTGTTGTTGTTGTTTT	25255
Query	555643	cTTTTtttcTTTTtttcTTTTttttttttttttttttttttGGAGCTGGGGATCGAACCCAGGGC	555702
Sbjct	25254	CTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGCTGGGGATCGAACCCAGGGC	25195
Query	555703	CTTGCGCTTGCTAGGCAAGTGCTCTACCGCTGAGCTAAATCCCCAACCCCGTCACCTGAG	555762
Sbjct	25194	CTTGCGCTTGCTAGGCAAGTGCTCTACCGCTGAGCTAAATCCCCAACCCCGTCACCTGAG	25135
Query	555763	TTTTTTATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGATTGTTTTGACTTGC	555822
Sbjct	25134	TTTTTTATCTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGATTGTTTTGACTTGC	25075

Query	555823	ATTTCCCTGATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTTGGTTCTTCTCAGCCATTTGATAT	555882
Sbjct	25074	ATTTCCCTGATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTTGGTTCTTCTCAGCCATTTGATAT	25015
Query	555883	GGCCATTCGATATTCATAGCCTCAGCTATGAATTCTTTGTTTAGCTCTGTGCCCCAtttt	555942
Sbjct	25014	GGCCATTCGATATTCATAGCCTCAGCTATGAATTCTTTGTTTAGCTCTGTGCCCCATTTT	24955
Query	555943	ttttcttttttctttttGTCGGAGCAGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGGGCTTGCTAGGCA	556002
Sbjct	24954	TTTCTTTTTTCTTTTTGTCTGGAGCAGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGGGCTTGCTAGGCA	24895
Query	556003	AGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTCTGTACCCCATTCCTTAATAGGGTTAT	556062
Sbjct	24894	AGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTCTGTACCCCATTCCTTAATAGGGTTAT	24835
Query	556063	TTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTCTGTGCTTTGTATATTTTGCATATTAGCCCTTTAT	556122
Sbjct	24834	TTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTCTGTGCTTTGTATATTTTGCATATTAGCCCTTTAT	24775
Query	556123	AGGATATAGGGATTGGTGAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCCTTTTGTCTAATG	556182
Sbjct	24774	AGGATATAGGGATTGGTGAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCCTTTTGTCTAATG	24715
Query	556183	ACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTACAGTTTATGAGGTCCAATTTGTCAGTTCCTT	556242
Sbjct	24714	ACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTACAGTTTATGAGGTCCAATTTGTCAGTTCCTT	24655
Query	556243	GATCTTGATCTTAGGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTTCCTACTGCCCATGTGTTGAGACT	556302
Sbjct	24654	GATCTTGATCTTAGGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTTCCTACTGCCCATGTGTTGAGACT	24595
Query	556303	TTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTAGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGAC	556362
Sbjct	24594	TTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTAGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGAC	24535
Query	556363	TCAAGCTTTGCACAGGGTGATAAGAATGGATCAATTAGCATTCTCTACATGTTGACCTC	556422
Sbjct	24534	TCAAGCTTTGCACAGGGTGATAAGAATGGATCAATTAGCATTCTCTACATGTTGACCTC	24475
Query	556423	CCGTTGAACCAGCACCATTTGTTGAAAATTCTATCTTTTTTCCACTGTATGATTGTCAAA	556482
Sbjct	24474	CCGTTGAACCAGCACCATTTGTTGAAAATTCTATCTTTTTTCCACTGTATGATTGTCAAA	24415
Query	556483	GATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCATTTCTATTCCACTGATC	556542
Sbjct	24414	GATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCATTTCTATTCCACTGATC	24355
Query	556543	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAGTAACATACAGTTTTTGTCACTATTGCTCTGTAATACTG	556602
Sbjct	24354	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAGTAACATACAGTTTTTGTCACTATTGCTCTGTAATACTG	24295
Query	556603	CTTGAGGTCAGGGATGGTGCTTCTCTAAGAAGTTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTTG	556662
Sbjct	24294	CTTGAGGTCAGGGATGGTGCTTCTCTAAGAAGTTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTTG	24235
Query	556663	TTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTAACTCTATAAAGAATTGAATA	556722
Sbjct	24234	TTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTAACTCTATAAAGAATTGAATA	24175
Query	556723	AGAATTTTGATGGGAATTGCATTGAACTGTAGATTGCATTTGGCAAAATGGCCATTTTT	556782
Sbjct	24174	AGAATTTTGATGGGAATTGCATTGAACTGTAGATTGCATTTGGCAAAATGGCCATTTTT	24115
Query	556783	ACTATATTAATCCTGCTAATCCATGAGCGTGGGAGGTCTTTTCATCTTCTGAGATCAACT	556842
Sbjct	24114	ACTATATTAATCCTGCTAATCCATGAGCGTGGGAGGTCTTTTCATCTTCTGAGATCAACT	24055
Query	556843	TCAATTTCTTTCTTCAGAGAATTGAAGTTCTTGTACATACAGCTCTTTCACTTGCTTCGTT	556902
Sbjct	24054	TCAATTTCTTTCTTCAGAGAATTGAAGTTCTTGTACATACAGCTCTTTCACTTGCTTCGTT	23995
Query	556903	AGTCACACCAAGATATTTTATATTATTTGTGATTGTTGTGAAGGGTGTCATTTTCTTAAT	556962
Sbjct	23994	AGTCACACCAAGATATTTTATATTATTTGTGATTGTTGTGAAGGGTGTCATTTTCTTAAT	23935
Query	556963	TTCTTTCTCAGTCAGGTGGGAGGTCTTTGAGACCAGCTCTTCTGCTAGTAGGCAAATTGC	557022
Sbjct	23934	TTCTTTCTCAGTCAGGTGGGAGGTCTTTGAGACCAGCTCTTCTGCTAGTAGGCAAATTGC	23875
Query	557023	AAGTAGTAAAGCTGTCTGAGTGTTTTTCATCCTTGGAGTAGAGTTAGGTATAGAGAGATG	557082
Sbjct	23874	AAGTAGTAAAGCTGTCTGAGTGTTTTTCATCCTTGGAGTAGAGTTAGGTATAGAGAGATG	23815
Query	557083	CTGAGTCAATTCTGGCAGCTTAACTCAGCCAAGTGGAGGAACAAAAGGGAACCTGGAGGG	557142
Sbjct	23814	CTGAGTCAATTCTGGCAGCTTAACTCAGCCAAGTGGAGGAACAAAAGGGAACCTGGAGGG	23755
Query	557143	GTCAGAGCACTGGCAAGAGCTCCAGGGTCATAGCTCTGAGAAAGGCAGTATCATGATTT	557202

Sbjct	23754	GAGACACTGGCAAGAGCTCCAGGGTCATAGCTCCTGAGAAAGGCAGTATCATGATTT	23695
Query	557203	AAAAC TACCCACAACAAGTTTCCATTGGTTACCGGGCAAAGCCTCTTTGGCAACAGTTAT	557262
Sbjct	23694	AAAAC TACCCACAACAAGTTTCCATTGGTTACCGGGCAAAGCCTCTTTGGCAACAGTTAT	23635
Query	557263	GCTTGGCTCCATTCTGCAAGAATAGTAGGATATCATCttttttttttCCTTATTTTATT	557322
Sbjct	23634	GCTTGGCTCCATTCTGCAAGAATAGTAGGATATCATCTTTTTTTTTTCTTATTTTATT	23575
Query	557323	AACTTGAGTATTTCTTATTTACATTTCGAATGTTACTCCCTTTCCTGGTTTCCGGGCAAA	557382
Sbjct	23574	AACTTGAGTATTTCTTATTTACATTTCGAATGTTACTCCCTTTCCTGGTTTCCGGGCAAA	23515
Query	557383	catccccctaataccctccaactcccccttctatatgggtggttcccatccccatcctcccc	557442
Sbjct	23514	CATCCCCCTAATCCCTCCAAC TCCCCTTCTATATGGGTGTTCCCATCCCCATCCTCCCC	23455
Query	557443	cattgccgccttcccccaACAATCATGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAG	557502
Sbjct	23454	CATTGCCGCCCTCCCCCAACAATCATGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAG	23395
Query	557503	GGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCAGAGT	557562
Sbjct	23394	GGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCAGAGT	23335
Query	557563	CCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGC	557622
Sbjct	23334	CCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGC	23275
Query	557623	TTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCTTCGAGCTCTTCAGTCCTTTCTCTG	557682
Sbjct	23274	TTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCTTCGAGCTCTTCAGTCCTTTCTCTG	23215
Query	557683	TTTCCTTCAACCGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGT	557742
Sbjct	23214	TTTCCTTCAACCGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGT	23155
Query	557743	ATTGCTGTACTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCCGCTCCTGTCGGTCTG	557802
Sbjct	23154	ATTGCTGTACTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCCGCTCCTGTCGGTCTG	23095
Query	557803	CACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGT	557862
Sbjct	23094	CACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGT	23035
Query	557863	GGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCC	557922
Sbjct	23034	GGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCC	22975
Query	557923	CTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCA	557982
Sbjct	22974	CTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCA	22915
Query	557983	TCAGTCTTGAGTTTCTGTGTTCTATGCATCTAGGGTAATTCGAGCATTGGGGCTAACGG	558042
Sbjct	22914	TCAGTCTTGAGTTTCTGTGTTCTATGCATCTAGGGTAATTCGAGCATTGGGGCTAACGG	22855
Query	558043	CCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTACCTCACTCAGG	558102
Sbjct	22854	CCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTACCTCACTCAGG	22795
Query	558103	ATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATA	558162
Sbjct	22794	ATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATA	22735
Query	558163	GCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAA	558222
Sbjct	22734	GCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAA	22675
Query	558223	GGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCTATGAACATAGTG	558282
Sbjct	22674	GGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCTATGAACATAGTG	22615
Query	558283	CAGCATGTGTCTTTGTTGTATGTTGGGGAATCTTTTGAGTATATCCCCGAGAGAGGCATA	558342
Sbjct	22614	CAGCATGTGTCTTTGTTGTATGTTGGGGAATCTTTTGAGTATATCCCCGAGAGAGGCATA	22555
Query	558343	GCTGGATCCTTGGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCCCCAGACTGATTTCCAG	558402
Sbjct	22554	GCTGGATCCTTGGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCCCCAGACTGATTTCCAG	22495
Query	558403	AATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTCTCCACAT	558462
Sbjct	22494	AATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTCTCCACAT	22435
Query	558463	CCTCGCCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGTGAGAGG	558522
Sbjct	22434	CCTCGCCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGTGAGAGG	22375

Query	558523	GGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTGATGACTAAAGATGTTGAACATTTCT	558582
Sbjct	22374	GGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTGATGACTAAAGATGTTGAACATTTCT	22315
Query	558583	TTTAGGTGTTTTCTCAGCCATTCAGCATTCCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAA	558642
Sbjct	22314	TTTAGGTGTTTTCTCAGCCATTCAGCATTCCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAA	22255
Query	558643	CCCCATTTCTTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTTGTAT	558702
Sbjct	22254	CCCCATTTCTTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTTGTAT	22195
Query	558703	ATTTTGATATGAGCCCTCTATCTGTTGTAAGATTGATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTT	558762
Sbjct	22194	ATTTTGATATGAGCCCTCTATCTGTTGTAAGATTGATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTT	22135
Query	558763	GGTTGCCGTTTTGTCTTAACCACCGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATG	558822
Sbjct	22134	GGTTGCCGTTTTGTCTTAACCACCGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATG	22075
Query	558823	AGATCCCATTGTGCGATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTTCATGAAA	558882
Sbjct	22074	AGATCCCATTGTGCGATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTTCATGAAA	22015
Query	558883	TTTTTCCCAGTGCCCATGTGTTGAGATGCTTCCCACCTTTTCTTCTATTAGTTTGAG	558942
Sbjct	22014	TTTTTCCCAGTGCCCATGTGTTGAGATGCTTCCCACCTTTTCTTCTATTAGTTTGAG	21955
Query	558943	TGTATCTAGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGA	559002
Sbjct	21954	TGTATCTAGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGA	21895
Query	559003	TAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATT	559062
Sbjct	21894	TAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATT	21835
Query	559063	GCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTAGGTCAAAAATCAAGTG	559122
Sbjct	21834	GCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTAGGTCAAAAATCAAGTG	21775
Query	559123	CCCTTAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTAGTCCATTGGTCTATGTGTCT	559182
Sbjct	21774	CCCTTAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTAGTCCATTGGTCTATGTGTCT	21715
Query	559183	GTCTCTGTACAAATAGCATGCAGTTTTTATCACTATTGTTCTGTAATACTGCCTGAGTTC	559242
Sbjct	21714	GTCTCTGTACAAATAGCATGCAGTTTTTATCACTATTGTTCTGTAATACTGCCTGAGTTC	21655
Query	559243	AGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGG	559302
Sbjct	21654	AGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGG	21595
Query	559303	TTTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGAT	559362
Sbjct	21594	TTTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGAT	21535
Query	559363	TGGTATTTTGATTTTGATTGCATTGAATCTGTAGATTCATTGCTTTTGGTAAAATGGACA	559422
Sbjct	21534	TGGTATTTTGATTTTGATTGCATTGAATCTGTAGATTCATTGCTTTTGGTAAAATGGACA	21475
Query	559423	TTTTTACTATATTAATCCTGCCGATCCATGAGCATGGGAGAtctttccatcttctgaggt	559482
Sbjct	21474	TTTTTACTATATTAATCCTGCCGATCCATGAGCATGGGAGATCTTCCATCTTCTGAGGT	21415
Query	559483	cttcttcaatttctttcttcagagtccttgaagttctttttttttaagatttatatttt	559542
Sbjct	21414	CTTCTTCAATTTCTTTCTCAGAGTCTTGAAGTTCTTTTTTTTTTAAGATTATTTATTT	21355
Query	559543	tttGTATACAATTACACACAGATCCCATTACAGATGGTTGTGAGCCATCATGTGGTTG	559602
Sbjct	21354	TTTGTATACAATTACACACAGATCCCATTACAGATGGTTGTGAGCCATCATGTGGTTG	21295
Query	559603	CTGGGATTTGAACTCAGGACCTCTGGAAGAACAGTCAGTGCTCTTAACCGCTGAGCCATC	559662
Sbjct	21294	CTGGGATTTGAACTCAGGACCTCTGGAAGAACAGTCAGTGCTCTTAACCGCTGAGCCATC	21235
Query	559663	TCTCCAGCCCCCTTTGAAGTTCCTTATTGAACAGATCTTTTACTTGGTTGGTTAAAGTCAC	559722
Sbjct	21234	TCTCCAGCCCCCTTTGAAGTTCCTTATTGAACAGATCTTTTACTTGGTTGGTTAAAGTCAC	21175
Query	559723	ACCAAGGTACTTTATATTATTTGGCACTATTATGAAGGGTGTCTGTTCCCTAATTTCTTT	559782
Sbjct	21174	ACCAAGGTACTTTATATTATTTGGCACTATTATGAAGGGTGTCTGTTCCCTAATTTCTTT	21115
Query	559783	CTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGAAAAGCTACTGATTTATTTAAGTTAATTTTATA	559842
Sbjct	21114	CTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGAAAAGCTACTGATTTATTTAAGTTAATTTTATA	21055
Query	559843	CCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCTGTAGTTCTCTGGTGGAACCTTTTGGGATCACT	559902

Sbjct	21054	 CCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCTGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACT	20995
Query	559903	TAAATATACTATCATATCATCTGCCAATAGTGATATTTTGACTTCTTCTTTTCCAATCTG	559962
Sbjct	20994	TAAATATACTATCATATCATCTGCCAATAGTGATATTTTGACTTCTTCTTTTCCAATCTG	20935
Query	559963	TATCCCCTTGATCTCCTTTTGTGTTTCTGATTGTTCTGGCTAGAACATCAAGAACTATATT	560022
Sbjct	20934	TATCCCCTTGATCTCCTTTTGTGTTTCTGATTGTTCTGGCTAGAACATCAAGAACTATATT	20875
Query	560023	GAATAAGTAGGGAGAGAGTGGAGGCAAGCTACACCCTCGAAAAAGCAAGAACTAATCGT	560082
Sbjct	20874	GAATAAGTAGGGAGAGAGTGGAGGCAAGCTACACCCTCGAAAAAGCAAGAACTAATCGT	20815
Query	560083	CTTGACAACAAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAATATGAA	560142
Sbjct	20814	CTTGACAACAAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAATATGAA	20755
Query	560143	TATAACAGGAAGCAATAATCACCATTTCCTTAATATCTCTCAACATCAATGGTCTCAACTC	560202
Sbjct	20754	TATAACAGGAAGCAATAATCACCATTTCCTTAATATCTCTCAACATCAATGGTCTCAACTC	20695
Query	560203	CCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAATGAGGACCCACATTCTGCTG	560262
Sbjct	20694	CCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAATGAGGACCCACATTCTGCTG	20635
Query	560263	CCTACAGGAAACACACCTCAGAGACAAAGACATACACTACCTCAGTGAAAGGCTGGAAAA	560322
Sbjct	20634	CCTACAGGAAACACACCTCAGAGACAAAGACATACACTACCTCAGTGAAAGGCTGGAAAA	20575
Query	560323	CAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGGAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCAAATA	560382
Sbjct	20574	CAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGGAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCAAATA	20515
Query	560383	AAATCAATGCTCCAAATACCAGGGCACCTGCATACATAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCA	560442
Sbjct	20514	AAATCAATGCTCCAAATACCAGGGCACCTGCATACATAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCA	20455
Query	560443	AAGCACACATTGCACCTCACACAATAATAGTAGGAGATTTC AACAGGCCACTCTCATCAA	560502
Sbjct	20454	AAGCACACATTGCACCTCACACAATAATAGTAGGAGATTTC AACAGGCCACTCTCATCAA	20395
Query	560503	TGGACAGGTCATGGAAACAGAAATTATCAGAGATGTCGACAGACTAAGAGAAGTCATGAA	560562
Sbjct	20394	TGGACAGGTCATGGAAACAGAAATTATCAGAGATGTCGACAGACTAAGAGAAGTCATGAA	20335
Query	560563	CCTTCAAATGGACTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAGCAAAATGATATAC	560622
Sbjct	20334	CCTTCAAATGGACTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAGCAAAATGATATAC	20275
Query	560623	ATTTTCTCAGTTCCTCATGGTACTTTCTCCAAAATTGACCATATAATTGGCCAAAAACA	560682
Sbjct	20274	ATTTTCTCAGTTCCTCATGGTACTTTCTCCAAAATTGACCATATAATTGGCCAAAAACA	20215
Query	560683	CGGGCCTCAACAGACACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCCTGCTATCAGACCACCACG	560742
Sbjct	20214	CGGGCCTCAACAGACACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCCTGCTATCAGACCACCACG	20155
Query	560743	GCCTAAAGCTGGTTTTCAATGACAATAAGGGAAGAACGCCACATATCCATGGAAGCTGA	560802
Sbjct	20154	GCCTAAAGCTGGTTTTCAATGACAATAAGGGAAGAACGCCACATATCCATGGAAGCTGA	20095
Query	560803	ACAATGCTCTACTCAATGATAACTTTGTCAAGTTAAAAATAAAGGaaaaaaaTTAAAGAC	560862
Sbjct	20094	ACAATGCTCTACTCAATGATAACTTTGTCAAGTTAAAAATAAAGGAAAAAAAAATTAAAGAC	20035
Query	560863	TTCTTAGAATTTAATGCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAAC	560922
Sbjct	20034	TTCTTAGAATTTAATGCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAAC	19975
Query	560923	CATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAACAGGAAAGAGCATATGTCACCAGCTTGACAGC	560982
Sbjct	19974	CATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAACAGGAAAGAGCATATGTCACCAGCTTGACAGC	19915
Query	560983	ACACCTCAAAGCTCTAGAATAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGGCAGGA	561042
Sbjct	19914	ACACCTCAAAGCTCTAGAATAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGGCAGGA	19855
Query	561043	AATAATCAAACCTCAGAGCTGAAATCAACCAAGTAGAAACAAAAAGGGCTGTACAAAGAAT	561102
Sbjct	19854	AATAATCAAACCTCAGAGCTGAAATCAACCAAGTAGAAACAAAAAGGGCTGTACAAAGAAT	19795
Query	561103	CAACAGAACCAACAAGATAAATCAACAAGAAAATCAACAAGATAAATAAACTCTTAGCCA	561162
Sbjct	19794	CAACAGAACCAACAAGATAAATCAACAAGAAAATCAACAAGATAAATAAACTCTTAGCCA	19735
Query	561163	GACTAATAAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTAAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAG	561222
Sbjct	19734	GACTAATAAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTAAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAG	19675

Query	561223	ACATAACTACAGATTTCGGAGGAAATTCAAAAAATCATCAGATCTTATATTTAAAAACCTAT	561282
Sbjct	19674	ACATAACTACAGATTTCGGAGGAAATTCAAAAAATCATCAGATCTTATATTTAAAAACCTAT	19615
Query	561283	ATTCAACAAAACCTTGAAAATCTTCAGGAAATAGACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTAT	561342
Sbjct	19614	ATTCAACAAAACCTTGAAAATCTTCAGGAAATAGACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTAT	19555
Query	561343	CGAAGTTAAATCAGGAACAGATAAACAGTTAAACAACCCCATAACTCCTAAGGAAATAG	561402
Sbjct	19554	CGAAGTTAAATCAGGAACAGATAAACAGTTAAACAACCCCATAACTCCTAAGGAAATAG	19495
Query	561403	AAGCAGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCAGGTCCAGACGGGTTTAGTGCAG	561462
Sbjct	19494	AAGCAGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCAGGTCCAGACGGGTTTAGTGCAG	19435
Query	561463	AATTCTATCAGACATTCATAGAAGGCCTCATACCAATATTATCCAAACTATTCCACAAAA	561522
Sbjct	19434	AATTCTATCAGACATTCATAGAAGGCCTCATACCAATATTATCCAAACTATTCCACAAAA	19375
Query	561523	TTGAAACAGATGGAGCCCTACCGAATTCCTTCTACGAAGCCACAATTACTCTTATACCTA	561582
Sbjct	19374	TTGAAACAGATGGAGCCCTACCGAATTCCTTCTACGAAGCCACAATTACTCTTATACCTA	19315
Query	561583	AACCACACAAAGACACAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTTATGAATATCG	561642
Sbjct	19314	AACCACACAAAGACACAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTTATGAATATCG	19255
Query	561643	ACGCAAAAATACTCAATAAAATTCTGGCAAACCGAATCCTAGAGCACATCAAAACAATCA	561702
Sbjct	19254	ACGCAAAAATACTCAATAAAATTCTGGCAAACCGAATCCTAGAGCACATCAAAACAATCA	19195
Query	561703	TCCACCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATGGTTTAATATTTCGAAAA	561762
Sbjct	19194	TCCACCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATGGTTTAATATTTCGAAAA	19135
Query	561763	CCATCAACGTGATCCATTATATAAACAAACTGAAAGAACAGAACCATGATCATTTTCAT	561822
Sbjct	19134	CCATCAACGTGATCCATTATATAAACAAACTGAAAGAACAGAACCATGATCATTTTCAT	19075
Query	561823	TAGATGCTGAGAAAGCATTTGACAAAAATCAACACCCCTTCATGATAAATGTCCATTTCT	561882
Sbjct	19074	TAGATGCTGAGAAAGCATTTGACAAAAATCAACACCCCTTCATGATAAATGTCCATTTCT	19015
Query	561883	AGTTTCAGGAATAGGCTCCCTCTTGTGGCTTAAGTCTTAGATTGGACCAATTATTGGTTG	561942
Sbjct	19014	AGTTTCAGGAATAGGCTCCCTCTTGTGGCTTAAGTCTTAGATTGGACCAATTATTGGTTG	18955
Query	561943	GTCCTTTTCCTTAATTGCTGCTCCATCTTTTATTCTGTTCATCTTATATTTATGTTGACT	562002
Sbjct	18954	GTCCTTTTCCTTAATTGCTGCTCCATCTTTTATTCTGTTCATCTTATATTTATGTTGACT	18895
Query	562003	TTAAATTTCAGTTAGAATATCTTACACAAAAAAGGCAAAAGGCAAATGAGACAAATAGTTT	562062
Sbjct	18894	TTAAATTTCAGTTAGAATATCTTACACAAAAAAGGCAAAAGGCAAATGAGACAAATAGTTT	18835
Query	562063	AATATTAACAATTA AAAAGAGTTCTTACTGGGCCATATAAACTTGTTTCATTACATTATG	562122
Sbjct	18834	AATATTAACAATTA AAAAGAGTTCTTACTGGGCCATATAAACTTGTTTCATTACATTATG	18775
Query	562123	ATTTTTAAAATAATTATATTTTTGTTTTGTAGAAAAGAAAAATTATACTCAGAAGTCATA	562182
Sbjct	18774	ATTTTTAAAATAATTATATTTTTGTTTTGTAGAAAAGAAAAATTATACTCAGAAGTCATA	18715
Query	562183	CATACACCTCCTAAGCAACTACAAATTATGGGGTGCATTATATTCTAAGAACATACTTAT	562242
Sbjct	18714	CATACACCTCCTAAGCAACTACAAATTATGGGGTGCATTATATTCTAAGAACATACTTAT	18655
Query	562243	TTTTTCTTTGTAGATCTGGATCATTTTACCTTTCTTAGTCCAATCTTACTCCCTACCTAT	562302
Sbjct	18654	TTTTTCTTTGTAGATCTGGATCATTTTACCTTTCTTAGTCCAATCTTACTCCCTACCTAT	18595
Query	562303	AAAGTAACTTTGTGACTCCACAGGAGTATGCTGCCAGTG GTTGAATCTCAATGTGATGC	562362
Sbjct	18594	AAAGTAACTTTGTGACTCCACAGGAGTATGCTGCCAGTG GTTGAATCTCAATGTGATGC	18535
Query	562363	CAGTTCTGGATCAGTCTGTTCTCTGCCACATCAATGCAGACATCTCAGGCATGAAAGTGC	562422
Sbjct	18534	CAGTTCTGGATCAGTCTGTTCTCTGCCACATCAATGCAGACATCTCAGGCATGAAAGTGC	18475
Query	562423	CTTGGTTATATGTGGGCATGGTGT TTTT CAGCATTTTGT TGGCATATTGAGGATCACTGGA	562482
Sbjct	18474	CTTGGTTATATGTGGGCATGGTGT TTTT CAGCATTTTGT TGGCATATTGAGGATCACTGGA	18415
Query	562483	GTTACTCCATTA ACTACCTGCACTGGTGAGTAAGACACAATATTTTGAATATATGAAGAT	562542
Sbjct	18414	GTTACTCCATTA ACTACCTGCACTGGTGAGTAAGACACAATATTTTGAATATATGAAGAT	18355
Query	562543	ACCTTCTATATACAATAATGCATCTAAACTTTGTATCTCTTCTCTCTGGCAGGGGTGAAC	562602

Sbjct	18354	ACCTTCTATATAACAATAATGCATCTAAACTTTGTATCTCTTCTCTCTGGCAGGGGTGAAC	18295
Query	562603	CAAAGACCTGGTATGGAGTACCTTCTCTAGCAGCAGAACACTTGGAGGATGTTATGAAGA	562662
Sbjct	18294	CAAAGACCTGGTATGGAGTACCTTCTCTAGCAGCAGAACACTTGGAGGATGTTATGAAGA	18235
Query	562663	CATTACACCCGAGTTGTTTTGACAGCCAGCCTGACCTCCTACACCAACTTGTCACTTTGA	562722
Sbjct	18234	CATTACACCCGAGTTGTTTTGACAGCCAGCCTGACCTCCTACACCAACTTGTCACTTTGA	18175
Query	562723	TGAATCCCAACACTCTCATGTACATGGAGTGCCAGTGAGTACCTGGAAATGAGGCTCGA	562782
Sbjct	18174	TGAATCCCAACACTCTCATGTACATGGAGTGCCAGTGAGTACCTGGAAATGAGGCTCGA	18115
Query	562783	GGGGAAAATGTTTCCTTTTTCAGAACacacacacacacacacacacacacacacacacaca	562842
Sbjct	18114	GGGGAAAATGTTTCCTTTTTCAGAACACACACACACACACACACACACACACACACACA	18055
Query	562843	cacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacaGAGGAATTGTCATTCTGGGTATTGGCAGACCATCACATATGT	562902
Sbjct	18054	CACACACACACACACACAGAGGAATTGTCATTCTGGGTATTGGCAGACCATCACATATGT	17995
Query	562903	AGCTTTCTTACAATGCTTCTTTCAAATAGAGAAATAAAAAAGAGAAATAGGATTGTGTAA	562962
Sbjct	17994	AGCTTTCTTACAATGCTTCTTTCAAATAGAGAAATAAAAAAGAGAAATAGGATTGTGTAA	17935
Query	562963	CAGCATAAAACAATCTTAAAAACCTTGTCTAGAGCCAGGCTTGATTAAACATTGCCGAGC	563022
Sbjct	17934	CAGCATAAAACAATCTTAAAAACCTTGTCTAGAGCCAGGCTTGATTAAACATTGCCGAGC	17875
Query	563023	ATAAATTCTttttattattattattttttatttttaCACTCCAGTATTTATTCCCTCTCC	563082
Sbjct	17874	ATAAATTCTTTTATTATTATTATTTTTTTTATTTTACACTCCAGTATTTATTCCCTCTCC	17815
Query	563083	CAGTCTACCCTCCAACCACTTTACATCCCATACATCCTTCTGTCCCTCCTTTCCTCCCA	563142
Sbjct	17814	CAGTCTACCCTCCAACCACTTTACATCCCATACATCCTTCTGTCCCTCCTTTCCTCCCA	17755
Query	563143	CTCCCGAAGACCCTCATCCCCAATTCCATCCCCACAAGGATGTCCCCACCCTACCCACC	563202
Sbjct	17754	CTCCCGAAGACCCTCATCCCCAATTCCATCCCCACAAGGATGTCCCCACCCTACCCACC	17695
Query	563203	AGACCTCTAAACTTGCTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTTAGGTGCCTCATCTTTGTCT	563262
Sbjct	17694	AGACCTCTAAACTTGCTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTTAGGTGCCTCATCTTTGTCT	17635
Query	563263	GAACCCAGGCCCAAGTCCTCTGCTGTATACGTGTTGGAGACCTCATGAAAGCTGGTGT	563322
Sbjct	17634	GAACCCAGGCCCAAGTCCTCTGCTGTATACGTGTTGGAGACCTCATGAAAGCTGGTGT	17575
Query	563323	ATGCTGCCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTAAGACATCACAGGGGTCCAGGTTAATTGAGAC	563382
Sbjct	17574	ATGCTGCCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTAAGACATCACAGGGGTCCAGGTTAATTGAGAC	17515
Query	563383	TGCTGGTCTCTCATATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCCAGCTTTTCCCTAATTCA	563442
Sbjct	17514	TGCTGGTCTCTCATATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCCAGCTTTTCCCTAATTCA	17455
Query	563443	GCCAGAGGGGTGAGCAGCTTCTGTTCAATTGGTTGGGTGCACATATCTGTATCTGACTCTT	563502
Sbjct	17454	GCCAGAGGGGTGAGCAGCTTCTGTTCAATTGGTTGGGTGCACATATCTGTATCTGACTCTT	17395
Query	563503	TCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCATGGTAGGTCTCTTTTTGTGAATGCC	563562
Sbjct	17394	TCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCATGGTAGGTCTCTTTTTGTGAATGCC	17335
Query	563563	CATAGCTTCAGTAATGGTGTCACGTCTTGGGGCCTCCCCTTGACGTGGATCCCACTTTGG	563622
Sbjct	17334	CATAGCTTCAGTAATGGTGTCACGTCTTGGGGCCTCCCCTTGACGTGGATCCCACTTTGG	17275
Query	563623	GATCCTGTCACTGAACCTCCTTTCCCTCAGGCTCTTCTCCATTTCATCCCTGCATTCT	563682
Sbjct	17274	GATCCTGTCACTGAACCTCCTTTCCCTCAGGCTCTTCTCCATTTCATCCCTGCATTCT	17215
Query	563683	TTCAGACAGGAAGTATTATGGGTGAGAACTTTGGCTGTGGGATGGCAACCCCATCCCC	563742
Sbjct	17214	TTCAGACAGGAAGTATTATGGGTGAGAACTTTGGCTGTGGGATGGCAACCCCATCCCC	17155
Query	563743	ACTTGATGACCCGCTTTTCTGATGGAGGTAGGTTCCAAAAGTTCCCTCTCCCCACTGTAC	563802
Sbjct	17154	ACTTGATGACCCGCTTTTCTGATGGAGGTAGGTTCCAAAAGTTCCCTCTCCCCACTGTAC	17095
Query	563803	AATCTTTCATCTAGGATACACCCCTTGAGTTCTGAAAGTTCTCACTTTCCAGGTCTCT	563862
Sbjct	17094	AATCTTTCATCTAGGATACACCCCTTGAGTTCTGAAAGTTCTCACTTTCCAGGTCTCT	17035
Query	563863	GATATATTCTAGAGGATCTTCCCAAACCTTCTCTCCCAAGATTGCCTGTTTCCATTCTT	563922
Sbjct	17034	GATATATTCTAGAGGATCTTCCCAAACCTTCTCTCTCCCAAGATTGCCTGTTTCCATTCTT	16975

Query	563923	TCTGCTGGCCCTCAGGGCCTCAGTTCTTATCCCCACATAATACCAAATCATGttcccg	563982
Sbjct	16974	TCTGCTGGCCCTCAGGGCCTCAGTTCTTATCCCCACATAATACCAAATCATGTTCCCGT	16915
Query	563983	ctccccagccccattcccttcccactcctggtttctccctccctccttccctcccttg	564042
Sbjct	16914	CTCCCCAGCCCCATTCCCTTCCCACTCCTGTTTCTCCCTCCCTCCTTCCCTCCCTTGTGG	16855
Query	564043	ttgcttttcgtctccctcccAAGTGGGATCAAGGCCTCCTCACTTGGGCCCTTCAAATTGT	564102
Sbjct	16854	TTGCTTTTCGTCTCCCTCCCAAGTGGGATCAAGGCCTCCTCACTTGGGCCCTTCAAATTGT	16795
Query	564103	TGACTCTTTTGAAGTCTGTGGAATGTGTCTTGGGTATTCTGTACTttttttttCTGGCTAA	564162
Sbjct	16794	TGACTCTTTTGAAGTCTGTGGAATGTGTCTTGGGTATTCTGTACTTTTTTTTCTGGCTAA	16735
Query	564163	TATCCACTTATTAGTGAGAACATACTGTGCATGTCCTTTTTTGAATTTAGTTAGCTTACT	564222
Sbjct	16734	TATCCACTTATTAGTGAGAACATACTGTGCATGTCCTTTTTTGAATTTAGTTAGCTTACT	16675
Query	564223	TAGAATGATATTTTCTAGTTGCCTGCAAACTGAGGATATCCATGTTCTTAATAGCCCAT	564282
Sbjct	16674	TAGAATGATATTTTCTAGTTGCCTGCAAACTGAGGATATCCATGTTCTTAATAGCCCAT	16615
Query	564283	TTATAAATGAACCACATTTTCTGTAACCATTCTGTGTGGGTACCTGGGTTGTTTCCAG	564342
Sbjct	16614	TTATAAATGAACCACATTTTCTGTAACCATTCTGTGTGGGTACCTGGGTTGTTTCCAG	16555
Query	564343	CTTCTGCCTATCACAAACAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAAGATGTGCCCTGTTGCAT	564402
Sbjct	16554	CTTCTGCCTATCACAAACAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAAGATGTGCCCTGTTGCAT	16495
Query	564403	GGTCTGGCATCTTTGGTGTATATTCCCAAGAGTGGTATTCTGGGTCTATAGGTAGGTCT	564462
Sbjct	16494	GGTCTGGCATCTTTGGTGTATATTCCCAAGAGTGGTATTCTGGGTCTATAGGTAGGTCT	16435
Query	564463	ATTTTCAATTTTCTGGGGAACCTCTTAAATGATTTCAGAGTGTTGTACCAATTTGCA	564522
Sbjct	16434	ATTTTCAATTTTCTGGGGAACCTCTTAAATGATTTCAGAGTGTTGTACCAATTTGCA	16375
Query	564523	ATGCTACCAGCAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCACTAACATGTGTTGTC	564582
Sbjct	16374	ATGCTACCAGCAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCACTAACATGTGTTGTC	16315
Query	564583	ACGTGACATTCTGACTGCTGTGAAGTAAATCTCAGGGTCATTGATTTGAATTTCCCTG	564642
Sbjct	16314	ACGTGACATTCTGACTGCTGTGAAGTAAATCTCAGGGTCATTGATTTGAATTTCCCTG	16255
Query	564643	AGAACTAAGGACTTTGAACATTTCTTTAAGTCTTTCTCAGGTATATAATATTCTTCTCTT	564702
Sbjct	16254	AGAACTAAGGACTTTGAACATTTCTTTAAGTCTTTCTCAGGTATATAATATTCTTCTCTT	16195
Query	564703	TGTAACCTAAGTGTATTAGTTCTACACCAAGtttttttttCTCCCTCTTTATTAAATTAGG	564762
Sbjct	16194	TGTAACCTAAGTGTATTAGTTCTACACCAAGTTTTTTTTTCTCCCTCTTTATTAAATTAGG	16135
Query	564763	TATTTCTTATTACATTTCAATTGTTATTACCTTTCCAGTTTCCAGGCCAACAtcccc	564822
Sbjct	16134	TATTTCTTATTACATTTCAATTGTTATTACCTTTCCAGTTTCCAGGCCAACATCCCCC	16075
Query	564823	tagccccctccccctcccccttcgatatgggtgttccccctccccactctccccccattacca	564882
Sbjct	16074	TAGCCCCCTCCCTTCCCTTCGATATGGGTGTTCCCTCCCACTCTCCCCCATTACCA	16015
Query	564883	ccctcccccccaACAATCACGTTTACTGGTGGGTTCAGTCTTAGCAGGATAGGGCTTCCCC	564942
Sbjct	16014	CCCTCCCCCAACAATCACGTTTACTGGTGGGTTCAGTCTTAGCAGGATAGGGCTTCCCC	15955
Query	564943	TTCCACTGGTGACTTACTAGGCGATTCAATTGCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAG	565002
Sbjct	15954	TTCCACTGGTGACTTACTAGGCGATTCAATTGCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAG	15895
Query	565003	TCCATGTATAGTCTTTTGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGT	565062
Sbjct	15894	TCCATGTATAGTCTTTTGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGT	15835
Query	565063	TGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTTCTCTGATTCTTACAA	565122
Sbjct	15834	TGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTTCTCTGATTCTTACAA	15775
Query	565123	CGGGGGTCCCATTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTCGCCTCTGTATTTGCTGTA	565182
Sbjct	15774	CGGGGGTCCCATTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTCGCCTCTGTATTTGCTGTA	15715
Query	565183	TTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCGACTCCTGTGCGCCTGCACTTTTCTT	565242
Sbjct	15714	TTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCGACTCCTGTGCGCCTGCACTTTTCTT	15655
Query	565243	CATCCATCTTGTCTAGTTTGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTG	565302



Sbjct	15654	CATCCATCTTGTCTAGTTTGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTG	15595
Query	565303	AATGGGTGTTCCCTTCTGTGCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTAT	565362
Sbjct	15594	AATGGGTGTTCCCTTCTGTGCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTAT	15535
Query	565363	TCTTGTTCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTCATATTTTGGTCATCCTTCTTGAGTT	565422
Sbjct	15534	TCTTGTTCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTCATATTTTGGTCATCCTTCTTGAGTT	15475
Query	565423	TCACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAACGGCCACTTATCAATG	565482
Sbjct	15474	TCACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAACGGCCACTTATCAATG	15415
Query	565483	AGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCA	565542
Sbjct	15414	AGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCA	15355
Query	565543	GTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATT	565602
Sbjct	15354	GTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATT	15295
Query	565603	CCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTT	565662
Sbjct	15294	CCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTT	15235
Query	565663	CTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTT	565722
Sbjct	15234	CTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTT	15175
Query	565723	TGTTATATGTTGGGGCATCTTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGAGTCCTCAG	565782
Sbjct	15174	TGTTATATGTTGGGGCATCTTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGAGTCCTCAG	15115
Query	565783	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCA	565842
Sbjct	15114	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCA	15055
Query	565843	GTCTGCAATCCCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTCTCCACATCCTCGCCAGCATC	565902
Sbjct	15054	GTCTGCAATCCCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTCTCCACATCCTCGCCAGCATC	14995
Query	565903	TGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGG	565962
Sbjct	14994	TGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGTGAGGTGGAATCTCAGGG	14935
Query	565963	TTGTTTTGATTGCAATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCT	566022
Sbjct	14934	TTGTTTTGATTGCAATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCT	14875
Query	566023	CAGCCATTTCGGCATTCCCTCAGCTGTGAATTCCTTTGTTAGCTCGGAACCCATTTCCTAA	566082
Sbjct	14874	CAGCCATTTCGGCATTCCCTCAGCTGTGAATTCCTTTGTTAGCTCGGAACCCATTTCCTAA	14815
Query	566083	TAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTTGTATATTTTGATATGA	566142
Sbjct	14814	TAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTTGTATATTTTGATATGA	14755
Query	566143	GCCCTCTCTCTGTTGTAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATTGTTGGTTGTCATTTTG	566202
Sbjct	14754	GCCCTCTCTCTGTTGTAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATTGTTGGTTGTCATTTTG	14695
Query	566203	TACTAAAACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGTAGTTTAATGAGAACCCATTTGTC	566262
Sbjct	14694	TACTAAAACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGTAGTTTAATGAGAACCCATTTGTC	14635
Query	566263	GATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGCGTTTTGTTGAGGAAGTTTTCTCCAGTGCC	566322
Sbjct	14634	GATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGCGTTTTGTTGAGGAAGTTTTCTCCAGTGCC	14575
Query	566323	CATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACttttttctATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATG	566382
Sbjct	14574	CATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACTTTTTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATG	14515
Query	566383	TGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATTGATC	566442
Sbjct	14514	TGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATTGATC	14455
Query	566443	TGCATTCTTGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCATCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTC	566502
Sbjct	14454	TGCATTCTTGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCATCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTC	14395
Query	566503	CATTGGATGGTTTTTGCTCCTTTGTCAAAAATAATGTGACCATAGGTGTAAGGGTTCATT	566562
Sbjct	14394	CATTGGATGGTTTTTGCTCCTTTGTCAAAAATAATGTGACCATAGGTGTAAGGGTTCATT	14335
Query	566563	TCTGGGTCAATTTTATTCAACTGGTCTCTGTGCCTGTCTTTGTACCAATACCAGTTTTTA	566622
Sbjct	14334	TCTGGGTCAATTTTATTCAACTGGTCTCTGTGCCTGTCTTTGTACCAATACCAGTTTTTA	14275

Query	566623	TCACTATTGTTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGAATACCGATTCCCCCTGAAGTCCTTT	566682
Sbjct	14274	TCACTATTGTTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGAATACCGATTCCCCCTGAAGTCCTTT	14215
Query	566683	TATTGTTGAGGATAGTTATTTTCATATTCAGATGAATTTGGAAATTGTTCTGCCCAACTC	566742
Sbjct	14214	TATTGTTGAGGATAGTTATTTTCATATTCAGATGAATTTGGAAATTGTTCTGCCCAACTC	14155
Query	566743	TCTGAAGAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGAATCTATACATCGCTTTTGG	566802
Sbjct	14154	TCTGAAGAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGAATCTATACATCGCTTTTGG	14095
Query	566803	TATAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTTCCAATTCATGAACATGGGAGAAATTTCCA	566862
Sbjct	14094	TATAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTTCCAATTCATGAACATGGGAGAAATTTCCA	14035
Query	566863	TTTTCTGAGCTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAGTTCTTATCATACAGATC	566922
Sbjct	14034	TTTTCTGAGCTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAGTTCTTATCATACAGATC	13975
Query	566923	TTTCACTTGCTTGGTTAAAGTCATACTGAGGTATTTATATTATTTGGGACCATTATGAA	566982
Sbjct	13974	TTTCACTTGCTTGGTTAAAGTCATACTGAGGTATTTATATTATTTGGGACCATTATGAA	13915
Query	566983	GGGTGTCGTTTCCCTGTTTTCTTTCTTGGTTTGGTTCTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTAC	567042
Sbjct	13914	GGGTGTCGTTTCCCTGTTTTCTTTCTTGGTTTGGTTCTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTAC	13855
Query	567043	TGATTTATTTGAGTTCATTTTAAACCAGCCACTTTGCTGAAGGTGTTTATCAGGTTTAG	567102
Sbjct	13854	TGATTTATTTGAGTTCATTTTAAACCAGCCACTTTGCTGAAGGTGTTTATCAGGTTTAG	13795
Query	567103	TAGTTCTCTGGTGGAACTTTGTAGATCACTTACATATACTATCATATCAAATATTGATAT	567162
Sbjct	13794	TAGTTCTCTGGTGGAACTTTGTAGATCACTTACATATACTATCATATCAAATATTGATAT	13735
Query	567163	TTTGACTTCTTCCTTCCCAATCTGTATTCTTTGATCTCCTTTTATTGTCTGATTGCTCT	567222
Sbjct	13734	TTTGACTTCTTCCTTCCCAATCTGTATTCTTTGATCTCCTTTTATTGTCTGATTGCTCT	13675
Query	567223	GACTAGGACTTCGAAAACATATTGAATAAGTAGGAAGAGAGTGGGCAGATTTTCTAGT	567282
Sbjct	13674	GACTAGGACTTCGAAAACATATTGAATAAGTAGGAAGAGAGTGGGCAGATTTTCTAGT	13615
Query	567283	CCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCAACTGG	567342
Sbjct	13614	CCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCAACTGG	13555
Query	567343	TTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTACTCTTCCAG	567402
Sbjct	13554	TTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTACTCTTCCAG	13495
Query	567403	GACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCCAATGCTTTTCTCAGCATCTAATGAAAT	567462
Sbjct	13494	GACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCCAATGCTTTTCTCAGCATCTAATGAAAT	13435
Query	567463	GATCATGTAGTTTTTATCCTTCAGTTTGTTTATATAGTGGGTATGTTGATGGTTTTCTG	567522
Sbjct	13434	GATCATGTAGTTTTTATCCTTCAGTTTGTTTATATAGTGGGTATGTTGATGGTTTTCTG	13375
Query	567523	TATATTAAGCCATCCCTGCATGCCTGGAATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATTGT	567582
Sbjct	13374	TATATTAAGCCATCCCTGCATGCCTGGAATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATTGT	13315
Query	567583	TTTAATGTGCTCTTGATTTCGGTTTGCAAGAATTTTATTGAGGATTTTGCATCGATATC	567642
Sbjct	13314	TTTAATGTGCTCTTGATTTCGGTTTGCAAGAATTTTATTGAGGATTTTGCATCGATATC	13255
Query	567643	ATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTGTGTGGTTTAGGTATA	567702
Sbjct	13254	ATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTGTGTGGTTTAGGTATA	13195
Query	567703	AGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGTAGTGCTCCATCTGTTTCAATATTGTGGAATAATTT	567762
Sbjct	13194	AGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGTAGTGCTCCATCTGTTTCAATATTGTGGAATAATTT	13135
Query	567763	AGTTAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAATGTCTGATAAAATCTGCACTGAACCCATC	567822
Sbjct	13134	AGTTAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAATGTCTGATAAAATCTGCACTGAACCCATC	13075
Query	567823	TGGACCAGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTTCCTTAGGAGT	567882
Sbjct	13074	TGGACCAGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTTCCTTAGGAGT	13015
Query	567883	TATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCTGATTTAACTTCGGTATCTGGTATCTGTC	567942
Sbjct	13014	TATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCTGATTTAACTTCGGTATCTGGTATCTGTC	12955
Query	567943	TAGGAAATTGTCCATTTCCAGCATATTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTGTAGTA	568002

Sbjct	12954	 TAGGAAATTGTCCATTTCCAGCATATTTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTTGTAGTA	12895
Query	568003	GGATCTGGTGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAGATATGTTTCCCTTTTCATTTCT	568062
Sbjct	12894	GGATCTGGTGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAGATATGTTTCCCTTTTCATTTCT	12835
Query	568063	GATCTTGTTAATTTGGACACATTCTCTGTGTCCTCTTATTAGTCTGGCTAAGAGTTTATT	568122
Sbjct	12834	GATCTTGTTAATTTGGACACATTCTCTGTGTCCTCTTATTAGTCTGGCTAAGAGTTTATT	12775
Query	568123	TATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTGTATAGCCCT	568182
Sbjct	12774	TATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTGTATAGCCCT	12715
Query	568183	TTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTTAACTCCT	568242
Sbjct	12714	TTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTTAACTCCT	12655
Query	568243	CCTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTATTCTAGAGCTTTGAGGTGTGCTGTCAAGCTGGTGAC	568302
Sbjct	12654	CCTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTATTCTAGAGCTTTGAGGTGTGCTGTCAAGCTGGTGAC	12595
Query	568303	ATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTTCTTAGCAC	568362
Sbjct	12594	ATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTTCTTAGCAC	12535
Query	568363	AGCTTTCATTGTGTCCCATAAAGTTTGGCATTAAATTCTAAGAAGTCTTTAAtttttttCC	568422
Sbjct	12534	AGCTTTCATTGTGTCCCATAAAGTTTGGCATTAAATTCTAAGAAGTCTTTAATTTTTTCC	12475
Query	568423	TTTATTTTTAACTTGACAAAGTTATCATTGAGTAGAGCATTGTTTCCATGGATAT	568482
Sbjct	12474	TTTATTTTTAACTTGACAAAGTTATCATTGAGTAGAGCATTGTTTCCATGGATAT	12415
Query	568483	GTGGGCGTTCCTCCCTTATTGTCAATTGAAGACCAGCTTTAGGCCGTGGTGGTCTGATAGC	568542
Sbjct	12414	GTGGGCGTTCCTCCCTTATTGTCAATTGAAGACCAGCTTTAGGCCGTGGTGGTCTGATAGC	12355
Query	568543	AGGCATGGGCTTATTCCTACCTTTTTGTGTCTGTTGAGGCCCGTGTTTTGACCAATTAT	568602
Sbjct	12354	AGGCATGGGCTTATTCCTACCTTTTTGTGTCTGTTGAGGCCCGTGTTTTGACCAATTAT	12295
Query	568603	ATGGTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGAACAGAGAAAATGTATATCATTTTGCTTT	568662
Sbjct	12294	ATGGTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGAACAGAGAAAATGTATATCATTTTGCTTT	12235
Query	568663	AGGATAGAATGTTCTATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTTCATGACTTCTCTTAGTCT	568722
Sbjct	12234	AGGATAGAATGTTCTATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTTCATGACTTCTCTTAGTCT	12175
Query	568723	GTCGACATCTCTGTTTAAATTCTGTTTCCATGACCTGTCCATTGATGAGAGTGGCCTGTT	568782
Sbjct	12174	GTCGACATCTCTGTTTAAATTCTGTTTCCATGACCTGTCCATTGATGAGAGTGGCCTGTT	12115
Query	568783	GAAATCTCCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTC	568842
Sbjct	12114	GAAATCTCCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTC	12055
Query	568843	TTTATGTATGCAGGTGCCCTGGTATTTGGAGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATC	568902
Sbjct	12054	TTTATGTATGCAGGTGCCCTGGTATTTGGAGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATC	11995
Query	568903	TTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCttttttgatgacttt	568962
Sbjct	11994	TTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTT	11935
Query	568963	tatttgaaaattgatttttatattgaTATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGAC	569022
Sbjct	11934	TATTTGAAAATTGATTTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGAC	11875
Query	569023	CATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCAGGTAGTGTATGTCTTTGTCTCTG	569082
Sbjct	11874	CATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCAGGTAGTGTATGTCTTTGTCTCTG	11815
Query	569083	AGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCGGGTCCTCATTGCATATCCAGTTTGTTAAT	569142
Sbjct	11814	AGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCGGGTCCTCATTGCATATCCAGTTTGTTAAT	11755
Query	569143	CTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGA	569202
Sbjct	11754	CTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGA	11695
Query	569203	TTATTGCTTCTCTGTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCT	569262
Sbjct	11694	TTATTGCTTCTCTGTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCT	11635
Query	569263	CTTTGTTTTGTTGTCAAGACAATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCTCCT	569322
Sbjct	11634	CTTTGTTTTGTTGTCAAGACAATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCTCCT	11575

Query	569323	TGTGTTGGGCTTTACCATTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGGAAGATACTGTG	569382
Sbjct	11574	TGTGTTGGGCTTTACCATTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGGAAGATACTGTG	11515
Query	569383	TAAATTTGGTTTTGTGTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTG	569442
Sbjct	11514	TAAATTTGGTTTTGTGTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTG	11455
Query	569443	CAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGACATCTATCC	569502
Sbjct	11454	CAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGACATCTATCC	11395
Query	569503	AGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAAATTCTGATAGGTCTGC	569562
Sbjct	11394	AGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAAATTCTGATAGGTCTGC	11335
Query	569563	CTTTGAATGTCACTTGACctttttcccttactgctttttaataattcttttctttgtcttgtg	569622
Sbjct	11334	CTTTGAATGTCACTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTCTTTGTCTTGTG	11275
Query	569623	tttttgggttttttggACTATTATGTGTGGGAGGAATTCCTTTTCTGGTGCAATCTATTTGG	569682
Sbjct	11274	TTTTTGGTTTTTTTGACTATTATGTGTGGGAGGAATTCCTTTTCTGGTGCAATCTATTTGG	11215
Query	569683	AGTTCGTAGACTTCTTGTTCATGGACATCTTTCTTTAGGTTAGGGAAGtttttttttATA	569742
Sbjct	11214	AGTTCGTAGACTTCTTGTTCATGGACATCTTTCTTTAGGTTAGGGAAGTTTTTTTATA	11155
Query	569743	ATTTTGTTGAAAATATTTACTGGCCCTGTAAAGTTCAGAGTCTTTATTCTCTTCTATACC	569802
Sbjct	11154	ATTTTGTTGAAAATATTTACTGGCCCTGTAAAGTTCAGAGTCTTTATTCTCTTCTATACC	11095
Query	569803	TATTTTCCTTATGTTTGGTTTCTCATTATGTCCTAGATTTCTTGATATCTTGGGTCAT	569862
Sbjct	11094	TATTTTCCTTATGTTTGGTTTCTCATTATGTCCTAGATTTCTTGATATCTTGGGTCAT	11035
Query	569863	GAGCTTTTTATATTTTCTTTGACCGTCTGTCAATTGTTTTCTATGGGATTCTCTCTTCTA	569922
Sbjct	11034	GAGCTTTTTATATTTTCTTTGACCGTCTGTCAATTGTTTTCTATGGGATTCTCTCTTCTA	10975
Query	569923	TCTCTGTATTCTGTTGGTGCTTTTGTCTATGACTTCTGATATCTTTCCTAGGTTTTCCA	569982
Sbjct	10974	TCTCTGTATTCTGTTGGTGCTTTTGTCTATGACTTCTGATATCTTTCCTAGGTTTTCCA	10915
Query	569983	TCTCCAGGGCTCTTTCCTTTGGAAtttttttttatgtttctatttttatttttAGATCC	570042
Sbjct	10914	TCTCCAGGGCTCTTTCCTTTGGAATTTTTTTTATGTTTCTATTTTTATTTTATAGATCC	10855
Query	570043	TGAATGGTTTTGTTC AATTCCTTCACCTCTTGGTTGTGTTTTCTGTCAATCTTTAATG	570102
Sbjct	10854	TGAATGGTTTTGTTC AATTCCTTCACCTCTTGGTTGTGTTTTCTGTCAATCTTTAATG	10795
Query	570103	GATTTTTGTGTTTCTCTTTAAGGGCTTCTACTTGCTCACCTGTGTTGTTCTGTATTTCT	570162
Sbjct	10794	GATTTTTGTGTTTCTCTTTAAGGGCTTCTACTTGCTCACCTGTGTTGTTCTGTATTTCT	10735
Query	570163	TTAAGGGGGTTATTTATGACCTTCTTAAAGTCCTCTATCCTCATCATGAGATGTAGTTTT	570222
Sbjct	10734	TTAAGGGGGTTATTTATGACCTTCTTAAAGTCCTCTATCCTCATCATGAGATGTAGTTTT	10675
Query	570223	AAATCCAAAACCTTGCTTTTCTGCTGTTTTCAGATACCCAGTATTTGCTTTGGTGGGAGAA	570282
Sbjct	10674	AAATCCAAAACCTTGCTTTTCTGCTGTTTTCAGATACCCAGTATTTGCTTTGGTGGGAGAA	10615
Query	570283	CTGGGTTCTGATAATGTTGCTTGGGTTTTTGTGCCTGTCTTTTGCTGGTGGCTATCTCTG	570342
Sbjct	10614	CTGGGTTCTGATAATGTTGCTTGGGTTTTTGTGCCTGTCTTTTGCTGGTGGCTATCTCTG	10555
Query	570343	ATGTTAGTTGTTCTTGCTGTCTCTGACTGAAACTTGCGTCTACTGTGGGCCAGTGAGCCT	570402
Sbjct	10554	ATGTTAGTTGTTCTTGCTGTCTCTGACTGAAACTTGCGTCTACTGTGGGCCAGTGAGCCT	10495
Query	570403	GTGATCTTAGGAGTAAGAGGGCTTCTTGAGACCAGCTTTCTTTAGGGTAGGTTTTGGGT	570462
Sbjct	10494	GTGATCTTAGGAGTAAGAGGGCTTCTTGAGACCAGCTTTCTTTAGGGTAGGTTTTGGGT	10435
Query	570463	CTGAAGAGCTGTGCAACAGCCCCATTTCTAGGTGTAAATGGAGCTAttttttttCTCTAT	570522
Sbjct	10434	CTGAAGAGCTGTGCAACAGCCCCATTTCTAGGTGTAAATGGAGCTATTTTTTTTCTCTAT	10375
Query	570523	ATATAAACTCTTAGTTTCCTTATTTGTGCAAAATGAACTTGGAACCTCTAATGTTGGAAC	570582
Sbjct	10374	ATATAAACTCTTAGTTTCCTTATTTGTGCAAAATGAACTTGGAACCTCTAATGTTGGAAC	10315
Query	570583	TTCTAAAGTTGGAACCTCTAACTTAAATGTTATAGTCAAACCTTATCAATTTTCTAATTC	570642
Sbjct	10314	TTCTAAAGTTGGAACCTCTAACTTAAATGTTATAGTCAAACCTTATCAATTTTCTAATTC	10255
Query	570643	TATAGAGTAATATTTTATTATGCTTTTTTCTTTAACTTTATCATTTAATGTATCAACCAT	570702

Sbjct	10254	T A T A G A G T A A T A T T T T A T T A T G T C T T T T T C T T T A A C T T T A T C A T T T A A T G T A T C A A C C A T	10195
Query	570703	T C C A T C A G A A C C T G T T G A T C C T T G T T T A C T C T G A C A G G T T T T A T T T T T C T G A T A G T A C T	570762
Sbjct	10194	T C C A T C A G A A C C T G T T G A T C C T T G T T T A C T C T G A C A G G T T T T A T T T T T C T G A T A G T A C T	10135
Query	570763	A A A G T C G T C T G C C T T T A T T T T A T C A T T A G T C T T A T A A A G T A C T T G T G A C T A C T T T G T A T T	570822
Sbjct	10134	A A A G T C G T C T G C C T T T A T T T T A T C A T T A G T C T T A T A A A G T A C T T G T G A C T A C T T T G T A T T	10075
Query	570823	A A A G A A T G C T A G T T A T A T T T A A A T C T A T G t t t t t g g t c t t t t t g t c t t t t t t t t t t t t t t t t	570882
Sbjct	10074	A A A G A A T G C T A G T T A T A T T T A A A T C T A T G T T T T G G T C T T T T T G T C T T T T T T T T T T T T T T T	10015
Query	570883	t G A G A A A G T G A T C C T A C T A A G G A A A A T A T T G A T A A A T A A A C A C T G G A T T A G G T A T A C A A G	570942
Sbjct	10014	T G A G A A A G T G A T C C T A C T A A G G A A A A T A T T G A T A A A T A A A C A C T G G A T T A G G T A T A C A A G	9955
Query	570943	T A T A A C C A C T C T C C T T C C A C A A G A A C A C C A G C A A A A A G A T T C T T G A T G A A G T C A G G C A T T	571002
Sbjct	9954	T A T A A C C A C T C T C C T T C C A C A A G A A C A C C A G C A A A A A G A T T C T T G A T G A A G T C A G G C A T T	9895
Query	571003	G T G A C A T A T G T T T A T G A T T C T A A C T T T C A G G A C T C T A A G A A C A C A A T C T A A A G A C A C T A	571062
Sbjct	9894	G T G A C A T A T G T T T A T G A T T C T A A C T T T C A G G A C T C T A A G A A C A C A A T C T A A A G A C A C T A	9835
Query	571063	T A T C A T A T A c a a a a a t t a t g a a g c a a g a a a t c c c a a a a a c a a a a a t t t a a a a t t a a t a	571122
Sbjct	9834	T A T C A T A T A C A A A A A T T A T G A A G C A A G A A A T C C C A A A A A C A A A A A T T T A A A A T T A A T A	9775
Query	571123	a a a t t a t t t t a a a a a a t g a a a g a c a a a a C A G C A A T T G T C T A T A A G T G A A A T A T T C A T T C T A	571182
Sbjct	9774	A A A T T A T T T T A A A A A A T G A A A G A C A A A C A G C A A T T G T C T A T A A G T G A A A T A T T C A T T C T A	9715
Query	571183	G T C A A G A A C T T G T T T G A G T A A G A G G A A T T A G C A A C T G T C T T T G T A A T A A G T T G G T C A A A G	571242
Sbjct	9714	G T C A A G A A C T T G T T T G A G T A A G A G G A A T T A G C A A C T G T C T T T G T A A T A A G T T G G T C A A A G	9655
Query	571243	G A G C A A A G G T A T A G A A T A A C A A A A G T A C C C A A T A C C T A G A A A A C T A A G G T T G C C A T C A G	571302
Sbjct	9654	G A G C A A A G G T A T A G A A T A A C A A A A G T A C C C A A T A C C T A G A A A A C T A A G G T T G C C A T C A G	9595
Query	571303	T A T A A C A A T A C A T A T G G A A A A G G A G G G A G A G A G G A T A T T T T A G G A A A T A A T A A A A A	571362
Sbjct	9594	T A T A A C A A T A C A T A T G G A A A A G G A G G G A G A G A G G A T A T T T T A G G A A A T A A T A A A A A	9535
Query	571363	C A A T T T T C T A A A A G T A A A T A T T C A A G A A G G A C A A A T A C T G C A A G C T A G A A A C A G C A G A T G	571422
Sbjct	9534	C A A T T T T C T A A A A G T A A A T A T T C A A G A A G G A C A A A T A C T G C A A G C T A G A A A C A G C A G A T G	9475
Query	571423	G T A C T G T A C A G A T T T T T A G T C T A T G A A T T C A C T G T C T A C C T A G T T T T T A A A A C A T A T T C	571482
Sbjct	9474	G T A C T G T A C A G A T T T T T A G T C T A T G A A T T C A C T G T C T A C C T A G T T T T T A A A A C A T A T T C	9415
Query	571483	T T A A A G T A G G T G A T T T A T T A T G G A T A A C T A A C T T C T C T T G G T G T A A A T T C A A T A G T T A A T	571542
Sbjct	9414	T T A A A G T A G G T G A T T T A T T A T G G A T A A C T A A C T T C T C T T G G T G T A A A T T C A A T A G T T A A T	9355
Query	571543	T C T T A T T A A A T A A T A T C A G T A C A T C A T T G C T T T T T G T G G A T A C A T A A T A C T G A T A T T T T G	571602
Sbjct	9354	T C T T A T T A A A T A A T A T C A G T A C A T C A T T G C T T T T T G T G G A T A C A T A A T A C T G A T A T T T T G	9295
Query	571603	T T T A C A C A T T C C T A A G T T G A T G A A C T A C T T A G C T G A T T T A C T T T T A G C T G T G G T G A A A G A	571662
Sbjct	9294	T T T A C A C A T T C C T A A G T T G A T G A A C T A C T T A G C T G A T T T A C T T T T A G C T G T G G T G A A A G A	9235
Query	571663	T T C T G C T G T C A A C A C T T G T T T A C A A A T A T C T G T T C A A A T C T T T G T T T T G A A T T G T T T G T T	571722
Sbjct	9234	T T C T G C T G T C A A C A C T T G T T T A C A A A T A T C T G T T C A A A T C T T T G T T T T G A A T T G T T T G T T	9175
Query	571723	G T A T A C T C A G G T A T T A C T C C A T A A T C C A T G C A C A T T T C T C T T G A G A A C C A A T G T A C T A C	571782
Sbjct	9174	G T A T A C T C A G G T A T T A C T C C A T A A T C C A T G C A C A T T T C T C T T G A G A A C C A A T G T A C T A C	9115
Query	571783	A G C A G C T T C A T G A C C A T T T C A C A T T C C T G C T A C A T A T G T A T A T A T C C T A A T G T T T G C A T A	571842
Sbjct	9114	A G C A G C T T C A T G A C C A T T T C A C A T T C C T G C T A C A T A T G T A T A T A T C C T A A T G T T T G C A T A	9055
Query	571843	T C C A C A T G A C A T T T G T T T T C T G C T T T G A A T G A T G A C C A A G A C T T G A G T T C T C T G A T T T T T	571902
Sbjct	9054	T C C A C A T G A C A T T T G T T T T C T G C T T T G A A T G A T G A C C A A G A C T T G A G T T C T C T G A T T T T T	8995
Query	571903	T T C C A C A G T T G T G A A A A A T T G A C T T C A T A A T T T G A C T T T T A T T T C A C T A A T A T A A A T A T A	571962
Sbjct	8994	T T C C A C A G T T G T G A A A A A T T G A C T T C A T A A T T T G A C T T T T A T T T C A C T A A T A T A A A T A T A	8935
Query	571963	A T A T T C A G C A A T A T A T T T C A C T T G T A C A A A G C G T C T T C T C A T T T G C T T G A C A A A C C T C A T	572022
Sbjct	8934	A T A T T C A G C A A T A T A T T T C A C T T G T A C A A A G C G T C T T C T C A T T T G C T T G A C A A A C C T C A T	8875

Query	572023	ACAAATTTCTTTTCTTTTATATGTCTTACTGAGTTTGTGGATCTAGCAGTACAACAGA	572082
Sbjct	8874	ACAAATTTCTTTTCTTTTATATGTCTTACTGAGTTTGTGGATCTAGCAGTACAACAGA	8815
Query	572083	TTCTTTTAAACAATATTTTGTTTAAAATAAGTCTTATCATTTAGGTCTTTCAGATAATAT	572142
Sbjct	8814	TTCTTTTAAACAATATTTTGTTTAAAATAAGTCTTATCATTTAGGTCTTTCAGATAATAT	8755
Query	572143	CTGTTTTGAAAAATGGTTTAAATTGTGGTTTTAAAATTGCTTTTGCTATTATCACCTGTAT	572202
Sbjct	8754	CTGTTTTGAAAAATGGTTTAAATTGTGGTTTTAAAATTGCTTTTGCTATTATCACCTGTAT	8695
Query	572203	GAACAGAATGTGAAAGTCAGAGATATAAGAGCTTAGAATTTGATCTCCTGgttttttggg	572262
Sbjct	8694	GAACAGAATGTGAAAGTCAGAGATATAAGAGCTTAGAATTTGATCTCCTGGTTTTTTGGG	8635
Query	572263	ggttttggttttggttttggttttgctaaaaatatttttgATACTGTATTATCTTTCCTTT	572322
Sbjct	8634	GGTTTTGTTTTGTTTTGGTTTTTGCTAAAAATATTTTGGATACTGTATTATCTTTCCTTT	8575
Query	572323	GAATTCCACATCATTTTGCCTTATAGATTCTTCTGTGTATATCACATTTAGTCTTCACAG	572382
Sbjct	8574	GAATTCCACATCATTTTGCCTTATAGATTCTTCTGTGTATATCACATTTAGTCTTCACAG	8515
Query	572383	TTTCATTTTCTTTGTTCACTTATACATTTGAAGATAGTCTTTAATTTCTAATCTTTTCTT	572442
Sbjct	8514	TTTCATTTTCTTTGTTCACTTATACATTTGAAGATAGTCTTTAATTTCTAATCTTTTCTT	8455
Query	572443	TTTTGAATCCATAACAGAAATTTGATTGTACTTATAAGTTTATATTCATCATTATTTCTAA	572502
Sbjct	8454	TTTTGAATCCATAACAGAAATTTGATTGTACTTATAAGTTTATATTCATCATTATTTCTAA	8395
Query	572503	CATACATACTTCTGATTTCCCTTCTGTATTTTCAGGTTGTTTCGTACAAACCAGTGTGCAGG	572562
Sbjct	8394	CATACATACTTCTGATTTCCCTTCTGTATTTTCAGGTTGTTTCGTACAAACCAGTGTGCAGG	8335
Query	572563	GGAATTTGTCATTACTTTCCCTCGTGCTTACCACAGTGGCTTTAATCAAGGCTATAACTT	572622
Sbjct	8334	GGAATTTGTCATTACTTTCCCTCGTGCTTACCACAGTGGCTTTAATCAAGGCTATAACTT	8275
Query	572623	TGCTGAGGCAGTTAACTTTTGCACCTGCTGATTGGGTAAGTCTAGGATGTGGTGGGCCTGC	572682
Sbjct	8274	TGCTGAGGCAGTTAACTTTTGCACCTGCTGATTGGGTAAGTCTAGGATGTGGTGGGCCTGC	8215
Query	572683	AGGTAGAACTATATAAAGAATATGAATAGAGGTTATTTTGGAGAACTATGCTTCATGGT	572742
Sbjct	8214	AGGTAGAACTATATAAAGAATATGAATAGAGGTTATTTTGGAGAACTATGCTTCATGGT	8155
Query	572743	TTCTAGGTAGCCATATAGAATCTCAAACACACTTACAGCTACCTGTTGGACGCCAGTGTA	572802
Sbjct	8154	TTCTAGGTAGCCATATAGAATCTCAAACACACTTACAGCTACCTGTTGGACGCCAGTGTA	8095
Query	572803	TTGAACACTACCGCGACTCCGGCGCTATTGTGTCTTTTCCCATGAGGAGCTCATCTGCA	572862
Sbjct	8094	TTGAACACTACCGCGACTCCGGCGCTATTGTGTCTTTTCCCATGAGGAGCTCATCTGCA	8035
Query	572863	AAATGGCTGCATTCCCAGAGAAGTTGGATCTAAATCTAGCAGTGGCAGTTCACAAGGAGA	572922
Sbjct	8034	AAATGGCTGCATTCCCAGAGAAGTTGGATCTAAATCTAGCAGTGGCAGTTCACAAGGAGA	7975
Query	572923	TGTTCAATTATGGTACAGGAGGAGCGCGCCTACGGAAGACCTTGTTGGAGAAGGTGGGTG	572982
Sbjct	7974	TGTTCAATTATGGTACAGGAGGAGCGCGCCTACGGAAGACCTTGTTGGAGAAGGTGGGTG	7915
Query	572983	GTAGAAACCAGGGCTAAGGACTCATCAAGTATATACTATGTTAGAGACACAGACCAATAT	573042
Sbjct	7914	GTAGAAACCAGGGCTAAGGACTCATCAAGTATATACTATGTTAGAGACACAGACCAATAT	7855
Query	573043	TAAGTAAGCACTTTATGTCTTCTCTTTAATTCATGCTATTGGAAATGTAAGGGCAAAGAT	573102
Sbjct	7854	TAAGTAAGCACTTTATGTCTTCTCTTTAATTCATGCTATTGGAAATGTAAGGGCAAAGAT	7795
Query	573103	TGTATGTGTTTATGTGTTTTTCTTCCAATTTCTCTACAGCTATCCTTACAAGCTTAAGCC	573162
Sbjct	7794	TGTATGTGTTTATGTGTTTTTCTTCCAATTTCTCTACAGCTATCCTTACAAGCTTAAGCC	7735
Query	573163	CACAGCAGGGCTCAATATTGGCTGTGGTGGGGTGTCCACATCACTGCTCCTAGTCTTTAC	573222
Sbjct	7734	CACAGCAGGGCTCAATATTGGCTGTGGTGGGGTGTCCACATCACTGCTCCTAGTCTTTAC	7675
Query	573223	AGTATATGTGGGTTGAACACCCCCAGGGCATCACGGAAGCTGAGCGAGAGGCCTTTGAGC	573282
Sbjct	7674	AGTATATGTGGGTTGAACACCCCCAGGGCATCACGGAAGCTGAGCGAGAGGCCTTTGAGC	7615
Query	573283	TACTCCCAGATGATGAGCGTCAGTGCATCAAGTGTAAGACCAGTGTTTCCTATCAGCCT	573342
Sbjct	7614	TACTCCCAGATGATGAGCGTCAGTGCATCAAGTGTAAGACCAGTGTTTCCTATCAGCCT	7555
Query	573343	TGGCCTGTTATGACTGTCCAGATGGTCTTGTCTGCCTTTCTCATATCAATGATCTGTGCA	573402

Sbjct	7554	 TGGCCTGTTATGACTGTCCAGATGGTCTTGTCTGCCTTTCTCATATCAATGATCTGTGCA	7495
Query	573403	AATGCTCAAGGAGCCGACAGTACTTACGGTGAGTATGGGTCTTATATAAAAAAGATAGAG	573462
Sbjct	7494	AATGCTCAAGGAGCCGACAGTACTTACGGTGAGTATGGGTCTTATATAAAAAAGATAGAG	7435
Query	573463	GAAATACAGATCTAGGCCCTATATTCTTATCCTGGTCTTCTCCAGGTACAGGTACACAT	573522
Sbjct	7434	GAAATACAGATCTAGGCCCTATATTCTTATCCTGGTCTTCTCCAGGTACAGGTACACAT	7375
Query	573523	TGGATGAAC TGCTGCTATGTTACAAAAGTTGAAGATTCGGGCCGAGTCATTTGACAACT	573582
Sbjct	7374	TGGATGAAC TGCTGCTATGTTACAAAAGTTGAAGATTCGGGCCGAGTCATTTGACAACT	7315
Query	573583	GGGCCAACAAAGTACAAGCAGCCCTAGAGGTAGAGGACGGACGGAAACGGAGTGAGTAGT	573642
Sbjct	7314	GGGCCAACAAAGTACAAGCAGCCCTAGAGGTAGAGGACGGACGGAAACGGAGTGAGTAGT	7255
Query	573643	AGAAATTGAAGAACGTTTCGAGCTATGATCAattattttattttatttttttaCTTTCTTC	573702
Sbjct	7254	AGAAATTGAAGAACGTTTCGAGCTATGATCAATTATTATTATTTATTTTTTACTTTCTTC	7195
Query	573703	ACTATTCTAAAAAACTCCTATCTTCCCAAAACACTCTCTTGGAACGTTGACTCtttttttt	573762
Sbjct	7194	ACTATTCTAAAAAACTCCTATCTTCCCAAAACACTCTCTTGGAACGTTGACTCTTTTTTTT	7135
Query	573763	ttttttttAGGTTTGAAGAGCTAAGAGCACTGGAAACTGAGGCTCATGATAGACAATTTTC	573822
Sbjct	7134	TTTTTTTAGGTTTGAAGAGCTAAGAGCACTGGAAACTGAGGCTCATGATAGACAATTTTC	7075
Query	573823	CTAATAATGACCTGCTTCAGCGATTGAAGAAATGTCTTACTGAAGCAGAGGCTTGCAATT	573882
Sbjct	7074	CTAATAATGACCTGCTTCAGCGATTGAAGAAATGTCTTACTGAAGCAGAGGCTTGCAATT	7015
Query	573883	CCCAAGTCCTAGAACTAGTCAATAATTCAGAGGACAGGTATGTTAGAAAACAAACAAAAA	573942
Sbjct	7014	CCCAAGTCCTAGAACTAGTCAATAATTCAGAGGACAGGTATGTTAGAAAACAAACAAAAA	6955
Query	573943	TGAGTGGGGACTTAGTTTCAGCTGTAAAATGTTTAAACCAACAAGTGCTAGACCCTGGGATG	574002
Sbjct	6954	TGAGTGGGGACTTAGTTTCAGCTGTAAAATGTTTAAACCAACAAGTGCTAGACCCTGGGATG	6895
Query	574003	TCATGAGCTTCAAGAATGAAAGAGAAAAACAGAAGCAGACAAAAGTAGGTGACTATATGA	574062
Sbjct	6894	TCATGAGCTTCAAGAATGAAAGAGAAAAACAGAAGCAGACAAAAGTAGGTGACTATATGA	6835
Query	574063	AATTAAATAACAACAACAACaaaaaaaTTGTGTAGGCTAAAATAGAATTCTTGTACGAAA	574122
Sbjct	6834	AATTAAATAACAACAACAACAAAAAAATTTGTGTAGGCTAAAATAGAATTCTTGTACGAAA	6775
Query	574123	AACTTGATGTGCATATATGACCAGTTGGAATTCAAACCTTACATAGACTTCTCAGTTTAA	574182
Sbjct	6774	AACTTGATGTGCATATATGACCAGTTGGAATTCAAACCTTACATAGACTTCTCAGTTTAA	6715
Query	574183	GTGGTTGTATCTCTGGACTAGGGAGATGACTCATCTTTTAGAAGGCTTCCTAGCTTGTTA	574242
Sbjct	6714	GTGGTTGTATCTCTGGACTAGGGAGATGACTCATCTTTTAGAAGGCTTCCTAGCTTGTTA	6655
Query	574243	GAAGTCTCATTTCCCACTAAATAATTGGCTTATAACTGCTTGTATCTTCAGGTACAGGAGA	574302
Sbjct	6654	GAAGTCTCATTTCCCACTAAATAATTGGCTTATAACTGCTTGTATCTTCAGGTACAGGAGA	6595
Query	574303	TAGGACATGCTATCAGTATTCACAGACATACAAATGGCATACTGTCACTCAGATTCC	574362
Sbjct	6594	TAGGACATGCTATCAGTATTCACAGACATACAAATGGCATACTGTCACTCAGATTCC	6535
Query	574363	CATACAAGTTTCTtttttttcccttttttttCTTTATTAACCTGAGTAACTATTTCTTACTT	574422
Sbjct	6534	CATACAAGTTTCTTTTTTTTCTTTTTTTTCTTTATTAACCTGAGTAACTATTTCTTACTT	6475
Query	574423	ACATTTTCGATTGTTATTCCCTTTTCCAGTTTCCGGGCCAACAtccccctaacccttcctt	574482
Sbjct	6474	ACATTTTCGATTGTTATTCCCTTTTCCAGTTTCCGGGCCAACATCCCCCTAACCCCTCCCT	6415
Query	574483	ctccccctttgatatgggtgttccccctccccatcctccccccATTACCGCCCTGCCCTCAAC	574542
Sbjct	6414	CTCCCCCTTTGATATGGGTGTTCCCTCCCCATCTCCCCCATACCGCCCTGCCCTCAAC	6355
Query	574543	AATCACATTCACTGGGGGTTCAAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTG	574602
Sbjct	6354	AATCACATTCACTGGGGGTTCAAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTG	6295
Query	574603	TCTTACTAGGATATTCAATGCTACGTATGCAGTTGGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAG	574662
Sbjct	6294	TCTTACTAGGATATTCAATGCTACGTATGCAGTTGGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAG	6235
Query	574663	TCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGG	574722
Sbjct	6234	TCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGG	6175

Query	574723	GGTCTCAAGCCACTTCCAGTCCTTTCTCTGATGCCTTCAACCGGGGTCCTGTTCTCAGTT	574782
Sbjct	6174	GGTCTCAAGCCACTTCCAGTCCTTTCTCTGATGCCTTCAACCGGGGTCCTGTTCTCAGTT	6115
Query	574783	CAGTGGTTTGGCCGTGGCATTTCGCCTCTGTATTTGCTATATTCTGGCTGTGTCTCTCAGG	574842
Sbjct	6114	CAGTGGTTTGGCCGTGGCATTTCGCCTCTGTATTTGCTATATTCTGGCTGTGTCTCTCAGG	6055
Query	574843	AGAGATCTACATCCAGTTCCTGTGAGCCTGCACCTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAAT	574902
Sbjct	6054	AGAGATCTACATCCAGTTCCTGTGAGCCTGCACCTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAAT	5995
Query	574903	TGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTCTG	574962
Sbjct	5994	TGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTCTG	5935
Query	574963	TGTCTGTTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTTAA	575022
Sbjct	5934	TGTCTGTTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTTAA	5875
Query	575023	AGAAGGAAGAAGCATTTCGCATTTTGGTCATCCTTCTTGAGTTTCACGTGTTCTGTGCATC	575082
Sbjct	5874	AGAAGGAAGAAGCATTTCGCATTTTGGTCATCCTTCTTGAGTTTCACGTGTTCTGTGCATC	5815
Query	575083	TAGGGTAATTCGAGCATTTCGGGCTAGTAGCCACTTATCAATGAGTGCATGTGTGttttttt	575142
Sbjct	5814	TAGGGTAATTCGAGCATTTCGGGCTAGTAGCCACTTATCAATGAGTGCATGTGTGTTTTTT	5755
Query	575143	tGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCCTATGAGT	575202
Sbjct	5754	TGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCCTATGAGT	5695
Query	575203	TTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATT	575262
Sbjct	5694	TTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATT	5635
Query	575263	TTCTGTATCCATTCCCTATGTTGAAGGGTATCTGGGTTCTTTCAGCTTCTGGCTATTATA	575322
Sbjct	5634	TTCTGTATCCATTCCCTATGTTGAAGGGTATCTGGGTTCTTTCAGCTTCTGGCTATTATA	5575
Query	575323	AATAAGGCTGCATGAACATAGTGGAGTATGTGCTTTGTTATATGTTGGGGCATCTTTT	575382
Sbjct	5574	AATAAGGCTGCATGAACATAGTGGAGTATGTGCTTTGTTATATGTTGGGGCATCTTTT	5515
Query	575383	GGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTG	575442
Sbjct	5514	GGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTG	5455
Query	575443	AGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACTAGTCTGCAATCCCAGCAACAATGG	575502
Sbjct	5454	AGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACTAGTCTGCAATCCCAGCAACAATGG	5395
Query	575503	AGGGGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATTTGCCGTTACCTGAGTTTTTGATC	575562
Sbjct	5394	AGGGGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATTTGCCGTTACCTGAGTTTTTGATC	5335
Query	575563	TGAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTT	575622
Sbjct	5334	TGAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTT	5275
Query	575623	AGGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGCATTTCTCAGCCATTTCAGCATTCCTCAGCT	575682
Sbjct	5274	AGGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGCATTTCTCAGCCATTTCAGCATTCCTCAGCT	5215
Query	575683	GTAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGCGG	575742
Sbjct	5214	GTAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGCGG	5155
Query	575743	TCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTCTATCAGTTGTAGAATTG	575802
Sbjct	5154	TCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTCTATCAGTTGTAGAATTG	5095
Query	575803	ATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCTGTTTTGTCCTAAGCACAGTGCCTTTGAG	575862
Sbjct	5094	ATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCTGTTTTGTCCTAAGCACAGTGCCTTTGAG	5035
Query	575863	TTACAGAAGCTTTGCAGTTTATGAGATCCCATTTGTCAATTCTTAATCTTAGAGCATAA	575922
Sbjct	5034	TTACAGAAGCTTTGCAGTTTATGAGATCCCATTTGTCAATTCTTAATCTTAGAGCATAA	4975
Query	575923	GCCATTTGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTGAGATGCTTCCCC	575982
Sbjct	4974	GCCATTTGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTGAGATGCTTCCCC	4915
Query	575983	ACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTG	576042
Sbjct	4914	ACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTG	4855
Query	576043	GACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATGAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGAC	576102



Sbjct	4854	TAAAGCTTTGTACAGGGTGATGAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGAC	4795
Query	576103	CTCCAGTTGAACCAGCACCAGTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTTG	576162
Sbjct	4794	CTCCAGTTGAACCAGCACCAGTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTTG	4735
Query	576163	GCTCCTTTGTCAAAATAATGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTTCATTTCTGGGTCTTCAGTTC	576222
Sbjct	4734	GCTCCTTTGTCAAAATAATGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTTCATTTCTGGGTCTTCAGTTC	4675
Query	576223	TAGTCCATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTG	576282
Sbjct	4674	TAGTCCATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTG	4615
Query	576283	CTCTGTAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTTCTTTTATTGTTGA	576342
Sbjct	4614	CTCTGTAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTTCTTTTATTGTTGA	4555
Query	576343	GGATAGTTTTAGCTATCCTGGTtttttttGTTATTCTAAATGAATTTGCAAATGTTCTGC	576402
Sbjct	4554	GGATAGTTTTAGCTATCCTGGTTTTTTTTGTTATTCTAAATGAATTTGCAAATGTTCTGC	4495
Query	576403	CTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTAGATGGGTATTGCATTGAATCTGTAGATCG	576462
Sbjct	4494	CTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTAGATGGGTATTGCATTGAATCTGTAGATCG	4435
Query	576463	CTTTTGGTAAATGGCCATTTTTACCATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGAAGAT	576522
Sbjct	4434	CTTTTGGTAAATGGCCATTTTTACCATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGAAGAT	4375
Query	576523	CTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTGTTGAAGTTCTTATTGT	576582
Sbjct	4374	CTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTGTTGAAGTTCTTATTGT	4315
Query	576583	ACTGATCTTTTACTTGCTTGGCTAAAGTCACACTGAGGTACTTTATATTATTTTGGTCTA	576642
Sbjct	4314	ACTGATCTTTTACTTGCTTGGCTAAAGTCACACTGAGGTACTTTATATTATTTTGGTCTA	4255
Query	576643	TTATGAAGGGTGTCGTTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGGA	576702
Sbjct	4254	TTATGAAGGGTGTCGTTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGGA	4195
Query	576703	AGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATTA	576762
Sbjct	4194	AGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATTA	4135
Query	576763	GCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTTGGGATCACTTAAATATATTATCATATCATCTG	576822
Sbjct	4134	GCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTTGGGATCACTTAAATATATTATCATATCATCTG	4075
Query	576823	CAAATAGTGATATTTTGACTTCGTCTTTTCCAATCTGTATCTCCTTGATCTCCTTTTGTT	576882
Sbjct	4074	CAAATAGTGATATTTTGACTTCGTCTTTTCCAATCTGTATCTCCTTGATCTCCTTTTGTT	4015
Query	576883	GTCTGACTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGC	576942
Sbjct	4014	GTCTGACTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGC	3955
Query	576943	AGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAA	577002
Sbjct	3954	AGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAA	3895
Query	577003	TGTTAGCGACTGGTTTGCCGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTC	577062
Sbjct	3894	TGTTAGCGACTGGTTTGCCGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTC	3835
Query	577063	CTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAG	577122
Sbjct	3834	CTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAG	3775
Query	577123	CATCTAATGAAATGATCATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCATGT	577182
Sbjct	3774	CATCTAATGAAATGATCATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCATGT	3715
Query	577183	TGATAGTTTTCCATATATGAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCAT	577242
Sbjct	3714	TGATAGTTTTCCATATATGAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCAT	3655
Query	577243	GGTGGATGATTGTTTCGATGTGCTCTTGGATTGAGTTTGCCAGAATTTTCTTGAGTATTT	577302
Sbjct	3654	GGTGGATGATTGTTTCGATGTGCTCTTGGATTGAGTTTGCCAGAATTTTCTTGAGTATTT	3595
Query	577303	TTGCACCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGT	577362
Sbjct	3594	TTGCACCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGT	3535
Query	577363	GTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCAGCTGTGCTCCATCTG	577422
Sbjct	3534	GTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCAGCTGTGCTCCATCTG	3475

Query	577423	TTTCAATATTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGCCTTCTATGAATGTCTGAT	577482
Sbjct	3474	TTTCAATATTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGCCTTCTATGAATGTCTGAT	3415
Query	577483	AGAATTCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGA	577542
Sbjct	3414	AGAATTCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGA	3355
Query	577543	CTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTA	577602
Sbjct	3354	CTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTA	3295
Query	577603	ACTTCGGTACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCATTTCCAGCATATTTTCAAGTTTTG	577662
Sbjct	3294	ACTTCGGTACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCATTTCCAGCATATTTTCAAGTTTTG	3235
Query	577663	TTGAATATAGGCTTTTGTAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAG	577722
Sbjct	3234	TTGAATATAGGCTTTTGTAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCTGATTCTGTAG	3175
Query	577723	TTATGTCTTCCCTTTTCATTTTTGATTTTGTTAATTGGACACACTCTCTGTCTCCTCTCG	577782
Sbjct	3174	TTATGTCTTCCCTTTTCATTTTTGATTTTGTTAATTGGACACACTCTCTGTCTCCTCTCG	3115
Query	577783	TTAGACTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTC	577842
Sbjct	3114	TTAGACTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTC	3055
Query	577843	TGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTTGTTTCTACTTGATTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGA	577902
Sbjct	3054	TGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTTGTTTCTACTTGATTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGA	2995
Query	577903	TTATTTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTAATTTGCTTCTTTTGTTCCTAGAGCTTTTA	577962
Sbjct	2994	TTATTTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTAATTTGCTTCTTTTGTTCCTAGAGCTTTTA	2935
Query	577963	AGTGTGCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCATGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAG	578022
Sbjct	2934	AGTGTGCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCATGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAG	2875
Query	578023	CTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCTAAGTTTGGGTATGTTGTAC	578082
Sbjct	2874	CTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCTAAGTTTGGGTATGTTGTAC	2815
Query	578083	CTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTCTTTAATTCCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCA	578142
Sbjct	2814	CTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTCTTTAATTCCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCA	2755
Query	578143	GGTTATCATTTAGTAGAGCATTGTTCAACTTCCACGTATATGTGAGCATTCTTCCCTTAT	578202
Sbjct	2754	GGTTATCATTTAGTAGAGCATTGTTCAACTTCCACGTATATGTGAGCATTCTTCCCTTAT	2695
Query	578203	TGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCCTGGTGGTCTGATAGCAGGCATGGGATTATTTCTA	578262
Sbjct	2694	TGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCCTGGTGGTCTGATAGCAGGCATGGGATTATTTCTA	2635
Query	578263	TCTTTCTGTATCTGTTGAGGACTGTTTCATGACCAATTATATGGTCACTTTTGGAGAAAA	578322
Sbjct	2634	TCTTTCTGTATCTGTTGAGGACTGTTTCATGACCAATTATATGGTCACTTTTGGAGAAAA	2575
Query	578323	TACCATGAGGTAGTGAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATAT	578382
Sbjct	2574	TACCATGAGGTAGTGAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATAT	2515
Query	578383	CTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTTTATTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAATTTCT	578442
Sbjct	2514	CTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTTTATTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAATTTCT	2455
Query	578443	GTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTAAATCTCCAACATTATTGTGT	578502
Sbjct	2454	GTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTAAATCTCCAACATTATTGTGT	2395
Query	578503	GAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTGG	578562
Sbjct	2394	GAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTGG	2335
Query	578563	TATTTGGAGCATAGATAATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTCTTTTGATGA	578622
Sbjct	2334	TATTTGGAGCATAGATAATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTCTTTTGATGA	2275
Query	578623	ATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTATTTGAAAATTGATTTTATTTG	578682
Sbjct	2274	ATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTATTTGAAAATTGATTTTATTTG	2215
Query	578683	ATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCC	578742
Sbjct	2214	ATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCC	2155
Query	578743	AGCCTTTCAGTGGTAGTGATGTCTTTGTCTCTCAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAG	578802

Sbjct	2154	TTTCACTGAGGTAGTGTATGTCCTTTGTCTCTCAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAG	2095
Query	578803	AATGCGGGGTCTCATTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTG	578862
Sbjct	2094	AATGCGGGGTCTCATTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTG	2035
Query	578863	AGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATA	578922
Sbjct	2034	AGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATA	1975
Query	578923	TTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGTCAGACGATT	578982
Sbjct	1974	TTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGTCAGACGATT	1915
Query	578983	AGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCCTCCTTGTGTTGGGCTTTACCATTTTTTA	579042
Sbjct	1914	AGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCCTCCTTGTGTTGGGCTTTACCATTTTTTA	1855
Query	579043	TCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGAAAGATACTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATA	579102
Sbjct	1854	TCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGAAAGATACTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATA	1795
Query	579103	TCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGC	579162
Sbjct	1794	TCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGC	1735
Query	579163	ATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGTCATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCT	579222
Sbjct	1734	ATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGTCATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCT	1675
Query	579223	CTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACCTTGACCTTTTT	579282
Sbjct	1674	CTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACCTTGACCTTTTT	1615
Query	579283	CCCTTACTGGTTTAAGGATTTGTGTGTTTTGACTATTATGTGATGGGAGGATTTTCTTTT	579342
Sbjct	1614	CCCTTACTGGTTTAAGGATTTGTGTGTTTTGACTATTATGTGATGGGAGGATTTTCTTTT	1555
Query	579343	TTGGTCCAATCTATTTGAAGTTCTGTAGGTTTCTTGTGTGCTTATGGGCATCTCTTTATT	579402
Sbjct	1554	TTGGTCCAATCTATTTGAAGTTCTGTAGGTTTCTTGTGTGCTTATGGGCATCTCTTTATT	1495
Query	579403	TAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGGATTTTACTGGTCCTTTGAGCTC	579462
Sbjct	1494	TAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGGATTTTACTGGTCCTTTGAGCTC	1435
Query	579463	GGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCGTTAGGTTTGATATCCCTTTGAGTTCTG	579522
Sbjct	1434	GGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCGTTAGGTTTGATATCCCTTTGAGTTCTG	1375
Query	579523	GATTGTATGTTTGGACCAGTAGCTTTTTATGTTTACATTATCTTTGACAGTTGTATTG	579582
Sbjct	1374	GATTGTATGTTTGGACCAGTAGCTTTTTATGTTTACATTATCTTTGACAGTTGTATTG	1315
Query	579583	ATGATTTCTATGAAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTATCTCTTGATTCTGTTGG	579642
Sbjct	1314	ATGATTTCTATGAAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTATCTCTTGATTCTGTTGG	1255
Query	579643	TGAGGCTTGTGTCTACAGCTCCTTGTCTCTTCCCTTGGTTTTCTGTATCCAGGGTTGTTT	579702
Sbjct	1254	TGAGGCTTGTGTCTACAGCTCCTTGTCTCTTCCCTTGGTTTTCTGTATCCAGGGTTGTTT	1195
Query	579703	CCCTGTGTTCTTTCTTCATTGCTTCTATTTCCATTTTAAATTCCTTCAACTGTTTGATTG	579762
Sbjct	1194	CCCTGTGTTCTTTCTTCATTGCTTCTATTTCCATTTTAAATTCCTTCAACTGTTTGATTG	1135
Query	579763	TGTTTTCTGGAATTCTTTTCAGGGATTTTGTGATTCCCTCTCTGTAGGCATCTACTTGTT	579822
Sbjct	1134	TGTTTTCTGGAATTCTTTTCAGGGATTTTGTGATTCCCTCTCTGTAGGCATCTACTTGTT	1075
Query	579823	TATTAATGTTTTCTGTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCA	579882
Sbjct	1074	TATTAATGTTTTCTGTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCA	1015
Query	579883	GCATCATGATCAAATATGATTTTAAATCTAGATCTTGCTGTTCTGGTGTGTTTGGATATT	579942
Sbjct	1014	GCATCATGATCAAATATGATTTTAAATCTAGATCTTGCTGTTCTGGTGTGTTTGGATATT	955
Query	579943	CAGTGTGTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCATGTAGCCTTGGTTTCTGT	580002
Sbjct	954	CAGTGTGTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCATGTAGCCTTGGTTTCTGT	895
Query	580003	TGCTTGGGTTCTCTGCGCTTGCCCTCTCATCATCAGATTATCTCTGGCATTACTTTGTTCTG	580062
Sbjct	894	TGCTTGGGTTCTCTGCGCTTGCCCTCTCATCATCAGATTATCTCTGGCATTACTTTGTTCTG	835
Query	580063	CTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGAGTGCTGTAGACCT	580122
Sbjct	834	CTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGAGTGCTGTAGACCT	775

Query	580123	GTTTTTCTGTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGTGTGTAG	580182
Sbjct	774	GTTTTTCTGTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGTGTGTAG	715
Query	580183	TTTTTCCTATCTACAGGTCGTCAGCTGTTCTGTGGGCCTGTGTCTTGAGTTCACCAGGC	580242
Sbjct	714	TTTTTCCTATCTACAGGTCGTCAGCTGTTCTGTGGGCCTGTGTCTTGAGTTCACCAGGC	655
Query	580243	AGGTCAC TTGGAGCAGGAAGGTTTGTCTTAACCTGTGGTCCTGAGGCTCAGGTTTGCTTG	580302
Sbjct	654	AGGTCAC TTGGAGCAGGAAGGTTTGTCTTAACCTGTGGTCCTGAGGCTCAGGTTTGCTTG	595
Query	580303	TGGGGTGTTGCTTATGAGCTGTCCATGAGGGCAGCAGCCAGGAGGACCTGCGCCGCCTTT	580362
Sbjct	594	TGGGGTGTTGCTTATGAGCTGTCCATGAGGGCAGCAGCCAGGAGGACCTGCGCCGCCTTT	535
Query	580363	TCGGGAGCCCTGGTGCACCAGGGACCCAGATGGTGTTAGGTGTTTTCTCTGGCGTCAGA	580422
Sbjct	534	TCGGGAGCCCTGGTGCACCAGGGACCCAGATGGTGTTAGGTGTTTTCTCTGGCGTCAGA	475
Query	580423	GATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTCTGGCTTCCCAGGCGTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTT	580482
Sbjct	474	GATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTCTGGCTTCCCAGGCGTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTT	415
Query	580483	AGCTTTTCTCCGATGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCCGGTCAGTCCCTTCAGGT	580542
Sbjct	414	AGCTTTTCTCCGATGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCCGGTCAGTCCCTTCAGGT	355
Query	580543	TCTGGAGGTGTCTGGGGCACAGGGACCTGCAGCTCCAGTGACCTATCTACCGGTTCCCA	580602
Sbjct	354	TCTGGAGGTGTCTGGGGCACAGGGACCTGCAGCTCCAGTGACCTATCTACCGGTTCCCA	295
Query	580603	AAGGCCATATACAGTTTCTCTTGGGCCAGGGATGTGTGCACGAGGGTGGGCAGTATTGG	580662
Sbjct	294	AAGGCCATATACAGTTTCTCTTGGGCCAGGGATGTGTGCACGAGGGTGGGCAGTATTGG	235
Query	580663	TGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGGGCCACCCCAATACAAGTTTTAAGAAGAAG	580722
Sbjct	234	TGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGGGCCACCCCAATACAAGTTTTAAGAAGAAG	175
Query	580723	AAACTCAATATTGGGCAAATATAATGAGAATTACAACATAATAGAACAACATGTAGTATG	580782
Sbjct	174	AAACTCAATATTGGGCAAATATAATGAGAATTACAACATAATAGAACAACATGTAGTATG	115
Query	580783	AACTAGGAATTTTTTAAGTGGACATTTTCGAATATACTTTACAACCTATTATGCATTACT	580842
Sbjct	114	AACTAGGAATTTTTTAAGTGGACATTTTCGAATATACTTTACAACCTATTATGCATTACT	55
Query	580843	ATGAAAGATGCCCTTCATGTTAGCAAATCTTACAAAATTGTGAATATCAGAATT	580896
Sbjct	54	ATGAAAGATGCCCTTCATGTTAGCAAATCTTACAAAATTGTGAATATCAGAATT	1

Load next setPrevious Match  
Loading alignment... for sequences gi|289666917 AlignDB=on Reading indexes 3-3  
[Download GenBankGraphics](#)

Sort by:  
Next Previous [Descriptions](#)  
Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-139H07 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence  
Sequence ID: [gb|AC239865.4|](#)Length: 268785Number of Matches: 733

Related Information  
[Map Viewer](#)-aligned genomic context  
Range 1: 1 to 149938[GenBankGraphics](#) Next Match Previous Match [First Match](#)

Alignment statistics for match #1

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	Frame
2.769e+05 bits(149935)	0.0()	149937/149938(99%)	0/149938(0%)	Plus/Plus	

Features:

Query	143086	AGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGGGGTCGAGACTCA	143145
Sbjct	1	AGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGGGGTCGAGACTCA	60
Query	143146	TACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTTCACAGAGCTTATAAA	143205
Sbjct	61	TACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTTCACAGAGCTTATAAA	120
Query	143206	GGaaaaaaaaCCACAAACCaggggggatcaggagggagggaggaggggaATTCCAAAACCA	143265

Sbjct	121	GGAAAAAAACCACAAACCAGGGGGGATCAGGAGGGAGGGAGGGGAATTCCAAAACCA	180
Query	143266	TAGACTGCCCATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACTAGGCAACACACCCA	143325
Sbjct	181	TAGACTGCCCATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACTAGGCAACACACCCA	240
Query	143326	GGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCCATTGGAACATTGT	143385
Sbjct	241	GGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCCATTGGAACATTGT	300
Query	143386	GGCCGGAGGCTATGGGTCAATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATGCAAGAATATTCCG	143445
Sbjct	301	GGCCGGAGGCTATGGGTCAATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATGCAAGAATATTCCG	360
Query	143446	GGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTT	143505
Sbjct	361	GGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTT	420
Query	143506	CTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAA	143565
Sbjct	421	CTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAA	480
Query	143566	ATTTTTAATCCTTCACTGCAATATACTAGGATCTTCCACAGCAACTAGACCTCACCCATA	143625
Sbjct	481	ATTTTTAATCCTTCACTGCAATATACTAGGATCTTCCACAGCAACTAGACCTCACCCATA	540
Query	143626	GCCTCTCATAGGCTTTCTTTCATGGTCCTAAGCCTTAACTCTTTGCATGACCCCTTCAATC	143685
Sbjct	541	GCCTCTCATAGGCTTTCTTTCATGGTCCTAAGCCTTAACTCTTTGCATGACCCCTTCAATC	600
Query	143686	CTGGGACATCAACGGCAACTCAGGCTGCACCTTCACCAATGGACTTCCTTGGCCTCTCAC	143745
Sbjct	601	CTGGGACATCAACGGCAACTCAGGCTGCACCTTCACCAATGGACTTCCTTGGCCTCTCAC	660
Query	143746	AGACTCTTTTCATGTCTTTCAAACAGACCACCTGGGTGACTCTTACACATTACTTAGTCC	143805
Sbjct	661	AGACTCTTTTCATGTCTTTCAAACAGACCACCTGGGTGACTCTTACACATTACTTAGTCC	720
Query	143806	AGTGGCAGCATGAGGTATAAATATGGCTATTTCTGAAACACAGCTTCTTTGTGTTCTCAG	143865
Sbjct	721	AGTGGCAGCATGAGGTATAAATATGGCTATTTCTGAAACACAGCTTCTTTGTGTTCTCAG	780
Query	143866	AAACATTTCCCAGAAGACTTCAACTCAGTGATTCTGGTCTCTTCTTCATCACTGTTTCATT	143925
Sbjct	781	AAACATTTCCCAGAAGACTTCAACTCAGTGATTCTGGTCTCTTCTTCATCACTGTTTCATT	840
Query	143926	TCTTAGCTTCAGATCATCATTACTTGCTCAGTAGTCTCTTCTCTTCTTGACTCTAAAGCC	143985
Sbjct	841	TCTTAGCTTCAGATCATCATTACTTGCTCAGTAGTCTCTTCTCTTCTTGACTCTAAAGCC	900
Query	143986	AGAGCCAGGTGACCAAATTCTGCTGAGTTCTACTGCTTGCTGGAGCTGGAAAATGGCACC	144045
Sbjct	901	AGAGCCAGGTGACCAAATTCTGCTGAGTTCTACTGCTTGCTGGAGCTGGAAAATGGCACC	960
Query	144046	CCTTACCTATTACAATATCACCAGCCTTTTGTTTTCAACCCTTTCAGTGTCTAAGCTTG	144105
Sbjct	961	CCTTACCTATTACAATATCACCAGCCTTTTGTTTTCAACCCTTTCAGTGTCTAAGCTTG	1020
Query	144106	GCTATCCTAGAACTTGCTCTGTAGATTGACCTTAAACTCAGAGATATGCATGGCTCTCTC	144165
Sbjct	1021	GCTATCCTAGAACTTGCTCTGTAGATTGACCTTAAACTCAGAGATATGCATGGCTCTCTC	1080
Query	144166	TCCTAGTTACTGGGATCAAAGGCATGTGCCACCATGACCTTTCCTCTGCTTGGAACCTGC	144225
Sbjct	1081	TCCTAGTTACTGGGATCAAAGGCATGTGCCACCATGACCTTTCCTCTGCTTGGAACCTGC	1140
Query	144226	TTTATATCAGGCTGACTTTGAACTCAAAAATATGCTTGCCTCTGTCTCCTGAGATTAAAG	144285
Sbjct	1141	TTTATATCAGGCTGACTTTGAACTCAAAAATATGCTTGCCTCTGTCTCCTGAGATTAAAG	1200
Query	144286	ATGTACCACCATGTTTGAACCTAAGCTTAGCTGGATGGGATCTGGCTCCAAAGTTACTAC	144345
Sbjct	1201	ATGTACCACCATGTTTGAACCTAAGCTTAGCTGGATGGGATCTGGCTCCAAAGTTACTAC	1260
Query	144346	TCCCTCTATCTGTTTACCTCCATTTCACTTCTTGGTGCCCTTTTATTATTTAAGCCACAC	144405
Sbjct	1261	TCCCTCTATCTGTTTACCTCCATTTCACTTCTTGGTGCCCTTTTATTATTTAAGCCACAC	1320
Query	144406	ATTTTCTACTTTCTTTCTAAGCTTGCTACACTTCATCATAACACCTTTCATGAGACTAAA	144465
Sbjct	1321	ATTTTCTACTTTCTTTCTAAGCTTGCTACACTTCATCATAACACCTTTCATGAGACTAAA	1380
Query	144466	AACACAGCACAAAGTCTAAACTGGATAGTTTTGAGACCTTCTTTGTAATTAATATAAATC	144525
Sbjct	1381	AACACAGCACAAAGTCTAAACTGGATAGTTTTGAGACCTTCTTTGTAATTAATATAAATC	1440
Query	144526	TCTATACCTTAGCCTCAGGCAGACTGTTTGGACAAAGGCAAGAAGCAGCAACATTCTTTA	144585
Sbjct	1441	TCTATACCTTAGCCTCAGGCAGACTGTTTGGACAAAGGCAAGAAGCAGCAACATTCTTTA	1500

Query	144586	CCAAAATACAACAAGAACACTTAGTCTCTCCACCAGATACTAAAATTCTTCTCCTCTAAC	144645
Sbjct	1501	CCAAAATACAACAAGAACACTTAGTCTCTCCACCAGATACTAAAATTCTTCTCCTCTAAC	1560
Query	144646	GCCAAGCCTTCACAGTTCAAATCACCTTTAGCAACAAAGTCTTGCATATTCTGCTGGGA	144705
Sbjct	1561	GCCAAGCCTTCACAGTTCAAATCACCTTTAGCAACAAAGTCTTGCATATTCTGCTGGGA	1620
Query	144706	TAGCCCATTAAAGCCTTACTTAAAGCATTCCACTGCTTTCCAAATTCAAAGTCCTTAAACC	144765
Sbjct	1621	TAGCCCATTAAAGCCTTACTTAAAGCATTCCACTGCTTTCCAAATTCAAAGTCCTTAAACC	1680
Query	144766	CTCATTTCTTCCAAACAAAGCCTGGTCAGACCTATCACAGCAATATCCTAGTCTCTGGTAC	144825
Sbjct	1681	CTCATTTCTTCCAAACAAAGCCTGGTCAGACCTATCACAGCAATATCCTAGTCTCTGGTAC	1740
Query	144826	CAACTTCTTTTCTGTCTTAGGGTTTTACTGCAACACCAAGACCAAGGCAACTCttttaatt	144885
Sbjct	1741	CAACTTCTTTTCTGTCTTAGGGTTTTACTGCAACACCAAGACCAAGGCAACTCTTTTAATT	1800
Query	144886	ttaaattttctttattattactttttttttACATTCCAGTCATTGAccctctcccaattc	144945
Sbjct	1801	TTAAATTTTCTTTATTATTACTTTTTTTTTTACATTCCAGTCATTGACCCTCTCCCAATTC	1860
Query	144946	ccctcccaacagttcctcatctcattcctcctcctccctgtctccAAGAGGATGCCCCTG	145005
Sbjct	1861	CCCCTCCAACAGTTCCTCATCTCATTCTCTCTCTCCCTGTCTCCAAGAGGATGCCCCTG	1920
Query	145006	TCCAAGTCTCCCTCCCCTGAGCTCCCAGCAAGGCCTTCCAGTCCCTGAGGCCTCAAGCC	145065
Sbjct	1921	TCCAAGTCTCCCTCCCCTGAGCTCCCAGCAAGGCCTTCCAGTCCCTGAGGCCTCAAGCC	1980
Query	145066	TCTCTAGAGTTAGGCATGTCTTCTCCCACTGAGGCCAGACCAAGCAGTCCTTTCTTATAT	145125
Sbjct	1981	TCTCTAGAGTTAGGCATGTCTTCTCCCACTGAGGCCAGACCAAGCAGTCCTTTCTTATAT	2040
Query	145126	ATATGTATTGAGTGCTTCAGACTATGCTGCTTGGTTCTTGGTTCAGTGTTTGAGAGATAT	145185
Sbjct	2041	ATATGTATTGAGTGCTTCAGACTATGCTGCTTGGTTCTTGGTTCAGTGTTTGAGAGATAT	2100
Query	145186	CAGGGGTCCAGGTTAGTTGAGACTAACTAACTAGTCTTCTTCTCCTCAGCTTCTTCTAG	145245
Sbjct	2101	CAGGGGTCCAGGTTAGTTGAGACTAACTAACTAGTCTTCTTCTCCTCAGCTTCTTCTAG	2160
Query	145246	CCTTTCCCTAATTCAACCACAGGGGTCCCCAACTTCAGTTGGGTATAAGTATCTGCTTCT	145305
Sbjct	2161	CCTTTCCCTAATTCAACCACAGGGGTCCCCAACTTCAGTTGGGTATAAGTATCTGCTTCT	2220
Query	145306	GTCTCAGTCAGCTGCTTGTGGTACTGTGAGAGGAAAATCATGGACTTTAAAACTGCATG	145365
Sbjct	2221	GTCTCAGTCAGCTGCTTGTGGTACTGTGAGAGGAAAATCATGGACTTTAAAACTGCATG	2280
Query	145366	GAGACAGGCAGGTAGACCAATAGAAGAGAATTAAAGACTCAAAAATGAACCCATACACCT	145425
Sbjct	2281	GAGACAGGCAGGTAGACCAATAGAAGAGAATTAAAGACTCAAAAATGAACCCATACACCT	2340
Query	145426	CAGGTCACCTTGATCTTTGACAAAGGAGCTAAAGCCATCCAGTGGGAAAAAGAGAGCAATT	145485
Sbjct	2341	CAGGTCACCTTGATCTTTGACAAAGGAGCTAAAGCCATCCAGTGGGAAAAAGAGAGCAATT	2400
Query	145486	TCAACAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGAAAAATGCAAATTGATCCATTCTTATCACCAT	145545
Sbjct	2401	TCAACAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGAAAAATGCAAATTGATCCATTCTTATCACCAT	2460
Query	145546	GTACAAAGTTTAAAGTCTAAGAGGATCAAGGACCTCCACATCAAACCAGAATACACTCAAA	145605
Sbjct	2461	GTACAAAGTTTAAAGTCTAAGAGGATCAAGGACCTCCACATCAAACCAGAATACACTCAAA	2520
Query	145606	CTCATAGAAGAAAAAGTGGGGAAGAGCATCAAACACATGGGCACTGAGGAATATTTCTTG	145665
Sbjct	2521	CTCATAGAAGAAAAAGTGGGGAAGAGCATCAAACACATGGGCACTGAGGAATATTTCTTG	2580
Query	145666	aaaaaaaCACCAATGGCTTATGCTCTAAAATCAAGAATTGACAAATGGGATCTCATAAAA	145725
Sbjct	2581	AAAAAAACACCAATGGCTTATGCTCTAAAATCAAGAATTGACAAATGGGATCTCATAAAA	2640
Query	145726	CTGCAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAAATGGCAACCAAAAGAT	145785
Sbjct	2641	CTGCAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAAATGGCAACCAAAAGAT	2700
Query	145786	TAGAAAAATATCTTTACCAATCCTATATCCAATAGAGAGATAATATCTAATATATATGAA	145845
Sbjct	2701	TAGAAAAATATCTTTACCAATCCTATATCCAATAGAGAGATAATATCTAATATATATGAA	2760
Query	145846	TAACTCAAGATGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATTAAAAATGGGGTACAGACC	145905
Sbjct	2761	TAACTCAAGATGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATTAAAAATGGGGTACAGACC	2820
Query	145906	TAAGCAAAGAATTCTCAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGTTCAACA	145965

Sbjct	2821	TAAGCAAAGAATTCTCAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGTTCAACA	2880
Query	145966	TCTTTAGTCATCAGGGAAATGCAAGTCAAAACAACCCTGAGATTCCACCTCACACCAGTC	146025
Sbjct	2881	TCTTTAGTCATCAGGGAAATGCAAGTCAAAACAACCCTGAGATTCCACCTCACACCAGTC	2940
Query	146026	AGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCATGAAAACAGATGCTGTCAAGGATGTGGAGAAAGAAG	146085
Sbjct	2941	AGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCATGAAAACAGATGCTGTCAAGGATGTGGAGAAAGAAG	3000
Query	146086	AACACTCCTCCATTGTTGGTGGAATTGCAAACCTGATACTGTGAGGTCCTTCTGGGACCTC	146145
Sbjct	3001	AACACTCCTCCATTGTTGGTGGAATTGCAAACCTGATACTGTGAGGTCCTTCTGGGACCTC	3060
Query	146146	TTGAATGAGACTCATGGACAGGTGATCGATGCAAAAGCAAAGGAGTCTCTTATTGATCC	146205
Sbjct	3061	TTGAATGAGACTCATGGACAGGTGATCGATGCAAAAGCAAAGGAGTCTCTTATTGATCC	3120
Query	146206	AACATGTGCTGGGGATACATCCCTTTAGAGAGAGATGACCCCCCAGTAGTCTCTAATAGG	146265
Sbjct	3121	AACATGTGCTGGGGATACATCCCTTTAGAGAGAGATGACCCCCCAGTAGTCTCTAATAGG	3180
Query	146266	GAGttataatatatatatttatattatattatatatatttatatatatagctgtagtagtata	146325
Sbjct	3181	GAGTTATAATATATATATTTATATTATATTATATATATTATATATATAGCTGTATGTAGTATA	3240
Query	146326	tactatcacatatgatatgatataGGCAGCTTTCTTTCtttttttttttttATTAACCTGAG	146385
Sbjct	3241	TACTATCACATATGATATGATATAGGCAGCTTTCTTTCCTTTTTTTTTTTTATTAACCTGAG	3300
Query	146386	TATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCAGTTTTCGGGCAAACATAcccc	146445
Sbjct	3301	TATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCAGTTTTCGGGCAAACATACCCC	3360
Query	146446	taatccccccccctccccctctctttatggctggttccccctcccccatcctccccccattgccg	146505
Sbjct	3361	TAATCCCTCCCCTCCCCTTCTTTATGGCTGTTCCCCTCCCATCCTCCCCCATTGCCG	3420
Query	146506	ccctccccccATAGTCTAGTTCAGTGGGGGTTAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCC	146565
Sbjct	3421	CCCTCCCCCATAGTCTAGTTCAGTGGGGGTTAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCC	3480
Query	146566	TTCCACTGGGATCTTACTAGGATATTCAATGCTACCTATGAGGTCAGAGTCCAGGGTCAG	146625
Sbjct	3481	TTCCACTGGGATCTTACTAGGATATTCAATGCTACCTATGAGGTCAGAGTCCAGGGTCAG	3540
Query	146626	TCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGT	146685
Sbjct	3541	TCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGT	3600
Query	146686	TGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCCCTCAA	146745
Sbjct	3601	TGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCCCTCAA	3660
Query	146746	CGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCTTCTGTGTTTGCTGTA	146805
Sbjct	3661	CGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCTTCTGTGTTTGCTGTA	3720
Query	146806	TTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGCGGCTGCACTTCTTTG	146865
Sbjct	3721	TTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGCGGCTGCACTTCTTTG	3780
Query	146866	CTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCT	146925
Sbjct	3781	CTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCT	3840
Query	146926	CTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGG	146985
Sbjct	3841	CTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGG	3900
Query	146986	TATTCCTTTTTCTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTCACATTTTGATCATCCTTCTTGA	147045
Sbjct	3901	TATTCCTTTTTCTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTCACATTTTGATCATCCTTCTTGA	3960
Query	147046	GTTTCATGTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCA	147105
Sbjct	3961	GTTTCATGTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCA	4020
Query	147106	ATGAGTTATAGGCAGCTTTCTAACAATAGGGGCAGAATTTGAATAATGGTAACTAGGCAG	147165
Sbjct	4021	ATGAGTTATAGGCAGCTTTCTAACAATAGGGGCAGAATTTGAATAATGGTAACTAGGCAG	4080
Query	147166	GGTACTGTTGGTGGGGCAAAGGGACCTCCAAACTGACTTGTGGTCAGTGGACCTCTGTGA	147225
Sbjct	4081	GGTACTGTTGGTGGGGCAAAGGGACCTCCAAACTGACTTGTGGTCAGTGGACCTCTGTGA	4140
Query	147226	CTTTCGAGGGATTGGAATTGGGAGTCAAAGGGGCTTTGTTCAACAGTTTAGCTTGTAGC	147285
Sbjct	4141	CTTTCGAGGGATTGGAATTGGGAGTCAAAGGGGCTTTGTTCAACAGTTTAGCTTGTAGC	4200

Query	147286	TGTTCCAGGAACTAAACTAGCTGTACTCCTCCTGGAAGGAAAGGGTCTTTCTCTGTTTGG	147345
Sbjct	4201	TGTTCCAGGAACTAAACTAGCTGTACTCCTCCTGGAAGGAAAGGGTCTTTCTCTGTTTGG	4260
Query	147346	ATGTTTGTGTGTAGAATTTTCTCACTGGCCTCAGATTAATCCTAACTCTGGCTTTTTTCAGT	147405
Sbjct	4261	ATGTTTGTGTGTAGAATTTTCTCACTGGCCTCAGATTAATCCTAACTCTGGCTTTTTTCAGT	4320
Query	147406	ACAACCACTCTGGAAGTCAGTCTGGCAGTTCTCTCAGAAAATTGGACATAGTGTATCTCA	147465
Sbjct	4321	ACAACCACTCTGGAAGTCAGTCTGGCAGTTCTCTCAGAAAATTGGACATAGTGTATCTCA	4380
Query	147466	GGACCCAGCTATACCACTCCTGGGCATATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGA	147525
Sbjct	4381	GGACCCAGCTATACCACTCCTGGGCATATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGA	4440
Query	147526	CACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTAGAAAGATTC	147585
Sbjct	4441	CACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTAGAAAGATTC	4500
Query	147586	CAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGAAATA	147645
Sbjct	4501	CAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGAAATA	4560
Query	147646	CTACTCAGCTGTCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTAGGCAAATGGATGGCACTAGA	147705
Sbjct	4561	CTACTCAGCTGTCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTAGGCAAATGGATGGCACTAGA	4620
Query	147706	AAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAGACACACTTGGTATGCATTCAATTGATAAGTGGA	147765
Sbjct	4621	AAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAGACACACTTGGTATGCATTCAATTGATAAGTGGA	4680
Query	147766	TATTAGCCCCAAAAGCTTGGATTACCCAAGATATAATCTACAGACCACATGAAGCTCAAGA	147825
Sbjct	4681	TATTAGCCCCAAAAGCTTGGATTACCCAAGATATAATCTACAGACCACATGAAGCTCAAGA	4740
Query	147826	AGAAGAAAGACCAAATTGTGGATGTATCTATCTTTCTTGGGGTGGGAGGCAAAATATTCA	147885
Sbjct	4741	AGAAGAAAGACCAAATTGTGGATGTATCTATCTTTCTTGGGGTGGGAGGCAAAATATTCA	4800
Query	147886	CAGGAGGAAATAAAGGACAAAGAGTGGAGCAGAGACTGAAAGAAAGGGCTCACAAAAGTT	147945
Sbjct	4801	CAGGAGGAAATAAAGGACAAAGAGTGGAGCAGAGACTGAAAGAAAGGGCTCACAAAAGTT	4860
Query	147946	GGGCTCTCTTGATCTCATTGTAAATTCCTTATTGCATCAATAAAGCTCTTTGCTTATTAG	148005
Sbjct	4861	GGGCTCTCTTGATCTCATTGTAAATTCCTTATTGCATCAATAAAGCTCTTTGCTTATTAG	4920
Query	148006	TTTtaaaaaaaaaTCTGTGTTACACCCACATATTAATGTAATTGTAATTAAATGTTAC	148065
Sbjct	4921	TTTtaaaaaaaaaTCTGTGTTACACCCACATATTAATGTAATTGTAATTAAATGTTAC	4980
Query	148066	TCTTTCCACACAGTAAATGCATTATATAACAGCAAACCTAGACTGGTGAAGTCATTTTTTC	148125
Sbjct	4981	TCTTTCCACACAGTAAATGCATTATATAACAGCAAACCTAGACTGGTGAAGTCATTTTTTC	5040
Query	148126	CTGTTGCTACTTGTGGTGGCTTGCATGAAAATGGTCCTCATATCCTGATGTGAGTGGTAC	148185
Sbjct	5041	CTGTTGCTACTTGTGGTGGCTTGCATGAAAATGGTCCTCATATCCTGATGTGAGTGGTAC	5100
Query	148186	TATCAAGAGTTATGGCCTTGTGGAGTTGGTGTAGTCTTAGAGGAAATGTGTCACCAGGG	148245
Sbjct	5101	TATCAAGAGTTATGGCCTTGTGGAGTTGGTGTAGTCTTAGAGGAAATGTGTCACCAGGG	5160
Query	148246	ATTGGGCTTTGGTGTTTAAAAAGCTTAAGACAGTCCCAGTGGCTCATGCTCTCTTTCTTG	148305
Sbjct	5161	ATTGGGCTTTGGTGTTTAAAAAGCTTAAGACAGTCCCAGTGGCTCATGCTCTCTTTCTTG	5220
Query	148306	TGTTTGACTTTTCAGCTCCTTCTCCAGCATCAAGTCTGCTTGTGTGTTGCCATGCTTCCTG	148365
Sbjct	5221	TGTTTGACTTTTCAGCTCCTTCTCCAGCATCAAGTCTGCTTGTGTGTTGCCATGCTTCCTG	5280
Query	148366	TCAAGATGATAATAGACTAAATCTCTGAGCCTATTAGCCAGCTCCACTTAATGTGTATGT	148425
Sbjct	5281	TCAAGATGATAATAGACTAAATCTCTGAGCCTATTAGCCAGCTCCACTTAATGTGTATGT	5340
Query	148426	AAAGTATTCCTCTGGCTGGAATACAGACATGCCCTTAGTATATACTTTTAGTCCAAAACA	148485
Sbjct	5341	AAAGTATTCCTCTGGCTGGAATACAGACATGCCCTTAGTATATACTTTTAGTCCAAAACA	5400
Query	148486	GTGAAGGTAAAGTTAGTTTGTAGAAGGAAGTACCCATGTTTGAAAAAAGTGATGTCTAAT	148545
Sbjct	5401	GTGAAGGTAAAGTTAGTTTGTAGAAGGAAGTACCCATGTTTGAAAAAAGTGATGTCTAAT	5460
Query	148546	TGAGTAGCATATCAGTGAAAGATTTGACAGAATAGGCTATACCTAACTCTTAAGAGAGCA	148605
Sbjct	5461	TGAGTAGCATATCAGTGAAAGATTTGACAGAATAGGCTATACCTAACTCTTAAGAGAGCA	5520
Query	148606	GAAAAATGATGCTACTTAAAAAGACAGCAATGTGGGTTGGGGATTAGCTCAGTGGTAGAGC	148665



Sbjct	5521	GAAAAATGATGCTACTTTAAAGACAGCAATGTGGGTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGC	5580
Query	148666	GCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGaaaaaaaaaaaaagag	148725
Sbjct	5581	GCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGAAAAAAAAAAAAAGAG	5640
Query	148726	agagagagagagCAATGCAAATTGAGAAAAGAGAAAGGAGGCAGTTTTTACCAGGAGAGTT	148785
Sbjct	5641	AGAGAGAGAGAGCAATGCAAATTGAGAAAAGAGAAAGGAGGCAGTTTTTACCAGGAGAGTT	5700
Query	148786	TTACAGAAACAAGCTAGATGAAGGCAAAAGAGAATGAGCCAGAGAATGAGAAGGGTCCAG	148845
Sbjct	5701	TTACAGAAACAAGCTAGATGAAGGCAAAAGAGAATGAGCCAGAGAATGAGAAGGGTCCAG	5760
Query	148846	AAGATTAGGACAGATTATCAAAGTAAAAAGACAAGCAGAGCAATTCAAGAGAGGCTCAGA	148905
Sbjct	5761	AAGATTAGGACAGATTATCAAAGTAAAAAGACAAGCAGAGCAATTCAAGAGAGGCTCAGA	5820
Query	148906	AAAAGAAGACAGAATGAATAAACTCAGCTTGCAGAGGAGTTTCAGCCAGAACAACCTCAGT	148965
Sbjct	5821	AAAAGAAGACAGAATGAATAAACTCAGCTTGCAGAGGAGTTTCAGCCAGAACAACCTCAGT	5880
Query	148966	TGAACCAGCCAGCCAGAGTTCAGAAAAAGCTACAGAGGCTGACTTTATTTCAGCAGTAAAA	149025
Sbjct	5881	TGAACCAGCCAGCCAGAGTTCAGAAAAAGCTACAGAGGCTGACTTTATTTCAGCAGTAAAA	5940
Query	149026	GTCTTAGAGTCTGAAAAAGCTAAAAGTTTCCAACATGAGGCTTAGGTTACTGGATTTCAGG	149085
Sbjct	5941	GTCTTAGAGTCTGAAAAAGCTAAAAGTTTCCAACATGAGGCTTAGGTTACTGGATTTCAGG	6000
Query	149086	CAACAAGAGAAAAACAATCATTTAGGTGAATAAAAGTTACTTTTACAGTTTGCAGTTAAAA	149145
Sbjct	6001	CAACAAGAGAAAAACAATCATTTAGGTGAATAAAAGTTACTTTTACAGTTTGCAGTTAAAA	6060
Query	149146	CATGTAAGATTATGTTTGTGTGTTCTGTGTTAAATCCTTGCAACTTCAAGTTTCTAATTG	149205
Sbjct	6061	CATGTAAGATTATGTTTGTGTGTTCTGTGTTAAATCCTTGCAACTTCAAGTTTCTAATTG	6120
Query	149206	TAATTAATAAATAAGTTCCTGTTTCTTAGATGTGATGTAAAGTACAACACATGGTTTTCGA	149265
Sbjct	6121	TAATTAATAAATAAGTTCCTGTTTCTTAGATGTGATGTAAAGTACAACACATGGTTTTCGA	6180
Query	149266	TCTACTCTAAATTTTTTAGTCTGTTTCCCTGTATATACTTACCTTGTACCTGCCTTTTA	149325
Sbjct	6181	TCTACTCTAAATTTTTTAGTCTGTTTCCCTGTATATACTTACCTTGTACCTGCCTTTTA	6240
Query	149326	ATTGTGTCTTTCTAACAATAGATAATAGCCAACCTGTCTACCCCTAAACATTGTCTCTC	149385
Sbjct	6241	ATTGTGTCTTTCTAACAATAGATAATAGCCAACCTGTCTACCCCTAAACATTGTCTCTC	6300
Query	149386	CTATAAAAGGGACTTCAAGAACTCTGGCAGGAGCTGATCTCTAAAATACTGACTTAGGAAG	149445
Sbjct	6301	CTATAAAAGGGACTTCAAGAACTCTGGCAGGAGCTGATCTCTAAAATACTGACTTAGGAAG	6360
Query	149446	AGACAGCCAGACTGTTCACTTCCAAGTACACTGCAAAATATAGCTACTTCAACTGGCCAA	149505
Sbjct	6361	AGACAGCCAGACTGTTCACTTCCAAGTACACTGCAAAATATAGCTACTTCAACTGGCCAA	6420
Query	149506	AAATGGATTAAGTCTAGTTTGTGTTTGTGTTTGCATATTCTCAGGTTTAATGTTTTAGGGAAT	149565
Sbjct	6421	AAATGGATTAAGTCTAGTTTGTGTTTGTGTTTGCATATTCTCAGGTTTAATGTTTTAGGGAAT	6480
Query	149566	GAACTGGAGTGACCAAGGTTGTGCAACTAAACTGTCCCTGGTTTCCTTACTTTCCCTACT	149625
Sbjct	6481	GAACTGGAGTGACCAAGGTTGTGCAACTAAACTGTCCCTGGTTTCCTTACTTTCCCTACT	6540
Query	149626	TTTATTTCATTGAAAACAGTGTGAATCCATGGATTGGTATGAAAATGGTTTGAGAAATCTC	149685
Sbjct	6541	TTTATTTCATTGAAAACAGTGTGAATCCATGGATTGGTATGAAAATGGTTTGAGAAATCTC	6600
Query	149686	TAAAAATGAATGTTAATTTTATTTTGAATAGAGATTGGAGTACTGGAGGCTTTCCTTGTG	149745
Sbjct	6601	TAAAAATGAATGTTAATTTTATTTTGAATAGAGATTGGAGTACTGGAGGCTTTCCTTGTG	6660
Query	149746	GGATTTTGATGTCAAGaaaaaaCCAAGAGTCCTGACTTTCATAACAATTTGGTCAGGA	149805
Sbjct	6661	GGATTTTGATGTCAAGAAAAAAACCAAGAGTCCTGACTTTCATAACAATTTGGTCAGGA	6720
Query	149806	CTCCTGGATGACACATGAAATGGGTCAAGAGCTTATTATCCTTGATTCTAAAAGCAAGGT	149865
Sbjct	6721	CTCCTGGATGACACATGAAATGGGTCAAGAGCTTATTATCCTTGATTCTAAAAGCAAGGT	6780
Query	149866	AGATGTAGTACTAGTTATCCCTAGATGTGATGAATCTCATTCTAGTCTCAAAGTCACAGA	149925
Sbjct	6781	AGATGTAGTACTAGTTATCCCTAGATGTGATGAATCTCATTCTAGTCTCAAAGTCACAGA	6840
Query	149926	GATCTACTTGCTCTGCCTTCTTGAGTGCCAGGAGTGTGTTGTCACTACAACCTCATTTAACT	149985
Sbjct	6841	GATCTACTTGCTCTGCCTTCTTGAGTGCCAGGAGTGTGTTGTCACTACAACCTCATTTAACT	6900

Query	149986	CCCTCTTCTATGTTTCAGTGTAAATGCTTGCTCAGCATTTCCACACAGCTATTTATTTCACT	150045
Sbjct	6901	CCCTCTTCTATGTTTCAGTGTAAATGCTTGCTCAGCATTTCCACACAGCTATTTATTTCACT	6960
Query	150046	CACTTTTTTCATGGTTCTCAACATAGATTTTCGACTCACAGAATCTGAGACTTAAGATTTGA	150105
Sbjct	6961	CACTTTTTTCATGGTTCTCAACATAGATTTTCGACTCACAGAATCTGAGACTTAAGATTTGA	7020
Query	150106	TGCTGAAAGTTGACATAAGAGAAATGATTCTGAAACTCCTCATTGGGTGAATTTTATTA	150165
Sbjct	7021	TGCTGAAAGTTGACATAAGAGAAATGATTCTGAAACTCCTCATTGGGTGAATTTTATTA	7080
Query	150166	TAGGTGACTTAATTTGAATACTTGTTTCCGCCCATGTTTGCCATAATATTCTTTACAGTA	150225
Sbjct	7081	TAGGTGACTTAATTTGAATACTTGTTTCCGCCCATGTTTGCCATAATATTCTTTACAGTA	7140
Query	150226	CTACCAGTCATCATCAAGAGACTTGACAATTGTTGACTTTCATTAAGGTTGGTGACAG	150285
Sbjct	7141	CTACCAGTCATCATCAAGAGACTTGACAATTGTTGACTTTCATTAAGGTTGGTGACAG	7200
Query	150286	CGTTGCCAGAACATATTGCAGAGCATTTTCATGCCCAATATCCtttttttttCTTTTCACTC	150345
Sbjct	7201	CGTTGCCAGAACATATTGCAGAGCATTTTCATGCCCAATATCCTTTTTTTTCTTTTCACTC	7260
Query	150346	CATCCATCCTCAGTAGTAAAGTAGCATTAGTAAGCATACAGCCCTGTCACCATAGATGTC	150405
Sbjct	7261	CATCCATCCTCAGTAGTAAAGTAGCATTAGTAAGCATACAGCCCTGTCACCATAGATGTC	7320
Query	150406	ATCAGGATATGCTTTATCAACTAGTTTCATATTATGTCCCATACTATGAAATCTGTGAGT	150465
Sbjct	7321	ATCAGGATATGCTTTATCAACTAGTTTCATATTATGTCCCATACTATGAAATCTGTGAGT	7380
Query	150466	CAAATGTACATTTGTATCTATTGTTCTATAAGCTGTGTACCTTCATGTACCTCCAAAATG	150525
Sbjct	7381	CAAATGTACATTTGTATCTATTGTTCTATAAGCTGTGTACCTTCATGTACCTCCAAAATG	7440
Query	150526	GCCTTGACCTCTTCAAAATAACAATGTGAAACTTTACTAGCATGAGCCATATAAGAAGAA	150585
Sbjct	7441	GCCTTGACCTCTTCAAAATAACAATGTGAAACTTTACTAGCATGAGCCATATAAGAAGAA	7500
Query	150586	TAAGAATTAATAATTTTTCATCAGGAAATGCCCAAACATATACATATTCATGACACTATA	150645
Sbjct	7501	TAAGAATTAATAATTTTTCATCAGGAAATGCCCAAACATATACATATTCATGACACTATA	7560
Query	150646	ATGATAATATCTTAATACCTAAATATGCCCATCTTTTTGaaaaaaaaTCACTGAAATAGTA	150705
Sbjct	7561	ATGATAATATCTTAATACCTAAATATGCCCATCTTTTTGAAAAAAAAATCACTGAAATAGTA	7620
Query	150706	AGTAATGAACACCCATGGGTTGTATCAATGATTGAAGAGTTAAGTCTACAAACACACTTG	150765
Sbjct	7621	AGTAATGAACACCCATGGGTTGTATCAATGATTGAAGAGTTAAGTCTACAAACACACTTG	7680
Query	150766	CCCTGCTATAATATACGTAAAGACTAAAATTGATTATTATCAATTTCTTTGTTTCATTTT	150825
Sbjct	7681	CCCTGCTATAATATACGTAAAGACTAAAATTGATTATTATCAATTTCTTTGTTTCATTTT	7740
Query	150826	CAGAATATATTTCAATTTCCAATCAAGAAAACAAGCAAGTCCTTTATCCTTCTAAGCCAT	150885
Sbjct	7741	CAGAATATATTTCAATTTCCAATCAAGAAAACAAGCAAGTCCTTTATCCTTCTAAGCCAT	7800
Query	150886	TAAACATTTTTCCTGATTGACAGAAAAAGGGTACGTGTGGGAACGATCATCCATCCTAATC	150945
Sbjct	7801	TAAACATTTTTCCTGATTGACAGAAAAAGGGTACGTGTGGGAACGATCATCCATCCTAATC	7860
Query	150946	TTGCTTTTATGGGTTCAAAGTGTAGCAATTGAAGGAAGAGCAGCAATTATTGAACTTCTA	151005
Sbjct	7861	TTGCTTTTATGGGTTCAAAGTGTAGCAATTGAAGGAAGAGCAGCAATTATTGAACTTCTA	7920
Query	151006	TACCCAACCTTAAGCAACGTTCCCTCCCCTTGACCTTAAGACACTCACTCACTATTTCCTT	151065
Sbjct	7921	TACCCAACCTTAAGCAACGTTCCCTCCCCTTGACCTTAAGACACTCACTCACTATTTCCTT	7980
Query	151066	TGTGGATTATGTCTATAGTTCGTTTCCTTGATACATAGACTGTGATTTTGGGCTCCCAGT	151125
Sbjct	7981	TGTGGATTATGTCTATAGTTCGTTTCCTTGATACATAGACTGTGATTTTGGGCTCCCAGT	8040
Query	151126	TAATGTGTCAGGCATTGAAGAATGTCTGTGGAAACAAAATAACTTAATAAAAAATAATCCT	151185
Sbjct	8041	TAATGTGTCAGGCATTGAAGAATGTCTGTGGAAACAAAATAACTTAATAAAAAATAATCCT	8100
Query	151186	TTAGTGCCAGAAATAGTTCTCCGTTCTATTTTCATAAGTATTGTTGTTTTTCTGTAGCTG	151245
Sbjct	8101	TTAGTGCCAGAAATAGTTCTCCGTTCTATTTTCATAAGTATTGTTGTTTTTCTGTAGCTG	8160
Query	151246	TGAGAGAAGCCTATTCTGCTCCTATTTTATTAAATAATATACCATTACCAGCACTCCTT	151305
Sbjct	8161	TGAGAGAAGCCTATTCTGCTCCTATTTTATTAAATAATATACCATTACCAGCACTCCTT	8220
Query	151306	CACTTTGTTTATAATCCTCAAAGCTTAACTTCCAATGGAATCATTTTGCTTATAGTTCTGT	151365

Sbjct	8221	CACTTTGTTATAATCCTCAAAGCTTAACTTCCAATGGAATCATTTTGCTTATAGTTCTGT	8280
Query	151366	GCATGACTTGAGAGATGATTCATTCTTAACCTTTGCCAACTGAGTAATACATTAGTTTATA	151425
Sbjct	8281	GCATGACTTGAGAGATGATTCATTCTTAACCTTTGCCAACTGAGTAATACATTAGTTTATA	8340
Query	151426	TGAATCCTGCTTAGGGAGAGGATTTTCTCTCTTTTCTTGGTAGAAAGGTGTGCAAGAAGC	151485
Sbjct	8341	TGAATCCTGCTTAGGGAGAGGATTTTCTCTCTTTTCTTGGTAGAAAGGTGTGCAAGAAGC	8400
Query	151486	AGACCTAATGACCAAATGACATCATCAACAGCTGCATGCTTTACAAGGACAGCCATTTCAG	151545
Sbjct	8401	AGACCTAATGACCAAATGACATCATCAACAGCTGCATGCTTTACAAGGACAGCCATTTCAG	8460
Query	151546	TAGATCACATATGTGTTTCATCTGACCAATGAGTAAAAGTATATCAGTAATAGTAAACTAC	151605
Sbjct	8461	TAGATCACATATGTGTTTCATCTGACCAATGAGTAAAAGTATATCAGTAATAGTAAACTAC	8520
Query	151606	AATGGCACTCCCAAGTATTTGCCAACCTGTATGTTTCAGGGAGAAAATGACATTGGGGAAT	151665
Sbjct	8521	AATGGCACTCCCAAGTATTTGCCAACCTGTATGTTTCAGGGAGAAAATGACATTGGGGAAT	8580
Query	151666	GGGTTATGTTGGTGTTTGGATTTCTCCGTTCTACTCACTCTCTGAAAGAAGTCGTGACC	151725
Sbjct	8581	GGGTTATGTTGGTGTTTGGATTTCTCCGTTCTACTCACTCTCTGAAAGAAGTCGTGACC	8640
Query	151726	TCTTCAGGGTCACAGGCAGAAGCTTAAAGCACCTGGAGAAGTGGTACAGGACCAGAACC	151785
Sbjct	8641	TCTTCAGGGTCACAGGCAGAAGCTTAAAGCACCTGGAGAAGTGGTACAGGACCAGAACC	8700
Query	151786	CAGGGACTAGGTGAGGGTTGTGCTTGTGATCACCAGACTGGTTAGAGGTGGGCAAGATTA	151845
Sbjct	8701	CAGGGACTAGGTGAGGGTTGTGCTTGTGATCACCAGACTGGTTAGAGGTGGGCAAGATTA	8760
Query	151846	CCTATGTACTTCTTAATGTAAGACAGTTTGAATCCTGTCTCCTGCTGACGTCACAGAAGC	151905
Sbjct	8761	CCTATGTACTTCTTAATGTAAGACAGTTTGAATCCTGTCTCCTGCTGACGTCACAGAAGC	8820
Query	151906	TCACCCGGTCCCGATAGCAACAGAATCTGCTATGAAGGGCTGCTGGAAAAACTCAGAGGC	151965
Sbjct	8821	TCACCCGGTCCCGATAGCAACAGAATCTGCTATGAAGGGCTGCTGGAAAAACTCAGAGGC	8880
Query	151966	TGGTTGGCCATTCCGAAGATCATCAGGTAGCATTTGAAGGGGCTGCTGTCTTGTGGCTC	152025
Sbjct	8881	TGGTTGGCCATTCCGAAGATCATCAGGTAGCATTTGAAGGGGCTGCTGTCTTGTGGCTC	8940
Query	152026	AGGCATCCTTGTATAGGCTGAGCATATGGAGAATTCTGAGGAGGAGAGTGTGGGCGTGGC	152085
Sbjct	8941	AGGCATCCTTGTATAGGCTGAGCATATGGAGAATTCTGAGGAGGAGAGTGTGGGCGTGGC	9000
Query	152086	TCCCCAGGAATTCCGGGAACTGGTACTCCTGGAAAGCAGCCTTCTGGAGGGAGAGCCCTC	152145
Sbjct	9001	TCCCCAGGAATTCCGGGAACTGGTACTCCTGGAAAGCAGCCTTCTGGAGGGAGAGCCCTC	9060
Query	152146	AGTACAGGCACCAGAGCAGAGCCCAGGTGCTCCTGCTGGGGACAACCAGATGGTGAAGCC	152205
Sbjct	9061	AGTACAGGCACCAGAGCAGAGCCCAGGTGCTCCTGCTGGGGACAACCAGATGGTGAAGCC	9120
Query	152206	TCTGGTAATATGTGGTCCTGTGGAAGATTGGGTACCCCTTGCAAGAGGTGCTACATCACCC	152265
Sbjct	9121	TCTGGTAATATGTGGTCCTGTGGAAGATTGGGTACCCCTTGCAAGAGGTGCTACATCACCC	9180
Query	152266	TGACACGTGTGAAGAGGGTGACGAGGCTACTATGGCGGAGTTGAAAGTCACAGAGGTGGT	152325
Sbjct	9181	TGACACGTGTGAAGAGGGTGACGAGGCTACTATGGCGGAGTTGAAAGTCACAGAGGTGGT	9240
Query	152326	AGATGTCAAGAAATGAGGGTGAAGAGGTAAAGGATCAGAAACAGGAAGGTGAACAAGATCA	152385
Sbjct	9241	AGATGTCAAGAAATGAGGGTGAAGAGGTAAAGGATCAGAAACAGGAAGGTGAACAAGATCA	9300
Query	152386	GCAGCCTGAGCTGGAAGAAGAACCCAGAGCAAGCCTGTGATTCTAAAGATCAGCAAGGGAT	152445
Sbjct	9301	GCAGCCTGAGCTGGAAGAAGAACCCAGAGCAAGCCTGTGATTCTAAAGATCAGCAAGGGAT	9360
Query	152446	ACAAAGGCTTCCACTGTGAGGTGGCGGGCCTGCAGAACGCAGATCTAAAATGGAGGAGCT	152505
Sbjct	9361	ACAAAGGCTTCCACTGTGAGGTGGCGGGCCTGCAGAACGCAGATCTAAAATGGAGGAGCT	9420
Query	152506	GGAACCTCTTCAACTGGAGCTCAGCTTTGTGAATGCCCGCTGTAGCGGAGCTTTTGCCCG	152565
Sbjct	9421	GGAACCTCTTCAACTGGAGCTCAGCTTTGTGAATGCCCGCTGTAGCGGAGCTTTTGCCCG	9480
Query	152566	GATTAAAGCAAAAAGTGGCCAAAATGCGCAGACCTCACTTTGATCGCAGAAAAGACCATAAT	152625
Sbjct	9481	GATTAAAGCAAAAAGTGGCCAAAATGCGCAGACCTCACTTTGATCGCAGAAAAGACCATAAT	9540
Query	152626	CCAGGGCATTCCAGGCTTCTGGGCTAAAGCTGTATCCTTAAGTGTACTCTCTGGACTTGG	152685
Sbjct	9541	CCAGGGCATTCCAGGCTTCTGGGCTAAAGCTGTATCCTTAAGTGTACTCTCTGGACTTGG	9600

Query	152686	CAACAAAGACAGCCAAGTGGTTTGGAGAACTAGCTGATTAAGGAGAACTGCAGGGTGGT	152745
Sbjct	9601	CAACAAAGACAGCCAAGTGGTTTGGAGAACTAGCTGATTAAGGAGAACTGCAGGGTGGT	9660
Query	152746	TTGGGGAAGGAGTTACGAAGTTTAGACAATAGAAAACGAATCTCATAGCGCTGTGTACAAA	152805
Sbjct	9661	TTGGGGAAGGAGTTACGAAGTTTAGACAATAGAAAACGAATCTCATAGCGCTGTGTACAAA	9720
Query	152806	ATATAAGTGGGGTCCTTGAGCAGCAGATCCTCAAGCAATTGTTGCCTAGGTAGGGGATGT	152865
Sbjct	9721	ATATAAGTGGGGTCCTTGAGCAGCAGATCCTCAAGCAATTGTTGCCTAGGTAGGGGATGT	9780
Query	152866	GGTGAACCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTTCCGCAGGATACAAAGAATCAGATTCAAG	152925
Sbjct	9781	GGTGAACCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTTCCGCAGGATACAAAGAATCAGATTCAAG	9840
Query	152926	TACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACTGCATGCAAGACACTCA	152985
Sbjct	9841	TACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACTGCATGCAAGACACTCA	9900
Query	152986	TGAGCATCTTTCTATGATCAGGAAAGATGACTTTGGCCAGGGACACCAATCACTACTGAG	153045
Sbjct	9901	TGAGCATCTTTCTATGATCAGGAAAGATGACTTTGGCCAGGGACACCAATCACTACTGAG	9960
Query	153046	AGTACCCTGTTCATGGGATATTTACAGAAACATCATTTTACAGAAAGTCGATTATTTGTCC	153105
Sbjct	9961	AGTACCCTGTTCATGGGATATTTACAGAAACATCATTTTACAGAAAGTCGATTATTTGTCC	10020
Query	153106	ACCCTTTTGTTCAGGTAAACAATGTGGTCCCCTTTAGCACCAGCCCCTAATTGATACTGCC	153165
Sbjct	10021	ACCCTTTTGTTCAGGTAAACAATGTGGTCCCCTTTAGCACCAGCCCCTAATTGATACTGCC	10080
Query	153166	ACGTTCAAGACCTCAGTTCCTGTGATAATTGAGAAGGTTTAGGTTTAGCATTTAGATGCAT	153225
Sbjct	10081	ACGTTCAAGACCTCAGTTCCTGTGATAATTGAGAAGGTTTAGGTTTAGCATTTAGATGCAT	10140
Query	153226	ATTTACTGAAAAAATATTCTATGAGTTTGGAGCAATCAATTAATTTGAGTCTGCCAGGC	153285
Sbjct	10141	ATTTACTGAAAAAATATTCTATGAGTTTGGAGCAATCAATTAATTTGAGTCTGCCAGGC	10200
Query	153286	ACTGTCAATCCCTTTCTCTACTATCATCTTCCTATTGATATAAAAGCTGCTTACATGTG	153345
Sbjct	10201	ACTGTCAATCCCTTTCTCTACTATCATCTTCCTATTGATATAAAAGCTGCTTACATGTG	10260
Query	153346	AAATGTGTGCCAGTGTGAAAAGTGTATGGGCTCACATACACACTCCTTGCCACAAGATCAG	153405
Sbjct	10261	AAATGTGTGCCAGTGTGAAAAGTGTATGGGCTCACATACACACTCCTTGCCACAAGATCAG	10320
Query	153406	GAAGGCAGATACAGCCCATGTTTTTGTGAGCCTTTGTGCATACACTGGCCTTTAGTAGCT	153465
Sbjct	10321	GAAGGCAGATACAGCCCATGTTTTTGTGAGCCTTTGTGCATACACTGGCCTTTAGTAGCT	10380
Query	153466	TAGGAATATTAGATCAACAGCCACTTTGTCATCCAGCTAGCTTGTTTTCTTCTGTGCATA	153525
Sbjct	10381	TAGGAATATTAGATCAACAGCCACTTTGTCATCCAGCTAGCTTGTTTTCTTCTGTGCATA	10440
Query	153526	CAAGTTTTCTGCTTCTACTGACTTTCTCTGACTACCCATTATCCTCCATAGCATCAGTAA	153585
Sbjct	10441	CAAGTTTTCTGCTTCTACTGACTTTCTCTGACTACCCATTATCCTCCATAGCATCAGTAA	10500
Query	153586	ATTCCCAAAGAGTGTAATTTCTTCTCTCTACAAAGGTTTCAAGATTTTCACAGAACAGATGA	153645
Sbjct	10501	ATTCCCAAAGAGTGTAATTTCTTCTCTCTACAAAGGTTTCAAGATTTTCACAGAACAGATGA	10560
Query	153646	CTTAGAACATCTTAGTCATCTTATAGGAAGGGACATAGGACAAAGAAGGAAAGACCTCAT	153705
Sbjct	10561	CTTAGAACATCTTAGTCATCTTATAGGAAGGGACATAGGACAAAGAAGGAAAGACCTCAT	10620
Query	153706	GGCCATGTGTCTATGTTGGCTCCTGCTCCAAGGACCACTCTCATTACACTGTGGCCCAT	153765
Sbjct	10621	GGCCATGTGTCTATGTTGGCTCCTGCTCCAAGGACCACTCTCATTACACTGTGGCCCAT	10680
Query	153766	TGCTTCCAGCTCCACTTTTAATAGTATAGCACAGTTCCTTGACCAGAGGCAGATGATGAA	153825
Sbjct	10681	TGCTTCCAGCTCCACTTTTAATAGTATAGCACAGTTCCTTGACCAGAGGCAGATGATGAA	10740
Query	153826	CCATCCCCAGATGTCCTCCATCATCAGCAACCAAGATGAAGACTTACTGAGCTACATGTT	153885
Sbjct	10741	CCATCCCCAGATGTCCTCCATCATCAGCAACCAAGATGAAGACTTACTGAGCTACATGTT	10800
Query	153886	GAGCTTGAGGTCAGTTGGAATTGTGCTGGGCAGAGAATAAATGGTGTTTGGGGAAAAA	153945
Sbjct	10801	GAGCTTGAGGTCAGTTGGAATTGTGCTGGGCAGAGAATAAATGGTGTTTGGGGAAAAA	10860
Query	153946	CAAATGTGAACAAGTATTGCATCCCATTATTGTGTGAGGGTTCTCATAACACACCTAAAG	154005
Sbjct	10861	CAAATGTGAACAAGTATTGCATCCCATTATTGTGTGAGGGTTCTCATAACACACCTAAAG	10920
Query	154006	ATTTCCTCATTTATTTCTTCCACATCTTGACAGGTGGAGGAGTACAATCCTGGGTTGAGGA	154065

Sbjct	10921	ATTTCCCATTTATTTCTTCCACATCTTGACAGGTGGAGGAGTACAATCCTGGGTTGAGGA	10980
Query	154066	TGTGCAGGATGATGTTTTTCTTTAGTGAAAACCCATACTTCCGGAATGACATTGTCTACTA	154125
Sbjct	10981	TGTGCAGGATGATGTTTTTCTTTAGTGAAAACCCATACTTCCGGAATGACATTGTCTACTA	11040
Query	154126	AGGATTATCAACTCAGCATCATTGGTACATATGGTCATAGGTTTTCAGGTGTTGCCTGGG	154185
Sbjct	11041	AGGATTATCAACTCAGCATCATTGGTACATATGGTCATAGGTTTTCAGGTGTTGCCTGGG	11100
Query	154186	TAGGGGATGTGGTAAACCCCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTCCCGCAGGATACAAAGAGT	154245
Sbjct	11101	TAGGGGATGTGGTAAACCCCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTCCCGCAGGATACAAAGAGT	11160
Query	154246	CAGATTCGAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACTGCATGC	154305
Sbjct	11161	CAGATTCGAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACTGCATGC	11220
Query	154306	AAGACACTACCAGACTCACTTTCTTCAACTGGCTGTGTGCACACAAATTCCCTGGCTCCA	154365
Sbjct	11221	AAGACACTACCAGACTCACTTTCTTCAACTGGCTGTGTGCACACAAATTCCCTGGCTCCA	11280
Query	154366	ACAGGATTGCTGAGGTTGGCTTTTCTCTGACCATTCAATTATCTTCTAGGGCCTGGGTGGAT	154425
Sbjct	11281	ACAGGATTGCTGAGGTTGGCTTTTCTCTGACCATTCAATTATCTTCTAGGGCCTGGGTGGAT	11340
Query	154426	TACTCCTGGGAATGGGATTTTTATCTTCTGCCCTCCTTCCAATCACAGATAATCATGGAT	154485
Sbjct	11341	TACTCCTGGGAATGGGATTTTTATCTTCTGCCCTCCTTCCAATCACAGATAATCATGGAT	11400
Query	154486	GACTTGTGGCCAAATCCTCTTTACTACTACCCTAAGGAAGACCACCTCATGAAGAGAGAAT	154545
Sbjct	11401	GACTTGTGGCCAAATCCTCTTTACTACTACCCTAAGGAAGACCACCTCATGAAGAGAGAAT	11460
Query	154546	TAGGACTGTGCCAGGTGAATAGACAGGTATACTCTGAAATGGTGTTTATCTGGGGCCTCA	154605
Sbjct	11461	TAGGACTGTGCCAGGTGAATAGACAGGTATACTCTGAAATGGTGTTTATCTGGGGCCTCA	11520
Query	154606	GTGAAGAATGAGACATGGCCAGGAACATTTACATGTGAGAGAAAGTTGTATTAGTAGACT	154665
Sbjct	11521	GTGAAGAATGAGACATGGCCAGGAACATTTACATGTGAGAGAAAGTTGTATTAGTAGACT	11580
Query	154666	TTACATACCTCTAGAGGTGATAATTGTACCCCCACTCTGTGGTGGATTAAATACATTCA	154725
Sbjct	11581	TTACATACCTCTAGAGGTGATAATTGTACCCCCACTCTGTGGTGGATTAAATACATTCA	11640
Query	154726	TTCTGTGTTGAGAATCCTAGATCAGAATGGTTACCCAGGTTCTTGCCTTCAACTACACGA	154785
Sbjct	11641	TTCTGTGTTGAGAATCCTAGATCAGAATGGTTACCCAGGTTCTTGCCTTCAACTACACGA	11700
Query	154786	TTTTCATCTCAAATCAGCATGGTTCTCTGTGTGATCCTCTTTGATATCCTCCACCTGT	154845
Sbjct	11701	TTTTCATCTCAAATCAGCATGGTTCTCTGTGTGATCCTCTTTGATATCCTCCACCTGT	11760
Query	154846	TCTCTAGGAGTTTCTACTAATCCAGGCCTAGAGAACCTGTTTAAATAAATACCTTGGATA	154905
Sbjct	11761	TCTCTAGGAGTTTCTACTAATCCAGGCCTAGAGAACCTGTTTAAATAAATACCTTGGATA	11820
Query	154906	TACAGGGAGAGAATATGAGGTAGTCAGGAAAAAAGAAGGCATCATAAAAAGAAAACCTTT	154965
Sbjct	11821	TACAGGGAGAGAATATGAGGTAGTCAGGAAAAAAGAAGGCATCATAAAAAGAAAACCTTT	11880
Query	154966	TAAAGGACCTAGGGCCACTTCCACATGTCCCAGTGTGTGTTCATATGTAGATGCATAT	155025
Sbjct	11881	TAAAGGACCTAGGGCCACTTCCACATGTCCCAGTGTGTGTTCATATGTAGATGCATAT	11940
Query	155026	CTCGTCTGTGAGTATAGATGTCTGAACCCAGGTGCTGTAGAATTTTGAGAATCACCAGAG	155085
Sbjct	11941	CTCGTCTGTGAGTATAGATGTCTGAACCCAGGTGCTGTAGAATTTTGAGAATCACCAGAG	12000
Query	155086	CTAGGGCAACATCCACAAAGAACTGGGAAGTATTTAGGAAGCAAAGATGGTGAATATTCA	155145
Sbjct	12001	CTAGGGCAACATCCACAAAGAACTGGGAAGTATTTAGGAAGCAAAGATGGTGAATATTCA	12060
Query	155146	CCTTGATTCTCA <del>ttttttt</del> CTACAGGATAAAAAAGCAGAGCATTCTGACTGTAGACCATT	155205
Sbjct	12061	CCTTGATTCTCA <del>TTTTTTT</del> CTACAGGATAAAAAAGCAGAGCATTCTGACTGTAGACCATT	12120
Query	155206	AATGAAGATGCTCATCGTGTA <del>AACT</del> GGAATTGACTGAGATAAATACTGGCAAAGGTCATC	155265
Sbjct	12121	AATGAAGATGCTCATCGTGTA <del>AACT</del> GGAATTGACTGAGATAAATACTGGCAAAGGTCATC	12180
Query	155266	TAGCTTCCTGTTGATTATTTGTGGAGTGTGGATAATCACAGAAGTAATATCCAAGCCCCT	155325
Sbjct	12181	TAGCTTCCTGTTGATTATTTGTGGAGTGTGGATAATCACAGAAGTAATATCCAAGCCCCT	12240
Query	155326	GGAGCTAAATTCTCTTCAGCCAGAGTCTCTGACCAGACTAAGGACTTGGAGGATAAGGGT	155385
Sbjct	12241	GGAGCTAAATTCTCTTCAGCCAGAGTCTCTGACCAGACTAAGGACTTGGAGGATAAGGGT	12300

Query	155386	TGAACAGGAGATGGATACATTGAATTGCCACATTCTCACAAACATGGGGCCTGTTTCC	155445
Sbjct	12301	TGAACAGGAGATGGATACATTGAATTGCCACATTCTCACAAACATGGGGCCTGTTTCC	12360
Query	155446	ACTGCTTGGTACTAAGTAACAGAGATCCCTAAGGCCTGCTTAGATACTGTTGAACAGTAG	155505
Sbjct	12361	ACTGCTTGGTACTAAGTAACAGAGATCCCTAAGGCCTGCTTAGATACTGTTGAACAGTAG	12420
Query	155506	TCCATTTCCTTATCATTCGTTTACCCAGTGAATTCCTTGCCATTGTGTTGGCCTAGCTT	155565
Sbjct	12421	TCCATTTCCTTATCATTCGTTTACCCAGTGAATTCCTTGCCATTGTGTTGGCCTAGCTT	12480
Query	155566	TACCTGCATCCAGTTGAACATCAAGTTGTTGGTAAAAATAGGAACACAGATAAAATGTATT	155625
Sbjct	12481	TACCTGCATCCAGTTGAACATCAAGTTGTTGGTAAAAATAGGAACACAGATAAAATGTATT	12540
Query	155626	TTATAAGGGTAACCCCTTCACATTGGTCATTTCCCAGTGCATAAGAATTGCATTAAAT	155685
Sbjct	12541	TTATAAGGGTAACCCCTTCACATTGGTCATTTCCCAGTGCATAAGAATTGCATTAAAT	12600
Query	155686	GATTTTCCTTAACTCCCAGATAAAGAGAGTTTAGGGCTTGCATCTCAGCCAGTACAAGGTG	155745
Sbjct	12601	GATTTTCCTTAACTCCCAGATAAAGAGAGTTTAGGGCTTGCATCTCAGCCAGTACAAGGTG	12660
Query	155746	ACAGTGCCCTAACCATAGGAGTATTAGTACAAATCCATTTTGTCTGAGGTAATTGCCATG	155805
Sbjct	12661	ACAGTGCCCTAACCATAGGAGTATTAGTACAAATCCATTTTGTCTGAGGTAATTGCCATG	12720
Query	155806	TAATGTCACCACTGGCAAGATGGGTACCTACTCCTTCCCCAAATCTCTTTAATACAGGT	155865
Sbjct	12721	TAATGTCACCACTGGCAAGATGGGTACCTACTCCTTCCCCAAATCTCTTTAATACAGGT	12780
Query	155866	CCCTTCCTGTGTTAATTCCATCTGAGATCGTCATGCTGCAGATGTGTGGAGAGACACATC	155925
Sbjct	12781	CCCTTCCTGTGTTAATTCCATCTGAGATCGTCATGCTGCAGATGTGTGGAGAGACACATC	12840
Query	155926	AGGGCCCCAAAACCTAGCTTTGCCTTGGGGGAAGTATTGAAGGAGAGATCTTTCTAGAAAG	155985
Sbjct	12841	AGGGCCCCAAAACCTAGCTTTGCCTTGGGGGAAGTATTGAAGGAGAGATCTTTCTAGAAAG	12900
Query	155986	TTGCAGAAGGTCTTTCTAGAAGCACCTTCCGCCAGTGAGTGGGTTTGTTTTCCAACAAGC	156045
Sbjct	12901	TTGCAGAAGGTCTTTCTAGAAGCACCTTCCGCCAGTGAGTGGGTTTGTTTTCCAACAAGC	12960
Query	156046	TTCAGCTCCAGTGGGTGGATATTACATTGGGTGTCCCACATGTCCCTCAATGTTTTTGTG	156105
Sbjct	12961	TTCAGCTCCAGTGGGTGGATATTACATTGGGTGTCCCACATGTCCCTCAATGTTTTTGTG	13020
Query	156106	TACGATGTCCCATCCACTAAACAGAGATGCTGTCTCCAGTATTTACAATAACGTCCAGCA	156165
Sbjct	13021	TACGATGTCCCATCCACTAAACAGAGATGCTGTCTCCAGTATTTACAATAACGTCCAGCA	13080
Query	156166	ACCCTCCACCTCATACCTCAGCTGGAATTTGAGTAGGACTTGATATGAGCAGTGACACTT	156225
Sbjct	13081	ACCCTCCACCTCATACCTCAGCTGGAATTTGAGTAGGACTTGATATGAGCAGTGACACTT	13140
Query	156226	CAGTTTTTCATACTAAAGACTGTTACAGTGGAAGATAATTCCCTTTCCCAGTTCTTAGG	156285
Sbjct	13141	CAGTTTTTCATACTAAAGACTGTTACAGTGGAAGATAATTCCCTTTCCCAGTTCTTAGG	13200
Query	156286	AGCATGAGGTGTCAGGAGTGTTTTTAAACATCTGGCCCGGAGAAGAGATAGTCTTTATG	156345
Sbjct	13201	AGCATGAGGTGTCAGGAGTGTTTTTAAACATCTGGCCCGGAGAAGAGATAGTCTTTATG	13260
Query	156346	TAGGAAGGATGGGGATAGTGTCCTTTCTTAAATACTGTTTTTACATCCTCCACACAGGA	156405
Sbjct	13261	TAGGAAGGATGGGGATAGTGTCCTTTCTTAAATACTGTTTTTACATCCTCCACACAGGA	13320
Query	156406	AGGAAAAATGTTTTATCCAGCTCTTTGCTTCTCCAAAGCAGGATGATGATCTCTGCATT	156465
Sbjct	13321	AGGAAAAATGTTTTATCCAGCTCTTTGCTTCTCCAAAGCAGGATGATGATCTCTGCATT	13380
Query	156466	CCTACCCAGGGGACTCACTTACCATAGAACTCCCTTGCAAATATGGAATTATAGAGGAAC	156525
Sbjct	13381	CCTACCCAGGGGACTCACTTACCATAGAACTCCCTTGCAAATATGGAATTATAGAGGAAC	13440
Query	156526	ATGAACAGAGAATGATGGCCACCTGAATCTCCCTGTCTCGGTGAGGTTATAAAAGAGAT	156585
Sbjct	13441	ATGAACAGAGAATGATGGCCACCTGAATCTCCCTGTCTCGGTGAGGTTATAAAAGAGAT	13500
Query	156586	CTATTTATAGTCTAAACACTAAAAATTACTAGTGATCAAATACACTCCCAGTAGACTTTT	156645
Sbjct	13501	CTATTTATAGTCTAAACACTAAAAATTACTAGTGATCAAATACACTCCCAGTAGACTTTT	13560
Query	156646	CCAGATTGCAGCATGTATTTCAACCTTGATAAATTGTAAATGAAGCATTATATGACCTA	156705
Sbjct	13561	CCAGATTGCAGCATGTATTTCAACCTTGATAAATTGTAAATGAAGCATTATATGACCTA	13620
Query	156706	TACACATCAACTGAGTCGAGAAATCCCACGTTTGCATCTTTACTAGTGTCTACTAGCTTA	156765

Sbjct	13621	TACACATCAACTGAGTCGAGAAATCCCACGTTTGCATCTTTACTAGTGTCTACTAGCTTA	13680
Query	156766	GTTTCCATAACAATCTTTAATATGATGCACACTAGGTTCTTAATTCAAAAATAAATGCAA	156821
Sbjct	13681	GTTTCCATAACAATCTTTAATATGATGCACACTAGGTTCTTAATTCAAAAATAAATGCAA	13740
Query	156826	CATTTTGGTAGAAATTTAAAAATCACTGTGATTTTGATCCAAGaaaaacaaaaaaTTCC	156881
Sbjct	13741	CATTTTGGTAGAAATTTAAAAATCACTGTGATTTTGATCCAAGAAAAACAAAAAATTCC	13800
Query	156886	AGAAGAGATGCACATACTGTTCCATAAGTTTGGTTTGGTAGGCACATTTATTGAATTCT	156941
Sbjct	13801	AGAAGAGATGCACATACTGTTCCATAAGTTTGGTTTGGTAGGCACATTTATTGAATTCT	13860
Query	156946	ACAAAGCTTTTAATTCTTATTCTGCTTGAACCTCTAAAATTCACTAAAGAGTTGTTCA	157001
Sbjct	13861	ACAAAGCTTTTAATTCTTATTCTGCTTGAACCTCTAAAATTCACTAAAGAGTTGTTCA	13920
Query	157006	GTTTTCCAAATATGTACACCTTCTGATTTTTTGTGTGTGTTGAAGTCCACCTTTATTCC	157061
Sbjct	13921	GTTTTCCAAATATGTACACCTTCTGATTTTTTGTGTGTGTTGAAGTCCACCTTTATTCC	13980
Query	157066	AAGGTGATCTGATAAAACACAGGTGTTATTGGTTTTCTTGTATCTGCTGAGGCTTATTT	157121
Sbjct	13981	AAGGTGATCTGATAAAACACAGGTGTTATTGGTTTTCTTGTATCTGCTGAGGCTTATTT	14040
Query	157126	TGTGACTGAGAATATGGTCAATTTTGGAAAAGGTACCATGAGTTGCTGAAAAGAAGGTAT	157181
Sbjct	14041	TGTGACTGAGAATATGGTCAATTTTGGAAAAGGTACCATGAGTTGCTGAAAAGAAGGTAT	14100
Query	157186	ACCCTTTTGTGTTTGGCTGAAATGTTCTATAGATGTCTGTAAAGTCCATTTTGAATCATA	157241
Sbjct	14101	ACCCTTTTGTGTTTGGCTGAAATGTTCTATAGATGTCTGTAAAGTCCATTTTGAATCATA	14160
Query	157246	ACCTCTGCACTTTTATTATTTCTCTGTTCAAGTTTCTGTCTGAATGACCTATCAATTTTGT	157301
Sbjct	14161	ACCTCTGCACTTTTATTATTTCTCTGTTCAAGTTTCTGTCTGAATGACCTATCAATTTTGT	14220
Query	157306	GAGAGTAGTGTGATGGAGTTTCTCACTATTAATGTATCAGGTTCAACATGTAATTTAAAC	157361
Sbjct	14221	GAGAGTAGTGTGATGGAGTTTCTCACTATTAATGTATCAGGTTCAACATGTAATTTAAAC	14280
Query	157366	TTTATTTGGGttttttttttACAAGTGTGGGTATCCTTGCATTGGGGCACAGATGTTTCAG	157421
Sbjct	14281	TTTATTTGGGTTTTTTTTTACAAGTGTGGGTATCCTTGCATTGGGGCACAGATGTTTCAG	14340
Query	157426	AATGGAGATGTCATGTTGGTGGAAATTTCCTTAATGAATATGAAGTATCATTCCCCATC	157481
Sbjct	14341	AATGGAGATGTCATGTTGGTGGAAATTTCCTTAATGAATATGAAGTATCATTCCCCATC	14400
Query	157486	ACTTTTCACTAATTTTCGGTTAAAAGACTATTTTATTAGACATTAGAATGGCTACTACAGC	157541
Sbjct	14401	ACTTTTCACTAATTTTCGGTTAAAAGACTATTTTATTAGACATTAGAATGGCTACTACAGC	14460
Query	157546	TTGGGGTTTTggggggggggTAatttggttggttggttttggttttttgATCCATTGCTA	157601
Sbjct	14461	TTGGGGTTTTTGGGGGGGGGTATTGTGTTGTTGTTTTGTTTTTTGATCCATTGCTA	14520
Query	157606	GGAAAATCTTTTGTAGCCCTATATCCTGAGGTGATATCTGTCTTTGTTGCTGAGGTCTAA	157661
Sbjct	14521	GGAAAATCTTTTGTAGCCCTATATCCTGAGGTGATATCTGTCTTTGTTGCTGAGGTCTAA	14580
Query	157666	TTTTTGTTTACAGAAGAATGATGGATTATTTAATGTGTTTCATCCTCTGTTATCCTTTGA	157721
Sbjct	14581	TTTTTGTTTACAGAAGAATGATGGATTATTTAATGTGTTTCATCCTCTGTTATCCTTTGA	14640
Query	157726	TTTGGGCAATGGAGTCAACTTATGTTTAGACGTTGGTTCTAATAACTGGTGATAGTTTCT	157781
Sbjct	14641	TTTGGGCAATGGAGTCAACTTATGTTTAGACGTTGGTTCTAATAACTGGTGATAGTTTCT	14700
Query	157786	GTTATTTTGATGTTGGTGGTGTTAggtgtgtgtgtgtgagagagagagagacagagaca	157841
Sbjct	14701	GTTATTTTGATGTTGGTGGTGTTAGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGACAGAGACA	14760
Query	157846	gagacacagagacagaaagagagagacagagagacagacagagacagagagacagagggga	157901
Sbjct	14761	GAGACACAGAGACAGAAAGAGAGAGACAGAGAGACAGACAGAGACAGAGAGACAGAGGA	14820
Query	157906	cagagagagagaggcagatagagGGATTCAAGTTCCTTTTAATTTTAGTTTTGCTGGTAT	157961
Sbjct	14821	CAGAGAGAGAGAGGCAGATAGAGGGATTCAAGTTCCTTTTAATTTTAGTTTTGCTGGTAT	14880
Query	157966	GTAATTATTAATTTCTGTGTTTCTTGGATATAGTTAGCCTCTGTCTATGTCTATCTAC	158021
Sbjct	14881	GTAATTATTAATTTCTGTGTTTCTTGGATATAGTTAGCCTCTGTCTATGTCTATCTAC	14940
Query	158026	TGTCCTTCTCCTATCCTCTGTAGGGCAGGATTAGTGAAAAGATATTGATTAAATTTGATT	158081
Sbjct	14941	TGTCCTTCTCCTATCCTCTGTAGGGCAGGATTAGTGAAAAGATATTGATTAAATTTGATT	15000

Query	158086	TTATCATGGAATATCAGGATTTACCATCACCATATATAGTGATTGAAAGTTTGTCTGGT	158145
Sbjct	15001	TTATCATGGAATATCAGGATTTACCATCACCATATATAGTGATTGAAAGTTTGTCTGGT	15060
Query	158146	ATATCAGTCTTGGCTGACATCCATAGTCTTGTAAGTGTGGCCAGACATTTTCTAGGTCC	158205
Sbjct	15061	ATATCAGTCTTGGCTGACATCCATAGTCTTGTAAGTGTGGCCAGACATTTTCTAGGTCC	15120
Query	158206	TTATGGTGTTTAGAGTCTCTGTTGAGAAGTTGTGTATATTTTAAGACATGTTACTTGGT	158265
Sbjct	15121	TTATGGTGTTTAGAGTCTCTGTTGAGAAGTTGTGTATATTTTAAGACATGTTACTTGGT	15180
Query	158266	CTTTTCCCTTTAAGCTTTTAATTTTCTTTGTTCTATACATTTAATGGTTTGATTATTATG	158325
Sbjct	15181	CTTTTCCCTTTAAGCTTTTAATTTTCTTTGTTCTATACATTTAATGGTTTGATTATTATG	15240
Query	158326	TGGCAGGAGGATTTTCTTTTCTGGTGCACCTCTATTTGATGTTCTATAAGCTTCCTGTACA	158385
Sbjct	15241	TGGCAGGAGGATTTTCTTTTCTGGTGCACCTCTATTTGATGTTCTATAAGCTTCCTGTACA	15300
Query	158386	TTTATAACCATCTCTTTCTTAAGGTAGTAAATTTTCTCTGTGATTTTGTAAAGATGT	158445
Sbjct	15301	TTTATAACCATCTCTTTCTTAAGGTAGTAAATTTTCTCTGTGATTTTGTAAAGATGT	15360
Query	158446	TTTCTGGGCCTTTGAGCTGGAAATTTTCTTCTACTCCTATTATTCTTAGTTTTCATCTTT	158505
Sbjct	15361	TTTCTGGGCCTTTGAGCTGGAAATTTTCTTCTACTCCTATTATTCTTAGTTTTCATCTTT	15420
Query	158506	TCACAGTGTCCCAAATTTTCAGAATTTTGTGCCAGTAACTTTTAGATTTAACATTTTA	158565
Sbjct	15421	TCACAGTGTCCCAAATTTTCAGAATTTTGTGCCAGTAACTTTTAGATTTAACATTTTA	15480
Query	158566	TTTGACTGATGTTATCAATGTCTTCTGTTGTATCTTCTACACTTCAGATTCTCTCTCCA	158625
Sbjct	15481	TTTGACTGATGTTATCAATGTCTTCTGTTGTATCTTCTACACTTCAGATTCTCTCTCCA	15540
Query	158626	TCTCTTATAGTCGGTGATGCCTGCATCTTGTTCCTGTCTCTGCCATAGGTTTTCAT	158685
Sbjct	15541	TCTCTTATAGTCGGTGATGCCTGCATCTTGTTCCTGTCTCTGCCATAGGTTTTCAT	15600
Query	158686	CTCCAGGATTTCTCAGTTTGTGTTTTCGTTATTGCTTCTATTTCTATTTTCAGGTCTTG	158745
Sbjct	15601	CTCCAGGATTTCTCAGTTTGTGTTTTCGTTATTGCTTCTATTTCTATTTTCAGGTCTTG	15660
Query	158746	AGAAGttttatttcattttcttccaccttttggattgtattttcttgtacttatttatattt	158805
Sbjct	15661	AGAAGTTTTATTCAATTTCTTCACTTTTGTATTGTATTTTCTTGTACTTATTTATATTT	15720
Query	158806	gtttgttttagtctttaAGGGTTTCTACCTGTTTAAATTGTATTCTCCTATATTTCTGTAA	158865
Sbjct	15721	GTTTGTTTTAGTCTTTAAGGGTTTCTACCTGTTTAAATTGTATTCTCCTATATTTCTGTAA	15780
Query	158866	GAAACTTATTTCTCTTTAAAGGTCTCTGATTGTCTTCATAAAATTAAATTTAAGGTCAT	158925
Sbjct	15781	GAAACTTATTTCTCTTTAAAGGTCTCTGATTGTCTTCATAAAATTAAATTTAAGGTCAT	15840
Query	158926	CTTCTTCCACTTCCCGTGCATTAGAATCTTCAGTGTGTGCTGTAATAGGATAGCTGGGTT	158985
Sbjct	15841	CTTCTTCCACTTCCCGTGCATTAGAATCTTCAGTGTGTGCTGTAATAGGATAGCTGGGTT	15900
Query	158986	TTGATGGTGTCAATATTGCTCTGACCTATGTTGATTGTGTTCTTTGTTGGTCTTTATTCA	159045
Sbjct	15901	TTGATGGTGTCAATATTGCTCTGACCTATGTTGATTGTGTTCTTTGTTGGTCTTTATTCA	15960
Query	159046	TTTGTGTCCCTAGAGTTGGCAGCCCTGGTAAACCCTCAAGGCAGCAGGCTTCTGTGGCT	159105
Sbjct	15961	TTTGTGTGTCCCTAGAGTTGGCAGCCCTGGTAAACCCTCAAGGCAGCAGGCTTCTGTGGCT	16020
Query	159106	GCAGATAGAGCTGGTTCTCTGGTTGGGAGCAGTCTTCAAAGGATGCAGGCAGAATTGTAG	159165
Sbjct	16021	GCAGATAGAGCTGGTTCTCTGGTTGGGAGCAGTCTTCAAAGGATGCAGGCAGAATTGTAG	16080
Query	159166	CCTGAGAAAATAGGGTGTCTGATTCTGGATTGCAGGTATAGACCAGAAGACAGAATGACAG	159225
Sbjct	16081	CCTGAGAAAATAGGGTGTCTGATTCTGGATTGCAGGTATAGACCAGAAGACAGAATGACAG	16140
Query	159226	AAGGACAGGGAAGACCTCATAGTTGCTAGACTCAGAAGGCAGGGGTTGGAGTTGGAGTTG	159285
Sbjct	16141	AAGGACAGGGAAGACCTCATAGTTGCTAGACTCAGAAGGCAGGGGTTGGAGTTGGAGTTG	16200
Query	159286	GGTGTGCCAGGTGGTTGCAGTCCTCAAGGAAGCAGTTGAACTGGTAGCCTACTTATCA	159345
Sbjct	16201	GGTGTGCCAGGTGGTTGCAGTCCTCAAGGAAGCAGTTGAACTGGTAGCCTACTTATCA	16260
Query	159346	AAGGTGTCTGCAGGTCTCCACGGACACAGGTGGAGAGTGTAATGAAGATCTGGGATTGCA	159405
Sbjct	16261	AAGGTGTCTGCAGGTCTCCACGGACACAGGTGGAGAGTGTAATGAAGATCTGGGATTGCA	16320
Query	159406	GGTGTGGACTAGAAGATGCTTTCAGAGGGCATAGACTGtttttttttttCCTTCGAAGGGA	159465



Sbjct	16321	GGTGTGGACTAGAAGATGCTTTGCAGAGGGCATAGACTGTTTTTTTTTCCTTCGAAGGGA	16380
Query	159466	AGGTTGTAAGAATGGATGGTAGATACAAAAGGACAGGAAGATGAGTGGTGGTATTGGGGT	159525
Sbjct	16381	AGGTTGTAAGAATGGATGGTAGATACAAAAGGACAGGAAGATGAGTGGTGGTATTGGGGT	16440
Query	159526	ACATGGTGTAAAATTACAAAAGAAGtttttttttcatctttattaacttgggcatcttctt	159585
Sbjct	16441	ACATGGTGTAAAATTACAAAAGAAGTTTTTTTTTTCATCTTTATTAACCTGGGCATTTCTT	16500
Query	159586	tcttttttcttttttttttttATTAACCTGACTAATTCCTATTACATTTTCGAGTGTATTTC	159645
Sbjct	16501	TCTTTTCTTTTTTTTTTTTATTAACCTGACTAATTCCTATTACATTTTCGAGTGTATTTC	16560
Query	159646	CCTTTCCCGGTTTCCAGGCCAATAtccccctcaccctcctccctcacgttctctataggc	159705
Sbjct	16561	CCTTTCCCGGTTTCCAGGCCAATATCCCCCTCACCCCTCCCCCTCACGTTCTCTATAGGC	16620
Query	159706	ttccactccccatcctccccccATTGCCGCCCTCTCCCCATAGTCTAGTTCACCTGGGGAT	159765
Sbjct	16621	TTCCACTCCCCATCCTCCCCCATTTGCCGCCCTCTCCCCATAGTCTAGTTCACCTGGGGAT	16680
Query	159766	TCAGTCTTGGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGCTATTCAAT	159825
Sbjct	16681	TCAGTCTTGGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGCTATTCAAT	16740
Query	159826	GCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAG	159885
Sbjct	16741	GCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAG	16800
Query	159886	TCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAG	159945
Sbjct	16801	TCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAG	16860
Query	159946	CTCTTCCAGTTCTTTCTCTGACTCCTTCAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTG	160005
Sbjct	16861	CTCTTCCAGTTCTTTCTCTGACTCCTTCAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTG	16920
Query	160006	CTGCTGGCATTCGCCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTTAGGAGCGATCTAC	160065
Sbjct	16921	CTGCTGGCATTCGCCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTTAGGAGCGATCTAC	16980
Query	160066	ATCCATTTCCCTGTCAGCCTGCACTTCCACAAAGAAGTTTTTTAAAAAGAATTTTCAAAAT	160125
Sbjct	16981	ATCCATTTCCCTGTCAGCCTGCACTTCCACAAAGAAGTTTTTTAAAAAGAATTTTCAAAAT	17040
Query	160126	AGGTTACAGATCTGAACAGAAattttttttatgtaattttacattttattttacttggtgtgtt	160185
Sbjct	17041	AGGTTACAGATCTGAACAGAAATTTTTTATGTAATTACATTTTATTACTTGTGTGTTT	17100
Query	160186	tttaatatatttcttttcttttttattggatttcttaaaattggtatatattagatatatttct	160245
Sbjct	17101	TTTAATATTTCTTTTCTTTTTTATTGGATTCTTAAAATTGTTATATTAGATATATTTCT	17160
Query	160246	ttactttttcAAATGTTATTCCCTTTCTGATTTCCGTCCATAGcccctaaccctccct	160305
Sbjct	17161	TTACTTTTCAAATGTTATTCCCTTTCTGATTTCCGTCCATAGCCCCTAACCCCTCCCT	17220
Query	160306	cacacgggtattttccccccacacctcccccttactgccccaccccatattcccctGCACT	160365
Sbjct	17221	CACACGGTTATTTCCCCCACACCTCCCCCTTACTGCCCCACCCCATATTCCCCTGCACT	17280
Query	160366	GGGGGTCCAAAGTGCACTGCCAGGACCAAAGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCCCAACAAGG	160425
Sbjct	17281	GGGGGTCCAAAGTGCACTGCCAGGACCAAAGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCCCAACAAGG	17340
Query	160426	CTATTCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTAAGTCCATGTATAGTCTTTTGGTA	160485
Sbjct	17341	CTATTCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTAAGTCCATGTATAGTCTTTTGGTA	17400
Query	160486	ATGTTTTAGTCCCTGGAAGCTCTGTTTGGTTGGCATTTGTTGTTTTATGGGGTTGCAAGC	160545
Sbjct	17401	ATGTTTTAGTCCCTGGAAGCTCTGTTTGGTTGGCATTTGTTGTTTTATGGGGTTGCAAGC	17460
Query	160546	CCCTTCAGCTCTTGCAATCTTTCCTGTAATTCCCCCAATGGGAATCCTGTCTCAGTTC	160605
Sbjct	17461	CCCTTCAGCTCTTGCAATCTTTCCTGTAATTCCCCCAATGGGAATCCTGTCTCAGTTC	17520
Query	160606	AATGATTTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTGGACATGCTCTGAATGTGTCTCTCAGGA	160665
Sbjct	17521	AATGATTTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTGGACATGCTCTGAATGTGTCTCTCAGGA	17580
Query	160666	GAGATCTATATCCGGTCCCTTTTTCAGCATGCACTTTTTAGCTTCATCAATCTTATCTACTT	160725
Sbjct	17581	GAGATCTATATCCGGTCCCTTTTTCAGCATGCACTTTTTAGCTTCATCAATCTTATCTACTT	17640
Query	160726	TTGGTGGCTGTATATATGTGGGCCACATGTGGGGTAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTGAG	160785
Sbjct	17641	TTGGTGGCTGTATATATGTGGGCCACATGTGGGGTAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTGAG	17700

Query	160786	TCACTGCTCTAAACTTTCTTTCCATATCCCCTCCTGTGGATATTTTTTCCCCTTTAAAGA	160845
Sbjct	17701	TCACTGCTCTAAACTTTCTTTCCATATCCCCTCCTGTGGATATTTTTTCCCCTTTAAAGA	17760
Query	160846	AGGAGCAGGAGCATTTCGTATTTTGGTCATCCTTCTTCTTGAATTTCTGTGGTCTGTGGA	160905
Sbjct	17761	AGGAGCAGGAGCATTTCGTATTTTGGTCATCCTTCTTCTTGAATTTCTGTGGTCTGTGGA	17820
Query	160906	TTGCATCTTGGGTAACCTCGAGCTTATTGGCTAATATTCACCTATCAATGAGTGCATATCA	160965
Sbjct	17821	TTGCATCTTGGGTAACCTCGAGCTTATTGGCTAATATTCACCTATCAATGAGTGCATATCA	17880
Query	160966	AGTGTGTTTTCTGGGATTGAGTTACCTCACTCAGGATGATAGTTTTTAGTTCATTCCATT	161025
Sbjct	17881	AGTGTGTTTTCTGGGATTGAGTTACCTCACTCAGGATGATAGTTTTTAGTTCATTCCATT	17940
Query	161026	TGCCATGAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGATGTACTACATCTTTTAAATCCAT	161085
Sbjct	17941	TGCCATGAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGATGTACTACATCTTTTAAATCCAT	18000
Query	161086	TCCTCTGTTGAAGGGCACCTAGGATCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCT	161145
Sbjct	18001	TCCTCTGTTGAAGGGCACCTAGGATCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCT	18060
Query	161146	ATGAACATAGTGGAGCATGTGTCCTTGTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCC	161205
Sbjct	18061	ATGAACATAGTGGAGCATGTGTCCTTGTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCC	18120
Query	161206	AAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAG	161265
Sbjct	18121	AAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAG	18180
Query	161266	ACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATTCACCTACAATGGAGGAGTGTTCCT	161325
Sbjct	18181	ACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATTCACCTACAATGGAGGAGTGTTCCT	18240
Query	161326	CTTTCTCCTCATCCTTGCCAGCATTGTGCTCACCTGAGTTTTTGATTTTAGCCATTCTG	161385
Sbjct	18241	CTTTCTCCTCATCCTTGCCAGCATTGTGCTCACCTGAGTTTTTGATTTTAGCCATTCTG	18300
Query	161386	ACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTTTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAAAGAT	161445
Sbjct	18301	ACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTTTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAAAGAT	18360
Query	161446	GTTGAACATTTCTTTAGGTGATTTTTGGCCATTGATAATCCTCAGCTGAGAATGTTTTG	161505
Sbjct	18361	GTTGAACATTTCTTTAGGTGATTTTTGGCCATTGATAATCCTCAGCTGAGAATGTTTTG	18420
Query	161506	TTTAGCTCTGAATCCCAatttttttttttttggttctttttttCAGAGCTGGGGACCAAACC	161565
Sbjct	18421	TTTAGCTCTGAATCCCAatttttttttttttggttctttttttCAGAGCTGGGGACCAAACC	18480
Query	161566	CAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGAAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGA	161625
Sbjct	18481	CAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGAAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCTGA	18540
Query	161626	ATCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTAGAGTCTAACTTCTTGAGTTTTTTGTAT	161685
Sbjct	18541	ATCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTAGAGTCTAACTTCTTGAGTTTTTTGTAT	18600
Query	161686	ATTTTGGCTATTTTCCCTCTATCAGATATAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGAT	161745
Sbjct	18601	ATTTTGGCTATTTTCCCTCTATCAGATATAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGAT	18660
Query	161746	GTTTTCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATG	161805
Sbjct	18661	GTTTTCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATG	18720
Query	161806	AGGTCCCATTATCAATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCAGGAAC	161865
Sbjct	18721	AGGTCCCATTATCAATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCAGGAAC	18780
Query	161866	TTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTCGAGACTCTTCCCCGCTTTTTCTTCTAATAGTTTGAGT	161925
Sbjct	18781	TTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTCGAGACTCTTCCCCGCTTTTTCTTCTAATAGTTTGAGT	18840
Query	161926	GTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTCGACTTAAGCTTTGTACAGGGAGAT	161985
Sbjct	18841	GTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTCGACTTAAGCTTTGTACAGGGAGAT	18900
Query	161986	AAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTAAACCAGCACCATTG	162045
Sbjct	18901	AAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTTAAACCAGCACCATTG	18960
Query	162046	TTGAAAATGCTATCCCTTTTCCATTGGATGGTTTTAGCTCCTTTGTCTGAAGATCAAGTGA	162105
Sbjct	18961	TTGAAAATGCTATCCCTTTTCCATTGGATGGTTTTAGCTCCTTTGTCTGAAGATCAAGTGA	19020
Query	162106	CCATAGGTGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTGTTCCTGCTCTATCTGTCTGTCTCTG	162165

Sbjct	19021	CCATAGGTGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTGTTCCACTGGTCTATCTGTCTGTCTCTG	19080
Query	162166	TACCAATACAATGCAATTTTTTATCACTACTGCTCTGTAATACTGTTTGAGTTCAGGGAT	162225
Sbjct	19081	TACCAATACAATGCAATTTTTTATCACTACTGCTCTGTAATACTGTTTGAGTTCAGGGAT	19140
Query	162226	AGTGATTACCCGGATTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTGT	162285
Sbjct	19141	AGTGATTACCCGGATTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTGT	19200
Query	162286	TATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTATCTCTATAAAGAATTGAGTAGGAATTT	162345
Sbjct	19201	TATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTATCTCTATAAAGAATTGAGTAGGAATTT	19260
Query	162346	TGATCGGGATTGTATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGCAAAATGGCCATCTTTACTATAT	162405
Sbjct	19261	TGATCGGGATTGTATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGCAAAATGGCCATCTTTACTATAT	19320
Query	162406	TAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCTACCTCAATTTCTTTCTTCAG	162465
Sbjct	19321	TAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCTACCTCAATTTCTTTCTTCAG	19380
Query	162466	AGTCTTCAAGTTCCTTGTCATGCAAATCTTTCGCTAGCTTGGTTAAAGTTTCACCAACATA	162525
Sbjct	19381	AGTCTTCAAGTTCCTTGTCATGCAAATCTTTCGCTAGCTTGGTTAAAGTTTCACCAACATA	19440
Query	162526	TTTTATATTACTTGGGGCTATTGTGAAGAGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCAGTCTG	162585
Sbjct	19441	TTTTATATTACTTGGGGCTATTGTGAAGAGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCAGTCTG	19500
Query	162586	TTTATCCTTTTGTTAGAGGAAGGCTATTGCTTTGTTTGAGTTAATTTTTTACCCTGACAG	162645
Sbjct	19501	TTTATCCTTTTGTTAGAGGAAGGCTATTGCTTTGTTTGAGTTAATTTTTTACCCTGACAG	19560
Query	162646	TTGGCTGAAGTTGTTTATCAGGTAAGTTCCTCTGGTGGAACTTTGGGGTCACCTTAA	162705
Sbjct	19561	TTGGCTGAAGTTGTTTATCAGGTAAGTTCCTCTGGTGGAACTTTGGGGTCACCTTAA	19620
Query	162706	GTACACTATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTTGATTTCCTCTTCCAAATTTATAT	162765
Sbjct	19621	GTACACTATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTTGATTTCCTCTTCCAAATTTATAT	19680
Query	162766	CCCTTTGACCTCCTTTCACTCTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTTCGAATACTATATTGAA	162825
Sbjct	19681	CCCTTTGACCTCCTTTCACTCTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTTCGAATACTATATTGAA	19740
Query	162826	AAAATAAGAAGAGAGGGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTCAGTGGGATTGCTTCAAG	162885
Sbjct	19741	AAAATAAGAAGAGAGGGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTCAGTGGGATTGCTTCAAG	19800
Query	162886	TTTCTCTCTATTTTGTTTGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATATTTACTATGTTTAGAT	162945
Sbjct	19801	TTTCTCTCTATTTTGTTTGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATATTTACTATGTTTAGAT	19860
Query	162946	ATGGGACTTGAATTCCTGATCCTTATAGGACTTTTATCATGAAGGGTTATTGAATTTTAT	163005
Sbjct	19861	ATGGGACTTGAATTCCTGATCCTTATAGGACTTTTATCATGAAGGGTTATTGAATTTTAT	19920
Query	163006	CAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTTATCTTTGAGTTTGTTTA	163065
Sbjct	19921	CAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTTATCTTTGAGTTTGTTTA	19980
Query	163066	TATAGTGGAATTATATTGATGGATTTTGTATATTTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGA	163125
Sbjct	19981	TATAGTGGAATTATATTGATGGATTTTGTATATTTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGA	20040
Query	163126	AGCCTACTTGATCATGATGGATGATCATTTTGATATGTCTTGAATTCGGTTTGCAAGATT	163185
Sbjct	20041	AGCCTACTTGATCATGATGGATGATCATTTTGATATGTCTTGAATTCGGTTTGCAAGATT	20100
Query	163186	TTTATTGAGTATTTTGCATCAATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTT	163245
Sbjct	20101	TTTATTGAGTATTTTGCATCAATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTT	20160
Query	163246	TGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCAG	163305
Sbjct	20161	TGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCAG	20220
Query	163306	CTGTGCTCCATCTGTTTCTATTTTGTGGAATAGTTTGGTCAGTACTGGTATGAGCTCTTC	163365
Sbjct	20221	CTGTGCTCCATCTGTTTCTATTTTGTGGAATAGTTTGGTCAGTACTGGTATGAGCTCTTC	20280
Query	163366	TATGAAGGTCTGATAGAATCCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGG	163425
Sbjct	20281	TATGAAGGTCTGATAGAATCCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGG	20340
Query	163426	GAGACCTTTAATCACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAAATGGTTTAT	163485
Sbjct	20341	GAGACCTTTAATCACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAAATGGTTTAT	20400

Query	163486	CTGTTCTCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGCAG	163545
Sbjct	20401	CTGTTCTCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGCAG	20460
Query	163546	ATTTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTAAATTCCC	163605
Sbjct	20461	ATTTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGATGATTTTAAATTCCC	20520
Query	163606	TCTGAATCTGTAGTCATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTGGACACACTCT	163665
Sbjct	20521	TCTGAATCTGTAGTCATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTGGACACACTCT	20580
Query	163666	CTGTGTCCTCTCCTTAGTCTGGCTAAAGCTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAAC	163725
Sbjct	20581	CTGTGTCCTCTCCTTAGTCTGGCTAAAGCTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAAC	20640
Query	163726	CAACTTTTGGTTCTGTTGATTCCTTCTATGGTCCTTTTGTTCCTACTTGGTTGATGTCA	163785
Sbjct	20641	CAACTTTTGGTTCTGTTGATTCCTTCTATGGTCCTTTTGTTCCTACTTGGTTGATGTCA	20700
Query	163786	GCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGC	163845
Sbjct	20701	GCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGCTTTTTTTTGT	20760
Query	163846	TCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTG	163905
Sbjct	20761	TCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTG	20820
Query	163906	CAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTTCATTGTGTCCATAAGTTT	163965
Sbjct	20821	CAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTTCATTGTGTCCATAAGTTT	20880
Query	163966	GGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCTTTTG	164025
Sbjct	20881	GGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCTTTTG	20940
Query	164026	ACCAGGTTATCATTGAGTAGATAGTGTATAAATTTGGTTTTGTCGTGGAATATCTTGGTT	164085
Sbjct	20941	ACCAGGTTATCATTGAGTAGATAGTGTATAAATTTGGTTTTGTCGTGGAATATCTTGGTT	21000
Query	164086	TCTCCATCTATGTTAGTTGAGATTTGGGTGCAGGGAGCTGTTTGGCTGGTTCAGTTTGGT	164145
Sbjct	21001	TCTCCATCTATGTTAGTTGAGATTTGGGTGCAGGGAGCTGTTTGGCTGGTTCAGTTTGGT	21060
Query	164146	CCTGGGTGCAGACCAGAACTGCAGGTA	164205
Sbjct	21061	CCTGGGTGCAGACCAGAACTGCAGGTA	21120
Query	164206	TTCCTATATCACTGTGTCCAGAGACACTGTGCAGTTTCTCTTGGACCAGAGATGTGGGC	164265
Sbjct	21121	TTCCTATATCACTGTGTCCAGAGACACTGTGCAGTTTCTCTTGGACCAGAGATGTGGGC	21180
Query	164266	AGAGGTGTGCAAAGGTGGCAGTCTGT	164325
Sbjct	21181	AGAGGTGTGCAAAGGTGGCAGTCTGT	21240
Query	164326	TCAGCTTTCTCTCCCCAGG	164385
Sbjct	21241	TCAGCTTTCTCTCCCCAGGTTTTTTTAAATTAATCATTTTTATTATTACATTTCAAAT	21300
Query	164386	gacaggactg	164445
Sbjct	21301	GACAGGACTGTTTTGTTTTTTTTTATTAACTTGAGTATTTCTTATTACATTTTCGAGT	21360
Query	164446	GTTATTCCCGGTTTCCGGGCAAACA	164505
Sbjct	21361	GTTATTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCCTCCCCCTCCCCTTCTTTATGGGTGTTCCC	21420
Query	164506	ctccccacccatccccattg	164565
Sbjct	21421	CTCCCCACCCATCCCCATTGCCGCCCTCCCCCACCAGTCTAGTTC	21480
Query	164566	TCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGATATTCATTGCTA	164625
Sbjct	21481	TCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGATATTCATTGCTA	21540
Query	164626	CCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCC	164685
Sbjct	21541	CCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCC	21600
Query	164686	TGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCT	164745
Sbjct	21601	TGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCT	21660
Query	164746	TCCAGTTCTTTCTCTGATTCCCTTCAACGGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGTCTGC	164805
Sbjct	21661	TCCAGTTCTTTCTCTGATTCCCTTCAACGGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGTCTGC	21720
Query	164806	TGGCATTTCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCC	164865

Sbjct	21721	TGGCATTGCGCTCTGTATTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCC	21780
Query	164866	GACTCCTGTCGGTCTGCACGTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATA	164925
Sbjct	21781	GACTCCTGTCGGTCTGCACGTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATA	21840
Query	164926	TGTATGGGCCACATGTGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTCAGTCTCTGTTTTAATC	164985
Sbjct	21841	TGTATGGGCCACATGTGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTCAGTCTCTGTTTTAATC	21900
Query	164986	TTTGCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAGTGAAGC	165045
Sbjct	21901	TTTGCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAGTGAAGC	21960
Query	165046	ATTCACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAC	165105
Sbjct	21961	ATTCACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAC	22020
Query	165106	GCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTG	165165
Sbjct	22021	GCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTG	22080
Query	165166	GGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAACATTTGCCTATGAATTTCATAAA	165225
Sbjct	22081	GGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAACATTTGCCTATGAATTTCATAAA	22140
Query	165226	GTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGTGCCACATTTTCTGTAT	165285
Sbjct	22141	GTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGTGCCACATTTTCTGTAT	22200
Query	165286	CCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATGAATAAGGC	165345
Sbjct	22201	CCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATGAATAAGGC	22260
Query	165346	TGTGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATAT	165405
Sbjct	22261	TGTGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATAT	22320
Query	165406	GCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGAC	165465
Sbjct	22321	GCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGAC	22380
Query	165466	TGATTTCCAGAATGGTTTTTACCAGTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCT	165525
Sbjct	22381	TGATTTCCAGAATGGTTTTTACCAGTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCT	22440
Query	165526	TTCTCCGCATCCTCACCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTTGTATCTTAGCCATTCTCAC	165585
Sbjct	22441	TTCTCCGCATCCTCACCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTTGTATCTTAGCCATTCTCAC	22500
Query	165586	TGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTGTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGT	165645
Sbjct	22501	TGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTGTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGT	22560
Query	165646	TGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCCGCATTCTCAGCTGTGAATCTTTGTT	165705
Sbjct	22561	TGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCCGCATTCTCAGCTGTGAATCTTTGTT	22620
Query	165706	TAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAG	165765
Sbjct	22621	TAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAG	22680
Query	165766	TTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTC	165825
Sbjct	22681	TTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTC	22740
Query	165826	CCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACAACAGTGTAATTTGCCTTACAGAGGCTTTG	165885
Sbjct	22741	CCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACAACAGTGTAATTTGCCTTACAGAGGCTTTG	22800
Query	165886	CAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCCATTCTTGATCTTAGAGCGTAAGCCATTGGTGTTTT	165945
Sbjct	22801	CAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCCATTCTTGATCTTAGAGCGTAAGCCATTGGTGTTTT	22860
Query	165946	GTTTAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTAT	166005
Sbjct	22861	GTTTAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTAT	22920
Query	166006	TAGTTTGAGTGTGTCTAGTTTGATGTGGAGGTCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGT	166065
Sbjct	22921	TAGTTTGAGTGTGTCTAGTTTGATGTGGAGGTCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGT	22980
Query	166066	ACAGGGTGACAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCA	166125
Sbjct	22981	ACAGGGTGACAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCA	23040
Query	166126	GCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTTCATTTGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAA	166185
Sbjct	23041	GCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTTCATTTGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAA	23100

Query	166186	AATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTC	166245
Sbjct	23101	AATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTC	23160
Query	166246	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTG	166305
Sbjct	23161	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTG	23220
Query	166306	CTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCTCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGC	166365
Sbjct	23221	CTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCTCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGC	23280
Query	166366	TATCCTGGGTTTTTTGTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAA	166425
Sbjct	23281	TATCCTGGGTTTTTTGTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAA	23340
Query	166426	GAATTGGATTGGTATTTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATCGCTTTTGGTAGAAT	166485
Sbjct	23341	GAATTGGATTGGTATTTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATCGCTTTTGGTAGAAT	23400
Query	166486	GGCCATTTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCTTCT	166545
Sbjct	23401	GGCCATTTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCTTCT	23460
Query	166546	GAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTCAC	166605
Sbjct	23461	GAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTCAC	23520
Query	166606	TTGCTTGGTTAAAGTCACAACGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGT	166665
Sbjct	23521	TTGCTTGGTTAAAGTCACAACGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGT	23580
Query	166666	CGTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTT	166725
Sbjct	23581	CGTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTT	23640
Query	166726	ATTTGAGTTAATTTTATACCCAAGGACTGTTAAtttttttAAAAATGATAATTGTCTCTG	166785
Sbjct	23641	ATTTGAGTTAATTTTATACCCAAGGACTGTTATTTTTTAAAAAATGATAATTGTCTCTG	23700
Query	166786	AAAATTTTTGGCTACGTGAGGTATTATCAgttttttgtttgtttgtttgtttgtttgt	166845
Sbjct	23701	AAAATTTTTGGCTACGTGAGGTATTATCAGTTTTTTGTTTGTGTTGTTGTTTGTGTTTGT	23760
Query	166846	tttgtttttcctttctcttggtgtttttgAACAAAGAACAGTTAAGGTAACAGATTCTGGTT	166905
Sbjct	23761	TTTGTTTTCTTTCTTTGTTGTTTTTGAACAAAGAACAGTTAAGGTAACAGATTCTGGTT	23820
Query	166906	ATCCGCATAATATTTTAGGATAACACATAATAGGCATCCAAGTGGGAGCAAGTCCAAGCT	166965
Sbjct	23821	ATCCGCATAATATTTTAGGATAACACATAATAGGCATCCAAGTGGGAGCAAGTCCAAGCT	23880
Query	166966	GGACTCGATAAATCCTATTTGGAATCCATTCTGTGACTGTCATAAATTTGCAAACGAAA	167025
Sbjct	23881	GGACTCGATAAATCCTATTTGGAATCCATTCTGTGACTGTCATAAATTTGCAAACGAAA	23940
Query	167026	GCaaaaaaagaaaaaaTAATTGGCTTCACAGCTGGGTCATGGCTAGAGTGAGGACAATCT	167085
Sbjct	23941	GCAAAAAAAGAAAAAATAATTGGCTTCACAGCTGGGTCATGGCTAGAGTGAGGACAATCT	24000
Query	167086	GCTTCCACAGTGCTCAGGAGGGGAGCATGTCTGCAACTTGAGCCAAGAAATTGAACATG	167145
Sbjct	24001	GCTTCCACAGTGCTCAGGAGGGGAGCATGTCTGCAACTTGAGCCAAGAAATTGAACATG	24060
Query	167146	GCCACCAAATCATGCTCCTTCTGCGACCAACAGATTCCCTGCTATGTGTAAATCATGTCCC	167205
Sbjct	24061	GCCACCAAATCATGCTCCTTCTGCGACCAACAGATTCCCTGCTATGTGTAAATCATGTCCC	24120
Query	167206	TGTGGTTATATATTTATTAGCAGTACAAAATGCAAAGCATTTCAGAGAAATCACCACCATC	167265
Sbjct	24121	TGTGGTTATATATTTATTAGCAGTACAAAATGCAAAGCATTTCAGAGAAATCACCACCATC	24180
Query	167266	TACAGAAAACAAGCATGAGGCCAAGAGGAGGTGAACAGAGAGAGTTAGGTGAGAGAAGAT	167325
Sbjct	24181	TACAGAAAACAAGCATGAGGCCAAGAGGAGGTGAACAGAGAGAGTTAGGTGAGAGAAGAT	24240
Query	167326	AAATTCTATAGTAAATAAAGATTTAGAAAACAGAAAGAGATCTCAAAGTAACAGTCATT	167385
Sbjct	24241	AAATTCTATAGTAAATAAAGATTTAGAAAACAGAAAGAGATCTCAAAGTAACAGTCATT	24300
Query	167386	AGATCATATCAGATGAGgaagaagacctaaaagttcatctgccaaaaaacacaaggaaga	167445
Sbjct	24301	AGATCATATCAGATGAGGAAGAAGACCTAAAAGTTCATCTGCCAAAAAACACAAGGAAGA	24360
Query	167446	aagagaaaaacaggaaaaggaaaTTGACATCTATGCTAACCTCTCTGATGAGAAGGCTTC	167505
Sbjct	24361	AAGAGAAAAACAGGAAAAGGAAATTGACATCTATGCTAACCTCTCTGATGAGAAGGCTTC	24420
Query	167506	ATGTTTTTCAGATGCCTTGGCAAAGTAAATAGAAAAATTATCAAGCAAAGACTTATTCTC	167565

Sbjct	24421	ATGTTTTTCAGATGCCTTGGCAAAAGTAAATAGAAAAATTATCAAGCAAAGACTTATTCTC	24480
Query	167566	TGATATTTGTCTTCAAAATCTGTGCGCCACTTTCTTCAGGATTACATCAGCAAATGCTCAG	167625
Sbjct	24481	TGATATTTGTCTTCAAAATCTGTGCGCCACTTTCTTCAGGATTACATCAGCAAATGCTCAG	24540
Query	167626	ACAGTCGTGGACTCAGACTGTAGAGTGAGGGCCATTGATTGCTTTTCTCTGTTTTCTAGT	167685
Sbjct	24541	ACAGTCGTGGACTCAGACTGTAGAGTGAGGGCCATTGATTGCTTTTCTCTGTTTTCTAGT	24600
Query	167686	CTGTTGCCACACTTTGGGAGCCAAGCCACGCGTTTAGACTTTACTGGGATTTCCTGTTTA	167745
Sbjct	24601	CTGTTGCCACACTTTGGGAGCCAAGCCACGCGTTTAGACTTTACTGGGATTTCCTGTTTA	24660
Query	167746	CCAAGGATTATTATCAGCGTTGTGTGTTGGGATTTACTAAATTTATTTATATAAACAAAC	167805
Sbjct	24661	CCAAGGATTATTATCAGCGTTGTGTGTTGGGATTTACTAAATTTATTTATATAAACAAAC	24720
Query	167806	AAACCTACCCCAAAATCCCTAGTAACTAGATATATATTTATAGATGGAGGTGGGGTGGGA	167865
Sbjct	24721	AAACCTACCCCAAAATCCCTAGTAACTAGATATATATTTATAGATGGAGGTGGGGTGGGA	24780
Query	167866	TAGGAGTGTTGTGGAAGTATACAGGTGACATACTTGGTAGTTTTTCAGGTCTGCACCAGAG	167925
Sbjct	24781	TAGGAGTGTTGTGGAAGTATACAGGTGACATACTTGGTAGTTTTTCAGGTCTGCACCAGAG	24840
Query	167926	ATGCAGTGTCTAAAGTCCTGTCATGAGAGTGACTTTTAAATGTATGTATTTTCAGGCTTTC	167985
Sbjct	24841	ATGCAGTGTCTAAAGTCCTGTCATGAGAGTGACTTTTAAATGTATGTATTTTCAGGCTTTC	24900
Query	167986	ACCATTAACAGATACATATATACATTTAAAGGCCATTGACCTTTAATATGTTGGTAATTG	168045
Sbjct	24901	ACCATTAACAGATACATATATACATTTAAAGGCCATTGACCTTTAATATGTTGGTAATTG	24960
Query	168046	ATATTTTATTGAATGGAGAATTACAAATATAGATTATAAATTGTCTTTAATTGACCATTA	168105
Sbjct	24961	ATATTTTATTGAATGGAGAATTACAAATATAGATTATAAATTGTCTTTAATTGACCATTA	25020
Query	168106	TCTTGGATGCCATTTTAATGTTTTAAGATAGTAGTTATATTTTCAGAACTTTCTAGAAA	168165
Sbjct	25021	TCTTGGATGCCATTTTAATGTTTTAAGATAGTAGTTATATTTTCAGAACTTTCTAGAAA	25080
Query	168166	GTTTGGAAATTTAAGCGCTATATGAAGAAAAGCATTTAAGGCTGAATCATATTTTCAGATA	168225
Sbjct	25081	GTTTGGAAATTTAAGCGCTATATGAAGAAAAGCATTTAAGGCTGAATCATATTTTCAGATA	25140
Query	168226	TAAGCACCTTGTTTTCTTGAATGTTTACTTACTGGTTTTTaaaaaaaaaCTTTTCTGTTATC	168285
Sbjct	25141	TAAGCACCTTGTTTTCTTGAATGTTTACTTACTGGTTTTTAAAAAAAAACTTTTCTGTTATC	25200
Query	168286	AAGATGGTGCCTGTTAACCTAAACACAGATATATTTATTATATAAAATTGCAAAATATTTTC	168345
Sbjct	25201	AAGATGGTGCCTGTTAACCTAAACACAGATATATTTATTATATAAAATTGCAAAATATTTTC	25260
Query	168346	TTAACTACTTGTGAACAATGATGTTTTGTCTGAATAAATGCTCATTTATACATAATTCTT	168405
Sbjct	25261	TTAACTACTTGTGAACAATGATGTTTTGTCTGAATAAATGCTCATTTATACATAATTCTT	25320
Query	168406	GTAATTATTTTAACTGTTACCTCATCTGGGAAAAATAAACCTTAATATTGAAAATGAAT	168465
Sbjct	25321	GTAATTATTTTAACTGTTACCTCATCTGGGAAAAATAAACCTTAATATTGAAAATGAAT	25380
Query	168466	AGATTTaaaaaaaaaGTAAGAATTGCTGGTCAATATTTATCTGAATCTTAGACTAGCTGGT	168525
Sbjct	25381	AGATTTAAAAAAAAAGTAAGAATTGCTGGTCAATATTTATCTGAATCTTAGACTAGCTGGT	25440
Query	168526	ATGGTGTATTTTCTGTTTTGAAGTCTGGAAAATGTGGATAGCTGTTAGGATAGACCAGA	168585
Sbjct	25441	ATGGTGTATTTTCTGTTTTGAAGTCTGGAAAATGTGGATAGCTGTTAGGATAGACCAGA	25500
Query	168586	CATGGTTATTTAACCCAATATTTGGGTAGAAAAGATGTTATCTTGTCTGCTTGTGTTGGGAA	168645
Sbjct	25501	CATGGTTATTTAACCCAATATTTGGGTAGAAAAGATGTTATCTTGTCTGCTTGTGTTGGGAA	25560
Query	168646	CAGTTGGGTATATGAAAGAGGGTGATCATTTGTGTTTATCTTGTCTCCTGTGACTGCATG	168705
Sbjct	25561	CAGTTGGGTATATGAAAGAGGGTGATCATTTGTGTTTATCTTGTCTCCTGTGACTGCATG	25620
Query	168706	AACATTCTTTATTGTTACTACTTCAATACTGTTTTCTATGTTTTGTGGCATAAATTTGTG	168765
Sbjct	25621	AACATTCTTTATTGTTACTACTTCAATACTGTTTTCTATGTTTTGTGGCATAAATTTGTG	25680
Query	168766	GCAGTGGTGGGAGCAAGCAGGGAAGACAGTAAGGAAGTTACTGCATTTGCAACATTCATG	168825
Sbjct	25681	GCAGTGGTGGGAGCAAGCAGGGAAGACAGTAAGGAAGTTACTGCATTTGCAACATTCATG	25740
Query	168826	TTCTTTATCAGCAAGTCTCTCAGTTCCTCTCCTGCATCATCTTATGCACCTACACTGGTCT	168885
Sbjct	25741	TTCTTTATCAGCAAGTCTCTCAGTTCCTCTCCTGCATCATCTTATGCACCTACACTGGTCT	25800

Query	168886	CTAGCTTTTACTACTCTCATATTTCTAGAGTTGGGCAATGCTGGTATATCATCATGCTGC	168945
Sbjct	25801	CTAGCTTTTACTACTCTCATATTTCTAGAGTTGGGCAATGCTGGTATATCATCATGCTGC	25860
Query	168946	CCCTATAGGCACTATTATAACCCCTTGACTCTGAGAAGTCTTGTGCACTCCTTCCTCACCA	169005
Sbjct	25861	CCCTATAGGCACTATTATAACCCCTTGACTCTGAGAAGTCTTGTGCACTCCTTCCTCACCA	25920
Query	169006	GGACCTAGAATCCACTATACATAACTGCTACTACCATAACTGCAGCCACTGCTACTGGCT	169065
Sbjct	25921	GGACCTAGAATCCACTATACATAACTGCTACTACCATAACTGCAGCCACTGCTACTGGCT	25980
Query	169066	ATGACCTCAGCTGTTGCTTGCAATCTGCTACTCCCTTTTAGCCAGGGCACAGAATTTCTC	169125
Sbjct	25981	ATGACCTCAGCTGTTGCTTGCAATCTGCTACTCCCTTTTAGCCAGGGCACAGAATTTCTC	26040
Query	169126	ATCTCTAAGTCTTCTTTTTACTCTACTTTCTCTGGTCCCTCTCCATTGTTATTGGAATCA	169185
Sbjct	26041	ATCTCTAAGTCTTCTTTTTACTCTACTTTCTCTGGTCCCTCTCCATTGTTATTGGAATCA	26100
Query	169186	ATTTTATAGGGATTTCATCATCTTTTTGGTATGGATACTACTAAGTATCATGTATTATTTT	169245
Sbjct	26101	ATTTTATAGGGATTTCATCATCTTTTTGGTATGGATACTACTAAGTATCATGTATTATTTT	26160
Query	169246	ACGCTGCTCTACTTTATTAAAGGCTAACTCTAGGGTTAGGTTATGGCCACCTGACCTACA	169305
Sbjct	26161	ACGCTGCTCTACTTTATTAAAGGCTAACTCTAGGGTTAGGTTATGGCCACCTGACCTACA	26220
Query	169306	ACAGAAAGAAAAACAAAACAAAGCAACCCCACTGAAAACCAACTAACTAGTGTACTATT	169365
Sbjct	26221	ACAGAAAGAAAAACAAAACAAAGCAACCCCACTGAAAACCAACTAACTAGTGTACTATT	26280
Query	169366	CCCACTGGAGAGTATTGTCACCTCATCTCATATTCTATTTGGTTTTATTTACCTTTCTAAG	169425
Sbjct	26281	CCCACTGGAGAGTATTGTCACCTCATCTCATATTCTATTTGGTTTTATTTACCTTTCTAAG	26340
Query	169426	ACATTTGCCAAAGCATATACTTTATCTTGATATTTATATTAAATTTTTATGTAAGTTTAT	169485
Sbjct	26341	ACATTTGCCAAAGCATATACTTTATCTTGATATTTATATTAAATTTTTATGTAAGTTTAT	26400
Query	169486	TTGATATGGTTAAAAATCTGTAAAATCTGCAACAAAGGTTAGCTTAAAACCTACAACAAA	169545
Sbjct	26401	TTGATATGGTTAAAAATCTGTAAAATCTGCAACAAAGGTTAGCTTAAAACCTACAACAAA	26460
Query	169546	AAAGATGATAATTAAAAATATATACATGGGTAATCATAATTTACTATAGCCTGTTGAATAT	169605
Sbjct	26461	AAAGATGATAATTAAAAATATATACATGGGTAATCATAATTTACTATAGCCTGTTGAATAT	26520
Query	169606	ATAATTTGGGTTCAACTCttttttttttataatctcagtttcatttcttttttcttttt	169665
Sbjct	26521	ATAATTTGGGTTCAACTCttttttttttTATAATCTCAGTTTCATTTCTTTTCTTTTTT	26580
Query	169666	ttttttATTAACTTGAGTATTTCTTATTTACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTT	169725
Sbjct	26581	TTTTTTATTAACTTGAGTATTTCTTATTTACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTT	26640
Query	169726	CCGGGAAAACAtccccctccccctcccccttctctatgggtgttccccctcccaaccctccc	169785
Sbjct	26641	CCGGGAAAACATCCCCCTCCCCCTCCCCCTTCTCTATGGGTGTTCCCCCTCCCAACCCTCCC	26700
Query	169786	ccccattgccgccccctccccccAACAATCTAGTTCACTGGGGGTTCAGCCTTAGCAGGACC	169845
Sbjct	26701	CCCCATTGCCGCCCTCCCCCAACAATCTAGTTCACTGGGGGTTCAGCCTTAGCAGGACC	26760
Query	169846	CAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCAATTGCTACCTATGGGGTCAG	169905
Sbjct	26761	CAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCAATTGCTACCTATGGGGTCAG	26820
Query	169906	AGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGT	169965
Sbjct	26821	AGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGT	26880
Query	169966	TGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCT	170025
Sbjct	26881	TGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCT	26940
Query	170026	CTGATTCCCTTCAATGGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTC	170085
Sbjct	26941	CTGATTCCCTTCAATGGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTC	27000
Query	170086	TGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGACCTACATCCGGCTCCTGTCAGC	170145
Sbjct	27001	TGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGACCTACATCCGGCTCCTGTCAGC	27060
Query	170146	CTGCACTTCTTTGCTTCATCCATATTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACA	170205
Sbjct	27061	CTGCACTTCTTTGCTTCATCCATATTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACA	27120
Query	170206	TGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCT	170265



Sbjct	27121	TGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCT	27180
Query	170266	TCCCTGCCAAGTGTATTCTTGTTCCCTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGA	170325
Sbjct	27181	TCCCTGCCAAGTGTATTCTTGTTCCCTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGA	27240
Query	170326	TCATCCGTCTTGAGTTTCATTGTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGTTGGCTAA	170385
Sbjct	27241	TCATCCGTCTTGAGTTTCATTGTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGTTGGCTAA	27300
Query	170386	TAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGTACCTCACTC	170445
Sbjct	27301	TAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGTACCTCACTC	27360
Query	170446	AGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTGTCCTACGAATTCATAAAGTCGTTGTTTTTG	170505
Sbjct	27361	AGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTGTCCTACGAATTCATAAAGTCGTTGTTTTTG	27420
Query	170506	ATAGCTGAGTAATATTCCATTGTATAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTT	170565
Sbjct	27421	ATAGCTGAGTAATATTCCATTGTATAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTT	27480
Query	170566	GAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAACATA	170625
Sbjct	27481	GAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAACATA	27540
Query	170626	GTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGT	170685
Sbjct	27541	GTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGT	27600
Query	170686	ATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	170745
Sbjct	27601	ATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	27660
Query	170746	TTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCT	170805
Sbjct	27661	TTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCT	27720
Query	170806	CCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGT	170865
Sbjct	27721	CCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGT	27780
Query	170866	GTGAGGTGAAATCTCAGGGTTATTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAA	170925
Sbjct	27781	GTGAGGTGAAATCTCAGGGTTATTTTGATTGTCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAA	27840
Query	170926	CATTTCTTTAGTGTTTTCTCAGCCATTCCGGCATTCCCTCAGCTGCGAATTCTTTGTTTAGC	170985
Sbjct	27841	CATTTCTTTAGTGTTTTCTCAGCCATTCCGGCATTCCCTCAGCTGCGAATTCTTTGTTTAGC	27900
Query	170986	TCTGAACCTATTTTTAATAGGGTTATTTGACTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTT	171045
Sbjct	27901	TCTGAACCTATTTTTAATAGGGTTATTTGACTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTT	27960
Query	171046	TGTATATTTTGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTCCCAAT	171105
Sbjct	27961	TGTATATTTTGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTCCCAAT	28020
Query	171106	CTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTT	171165
Sbjct	28021	CTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTT	28080
Query	171166	TTATGAGATCCCATTTGTGCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCA	171225
Sbjct	28081	TTATGAGATCCCATTTGTGCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCA	28140
Query	171226	GGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGTT	171285
Sbjct	28141	GGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGTT	28200
Query	171286	TGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGG	171345
Sbjct	28201	TGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGG	28260
Query	171346	GTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACC	171405
Sbjct	28261	GTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACC	28320
Query	171406	ATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCA	171465
Sbjct	28321	ATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCA	28380
Query	171466	AGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTCTGCGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCT	171525
Sbjct	28381	AGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTCTGCGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCT	28440
Query	171526	GTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGA	171585
Sbjct	28441	GTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGA	28500

Query	171586	GTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATAGTTGAGGATAGCTTTAGCTATCC	171645
Sbjct	28501	GTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATAGTTGAGGATAGCTTTAGCTATCC	28560
Query	171646	TGGGTTTTTTTGTATTCCAGATGAATTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATT	171705
Sbjct	28561	TGGGTTTTTTTGTATTCCAGATGAATTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATT	28620
Query	171706	GGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAAATGGCCA	171765
Sbjct	28621	GGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAAATGGCCA	28680
Query	171766	TTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTCCATCTTCTGAGGT	171825
Sbjct	28681	TTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTCCATCTTCTGAGGT	28740
Query	171826	CTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCT	171885
Sbjct	28741	CTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCT	28800
Query	171886	TGGTTAAAGTTAAACCGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATTATGATGGGTGTCGTTT	171945
Sbjct	28801	TGGTTAAAGTTAAACCGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATTATGATGGGTGTCGTTT	28860
Query	171946	CCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTG	172005
Sbjct	28861	CCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTG	28920
Query	172006	AGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGCAGTTCTCTGG	172065
Sbjct	28921	AGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGCAGTTCTCTGG	28980
Query	172066	TGGAACCTTTTGGGATCACTTAAATAAACTATCATGTCATCTGCAAATAGTGATATTTTGA	172125
Sbjct	28981	TGGAACCTTTTGGGATCACTTAAATAAACTATCATGTCATCTGCAAATAGTGATATTTTGA	29040
Query	172126	CCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTGTCTGATTGCTCTGGCTA	172185
Sbjct	29041	CCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTGTCTGATTGCTCTGGCTA	29100
Query	172186	GAACCTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGCTCTAGTCCCTG	172245
Sbjct	29101	GAACCTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGCTCTAGTCCCTG	29160
Query	172246	ATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAAATGTTAGCAACTGGTTTGC	172305
Sbjct	29161	ATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAAATGTTAGCAACTGGTTTGC	29220
Query	172306	TGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTATTCTTTCCAGGACTT	172365
Sbjct	29221	TGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTATTCTTTCCAGGACTT	29280
Query	172366	TTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTTTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCA	172425
Sbjct	29281	TTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTTTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCA	29340
Query	172426	TGTGGTTCTGTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCACGTTGATGGTTTTCCGTATAT	172485
Sbjct	29341	TGTGGTTCTGTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCACGTTGATGGTTTTCCGTATAT	29400
Query	172486	TAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGA	172545
Sbjct	29401	TAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGA	29460
Query	172546	TGTGCTCTTGATTCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTTGCGTCGATATTCATAA	172605
Sbjct	29461	TGTGCTCTTGATTCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTTGCGTCGATATTCATAA	29520
Query	172606	GGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAG	172665
Sbjct	29521	GGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAG	29580
Query	172666	TAATTGTGGCTTCGTAGAAGGTATTCTGTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATA	172725
Sbjct	29581	TAATTGTGGCTTCGTAGAAGGTATTCTGTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATA	29640
Query	172726	GTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAGAATTCTGCACTAAACC	172785
Sbjct	29641	GTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAGAATTCTGCACTAAACC	29700
Query	172786	CGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTAAATGACTGCTTCTATTTCTTAG	172845
Sbjct	29701	CGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTAAATGACTGCTTCTATTTCTTAG	29760
Query	172846	GAGTTATGAGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATC	172905
Sbjct	29761	GAGTTATGAGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATC	29820
Query	172906	TGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGAAGATTTTCAAATTTTGTGAATATAGGTTTTTAT	172965

Sbjct	29821	TGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTCTGAAGATTTTCAAATTTTGTTGAATATAGGTTTTTAT	29880
Query	172966	AGTAAGATCTGATGATTTTTTTGAATTTCTCTGAATCTGTAGTTATGTCCTCCCTTTTCAT	173025
Sbjct	29881	AGTAAGATCTGATGATTTTTTTGAATTTCTCTGAATCTGTAGTTATGTCCTCCCTTTTCAT	29940
Query	173026	TTCTGATTTTTGTTAATTTGGACACACTCTCTGTGTCTCTCGTTAGTCTGGCTAAGGGTT	173085
Sbjct	29941	TTCTGATTTTTGTTAATTTGGACACACTCTCTGTGTCTCTCGTTAGTCTGGCTAAGGGTT	30000
Query	173086	TATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGG	173145
Sbjct	30001	TATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGG	30060
Query	173146	TCCTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTAC	173205
Sbjct	30061	TCCTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTAC	30120
Query	173206	TCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGC	173265
Sbjct	30121	TCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGC	30180
Query	173266	TGACATATGCTCTTTTCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTCTCTTA	173325
Sbjct	30181	TGACATATGCTCTTTTCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTCTCTTA	30240
Query	173326	GCACAGCTTTTCATTGTGTCCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTCATTAAATT	173385
Sbjct	30241	GCACAGCTTTTCATTGTGTCCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTCATTAAATT	30300
Query	173386	CTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGAG	173445
Sbjct	30301	CTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGAG	30360
Query	173446	CATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGTATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGTT	173505
Sbjct	30361	CATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGTATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGTT	30420
Query	173506	TTAGGCCGTGGTAGTCTGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTACCCGTTGA	173565
Sbjct	30421	TTAGGCCGTGGTAGTCTGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTACCCGTTGA	30480
Query	173566	GGCCCGTTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGA	173625
Sbjct	30481	GGCCCGTTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGA	30540
Query	173626	AGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAAATATCCGTAAAGTCCATTT	173685
Sbjct	30541	AGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAAATATCCGTAAAGTCCATTT	30600
Query	173686	GGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTGACATCACTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGT	173745
Sbjct	30601	GGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTGACATCACTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGT	30660
Query	173746	CCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTG	173805
Sbjct	30661	CCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTG	30720
Query	173806	TTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTTGTTATTTGGGGCATAGA	173865
Sbjct	30721	TTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTTGTTATTTGGGGCATAGA	30780
Query	173866	TATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGTTGATTTTTTCTTTTGATGAATATGAAGTGTCTT	173925
Sbjct	30781	TATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGTTGATTTTTTCTTTTGATGAATATGAAGTGTCTT	30840
Query	173926	CCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTA	173985
Sbjct	30841	CCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTA	30900
Query	173986	CTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACTTGCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCGTTTCACTCTGA	174045
Sbjct	30901	CTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACTTGCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCGTTTCACTCTGA	30960
Query	174046	GGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCT	174105
Sbjct	30961	GGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCT	31020
Query	174106	CGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTTATTGGGGAGTTGAGGCCATTGATAT	174165
Sbjct	31021	CGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTTATTGGGGAGTTGAGGCCATTGATAT	31080
Query	174166	TGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGGATGTGAGG	174225
Sbjct	31081	TGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGGATGTGAGG	31140
Query	174226	TTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTTGTTGCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTC	174285
Sbjct	31141	TTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTTGTTGCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTC	31200

Query	174286	TTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGTGC	174345
Sbjct	31201	TTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGTGC	31260
Query	174346	TGGGTTTGTAGAAAAGAGATTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCC	174405
Sbjct	31261	TGGGTTTGTAGAAAAGAGATTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCC	31320
Query	174406	ATCAATGTTAATTGATAGTTTTGCTGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTTCTCT	174465
Sbjct	31321	ATCAATGTTAATTGATAGTTTTGCTGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTTCTCT	31380
Query	174466	GAGGGTCTGTATGACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCGAGAAGTC	174525
Sbjct	31381	GAGGGTCTGTATGACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCGAGAAGTC	31440
Query	174526	TGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCATTATATGTTACTTGACCTTTTCCCTTACTGCTTT	174585
Sbjct	31441	TGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCATTATATGTTACTTGACCTTTTCCCTTACTGCTTT	31500
Query	174586	TAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGGAGGTGTT	174645
Sbjct	31501	TAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGGAGGTGTT	31560
Query	174646	TCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTACTGTAAGCTTCTTGTATGCCTATGGGTATCTC	174705
Sbjct	31561	TCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTACTGTAAGCTTCTTGTATGCCTATGGGTATCTC	31620
Query	174706	ttttttttAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTT	174765
Sbjct	31621	TTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTT	31680
Query	174766	GAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGA	174825
Sbjct	31681	GAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGA	31740
Query	174826	GTCCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACATTATCTTTGAC	174885
Sbjct	31741	GTCCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACATTATCTTTGAC	31800
Query	174886	AGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTCTCTCTTCCATCTCTTG	174945
Sbjct	31801	AGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTCTCTCTTCCATCTCTTG	31860
Query	174946	TATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATC	175005
Sbjct	31861	TATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATC	31920
Query	175006	CAGGGTTGTTTCCTTGTGTCTTTTCTTGATTGCTTCTATTCCATTTTAAATTCCTTCAAC	175065
Sbjct	31921	CAGGGTTGTTTCCTTGTGTCTTTTCTTGATTGCTTCTATTCCATTTTAAATTCCTTCAAC	31980
Query	175066	TGTTTGATTGTATTTTCCTGGAATTCCTTCAGGGATTTTGTGTCTCCTCTCTATGGGCT	175125
Sbjct	31981	TGTTTGATTGTATTTTCCTGGAATTCCTTCAGGGATTTTGTGTCTCCTCTCTATGGGCT	32040
Query	175126	TCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATTCTTTTAGGGATTTTGCCATTCCCTCTCTG	175185
Sbjct	32041	TCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATTCTTTTAGGGATTTTGCCATTCCCTCTCTG	32100
Query	175186	TAGGGTTCTACTTGTTCTTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATC	175245
Sbjct	32101	TAGGGTTCTACTTGTTCTTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATC	32160
Query	175246	ATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTTTGGTGTGTTTGGATATTCCATG	175305
Sbjct	32161	ATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTTTGGTGTGTTTGGATATTCCATG	32220
Query	175306	TTTGCTTTGGTTGGAAAATTGGGCTCCGATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTT	175365
Sbjct	32221	TTTGCTTTGGTTGGAAAATTGGGCTCCGATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTT	32280
Query	175366	GGGTTCTCTGCACTTTCCTCACCATCAGATTATTTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTT	175425
Sbjct	32281	GGGTTCTCTGCACTTTCCTCACCATCAGATTATTTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTT	32340
Query	175426	TGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGGGTGCTGTAGACCTGTTTTCC	175485
Sbjct	32341	TGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGGGTGCTGTAGACCTGTTTTCC	32400
Query	175486	TGTTTTCTTTACGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTGGGCATGTAGTTTTTCC	175545
Sbjct	32401	TGTTTTCTTTACGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTGGGCATGTAGTTTTTCC	32460
Query	175546	TATCTACAGGTCTTCAGCTGTTTCTGTGGGCTGTGTCTTGAGATCACCAGGCAGGTTGC	175605
Sbjct	32461	TATCTACAGGTCTTCAGCTGTTTCTGTGGGCTGTGTCTTGAGATCACCAGGCAGGTTGC	32520
Query	175606	TTGCAGCAGAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCCAGGCTCAAGTTTGCTGGTGAGGTGT	175665

Sbjct	32521	TTGCAGCAGAAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCCCGAGGCTCAAGTTTGCTGGTGAGGTGT	32580
Query	175666	TGCTTAGGAGCACTCAGTGGGGGCAGCCACCAGGAAGATCTGTGCTGCCCTTTCCGGGAG	175725
Sbjct	32581	TGCTTAGGAGCACTCAGTGGGGGCAGCCACCAGGAAGATCTGTGCTGCCCTTTCCGGGAG	32640
Query	175726	CTTTCGTGCACCAGGGTCCAGATGGCGTTTGGTGTTCCTCTGGAATCAGTAATGTGTG	175785
Sbjct	32641	CTTTCGTGCACCAGGGTCCAGATGGCGTTTGGTGTTCCTCTGGAATCAGTAATGTGTG	32700
Query	175786	CAGAGTGCAGTCTCTTTTGGTTTCCCAGGCGTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTTGGCTCTCC	175845
Sbjct	32701	CAGAGTGCAGTCTCTTTTGGTTTCCCAGGCGTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTTGGCTCTCC	32760
Query	175846	CTCCACACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTCGGTCCCTTCAGGTTTCAGGCG	175905
Sbjct	32761	CTCCACACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTCGGTCCCTTCAGGTTTCAGGCG	32820
Query	175906	GTGTCTCAGACGCAGTGGTCTCTGCCGCTCTCTGGGCCCTCCTCTATGGGAACTGAGAGGTT	175965
Sbjct	32821	GTGTCTCAGACGCAGTGGTCTCTGCCGCTCTCTGGGCCCTCCTCTATGGGAACTGAGAGGTT	32880
Query	175966	GTATATAGTTTCTTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTGGTGGTCTCT	176025
Sbjct	32881	GTATATAGTTTCTTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTGGTGGTCTCT	32940
Query	176026	TCCGCTCTACAGCCTCAGGAGTGCCACCTGTCCAGGCGGTGAGGTCTCTCTCCACGGG	176085
Sbjct	32941	TCCGCTCTACAGCCTCAGGAGTGCCACCTGTCCAGGCGGTGAGGTCTCTCTCCACGGG	33000
Query	176086	GTTTGGGAGCAGTGAGCTGCTGCGGGCAGGGATCTGCCGGTTTGGGTGGATTCAACTCTT	176145
Sbjct	33001	GTTTGGGAGCAGTGAGCTGCTGCGGGCAGGGATCTGCCGGTTTGGGTGGATTCAACTCTT	33060
Query	176146	ATTGTCAAGAATCACAGTTGGTTTTAAATAACATTTACCGTCTTGATTAAGATGACCATG	176205
Sbjct	33061	ATTGTCAAGAATCACAGTTGGTTTTAAATAACATTTACCGTCTTGATTAAGATGACCATG	33120
Query	176206	TGATATAAACATCAAAAGAGATGGTTCCAAGATATTTTGAATAGGGTAGATTTCATATTT	176265
Sbjct	33121	TGATATAAACATCAAAAGAGATGGTTCCAAGATATTTTGAATAGGGTAGATTTCATATTT	33180
Query	176266	TGGAATATGAGATTCTTGTCTGACAATGAAAATAACAGGCAAGGACAAAAGTCATATAA	176325
Sbjct	33181	TGGAATATGAGATTCTTGTCTGACAATGAAAATAACAGGCAAGGACAAAAGTCATATAA	33240
Query	176326	ACAAGTTTTACGTAAAATAAGATTTAAAAATAACATGTGTTTGATAAATATGATATTAAG	176385
Sbjct	33241	ACAAGTTTTACGTAAAATAAGATTTAAAAATAACATGTGTTTGATAAATATGATATTAAG	33300
Query	176386	CTTAATCTACATGCATTTATATAGAGGATCAAAACTATAAAAGTAAATACAAATATGGAA	176445
Sbjct	33301	CTTAATCTACATGCATTTATATAGAGGATCAAAACTATAAAAGTAAATACAAATATGGAA	33360
Query	176446	ACATAAACAAATCTCTGCTTTAACTTTGTATttttttttttGTTAGGGTTTCTATTGTTTC	176505
Sbjct	33361	ACATAAACAAATCTCTGCTTTAACTTTGTATTTTTTTTTTTGTTAGGGTTTCTATTGTTTC	33420
Query	176506	AATGAAACACGATAACCAAAAGCAAGTTGAGGAGGAAGGGGTTTATTTGACTTAAACTTC	176565
Sbjct	33421	AATGAAACACGATAACCAAAAGCAAGTTGAGGAGGAAGGGGTTTATTTGACTTAAACTTC	33480
Query	176566	CATACCATTGTTTCATCACCAAAAAGAATTTCAGGAGAGGTATTCAAACAGGACAGAAACATG	176625
Sbjct	33481	CATACCATTGTTTCATCACCAAAAAGAATTTCAGGAGAGGTATTCAAACAGGACAGAAACATG	33540
Query	176626	TAGAGAGGAGCTGATAGAGAGGCCTCAGACTGGTTCTGCTCACTGATTTACTTCTCATTG	176685
Sbjct	33541	TAGAGAGGAGCTGATAGAGAGGCCTCAGACTGGTTCTGCTCACTGATTTACTTCTCATTG	33600
Query	176686	CTTATTTCAGCCTGGTTTCTTATAAGACCCAGACCAGGAACAGAGCTATTCACAATGGGAT	176745
Sbjct	33601	CTTATTTCAGCCTGGTTTCTTATAAGACCCAGACCAGGAACAGAGCTATTCACAATGGGAT	33660
Query	176746	GGGGCTTCCCCCATCAATCACTGATAAAGCAAATGCCCTTTTGGCTTGATTATAGTCAGA	176805
Sbjct	33661	GGGGCTTCCCCCATCAATCACTGATAAAGCAAATGCCCTTTTGGCTTGATTATAGTCAGA	33720
Query	176806	TTTTATGAAGGATTTTCTTAGTTGGGGCTTTCTTCTCTCAAATGTCTTTAATTTGTTTCA	176865
Sbjct	33721	TTTTATGAAGGATTTTCTTAGTTGGGGCTTTCTTCTCTCAAATGTCTTTAATTTGTTTCA	33780
Query	176866	AGTTAACACAAAATTATCCAGTATAGATATGAAACCCAAGCAATCAGATAAAAAGGAAAA	176925
Sbjct	33781	AGTTAACACAAAATTATCCAGTATAGATATGAAACCCAAGCAATCAGATAAAAAGGAAAA	33840
Query	176926	ACAACACTAAAAAGGCAATGATAATTAGAGATGTAATAAAAGGTAATAGATTTTATTCC	176985
Sbjct	33841	ACAACACTAAAAAGGCAATGATAATTAGAGATGTAATAAAAGGTAATAGATTTTATTCC	33900

Query	176986	TCTATTAAGGCACCAGAAGTGAAGTTTTGTTTGCTACATTTGCAATTATTTGTTCTTGTA	177045
Sbjct	33901	TCTATTAAGGCACCAGAAGTGAAGTTTTGTTTGCTACATTTGCAATTATTTGTTCTTGTA	33960
Query	177046	aaaaaaaaGGCTAAATAGGTCTTCTGAATGTCAGCTTTATCTCAGAATTATGTCACAGAC	177105
Sbjct	33961	AAAAAAAAAGGCTAAATAGGTCTTCTGAATGTCAGCTTTATCTCAGAATTATGTCACAGAC	34020
Query	177106	TGATTCACTGATCTAAAATGTTGTCCTTGAATGTCTTCACATTCCAAAGTCTACAAAAGT	177165
Sbjct	34021	TGATTCACTGATCTAAAATGTTGTCCTTGAATGTCTTCACATTCCAAAGTCTACAAAAGT	34080
Query	177166	CATTAGTTTTTAAGTTTGTAGGGATTTTCTAATAATTTTGCTAATTCTAATTTTCACTTTA	177225
Sbjct	34081	CATTAGTTTTTAAGTTTGTAGGGATTTTCTAATAATTTTGCTAATTCTAATTTTCACTTTA	34140
Query	177226	TATAGAGGGCTATGGCCAAATACATACTAGAGTTAATAAAATATACCAGAACCCAGaaaa	177285
Sbjct	34141	TATAGAGGGCTATGGCCAAATACATACTAGAGTTAATAAAATATACCAGAACCCAGAAAA	34200
Query	177286	aaaCCTATTTTAAAAGGTCAAGGCAGGAAATAGTTCCAGAAACAGAATAAAGCAATAGAGA	177345
Sbjct	34201	AAACCTATTTTAAAAGGTCAAGGCAGGAAATAGTTCCAGAAACAGAATAAAGCAATAGAGA	34260
Query	177346	AGATAAAGGAAACCATCTCTTTGGAGAAATCAGTCCAGGTCACCTTCTGACTTAAAACTG	177405
Sbjct	34261	AGATAAAGGAAACCATCTCTTTGGAGAAATCAGTCCAGGTCACCTTCTGACTTAAAACTG	34320
Query	177406	CCAGTCTCTGGCCAACCTAGCAGCCACTATCCAGAACTAGCATTCCCAATTGGGTCTTCT	177465
Sbjct	34321	CCAGTCTCTGGCCAACCTAGCAGCCACTATCCAGAACTAGCATTCCCAATTGGGTCTTCT	34380
Query	177466	ATTGAAAACATGACTTTGAAAAATACCAGCAGATAAGTCATTAGATATGATCTAGTCAGG	177525
Sbjct	34381	ATTGAAAACATGACTTTGAAAAATACCAGCAGATAAGTCATTAGATATGATCTAGTCAGG	34440
Query	177526	ATTTTGATAGCAAAAATCTGTGTTAATCTAGATAAAGAATAACAGAAGCTAGAGAAACA	177585
Sbjct	34441	ATTTTGATAGCAAAAATCTGTGTTAATCTAGATAAAGAATAACAGAAGCTAGAGAAACA	34500
Query	177586	GTTGCACAATCTAGGATGATAAAGGAAAAAAGACAAGCTAAGAATGTGGAAAGAGAGAAG	177645
Sbjct	34501	GTTGCACAATCTAGGATGATAAAGGAAAAAAGACAAGCTAAGAATGTGGAAAGAGAGAAG	34560
Query	177646	AAAAACTGAAGATTCTCGAGCCATCAGAACTAGGATATTCTATCTTATGATGCAGCTA	177705
Sbjct	34561	AAAAACTGAAGATTCTCGAGCCATCAGAACTAGGATATTCTATCTTATGATGCAGCTA	34620
Query	177706	GACAATAGCCTAGTCTGACAAAGAGCCCTAAGGTCTATTTCAGGCTAACAGAACTGACTT	177765
Sbjct	34621	GACAATAGCCTAGTCTGACAAAGAGCCCTAAGGTCTATTTCAGGCTAACAGAACTGACTT	34680
Query	177766	GAAAAATACATGTCTTATACCCTCTGGGCATATACCCAAATGATGCCCAACATATAAC	177825
Sbjct	34681	GAAAAATACATGTCTTATACCCTCTGGGCATATACCCAAATGATGCCCAACATATAAC	34740
Query	177826	AAAGACACGTGCTCCACTATATTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAA	177885
Sbjct	34741	AAAGACACGTGCTCCACTATATTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAA	34800
Query	177886	GAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATG	177945
Sbjct	34801	GAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATG	34860
Query	177946	GAATATTACTCAGCTATCAAAAACAACGAGTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGATGGAA	178005
Sbjct	34861	GAATATTACTCAGCTATCAAAAACAACGAGTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGATGGAA	34920
Query	178006	CTGGAAAATATCATCCTGAGTAAGGTAACCCAATCACAGAAAATACATGTCTAGCCTCTT	178065
Sbjct	34921	CTGGAAAATATCATCCTGAGTAAGGTAACCCAATCACAGAAAATACATGTCTAGCCTCTT	34980
Query	178066	TATCTTTGCTAACTTTAACTTTTAATTATTTGGATAAACTGGGTAAAAACAAAACTATG	178125
Sbjct	34981	TATCTTTGCTAACTTTAACTTTTAATTATTTGGATAAACTGGGTAAAAACAAAACTATG	35040
Query	178126	AATTTTATAACAGTATGCTATAAAAAACAATAAATACAATTCTCAGTCTCTCTATGATCTC	178185
Sbjct	35041	AATTTTATAACAGTATGCTATAAAAAACAATAAATACAATTCTCAGTCTCTCTATGATCTC	35100
Query	178186	CATTTATACTAACCCTGAGTGAAACTGTGCCAAGCTTTGACTACTGCCAGGACCCTTAT	178245
Sbjct	35101	CATTTATACTAACCCTGAGTGAAACTGTGCCAAGCTTTGACTACTGCCAGGACCCTTAT	35160
Query	178246	TGAACTGTAAACACTGTAAAATTGACTGCCCTTTTTTGCCAAAGAAGTATATAATATAAA	178305
Sbjct	35161	TGAACTGTAAACACTGTAAAATTGACTGCCCTTTTTTGCCAAAGAAGTATATAATATAAA	35220
Query	178306	TTGTCTCACCCATCAGAAAGTCTCTTGGATCTTCTGAATCTAGCTGGTAAAGGCTATTGT	178365

Sbjct	35221	TTGTCTCACCCATCAGAAAGTCTCTTGGATCTTCTGAATCTAGCTGGTAAAGGCTATTGT	35280
Query	178366	TACCGAGTGTGGTAGGAGAAGAtttttttttttttttttGGATTAGCCTCTCCAACATGG	178425
Sbjct	35281	TACCGAGTGTGGTAGGAGAAGATTTTTTTTTTTTTTTTGGATTAGCCTCTCCAACATGG	35340
Query	178426	AGATGTTTTTTCAGTTGCCTAGAAGCACAAATGTGCCGTTGCTTTACACAGATGAGAAGTC	178485
Sbjct	35341	AGATGTTTTTTCAGTTGCCTAGAAGCACAAATGTGCCGTTGCTTTACACAGATGAGAAGTC	35400
Query	178486	TGAAGCTGGCACGATGGCTCAGCAGGTAAGAGTGCTTGCTGTCCAGCCTGAGGGCCTGAA	178545
Sbjct	35401	TGAGGCTGGCACGATGGCTCAGCAGGTAAGAGTGCTTGCTGTCCAGCCTGAGGGCCTGAA	35460
Query	178546	TTAGGCTCGCAGGACCCCCATGGTAGAAGGAAAGAATTGACTCTCACAAGTTCTAATCTA	178605
Sbjct	35461	TTAGGCTCGCAGGACCCCCATGGTAGAAGGAAAGAATTGACTCTCACAAGTTCTAATCTA	35520
Query	178606	GTCTCCATGTGTGTGAGGTATGCAGGTGCACATGCTTGTGCACAGACACATACATACACA	178665
Sbjct	35521	GTCTCCATGTGTGTGAGGTATGCAGGTGCACATGCTTGTGCACAGACACATACATACACA	35580
Query	178666	ATAAATAAATTTTAAAGTAAtttttttttATTAAC TTGAGTATTTATTATTACATTTCGA	178725
Sbjct	35581	ATAAATAAATTTTAAAGTAA TTTTTTTTATTAAC TTGAGTATTTATTATTACATTTCGA	35640
Query	178726	GTGTTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACA tccccctaataccccccccctcccccttc	178785
Sbjct	35641	GTGTTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCCTAATCCCTCCCCCTCCCCCTTC	35700
Query	178786	cttatggggtgttccccctccccatcctccccccattgccaccctccccccaTAGTCTAGTT	178845
Sbjct	35701	CTTATGGGTGTTCCCTCCCCATCTCCCCCATTTGCCACCCTCCCCCATAGTCTAGTT	35760
Query	178846	CACTGGGGGTTTCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAG	178905
Sbjct	35761	CACTGGGGGTTTCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAG	35820
Query	178906	GATATTCA TTGCTACCTATGAGGT CAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGT	178965
Sbjct	35821	GATATTCA TTGCTACCTATGAGGT CAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGT	35880
Query	178966	AGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAG	179025
Sbjct	35881	AGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAG	35940
Query	179026	CATCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATCCCTTCAACGGGGGTCTGTTCTCAGTTCAG	179085
Sbjct	35941	CATCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATCCCTTCAACGGGGGTCTGTTCTCAGTTCAG	36000
Query	179086	TGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGC	179145
Sbjct	36001	TGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGC	36060
Query	179146	GATCTACATCCGGCTCCTGTGCGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGG	179205
Sbjct	36061	GATCTACATCCGGCTCCTGTGCGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGG	36120
Query	179206	ATGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCT	179265
Sbjct	36121	ATGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCT	36180
Query	179266	CTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCCCTTTTAAAGA	179325
Sbjct	36181	CTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCCCTTTTAAAGA	36240
Query	179326	AGGAGTGAAGCATTCACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTA	179385
Sbjct	36241	AGGAGTGAAGCATTCACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTA	36300
Query	179386	GGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTT	179445
Sbjct	36301	GGGTAATTCAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTT	36360
Query	179446	TTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTACA	179505
Sbjct	36361	TTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTACA	36420
Query	179506	AATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCAC	179565
Sbjct	36421	AATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCAC	36480
Query	179566	ATTTTCTGTATCCATTGGTAGGAGAAGATTTAATGATGTTTCGTTACAGAGGCTGAAGACA	179625
Sbjct	36481	ATTTTCTGTATCCATTGGTAGGAGAAGATTTAATGATGTTTCGTTACAGAGGCTGAAGACA	36540
Query	179626	AATGCTGCTTAACCCCTcccccccccATCATCAGAATGAATGTACAGAGAGGAGCCTAGGG	179685
Sbjct	36541	AATGCTGCTTAACCCCTCCCCCCCCATCATCAGAATGAATGTACAGAGAGGAGCCTAGGG	36600

Query	179686	TA A C T A T T C A G G T A G T A A A G T A G C A T G C A A G T A G T T C T A T A T C T T A A T T G A T A C A C A A A	179745
Sbjct	36601	T A A C T A T T C A G G T A G T A A A G T A G C A T G C A A G T A G T T C T A T A T C T T A A T T G A T A C A C A A A	36660
Query	179746	C C A T T T G G T T T A T A C T T C C T G T T T T A A T T T A G C C T T C T C A G A T C T T T G A T G A A T G A T G	179805
Sbjct	36661	C C A T T T G G T T T A T A C T T C C T G T T T T A A T T T A G C C T T C T C A G A T C T T T G A T G A A T G A T G	36720
Query	179806	G T A T T A T C A G T T T A A C A G C A G C T G G G T A A A T C C A T T T C A T A C A T A A A A A T T A C T C C T T G C	179865
Sbjct	36721	G T A T T A T C A G T T T A A C A G C A G C T G G G T A A A T C C A T T T C A T A C A T A A A A A T T A C T C C T T G C	36780
Query	179866	T T T T T A G A G A T A T A G G T C T T C T G G T G A A A A A G A A A A T T C A G A C A G G T T T C C T T G T T G A	179925
Sbjct	36781	T T T T T A G A G A T A T A G G T C T T C T G G T G A A A A A G A A A A T T C A G A C A G G T T T C C T T G T T G A	36840
Query	179926	C A G G C T T C T T A T C A A A A T A T A A A T A G G T T T T A A T G C A G C T T C T G A C T C T G T C T T A T T	179985
Sbjct	36841	C A G G C T T C T T A T C A A A A T A T A A A T A G G T T T T A A T G C A G C T T C T G A C T C T G T C T T A T T	36900
Query	179986	A A A G G A A C T T G C T T T A T A A A G A C T G T T G T C A G T A G A C A A A C A C T T A T A T C T C A T G A T T A C	180045
Sbjct	36901	A A A G G A A C T T G C T T T A T A A A G A C T G T T G T C A G T A G A C A A A C A C T T A T A T C T C A T G A T T A C	36960
Query	180046	A G A C A T T A A T C A A A T T A T A T A T G A G T G T G C T G G C T A G T T T T A G G T C A A C T T A A C A C A G C T A	180105
Sbjct	36961	A G A C A T T A A T C A A A T T A T A T A T G A G T G T G C T G G C T A G T T T T A G G T C A A C T T A A C A C A G C T A	37020
Query	180106	G A A T T A T C T G A A A A A T A G A A A C T T C A A C T G A G A A A A T G G T T C T A A A A C C T G G C T G T A A G G	180165
Sbjct	37021	G A A T T A T C T G A A A A A T A G A A A C T T C A A C T G A G A A A A T G G T T C T A A A A C C T G G C T G T A A G G	37080
Query	180166	C A T A T T C T T A A C T A A T A A T T G A T G A G T T A A G G A C C A A A C C A T T A T G A A T G G T G T C A G T C C	180225
Sbjct	37081	C A T A T T C T T A A C T A A T A A T T G A T G A G T T A A G G A C C A A A C C A T T A T G A A T G G T G T C A G T C C	37140
Query	180226	T A G T G G T C C T G G A T T C T A T A A A A G C A A G C T G A G C A A A G A T G G A G A A C A A G G C A G T A A G	180285
Sbjct	37141	T A G T G G T C C T G G A T T C T A T A A A A G C A A G C T G A G C A A A G A T G G A G A A C A A G G C A G T A A G	37200
Query	180286	T A G C A C T C C C T A T G G C C T C C A T A T C A G C T T C A G C C T C C A G G T C C T A T T C T G T T T A A G T	180345
Sbjct	37201	T A G C A C T C C C T A T G G C C T C C A T A T C A G C T T C A G C C T C C A G G T C C T A T T C T G T T T A A G T	37260
Query	180346	T T T T T G T C C T G A C T T C C C T C A A T G A T G A G C T G T T A A C C T G G A A G T T G A A A A T A A A C C T T T	180405
Sbjct	37261	T T T T T G T C C T G A C T T C C C T C A A T G A T G A G C T G T T A A C C T G G A A G T T G A A A A T A A A C C T T T	37320
Query	180406	C C C C C C A T G T T T C T T T G G C C A T G G T G T T T C A T A A C A G C T A C A T G T C T C C C A C T A G C G C A A	180465
Sbjct	37321	C C C C C C A T G T T T C T T T G G C C A T G G T G T T T C A T A A C A G C T A C A T G T C T C C C A C T A G C G C A A	37380
Query	180466	A G T A T C T A A A G A A C A A T T T A A A A G A A C A T C T G T C T C C A A T C T A C A T A A C T A A C T C C T T G	180525
Sbjct	37381	A G T A T C T A A A G A A C A A T T T A A A A G A A C A T C T G T C T C C A A T C T A C A T A A C T A A C T C C T T G	37440
Query	180526	G A C A G A G G A A G A A T A T T T A T G C T T C T A A C C T A A A G T C A T T T T G G G G G T C C C C A G A C T T	180585
Sbjct	37441	G A C A G A G G A A G A A T A T T T A T G C T T C T A A C C T A A A G T C A T T T T G G G G G T C C C C A G A C T T	37500
Query	180586	T G C A A T T G C T C A T A G A T G T G T C T G T T C T A C T T G T C T A C A G T A C C T C T T A A C T G C A T T T C T	180645
Sbjct	37501	T G C A A T T G C T C A T A G A T G T G T C T G T T C T A C T T G T C T A C A G T A C C T C T T A A C T G C A T T T C T	37560
Query	180646	A C A A C T G G A T T T C A G T A C A G A T A T G T C C T C T G T A A G T T A G A C A A A T T A T G T A A A C T T C	180705
Sbjct	37561	A C A A C T G G A T T T C A G T A C A G A T A T G T C C T C T G T A A G T T A G A C A A A T T A T G T A A A C T T C	37620
Query	180706	A A G T C A T G A C T T G A A C T C A C T G T C A G A G T T T A A A A A T A C T C C T G T T A T G T C A A T T A C A	180765
Sbjct	37621	A A G T C A T G A C T T G A A C T C A C T G T C A G A G T T T A A A A A T A C T C C T G T T A T G T C A A T T A C A	37680
Query	180766	G C T T A A G T T T C C C T G T C T A T T G C C T A T T C C T G A A G G G A A G C T C C A A T G T A A G A C T T T T	180825
Sbjct	37681	G C T T A A G T T T C C C T G T C T A T T G C C T A T T C C T G A A G G G A A G C T C C A A T G T A A G A C T T T T	37740
Query	180826	T A A G T T C C T T A A C T T T T T A C C T T C T C T C T A C T C T G T A A C T A T T C C A A G A T T T C C A C T	180885
Sbjct	37741	T A A G T T C C T T A A C T T T T T A C C T T C T C T C T A C T C T G T A A C T A T T C C A A G A T T T C C A C T	37800
Query	180886	C A G C T G A T T G A C A T C A T T C A G A A T C T G C T A C A G A C A C A A A C T G C T C C A A A T T G T C A C C	180945
Sbjct	37801	C A G C T G A T T G A C A T C A T T C A G A A T C T G C T A C A G A C A C A A A C T G C T C C A A A T T G T C A C C	37860
Query	180946	A A C C A T G G A C T T G G T C A A A A C T G A T A T A A A C T A G A C T A G C C A A C T T G T C C C A T C A A G C T G	181005
Sbjct	37861	A A C C A T G G A C T T G G T C A A A A C T G A T A T A A A C T A G A C T A G C C A A C T T G T C C C A T C A A G C T G	37920
Query	181006	T A T C A G C A A A A T A G A T A C T C C T A A T G G A A T T T C C T A T C A G C T T A A G C T C C T G C T T T T G G C	181065



Sbjct	37921	TATCAGCAAAATAGATACTCCTAATGGAATTTCTATCAGCTTAAGCTCCTGCTTTTGGC	37980
Query	181066	GAGCATTCTAGACTGCTCCAGCGTTTCCAGCACTTCACTAGCCCCAGATGGTCTGGAGAA	181125
Sbjct	37981	GAGCATTCTAGACTGCTCCAGCGTTTCCAGCACTTCACTAGCCCCAGATGGTCTGGAGAA	38040
Query	181126	CCTAGGTAGTGAATCAGTTATGTTTTGCCCTCCCATCTTTTGACAAGCATTTCAGTCTT	181185
Sbjct	38041	CCTAGGTAGTGAATCAGTTATGTTTTGCCCTCCCATCTTTTGACAAGCATTTCAGTCTT	38100
Query	181186	CCTGGACCCTGAAACAATGATATCCTAATTTTCAGTTGAGAAGCAGTTACAGAAGATAATA	181245
Sbjct	38101	CCTGGACCCTGAAACAATGATATCCTAATTTTCAGTTGAGAAGCAGTTACAGAAGATAATA	38160
Query	181246	TATCATACCTTATCTTCCACAAGACTGGAATTTTGGGCCAAGTGAATCTAGCTCTTCTAT	181305
Sbjct	38161	TATCATACCTTATCTTCCACAAGACTGGAATTTTGGGCCAAGTGAATCTAGCTCTTCTAT	38220
Query	181306	GCCTGAGAAAATTGCTCCATTTTCTTTCTGTCAAAAGAGACAAATAGCTACCTGTGTGCC	181365
Sbjct	38221	GCCTGAGAAAATTGCTCCATTTTCTTTCTGTCAAAAGAGACAAATAGCTACCTGTGTGCC	38280
Query	181366	TGTTGGCATGTAGGCCTATGTAGACCTCCAGGTATCTTCAGTATCACAAACACCTGTTAA	181425
Sbjct	38281	TGTTGGCATGTAGGCCTATGTAGACCTCCAGGTATCTTCAGTATCACAAACACCTGTTAA	38340
Query	181426	AAATCAAAGATTGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTAGCAAGCGCAA	181485
Sbjct	38341	AAATCAAAGATTGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTAGCAAGCGCAA	38400
Query	181486	GGCTCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCcaaaacaaacaaacaaacaaacaaagaaaaaga	181545
Sbjct	38401	GGCTCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCcaaaacaaacaaacaaacaaacaaagaaaaaga	38460
Query	181546	aaaatcaaagattttacaaatgctgcaaaaagGGACTACTGAGATTGGAGGCCATGTGCCA	181605
Sbjct	38461	AAAATCAAAGATTTACAAATGCTGCAAAAGGGACTACTGAGATTGGAGGCCATGTGCCA	38520
Query	181606	AACACTGACATCCTTAAAAATTAAATTTCCAGATGGAACACATTCTCCTTGAACCAATAC	181665
Sbjct	38521	AACACTGACATCCTTAAAAATTAAATTTCCAGATGGAACACATTCTCCTTGAACCAATAC	38580
Query	181666	AATGGACTACTAAATATTAGGTCTGTCTGAAACATTAACATATATCTTAACAAGAATCAA	181725
Sbjct	38581	AATGGACTACTAAATATTAGGTCTGTCTGAAACATTAACATATATCTTAACAAGAATCAA	38640
Query	181726	TAATTTAATTCAGATGACCAAAACACAGTAGGGAATGTAATGGTTAGAACTAGATCATT	181785
Sbjct	38641	TAATTTAATTCAGATGACCAAAACACAGTAGGGAATGTAATGGTTAGAACTAGATCATT	38700
Query	181786	TAAAGTGAATTTCAAAGTACGTTACTGTGTAAAAGAGAAAAACCTAGGAATCAGCAGGAA	181845
Sbjct	38701	TAAAGTGAATTTCAAAGTACGTTACTGTGTAAAAGAGAAAAACCTAGGAATCAGCAGGAA	38760
Query	181846	CTTATTCTTAGCTAAGGATTGTTAATCATAGTATGTCTAGACCATGATTCTAAAGTCAGA	181905
Sbjct	38761	CTTATTCTTAGCTAAGGATTGTTAATCATAGTATGTCTAGACCATGATTCTAAAGTCAGA	38820
Query	181906	CCCATCATCAGTTGAGTCTTGAGAGCAATCTAGAACACTCATCTTGAGTCCCTTCTTATG	181965
Sbjct	38821	CCCATCATCAGTTGAGTCTTGAGAGCAATCTAGAACACTCATCTTGAGTCCCTTCTTATG	38880
Query	181966	TAGTTGTTATTCAAAATATTAACCATATGCTCATTTCCTCCTGTTATCTCACTTAACCA	182025
Sbjct	38881	TAGTTGTTATTCAAAATATTAACCATATGCTCATTTCCTCCTGTTATCTCACTTAACCA	38940
Query	182026	CTGaatatatataattttaatatgattattttcattattttatttatattttaatgtaact	182085
Sbjct	38941	CTGAATATATATAATTTTAATATGATTATTTTCATTATTTTATTATATTTTAATGTAAC	39000
Query	182086	atataatacacatatattagtttatatagaatatattttaataaataatatattttatttaCA	182145
Sbjct	39001	ATATAATACACATATTAGTTTATATAGAATATATTTTAATAAATAATATATTTATTTACA	39060
Query	182146	CAGTCATTGAACAAGCAAGCAGTGGTTAAGTAAGATGGCAGAAatatgatatgtatatatat	182205
Sbjct	39061	CAGTCATTGAACAAGCAAGCAGTGGTTAAGTAAGATGGCAGAAATATGTATGTGTATATAT	39120
Query	182206	atgtatatatacctatatataaaaaataaattatgtatgtaatatatgCCTTTAGAAGCAGAA	182265
Sbjct	39121	ATGTATATACCTATATATTTAAATAAAATTATGTATGTAATATATATGCCTTTAGAAGCAGAA	39180
Query	182266	GAAAACTCAGAACCCATTGGTATGGTGGTGCTTAAGAATAGGGCAATACCTTCCTGTTCC	182325
Sbjct	39181	GAAAACTCAGAACCCATTGGTATGGTGGTGCTTAAGAATAGGGCAATACCTTCCTGTTCC	39240
Query	182326	TGCCCTCCATTTGTAGTTGCAGCACAAAGACAGGGAGCGAGGGATCTAGGCAGTACAGTTG	182385
Sbjct	39241	TGCCCTCCATTTGTAGTTGCAGCACAAAGACAGGGAGCGAGGGATCTAGGCAGTACAGTTG	39300

Query	182386	CGAAAGGAAATAGTGCAGCGCGggggggggggggggggggcggggggcaggaagggggcgct	182445
Sbjct	39301	CGAAAGGAAATAGTGCAGCGCGGGGGGGGGGGGGGGGGCGGGGGCAGGAAGGGGGCGT	39360
Query	182446	ggcgtggcaggggttaggtgggtggggcgctggAGAGAGAACGTAAAGACCGTGAGCCAAA	182505
Sbjct	39361	GGCGTGGCAGGGGTTAGGTGGGTGGGGCGTGAGAGAGAACGTAAAGACCGTGAGCCAAA	39420
Query	182506	CGGCCGTTTTTTCATTTTGCGGCGTTCTTGGCCGCCATTCTCCAGCTTTCTGGGCAGCGG	182565
Sbjct	39421	CGGCCGTTTTTTCATTTTGCGGCGTTCTTGGCCGCCATTCTCCAGCTTTCTGGGCAGCGG	39480
Query	182566	TTACTCAATTTCCGATGTTCTGGTTCGGATGGTGAGTTTAAGTGTTAACGGTTGGTTGTC	182625
Sbjct	39481	TTACTCAATTTCCGATGTTCTGGTTCGGATGGTGAGTTTAAGTGTTAACGGTTGGTTGTC	39540
Query	182626	TGTCCACACTGTGAGAGTGGGACTGCTTTTTGTTAGCTACTAACGTCCCTCTTCCTTCCT	182685
Sbjct	39541	TGTCCACACTGTGAGAGTGGGACTGCTTTTTGTTAGCTACTAACGTCCCTCTTCCTTCCT	39600
Query	182686	TCCCTCAGCTAGAGCCGGGTCCAGTACTTTGGGATAGGTTGGTCTGCATCACTTGTTCATC	182745
Sbjct	39601	TCCCTCAGCTAGAGCCGGGTCCAGTACTTTGGGATAGGTTGGTCTGCATCACTTGTTCATC	39660
Query	182746	ATTGCCCACTCCTCTACACTGGTCTGGTGAGTTCTGGATGGGGTCACAGCCTTGAGTCTC	182805
Sbjct	39661	ATTGCCCACTCCTCTACACTGGTCTGGTGAGTTCTGGATGGGGTCACAGCCTTGAGTCTC	39720
Query	182806	GTGTGAACTCACTCTGTGCGGTTTCTGGCCTGCTTTACTAGTATAGTACATAAGTTGGCA	182865
Sbjct	39721	GTGTGAACTCACTCTGTGCGGTTTCTGGCCTGCTTTACTAGTATAGTACATAAGTTGGCA	39780
Query	182866	ATCTCTGCTAGGCCTCTTAATTGTGTAGGCTGGAGAAGGCCGCAGTTAGGCCCGCAACAG	182925
Sbjct	39781	ATCTCTGCTAGGCCTCTTAATTGTGTAGGCTGGAGAAGGCCGCAGTTAGGCCCGCAACAG	39840
Query	182926	CTCCACAGCCACAACCGCTGTGCTTACGGACAGGGGTTGGGCAAGAGAAGTCCGGTAGAG	182985
Sbjct	39841	CTCCACAGCCACAACCGCTGTGCTTACGGACAGGGGTTGGGCAAGAGAAGTCCGGTAGAG	39900
Query	182986	GCAGAGAGGTCTTCTTCCCTCAGTTATGGTGCGGGAGTGAGGCCTGGTGAAGGCTGCCAG	183045
Sbjct	39901	GCAGAGAGGTCTTCTTCCCTCAGTTATGGTGCGGGAGTGAGGCCTGGTGAAGGCTGCCAG	39960
Query	183046	TAAAGGCTACAGCCCCGCATGCCCACTAAAGGAGAGGGTGTAAGTCCGTGGTTCGTGAGG	183105
Sbjct	39961	TAAAGGCTACAGCCCCGCATGCCCACTAAAGGAGAGGGTGTAAGTCCGTGGTTCGTGAGG	40020
Query	183106	CAAGATGGCGGCTGTTTGGCGCCTGTTACCAGAGATGATTGAGAGTTGAAGGGAAAGGGA	183165
Sbjct	40021	CAAGATGGCGGCTGTTTGGCGCCTGTTACCAGAGATGATTGAGAGTTGAAGGGAAAGGGA	40080
Query	183166	GCCACCACCGTTTTTAATGTTGGATTAGGAGGGAAAGTCCCTCTGTAGGCCGTGAGTAGA	183225
Sbjct	40081	GCCACCACCGTTTTTAATGTTGGATTAGGAGGGAAAGTCCCTCTGTAGGCCGTGAGTAGA	40140
Query	183226	TGAAGTAGAGCTTACTGTAACAAGTGATACTGTACAGCGGTGTACATCAGGTACACCGAA	183285
Sbjct	40141	TGAAGTAGAGCTTACTGTAACAAGTGATACTGTACAGCGGTGTACATCAGGTACACCGAA	40200
Query	183286	TTGATTTGTTAACTGTGCCAGTTTACAGCAGTACCTATCTTACTGGTTCACTCTGTTTA	183345
Sbjct	40201	TTGATTTGTTAACTGTGCCAGTTTACAGCAGTACCTATCTTACTGGTTCACTCTGTTTA	40260
Query	183346	CCTGGAGTATGTGGCTACTAACATTAAGCACAACCTTTATAGAAAGAAAGTTGCTGGTT	183405
Sbjct	40261	CCTGGAGTATGTGGCTACTAACATTAAGCACAACCTTTATAGAAAGAAAGTTGCTGGTT	40320
Query	183406	CAGTTCTGTAAACAGAAAGTGCAACCTCAAATAGGAAGCTCGAGATGGGGGAGAGTAAAA	183465
Sbjct	40321	CAGTTCTGTAAACAGAAAGTGCAACCTCAAATAGGAAGCTCGAGATGGGGGAGAGTAAAA	40380
Query	183466	CTCAGTTTTCCAATTTATTGAAAACATTTCAATAGGTCTGTTTAAAGTCTTACTGTTTT	183525
Sbjct	40381	CTCAGTTTTCCAATTTATTGAAAACATTTCAATAGGTCTGTTTAAAGTCTTACTGTTTT	40440
Query	183526	GACGAAGTCTTTGGGAAAAAGATGTATTTTAAGAATTTAAAGTAATGCATATATATGTGG	183585
Sbjct	40441	GACGAAGTCTTTGGGAAAAAGATGTATTTTAAGAATTTAAAGTAATGCATATATATGTGG	40500
Query	183586	TTTAATGTTAGATTGTTTATTTTCATTTGAAAAGTCTTAACCTTACTCAAAGCACTTTTTT	183645
Sbjct	40501	TTTAATGTTAGATTGTTTATTTTCATTTGAAAAGTCTTAACCTTACTCAAAGCACTTTTTT	40560
Query	183646	CTTTTACATACTTACGTATTTTGCTGGAAAATCGGAATCCTGTGTTTGTTCACTATGAAA	183705
Sbjct	40561	CTTTTACATACTTACGTATTTTGCTGGAAAATCGGAATCCTGTGTTTGTTCACTATGAAA	40620
Query	183706	AAAGATTTCAGCATGTATCTGTCTTCTGAAAGTTCTGTGCTGAAATTTACCGGAAAAGAA	183765

Sbjct	40621	AAAGATTCTAGCATGTATCTGTCTTCTGAAAGTTCTGTGCTGAAATTTACCCGAAAAGAA	40680
Query	183766	ATCTTCCATCAAGGAAATGGTTCTGAAATAGGAAGGCCTTTTCATAAGGTTACTAAAGGA	183825
Sbjct	40681	ATCTTCCATCAAGGAAATGGTTCTGAAATAGGAAGGCCTTTTCATAAGGTTACTAAAGGA	40740
Query	183826	TGGGAAAGGTTTTGCTAAGTAGACAGAGGAGTAGAGGAAATAATTTAACAGACAGAAATC	183885
Sbjct	40741	TGGGAAAGGTTTTGCTAAGTAGACAGAGGAGTAGAGGAAATAATTTAACAGACAGAAATC	40800
Query	183886	TCTTCTGAGAACAAATCTAGTTTGTCTAGAGTTGATTTATAGGTAGAAGTACTGTATACA	183945
Sbjct	40801	TCTTCTGAGAACAAATCTAGTTTGTCTAGAGTTGATTTATAGGTAGAAGTACTGTATACA	40860
Query	183946	TTTAGACCAAAAGACCTATAGTTATGAAAGATGTCACAAGATTGTTTGATATTCACATA	184005
Sbjct	40861	TTTAGACCAAAAGACCTATAGTTATGAAAGATGTCACAAGATTGTTTGATATTCACATA	40920
Query	184006	GTCCTGGCTAAAACCAGTTCTGGATCTATTGCAGGTGTGATAAAGTTGAGTGATAATGGG	184065
Sbjct	40921	GTCCTGGCTAAAACCAGTTCTGGATCTATTGCAGGTGTGATAAAGTTGAGTGATAATGGG	40980
Query	184066	AGCTAGATAGTGATAATGCTATTACTGGAAAttttttttttGCTAAGAATATTGCTTTT	184125
Sbjct	40981	AGCTAGATAGTGATAATGCTATTACTGGAAATTTTttttttttGCTAAGAATATTGCTTTT	41040
Query	184126	TAAGTGGTAATCTCTTCTAGAGGATAACTGTGTTCTTTAAAGTAGCATAAGTAATTATCA	184185
Sbjct	41041	TAAGTGGTAATCTCTTCTAGAGGATAACTGTGTTCTTTAAAGTAGCATAAGTAATTATCA	41100
Query	184186	TTGAATTAGTAAATTTATCATTGTCAAAACTACAGGGATAATTTGAAAAGTTTCTTTAAT	184245
Sbjct	41101	TTGAATTAGTAAATTTATCATTGTCAAAACTACAGGGATAATTTGAAAAGTTTCTTTAAT	41160
Query	184246	TGTTTCAGAAATAAGTTAATAAAAAACAATAAGTTTCTACTGTACCTTAAAGTCTTCCTAATC	184305
Sbjct	41161	TGTTTCAGAAATAAGTTAATAAAAAACAATAAGTTTCTACTGTACCTTAAAGTCTTCCTAATC	41220
Query	184306	ATATAATCTTTTATTACTTCTCACTTAAACTTTTAGAGCTCATGCTTTAATTTAAGGATG	184365
Sbjct	41221	ATATAATCTTTTATTACTTCTCACTTAAACTTTTAGAGCTCATGCTTTAATTTAAGGATG	41280
Query	184366	ACCTAGGTGTCACAAAGTTTCAAAAATAATGTGAATGAGTGCTATTTTCACAGTTTGTG	184425
Sbjct	41281	ACCTAGGTGTCACAAAGTTTCAAAAATAATGTGAATGAGTGCTATTTTCACAGTTTGTG	41340
Query	184426	ATTTTAAAAAAGTTTTTGTTTTCTTAGGTTGCAAAGTTAAAGTAGTGATACTTCATGAG	184485
Sbjct	41341	ATTTTAAAAAAGTTTTTGTTTTCTTAGGTTGCAAAGTTAAAGTAGTGATACTTCATGAG	41400
Query	184486	CTATTCAAGTAAAACAAAATTCTTAAGTCATTTAGACCATGGTTTAGAAGAGGGCATTGC	184545
Sbjct	41401	CTATTCAAGTAAAACAAAATTCTTAAGTCATTTAGACCATGGTTTAGAAGAGGGCATTGC	41460
Query	184546	AAAAGGCAGACTAGAAGCAAGTTAAAAATGTGTTATTTGTTGGCACTTGTTAATTTATTC	184605
Sbjct	41461	AAAAGGCAGACTAGAAGCAAGTTAAAAATGTGTTATTTGTTGGCACTTGTTAATTTATTC	41520
Query	184606	TGTTTGTTGACTGTAGAAGTAGTTTCTTGATATCTTGGCAGCTGAAGAAATTTAAACTGA	184665
Sbjct	41521	TGTTTGTTGACTGTAGAAGTAGTTTCTTGATATCTTGGCAGCTGAAGAAATTTAAACTGA	41580
Query	184666	AAAATTACATGTTGCACAGTACAGAAGCAAAAGGTGTTCCAGTACAGCCATTGTGAATAT	184725
Sbjct	41581	AAAATTACATGTTGCACAGTACAGAAGCAAAAGGTGTTCCAGTACAGCCATTGTGAATAT	41640
Query	184726	GCAAGATTAAGATAAAAATTAGAAGCATACTTTTTATGTCAGGTAAGAATATGCTTTAAAA	184785
Sbjct	41641	GCAAGATTAAGATAAAAATTAGAAGCATACTTTTTATGTCAGGTAAGAATATGCTTTAAAA	41700
Query	184786	GATTTCTACAAAAATGCTTACATGTTTATTTTAACTGTTTTTGTTCAGTTATAAttttt	184845
Sbjct	41701	GATTTCTACAAAAATGCTTACATGTTTATTTTAACTGTTTTTGTTCAGTTATAATTTTTT	41760
Query	184846	ttACCAGGTTTCAGAGAGCTTATTAATTGGGAGAAATTAATAGATTAGTTTCATTAGACATT	184905
Sbjct	41761	TTACCAGGTTTCAGAGAGCTTATTAATTGGGAGAAATTAATAGATTAGTTTCATTAGACATT	41820
Query	184906	GATCTTACTAATTTGACAAATCATGGTGATTtgatatgtatgtatatgcaggtgcatat	184965
Sbjct	41821	GATCTTACTAATTTGACAAATCATGGTGATTGTATGTATGTGTATATGCAGGTGCATAT	41880
Query	184966	gtgtatggaaacatgtaaatgggtctgtatgtatgGAGAGGTAGAATATAAATCAGATGTT	185025
Sbjct	41881	GTGTATGGAAACATGTAAATGGTCTGTATGTATGGAGAGGTAGAATATAAATCAGATGTT	41940
Query	185026	GTTTCATAGGTGCTTATCTATCTTGCTTTTTGAGACAGACTCTCAAATCTCTCCAAGTA	185085
Sbjct	41941	GTTTCATAGGTGCTTATCTATCTTGCTTTTTGAGACAGACTCTCAAATCTCTCCAAGTA	42000

Query	185086	GGCCAGACTAGCTAATTTTAAGCCCCACCTTTCCAGATCTGGGATCACAAGTGTGTGCCAC	185145
Sbjct	42001	GGCCAGACTAGCTAATTTTAAGCCCCACCTTTCCAGATCTGGGATCACAAGTGTGTGCCAC	42060
Query	185146	ATAACCTGTTATTTTTTATGGTAGATCTAGGACTCAAACCTCAGGCAAACACTTACAGATT	185205
Sbjct	42061	ATAACCTGTTATTTTTTATGGTAGATCTAGGACTCAAACCTCAGGCAAACACTTACAGATT	42120
Query	185206	TATGGATTGAGATCCCTCAAGGTGCTGTTTTTCACTGTTTATTTAATTAAAATCCTTATT	185265
Sbjct	42121	TATGGATTGAGATCCCTCAAGGTGCTGTTTTTCACTGTTTATTTAATTAAAATCCTTATT	42180
Query	185266	TTGAAAAGCAGAATTTGGGGTTAGTTTCAAAAATGAGGGGAAAAAGGGGAAATTTTCCAT	185325
Sbjct	42181	TTGAAAAGCAGAATTTGGGGTTAGTTTCAAAAATGAGGGGAAAAAGGGGAAATTTTCCAT	42240
Query	185326	ACAATCTAGTAATTAGTTGTTAGTATAGTTCAATAGATTAAACAGCATCTAAATTAtttt	185385
Sbjct	42241	ACAATCTAGTAATTAGTTGTTAGTATAGTTCAATAGATTAAACAGCATCTAAATTATTTT	42300
Query	185386	cttacttattttctttttcttttttttttttttCGGAGCTGGGACCAAACCCAGGGCCTTG	185445
Sbjct	42301	CTTACTTATTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGACCAAACCCAGGGCCTTG	42360
Query	185446	CGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTCTTACTTATTTTT	185505
Sbjct	42361	CGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCTTCTTACTTATTTTT	42420
Query	185506	GATCCAGCTTAAATGTCTTTCAGCCACAAGGCCCTGGGTTTCGGTCCCCAGCTCCGaaaa	185565
Sbjct	42421	GATCCAGCTTAAATGTCTTTCAGCCACAAGGCCCTGGGTTTCGGTCCCCAGCTCCGAAAA	42480
Query	185566	aaaaaTGTCCTTCAGCATTATGTAGTTGAATTGCATATAGGGCAGAAAAAGGAGATAACC	185625
Sbjct	42481	AAAAATGTCTTCAGCATTATGTAGTTGAATTGCATATAGGGCAGAAAAAGGAGATAACC	42540
Query	185626	CTAAGCCCCCTGTTTTTCATTAGAAGGCTACATATATTGTATATGATTAGCAAATATTTTA	185685
Sbjct	42541	CTAAGCCCCCTGTTTTTCATTAGAAGGCTACATATATTGTATATGATTAGCAAATATTTTA	42600
Query	185686	AGATTGACTAATTAATTTTACTTGGAGAGCCATTCAAGTTGTATTTAATTCCTTCTGGTC	185745
Sbjct	42601	AGATTGACTAATTAATTTTACTTGGAGAGCCATTCAAGTTGTATTTAATTCCTTCTGGTC	42660
Query	185746	TCCAAGGTTAAATAAGTAAATAAGAACTAACAATTATTTGACCTTCTTAGTTGTTTATA	185805
Sbjct	42661	TCCAAGGTTAAATAAGTAAATAAGAACTAACAATTATTTGACCTTCTTAGTTGTTTATA	42720
Query	185806	TTTGtttttgatttttttttttCAATATAGTGTTTGCTGGCTCCAACACATGTAAATCATC	185865
Sbjct	42721	TTTGTTTTTGATTTTTTTTTTCAATATAGTGTTTGCTGGCTCCAACACATGTAAATCATC	42780
Query	185866	CTGGTCTCAAAGTTGAGGCTTTCCTGCATGTGATATGCTAAAAGTATTTTTAATAAGCAT	185925
Sbjct	42781	CTGGTCTCAAAGTTGAGGCTTTCCTGCATGTGATATGCTAAAAGTATTTTTAATAAGCAT	42840
Query	185926	TTTGCTTTTCTCTACAACCTTTAAACTGCCAGGACTTATATGAACATTTACACAGTATAA	185985
Sbjct	42841	TTTGCTTTTCTCTACAACCTTTAAACTGCCAGGACTTATATGAACATTTACACAGTATAA	42900
Query	185986	AATAAATCAATAGAAAATACTGTGTAGGATTTAAACGAGAGTAAAAAGTATTATATAGT	186045
Sbjct	42901	AATAAATCAATAGAAAATACTGTGTAGGATTTAAACGAGAGTAAAAAGTATTATATAGT	42960
Query	186046	TGAAATGTAAAAGAAGATCGATTTTTGTTCTTTGTGAATTTACTATTTACTATTTACTAT	186105
Sbjct	42961	TGAAATGTAAAAGAAGATCGATTTTTGTTCTTTGTGAATTTACTATTTACTATTTACTAT	43020
Query	186106	TTAATATCTTTAACTGAAAATTGAGTTGATACTATCTTAGGTGAAAATTAAGAGAATATG	186165
Sbjct	43021	TTAATATCTTTAACTGAAAATTGAGTTGATACTATCTTAGGTGAAAATTAAGAGAATATG	43080
Query	186166	CATATTTTAATACAGATTGTCCACATAAAAAATAAAGCACACCTGttttttcttttttAA	186225
Sbjct	43081	CATATTTTAATACAGATTGTCCACATAAAAAATAAAGCACACCTGTTTTTCTTTTTTAA	43140
Query	186226	GATAATTATATACATTTCTACTTCCTCTTTCTTCCTTCAAACCTTTCACATTTACCCCAT	186285
Sbjct	43141	GATAATTATATACATTTCTACTTCCTCTTTCTTCCTTCAAACCTTTCACATTTACCCCAT	43200
Query	186286	GTTATCCTTCAAATTAAGTTTTCATTTTTATTACTTGTGCATGTCTTGGTCTCTGTGTG	186345
Sbjct	43201	GTTATCCTTCAAATTAAGTTTTCATTTTTATTACTTGTGCATGTCTTGGTCTCTGTGTG	43260
Query	186346	TGTGTCTGTATGAATATAAAACCAGAAAAGTTTGTTTAATGTTACTTGTATATAGGTATT	186405
Sbjct	43261	TGTGTCTGTATGAATATAAAACCAGAAAAGTTTGTTTAATGTTACTTGTATATAGGTATT	43320
Query	186406	CAGGGCTGACTATTTGTCACTGGACTACTAATTTCTCTTTGCTGGAGAAGACCTAACCTA	186465

Sbjct	43321	CAGGGCTGACTATTTGTCTACTGGACTACTAATTTCTCTTTGCTGGAGAAGACCTAACCTA	43380
Query	186466	ATCTTAGCTTTTGTCTATTGCCTGTAGTTATTTGGGTTTGGTTTGGACCTCCTGGCCTTA	186525
Sbjct	43381	ATCTTAGCTTTTGTCTATTGCCTGTAGTTATTTGGGTTTGGTTTGGACCTCCTGGCCTTA	43440
Query	186526	TACCCAGACACTTTGGTATGTCCATTGGTGGCATCCTAGTTTAGCTCATAATTGGGCAGT	186585
Sbjct	43441	TACCCAGACACTTTGGTATGTCCATTGGTGGCATCCTAGTTTAGCTCATAATTGGGCAGT	43500
Query	186586	CATGTTGGTGATACATTATGGGTGTAGCTCTGATATTACTAGAAGGCATAGTTTCTGAGC	186645
Sbjct	43501	CATGTTGGTGATACATTATGGGTGTAGCTCTGATATTACTAGAAGGCATAGTTTCTGAGC	43560
Query	186646	AAACTCTGATCCTCTAGCCCTTAGGCTCTTTTCCACAATATTTCCAAAACAGGTGTGGAA	186705
Sbjct	43561	AAACTCTGATCCTCTAGCCCTTAGGCTCTTTTCCACAATATTTCCAAAACAGGTGTGGAA	43620
Query	186706	GTGTTTTGAAGATGTATCATGACTGCATTTTGATTGGTTCTGGTTTTCTGTAGTAATATC	186765
Sbjct	43621	GTGTTTTGAAGATGTATCATGACTGCATTTTGATTGGTTCTGGTTTTCTGTAGTAATATC	43680
Query	186766	CTTCTGTTGTAAATGAATTCCTTTTGTATGACAGGTAAAGGCTAAatttatctatggttat	186825
Sbjct	43681	CTTCTGTTGTAAATGAATTCCTTTTGTATGACAGGTAAAGGCTAAATTTATCTATGTTAT	43740
Query	186826	tttttattagatatattttattttacatttcaaagtgtattttcctttCTCAGAATCCTGTGCA	186885
Sbjct	43741	TTTTTATTAGATATTTTATTTACATTTCAAATGTTATTTCCTTTCTCAGAATCCTGTGCA	43800
Query	186886	TAAGCCCCCTTCCCCTCCCCTTCTTTTATAACAGTGTTCCCATTCCCATCCACCACCTTC	186945
Sbjct	43801	TAAGCCCCCTTCCCCTCCCCTTCTTTTATAACAGTGTTCCCATTCCCATCCACCACCTTC	43860
Query	186946	AAACTCCCCCTACATTTCTTTTCACTTGGGGGTTCCAACCTTGGCAGGACTAAGGGCTGC	187005
Sbjct	43861	AAACTCCCCCTACATTTCTTTTCACTTGGGGGTTCCAACCTTGGCAGGACTAAGGGCTGC	43920
Query	187006	TTCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGGTATTCTCTGCTACATATGCAGTTTGAGCCATGGGT	187065
Sbjct	43921	TTCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGGTATTCTCTGCTACATATGCAGTTTGAGCCATGGGT	43980
Query	187066	CAATCCATGGATAGTCTTTGGGTAGTGATTTAGTCCCTGGAAGCTCTGCTTGGTTGGCAT	187125
Sbjct	43981	CAATCCATGGATAGTCTTTGGGTAGTGATTTAGTCCCTGGAAGCTCTGCTTGGTTGGCAT	44040
Query	187126	AGTTGTTCTTATGGGTTGCAAGCTCCTTTACCTCTTTTCACTCCTTCCACTAATTCCCCTG	187185
Sbjct	44041	AGTTGTTCTTATGGGTTGCAAGCTCCTTTACCTCTTTTCACTCCTTCCACTAATTCCCCTG	44100
Query	187186	CAGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTTGGCAT	187245
Sbjct	44101	CAGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTTGGCAT	44160
Query	187246	GCTCTGGATGTGTCTCTCAGGGGAGATCTATATCTGGTTCTTGTGAGCATGAACTTCGTA	187305
Sbjct	44161	GCTCTGGATGTGTCTCTCAGGGGAGATCTATATCTGGTTCTTGTGAGCATGAACTTCGTA	44220
Query	187306	GCTTCATCCATCTTATCTAATTTTAGTAGCTGTATATATATGGGCGCCATGTGGAACAGG	187365
Sbjct	44221	GCTTCATCCATCTTATCTAATTTTAGTAGCTGTATATATATGGGCGCCATGTGGAACAGG	44280
Query	187366	CTCTGAATGGCCATTCCCTTAAGTCACTGCTCTAAATTTTGCTTCAATATCCCCTCTTATG	187425
Sbjct	44281	CTCTGAATGGCCATTCCCTTAAGTCACTGCTCTAAATTTTGCTTCAATATCCCCTCTTATG	44340
Query	187426	GATGTTTTTGTTCCTCTTTTAAGAACTGAAGACTCTGCACTTTGATCATCCTGCTTCTT	187485
Sbjct	44341	GATGTTTTTGTTCCTCTTTTAAGAACTGAAGACTCTGCACTTTGATCATCCTGCTTCTT	44400
Query	187486	GAGTTTCATGTGGTTTGTGGATTGTATCTTGGGTAATTCGAGCATTTGGGCTAATATCCA	187545
Sbjct	44401	GAGTTTCATGTGGTTTGTGGATTGTATCTTGGGTAATTCGAGCATTTGGGCTAATATCCA	44460
Query	187546	CTTATCAGTGAGTACATACCAACTGTGTTTTTCTGAGTTTGGGTTACCTCGCTCAGGATG	187605
Sbjct	44461	CTTATCAGTGAGTACATACCAACTGTGTTTTTCTGAGTTTGGGTTACCTCGCTCAGGATG	44520
Query	187606	ATATTTTCCAATTCAGTCCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCT	187665
Sbjct	44521	ATATTTTCCAATTCAGTCCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCT	44580
Query	187666	GAGTAATATTCCACTGTGTATCCATTCTCTGTTGAGGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCT	187725
Sbjct	44581	GAGTAATATTCCACTGTGTATCCATTCTCTGTTGAGGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCT	44640
Query	187726	TCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGAGCATGTGTCTTTTTTATATGT	187785
Sbjct	44641	TCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGAGCATGTGTCTTTTTTATATGT	44700

Query	187786	TGGGGCATCTTTTGTAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTAGTGCAAT	187845
Sbjct	44701	TGGGGCATCTTTTGTAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTAGTGCAAT	44760
Query	187846	GTCAAGTTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATC	187905
Sbjct	44761	GTCAAGTTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATC	44820
Query	187906	CCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTCACC	187965
Sbjct	44821	CCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTCACC	44880
Query	187966	TGAGTTTTTGATCTTGGCCGTTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGAT	188025
Sbjct	44881	TGAGTTTTTGATCTTGGCCGTTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGAT	44940
Query	188026	TTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTG	188085
Sbjct	44941	TTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTG	45000
Query	188086	ATATTCTCTCAGCAGTACATTTTTCTTAAGAACTGAGCCATTCTTTTCTGCACCAAATAT	188145
Sbjct	45001	ATATTCTCTCAGCAGTACATTTTTCTTAAGAACTGAGCCATTCTTTTCTGCACCAAATAT	45060
Query	188146	TAACATTCTAGTCCAGAACTTTTTATTGAAAGCATTGGATAGCATAAAACATAtttttt	188205
Sbjct	45061	TAACATTCTAGTCCAGAACTTTTTATTGAAAGCATTGGATAGCATAAAACATATTTTTTT	45120
Query	188206	tCTCAAAAATGAATAAAATCAATATTTGTTTTTAAAGGGTTATTATTTTATTTTGTGTGC	188265
Sbjct	45121	TCTCAAAAATGAATAAAATCAATATTTGTTTTTAAAGGGTTATTATTTTATTTTGTGTGC	45180
Query	188266	ACATATGTCTTATTATGGGCATTTTCACATGTGTGAGGGTGCTCAAGGAACCTATGAGTG	188325
Sbjct	45181	ACATATGTCTTATTATGGGCATTTTCACATGTGTGAGGGTGCTCAAGGAACCTATGAGTG	45240
Query	188326	GATGCTAGATGTTCTGAAGCAGATATCTGTAACAGATAAACCATGAACCACCATTCTTGAC	188385
Sbjct	45241	GATGCTAGATGTTCTGAAGCAGATATCTGTAACAGATAAACCATGAACCACCATTCTTGAC	45300
Query	188386	ATAGTTTCTGGGCACCAAACCTGGAATCCTTTGAAAGTACAGTACATGCTCTTAAGCACCA	188445
Sbjct	45301	ATAGTTTCTGGGCACCAAACCTGGAATCCTTTGAAAGTACAGTACATGCTCTTAAGCACCA	45360
Query	188446	AGCTGTCACTCCATCTCCAAACATACAGTTTTTAAAAATCAAAATATATTGTTTACATGAT	188505
Sbjct	45361	AGCTGTCACTCCATCTCCAAACATACAGTTTTTAAAAATCAAAATATATTGTTTACATGAT	45420
Query	188506	TGTAGTATCTGGAAAACCTTAGATTCTGGAGGTTAAAAAGtattttttatttatttttt	188565
Sbjct	45421	TGTAGTATCTGGAAAACCTTAGATTCTGGAGGTTAAAAAGTATTTTATTTATTTATTTT	45480
Query	188566	ttttttattattatCTTGAGTATTTCTTATATACATTTCAAGTGTATTCCCTTTCCCGGT	188625
Sbjct	45481	TTTTTATTATTATCTTGAGTATTTCTTATATACATTTCAAGTGTATTCCCTTTCCCGGT	45540
Query	188626	TTCCGGACAGACATCAccctccccccctcccccttccttggtgggtgttccccctcccaaacct	188685
Sbjct	45541	TTCCGGACAGACATCACCCCTCCCCCTCCCCCTTCCTTGTGGGTGTTCCCTCCCAAACCT	45600
Query	188686	ccccccattgccaccctccccGCATAGTCTAGTTCACTGGGGTTTCACTCTTAGCAGGAC	188745
Sbjct	45601	CCCCCATTTGCCACCCTCCCGCATAGTCTAGTTCACTGGGGTTTCACTCTTAGCAGGAC	45660
Query	188746	CCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGCTATTCACTGCTACCTATGAGGTTG	188805
Sbjct	45661	CCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGCTATTCACTGCTACCTATGAGGTTG	45720
Query	188806	GAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGG	188865
Sbjct	45721	GAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGG	45780
Query	188866	TTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGGGCACCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTC	188925
Sbjct	45781	TTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGGGCACCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTC	45840
Query	188926	TCTGATTCTTTCAACGGGGGACCTATTCTCAGTTCACTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCT	188985
Sbjct	45841	TCTGATTCTTTCAACGGGGGACCTATTCTCAGTTCACTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCT	45900
Query	188986	CTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTTCGG	189045
Sbjct	45901	CTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTTCGG	45960
Query	189046	TCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	189105
Sbjct	45961	TCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	46020
Query	189106	ATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCTTCAGTCTCTGTTTAAATCTTTGCCTCTCCC	189165

Sbjct	46021	ATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCC	46080
Query	189166	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCCCTCATTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTG	189225
Sbjct	46081	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCCCTCATTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTG	46140
Query	189226	ATCATCCGTTAAAAAGTATTTTTAGAAAGGCTTTTACCATTTTCAACATATGTAACCAAG	189285
Sbjct	46141	ATCATCCGTTAAAAAGTATTTTTAGAAAGGCTTTTACCATTTTCAACATATGTAACCAAG	46200
Query	189286	GAAAGTTCTATTAAAACTAAGGCATGGTTAGTTGCTATGGAAACTCAGAAGAAAGAAAA	189345
Sbjct	46201	GAAAGTTCTATTAAAACTAAGGCATGGTTAGTTGCTATGGAAACTCAGAAGAAAGAAAA	46260
Query	189346	TTTTTACTAGCAGTTTTTTATTGTTTGCATAGAGAAGGAAAAAACATATTGGGGGATGGGA	189405
Sbjct	46261	TTTTTACTAGCAGTTTTTTATTGTTTGCATAGAGAAGGAAAAAACATATTGGGGGATGGGA	46320
Query	189406	ATTGATCCCATATGATAATATAGACTTTTTATTAGaaaaaaaaaaaaGAACCAAGTATAGA	189465
Sbjct	46321	ATTGATCCCATATGATAATATAGACTTTTTATTAGAAAAAAAAAAAAAGAACCAAGTATAGA	46380
Query	189466	ATTGTGAATTTAGAGAGACACTGtattttcaattttctaaaagattttttattattttaatt	189525
Sbjct	46381	ATTGTGAATTTAGAGAGACACTGTATTTCAATTTTCTAAAAGATTTTATTATTTTAATT	46440
Query	189526	atctttttattgaaaaggattttttaCAGAAGTGCATATGTCAGCAGAATCCAGAGGTAGAA	189585
Sbjct	46441	ATCTTTTATTGAAAAGGATTTTACAGAAGTGCATATGTCAGCAGAATCCAGAGGTAGAA	46500
Query	189586	TCAGATTCCCTAGAGCTGAAATTAATAGGCAGTTTTCATACTAGGAACTGAAGTCAGGTC	189645
Sbjct	46501	TCAGATTCCCTAGAGCTGAAATTAATAGGCAGTTTTCATACTAGGAACTGAAGTCAGGTC	46560
Query	189646	CTTTGCAAAAGCAATATGTATTCTTATTACTGAGCCTTTTTCAATTTCACTTATTTATTT	189705
Sbjct	46561	CTTTGCAAAAGCAATATGTATTCTTATTACTGAGCCTTTTTCAATTTCACTTATTTATTT	46620
Query	189706	TGACATTTATTTGTATTAGTATGTTACACAAAACCCATGTGTTGCATATGAGTATGTATA	189765
Sbjct	46621	TGACATTTATTTGTATTAGTATGTTACACAAAACCCATGTGTTGCATATGAGTATGTATA	46680
Query	189766	TACCATTGTAAATACACATGTAAAAGTCAAAGATTAACATACAGGAGTCAATTCTTTTAT	189825
Sbjct	46681	TACCATTGTAAATACACATGTAAAAGTCAAAGATTAACATACAGGAGTCAATTCTTTTAT	46740
Query	189826	CATGTAGTTCCTGGGATCAAAGTTCATACTTGGAATCATAATAAGTACCTTAGAAATCTT	189885
Sbjct	46741	CATGTAGTTCCTGGGATCAAAGTTCATACTTGGAATCATAATAAGTACCTTAGAAATCTT	46800
Query	189886	GGTGATCCCtttttatttcttttttggcacctgcaatttttcttttttctttttCTCTGA	189945
Sbjct	46801	GGTGATCCCTTTTTATTTCCTTTTTTGGCACCTGCAATTTTCTTTTTTCTTTTCTCTGA	46860
Query	189946	AGAGTAAAAGTAAACAAAGAACAGTTATTTGAACTATGGTGAATGACTTGAGGATACATC	190005
Sbjct	46861	AGAGTAAAAGTAAACAAAGAACAGTTATTTGAACTATGGTGAATGACTTGAGGATACATC	46920
Query	190006	TCAGAATACAAGATACAGTCTGAGGCTGAATTAAGTTAAACatttttaaatggaaattttt	190065
Sbjct	46921	TCAGAATACAAGATACAGTCTGAGGCTGAATTAAGTTAAACATTTTAAATGGAAATTTTT	46980
Query	190066	ttattatttttcatttaaatatttttcattattttaaattttggttttagaaaattcactcgtt	190125
Sbjct	46981	TTATTATTTTTCATTAAATATTTTCATTATTTAAATTTTGTTTTAGAAAATTCACTCGTT	47040
Query	190126	ttaCATGTATTTTACATTATATTGTATATGGAATTTATAAGATACAGGGTGGAATAAGT	190185
Sbjct	47041	TTACATGTATTTTACATTATATTGTATATGGAATTTATAAGATACAGGGTGGAATAAGT	47100
Query	190186	ATAATGGAGAATATTATTAGATTCCCTTAAATAAGAAGTATAAAGTATAATAGATAAGA	190245
Sbjct	47101	ATAATGGAGAATATTATTAGATTCCCTTAAATAAGAAGTATAAAGTATAATAGATAAGA	47160
Query	190246	CCTTATGAGAAAGTACAAGGTATAGTCATGAGGCATTAGAAAGGTGAAGATAGCCAGTC	190305
Sbjct	47161	CCTTATGAGAAAGTACAAGGTATAGTCATGAGGCATTAGAAAGGTGAAGATAGCCAGTC	47220
Query	190306	TCTTAGGTTTTTAGAAGGCAGGATGAATGAGAAAAAGTATGTGAATAAATCTGAATTTGTA	190365
Sbjct	47221	TCTTAGGTTTTTAGAAGGCAGGATGAATGAGAAAAAGTATGTGAATAAATCTGAATTTGTA	47280
Query	190366	TTGTTGAAATATTAAGAATCTGGCTCTAAAGCTGGATGCTTGTAGTGTATGCCTTTAATC	190425
Sbjct	47281	TTGTTGAAATATTAAGAATCTGGCTCTAAAGCTGGATGCTTGTAGTGTATGCCTTTAATC	47340
Query	190426	CCAGCACTCATGAGACAGAGGCAGATGTAGCTCTTGAGTTCAAGCCCAGCCTATTCTTCC	190485
Sbjct	47341	CCAGCACTCATGAGACAGAGGCAGATGTAGCTCTTGAGTTCAAGCCCAGCCTATTCTTCC	47400

Query	190486	AGGACAGTCAGGGCTCCACAGAGAAATCCTGTCTTAAAAGGGAAAAAAGTTGAAAAGGCT	190545
Sbjct	47401	AGGACAGTCAGGGCTCCACAGAGAAATCCTGTCTTAAAAGGGAAAAAAGTTGAAAAGGCT	47460
Query	190546	CTAAGTAAGTTAGGGCCAAAAACAAGCAAGATAACAAACAGCATTTGATATTTTAAAAAT	190605
Sbjct	47461	CTAAGTAAGTTAGGGCCAAAAACAAGCAAGATAACAAACAGCATTTGATATTTTAAAAAT	47520
Query	190606	TAGTCCTATTTTAAACCAAGGTCTTATGAGAGGACTGGTAGTTCAGACAAAAAATTATC	190665
Sbjct	47521	TAGTCCTATTTTAAACCAAGGTCTTATGAGAGGACTGGTAGTTCAGACAAAAAATTATC	47580
Query	190666	TGGCTTTTAGTTTGAAACAGGAATTTGAACTGCGATGCAATTTATTTGGTAAAGTACCTA	190725
Sbjct	47581	TGGCTTTTAGTTTGAAACAGGAATTTGAACTGCGATGCAATTTATTTGGTAAAGTACCTA	47640
Query	190726	CTTAGCATCCATAAGGCCCTGGGAATAATGACTTATGCCCGAAAATTTCTGCACCACAGA	190785
Sbjct	47641	CTTAGCATCCATAAGGCCCTGGGAATAATGACTTATGCCCGAAAATTTCTGCACCACAGA	47700
Query	190786	GTTCAATTATCAGAGGATAAGAAGATCAAGGTAATTGGTCACCACAAAATAAGATAGCCTT	190845
Sbjct	47701	GTTCAATTATCAGAGGATAAGAAGATCAAGGTAATTGGTCACCACAAAATAAGATAGCCTT	47760
Query	190846	AGATTTATAAAACACTGTCTCAGAAAACCAACAACAACGACCTGAATCTAATGTAC	190905
Sbjct	47761	AGATTTATAAAACACTGTCTCAGAAAACCAACAACAACGACCTGAATCTAATGTAC	47820
Query	190906	TATAAAAAGTTTATAAGATGTATGACTCATTTTATAAATGCCCTTGACAACTATCCTG	190965
Sbjct	47821	TATAAAAAGTTTATAAGATGTATGACTCATTTTATAAATGCCCTTGACAACTATCCTG	47880
Query	190966	GTGATGTGAGTTGTACTAATATGTTTGAAAGTGAGAATCACTTTTTACAAGTTGTCCTCT	191025
Sbjct	47881	GTGATGTGAGTTGTACTAATATGTTTGAAAGTGAGAATCACTTTTTACAAGTTGTCCTCT	47940
Query	191026	GACCTGAACACTAATACTTTGGTACTTATGCCTATATAAGACATACAAAAGTAAAAATTT	191085
Sbjct	47941	GACCTGAACACTAATACTTTGGTACTTATGCCTATATAAGACATACAAAAGTAAAAATTT	48000
Query	191086	TAAGGTAAATATTGGGTAAATGTAAGAAGGTTAATAATGTATTTGTAGAAAAAGTAGACA	191145
Sbjct	48001	TAAGGTAAATATTGGGTAAATGTAAGAAGGTTAATAATGTATTTGTAGAAAAAGTAGACA	48060
Query	191146	TCTTCAATGTTATATTA AACAGAAATATAAAAAATTGTATTTAATTTTGTCTATGTAAAC	191205
Sbjct	48061	TCTTCAATGTTATATTA AACAGAAATATAAAAAATTGTATTTAATTTTGTCTATGTAAAC	48120
Query	191206	TGGCTATTTCTCACGATAGTCTAAACCAAATTTAGAAAATTACTTCAAGCATTAAGTGA	191265
Sbjct	48121	TGGCTATTTCTCACGATAGTCTAAACCAAATTTAGAAAATTACTTCAAGCATTAAGTGA	48180
Query	191266	CAC TTATGTAAATAGGTACAAAAAGACTTTATTGTCTTTTTTGTTCAGACATGAATTAT	191325
Sbjct	48181	CAC TTATGTAAATAGGTACAAAAAGACTTTATTGTCTTTTTTGTTCAGACATGAATTAT	48240
Query	191326	ACTTATTATATCTGGTATCAGTTCATTTATGGTCCATATAGTTAAAGCAAAAGCAGAGAC	191385
Sbjct	48241	ACTTATTATATCTGGTATCAGTTCATTTATGGTCCATATAGTTAAAGCAAAAGCAGAGAC	48300
Query	191386	TCTTACAAATATACTTTTTCGGTAATTAGAAGGTCAATTAGGATGGACCGTTTGTGTACA	191445
Sbjct	48301	TCTTACAAATATACTTTTTCGGTAATTAGAAGGTCAATTAGGATGGACCGTTTGTGTACA	48360
Query	191446	TATCTTAATTAGGAATTTTCGTTTTACCATTTTATAATGTGAAATTTATAATTGAATTTAT	191505
Sbjct	48361	TATCTTAATTAGGAATTTTCGTTTTACCATTTTATAATGTGAAATTTATAATTGAATTTAT	48420
Query	191506	AATTTAGCAAGACTAAAAACTATTGTAAATTTATAGATGTAATAAAATTTTGCCAAAATT	191565
Sbjct	48421	AATTTAGCAAGACTAAAAACTATTGTAAATTTATAGATGTAATAAAATTTTGCCAAAATT	48480
Query	191566	TACTAGGAATATACAAAATAGGTATAAGATTGAGTTGCCATTGGTAGACAAGAGGAAC TT	191625
Sbjct	48481	TACTAGGAATATACAAAATAGGTATAAGATTGAGTTGCCATTGGTAGACAAGAGGAAC TT	48540
Query	191626	TCCTCTAAGAGATGTTTCTGTATATTATTTTGaaaaaatgtaatatatttgtttctatgtaa	191685
Sbjct	48541	TCCTCTAAGAGATGTTTCTGTATATTATTTTGAAAAAATGTAATATTTGTTTCTATGTAA	48600
Query	191686	aat t t t g a a t t t t t c t t a a g a t t a a a a t a a a a a a a a C T T A G G A C T T A C T T C C T G G A A T G T	191745
Sbjct	48601	AATTTGAATTTTCTTAAGATTAAATAAAAAAAACCTTAGGACTTACTTCCTGGAATGT	48660
Query	191746	TTAAAAATAGCAAAATCATAAAGAGTACTTTGATTTAGTTTCACTTCTAATTATAGTGTTT	191805
Sbjct	48661	TTAAAAATAGCAAAATCATAAAGAGTACTTTGATTTAGTTTCACTTCTAATTATAGTGTTT	48720
Query	191806	TCTTATGTATTCCTTTTTTATTGCAGTTGATGGGTTATTGAAAATGAGTGCTTCAGATATG	191865



Sbjct	48721	TCTTATGTATTCCTTTTTATTGCAGTTGATGGGTTATTGAAAATGAGTGCTTCAGATATG	48780
Query	191866	TAAACATGATGACATTTTAATATGTAATATAGAAGAAATCAATATTTGATATTTATTCCC	191925
Sbjct	48781	TAAACATGATGACATTTTAATATGTAATATAGAAGAAATCAATATTTGATATTTATTCCC	48840
Query	191926	TGGTTTAGGAGCTGACTTAGTCAGAACTGAAAGCCATGGATGAAGAAGAAATTGAATTGA	191985
Sbjct	48841	TGGTTTAGGAGCTGACTTAGTCAGAACTGAAAGCCATGGATGAAGAAGAAATTGAATTGA	48900
Query	191986	CTCCACAGGAAGAAAACCTATTGTTTGATGGAATAGGTATAATTTCTTGAGTATTCTG	192045
Sbjct	48901	CTCCACAGGAAGAAAACCTATTGTTTGATGGAATAGGTATAATTTCTTGAGTATTCTG	48960
Query	192046	ATTCTTAAATTAGATTTAGAATTATTTCAACAAAATTTGTTGTCAGATTTTATTTATATC	192105
Sbjct	48961	ATTCTTAAATTAGATTTAGAATTATTTCAACAAAATTTGTTGTCAGATTTTATTTATATC	49020
Query	192106	ATTTTCGTACAAAATTCCTTAGTATTGGCCGAACTTTATTGGTAACTCTGTCAGTTATA	192165
Sbjct	49021	ATTTTCGTACAAAATTCCTTAGTATTGGCCGAACTTTATTGGTAACTCTGTCAGTTATA	49080
Query	192166	CTATCAGTATTCAAGTCTTACTGCTAGTTTCAGttattttttattttattttatttttt	192225
Sbjct	49081	CTATCAGTATTCAAGTCTTACTGCTAGTTTCAGTTATTTTTTATTATTATTATTATTTT	49140
Query	192226	aCAAAATTATGTGTTTCATATGCATGAATATGCCATGGCACCTGTGGTGAGTAAAGAAGCAG	192285
Sbjct	49141	ACAAATTATGTGTTTCATATGCATGAATATGCCATGGCACCTGTGGTGAGTAAAGAAGCAG	49200
Query	192286	GATTGCTTGCTTTACTAGATGTGTCTCAGGAATCCCAGATAATAAAGCTTGGTAGCAGAT	192345
Sbjct	49201	GATTGCTTGCTTTACTAGATGTGTCTCAGGAATCCCAGATAATAAAGCTTGGTAGCAGAT	49260
Query	192346	GCTTTTCTCTGCTAAATCATCCAACCTGGTTCAGTTTCACTTATTCTGATATGTACAAGTT	192405
Sbjct	49261	GCTTTTCTCTGCTAAATCATCCAACCTGGTTCAGTTTCACTTATTCTGATATGTACAAGTT	49320
Query	192406	ATGCAACTAAATACTACTAGTTCTGATTTGGGGTATTTTACAGACATAAGCCCCCTTATCC	192465
Sbjct	49321	ATGCAACTAAATACTACTAGTTCTGATTTGGGGTATTTTACAGACATAAGCCCCCTTATCC	49380
Query	192466	CATCTCCCTTCCATTCTTTTATAAGGGTGTTCCAATTCTAACCCTCCCCCAGTCCCAAC	192525
Sbjct	49381	CATCTCCCTTCCATTCTTTTATAAGGGTGTTCCAATTCTAACCCTCCCCCAGTCCCAAC	49440
Query	192526	ATTTTCTTATACTACGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCAAGGACTTCTCCTTCCATTGGTG	192585
Sbjct	49441	ATTTTCTTATACTACGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCAAGGACTTCTCCTTCCATTGGTG	49500
Query	192586	CCCAACAAGGCTATTCACTGCTACATATGCAGCTGGAGCCCTGGGTCTGTTTCATATGTAG	192645
Sbjct	49501	CCCAACAAGGCTATTCACTGCTACATATGCAGCTGGAGCCCTGGGTCTGTTTCATATGTAG	49560
Query	192646	TCTTTGAGTAGTGGTTAAGTCCCTGGAAGCTGTGGTTGATTTCATTGTAGTTTTTATGG	192705
Sbjct	49561	TCTTTGAGTAGTGGTTAAGTCCCTGGAAGCTGTGGTTGATTTCATTGTAGTTTTTATGG	49620
Query	192706	GGTTGCAGGTCCCTTCCGCTGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAATTCTCCCAACTCCATTCT	192765
Sbjct	49621	GGTTGCAGGTCCCTTCCGCTGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAATTCTCCCAACTCCATTCT	49680
Query	192766	CAGTTCAGTGGTTTCAGCTAGCATTCTCCTCTCTATTTGAAATGATCTGGCTGTGTCTTC	192825
Sbjct	49681	CAGTTCAGTGGTTTCAGCTAGCATTCTCCTCTCTATTTGAAATGATCTGGCTGTGTCTTC	49740
Query	192826	TTGGCTTTTCTCAATCCTATCTAGTTTTGGTGACTGtatatatatatatatatatatat	192885
Sbjct	49741	TTGGCTTTTCTCAATCCTATCTAGTTTTGGTGACTGTATATATATATATATATATATAT	49800
Query	192886	atatatatatatatatatatgggctgtatatatgtatatatgaatatatgTGGGGCAAGCTC	192945
Sbjct	49801	ATATATATATATATATATATGGGCTGTATATATGTATATATGAATATATGTGGGGCAAGCTC	49860
Query	192946	TGAATGACAGGTACTTCAGTCTCTGCTCCAAACTCTccccccgaccccgccccAGAGCTG	193005
Sbjct	49861	TGAATGACAGGTACTTCAGTCTCTGCTCCAAACTCTCCCCCGACCCCGCCCCAGAGCTG	49920
Query	193006	TGGACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCT	193065
Sbjct	49921	TGGACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCT	49980
Query	193066	CAACCCCCAAACTTTGCTCCATATCCACTCCTATGAATATTTTGTTCCCCCTTTTAGAA	193125
Sbjct	49981	CAACCCCCAAACTTTGCTCCATATCCACTCCTATGAATATTTTGTTCCCCCTTTTAGAA	50040
Query	193126	AGGAGTGACACTTTGATTTCACTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGTCTGTGGATTGTATGTT	193185
Sbjct	50041	AGGAGTGACACTTTGATTTCACTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGTCTGTGGATTGTATGTT	50100

Query	193186	GGGTAATTCAAACCTTTTGGGCTAATATTTACTTATCAGTGAATGGGTACCATGTGTGTTT	193245
Sbjct	50101	GGGTAATTCAAACCTTTTGGGCTAATATTTACTTATCAGTGAATGGGTACCATGTGTGTTT	50160
Query	193246	TTCTGTGATTTGGGATACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAATTCGACCATTTGCCTAT	193305
Sbjct	50161	TTCTGTGATTTGGGATACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAATTCGACCATTTGCCTAT	50220
Query	193306	GAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATGTACCA	193365
Sbjct	50221	GAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATGTACCA	50280
Query	193366	CATTTTCTGTATCCATTCTCTGTGTAAGGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTAT	193425
Sbjct	50281	CATTTTCTGTATCCATTCTCTGTGTAAGGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTAT	50340
Query	193426	TATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTATATGTTGGGGCATC	193485
Sbjct	50341	TATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTATATGTTGGGGCATC	50400
Query	193486	TTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTAGTGCAATATCCACTTT	193545
Sbjct	50401	TTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTAGTGCAATATCCACTTT	50460
Query	193546	TCTGAGGAGCCTACAGAATGATTACCAGAGAAGTTGTATAAGTTTGCAATAAATCAAACA	193605
Sbjct	50461	TCTGAGGAGCCTACAGAATGATTACCAGAGAAGTTGTATAAGTTTGCAATAAATCAAACA	50520
Query	193606	ATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCATGTTTTGCCAGCATCTGTCGTTACCTGAGATTTTG	193665
Sbjct	50521	ATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCATGTTTTGCCAGCATCTGTCGTTACCTGAGATTTTG	50580
Query	193666	ATCTTAGCCGTTCTGACTGGTATGAGGTGGGATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCT	193725
Sbjct	50581	ATCTTAGCCGTTCTGACTGGTATGAGGTGGGATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCT	50640
Query	193726	CTGGTGACCAAGGATGTTTAAATATTTCTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCTATATTCCTCA	193785
Sbjct	50641	CTGGTGACCAAGGATGTTTAAATATTTCTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCTATATTCCTCA	50700
Query	193786	TCTGTGAATTTTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTAAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGG	193845
Sbjct	50701	TCTGTGAATTTTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTAAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGG	50760
Query	193846	AGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGTATATTTTGGATATTAGCCCTCTATCCAATGTAGGAC	193905
Sbjct	50761	AGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGTATATTTTGGATATTAGCCCTCTATCCAATGTAGGAC	50820
Query	193906	TGGTAAAGATCTTTTCCTAATCTATTGGTTGCCATTTTGTCTATTGATAGTGCCTTTG	193965
Sbjct	50821	TGGTAAAGATCTTTTCCTAATCTATTGGTTGCCATTTTGTCTATTGATAGTGCCTTTG	50880
Query	193966	CCTTACAGAAGCCTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTTGTCAATTTCTTGATCTTGATCTT	194025
Sbjct	50881	CCTTACAGAAGCCTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTTGTCAATTTCTTGATCTTGATCTT	50940
Query	194026	AGGTGGgttttttCCCAGGAAATTTTCCTCAGTGTCCATGTGTTCAAGGCTCTTCCCCAC	194085
Sbjct	50941	AGGTGGTTTTTTTCCCAGGAAATTTTCCTCAGTGTCCATGTGTTCAAGGCTCTTCCCCAC	51000
Query	194086	TTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCTTGATCTGCTTGGA	194145
Sbjct	51001	TTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCTTGATCTGCTTGGA	51060
Query	194146	CTTGAGCTTTGAACTGGGAGATAAGAATGGATGGATTTGCTTTCTTCTACAGGCTGACCT	194205
Sbjct	51061	CTTGAGCTTTGAACTGGGAGATAAGAATGGATGGATTTGCTTTCTTCTACAGGCTGACCT	51120
Query	194206	CCAGTTGAACCCGCACCATTAGTTAAATGCTGTCTTTTTTCCATTGGATGGCTTCAGCAA	194265
Sbjct	51121	CCAGTTGAACCCGCACCATTAGTTAAATGCTGTCTTTTTTCCATTGGATGGCTTCAGCAA	51180
Query	194266	CTTTGTCAAAGATCAAGTGACCTTAAGTGTGTGGGTTTCATCTCTGGGTCTTTAATTCTAT	194325
Sbjct	51181	CTTTGTCAAAGATCAAGTGACCTTAAGTGTGTGGGTTTCATCTCTGGGTCTTTAATTCTAT	51240
Query	194326	TCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATAACAGTTTTTGTCACTATTGCTC	194385
Sbjct	51241	TCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATAACAGTTTTTGTCACTATTGCTC	51300
Query	194386	TGTAATACTGCTTAAGATCAGGGATAGTGATTCCACAGAAGTTCTGTTATTGTTGAGGA	194445
Sbjct	51301	TGTAATACTGCTTAAGATCAGGGATAGTGATTCCACAGAAGTTCTGTTATTGTTGAGGA	51360
Query	194446	TAATTTTCCCTATCCCAGGTTTATTGTTACTCCCAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTT	194505
Sbjct	51361	TAATTTTCCCTATCCCAGGTTTATTGTTACTCCCAATGAATTTGCAAATTGCTCTTTCTT	51420
Query	194506	ACTCTATGAAGAATTGGATTAGTATTTTGATGGGGATTGCATCGAATCTGTAGATCGCTT	194565

Sbjct	51421	ACTCTATGAAGAATTGGATTAGTATTTTGTATGGGGATTGCATCGAATCTGTAGATCGCTT	51480
Query	194566	TTGGTAAAATGACCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTT	194625
Sbjct	51481	TTGGTAAAATGACCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTT	51540
Query	194626	TCCATCTTCTGAGGTCTTCCTCAATTTCTTCTTCAGAGACTTGAAGTTCTTGTCAGACA	194685
Sbjct	51541	TCCATCTTCTGAGGTCTTCCTCAATTTCTTCTTCAGAGACTTGAAGTTCTTGTCAGACA	51600
Query	194686	GATCTTTTACTTGCTTCATTACAGTGACACCAAGGTATTTTATGTTACTTGAGACTATTG	194745
Sbjct	51601	GATCTTTTACTTGCTTCATTACAGTGACACCAAGGTATTTTATGTTACTTGAGACTATTG	51660
Query	194746	TGAAGGGTGTTCATGTCCTTAATTTCTTTCTCAGCCTGTTTCATCCTTTGAGTAGAGGAAGG	194805
Sbjct	51661	TGAAGGGTGTTCATGTCCTTAATTTCTTTCTCAGCCTGTTTCATCCTTTGAGTAGAGGAAGG	51720
Query	194806	CTAATGATTTTGTGTTGAGTAAATGTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGAC	194865
Sbjct	51721	CTAATGATTTTGTGTTGAGTAAATGTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGAC	51780
Query	194866	TTAGTAGTTCTTTGTGAAACTTTTGTGATCACTTAAGTATACTATCATATTTGCAAAATT	194925
Sbjct	51781	TTAGTAGTTCTTTGTGAAACTTTTGTGATCACTTAAGTATACTATCATATTTGCAAAATT	51840
Query	194926	TTGATCTCTTCCATTCCAATTTGTATCCCTTTGACCTCCTTTTGTGTCAGTTGCTCTG	194985
Sbjct	51841	TTGATCTCTTCCATTCCAATTTGTATCCCTTTGACCTCCTTTTGTGTCAGTTGCTCTG	51900
Query	194986	GCTAGGACTCTGAGTCTTATATTAATGAGTAGGGAGAGAGTGTGGCAGGATCGTTTAGT	195045
Sbjct	51901	GCTAGGACTCTGAGTCTTATATTAATGAGTAGGGAGAGAGTGTGGCAGGATCGTTTAGT	51960
Query	195046	CCCTGATTTTAAATGGGATTGCTTCACATTGCTCTCCATATTGTTTGATGTTAGCTACTGG	195105
Sbjct	51961	CCCTGATTTTAAATGGGATTGCTTCACATTGCTCTCCATATTGTTTGATGTTAGCTACTGG	52020
Query	195106	TTTGCTGTATAGTGCTTTTACTATGCTTAGTTATGGGCCTTGAATTCCTGTTCTTTTCAG	195165
Sbjct	52021	TTTGCTGTATAGTGCTTTTACTATGCTTAGTTATGGGCCTTGAATTCCTGTTCTTTTCAG	52080
Query	195166	GACTTTTATCACAAAAGGGTATTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAGCATCTATTGAAAT	195225
Sbjct	52081	GACTTTTATCACAAAAGGGTATTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAGCATCTATTGAAAT	52140
Query	195226	CATGTGGttttttttCTTTGAGTTTGTTTATATAGTGGATCATGTTGATGGATTTCCATA	195285
Sbjct	52141	CATGTGGTTTTTTTTCTTTGAGTTTGTTTATATAGTGGATCATGTTGATGGATTTCCATA	52200
Query	195286	AACTGAACCATCCCTGCATTCCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATGGTTT	195345
Sbjct	52201	AACTGAACCATCCCTGCATTCCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATGGTTT	52260
Query	195346	TGATGTGTCCTTGGATTTCGTTTTGCAAGAAATTTTCTTGAGCATTTTCCTAAGAGAAATTG	195405
Sbjct	52261	TGATGTGTCCTTGGATTTCGTTTTGCAAGAAATTTTCTTGAGCATTTTCCTAAGAGAAATTG	52320
Query	195406	GTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGG	195465
Sbjct	52321	GTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGG	52380
Query	195466	CTTCATAGAAGGAATTCGCTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATA	195525
Sbjct	52381	CTTCATAGAAGGAATTCGCTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATA	52440
Query	195526	GTATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCTGGGCTAT	195585
Sbjct	52441	GTATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCTGGGCTAT	52500
Query	195586	TTTTGGTTGGGATACTTTTAATAACTGATCTATATCTTTAGGAGTTATAGGATTGTTTAG	195645
Sbjct	52501	TTTTGGTTGGGATACTTTTAATAACTGATCTATATCTTTAGGAGTTATAGGATTGTTTAG	52560
Query	195646	ATGTTTATCTGTTCCCTGATTTAATTTTGGTACCTGGTATTTGTTAGCAAATTATCCAT	195705
Sbjct	52561	ATGTTTATCTGTTCCCTGATTTAATTTTGGTACCTGGTATTTGTTAGCAAATTATCCAT	52620
Query	195706	TTCTCCAGGTTTTGCAGTTTTGTTGACTATAGCCTCCTTTTTAGTAAGATTTGATGATT	195765
Sbjct	52621	TTCTCCAGGTTTTGCAGTTTTGTTGACTATAGCCTCCTTTTTAGTAAGATTTGATGATT	52680
Query	195766	GTTTGAATTTCTCAGTTTCTGTTATATGTCTCCGTTTTTCATTTCTGATTTTGTAATTT	195825
Sbjct	52681	GTTTGAATTTCTCAGTTTCTGTTATATGTCTCCGTTTTTCATTTCTGATTTTGTAATTT	52740
Query	195826	GGATACACTCTTTGTGCCCTCTGGTTAGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTA	195885
Sbjct	52741	GGATACACTCTTTGTGCCCTCTGGTTAGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTA	52800

Query	195886	TCTCACAGAACCAACTTTTGGTTTTGTGTGATCCTTTGTATGGTCCTTTTGTCTACTT	195945
Sbjct	52801	TCTCACAGAACCAACTTTTGGTTTTGTGTGATCCTTTGTATGGTCCTTTTGTCTACTT	52860
Query	195946	GGTTGATTTCAGCTCTGATTGATAATTTCTGCCTTCTACTCCTCGGGTGTATTTGC	196005
Sbjct	52861	GGTTGATTTCAGCTCTGATTGATAATTTCTGCCTTCTACTCCTCGGGTGTATTTGC	52920
Query	196006	tttttttttGTTCTAGAGATTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGATGTATGCTTCTTTTGGA	196065
Sbjct	52921	TTTTTTTTTGTCTAGAGATTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGATGTATGCTTCTTTTGGA	52980
Query	196066	GGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTTTCGCATAAGTTTGG	196125
Sbjct	52981	GGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTTTCGCATAAGTTTGG	53040
Query	196126	GTTTGTGTGACCTCATTTTAATTAAATCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCTTCCC	196185
Sbjct	53041	GTTTGTGTGACCTCATTTTAATTAAATCTAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCTTCCC	53100
Query	196186	GATCAAGTTATCATTGGATAGTTTTCATTGAAGAGCATTCTTCAGCTTCCATGTGTATGT	196245
Sbjct	53101	GATCAAGTTATCATTGGATAGTTTTCATTGAAGAGCATTCTTCAGCTTCCATGTGTATGT	53160
Query	196246	GGGCGTTTTGTCATTTTCTTATTATTGAAGTCCAGCCTTTTACATAGTGATTTCATAGGA	196305
Sbjct	53161	GGGCGTTTTGTCATTTTCTTATTATTGAAGTCCAGCCTTTTACATAGTGATTTCATAGGA	53220
Query	196306	TGCATGGGATTATTTCAATTTATTGTATCTGTTAAGGCCTGTTTGTGACTGACTATATG	196365
Sbjct	53221	TGCATGGGATTATTTCAATTTATTGTATCTGTTAAGGCCTGTTTGTGACTGACTATATG	53280
Query	196366	GTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGCAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGG	196425
Sbjct	53281	GTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGCAGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGTTTAGG	53340
Query	196426	ATGAAATGTCCTATAAATAAATATCTGTTAAATCTATTTGGTTCATAAACTTGTGTTC	196485
Sbjct	53341	ATGAAATGTCCTATAAATAAATATCTGTTAAATCTATTTGGTTCATAAACTTGTGTTC	53400
Query	196486	TCTATGTCTTTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTG	196545
Sbjct	53401	TCTATGTCTTTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTG	53460
Query	196546	AAATCTCCTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTT	196605
Sbjct	53461	AAATCTCCTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTT	53520
Query	196606	ATGAATGTAGGTGCTTTTGCATCTGGAGCATAGATATTTAGGATTCAGAGTTCATCTTGG	196665
Sbjct	53521	ATGAATGTAGGTGCTTTTGCATCTGGAGCATAGATATTTAGGATTCAGAGTTCATCTTGG	53580
Query	196666	TGGATTTTTCCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTACATTTTTTGATAAAATTTGGT	196725
Sbjct	53581	TGGATTTTTCCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTACATTTTTTGATAAAATTTGGT	53640
Query	196726	TGAAAGTTGATTTTATTCGATATTAGAATAGTGACTCCAGCTTGTTTCTTCAGACCATT	196785
Sbjct	53641	TGAAAGTTGATTTTATTCGATATTAGAATAGTGACTCCAGCTTGTTTCTTCAGACCATT	53700
Query	196786	GCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTTACTCTGAGCTACTGTCTGTCTTTGTCTCTGAGA	196845
Sbjct	53701	GCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTTACTCTGAGCTACTGTCTGTCTTTGTCTCTGAGA	53760
Query	196846	TGTATTTCTCGAGATGTATGCAACAGAATGCTGGGTTCTGTTTCCATATCCAGTCtttta	196905
Sbjct	53761	TGTATTTCTCGAGATGTATGCAACAGAATGCTGGGTTCTGTTTCCATATCCAGTCTTTTA	53820
Query	196906	tttttggctcttttATTGGGGAGTTGAGTCCATTGATGTTGAGAGATACTAAGGAATAGT	196965
Sbjct	53821	TTTTTGTCTTTTATTGGGGAGTTGAGTCCATTGATGTTGAGAGATACTAAGGAATAGT	53880
Query	196966	GATTGTTGTTTCCTGTTATTTTTGTATTTAGAGGTGGAATTATGTTTGTGTGTCTCTCTT	197025
Sbjct	53881	GATTGTTGTTTCCTGTTATTTTTGTATTTAGAGGTGGAATTATGTTTGTGTGTCTCTCTT	53940
Query	197026	CTTTTGGTTTTATTTCAGGATATTACTTTCTTGCTTTGTCAAGGGTATAGTTTTCTCCTC	197085
Sbjct	53941	CTTTTGGTTTTATTTCAGGATATTACTTTCTTGCTTTGTCAAGGGTATAGTTTTCTCCTC	54000
Query	197086	TTGTGTTAGAGTTTTCATCTTTTATCTTTATATGCTGTATTGTAGAAAGATATTGT	197145
Sbjct	54001	TTGTGTTAGAGTTTTCATCTTTTATCTTTATATGCTGTATTGTAGAAAGATATTGT	54060
Query	197146	TTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGGTTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTT	197205
Sbjct	54061	TTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGGTTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTT	54120
Query	197206	GCTATATATAGTAGCCTGGGTTGGCATTGTGTTTTCTTTGACTTCTCCCCAGGATCTTC	197265

Sbjct	54121	GCTATATATAGTAGCCTGGGTTGGCATTTGTGTTTTCTTTGACTTCTCCCCAGGATCTTC	54180
Query	197266	TGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAGAAATTCCTATAGGTTTGCCTTTACATGTTACATGA	197325
Sbjct	54181	TGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAGAAATTCCTATAGGTTTGCCTTTACATGTTACATGA	54240
Query	197326	CCCTTTCCCCTTACTGCTTTTAATATTCttttttttGTTTTGTGCATTTGGTGTTTTGACT	197385
Sbjct	54241	CCCTTTCCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTTTTTGTGTTTTGTGCATTTGGTGTTTTGACT	54300
Query	197386	ATTACCTGACAGGAGGAATTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCCTGTAGGCTTCT	197445
Sbjct	54301	ATTACCTGACAGGAGGAATTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCCTGTAGGCTTCT	54360
Query	197446	TGTATGTTTATAGTCATGTCCTTCtttttttttttcttttttctttttcttttttCCGGA	197505
Sbjct	54361	TGTATGTTTATAGTCATGTCCTTCTTTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTCCGGA	54420
Query	197506	GCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTACTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAA	197565
Sbjct	54421	GCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGCTTACTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAA	54480
Query	197566	TCCCCAACCCTAGTCATGTTCTTCTTGAGGTTCTTGTTCAAGATATTTACTGGACCTTTA	197625
Sbjct	54481	TCCCCAACCCTAGTCATGTTCTTCTTGAGGTTCTTGTTCAAGATATTTACTGGACCTTTA	54540
Query	197626	AGTTGAGGAATCTTCACCTCTTCTATACCTATTATTATTAAGTTTGATCTTCTCATTGT	197685
Sbjct	54541	AGTTGAGGAATCTTCACCTCTTCTATACCTATTATTATTAAGTTTGATCTTCTCATTGT	54600
Query	197686	GTCTTGCATTTCCTGGATGTTTTGGGCTAGGAGCTTTTTGTGTTTTACATTATCTTTTCAT	197745
Sbjct	54601	GTCTTGCATTTCCTGGATGTTTTGGGCTAGGAGCTTTTTGTGTTTTACATTATCTTTTCAT	54660
Query	197746	GGTTTTGTTGATGTTTTCTATAGTATCTTCTGCCCTGAGATTCTCTCTTCTATCTCTTG	197805
Sbjct	54661	GGTTTTGTTGATGTTTTCTATAGTATCTTCTGCCCTGAGATTCTCTCTTCTATCTCTTG	54720
Query	197806	TATTCTTTTGGTGATGCTTGCTTCTCTGACTCCTGATCTCTTTCCTAGGTTTTCCATTC	197865
Sbjct	54721	TATTCTTTTGGTGATGCTTGCTTCTCTGACTCCTGATCTCTTTCCTAGGTTTTCCATTC	54780
Query	197866	CAGAGTTGTCTCCTTTTGTGCTTTCTTTATTGTTTCTATTTCCATTTTTAAATCCTGGAT	197925
Sbjct	54781	CAGAGTTGTCTCCTTTTGTGCTTTCTTTATTGTTTCTATTTCCATTTTTAAATCCTGGAT	54840
Query	197926	GGTTTTGTTCAATTCTTCTCCTGTGTTTTTCTGTAATTCTTTAAGGGA ttttttttttA	197985
Sbjct	54841	GGTTTTGTTCAATTCTTCTCCTGTGTTTTTCTGTAATTCTTTAAGGGATTTTTTTTTTA	54900
Query	197986	CCTTCTTGTTTACCTGTGTCTCCTGAATTTATTTAAAGGACTTATTTATGTTCTCCTTA	198045
Sbjct	54901	CCTTCTTGTTTACCTGTGTCTCCTGAATTTATTTAAAGGACTTATTTATGTTCTCCTTA	54960
Query	198046	AATCCTCTATCATCATCATAAGATGTGA ttttttttAAGTCCAAATCTTGCTTTTCTGGT	198105
Sbjct	54961	AATCCTCTATCATCATCATAAGATGTGATTTTTTTAAGTCCAAATCTTGCTTTTCTGGT	55020
Query	198106	GTGTTTGGATATCCAGTATTTGCTTTGGTAGGAGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTCTGTTG	198165
Sbjct	55021	GTGTTTGGATATCCAGTATTTGCTTTGGTAGGAGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTCTGTTG	55080
Query	198166	CTTAGTTTCTTTCCCCATCAGGTTGTCCCTGGTGTTAGCTTGTCTGCTGTTTCTGACAG	198225
Sbjct	55081	CTTAGTTTCTTTCCCCATCAGGTTGTCCCTGGTGTTAGCTTGTCTGCTGTTTCTGACAG	55140
Query	198226	TGGCCTGTGTGTCAGCACTCCTG ttttcttttcttttttttttAATTAACTTGAGCAT	198285
Sbjct	55141	TGGCCTGTGTGTCAGCACTCCTGTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTAATTAACTTGAGCAT	55200
Query	198286	TTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACA tccccctcc	198345
Sbjct	55201	TTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCTTCC	55260
Query	198346	ccccctcccctaccttatgggtggtccctcccaaccctccccccattgccgcctccccc	198405
Sbjct	55261	CCCCTCCCTACCTTATGGGTGTTCCCTTCCCAACCCTCCCCCATTGCCGCCTCCCCC	55320
Query	198406	cATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGG	198465
Sbjct	55321	CATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGG	55380
Query	198466	TGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGGGGACAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTA	198525
Sbjct	55381	TGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGGGGACAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTA	55440
Query	198526	TAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATA	198585
Sbjct	55441	TAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATA	55500

Query	198586	TGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCTTCAACGGGGGTC	198645
Sbjct	55501	TGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCTTCAACGGGGGTC	55560
Query	198646	CCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCT	198705
Sbjct	55561	CCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCT	55620
Query	198706	GTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCAGCTCCTGTGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCC	198765
Sbjct	55621	GTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCAGCTCCTGTGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCC	55680
Query	198766	ATCTTAGACCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATCTGGGAACAGAGAGCTGCTCCTGGGTTTGTG	198825
Sbjct	55681	ATCTTAGACCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATCTGGGAACAGAGAGCTGCTCCTGGGTTTGTG	55740
Query	198826	TGACCTGAAACCTCCAGACAGGTTGCTTGCTGGTGAGAAAAGTTGGTTTTACTTCTGCTCTC	198885
Sbjct	55741	TGACCTGAAACCTCCAGACAGGTTGCTTGCTGGTGAGAAAAGTTGGTTTTACTTCTGCTCTC	55800
Query	198886	CGGTGTGTAGGCACTCCTGTCAACTGGCTTTCAACTCTTGGTATAAGCAGAAACATGAAG	198945
Sbjct	55801	CGGTGTGTAGGCACTCCTGTCAACTGGCTTTCAACTCTTGGTATAAGCAGAAACATGAAG	55860
Query	198946	GGTCCTGCCCCGTGATTCCCCAGAGGGCACAGAGGGTACTAGGTGCTTTCCCTCTTTGGTCA	199005
Sbjct	55861	GGTCCTGCCCCGTGATTCCCCAGAGGGCACAGAGGGTACTAGGTGCTTTCCCTCTTTGGTCA	55920
Query	199006	GGAATATGGGCAGAGAGTACTCTTCTCTGAGTTTTTCAGGACTGTTTCTTTTTCAGAAGGT	199065
Sbjct	55921	GGAATATGGGCAGAGAGTACTCTTCTCTGAGTTTTTCAGGACTGTTTCTTTTTCAGAAGGT	55980
Query	199066	CCACCTCTCTCCCCACAGAATTTTGGTGACAGGGAGCTGTGGAAGTCTTCAGTTCCTAT	199125
Sbjct	55981	CCACCTCTCTCCCCACAGAATTTTGGTGACAGGGAGCTGTGGAAGTCTTCAGTTCCTAT	56040
Query	199126	TTA t t t t t t t t t t A T T A T T T A C T C C A G A T A T T A T T C C C A T C C T G G T C C A T C C C C C A A C C C C	199185
Sbjct	56041	T T A T T T T T T T A T T A T T T A C T C C A G A T A T T A T T C C C A T C C T G G T C C A T C C C C C A A C C C C	56100
Query	199186	T C A C T G T T C C A C A T C C C A T A A C T C C T C C C C T A C C C T C C T C A A C C C T G T C T T C T C A A C C C	199245
Sbjct	56101	T C A C T G T T C C A C A T C C C A T A A C T C C T C C C C T A C C C T C C T C A A C C C T G T C T T C T C A A C C C	56160
Query	199246	A T C T C C A C A A G G A T G T C C C C A C C C T A C C C A C C C C A T T A G A T C T C T A A A C T T G C T G G G T C C	199305
Sbjct	56161	A T C T C C A C A A G G A T G T C C C C A C C C T A C C C A C C C C A T T A G A T C T C T A A A C T T G C T G G G T C C	56220
Query	199306	T C C A G T C T C T T G A G G G T T A C G T G C A T C T T C T C T G A C T G A A C C C A G A T C T G G G A A T C C T C T	199365
Sbjct	56221	T C C A G T C T C T T G A G G G T T A C G T G C A T C T T C T C T G A C T G A A C C C A G A T C T G G G A A T C C T C T	56280
Query	199366	G C T G A A T A T G T G T T G G T T G G C C T C C T C A C A G C T G G T G T A T G C T G C C T G G T T G G T G A T C C A	199425
Sbjct	56281	G C T G A A T A T G T G T T G G T T G G C C T C C T C A C A G C T G G T G T A T G C T G C C T G G T T G G T G A T C C A	56340
Query	199426	G T G T C T A A A A G A T C T T A G G G G T C C A G G T T A A T T G A G A C T G C T G G T C C T C C T A C A T G G T G G	199485
Sbjct	56341	G T G T C T A A A A G A T C T T A G G G G T C C A G G T T A A T T G A G A C T G C T G G T C C T C C T A C A T G G T G G	56400
Query	199486	C C C T C C T C C T C A G C T T C C T C C A G C T T T T C C C T A A T T C A A C C A G A G G G G T C A G C A G T T C T G	199545
Sbjct	56401	C C C T C C T C C T C A G C T T C C T C C A G C T T T T C C C T A A T T C A A C C A G A G G G G T C A G C A G T T C T G	56460
Query	199546	T C T A T T G G T T G G G T G C A C A T A T G T G C A T C T G A C T C T T T C A G C T G C A T G C C A G G T A T T T C A	199605
Sbjct	56461	T C T A T T G G T T G G G T G C A C A T A T G T G C A T C T G A C T C T T T C A G C T G C A T G C C A G G T A T T T C A	56520
Query	199606	G A G G C C A G T T A G G A T A G G T C C C A T T T C G T G T G G G C C C A T A G C C T C A G T A A G T A T C A G G C	199665
Sbjct	56521	G A G G C C A G T T A G G A T A G G T C C C A T T T C G T G T G G G C C C A T A G C C T C A G T A A G T A T C A G G C	56580
Query	199666	C T T G A G G C C T C C C C C T G A G C T G G A T C C C A C T T T G G G C C T G T C A C T G G A C C T T C T T T T C C T	199725
Sbjct	56581	C T T G A G G C C T C C C C C T G A G C T G G A T C C C A C T T T G G G C C T G T C A C T G G A C C T T C T T T T C C T	56640
Query	199726	C A G G C T T T T T G T A C A T T T T T G T C C C T G C A G T T C T T T C A G A C A A G A A T T A T G G C T C A G A G C T	199785
Sbjct	56641	C A G G C T T T T T G T A C A T T T T T G T C C C T G C A G T T C T T T C A G A C A A G A A T T A T G G C T C A G A G C T	56700
Query	199786	T T G G C C G T G G G A T A G C T A T G C C A T C C C T C A C T T G A T G C C C T G T C T T T C T G T G G A A G T A G	199845
Sbjct	56701	T T G G C C G T G G G A T A G C T A T G C C A T C C C T C A C T T G A T G C C C T G T C T T T C T G T G G A A G T A G	56760
Query	199846	A C C T A T A G A T T C C C T G T C C C C G C T G T A G G G C A T G G G T C C A A C C C T T T T G A G T C C T G A C A G	199905
Sbjct	56761	A C C T A T A G A T T C C C T G T C C C C G C T G T A G G G C A T G G G T C C A A C C C T T T T G A G T C C T G A C A G	56820
Query	199906	T C T C T C A C T T T T C A G G T T T T T A G T A C A T T C T A A G A G G G T C C A C C C A T C C T C T T T C A T C C C	199965

Sbjct	56821	TCTCTCACTTTCCAGGTTTTTTAGTACATTCTAAGAGGGTCCACCCATCCTCTTTCATCCC	56880
Query	199966	AAGGTCACCCCTATTTCCATACTTTCTGTTGGCCCTAAGGCCTTTTCCTCCACTCAATACT	200025
Sbjct	56881	AAGGTCACCCCTATTTCCATACTTTCTGTTGGCCCTAAGGCCTTTTCCTCCACTCAATACT	56940
Query	200026	AGATCATGTTTAcctctctctcccaaccctcacccctttctttccctgtcctgccctccc	200085
Sbjct	56941	AGATCATGTTTACCTCTCTCCCAACCCTCACCCCTTTCTTTCCCTGTCTGCCCTCCC	57000
Query	200086	aaccccccttgtaggttgctttctctccctccccAAGTGGGATTGAAGAGTCCTCATTGG	200145
Sbjct	57001	AACCCCTTGTGGTTGCTTTCTTCTCCCTCCCCAAGTGGGATTGAAGAGTCCTCATTGG	57060
Query	200146	GCCCTTCAGCTTGTTACCTTTTTACATTTATTTTTGGCTTATATCCACTTATTAGTGAG	200205
Sbjct	57061	GCCCTTCAGCTTGTTACCTTTTTACATTTATTTTTGGCTTATATCCACTTATTAGTGAG	57120
Query	200206	AATATAACATGCATTTCTTTAGGGTCTAAGTTAGTTCACCTCAGGATGCCATTTTTAGTT	200265
Sbjct	57121	AATATAACATGCATTTCTTTAGGGTCTAAGTTAGTTCACCTCAGGATGCCATTTTTAGTT	57180
Query	200266	CTAGCCATTTGCCTGCAAAAATCAGGATGTCCTCATTCTTAATAGCTGAGTAGTATTCCA	200325
Sbjct	57181	CTAGCCATTTGCCTGCAAAAATCAGGATGTCCTCATTCTTAATAGCTGAGTAGTATTCCA	57240
Query	200326	TTGTGTAAATGAACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTT	200385
Sbjct	57241	TTGTGTAAATGAACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTT	57300
Query	200386	TCCAGCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTAGAGCATGTGTC ttttt	200445
Sbjct	57301	TCCAGCTTCTGGCTATTATAAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTAGAGCATGTGTCTTTTT	57360
Query	200446	tttttATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAAGAGGTATAGCTGGATCCTCAG	200505
Sbjct	57361	TTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAAGAGGTATAGCTGGATCCTCAG	57420
Query	200506	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTTACCA	200565
Sbjct	57421	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTTACCA	57480
Query	200566	GTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATC	200625
Sbjct	57481	GTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATC	57540
Query	200626	TGCTGTACACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCCCTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGG	200685
Sbjct	57541	TGCTGTACACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCCCTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGG	57600
Query	200686	TTGTTTTGATTGCAATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTGT	200745
Sbjct	57601	TTGTTTTGATTGCAATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTGT	57660
Query	200746	CAGCCATTTCGGCATTCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCATTTTTAAT	200805
Sbjct	57661	CAGCCATTTCGGCATTCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCATTTTTAAT	57720
Query	200806	AGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGCATATTTTGGATATTAG	200865
Sbjct	57721	AGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGCATATTTTGGATATTAG	57780
Query	200866	CTTTCTATCTGATATAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGCTTTGT	200925
Sbjct	57781	CTTTCTATCTGATATAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGCTTTGT	57840
Query	200926	CCTAACACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTGCAAGTTTATGAGATCCCATTTGTCG	200985
Sbjct	57841	CCTAACACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTGCAAGTTTATGAGATCCCATTTGTCG	57900
Query	200986	ATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTG ttttttttttCAGGAACCTTTTCTCTAGTGC	201045
Sbjct	57901	ATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTTTTTTTCAGGAACCTTTTCTCTAGTGC	57960
Query	201046	CCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGATTGAGTGATCTGGTTTGA	201105
Sbjct	57961	CCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGATTGAGTGATCTGGTTTGA	58020
Query	201106	TGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGA	201165
Sbjct	58021	TGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGA	58080
Query	201166	TCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTAT	201225
Sbjct	58081	TCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTAT	58140
Query	201226	CTTTTTTTCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGCCCATAGATGTGTG	201285
Sbjct	58141	CTTTTTTTCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGCCCATAGATGTGTG	58200

Query	201286	GGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTAACAAT	201345
Sbjct	58201	GGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTAACAAT	58260
Query	201346	ACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTC	201405
Sbjct	58261	ACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTC	58320
Query	201406	CACCTGAAGTCCTTTTATTATAGTTGAGGATACCTTTATCTATCCTGAGTTTGTGTTAT	201465
Sbjct	58321	CACCTGAAGTCCTTTTATTATAGTTGAGGATACCTTTATCTATCCTGAGTTTGTGTTAT	58380
Query	201466	TCCAGATGAATTTCAAATTTTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAT	201525
Sbjct	58381	TCCAGATGAATTTCAAATTTTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGAT	58440
Query	201526	GGGGATTGCATTGAATCTGTAGCTTATGTCTTTTTATAGGTGAGTTGAGTTCATTAATAT	201585
Sbjct	58441	GGGGATTGCATTGAATCTGTAGCTTATGTCTTTTTATAGGTGAGTTGAGTTCATTAATAT	58500
Query	201586	TGAGAGATATTATAGAGAGATGACTGTTGGTTCCTGTTATGTTTTGTACATAGTTATGT	201645
Sbjct	58501	TGAGAGATATTATAGAGAGATGACTGTTGGTTCCTGTTATGTTTTGTACATAGTTATGT	58560
Query	201646	GCTTGTGGTTTTCTCCTTTTGGCTTTGTGGGAGATGTTAATATCTTGTCTTTTCCTTG	201705
Sbjct	58561	GCTTGTGGTTTTCTCCTTTTGGCTTTGTGGGAGATGTTAATATCTTGTCTTTTCCTTG	58620
Query	201706	GTAGAGGTATCTTCCTTAGATTGGAGTTTTCTTCTAGGATCCACTGTAGTGCTGATTGG	201765
Sbjct	58621	GTAGAGGTATCTTCCTTAGATTGGAGTTTTCTTCTAGGATCCACTGTAGTGCTGATTGG	58680
Query	201766	TTGAAAGATACTGTTTTCAA t t t t t t t t C C T G G A A T A T T T T G G T T T C T C C A T C T A T G C T A A T	201825
Sbjct	58681	TTGAAAGATACTGTTTTCAATTTTTTCTCGGAATATTTTGGTTTCTCCATCTATGCTAAT	58740
Query	201826	TGAGAGTTTTTCTGGGTTTAGTATCCTTGGGTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGCAT	201885
Sbjct	58741	TGAGAGTTTTTCTGGGTTTAGTATCCTTGGGTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGCAT	58800
Query	201886	GACGTCTGACCAGGCTCTTCTGACTTTCATAGTCTCTGTTGAGAAGTCTGGTGTGATTTA	201945
Sbjct	58801	GACGTCTGACCAGGCTCTTCTGACTTTCATAGTCTCTGTTGAGAAGTCTGGTGTGATTTA	58860
Query	201946	GTCCTTTTCCCTTGCAACTTTTTAATATTCTTTCTTTGTTCTGTGCATTCAGTATTTTGA	202005
Sbjct	58861	GTCCTTTTCCCTTGCAACTTTTTAATATTCTTTCTTTGTTCTGTGCATTCAGTATTTTGA	58920
Query	202006	GTATTATGTGATGAGAGCATTTTCTTTTCTGGTCCCATTTATTAGTGTTCTGTAGGCTT	202065
Sbjct	58921	GTATTATGTGATGAGAGCATTTTCTTTTCTGGTCCCATTTATTAGTGTTCTGTAGGCTT	58980
Query	202066	TTTGTACCTTTATGGCCATCTCTTCTTTAGGTAGGGAAATTTTCTTCTATGCTTTTGT	202125
Sbjct	58981	TTTGTACCTTTATGGCCATCTCTTCTTTAGGTAGGGAAATTTTCTTCTATGCTTTTGT	59040
Query	202126	TGAAAACGTTTTCAAGTCCTTTGAGCTAGGAATCTTCATTCTCCTCTATTCTAATTATTC	202185
Sbjct	59041	TGAAAACGTTTTCAAGTCCTTTGAGCTAGGAATCTTCATTCTCCTCTATTCTAATTATTC	59100
Query	202186	TTAGATTTGGTCTTTTCAATGTGTCCTGAATTTCTGGATGTTTGAAGTTATATTTTGAA	202245
Sbjct	59101	TTAGATTTGGTCTTTTCAATGTGTCCTGAATTTCTGGATGTTTGAAGTTATATTTTGAA	59160
Query	202246	TTTTCTTTGACCATTTTGTGAGTCTCTTCTATAGTTATCTTCTACACCTAAGATTCTTTC	202305
Sbjct	59161	TTTTCTTTGACCATTTTGTGAGTCTCTTCTATAGTTATCTTCTACACCTAAGATTCTTTC	59220
Query	202306	TTCTATCTCTTGTATTCCGTGGGTGATTCTTACATCTTTAATTCCTAACCTCTTTCCTAG	202365
Sbjct	59221	TTCTATCTCTTGTATTCCGTGGGTGATTCTTACATCTTTAATTCCTAACCTCTTTCCTAG	59280
Query	202366	GTTTTCCATTTCCAGGTTTGCCCTCAATTTCTGTTTTCTTTATTGTTTCTATGTCCACTTT	202425
Sbjct	59281	GTTTTCCATTTCCAGGTTTGCCCTCAATTTCTGTTTTCTTTATTGTTTCTATGTCCACTTT	59340
Query	202426	TAGGTCTTGGACTGCTTTATGAAATTCCTTTATCTGTTTGATTGTGTATTTCTTTATGTC	202485
Sbjct	59341	TAGGTCTTGGACTGCTTTATGAAATTCCTTTATCTGTTTGATTGTGTATTTCTTTATGTC	59400
Query	202486	TATAAGGCACCTATTGTTTCCTCTGTAAAGGCCTTCTACCTATTACCTGTACTTCTTCC	202545
Sbjct	59401	TATAAGGCACCTATTGTTTCCTCTGTAAAGGCCTTCTACCTATTACCTGTACTTCTTCC	59460
Query	202546	ACTGAGTTATATATATCTTCCCTTAAATGATTCTATTTTCTTCATGAGTTAGAAGTTTAGG	202605
Sbjct	59461	ACTGAGTTATATATATCTTCCCTTAAATGATTCTATTTTCTTCATGAGTTAGAAGTTTAGG	59520
Query	202606	TCATCTTCTCTGATTTTTCAGGTGTGTTGGTATATTGCGGGTTTGCTGTGGTGAGAGAACTG	202665



Sbjct	59521	TCATCTTCCTGATTTTCAGGTGTGTTGGTATATTCGCGGGTTTGCTGTGGTGAGAGAACTG	59580
Query	202666	GGTTCTTAGGACACCCATGTGTATTGGCTTCTGTTGCTTATGGTCTTGTGCTTGCCTTTC	202725
Sbjct	59581	GGTTCTTAGGACACCCATGTGTATTGGCTTCTGTTGCTTATGGTCTTGTGCTTGCCTTTC	59640
Query	202726	TATCTGGTTATCCCTAGTGCTTGCTGGTCTGAGTGACTATGTCTGGAGTCTTCCTCTCTT	202785
Sbjct	59641	TATCTGGTTATCCCTAGTGCTTGCTGGTCTGAGTGACTATGTCTGGAGTCTTCCTCTCTT	59700
Query	202786	GTCTCTGTGTTGTAACAGGTCCCCTGGTTGGCCTGTGGCCCTGGCTGTAGCAAACCTCCT	202845
Sbjct	59701	GTCTCTGTGTTGTAACAGGTCCCCTGGTTGGCCTGTGGCCCTGGCTGTAGCAAACCTCCT	59760
Query	202846	TTGGGGCCTTCCAATTGGAGGGTGTTTCAGAGGGGCAGAGAGGTTGCTGATTTCTTGCTGC	202905
Sbjct	59761	TTGGGGCCTTCCAATTGGAGGGTGTTTCAGAGGGGCAGAGAGGTTGCTGATTTCTTGCTGC	59820
Query	202906	AGTACATCTCCTGGGAGGCCTTCATACTTCTGGGTCTTCAGAGGAGCAGTCAATCTGTTC	202965
Sbjct	59821	AGTACATCTCCTGGGAGGCCTTCATACTTCTGGGTCTTCAGAGGAGCAGTCAATCTGTTC	59880
Query	202966	TGTGTGAAGTTGTTATCTGAGGGGTTGAATGGACTGTGATTTCTGTTTCCTTCTGTGTAG	203025
Sbjct	59881	TGTGTGAAGTTGTTATCTGAGGGGTTGAATGGACTGTGATTTCTGTTTCCTTCTGTGTAG	59940
Query	203026	CTACAATTACAGGGAGGCTTTTCAGTCTTTTCAATCAGTTGCCCTGCATGCCATAGTGCCCT	203085
Sbjct	59941	CTACAATTACAGGGAGGCTTTTCAGTCTTTTCAATCAGTTGCCCTGCATGCCATAGTGCCCT	60000
Query	203086	GGGAGGTCTTCCAAGTGTGTCAATTGCTCAGTTGCCCTGTGTACAGAGAAACTCCTGGA	203145
Sbjct	60001	GGGAGGTCTTCCAAGTGTGTCAATTGCTCAGTTGCCCTGTGTACAGAGAAACTCCTGGA	60060
Query	203146	ATTCTTCAAGCTGTGGTTTCTTAGGAGCAGTAGATCTCCTGGGATGTCTCAGGATGTGGT	203205
Sbjct	60061	ATTCTTCAAGCTGTGGTTTCTTAGGAGCAGTAGATCTCCTGGGATGTCTCAGGATGTGGT	60120
Query	203206	ACCAATTTGTGTTTCAGTGATTCTTCTGGCATTCTTCAGAATGCCAAATGTTCTGAGTCCA	203265
Sbjct	60121	ACCAATTTGTGTTTCAGTGATTCTTCTGGCATTCTTCAGAATGCCAAATGTTCTGAGTCCA	60180
Query	203266	GTGGATACTCAAATACTGAGTGTAGGGGATCCTCTGGTATGCCTCGGGATATATAGCTTT	203325
Sbjct	60181	GTGGATACTCAAATACTGAGTGTAGGGGATCCTCTGGTATGCCTCGGGATATATAGCTTT	60240
Query	203326	TTGGGGAGCAGAGTAACAAGCATTCTGTCCCATCCAAAAGGACTAGTTGGAAGGGGATTG	203385
Sbjct	60241	TTGGGGAGCAGAGTAACAAGCATTCTGTCCCATCCAAAAGGACTAGTTGGAAGGGGATTG	60300
Query	203386	GTATTTGGTAGGTGGGAGGTTTGGGGAGATGGTGGATCCCTAAGTCCACTGGCCCTCAGC	203445
Sbjct	60301	GTATTTGGTAGGTGGGAGGTTTGGGGAGATGGTGGATCCCTAAGTCCACTGGCCCTCAGC	60360
Query	203446	TGCTGCTGTGGGACTTTGGTGAGGAAGGGTTTTTACCAAATGCTGAGTGCTGTGGATTCA	203505
Sbjct	60361	TGCTGCTGTGGGACTTTGGTGAGGAAGGGTTTTTACCAAATGCTGAGTGCTGTGGATTCA	60420
Query	203506	TTGGTATGTCTCAGGATATAGCTTCTTCTGGGGAGAGGAAAAACATTGGATGTCATTCCCT	203565
Sbjct	60421	TTGGTATGTCTCAGGATATAGCTTCTTCTGGGGAGAGGAAAAACATTGGATGTCATTCCCT	60480
Query	203566	CAGGAACCATCCTCCTTATTTTTTCAAGATAGAGTTTTTCCCTGAGCCTGAGGCCCATTT	203625
Sbjct	60481	CAGGAACCATCCTCCTTATTTTTTCAAGATAGAGTTTTTCCCTGAGCCTGAGGCCCATTT	60540
Query	203626	ATTTAGCTAGACTAATTAGCCATTGAGTCAAGAAATCCTCCTTCCTATATCTTCCTAGCA	203685
Sbjct	60541	ATTTAGCTAGACTAATTAGCCATTGAGTCAAGAAATCCTCCTTCCTATATCTTCCTAGCA	60600
Query	203686	GTAGGTGGTCCATACACACAGGTATGGTCTACCACACACAGTATCTTATTTTATTCTtat	203745
Sbjct	60601	GTAGGTGGTCCATACACACAGGTATGGTCTACCACACACAGTATCTTATTTTATTCTTAT	60660
Query	203746	taaaatatcttaagggtttgaaatgtaataaattaaccaataaaaataaaaaattaatata	203805
Sbjct	60661	TAAAATATCTTAAGGTTTGAAATGTAAATAAATTAACCAATAAAATAAAAAATTAATATA	60720
Query	203806	tatatataatatataataaaaatTGCAATCATCGTTTTCCCCTCATTTGTATTCTCTCCATT	203865
Sbjct	60721	TATATAAATATATATAATAAATTGCAATCATCGTTTTCCCCTCATTTGTATTCTCTCCATT	60780
Query	203866	CCTCTAACTTCATGACCTCTTTCTCCCTCTTTGGAAAACAGATAGGCAAACAAGCCCCC	203925
Sbjct	60781	CCTCTAACTTCATGACCTCTTTCTCCCTCTTTGGAAAACAGATAGGCAAACAAGCCCCC	60840
Query	203926	TCTGTCACCAAACAACCAGGTTATTTTAAAAGAGAATGGAGAAGAAACATACACACTCGGA	203985
Sbjct	60841	TCTGTCACCAAACAACCAGGTTATTTTAAAAGAGAATGGAGAAGAAACATACACACTCGGA	60900

Query	203986	GACACAATTACTCAAAACTTATTAGAGCATAAAATTGGAAATCATGATATACAAGCAAAA	204045
Sbjct	60901	GACACAATTACTCAAAACTTATTAGAGCATAAAATTGGAAATCATGATATACAAGCAAAA	60960
Query	204046	GTCCAGTAAGaaaaaaaaGTACCCAAAGTAATTTGAAACAAAAATTTTATAGATATACC	204105
Sbjct	60961	GTCCAGTAAGAAAAAAAAAAGTACCCAAAGTAATTTGAAACAAAAATTTTATAGATATACC	61020
Query	204106	ACATACAGCATTTTATATTGGGGCTAGAGATCAAATGAAGGTCTTAATGTTTACAACAAG	204165
Sbjct	61021	ACATACAGCATTTTATATTGGGGCTAGAGATCAAATGAAGGTCTTAATGTTTACAACAAG	61080
Query	204166	CACTTACTGAGTGAGCTATTTCCCTTAACCTATTCTTTCATGTAATACCAAATTATTATGT	204225
Sbjct	61081	CACTTACTGAGTGAGCTATTTCCCTTAACCTATTCTTTCATGTAATACCAAATTATTATGT	61140
Query	204226	TTCTGATTTCTGCAttttttttAAATTAGCTGTGGAAAGTTGTACTTTGGGGTTCATCTT	204285
Sbjct	61141	TTCTGATTTCTGCATTTTTTTTTAAATTAGCTGTGGAAAGTTGTACTTTGGGGTTCATCTT	61200
Query	204286	GTGAGGCTGAACATACCCATTCCATCCAGGCTAACCCATTTAAATTCATAATATTGAAAT	204345
Sbjct	61201	GTGAGGCTGAACATACCCATTCCATCCAGGCTAACCCATTTAAATTCATAATATTGAAAT	61260
Query	204346	TTCATTGAAAATCTTTCATGCAGGATAAGCTGTTGCTTCTCATAATCACAAGCTGTAGTGA	204405
Sbjct	61261	TTCATTGAAAATCTTTCATGCAGGATAAGCTGTTGCTTCTCATAATCACAAGCTGTAGTGA	61320
Query	204406	TTTTTATATTGTGGACATATTTGCATCATGGAATGGAATATGTTGGATGATGTAGATAGT	204465
Sbjct	61321	TTTTTATATTGTGGACATATTTGCATCATGGAATGGAATATGTTGGATGATGTAGATAGT	61380
Query	204466	AGAAGAGGTTTACTTACCATACTAAATTTCCCTCATTTTCAGTGGCAACAAATAGCTCAGTG	204525
Sbjct	61381	AGAAGAGGTTTACTTACCATACTAAATTTCCCTCATTTTCAGTGGCAACAAATAGCTCAGTG	61440
Query	204526	CTTACTTCATTATGGATGTATAGTAACAAAATCTTTTAAACAGTCTTCATTCTCCTACCC	204585
Sbjct	61441	CTTACTTCATTATGGATGTATAGTAACAAAATCTTTTAAACAGTCTTCATTCTCCTACCC	61500
Query	204586	TTGCATTACGCAATTTAGATATTTTCAAAGTCCTTTTGTGTTTATCCCATATTACTTTTT	204645
Sbjct	61501	TTGCATTACGCAATTTAGATATTTTCAAAGTCCTTTTGTGTTTATCCCATATTACTTTTT	61560
Query	204646	CAACCTTCTAATTCATATCACCCCTATAAAAGAGTTAGCATCAGGAATATAGTCCCCAAA	204705
Sbjct	61561	CAACCTTCTAATTCATATCACCCCTATAAAAGAGTTAGCATCAGGAATATAGTCCCCAAA	61620
Query	204706	CTGCATATGGAAAATTACTTATGAAGTTCTAGCAAAGGGATTTCAGATTACTACTTTTTGT	204765
Sbjct	61621	CTGCATATGGAAAATTACTTATGAAGTTCTAGCAAAGGGATTTCAGATTACTACTTTTTGT	61680
Query	204766	TACATTTTCAATATTATGAAATGCTTTGTGAGAAATATGTAAGAATTCCTGTTGATAAGG	204825
Sbjct	61681	TACATTTTCAATATTATGAAATGCTTTGTGAGAAATATGTAAGAATTCCTGTTGATAAGG	61740
Query	204826	taaatttgtaataattttctaaatttaattttatcaatttttcttattttctatgtatgt	204885
Sbjct	61741	TAAATTTGTAATAATTTTCTAAATTTAATTTTATCAATTTTCTTATTTTCTATGTATGT	61800
Query	204886	ttcttaatttatttatagttcttttGATTCACATTTTGGTGGTTTTAGTTTATGATAGCTAA	204945
Sbjct	61801	TTCTTAATTTATTATAGTTCTTTGATTCACATTTTGGTGGTTTTAGTTTATGATAGCTAA	61860
Query	204946	TGTAAAGTTATGATTAATTCTTTAAAGTACATGAAAACATAATAAATACTACAAAAATGG	205005
Sbjct	61861	TGTAAAGTTATGATTAATTCTTTAAAGTACATGAAAACATAATAAATACTACAAAAATGG	61920
Query	205006	AGATAGATTCTTTGAAAAAAGTCTCAGAACTGTTAATTTGCttttttttttttACCATAAGT	205065
Sbjct	61921	AGATAGATTCTTTGAAAAAAGTCTCAGAACTGTTAATTTGCTTTTTTTTTTTACCATAAGT	61980
Query	205066	AATCTTAGAACTTGGGCTAAGTAATTGGAGGGCATTGAGTAGAGATGACTAATACTTAA	205125
Sbjct	61981	AATCTTAGAACTTGGGCTAAGTAATTGGAGGGCATTGAGTAGAGATGACTAATACTTAA	62040
Query	205126	GCTATTTCTCTATAATAGGGCCCATGTTTTCTTTACCATCATAATAATAAAAAATTCTCT	205185
Sbjct	62041	GCTATTTCTCTATAATAGGGCCCATGTTTTCTTTACCATCATAATAATAAAAAATTCTCT	62100
Query	205186	TTACAGTTTTTTCAGGATGCCTTTCATACATTCCCATTGAAACATCATCACACTCCTATGA	205245
Sbjct	62101	TTACAGTTTTTTCAGGATGCCTTTCATACATTCCCATTGAAACATCATCACACTCCTATGA	62160
Query	205246	CATGCATGGCAGGTATTATTATCCTCATTGAAAGAGGAGACAAATTCAGAGGTTTAATGG	205305
Sbjct	62161	CATGCATGGCAGGTATTATTATCCTCATTGAAAGAGGAGACAAATTCAGAGGTTTAATGG	62220
Query	205306	CTTGCTAAGGTCACAAACTTAAGGGTACAACCTGATCTTTAAACTTGAGTTGCTTTAGG	205365

Sbjct	62221	CTTGCTCTAAGGTACAAACTTAAGGGTACAACCTGATCTTTAAACTTGAGTTGCTTTAGG	62280
Query	205366	CTATCTATAATATGAATGATATTTAATGTAACCCAAGCCACACATTTACTTTTTATGTAT	205425
Sbjct	62281	CTATCTATAATATGAATGATATTTAATGTAACCCAAGCCACACATTTACTTTTTATGTAT	62340
Query	205426	ATTAGAATTGTTACAATACATAATTTTTATATTACATTTTCTTGTTTTATACATCTTTTC	205485
Sbjct	62341	ATTAGAATTGTTACAATACATAATTTTTATATTACATTTTCTTGTTTTATACATCTTTTC	62400
Query	205486	TCCATATCTGAGTTACATTTCATATATGACTTTTTCACATCTGA	205545
Sbjct	62401	TCCATATCTGAGTTACATTTCATATATGACTTTTTCACATCTGATTTTTTCTTAATTA	62460
Query	205546	TTTTATTTATATACATTCCAAATGTCCCCTCCCAGTACCCCATCCCAGAAGTCTTCACAT	205605
Sbjct	62461	TTTTATTTATATACATTCCAAATGTCCCCTCCCAGTACCCCATCCCAGAAGTCTTCACAT	62520
Query	205606	CATTTGCCTTCCCTTTGCCTCTGAGAGGGTACTCCCCATGCTGCCCCATCCATATACCCC	205665
Sbjct	62521	CATTTGCCTTCCCTTTGCCTCTGAGAGGGTACTCCCCATGCTGCCCCATCCATATACCCC	62580
Query	205666	TTTCCCCCAGGCATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGGCCAGAC	205725
Sbjct	62581	TTTCCCCCAGGCATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGCACATCCTCTCCCACTGAGGCCAGAC	62640
Query	205726	AAGGCAGTCTGCTGCTACATATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTTAGTCTCTG	205785
Sbjct	62641	AAGGCAGTCTGCTGCTACATATGAGCCCCTGTATGCTCCTTGATGGTGGGTTAGTCTCTG	62700
Query	205786	GGAGCCGTGAGGGATCCAGGGCCTTCTACAGGGTTGGGAACCGTTCAGTTCATTTAGTC	205845
Sbjct	62701	GGAGCCGTGAGGGATCCAGGGCCTTCTACAGGGTTGGGAACCGTTCAGTTCATTTAGTC	62760
Query	205846	TTTTTCTTAATTCTTCCATAGGGGCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATC	205905
Sbjct	62761	TTTTTCTTAATTCTTCCATAGGGGCCCTGACCTCAATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATC	62820
Query	205906	TGTATCTGTTTCAGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGT	205965
Sbjct	62821	TGTATCTGTTTCAGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCAGAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGT	62880
Query	205966	GTTCAAGCACGGCAGAACATGAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCATAGGATG	206025
Sbjct	62881	GTTCAAGCACGGCAGAACATGAGTAATAAGTGTCAGGGTTTTGTACCTGCCATAGGATG	62940
Query	206026	GATCCCAAGTTGGGCCAGTCACTGGAAGTCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGT	206085
Sbjct	62941	GATCCCAAGTTGGGCCAGTCACTGGAAGTCTATCCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGT	63000
Query	206086	CCCTGCATTTCTTTAGAAATGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGG	206145
Sbjct	63001	CCCTGCATTTCTTTAGAAATGTTTAGGAACAATTCTGGGTCAAAAAATTTGAAGGTGGG	63060
Query	206146	TGGGTGACCCAGGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTT	206205
Sbjct	63061	TGGGTGACCCAGGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCTGTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTT	63120
Query	206206	CCATC	206265
Sbjct	63121	CCATCTTTTTTCTTTTTCTGGTCTATTTGTCTGGTGTCTATAGGCTTCTTGTAAGTATT	63180
Query	206266	ATAACCATTTCTTTAGATTAATGAAGTTTCTTCTACGATTTGTTGACGATGTATCCG	206325
Sbjct	63181	ATAACCATTTCTTTAGATTAATGAAGTTTCTTCTACGATTTGTTGACGATGTATCCG	63240
Query	206326	GCCCTTAGAATTAGGAATCCTCATTCTCCTCTATTCTCTATTACTCTGTTCTTTTATTTT	206385
Sbjct	63241	GCCCTTAGAATTAGGAATCCTCATTCTCCTCTATTCTCTATTACTCTGTTCTTTTATTTT	63300
Query	206386	GTCCCAAATTTCTTGAATGTTTTAGTTAGGAATGTGACAGACACTTCTTTGACCGATAT	206445
Sbjct	63301	GTCCCAAATTTCTTGAATGTTTTAGTTAGGAATGTGACAGACACTTCTTTGACCGATAT	63360
Query	206446	TGTCAATATTTTCTATGGTATTTTTTATTCCTGGGAGTCTCTCTCCTTCTCTTGAATTC	206505
Sbjct	63361	TGTCAATATTTTCTATGGTATTTTTTATTCCTGGGAGTCTCTCTCCTTCTCTTGAATTC	63420
Query	206506	TGTTGGTGATGCTTGCATCTGTAGCTCCTAAATAAACTCTTCACTAAATTTCCATCTCC	206565
Sbjct	63421	TGTTGGTGATGCTTGCATCTGTAGCTCCTAAATAAACTCTTCACTAAATTTCCATCTCC	63480
Query	206566	AGGGTTTCTCCATTTGTAATTTCTTATTGTTTTATTTCCATTGTTTTGGGTCTTGGA	206625
Sbjct	63481	AGGGTTTCTCCATTTGTAATTTCTTATTGTTTTATTTCCATTGTTTTGGGTCTTGGA	63540
Query	206626	CCATTTTGTTCAATTCCTTCACCTGTTTGATTTTATTTTCTGTATGCCTTTAAAGATTT	206685
Sbjct	63541	CCATTTTGTTCAATTCCTTCACCTGTTTGATTTTATTTTCTGTATGCCTTTAAAGATTT	63600

Query	206686	TGTTTCTTCTTTAAGAGTTTCTCCCCATTTGCCTATGCTTTCCTATATTTCTTTAAGAGA	206745
Sbjct	63601	TGTTTCTTCTTTAAGAGTTTCTCCCCATTTGCCTATGCTTTCCTATATTTCTTTAAGAGA	63660
Query	206746	GTTATTTATATTTATCCTTAAAGGTCTCTGTGCATCTTCATGACATGGGATTTTAGATCTA	206805
Sbjct	63661	GTTATTTATATTTATCCTTAAAGGTCTCTGTGCATCTTCATGACATGGGATTTTAGATCTA	63720
Query	206806	AATCTTGCTCTTCAGGAGTGTTAGGATAACCACAGCTTGCTGTGGTAGGAGAACTGGGTT	206865
Sbjct	63721	AATCTTGCTCTTCAGGAGTGTTAGGATAACCACAGCTTGCTGTGGTAGGAGAACTGGGTT	63780
Query	206866	CTCATTGTGCCAAATTTTCATTGGCTTCTGTTGTTTATATTCTTGCTTTTGCCCTTTTGCCA	206925
Sbjct	63781	CTCATTGTGCCAAATTTTCATTGGCTTCTGTTGTTTATATTCTTGCTTTTGCCCTTTTGCCA	63840
Query	206926	TCTGGTTTTCTCTGGTGTTAACTGGTGCCCTGGACTGGAGCAGACCTCTTTGGAAGTAGA	206985
Sbjct	63841	TCTGGTTTTCTCTGGTGTTAACTGGTGCCCTGGACTGGAGCAGACCTCTTTGGAAGTAGA	63900
Query	206986	TATGGCTGTGAGAGCTGGATTAGAGCTGACCTCCTAGGAGACAGGCAGTACTGGCTCTGG	207045
Sbjct	63901	TATGGCTGTGAGAGCTGGATTAGAGCTGACCTCCTAGGAGACAGGCAGTACTGGCTCTGG	63960
Query	207046	TTATGATAGACCTTTTATGTCCCTAGTAAGGGCAGACTTCCTGAGAGACAAGCAGGTTTT	207105
Sbjct	63961	TTATGATAGACCTTTTATGTCCCTAGTAAGGGCAGACTTCCTGAGAGACAAGCAGGTTTT	64020
Query	207106	GGGGTTAGGAGGTGGGCAGGCATGTCACTCTGCCACAGGTGTAGTGCCACAGGGCTGGGA	207165
Sbjct	64021	GGGGTTAGGAGGTGGGCAGGCATGTCACTCTGCCACAGGTGTAGTGCCACAGGGCTGGGA	64080
Query	207166	GGAGGCTCAGGCAGAGCAGAATAGCTCCCATATCTACTATGCCTCATGGAGGGGTCCCAG	207225
Sbjct	64081	GGAGGCTCAGGCAGAGCAGAATAGCTCCCATATCTACTATGCCTCATGGAGGGGTCCCAG	64140
Query	207226	CTGGGATGGGTATTTGTGTGTGAATCTCAACTGTGTCCCTGATTAGAGCATACCTCTTGA	207285
Sbjct	64141	CTGGGATGGGTATTTGTGTGTGAATCTCAACTGTGTCCCTGATTAGAGCATACCTCTTGA	64200
Query	207286	GAGACAGGCATGCAGTGAGCTTGGGAGGGAGGAGTAGGGGGTCAGGCATGTCTATCTACC	207345
Sbjct	64201	GAGACAGGCATGCAGTGAGCTTGGGAGGGAGGAGTAGGGGGTCAGGCATGTCTATCTACC	64260
Query	207346	CCTGGTCCCAATTTATGACTTTTAACTGAATAAAATTTGCTGAATATCATATGATTGGC	207405
Sbjct	64261	CCTGGTCCCAATTTATGACTTTTAACTGAATAAAATTTGCTGAATATCATATGATTGGC	64320
Query	207406	CAGTTTGGTGATACTACTTAAAGTCATTTTATCTCAATGAATTTTCAGTGATTCACCCTTT	207465
Sbjct	64321	CAGTTTGGTGATACTACTTAAAGTCATTTTATCTCAATGAATTTTCAGTGATTCACCCTTT	64380
Query	207466	TTACTTTCACTTCATAACTGTACACTCAAATTAGATTGGTATTTAATAATCTGAGAAGTT	207525
Sbjct	64381	TTACTTTCACTTCATAACTGTACACTCAAATTAGATTGGTATTTAATAATCTGAGAAGTT	64440
Query	207526	TCTGTGAGATTTGGAAAATTGGGTCTTGAAACAAAGAGCTGAAGGGGAACACTTACTTG	207585
Sbjct	64441	TCTGTGAGATTTGGAAAATTGGGTCTTGAAACAAAGAGCTGAAGGGGAACACTTACTTG	64500
Query	207586	GTATTATTAGTCTAGGTCCCACCTTTTGCTGTCCTTAACATCAAATTCCTAAAAGCTGAAG	207645
Sbjct	64501	GTATTATTAGTCTAGGTCCCACCTTTTGCTGTCCTTAACATCAAATTCCTAAAAGCTGAAG	64560
Query	207646	TTTCATTCAATTTACTATCCAAACAGATACCTTTTTCAGCCAGTTGTCTTTTGTCTTAA	207705
Sbjct	64561	TTTCATTCAATTTACTATCCAAACAGATACCTTTTTCAGCCAGTTGTCTTTTGTCTTAA	64620
Query	207706	TTGTGTACCTTTCCTGTGTACTTTTCATTTATACCTTGAGTATTTATTTTAGTTTCAATA	207765
Sbjct	64621	TTGTGTACCTTTCCTGTGTACTTTTCATTTATACCTTGAGTATTTATTTTAGTTTCAATA	64680
Query	207766	AGGATGA <del>tttttttt</del> AATTGCCAGCTATCACTGACTAGGATATAAGTAAGTTACTGCACA	207825
Sbjct	64681	AGGATGATTTT <del>TTTTTT</del> AATTGCCAGCTATCACTGACTAGGATATAAGTAAGTTACTGCACA	64740
Query	207826	AGAACAAGTTAGAGTAAACAATG <del>tttttttt</del> ACTGAATATTTT <del>TTTTTT</del> AATTAAATTACAT	207885
Sbjct	64741	AGAACAAGTTAGAGTAAACAATGTTT <del>TTTTTT</del> TTACTGAATATTTT <del>TTTTTT</del> AATTAAATTACAT	64800
Query	207886	TTCAAATGTAATTCCCTTTTCTGGTTTCCCAGACATAAGGCCCTATCCCAATCCTCCCC	207945
Sbjct	64801	TTCAAATGTAATTCCCTTTTCTGGTTTCCCAGACATAAGGCCCTATCCCAATCCTCCCC	64860
Query	207946	TTCTTCTATAAGGGCATTCTCCTCCCCATCCCCC <del>CACATTTCCCTTCACTGGGGGAGGGG</del>	208005
Sbjct	64861	TTCTTCTATAAGGGCATTCTCCTCCCCATCCCCC <del>CACATTTCCCTTCACTGGGGGAGGGG</del>	64920
Query	208006	TTCAGCCTTGGCAGGATCAAGGGCTTCTCCTCCCTCTGGTGCCCAAAGACCATCCTATG	208065

Sbjct	64921	TTCAGCCTTGGCAGGATCAAGGGCTTCTCCTCCCTCTGGTGCCCAAAAGACCATCCTATG	64980
Query	208066	CTACACATGCAGCTGAAGCCATGAATCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGTTTAGT	208125
Sbjct	64981	CTACACATGCAGCTGAAGCCATGAATCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGTTTAGT	65040
Query	208126	CCCTGTGAGCTCTGGTTGGTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTTGCAGGCCCTTCAGGT	208185
Sbjct	65041	CCCTGTGAGCTCTGGTTGGTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTTGCAGGCCCTTCAGGT	65100
Query	208186	CTTTCAATCCATTCTCTAATTCTCTAATGAGGGTCTGTTCTCACCTCAATGGTTTGCT	208245
Sbjct	65101	CTTTCAATCCATTCTCTAATTCTCTAATGAGGGTCTGTTCTCACCTCAATGGTTTGCT	65160
Query	208246	GCTAGCATTTCGCTCTGTATTTGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCTAAGGAGAAGCTATATC	208305
Sbjct	65161	GCTAGCATTTCGCTCTGTATTTGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCTAAGGAGAAGCTATATC	65220
Query	208306	AGGCTCCTGTGAGCATGCACTTCTTGGCTTCATCAATCTTATCTAGTTTTGGTAGCTGTG	208365
Sbjct	65221	AGGCTCCTGTGAGCATGCACTTCTTGGCTTCATCAATCTTATCTAGTTTTGGTAGCTGTG	65280
Query	208366	TATATATGGGCTGTATATCCAGATGGGGCAGGCCCTGGATGGCCATTTCCTTCAGTCTCTG	208425
Sbjct	65281	TATATATGGGCTGTATATCCAGATGGGGCAGGCCCTGGATGGCCATTTCCTTCAGTCTCTG	65340
Query	208426	CTCCAAACTTTGCCTCCATATCCCTCCTAAGAATATTTTTGAAAACAATGTTCCCTAAAAT	208485
Sbjct	65341	CTCCAAACTTTGCCTCCATATCCCTCCTAAGAATATTTTTGAAAACAATGTTCCCTAAAAT	65400
Query	208486	GATAAAATATGGTAAAGGGAAATGAAACATGAGAAATGTTGTGGtttctttttttttttta	208545
Sbjct	65401	GATAAAATATGGTAAAGGGAAATGAAACATGAGAAATGTTGTGGTTCTTTTTTTTTTTA	65460
Query	208546	ttaaacttgagtattttctttttttttttaattttattttatttttttttttttATTATTA	208605
Sbjct	65461	TTAACTTGAGTATTTCTTTTTTTTTTAATTTTATTTTATTTTATTTTATTTATTA	65520
Query	208606	GTATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCAGTTTCCGGGCAAACA	208665
Sbjct	65521	GTATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCAGTTTCCGGGCAAACAT	65580
Query	208666	ctccccccctccccctttcttatcggtgttccccctccccaccctccccccattgccaccctc	208725
Sbjct	65581	CTCCCCCTCCCTTTCTTATCGGTGTTCCCTCCCCACCCTCCCCCATTTGCCACCCTC	65640
Query	208726	cccccccaACAATCACGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTC	208785
Sbjct	65641	CCCCCAACAATCACGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTC	65700
Query	208786	CACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTC	208845
Sbjct	65701	CACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTC	65760
Query	208846	CATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTG	208905
Sbjct	65761	CATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTG	65820
Query	208906	TACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCTTCAACT	208965
Sbjct	65821	TACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCTTCAACT	65880
Query	208966	GGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTGCTGTATT	209025
Sbjct	65881	GGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTGCTGTATT	65940
Query	209026	CTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGAGTCTGCACTTCTTTGCT	209085
Sbjct	65941	CTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGAGTCTGCACTTCTTTGCT	66000
Query	209086	TCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGACTCT	209145
Sbjct	66001	TCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGACTCT	66060
Query	209146	GAATGGGTGTTCTTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTA	209205
Sbjct	66061	GAATGGGTGTTCTTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTA	66120
Query	209206	TTCTTGTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGT	209265
Sbjct	66121	TTCTTGTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGT	66180
Query	209266	TTCATTTGTTCTAGACATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAGT	209325
Sbjct	66181	TTCATTTGTTCTAGACATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAGT	66240
Query	209326	GAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCC	209385
Sbjct	66241	GAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCC	66300

Query	209386	AGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTTTCATAAACTCGTTGTTTTTGATAGCTGAGTAATAT	209445
Sbjct	66301	AGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTTTCATAAACTCGTTGTTTTTGATAGCTGAGTAATAT	66360
Query	209446	TCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGT	209505
Sbjct	66361	TCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGT	66420
Query	209506	TCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCAATGAACATAGTGGAGCACGTGTCT	209565
Sbjct	66421	TCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCAATGAACATAGTGGAGCACGTGTCT	66480
Query	209566	TTGTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCTCA	209625
Sbjct	66481	TTGTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCTCA	66540
Query	209626	GGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTCCAGAATGGTTGTACC	209685
Sbjct	66541	GGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTCCAGAATGGTTGTACC	66600
Query	209686	AGTTTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCGTAAATTGCAT	209745
Sbjct	66601	AGTTTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCGTAAATTGCAT	66660
Query	209746	TGCTTTGCTTGTTTTAAGATTTTCACTTAAGATTTTATTTAAGATTTTAACACAATAAGA	209805
Sbjct	66661	TGCTTTGCTTGTTTTAAGATTTTCACTTAAGATTTTATTTAAGATTTTAACACAATAAGA	66720
Query	209806	AGTATATGTTTTGATACATTGAAATTTCTTTCCTAAATATTTTCTTCTATGACTATCCC	209865
Sbjct	66721	AGTATATGTTTTGATACATTGAAATTTCTTTCCTAAATATTTTCTTCTATGACTATCCC	66780
Query	209866	AAAGCTAAGGTTTTTAAATTTTCATTAGTTACTTTTTGATACATACCCTAAAAGTGGATAT	209925
Sbjct	66781	AAAGCTAAGGTTTTTAAATTTTCATTAGTTACTTTTTGATACATACCCTAAAAGTGGATAT	66840
Query	209926	TCATtataatatataGGTGATAAttttttttAAATAGAAATTTCAAAACATTTACTTTA	209985
Sbjct	66841	TCATTATATATATATAGGTGATAATTTTtTTAAATAGAAATTTCAAAACATTTACTTTA	66900
Query	209986	TTTGAGATACATGTACTTACCTGGAAATTCttttttaatttttaatttttAAGGAGCTGATG	210045
Sbjct	66901	TTTGAGATACATGTACTTACCTGGAAATTCCTTTTTAATTTTAATTTTtAAGGAGCTGATG	66960
Query	210046	CAGTACACATGGATGGTGACCAGATTATTGTGGAAGTTCAAGAAACTGtttttttATCTA	210105
Sbjct	66961	CAGTACACATGGATGGTGACCAGATTATTGTGGAAGTTCAAGAAACTGTTTTTTTATCTA	67020
Query	210106	ATTCAGATGTAAGTGTGCATAATTTTGTTCCTGATGATCCAGACTCAGTTATAATTCAAG	210165
Sbjct	67021	ATTCAGATGTAAGTGTGCATAATTTTGTTCCTGATGATCCAGACTCAGTTATAATTCAAG	67080
Query	210166	ATGTTATTGAAAATGTTCTTATTGAAGATGTTCACTGCTCAAATATTTTAGAGGAAACAG	210225
Sbjct	67081	ATGTTATTGAAAATGTTCTTATTGAAGATGTTCACTGCTCAAATATTTTAGAGGAAACAG	67140
Query	210226	ATATATCTGACAATGTCATTATTCTGAGCAAGTGCTTGATTTAGATACAGCTGAAGAAG	210285
Sbjct	67141	ATATATCTGACAATGTCATTATTCTGAGCAAGTGCTTGATTTAGATACAGCTGAAGAAG	67200
Query	210286	TGTCTTTAGCACAGTTTCCAATTCCAGACATTTTAGCTTCTAGTATTACATCAACCTCAT	210345
Sbjct	67201	TGTCTTTAGCACAGTTTCCAATTCCAGACATTTTAGCTTCTAGTATTACATCAACCTCAT	67260
Query	210346	TAACTATGCCTGAACATATCTTGATGAGTGAAGCTATACATGTGTCTGATGTAGGACACA	210405
Sbjct	67261	TAACTATGCCTGAACATATCTTGATGAGTGAAGCTATACATGTGTCTGATGTAGGACACA	67320
Query	210406	TTGAACAAGTGATTTCATGATAGTCTAGTAGAAACAGAAGTCATTACTGATCCTCTGACAG	210465
Sbjct	67321	TTGAACAAGTGATTTCATGATAGTCTAGTAGAAACAGAAGTCATTACTGATCCTCTGACAG	67380
Query	210466	CCGACATTTTCAGAAATACTGGTAACAGATTGTGCTTCTGAAGCAGTCTTAGATTCCAGTG	210525
Sbjct	67381	CCGACATTTTCAGAAATACTGGTAACAGATTGTGCTTCTGAAGCAGTCTTAGATTCCAGTG	67440
Query	210526	GAATGCCTCTGGAGCAGCAAGATGATACCAAAGTCAACCGTGACGATTATCTTATGATTT	210585
Sbjct	67441	GAATGCCTCTGGAGCAGCAAGATGATACCAAAGTCAACCGTGACGATTATCTTATGATTT	67500
Query	210586	CTTGTAAGTCCTGAGCCACATGGCTATCAAAGTA tgttttggttttggttggtttggttt	210645
Sbjct	67501	CTTGTAAGTCCTGAGCCACATGGCTATCAAAGTATGTTTTGTTTTGTTGTTTTGTTTT	67560
Query	210646	gtttCAGACAGGGTCTCATGCTGAACTTGAGTGTGTGCCACAATGCCTGAATTATCAAGG	210705
Sbjct	67561	GTTTCAGACAGGGTCTCATGCTGAACTTGAGTGTGTGCCACAATGCCTGAATTATCAAGG	67620
Query	210706	CAtttttggttttggttttggtttgtATGTGGATATACTTAATTGTTGCTATATGTAT	210765

Sbjct	67621	CATTTTGT TTTGT TTTGT TTTGT TTTGT ATGTGGATATACTTAATTGTTGCTATATGTAT	67680
Query	210766	ATTCAGGTTTACAAGCATAGTTGAATGTGGAAGTCAGAAATTAGCATAGCTTTGATCATT	210825
Sbjct	67681	ATTCAGGTTTACAAGCATAGTTGAATGTGGAAGTCAGAAATTAGCATAGCTTTGATCATT	67740
Query	210826	CTACCTTTATTTTCTGAGACCAAGATCTCTCAGTATACCTAAGGTTAGCAATTCTACTAG	210885
Sbjct	67741	CTACCTTTATTTTCTGAGACCAAGATCTCTCAGTATACCTAAGGTTAGCAATTCTACTAG	67800
Query	210886	ACTTTATTGCCACTTTTTATTGCCATTGCCAATAAACTTCAATAATTCACCTGTCTGACA	210945
Sbjct	67801	ACTTTATTGCCACTTTTTATTGCCATTGCCAATAAACTTCAATAATTCACCTGTCTGACA	67860
Query	210946	GCACTCAGGATGTGAAAAAGGGGGATCATGATTTTCTGAAATCTAGCGATGGTTACATAG	211005
Sbjct	67861	GCACTCAGGATGTGAAAAAGGGGGATCATGATTTTCTGAAATCTAGCGATGGTTACATAG	67920
Query	211006	TAACACCCAATTTCAAAACAGTAAAAACAACCTTC ttttttttATTTTGACCAGTAAAATA	211065
Sbjct	67921	TAACACCCAATTTCAAAACAGTAAAAACAACCTCTTTTTTTTATTTTGACCAGTAAAATA	67980
Query	211066	ATGTCTTTACATTTGTTCCCTGTGAACATCTTAAAA ttttatgggtttattttgttctgt	211125
Sbjct	67981	ATGTCTTTACATTTGTTCCCTGTGAACATCTTAAAAATTTATGGGTTTATTTTGTTCTGT	68040
Query	211126	tttg tttttaataaattttgttaggtttgggatattacttttCCATCTTCATCTTATTTCT	211185
Sbjct	68041	TTTGT TTTTAATAAAATTTTGTAGGTTTGGGATATTACTTTTCCATCTTCATCTTATTTCT	68100
Query	211186	TTTTTGTCCTTCTGGCATGCAGGCATTTTTTAAAAATATAAACTATAGTATTCATAAGTC	211245
Sbjct	68101	TTTTTGTCCTTCTGGCATGCAGGCATTTTTTAAAAATATAAACTATAGTATTCATAAGTC	68160
Query	211246	ATTTTCATGCATGTAGCTGTCACTTAGAATCACTTTATTCTCATATTGTTACATATGAGGC	211305
Sbjct	68161	ATTTTCATGCATGTAGCTGTCACTTAGAATCACTTTATTCTCATATTGTTACATATGAGGC	68220
Query	211306	CATTTTCATTCGTATTATTGTTTTCTGCC aaaaaaaTATGGCTAATAATGTGTTGCTAAT	211365
Sbjct	68221	CATTTTCATTCGTATTATTGTTTTCTGCCAAAAAAATATGGCTAATAATGTGTTGCTAAT	68280
Query	211366	GTGGTGACAAAATACTATGACCAGAAGCAAGCAGGAAAGGAAATGATTATTTGGCTTAG	211425
Sbjct	68281	GTGGTGACAAAATACTATGACCAGAAGCAAGCAGGAAAGGAAATGATTATTTGGCTTAG	68340
Query	211426	ACTTCAGAACACTTTTTTAATCACTGAAAGAAATCAGGACAGGAACTCAAACACTCTGGA	211485
Sbjct	68341	ACTTCAGAACACTTTTTTAATCACTGAAAGAAATCAGGACAGGAACTCAAACACTCTGGA	68400
Query	211486	GGCAGAAGCTGATATAGAGGCAGTAGAGGGGTGCTGCTTGCTGGCTTTAAATATTTATCT	211545
Sbjct	68401	GGCAGAAGCTGATATAGAGGCAGTAGAGGGGTGCTGCTTGCTGGCTTTAAATATTTATCT	68460
Query	211546	TATATATATGAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGACACACCAGAAGAGGGCATCAGATCCCA	211605
Sbjct	68461	TATATATATGAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGACACACCAGAAGAGGGCATCAGATCCCA	68520
Query	211606	TTACAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAGTCCAACCTCAGAACCTCTGGAAG	211665
Sbjct	68521	TTACAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAGTCCAACCTCAGAACCTCTGGAAG	68580
Query	211666	AGCCGTCACTGCTCTAACCCTGAGCCATCTCTCCAGCTCCTCGACTTTTCTTATAGGAC	211725
Sbjct	68581	AGCCGTCACTGCTCTAACCCTGAGCCATCTCTCCAGCTCCTCGACTTTTCTTATAGGAC	68640
Query	211726	CCAGGACTACCAGCTCAGGGTTGGCCTCATTACAATGAGCTGGGCCTTCTCATGTCTGC	211785
Sbjct	68641	CCAGGACTACCAGCTCAGGGTTGGCCTCATTACAATGAGCTGGGCCTTCTCATGTCTGC	68700
Query	211786	CTACAGGTGTAAC TACAATCTGATCTTG TGAGACATTTTCTTAAAAGGTTACAGCTTTT	211845
Sbjct	68701	CTACAGGTGTAAC TACAATCTGATCTTG TGAGACATTTTCTTAAAAGGTTACAGCTTTT	68760
Query	211846	GAGATGATTTTCA GTTTGTGCTGGCATAAAACTATCCTGCATAATAGTAAAACAAAAATT	211905
Sbjct	68761	GAGATGATTTTCA GTTTGTGCTGGCATAAAACTATCCTGCATAATAGTAAAACAAAAATT	68820
Query	211906	TAGTAATCAAATAGGTATATGAATCTGGTTTCTGTGTTTACAAAAATGAAGGCAGGGCAT	211965
Sbjct	68821	TAGTAATCAAATAGGTATATGAATCTGGTTTCTGTGTTTACAAAAATGAAGGCAGGGCAT	68880
Query	211966	TGGGAAATTGATAAGATTTACAGGCTAATAGAATGATCACTAGGTGTTTTATTGTTGTAG	212025
Sbjct	68881	TGGGAAATTGATAAGATTTACAGGCTAATAGAATGATCACTAGGTGTTTTATTGTTGTAG	68940
Query	212026	ATATTACAAATTTTATTTCAAATAACATTTATGCATTTTATTTATATGAAAATAAATA	212085
Sbjct	68941	ATATTACAAATTTTATTTCAAATAACATTTATGCATTTTATTTATATGAAAATAAATA	69000

Query	212086	GGGCATATTGTATTTCTTTTCATTAGTTAAAGTGATTCAATTATAAGCATGTGGTTATTTTC	212145
Sbjct	69001	GGGCATATTGTATTTCTTTTCATTAGTTAAAGTGATTCAATTATAAGCATGTGGTTATTTTC	69060
Query	212146	ATTTTAAAGTTTTTTAAAAATAATAAGATAACATCTCAGCAAAGTTTCTTTTCATTGTTTC	212205
Sbjct	69061	ATTTTAAAGTTTTTTAAAAATAATAAGATAACATCTCAGCAAAGTTTCTTTTCATTGTTTC	69120
Query	212206	AGCAAAGTCAAAAGTAGAACTAGATATAGAGTACTTATCTAGCAAGCACAAAGCCTGGAT	212265
Sbjct	69121	AGCAAAGTCAAAAGTAGAACTAGATATAGAGTACTTATCTAGCAAGCACAAAGCCTGGAT	69180
Query	212266	TCTATTATCAGCACTGCAGGTTTTTTGCTCTGTTTTTAAAGAACTTTATAATTTTTTAAA	212325
Sbjct	69181	TCTATTATCAGCACTGCAGGTTTTTTGCTCTGTTTTTAAAGAACTTTATAATTTTTTAAA	69240
Query	212326	TTATTAGTATATATGGATAGGTGTTTTGCTGCATAAATGTCTGTGTACTGTATACTCTG	212385
Sbjct	69241	TTATTAGTATATATGGATAGGTGTTTTGCTGCATAAATGTCTGTGTACTGTATACTCTG	69300
Query	212386	GTGCCCAAGGAGGCCAGAAGTGTGTGGTCAAATCTTCATATTTTCTTTACATGTAAata	212445
Sbjct	69301	GTGCCCAAGGAGGCCAGAAGTGTGTGGTCAAATCTTCATATTTTCTTTACATGTAAATA	69360
Query	212446	catatatatgtgttggtgtgtgtatatacatatatgtgtgttatataggatatattatatataag	212505
Sbjct	69361	CATATATATGTGTTGTGTGTGTATACATATATGTGTGTTATATGGTATATTATATATAAG	69420
Query	212506	ctatacaacatatattttgtctctgtatatatgtgtataccaaatataccaaatatacatac	212565
Sbjct	69421	CTATACAACATATTTTGTCTCTGTATATATGTGTATACCAAATATACCAAATATACATAC	69480
Query	212566	atgcatacacatacacataaatacacacacacatatataGTGTTTGAAACTGAACTACAAAG	212625
Sbjct	69481	ATGCATACATACATACATAAATACACACACACATATAGTGTGTTTGAAACTGAACTACAAAG	69540
Query	212626	AAGAAAAAACAGTGTCTTAAATGGGAAATTAGAGAAAGAAGTTTAAAGAGGATGAGGTGA	212685
Sbjct	69541	AAGAAAAAACAGTGTCTTAAATGGGAAATTAGAGAAAGAAGTTTAAAGAGGATGAGGTGA	69600
Query	212686	TAGGTGATTTGGAAGGAGAAAAATAGCTAGGAAGAAATGGGAGCAGCAGGAGGATAGAAA	212745
Sbjct	69601	TAGGTGATTTGGAAGGAGAAAAATAGCTAGGAAGAAATGGGAGCAGCAGGAGGATAGAAA	69660
Query	212746	AGTGAAGGTATGAAGGTTTTGGAGAGATAACTTAATGTTTAGGAATACTTGTTTTTCACAG	212805
Sbjct	69661	AGTGAAGGTATGAAGGTTTTGGAGAGATAACTTAATGTTTAGGAATACTTGTTTTTCACAG	69720
Query	212806	AATACATAAGTTCAGTTCTCACATGGTGACTCACAAACCACCTAGTTCTGCTTAGGGGTTT	212865
Sbjct	69721	AATACATAAGTTCAGTTCTCACATGGTGACTCACAAACCACCTAGTTCTGCTTAGGGGTTT	69780
Query	212866	CAGTACCCTCTTCTGATATCTGGCAGGTATACATCTACCTGGTGCAAATGTATTTCATACC	212925
Sbjct	69781	CAGTACCCTCTTCTGATATCTGGCAGGTATACATCTACCTGGTGCAAATGTATTTCATACC	69840
Query	212926	CATAAAATTAGTCTTTTAAATTTTAAAGGAGGTGGAGGTATGAAAGGAAAAGACAAAAGG	212985
Sbjct	69841	CATAAAATTAGTCTTTTAAATTTTAAAGGAGGTGGAGGTATGAAAGGAAAAGACAAAAGG	69900
Query	212986	TACATATGAAATGCCACATTAAACTCATTTAGTGATATTTTTAACTAAAACATAAAAAAG	213045
Sbjct	69901	TACATATGAAATGCCACATTAAACTCATTTAGTGATATTTTTAACTAAAACATAAAAAAG	69960
Query	213046	CAGTTAAGTGGCAAAATATCCATGTTGATAAGAGAGATAGTTTTAGAATTCACCTGTAAGC	213105
Sbjct	69961	CAGTTAAGTGGCAAAATATCCATGTTGATAAGAGAGATAGTTTTAGAATTCACCTGTAAGC	70020
Query	213106	AGTACTGAATGTCACTTTATATTGTCCTTTTAAATGTTCACTTTTGAAATAACTACATTTA	213165
Sbjct	70021	AGTACTGAATGTCACTTTATATTGTCCTTTTAAATGTTCACTTTTGAAATAACTACATTTA	70080
Query	213166	TTGATATGAAATAATTCTAATTAGATAAATGAACTTTCAGAACTTTTAGTTGTTCCGAGA	213225
Sbjct	70081	TTGATATGAAATAATTCTAATTAGATAAATGAACTTTCAGAACTTTTAGTTGTTCCGAGA	70140
Query	213226	TTTCAAAATCTTTGTCTCTGAATATAAACCACCTTAAATATGGTTTAAATATGGCTTAA	213285
Sbjct	70141	TTTCAAAATCTTTGTCTCTGAATATAAACCACCTTAAATATGGTTTAAATATGGCTTAA	70200
Query	213286	AAAGCATTTTAAACTTTTTAATATACTTTTCCTTAAGTATTTTTTGTGCTGAACTTAACAC	213345
Sbjct	70201	AAAGCATTTTAAACTTTTTAATATACTTTTCCTTAAGTATTTTTTGTGCTGAACTTAACAC	70260
Query	213346	ATTGTCTATTGTCTTTCCATTGTTACTTTTCTAATAATCATACTTTGAttttttttAAAG	213405
Sbjct	70261	ATTGTCTATTGTCTTTCCATTGTTACTTTTCTAATAATCATACTTTGATTTTTTTTAAAG	70320
Query	213406	ATGTCATTTGTTTATTTTATAGAGAGTCATCTCCAGGGTAGTCTCAAACCTCATTTTGTAGC	213465



Sbjct	70321	ATGTCATTTGTTTATTTATAGAGAGTCATCTCCAGGGTAGTCTCAAACTCATTTTGTAGC	70380
Query	213466	AATTATTCCCTCCTTTTGCCTCAACTGGCCAGTGTTGGCATTGCAGATAATAGAATTCATT	213525
Sbjct	70381	AATTATTCCCTCCTTTTGCCTCAACTGGCCAGTGTTGGCATTGCAGATAATAGAATTCATT	70440
Query	213526	AGCAAAATTAAAGCAGTGGTAAGGATGAAACCCTAGACTTTGTTCATGTTAGGCAAGCAC	213585
Sbjct	70441	AGCAAAATTAAAGCAGTGGTAAGGATGAAACCCTAGACTTTGTTCATGTTAGGCAAGCAC	70500
Query	213586	TCTTCCAAGACACATTTCTAAACTAAAAATTTTCATAGAAATACATGTGATTAAATTATAT	213645
Sbjct	70501	TCTTCCAAGACACATTTCTAAACTAAAAATTTTCATAGAAATACATGTGATTAAATTATAT	70560
Query	213646	TCAAAGATAAATAATAGGTAGAGCCaaaaaaaTTACTTTAAAGAGTTCTGTTGACTGACT	213705
Sbjct	70561	TCAAAGATAAATAATAGGTAGAGCCAAAAAAATTACTTTAAAGAGTTCTGTTGACTGACT	70620
Query	213706	TTTTACCATGTTGGTATTTTTATTTATAGATGAGTAAATGAGAAAAATATGCTCATTATTT	213765
Sbjct	70621	TTTTACCATGTTGGTATTTTTATTTATAGATGAGTAAATGAGAAAAATATGCTCATTATTT	70680
Query	213766	ACTCTTCATGTTTTGGAGGTATATAACAGTTTAGATTGTTCTAAATCATTTTTTCTGTAC	213825
Sbjct	70681	ACTCTTCATGTTTTGGAGGTATATAACAGTTTAGATTGTTCTAAATCATTTTTTCTGTAC	70740
Query	213826	TTATTTTTGTAAGTTAATTACACGTGGCTACATAGTATAGTGATACTACTATGTATAAGC	213885
Sbjct	70741	TTATTTTTGTAAGTTAATTACACGTGGCTACATAGTATAGTGATACTACTATGTATAAGC	70800
Query	213886	TCCTGaatattaattaaattaaattaaattaaattCCAGTAGAGTCCTGAAAATAGGA	213945
Sbjct	70801	TCCTGAATTAATTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTCAGTAGAGTCCTGAAAATAGGA	70860
Query	213946	AAACGTGTTTTGCTTCTAGTATTTTCCAGAAATCATCCAATTTTATTTGTACATTTTCAGA	214005
Sbjct	70861	AAACGTGTTTTGCTTCTAGTATTTTCCAGAAATCATCCAATTTTATTTGTACATTTTCAGA	70920
Query	214006	GTATATTTCTAAGAAGAACTTCTTTTTAAAGATAAAATTTACTTTATTATTTTCAGTATTT	214065
Sbjct	70921	GTATATTTCTAAGAAGAACTTCTTTTTAAAGATAAAATTTACTTTATTATTTTCAGTATTT	70980
Query	214066	TGCCTTCTTTCAAAGtggtgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctgctATACATAACATA	214125
Sbjct	70981	TGCCTTCTTTCAAAGTGTGTCTGTGTGTGTGTCTGTGTGTGTGTGTATACATAACATA	71040
Query	214126	GTGTGCAGTGCCCATGGAAGTGAAGAGGCATCCCCTGGAATGAAAATAGTGGTGGTTG	214185
Sbjct	71041	GTGTGCAGTGCCCATGGAAGTGAAGAGGCATCCCCTGGAATGAAAATAGTGGTGGTTG	71100
Query	214186	TGAGTGTTTTCCCTATGTGGATATTGGGAATCTTGGTCCTGTGCAAGAATAGCAAGTGTTT	214245
Sbjct	71101	TGAGTGTTTTCCCTATGTGGATATTGGGAATCTTGGTCCTGTGCAAGAATAGCAAGTGTTT	71160
Query	214246	TTAGCCAGATCTCTAGACCCAGGTAAAAAGGAATTTCTTTGGAAATTTACCTAACAGTT	214305
Sbjct	71161	TTAGCCAGATCTCTAGACCCAGGTAAAAAGGAATTTCTTTGGAAATTTACCTAACAGTT	71220
Query	214306	TGTGTATAGTATGTAAGTGAGAAGAGGGGAAAGATGATAGAGGAGAATTCAACTTTTAGA	214365
Sbjct	71221	TGTGTATAGTATGTAAGTGAGAAGAGGGGAAAGATGATAGAGGAGAATTCAACTTTTAGA	71280
Query	214366	AATCACTTCTCTCCTGTTATTGGTTCTAAGAAGCAAACCTTAAGGTGTCAGACCCCTAAAGC	214425
Sbjct	71281	AATCACTTCTCTCCTGTTATTGGTTCTAAGAAGCAAACCTTAAGGTGTCAGACCCCTAAAGC	71340
Query	214426	CATCCAGCCAGTCCCTCTTCATTTCTATTTaaaaaaaagaaaaaGGAAGCCATATTTTAT	214485
Sbjct	71341	CATCCAGCCAGTCCCTCTTCATTTCTATTTAAAAAAAAGAAAAAGGAAGCCATATTTTAT	71400
Query	214486	TTTTATATCTACTATAAAGATTTATAATACATTTCCCTATTTAGTGGATGATGCTGGCAAA	214545
Sbjct	71401	TTTTATATCTACTATAAAGATTTATAATACATTTCCCTATTTAGTGGATGATGCTGGCAAA	71460
Query	214546	ACAGAGAATGAAGGTTTCATCTGAAGTTACCACGAATGCAGAGTCAGAAAGTGATCCTTAT	214605
Sbjct	71461	ACAGAGAATGAAGGTTTCATCTGAAGTTACCACGAATGCAGAGTCAGAAAGTGATCCTTAT	71520
Query	214606	AAATTAAATGAAACATCTCCTGAAGTTATCAAGGTGTACATTTTTAAAGCTGACCCTGAA	214665
Sbjct	71521	AAATTAAATGAAACATCTCCTGAAGTTATCAAGGTGTACATTTTTAAAGCTGACCCTGAA	71580
Query	214666	GAGGATGATGTAGGTAAGGAAGAAAAACatttaatttatatgtgtgtttataacaatttaca	214725
Sbjct	71581	GAGGATGATGTAGGTAAGGAAGAAAAACATTTAATTTATATGTGTGTTATAACAATTTACA	71640
Query	214726	ctattttatatTTTTATAAATAAAATTTATAAATGTGTATAAATATTTATATTATTTTCT	214785
Sbjct	71641	CTATTTATATTTTTTATAAATAAAATTTATAAATGTGTATAAATATTTATATTATTTTCT	71700

Query	214786	atattattaatGTGATTGTTTCTTTGGGGTGGAGGGTTGTGTGTTTTTGAGGCAGGGTCT	214845
Sbjct	71701	ATATTATTAATGTGATTGTTTCTTTGGGGTGGAGGGTTGTGTGTTTTTGAGGCAGGGTCT	71760
Query	214846	CCCATGTAGACTTGGCTGACCTGGAACCTCACCTAATGTATACGAACCAGGTAGGATTCAA	214905
Sbjct	71761	CCCATGTAGACTTGGCTGACCTGGAACCTCACCTAATGTATACGAACCAGGTAGGATTCAA	71820
Query	214906	ACGCCCAGTAATATGCTTGCCTCTGCCTCCTGAGTATTGGAATTAGAGCATGTGCCACCA	214965
Sbjct	71821	ACGCCCAGTAATATGCTTGCCTCTGCCTCCTGAGTATTGGAATTAGAGCATGTGCCACCA	71880
Query	214966	GGCCCTGATATTACTTAGATTTTTCAAAGCTGTTTAGGTTGGAAATTTTGAAAGCCTCTT	215025
Sbjct	71881	GGCCCTGATATTACTTAGATTTTTCAAAGCTGTTTAGGTTGGAAATTTTGAAAGCCTCTT	71940
Query	215026	TGAAGATAACTTTAATATATTTGTAATATAATCTGCAGATACTATAAAAAGGAAACCTAG	215085
Sbjct	71941	TGAAGATAACTTTAATATATTTGTAATATAATCTGCAGATACTATAAAAAGGAAACCTAG	72000
Query	215086	TAAATTAATAAAACCAAATTCCAAATTAATTTTTATAGTTTATTTTCTTTTAGGAGAAAC	215145
Sbjct	72001	TAAATTAATAAAACCAAATTCCAAATTAATTTTTATAGTTTATTTTCTTTTAGGAGAAAC	72060
Query	215146	TGTAGACATTGTGGAGAGTAAGACTGACAATGGCAATGAAGCTGAAGTCATTGATCAGAG	215205
Sbjct	72061	TGTAGACATTGTGGAGAGTAAGACTGACAATGGCAATGAAGCTGAAGTCATTGATCAGAG	72120
Query	215206	TAGCAGCATTATGTTCCCGAGAGACAATGTTTATATGCCAGTCAGTGATTCTCAGAAGGA	215265
Sbjct	72121	TAGCAGCATTATGTTCCCGAGAGACAATGTTTATATGCCAGTCAGTGATTCTCAGAAGGA	72180
Query	215266	AGAAGAAGATACTAGTAAGTAGATGGCTTATTTGAATGGAGATGATTTTGTTCCTATAAA	215325
Sbjct	72181	AGAAGAAGATACTAGTAAGTAGATGGCTTATTTGAATGGAGATGATTTTGTTCCTATAAA	72240
Query	215326	CTATAATTCTTTTCAAGCAAGCAGTACTATGACAGCTCTGTGTAGGGATTATTATGCTAC	215385
Sbjct	72241	CTATAATTCTTTTCAAGCAAGCAGTACTATGACAGCTCTGTGTAGGGATTATTATGCTAC	72300
Query	215386	CACATAAAAAAGGATATCAGTATTCTTTTTTCAAGAAAGGATGTGTATTTAACTTTCTGT	215445
Sbjct	72301	CACATAAAAAAGGATATCAGTATTCTTTTTTCAAGAAAGGATGTGTATTTAACTTTCTGT	72360
Query	215446	TTGAATTCTAAAattttgtcattaaagtttactttttatagttggttattttatttattta	215505
Sbjct	72361	TTGAATTCTAAAATTTTGTCAATTAAGTTTACTTTTTTATAGTTGGTTATTTTATTTATTTA	72420
Query	215506	cgtttCAAATGTTATCCCCCTTGCTGGTTTCACCTCTGCGACCCCATCACATCACCCCTC	215565
Sbjct	72421	CGTTTCAAATGTTATCCCCCTTGCTGGTTTCACCTCTGCGACCCCATCACATCACCCCTC	72480
Query	215566	ATGCCCTACTTCTATTAGGGAACCTCTCCCAACCACTAACCCTTACACACTCCAGCCTC	215625
Sbjct	72481	ATGCCCTACTTCTATTAGGGAACCTCTCCCAACCACTAACCCTTACACACTCCAGCCTC	72540
Query	215626	AGTGCCCTAGCAACCCCTACACTAGGGCATTGAGCTTCCACAGGACCAAGGGCCTCCCCCT	215685
Sbjct	72541	AGTGCCCTAGCAACCCCTACACTAGGGCATTGAGCTTCCACAGGACCAAGGGCCTCCCCCT	72600
Query	215686	CCCATTGATACTAGGTAAGGCTATCCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCATGGGTTGCT	215745
Sbjct	72601	CCCATTGATACTAGGTAAGGCTATCCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCATGGGTTGCT	72660
Query	215746	CCATGTGTACTCTTTGGTTGGTGGTTTAGTCCCTGGGAGGCCTGGTTGGTTGATATTGTT	215805
Sbjct	72661	CCATGTGTACTCTTTGGTTGGTGGTTTAGTCCCTGGGAGGCCTGGTTGGTTGATATTGTT	72720
Query	215806	GTTCTTCCTGTGCAGTTGCAAACCCCTTCAACTCTTTATTCTTCCCCTAACCTCCCTCA	215865
Sbjct	72721	GTTCTTCCTGTGCAGTTGCAAACCCCTTCAACTCTTTATTCTTCCCCTAACCTCCCTCA	72780
Query	215866	GTGGGGTCCCAGTGCTCAGTCTGATGGTTGGCTGTGAGCATCTGACAAAGCCTCTCAGGG	215925
Sbjct	72781	GTGGGGTCCCAGTGCTCAGTCTGATGGTTGGCTGTGAGCATCTGACAAAGCCTCTCAGGG	72840
Query	215926	GACAGCTAAACCAGGCTTCTGGCAGCAAGAGCTTCTTGACATCAGCAATTCTGTCTAAGT	215985
Sbjct	72841	GACAGCTAAACCAGGCTTCTGGCAGCAAGAGCTTCTTGACATCAGCAATTCTGTCTAAGT	72900
Query	215986	TTGGTGTCTGTAGATAGGATACCCCTAGGTGGGGCAGTCTCTGGATGGCCTTTCCTTAGA	216045
Sbjct	72901	TTGGTGTCTGTAGATAGGATACCCCTAGGTGGGGCAGTCTCTGGATGGCCTTTCCTTAGA	72960
Query	216046	TCTCTGTTTCACTCTTTGTCTCTCGCATTTCTTTAGACAGGAACAATTATGAGTTAAAATA	216105
Sbjct	72961	TCTCTGTTTCACTCTTTGTCTCTCGCATTTCTTTAGACAGGAACAATTATGAGTTAAAATA	73020
Query	216106	TTTAAGATGAGTGGGTTACCCATACCTCAACCAGTGACCATGCCTTTACAGGTCTTTTCT	216165

Sbjct	73021	TTTAAGATGAGTGGGTTACCCATACCTCAACCAGTGACCATGCCTTTACAGGTCTTTTCT	73080
Query	216166	CCCCTTTGTTGGGTATTTCAACTATGGTTATCCCCATTGGGTACTAGAAACATCTTGGGT	216225
Sbjct	73081	CCCCTTTGTTGGGTATTTCAACTATGGTTATCCCCATTGGGTACTAGAAACATCTTGGGT	73140
Query	216226	CCCTGCCATCTGGGACTTTCTAGGAGCTACTCCCAGTTCTCCCTCCCTAATGATACATAC	216285
Sbjct	73141	CCCTGCCATCTGGGACTTTCTAGGAGCTACTCCCAGTTCTCCCTCCCTAATGATACATAC	73200
Query	216286	CTCCTTTCAAATTCGACCCCTCTGTGGtctcccccatctccttccttttctgaactggc	216345
Sbjct	73201	CTCCTTTCAAATTCGACCCCTCTGTGGTCTCCCCCATCTCCTTCTTTTCTGAAC TGGC	73260
Query	216346	cctcttttccccctcccccttttcctgtctccttcccAGATCCCTCTTTGCCTCTGCTTCCTGGG	216405
Sbjct	73261	CCTCTTTCCCTCCCTTTTCTGTCTCCTTCCCAGATCCCTCTTTGCCTCTGCTTCCTGGG	73320
Query	216406	GATTATTTTCTTCCCCCTTCTGAGTTAGGACTGCAGCATCCACACATTGGTGTGATCTTT	216465
Sbjct	73321	GATTATTTTCTTCCCCCTTCTGAGTTAGGACTGCAGCATCCACACATTGGTGTGATCTTT	73380
Query	216466	CTTCTCTGGTTTCATATGGTCTGTGAGTTGAATCATGGGTATTCTGTGCTTCTTTTGTCT	216525
Sbjct	73381	CTTCTCTGGTTTCATATGGTCTGTGAGTTGAATCATGGGTATTCTGTGCTTCTTTTGTCT	73440
Query	216526	TTATATTCAC TTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTCTTTTATGACTAGATTACCTCA	216585
Sbjct	73441	TTATATTCAC TTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTCTTTTATGACTAGATTACCTCA	73500
Query	216586	TTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTCATAAAGTCATTGTTT	216645
Sbjct	73501	TTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTCATAAAGTCATTGTTT	73560
Query	216646	TTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCCCTCT	216705
Sbjct	73561	TTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCCCTCT	73620
Query	216706	GTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAAC	216765
Sbjct	73621	GTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAAC	73680
Query	216766	ATAGTGAGACACGTGTCCTTTGTTATATGTTGGGACATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGA	216825
Sbjct	73681	ATAGTGAGACACGTGTCCTTTGTTATATGTTGGGACATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGA	73740
Query	216826	GGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	216885
Sbjct	73741	GGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGAT	73800
Query	216886	TTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCT	216945
Sbjct	73801	TTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCT	73860
Query	216946	CTACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCTGCTGAGTTTTTGATCTTAGCTGTTCTGTCTGGT	217005
Sbjct	73861	CTACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCTGCTGAGTTTTTGATCTTAGCTGTTCTGTCTGGT	73920
Query	217006	ATAAGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTGATGACTAAGGATGTTGAACAT	217065
Sbjct	73921	ATAAGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTGATGACTAAGGATGTTGAACAT	73980
Query	217066	TTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTTCGATAATCCTTAGCTGAGAACGTTTTGTTTAGTTCT	217125
Sbjct	73981	TTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTTCGATAATCCTTAGCTGAGAACGTTTTGTTTAGTTCT	74040
Query	217126	GTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGT	217185
Sbjct	74041	GTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGT	74100
Query	217186	ATATATTAGATATTAGCCCTGTATTGGATATAGGTTGGTAAAAATCTTTTCCCAATCTGT	217245
Sbjct	74101	ATATATTAGATATTAGCCCTGTATTGGATATAGGTTGGTAAAAATCTTTTCCCAATCTGT	74160
Query	217246	TGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAATGTCCTTTTGCTTTATAGAAGCTTTTCAATTTTAT	217305
Sbjct	74161	TGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAATGTCCTTTTGCTTTATAGAAGCTTTTCAATTTTAT	74220
Query	217306	GAGGTCCATTTTGTCAATTGTTGATCTTAAAGCATAAGCCATTAGTGTTTTGTTCAGAAA	217365
Sbjct	74221	GAGGTCCATTTTGTCAATTGTTGATCTTAAAGCATAAGCCATTAGTGTTTTGTTCAGAAA	74280
Query	217366	AATTTCCCTTGTCCCTATATAGTCAAGGCTCTTCCCCACTTTCTCTTCTGTTAGTTTCAG	217425
Sbjct	74281	AATTTCCCTTGTCCCTATATAGTCAAGGCTCTTCCCCACTTTCTCTTCTGTTAGTTTCAG	74340
Query	217426	TGTATCCGCTTTTATGGGGACGTACTTTATCCACTTGGACTTGAGCTTTGTATTAAGAAT	217485
Sbjct	74341	TGTATCCGCTTTTATGGGGACGTACTTTATCCACTTGGACTTGAGCTTTGTATTAAGAAT	74400

Query	217486	GGATCGATCTGCATTTTTTATACATGCTCACCCCAATTGAACCAGCACCATTGTTGAAAC	217545
Sbjct	74401	GGATCGATCTGCATTTTTTATACATGCTCACCCCAATTGAACCAGCACCATTGTTGAAAC	74460
Query	217546	TGCTGGGGtttttttttCCCCACTGGAAGGTTGTGGCTCCTTTGTCAAAGATCAGGTGACC	217605
Sbjct	74461	TGCTGGGGTTTTTTTTTCCCCACTGGAAGGTTGTGGCTCCTTTGTCAAAGATCAGGTGACC	74520
Query	217606	ATAGGTCTGTGCATTTTATTCTGAATCTTCAATTCTATTCCATTGTTCTTCCTGTCTGTC	217665
Sbjct	74521	ATAGGTCTGTGCATTTTATTCTGAATCTTCAATTCTATTCCATTGTTCTTCCTGTCTGTC	74580
Query	217666	TGTATACTAGGGCCCTACtttttttttttttAAATCACTATTGGTCTGTAGAACAGCTT	217725
Sbjct	74581	TGTATACTAGGGCCCTACTTTTTTTTTTTTTTAAATCACTATTGGTCTGTAGAACAGCTT	74640
Query	217726	AGCTTGAAATCAGGGATGGTCATTCCCTGGAAATTCTCTTATTGTTGAGGATAGGttttt	217785
Sbjct	74641	AGCTTGAAATCAGGGATGGTCATTCCCTGGAAATTCTCTTATTGTTGAGGATAGGTTTTT	74700
Query	217786	ttGCCTTTCCAGATGAATTTGAAAATTGCTCTTTCATCTCTGTGAAGAATTGAGGAGGA	217845
Sbjct	74701	TTGCCTTTCCAGATGAATTTGAAAATTGCTCTTTCATCTCTGTGAAGAATTGAGGAGGA	74760
Query	217846	ATTTTGATGGGGATTGCATTTAATCTATAGATTGCTTTTGGCAAAATGGCCATCTTTACT	217905
Sbjct	74761	ATTTTGATGGGGATTGCATTTAATCTATAGATTGCTTTTGGCAAAATGGCCATCTTTACT	74820
Query	217906	ATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCTTGGGAGATCTTTTATCTTCTAAGGTCTTCTTGG	217965
Sbjct	74821	ATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCTTGGGAGATCTTTTATCTTCTAAGGTCTTCTTGG	74880
Query	217966	ATTTCttttttttAGACACTTAATGTTTTGTGGTGTTTAAATTGTTTTAAACAATaaaaa	218025
Sbjct	74881	ATTTCTTTTTTTTAGACACTTAATGTTTTGTGGTGTTTAAATTGTTTTAAACAATAAAAA	74940
Query	218026	aaaCCAAATAGAAATCAAGACATGATGCCATACACATACTCCTAGCACTTGCAAGGCTGA	218085
Sbjct	74941	AAACCAAATAGAAATCAAGACATGATGCCATACACATACTCCTAGCACTTGCAAGGCTGA	75000
Query	218086	AATAGGGGAATTGTGAGTGGCAAATTGAATTTAGAGTAGCCTGGTATTATTAAGTAGGA	218145
Sbjct	75001	AATAGGGGAATTGTGAGTGGCAAATTGAATTTAGAGTAGCCTGGTATTATTAAGTAGGA	75060
Query	218146	TTTTTCTCTTGaaaaatcaataaaaaataaattattaaaaataaaaGATAGAAGGGTTGG	218205
Sbjct	75061	TTTTTCTCTTGAAAAATCAAATAAAAATAAATTATTAAAAATAAAAGATAGAAGGGTTGG	75120
Query	218206	GGATTTAGCTCAGTGGTGGAGCGCTTGCTTAGCAACTGCAAGGCCCTGGGTTTGGTTCCC	218265
Sbjct	75121	GGATTTAGCTCAGTGGTGGAGCGCTTGCTTAGCAACTGCAAGGCCCTGGGTTTGGTTCCC	75180
Query	218266	AGGTCCGGaaaaaaaaaaaaaGGTAGAATGTACTCCATTTTCATTGAATATTTTTCATTGA	218325
Sbjct	75181	AGGTCCGGAAAAAAAAAAAAAGGTAGAATGTACTCCATTTTCATTGAATATTTTTCATTGA	75240
Query	218326	ATACTATAATTTTTATGGAAGTAAATTTACTTTTTGCTGAGATTATAGTAAACAAAAAGG	218385
Sbjct	75241	ATACTATAATTTTTATGGAAGTAAATTTACTTTTTGCTGAGATTATAGTAAACAAAAAGG	75300
Query	218386	ATAATTTGTGTATAGATGTGGCTGAAATAACAAATGTTTTATATAGAAGTAATTGTAGGA	218445
Sbjct	75301	ATAATTTGTGTATAGATGTGGCTGAAATAACAAATGTTTTATATAGAAGTAATTGTAGGA	75360
Query	218446	GATGAAGATGCTGGTGACACAGCTGCAGATACTTCTGAGCATGAACAACAGATGGATGAC	218505
Sbjct	75361	GATGAAGATGCTGGTGACACAGCTGCAGATACTTCTGAGCATGAACAACAGATGGATGAC	75420
Query	218506	AGTGAAATAAAAGCAGCTTTCTGCCTATTGCATGGGCAGCAGCTTATGGTAAGTAATGG	218565
Sbjct	75421	AGTGAAATAAAAGCAGCTTTCTGCCTATTGCATGGGCAGCAGCTTATGGTAAGTAATGG	75480
Query	218566	CTTGAACATTTAATACTTAATATTTAGTTATTATTATTTGAGTTATAGTGACATGAATG	218625
Sbjct	75481	CTTGAACATTTAATACTTAATATTTAGTTATTATTATTTGAGTTATAGTGACATGAATG	75540
Query	218626	TGAGGATGGATATGAATGTGGATGCACATATGCACTCATGTATGTAGAGACAGTTGTGTG	218685
Sbjct	75541	TGAGGATGGATATGAATGTGGATGCACATATGCACTCATGTATGTAGAGACAGTTGTGTG	75600
Query	218686	GCATTAGTCTTTGGGAGATGCTAAGACATGTCTAGTTATTCCAGATAGGGAAACAAATGA	218745
Sbjct	75601	GCATTAGTCTTTGGGAGATGCTAAGACATGTCTAGTTATTCCAGATAGGGAAACAAATGA	75660
Query	218746	CAAAAACCAAAGTTCAACTTGGTGAGCCCTTGAGTTTATTGAAGTTATTTTAAAGATCT	218805
Sbjct	75661	CAAAAACCAAAGTTCAACTTGGTGAGCCCTTGAGTTTATTGAAGTTATTTTAAAGATCT	75720
Query	218806	GGGGTTACTTTACAAGAACAGAAATGATCCAAGACAGCTAGCTGCATTGCTAGAACCTAA	218865

Sbjct	75721	GGGGTTACTTACAAGAACAGAAATGATCCAAGACAGCTAGCTGCATTGCTAGAACCTAA	75780
Query	218866	CCAAACATGGCAAATGAAGATATTACTGTGTAAACATTTGGACAAGTTGAAGATTGTTTT	218925
Sbjct	75781	CCAAACATGGCAAATGAAGATATTACTGTGTAAACATTTGGACAAGTTGAAGATTGTTTT	75840
Query	218926	AGGCAGTTCAGGTAGTGTTTCTTAGTTCTAGGTAGCAAGCCGTTCTGAACTTCTTCAAGG	218985
Sbjct	75841	AGGCAGTTCAGGTAGTGTTTCTTAGTTCTAGGTAGCAAGCCGTTCTGAACTTCTTCAAGG	75900
Query	218986	CCTCTTAGCTTGTCTGACAGTTCTTTTATACCTTTTCTACTGCTTACTTAAATATGTTTAA	219045
Sbjct	75901	CCTCTTAGCTTGTCTGACAGTTCTTTTATACCTTTTCTACTGCTTACTTAAATATGTTTAA	75960
Query	219046	GGAGAAGGGGATAATCAGTTTCTGCAACTTCCTGAAGCTTTTGCTTTGTGTACTTCCTGA	219105
Sbjct	75961	GGAGAAGGGGATAATCAGTTTCTGCAACTTCCTGAAGCTTTTGCTTTGTGTACTTCCTGA	76020
Query	219106	GCTTCACAAGCTTCACCTCAGTAAACAAAGTTTTGCCTCTGTTTAAACATCCCATGTCT	219165
Sbjct	76021	GCTTCACAAGCTTCACCTCAGTAAACAAAGTTTTGCCTCTGTTTAAACATCCCATGTCT	76080
Query	219166	TAGCAAACCTCTCTAAGATAGAAACTGCTTCACAATGGAGACCAAAGGACATTCTTTTGT	219225
Sbjct	76081	TAGCAAACCTCTCTAAGATAGAAACTGCTTCACAATGGAGACCAAAGGACATTCTTTTGT	76140
Query	219226	ATTATTTTCTCAGGAAACACAATCTACCTCATTTTTTTCAGACGGTGGTTTTTCTTTGGCCT	219285
Sbjct	76141	ATTATTTTCTCAGGAAACACAATCTACCTCATTTTTTTCAGACGGTGGTTTTTCTTTGGCCT	76200
Query	219286	GAAGCTCACTAGGCTAGCTGGCCAGGAATCTACCTGTCTTCTTTCCAGTCCTAGGAT	219345
Sbjct	76201	GAAGCTCACTAGGCTAGCTGGCCAGGAATCTACCTGTCTTCTTTCCAGTCCTAGGAT	76260
Query	219346	TACAAAATGTACCTCTGCATTTCAGCCTTaaaaaaaaaGCAGCCAAAAACTTGTTTCAGT	219405
Sbjct	76261	TACAAAATGTACCTCTGCATTTCAGCCTTAAAAAAAAAAGCAGCCAAAAACTTGTTTCAGT	76320
Query	219406	TTCAAACCTCTAATCCTCATGCAAGCATTGTATCTACTAAGTAAGCTGTCTTTCCAGACTC	219465
Sbjct	76321	TTCAAACCTCTAATCCTCATGCAAGCATTGTATCTACTAAGTAAGCTGTCTTTCCAGACTC	76380
Query	219466	TTGGGTTTATTTACTAAGAAATGGCTTCTGATATCTTAATATTTTACAAATACATTATTT	219525
Sbjct	76381	TTGGGTTTATTTACTAAGAAATGGCTTCTGATATCTTAATATTTTACAAATACATTATTT	76440
Query	219526	TTTAAATACAGTAAGTGAATACAAAATAGGGAACCTAGAATATATAGTTCAAATTTTTCT	219585
Sbjct	76441	TTTAAATACAGTAAGTGAATACAAAATAGGGAACCTAGAATATATAGTTCAAATTTTTCT	76500
Query	219586	TTAATTTTAAATTAATTAATAATCATACATAGTCTCTACCTGGAGTTTGCTTTCTTTTGTGT	219645
Sbjct	76501	TTAATTTTAAATTAATTAATAATCATACATAGTCTCTACCTGGAGTTTGCTTTCTTTTGTGT	76560
Query	219646	TAGCTTATAACTTTACAGTTTGGCAAACCTGCCAAAATATGTTAGGTATTTTTTCCATA	219705
Sbjct	76561	TAGCTTATAACTTTACAGTTTGGCAAACCTGCCAAAATATGTTAGGTATTTTTTCCATA	76620
Query	219706	GTTTTCAACTAAATGTGTTTTTAATTCACCTTCTTAAAAAAGAAATTTTTGACATTATCA	219765
Sbjct	76621	GTTTTCAACTAAATGTGTTTTTAATTCACCTTCTTAAAAAAGAAATTTTTGACATTATCA	76680
Query	219766	ATTGGATCTGTCTTTTCATTGTTGTGGTAATTAATAAATAATTCCTAACATCTTGTAATA	219825
Sbjct	76681	ATTGGATCTGTCTTTTCATTGTTGTGGTAATTAATAAATAATTCCTAACATCTTGTAATA	76740
Query	219826	CTGTATCATGTTTTTTATGTACCTTGTTAGATAATAATTCTGATGAAATTGAAGAGCAGA	219885
Sbjct	76741	CTGTATCATGTTTTTTATGTACCTTGTTAGATAATAATTCTGATGAAATTGAAGAGCAGA	76800
Query	219886	ATGTCACCTGCAAGTGTCTTGCACCAAAATGAGTCTGGTGGCCTTGACAGAGTACATa	219945
Sbjct	76801	ATGTCACCTGCAAGTGTCTTGCACCAAAATGAGTCTGGTGGCCTTGACAGAGTACATA	76860
Query	219946	aacaaaaagcaaaaaagaaaaaaGACCTGAATCCAAACAGTACCAAACAGGTAAGGAAG	220005
Sbjct	76861	AACAAAAAGCAAAAAAGAAAAAAGACCTGAATCCAAACAGTACCAAACAGGTAAGGAAG	76920
Query	220006	AAATAATCCCATTTGTGTAGAGTCTTCTAAAATTATATGAGGAAACACTGGTTACCATTCTG	220065
Sbjct	76921	AAATAATCCCATTTGTGTAGAGTCTTCTAAAATTATATGAGGAAACACTGGTTACCATTCTG	76980
Query	220066	TAAGGGTATAATGAAGgttttttggtttgggggttttgctttgttttggttttggtttgtt	220125
Sbjct	76981	TAAGGGTATAATGAAGGTTTTTTGGTTTGGGGTTTTGCTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTT	77040
Query	220126	ttCACTGCTCAACTTGAGGTAGCTATTGTGCATCTGAATTTGAAAAACAAGTTTGCATT	220185
Sbjct	77041	TTCACCTGCTCAACTTGAGGTAGCTATTGTGCATCTGAATTTGAAAAACAAGTTTGCATT	77100

Query	220186	TACTGATAGTCATGAATAGCTTGCTTTGGTaaaaaaaTAATAGACTGTAGATTAAACATT	220245
Sbjct	77101	TACTGATAGTCATGAATAGCTTGCTTTGGTAAAAAAATAATAGACTGTAGATTAAACATT	77160
Query	220246	AAGAAAAAATAACTCTGATGTTTTTTAAAGCCAGAAATGTGTTATCCTTTTTTAATGGC	220305
Sbjct	77161	AAGAAAAAATAACTCTGATGTTTTTTAAAGCCAGAAATGTGTTATCCTTTTTTAATGGC	77220
Query	220306	ATCTCACATTTTAGCCAAGACTAACCTCAAACATTTGGCAGTCCAACCTCCTCAAAGAGC	220365
Sbjct	77221	ATCTCACATTTTAGCCAAGACTAACCTCAAACATTTGGCAGTCCAACCTCCTCAAAGAGC	77280
Query	220366	TCTCATACTTTATTAGTTTGCTTAATGTGAAACTAAAACATTCTTTCTTTCTTTGTTCT	220425
Sbjct	77281	TCTCATACTTTATTAGTTTGCTTAATGTGAAACTAAAACATTCTTTCTTTCTTTGTTCT	77340
Query	220426	ACTATTTCTATGTTTTGAAGACAAATCTTCTTATTCAGGTTAAGCTGGCAATGAATTG	220485
Sbjct	77341	ACTATTTCTATGTTTTGAAGACAAATCTTCTTATTCAGGTTAAGCTGGCAATGAATTG	77400
Query	220486	TGATCCCCAGCCTCTCTCCCTCAATACTTGCACCTCTGGGCCTTTACTACCACCATAGT	220545
Sbjct	77401	TGATCCCCAGCCTCTCTCCCTCAATACTTGCACCTCTGGGCCTTTACTACCACCATAGT	77460
Query	220546	ATTTAAACAGGCATATCTTAAAGAGGAGAGCAGTTTAATTGTTAACAAAATGTGTCTCTTC	220605
Sbjct	77461	ATTTAAACAGGCATATCTTAAAGAGGAGAGCAGTTTAATTGTTAACAAAATGTGTCTCTTC	77520
Query	220606	TCTGAATTGATTTTGAGATGTGTATTTAGGGAGTTTATAGCTGTTTGATTATGTTTTTA	220665
Sbjct	77521	TCTGAATTGATTTTGAGATGTGTATTTAGGGAGTTTATAGCTGTTTGATTATGTTTTTA	77580
Query	220666	TAAGCACTGTTGAAGAATGCCGAAGATTACTGAAAGTTCAGGTTATAGTGAAACCTAACTA	220725
Sbjct	77581	TAAGCACTGTTGAAGAATGCCGAAGATTACTGAAAGTTCAGGTTATAGTGAAACCTAACTA	77640
Query	220726	AATATTTAGCTTTACTTGCAAATTATTTTCTACAGGTCTCTAATTTGATAAAGCTTCGTT	220785
Sbjct	77641	AATATTTAGCTTTACTTGCAAATTATTTTCTACAGGTCTCTAATTTGATAAAGCTTCGTT	77700
Query	220786	AAttttttttAATTGGAAGGGATGAAATTAACCCTGTCATAGTGGGTCAGATTCTTTCCT	220845
Sbjct	77701	AATTTTTTTTTAATTGGAAGGGATGAAATTAACCCTGTCATAGTGGGTCAGATTCTTTCCT	77760
Query	220846	TATTGTTGCAATATGTATGTGAAAAGAATATCAGTGAAAAGAATGTTAAAAACTGATAAA	220905
Sbjct	77761	TATTGTTGCAATATGTATGTGAAAAGAATATCAGTGAAAAGAATGTTAAAAACTGATAAA	77820
Query	220906	GTTGAGCAAATGTATTTTAAAGTTAATGAAGATATAAAAAAGGAATATAGTTTAATTATT	220965
Sbjct	77821	GTTGAGCAAATGTATTTTAAAGTTAATGAAGATATAAAAAAGGAATATAGTTTAATTATT	77880
Query	220966	TGCTTGCTCTCTTTCCCCTTTTTTAGCAATAATTGTTGCTCCTGATGGACAGACTTTAATA	221025
Sbjct	77881	TGCTTGCTCTCTTTCCCCTTTTTTAGCAATAATTGTTGCTCCTGATGGACAGACTTTAATA	77940
Query	221026	GTCTATCCTTGCA TGTTTTGTG Gaaaaaaatttaagaccaaaagttttttgaaaagacac	221085
Sbjct	77941	GTCTATCCTTGCA TGTTTTGTG GAAAAAAATTTAAGACCAAAGTTTTTTGAAAAGACAC	78000
Query	221086	ataaaaaaCCATCCTGAATATCTTGCTAAGAAGAAATACCACTGTACTGACTGTGATTAC	221145
Sbjct	78001	ATAAAAAACCATCCTGAATATCTTGCTAAGAAGAAATACCACTGTACTGACTGTGATTAC	78060
Query	221146	AGTACCAACAAGAAGATAAGCTTGCATAATCACATGGAGAGCCACAAGCTAACCATTAAG	221205
Sbjct	78061	AGTACCAACAAGAAGATAAGCTTGCATAATCACATGGAGAGCCACAAGCTAACCATTAAG	78120
Query	221206	ACAGAAAAGACAACAGAATGTGATGACTGTGGGAAGCATCTTCTCATGCTGGGACTTTG	221265
Sbjct	78121	ACAGAAAAGACAACAGAATGTGATGACTGTGGGAAGCATCTTCTCATGCTGGGACTTTG	78180
Query	221266	TGTACTCACaaaaaagaaaaagaaaaGGTCAGCAAAACATATAAGTGTAAGTTCTGTGAC	221325
Sbjct	78181	TGTACTCACAAAAAAGAAAAAGAAAGGTCAGCAAAACATATAAGTGTAAGTTCTGTGAC	78240
Query	221326	TATGAAACAGCTGAACAGACATCATTGAATCACCATCTTTTGGCAGTCCACAGCAAGAAA	221385
Sbjct	78241	TATGAAACAGCTGAACAGACATCATTGAATCACCATCTTTTGGCAGTCCACAGCAAGAAA	78300
Query	221386	TATCCTCACGTTTGTGTAGAAATGTGGCAAAGGTTTCCGTCACCCATCAGAGCTCAAAAAG	221445
Sbjct	78301	TATCCTCACGTTTGTGTAGAAATGTGGCAAAGGTTTCCGTCACCCATCAGAGCTCAAAAAG	78360
Query	221446	CACATACGCGTTCACACTGGAGAGAAGCCTTATCAATGTCAGTATTGTGAGTACAAATCT	221505
Sbjct	78361	CACATACGCGTTCACACTGGAGAGAAGCCTTATCAATGTCAGTATTGTGAGTACAAATCT	78420
Query	221506	GCAGACTCTTCTAACTTGAAAACACATATAAAAACTAAGCATAGTAAAGACATACCACTG	221565

Sbjct	78421	GCAGACTCTTCTAACTTGA AAAACACATATAAAACTAAGCATAGTAAAGACATACCACTG	78480
Query	221566	AAGTGTGGCATCTGTCTCATGACTTTTCTCAGACACCAAAGAGGCTCAGCAACATGCTCTT	221625
Sbjct	78481	AAGTGTGGCATCTGTCTCATGACTTTTCTCAGACACCAAAGAGGCTCAGCAACATGCTCTT	78540
Query	221626	ATACACCAAGAAAAACAGAACACATCAGTGTTTCATATTGCAACCATAAGAGTTCAAACCTCA	221685
Sbjct	78541	ATACACCAAGAAAAACAGAACACATCAGTGTTTCATATTGCAACCATAAGAGTTCAAACCTCA	78600
Query	221686	AGTGATTTTGAAGCGACACATAATTTTCAGTTTCATACAAAGGACTATCCTCATAAGTGTGAT	221745
Sbjct	78601	AGTGATTTTGAAGCGACACATAATTTTCAGTTTCATACAAAGGACTATCCTCATAAGTGTGAT	78660
Query	221746	ATGTGCAGCAAAGGGTTTCATAGGCCCTTCAGAACTCAAGAAGCATGTGGCTACCCATAAA	221805
Sbjct	78661	ATGTGCAGCAAAGGGTTTCATAGGCCCTTCAGAACTCAAGAAGCATGTGGCTACCCATAAA	78720
Query	221806	AGTaaaaaaaTGCAACCAATGTAGACACTGTGACTTTAAGAGTCCAGATCCATTTCTGCTA	221865
Sbjct	78721	AGTAAAAAAATGCACCAATGTAGACACTGTGACTTTAAGAGTCCAGATCCATTTCTGCTA	78780
Query	221866	AGTCGCCATATTCTCTCAGTTTCACACAAAGAATGTTCATTTTAAGTGTAAGAGATGTAAA	221925
Sbjct	78781	AGTCGCCATATTCTCTCAGTTTCACACAAAGAATGTTCATTTTAAGTGTAAGAGATGTAAA	78840
Query	221926	AAGGGATTTTCGACAACAATGTGAGCTTCAAAGCATATGAAGACCCACAGTGGCCGGAAA	221985
Sbjct	78841	AAGGGATTTTCGACAACAATGTGAGCTTCAAAGCATATGAAGACCCACAGTGGCCGGAAA	78900
Query	221986	GTGTATCAGTGTGAGTACTGTGAATATAGCACCACAGATGCCTCAGGCTTTAAGCGCCAC	222045
Sbjct	78901	GTGTATCAGTGTGAGTACTGTGAATATAGCACCACAGATGCCTCAGGCTTTAAGCGCCAC	78960
Query	222046	GTTATCTCCATTTCATACGAAAGACTATCCTCACCCTGTGAGTACTGCAAGAAAGGATTC	222105
Sbjct	78961	GTTATCTCCATTTCATACGAAAGACTATCCTCACCCTGTGAGTACTGCAAGAAAGGATTC	79020
Query	222106	CGAAGACCCCTCTGAAAAGAATCAGCACATAATGCGGCATCATAAAGAAGTTGGCCTGCCC	222165
Sbjct	79021	CGAAGACCCCTCTGAAAAGAATCAGCACATAATGCGGCATCATAAAGAAGTTGGCCTGCCC	79080
Query	222166	TAAGTGATACATCCTAACTTAGAGGAATTAATTTTTTAAATCAGTCACTCTTCTTCACATC	222225
Sbjct	79081	TAAGTGATACATCCTAACTTAGAGGAATTAATTTTTTAAATCAGTCACTCTTCTTCACATC	79140
Query	222226	AAATATGAATTTGTTTCAGTGAATATAAAATGGTATTACTCCTATTTGACTTTGTTTTATT	222285
Sbjct	79141	AAATATGAATTTGTTTCAGTGAATATAAAATGGTATTACTCCTATTTGACTTTGTTTTATT	79200
Query	222286	AAATAGGGTATTCTTCTATATATCCTGTACAGACTTATGAAGTGACAGAAACAAATTTTC	222345
Sbjct	79201	AAATAGGGTATTCTTCTATATATCCTGTACAGACTTATGAAGTGACAGAAACAAATTTTC	79260
Query	222346	TTTACCAACTTAATCCAATCTGTATTGAATTTTTTAGTCTTAGAAGCCTAACTATCATAC	222405
Sbjct	79261	TTTACCAACTTAATCCAATCTGTATTGAATTTTTTAGTCTTAGAAGCCTAACTATCATAC	79320
Query	222406	CTTACTTATCTTGGTGGTACTTTTCTAAGAAAAAATAATATAACATGAAAAGTAACTTTG	222465
Sbjct	79321	CTTACTTATCTTGGTGGTACTTTTCTAAGAAAAAATAATATAACATGAAAAGTAACTTTG	79380
Query	222466	ACACAAAATATGCATGTTAAAGATATTGCTAACATAAAAAAGGAGAGGTTTTCTTGATATG	222525
Sbjct	79381	ACACAAAATATGCATGTTAAAGATATTGCTAACATAAAAAAGGAGAGGTTTTCTTGATATG	79440
Query	222526	CCATACTATGAGAATAAGGAAATAATTTCTTGACTTAATATCTTCAGATTTTCAACAGT	222585
Sbjct	79441	CCATACTATGAGAATAAGGAAATAATTTCTTGACTTAATATCTTCAGATTTTCAACAGT	79500
Query	222586	ACAACCTCTTATTTGAGTGTCTACCATGACTGATAAGATGTCGACTAGgttttggggtagt	222645
Sbjct	79501	ACAACCTCTTATTTGAGTGTCTACCATGACTGATAAGATGTCGACTAGGTTTGGGGTAGT	79560
Query	222646	tttcatttttgtttactcatcattttcatttggccttggtgtattttaatttttCCTCCTAT	222705
Sbjct	79561	TTTCATTTTTGTTTACTCATCATTTTTCATTTGGCTTGTTGTATTAAATTTTCTCCTAT	79620
Query	222706	ATAGCAGAATTTATAAAAAATCTTAAAGAAAAtttttgcttttcccttgtttgcaatggt	222765
Sbjct	79621	ATAGCAGAATTTATAAAAAATCTTAAAGAAAATTTTTGCTTTTCCTTGTTTGAATGTT	79680
Query	222766	ttgtagtttggctttacagttttgGTCTATAAATAAGGACTACTGTAGATTAAAGTTTGGCA	222825
Sbjct	79681	TTGTAGTTTGTCTTACAGTTTGGTCTATAAATAAGGACTACTGTAGATTAAAGTTTGGCA	79740
Query	222826	GATTTGTAGAACTCTGTTGTGGCTTGTAGAGTACTTTATAAGTTTGACATTAAATTGCAA	222885
Sbjct	79741	GATTTGTAGAACTCTGTTGTGGCTTGTAGAGTACTTTATAAGTTTGACATTAAATTGCAA	79800

Query	222886	TTTAAAGTGCAGGTATATATGTTTCTTCCTTAAAAACAACAAACCTTTAATGAAATTATTT	222945
Sbjct	79801	TTTAAAGTGCAGGTATATATGTTTCTTCCTTAAAAACAACAAACCTTTAATGAAATTATTT	79860
Query	222946	AATTTACAATAACCTGAAAAACCCAGAGATATATGGTATCATTTGTATACTTGGTATTCA	223005
Sbjct	79861	AATTTACAATAACCTGAAAAACCCAGAGATATATGGTATCATTTGTATACTTGGTATTCA	79920
Query	223006	GAAAACTAAAACTCAGGTGGAGAATTAGAGGGAAAAATAAGGAGCTTAGTAAAAACAATG	223065
Sbjct	79921	GAAAACTAAAACTCAGGTGGAGAATTAGAGGGAAAAATAAGGAGCTTAGTAAAAACAATG	79980
Query	223066	GTATATTCTCCTTAACCTTGGTAATTGAAAAGCAGAAGTTATACCATTTTTATAGATAGA	223125
Sbjct	79981	GTATATTCTCCTTAACCTTGGTAATTGAAAAGCAGAAGTTATACCATTTTTATAGATAGA	80040
Query	223126	ATATTTTAATACAGTTTAGCATTGTACTTGAATTTTCTGGAAGGAATTGATATACAGCT	223185
Sbjct	80041	ATATTTTAATACAGTTTAGCATTGTACTTGAATTTTCTGGAAGGAATTGATATACAGCT	80100
Query	223186	CTTTATTTTTCTTTAAATCTTGTCTTTAATGAAGAAGAAAGCATGGAGGCAGTTATGACA	223245
Sbjct	80101	CTTTATTTTTCTTTAAATCTTGTCTTTAATGAAGAAGAAAGCATGGAGGCAGTTATGACA	80160
Query	223246	TCATTTTACAAACTTCATAACTTCTGTTAGAATATAGAATTGGCAATTTTAGGCAGTCTT	223305
Sbjct	80161	TCATTTTACAAACTTCATAACTTCTGTTAGAATATAGAATTGGCAATTTTAGGCAGTCTT	80220
Query	223306	TTATTTTTCTTAGCTTGTTTTTCATTTGGTAACATATATATTGGTGTTCACTAGAAAATA	223365
Sbjct	80221	TTATTTTTCTTAGCTTGTTTTTCATTTGGTAACATATATATTGGTGTTCACTAGAAAATA	80280
Query	223366	GTAATTGGTTGTTTTAATTTTTGAGGTGTAACATTTTTAAGGCATTCATAGAAGACATAA	223425
Sbjct	80281	GTAATTGGTTGTTTTAATTTTTGAGGTGTAACATTTTTAAGGCATTCATAGAAGACATAA	80340
Query	223426	AATGAATCCAGCTCATTGGATTTAACCATTAGAAATTTTGAAGAAAATGTTATTCTGTT	223485
Sbjct	80341	AATGAATCCAGCTCATTGGATTTAACCATTAGAAATTTTGAAGAAAATGTTATTCTGTT	80400
Query	223486	CCTTTAATAATCCACTGGTATGTGGGAAGAAATAAAGCAGCACCCCTTTTCTCTATGGTAC	223545
Sbjct	80401	CCTTTAATAATCCACTGGTATGTGGGAAGAAATAAAGCAGCACCCCTTTTCTCTATGGTAC	80460
Query	223546	TTCATATTCTGCTTCTGCTGCTACTttttttttttGTCCCAGTGATACTTATACTCAGATG	223605
Sbjct	80461	TTCATATTCTGCTTCTGCTGCTACTTTTTTTTTTTGTCCCAGTGATACTTATACTCAGATG	80520
Query	223606	TTATATTCATAGGATTAGAACTCTTAACTAATTGATGCTTGATGTTCTCTGAAATATGCT	223665
Sbjct	80521	TTATATTCATAGGATTAGAACTCTTAACTAATTGATGCTTGATGTTCTCTGAAATATGCT	80580
Query	223666	AGGTTTAAGTTCAGTACTAAAATATTTAGATACATAGGAACACAGTTATTGCTAAGCAAA	223725
Sbjct	80581	AGGTTTAAGTTCAGTACTAAAATATTTAGATACATAGGAACACAGTTATTGCTAAGCAAA	80640
Query	223726	GGTCAGACTGGATTTTGAAACCTCCTCTATCTTCTAACACCTGTGTTTATCCTCTTCAGA	223785
Sbjct	80641	GGTCAGACTGGATTTTGAAACCTCCTCTATCTTCTAACACCTGTGTTTATCCTCTTCAGA	80700
Query	223786	ATTTAGTTGCTATTCTCTGTACTGTTCTGTAAACTCTGTTCTTTATATCTAAGAACTG	223845
Sbjct	80701	ATTTAGTTGCTATTCTCTGTACTGTTCTGTAAACTCTGTTCTTTATATCTAAGAACTG	80760
Query	223846	TTCATTTTGCTTTTTCTGGAAGTAATATAAAAGTGTATGCTTAGGTGaaaaactttaacta	223905
Sbjct	80761	TTCATTTTGCTTTTTCTGGAAGTAATATAAAAGTGTATGCTTAGGTGAAAAATCTTAACTA	80820
Query	223906	taagaatttaataaacttaaaagtttatttaaataaacacttaattttaaataaacacttta	223965
Sbjct	80821	TAAGAATTTAAATAAACTTAAAGTTTATTTAAATAAACACTTAATTTAAATAAACACTTTA	80880
Query	223966	aacttGTATTTTTCTACTCAGGAAATTAATTTATTTTTTAAATGATATGTAATAGACTTT	224025
Sbjct	80881	AACTTGTATTTTTCTACTCAGGAAATTAATTTATTTTTTAAATGATATGTAATAGACTTT	80940
Query	224026	TGAAAAGTAATAATTAAGTTTGGTAAAGTAAATGTGATATATTTACATAGAAATGAAT	224085
Sbjct	80941	TGAAAAGTAATAATTAAGTTTGGTAAAGTAAATGTGATATATTTACATAGAAATGAAT	81000
Query	224086	CATACTTATATTATTTATATGACAGTAtttttttactttttAAATGATTTCCAAAGCTAG	224145
Sbjct	81001	CATACTTATATTATTTATATGACAGTATTTTTTTACTTTTTTAAATGATTTCCAAAGCTAG	81060
Query	224146	AAGACTTCTTCTAGCCAAAACCTTTATAAAAAATACAAAGTCTTAAAGTAAATGAATTTGA	224205
Sbjct	81061	AAGACTTCTTCTAGCCAAAACCTTTATAAAAAATACAAAGTCTTAAAGTAAATGAATTTGA	81120
Query	224206	AATTTGAAATTACCTGTTAACTATTCCATCTTACTTGTACACATTATGAAATACAACAAA	224265



Sbjct	81121	AATTTGAAATTACCTGTAACTATTCCATCTTACTTGTACACATTATGAAATACAACAAA	81180
Query	224266	ATGCTTAAAAGAGATGATACTGTAAATGTGTACTTGAGAGTAACATACAGAAATAAAATA	224325
Sbjct	81181	ATGCTTAAAAGAGATGATACTGTAAATGTGTACTTGAGAGTAACATACAGAAATAAAATA	81240
Query	224326	AAATTATTTTCTGTTAATAAGTGTTTATTATATTTTCATACCAAGCAATAACAACACTTT	224385
Sbjct	81241	AAATTATTTTCTGTTAATAAGTGTTTATTATATTTTCATACCAAGCAATAACAACACTTT	81300
Query	224386	TTGGGCCAAAAGTGCA <del>tcttttttttcttttcttttcttttcttttcttttcttttct</del>	224445
Sbjct	81301	TTGGGCCAAAAGTGCA <del>CTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCT</del>	81360
Query	224446	<del>tttttttttttttt</del> GGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGTG	224505
Sbjct	81361	<del>TTTTTTTTTTTTTT</del> TGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGTG	81420
Query	224506	CTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCATTTTTTGAAAAGTATATTTTTGTGTGTGTT	224565
Sbjct	81421	CTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCATTTTTTGAAAAGTATATTTTTGTGTGTGTT	81480
Query	224566	TGCCAGGCAGAGCATGCATGTAAAGGTGAGGGACAACCTGTAATTTGTTTGGG <del>tttttc</del>	224625
Sbjct	81481	TGCCAGGCAGAGCATGCATGTAAAGGTGAGGGACAACCTGTAATTTGTTTGGG <del>TTTTTC</del>	81540
Query	224626	<del>ttttttttttttg</del> ccattgttattttttaatttatttgtttgttt <del>ct</del> CTGGAGACTGG	224685
Sbjct	81541	<del>TTTTTTTTTTTTT</del> GCCATTGTTATTTTTTAATTTATTTGTTTGTTTGTTTCTGGAGACTGG	81600
Query	224686	GTTTCTCTGTATAGTGTTAGCTGTTCATAGCACTCATTCTGTAGATCAGGCTGGCTTTGAG	224745
Sbjct	81601	GTTTCTCTGTATAGTGTTAGCTGTTCATAGCACTCATTCTGTAGATCAGGCTGGCTTTGAG	81660
Query	224746	CCTCCAGAGTTACAGAGGATAAATTGTAAGAATACATTCTCTGTGTCTATTTTTGGGTCC	224805
Sbjct	81661	CCTCCAGAGTTACAGAGGATAAATTGTAAGAATACATTCTCTGTGTCTATTTTTGGGTCC	81720
Query	224806	CAGAGAAATTTGTCAGAAGTGTCCCAAATCATGTCCCAAATCACAGAAGAAAAGCATCCT	224865
Sbjct	81721	CAGAGAAATTTGTCAGAAGTGTCCCAAATCATGTCCCAAATCACAGAAGAAAAGCATCCT	81780
Query	224866	TTTCTAGATGATGGGGGCCTGATAGGGCAAGAAGAAGCTTCCTTGTACACTGGTGTGGCT	224925
Sbjct	81781	TTTCTAGATGATGGGGGCCTGATAGGGCAAGAAGAAGCTTCCTTGTACACTGGTGTGGCT	81840
Query	224926	TTCATAGTAAAAGTAGACAAAGCAGGAAGCTTTGTAGTGACAACCAATGGAACAGGAAAG	224985
Sbjct	81841	TTCATAGTAAAAGTAGACAAAGCAGGAAGCTTTGTAGTGACAACCAATGGAACAGGAAAG	81900
Query	224986	ACAAGAGGTCAGAGCAGGTAGAGAAAACAACCTGGAGAGGTGCAAGTGTCTTAGTAAGTAG	225045
Sbjct	81901	ACAAGAGGTCAGAGCAGGTAGAGAAAACAACCTGGAGAGGTGCAAGTGTCTTAGTAAGTAG	81960
Query	225046	AATTGCCTGTGTGATAGGTCTCAAAGAACATAGTAGGGATATGCCCTTAGGCAGTAGTGC	225105
Sbjct	81961	AATTGCCTGTGTGATAGGTCTCAAAGAACATAGTAGGGATATGCCCTTAGGCAGTAGTGC	82020
Query	225106	AAAAGGGTGTGGATTAGAGATGCTCTTGTGGTGGGCATCCCAGAAGGGTGTAGCAGGGAG	225165
Sbjct	82021	AAAAGGGTGTGGATTAGAGATGCTCTTGTGGTGGGCATCCCAGAAGGGTGTAGCAGGGAG	82080
Query	225166	AGAGGACACTTACTGAGTAGGTGAGGAGAGATGGAGTTAGATAAGTTGAAGGGAAGAAGC	225225
Sbjct	82081	AGAGGACACTTACTGAGTAGGTGAGGAGAGATGGAGTTAGATAAGTTGAAGGGAAGAAGC	82140
Query	225226	AGCTGAAGAAGTAAACTCCCAAATCATATTTGGTGAGTAGAGCCACTCCTATTTGGGCAC	225285
Sbjct	82141	AGCTGAAGAAGTAAACTCCCAAATCATATTTGGTGAGTAGAGCCACTCCTATTTGGGCAC	82200
Query	225286	CAGATAAATTTAG <del>aaaaaaaa</del> TACAAAAAGAAAGGAAAGTACATGACTGCTCCTAGGTAT	225345
Sbjct	82201	CAGATAAATTTAG <del>AAAAAAAA</del> AACAAAAAGAAAGGAAAGTACATGACTGCTCCTAGGTAT	82260
Query	225346	GGTGTACAAGAAAGTTTATTATAGATAAAAGGAAGAGCATAACCAGAGGCAGGGACATCT	225405
Sbjct	82261	GGTGTACAAGAAAGTTTATTATAGATAAAAGGAAGAGCATAACCAGAGGCAGGGACATCT	82320
Query	225406	TGGTAAGTTT <del>AGAGTAGTCATGACCCTGAACCATGTGGGGAAAAGGGGAGGGCAAGGGAG</del>	225465
Sbjct	82321	TGGTAAGTTT <del>AGAGTAGTCATGACCCTGAACCATGTGGGGAAAAGGGGAGGGCAAGGGAG</del>	82380
Query	225466	GTAGAGGAACCAAGTACAGCAGCCAGGAGGACAAAGGCACAGAAAATAC <del>aaaaaaaa</del> GAA	225525
Sbjct	82381	GTAGAGGAACCAAGTACAGCAGCCAGGAGGACAAAGGCACAGAAAATAC <del>AAAAAAAA</del> AGAA	82440
Query	225526	TGAATAACCAAATTTGCTCTGGTGCGTGCAATGTATGTGTGTGAGTGTGTGCAAGAGCCTCTG	225585
Sbjct	82441	TGAATAACCAAATTTGCTCTGGTGCGTGCAATGTATGTGTGTGAGTGTGTGCAAGAGCCTCTG	82500

Query	225586	GGGAAAGGGCAGCCCAACCCCTGGGCAAAAAAGTTCAAAATGTCAATGTGAGGTAACAGA	225645
Sbjct	82501	GGGAAAGGGCAGCCCAACCCCTGGGCAAAAAAGTTCAAAATGTCAATGTGAGGTAACAGA	82560
Query	225646	TAGGGACTGAGGGATGCTGAGAGAACCTAGAGGCTAAGTCTATTTTGATATGTTAAATAG	225705
Sbjct	82561	TAGGGACTGAGGGATGCTGAGAGAACCTAGAGGCTAAGTCTATTTTGATATGTTAAATAG	82620
Query	225706	GCATCTCAGCCTCTTGTCTGTGTTTGAAGCAGGATCTGGCTTGTACATTTAATATATTT	225765
Sbjct	82621	GCATCTCAGCCTCTTGTCTGTGTTTGAAGCAGGATCTGGCTTGTACATTTAATATATTT	82680
Query	225766	TCTGCTTTTCTTTCTTCTATTCTGTACCATTACCCTGTGATACGGAACGTAACAGTTCTG	225825
Sbjct	82681	TCTGCTTTTCTTTCTTCTATTCTGTACCATTACCCTGTGATACGGAACGTAACAGTTCTG	82740
Query	225826	CATCCTCAAGACCAAGTTCTCAGACCAAAGATTAATTATTTGCCTCAGAGGAACAAAGGG	225885
Sbjct	82741	CATCCTCAAGACCAAGTTCTCAGACCAAAGATTAATTATTTGCCTCAGAGGAACAAAGGG	82800
Query	225886	CAGGGAATAAGaaaaaaaaatatatatataAATGACTGGAGATGGAGGAGGAGGGAGA	225945
Sbjct	82801	CAGGGAATAAGAAAAAATATATATATATAAATGACTGGAGATGGAGGAGGAGGGAGA	82860
Query	225946	AGGAGTATTTGTCCCAGAAGGGAGCAGGACAAAGAATTACTTCTGGGTaaaaaaGGAGA	226005
Sbjct	82861	AGGAGTATTTGTCCCAGAAGGGAGCAGGACAAAGAATTACTTCTGGGTAAAAAAGGAGA	82920
Query	226006	CAGACATGACCAAGGGCAAATGGCACTGTAAAAAGGTATAAGGGGAACCCCTATGTTAGG	226065
Sbjct	82921	CAGACATGACCAAGGGCAAATGGCACTGTAAAAAGGTATAAGGGGAACCCCTATGTTAGG	82980
Query	226066	ATGAGGTGTTTAATTTTAAACAGGGCATGTTAATTAGGTGAGCCAAAGAGGTTTTTTATTG	226125
Sbjct	82981	ATGAGGTGTTTAATTTTAAACAGGGCATGTTAATTAGGTGAGCCAAAGAGGTTTTTTATTG	83040
Query	226126	CTGGACTTCAGTACTTTTGATAACTCTGGCCCTTGCTAATCAGCCTTGGGAGGGGAAGTG	226185
Sbjct	83041	CTGGACTTCAGTACTTTTGATAACTCTGGCCCTTGCTAATCAGCCTTGGGAGGGGAAGTG	83100
Query	226186	TCCAAATAAGGGATCTAGCTTTGGGAATGTAATCTAATGGTTTTTAACAAGGCAGAGGGA	226245
Sbjct	83101	TCCAAATAAGGGATCTAGCTTTGGGAATGTAATCTAATGGTTTTTAACAAGGCAGAGGGA	83160
Query	226246	ATGGGGGAGAAAGGGCACGGAATGGCAGAGCCATGCTCAAGTTCAAGCTGTATCGAGTACC	226305
Sbjct	83161	ATGGGGGAGAAAGGGCACGGAATGGCAGAGCCATGCTCAAGTTCAAGCTGTATCGAGTACC	83220
Query	226306	AGAGCCATGTTTGCCATGCTCAAACCAGTTAGAGCCCTTCACTCTACAGTTTTTAAATT	226365
Sbjct	83221	AGAGCCATGTTTGCCATGCTCAAACCAGTTAGAGCCCTTCACTCTACAGTTTTTAAATT	83280
Query	226366	GATTTATTAATTATTTTGTACAGTTGTTTTGCCTGCATGTGTGTCTGTATAGCATGTGCA	226425
Sbjct	83281	GATTTATTAATTATTTTGTACAGTTGTTTTGCCTGCATGTGTGTCTGTATAGCATGTGCA	83340
Query	226426	ATGAAAAGTGCAGATCCCCAGAACCTAGAGTACAGGGAATTGCTTGCTGCTAGATGGATG	226485
Sbjct	83341	ATGAAAAGTGCAGATCCCCAGAACCTAGAGTACAGGGAATTGCTTGCTGCTAGATGGATG	83400
Query	226486	CTAGGAAGAGCCACCAGTGTCTTAACAACCTGAGACCCCCAACTGTGTATGTTTATAAAT	226545
Sbjct	83401	CTAGGAAGAGCCACCAGTGTCTTAACAACCTGAGACCCCCAACTGTGTATGTTTATAAAT	83460
Query	226546	TAGGTAGTTTTACAATTATCATTTTTTACTGTGTAGTTCTAGTGTTTATAGCCATAATCT	226605
Sbjct	83461	TAGGTAGTTTTACAATTATCATTTTTTACTGTGTAGTTCTAGTGTTTATAGCCATAATCT	83520
Query	226606	TTGTTATCCACTATATCTGCTATTATATTGCCATATCATAAGAACTTCACAATATCTATC	226665
Sbjct	83521	TTGTTATCCACTATATCTGCTATTATATTGCCATATCATAAGAACTTCACAATATCTATC	83580
Query	226666	TCTAGTTCTGAGCAATTGTCAAATATTTTATTTGTTTCATGATACAATCTCTGAATATTGA	226725
Sbjct	83581	TCTAGTTCTGAGCAATTGTCAAATATTTTATTTGTTTCATGATACAATCTCTGAATATTGA	83640
Query	226726	CTGCTGTAATTAAccttcccttccctccctccctccctccctctgttccctctcccttccctcc	226785
Sbjct	83641	CTGCTGTAATTAACTTCCTTCCTCCCTCCCTCCTTCCTCTGTTCCCTCTCCTTTCCTTCC	83700
Query	226786	tttcttcccttcccttcccttctcccttcccttcccttccctcccttcccttctcttctt	226845
Sbjct	83701	TTTCTTCCTTCCTTCCTTTCCTTTCCTTTCCTTCCCTCCCTTCCTTCCTTTCCTTCTT	83760
Query	226846	tccttcttttctttctttctttctttatctctGAATTAGGAAGGCCCAAACCTAGGATGATACT	226905
Sbjct	83761	TCCTTCTTTTCTTCTTTCCTTTATTTCTGAATTAGGAAGGCCCAAACCTAGGATGATACT	83820
Query	226906	GGTTGGAAATTAACTTATGTTTTCATATATTTATAAATTGGCTTTGACTTCCTGTGCCAT	226965

Sbjct	83821	GGTTGGAAATTAACCTATGTTTTTCATATATTTATAATTTGGCTTTGACTTCCTGTGCCAT	83880
Query	226966	ATAGACTTGGATTATCAAAAAAGTGCTTGCTCATTATAAAATATCATATAGAACATTAAA	227025
Sbjct	83881	ATAGACTTGGATTATCAAAAAAGTGCTTGCTCATTATAAAATATCATATAGAACATTAAA	83940
Query	227026	CATTTGTGAAAAGTATTATTAGCAGCAGTTGTGTGTACTAATTTACTGTGTAGACTACAG	227085
Sbjct	83941	CATTTGTGAAAAGTATTATTAGCAGCAGTTGTGTGTACTAATTTACTGTGTAGACTACAG	84000
Query	227086	TAATCATTATCCACATCTTAAACTTTTTTCAAAAAACTTTATTTTACCTATATGGTTAT	227145
Sbjct	84001	TAATCATTATCCACATCTTAAACTTTTTTCAAAAAACTTTATTTTACCTATATGGTTAT	84060
Query	227146	GTCGATTTGTGTTCTTAGTTACTGAAAAGTAACAGAttttatTTTTTTactttttatttta	227205
Sbjct	84061	GTCGATTTGTGTTCTTAGTTACTGAAAAGTAACAGATTTTATTTTTTTACTTTTATTTTA	84120
Query	227206	tttGTATATGTGATTATCTGCAGAAAAAGAGGTGATGAGGAAGGAGACCATATTCATGCC	227265
Sbjct	84121	TTTGTATATGTGATTATCTGCAGAAAAAGAGGTGATGAGGAAGGAGACCATATTCATGCC	84180
Query	227266	TCATGCCTGTGGAGACCCAAAGATACCAGATCTTCTGAAATAGGAGTTACAGACTCTTCT	227325
Sbjct	84181	TCATGCCTGTGGAGACCCAAAGATACCAGATCTTCTGAAATAGGAGTTACAGACTCTTCT	84240
Query	227326	GAGTCAACATACCACATGGGTTTTGGGAACTGAACCTGGTTTCTCAGCAGGAGCACCTAG	227385
Sbjct	84241	GAGTCAACATACCACATGGGTTTTGGGAACTGAACCTGGTTTCTCAGCAGGAGCACCTAG	84300
Query	227386	TGCTCTTAACCACTGAGCCATCTTTCCATCCACTTAAAGCAATTTTTGGTATAATGCAAA	227445
Sbjct	84301	TGCTCTTAACCACTGAGCCATCTTTCCATCCACTTAAAGCAATTTTTGGTATAATGCAAA	84360
Query	227446	GGATGATATTTTCATGAGCTAGGAGCCTAGATTCTTCAGAATCACTTCACAATCCTGAAA	227505
Sbjct	84361	GGATGATATTTTCATGAGCTAGGAGCCTAGATTCTTCAGAATCACTTCACAATCCTGAAA	84420
Query	227506	CACGGACCAGAGGATAGAGCATCTTAGCTAGCCTGAGTTTGATGCGAGGGATAACTCATG	227565
Sbjct	84421	CACGGACCAGAGGATAGAGCATCTTAGCTAGCCTGAGTTTGATGCGAGGGATAACTCATG	84480
Query	227566	TATAAAAGGAGAAAACTGACATTGGAAAGTTGTGTTCTGGGTGCTGCAAGTACACATAGA	227625
Sbjct	84481	TATAAAAGGAGAAAACTGACATTGGAAAGTTGTGTTCTGGGTGCTGCAAGTACACATAGA	84540
Query	227626	GACACCATAATTAATTAATTAATTAATGCAGACAGAACCTTTCAAATGTTAGTTTATAA	227685
Sbjct	84541	GACACCATAATTAATTAATTAATTAATGCAGACAGAACCTTTCAAATGTTAGTTTATAA	84600
Query	227686	ACATACCACTCAAAAGTTTAGGATGGGGCTCAATTGTAGAATTCTTGCCTGGCTCCTGCA	227745
Sbjct	84601	ACATACCACTCAAAAGTTTAGGATGGGGCTCAATTGTAGAATTCTTGCCTGGCTCCTGCA	84660
Query	227746	CTGTTGTAGGTTTTTAACCCCTAACTCTGAGGGAAACCAAAGAAAAAAGATATATTAGTTG	227805
Sbjct	84661	CTGTTGTAGGTTTTTAACCCCTAACTCTGAGGGAAACCAAAGAAAAAAGATATATTAGTTG	84720
Query	227806	ATGATGTCTTTGCTTCTAAAGATGCAATATGTTTTGCAAACAGAGTCTATGAGCAGGTGT	227865
Sbjct	84721	ATGATGTCTTTGCTTCTAAAGATGCAATATGTTTTGCAAACAGAGTCTATGAGCAGGTGT	84780
Query	227866	GCTGATACACTAACAAGCATGTAAATGTTATATATGGAAGAAGTTCACTGTGTTGTCTTT	227925
Sbjct	84781	GCTGATACACTAACAAGCATGTAAATGTTATATATGGAAGAAGTTCACTGTGTTGTCTTT	84840
Query	227926	ACTTGAGTGTGTGCTCAGGTTGTCAGTTACATAAAACCTTCATGGATTTTATCCTTCAT	227985
Sbjct	84841	ACTTGAGTGTGTGCTCAGGTTGTCAGTTACATAAAACCTTCATGGATTTTATCCTTCAT	84900
Query	227986	GGATAAATAGATGGAAC TAGAAAATATCCTGAGTAAGGTAATTCACATATGTGGTATGTA	228045
Sbjct	84901	GGATAAATAGATGGAAC TAGAAAATATCCTGAGTAAGGTAATTCACATATGTGGTATGTA	84960
Query	228046	CTCACTGATTACTGAAAAAGCCAAAAAGTACCGAATACCTAGGACACAACCTACCAACA	228105
Sbjct	84961	CTCACTGATTACTGAAAAAGCCAAAAAGTACCGAATACCTAGGACACAACCTACCAACA	85020
Query	228106	CAAGAAGGGTAACAAGTAGAAAGGCCAGGTGAGGCTATCTCAGTTCTACTTGGATGGGG	228165
Sbjct	85021	CAAGAAGGGTAACAAGTAGAAAGGCCAGGTGAGGCTATCTCAGTTCTACTTGGATGGGG	85080
Query	228166	TAAGGAAATCATGGGAAGCAGTGGGAGGGAGGTTCTGGGTGGGAAAGGAGAGTGGGAGG	228225
Sbjct	85081	TAAGGAAATCATGGGAAGCAGTGGGAGGGAGGTTCTGGGTGGGAAAGGAGAGTGGGAGG	85140
Query	228226	AAAAAAGGGGAACAAGCTCAGATATGTGGGGTGGGGGCTTGGACAGTaaaaaaGCCAG	228285
Sbjct	85141	AAAAAAGGGGAACAAGCTCAGATATGTGGGGTGGGGGCTTGGACAGTAAAAAAGCCAG	85200

Query	228286	AGGCCCAAGAAAAATAAATGAAAAATAACATCATGGGGGTGGTGTGGGAGGTGGGAGTAAC	228345
Sbjct	85201	AGGCCCAAGAAAAATAAATGAAAAATAACATCATGGGGGTGGTGTGGGAGGTGGGAGTAAC	85260
Query	228346	CTTTAGAAAGTACCAGAGACCTGGGAGGTGAGAGATTCTAACTGGGTTGGGGTAACCTTA	228405
Sbjct	85261	CTTTAGAAAGTACCAGAGACCTGGGAGGTGAGAGATTCTAACTGGGTTGGGGTAACCTTA	85320
Query	228406	GCCAAAATGCCCTACACTGGGGAGAGGGAACCTTGAGATTACCTCCAGTAGCATCAAGTA	228465
Sbjct	85321	GCCAAAATGCCCTACACTGGGGAGAGGGAACCTTGAGATTACCTCCAGTAGCATCAAGTA	85380
Query	228466	GAGGGACAGAGTTATTAACCCCTCAAAATTTCTGACCCAGAACTGTTCTGTCTCAAAGAA	228525
Sbjct	85381	GAGGGACAGAGTTATTAACCCCTCAAAATTTCTGACCCAGAACTGTTCTGTCTCAAAGAA	85440
Query	228526	CTGCAAGGACAAAAATGGAGAAGAGACTGAGGGAAAGGTGGTCCAGTGACTGGCCCAACT	228585
Sbjct	85441	CTGCAAGGACAAAAATGGAGAAGAGACTGAGGGAAAGGTGGTCCAGTGACTGGCCCAACT	85500
Query	228586	TGAGATCAAATGACCAGTCCTACATGGAATCCATCTTATGCAAGGGCACCAAGGCCTGAC	228645
Sbjct	85501	TGAGATCAAATGACCAGTCCTACATGGAATCCATCTTATGCAAGGGCACCAAGGCCTGAC	85560
Query	228646	ACTGTCACAGATGCTATGGTGTGCTTACAGACATAGCTGTCTGCTGAGCAGCCCAACAAG	228705
Sbjct	85561	ACTGTCACAGATGCTATGGTGTGCTTACAGACATAGCTGTCTGCTGAGCAGCCCAACAAG	85620
Query	228706	CAGCTGACTGAGACAGAAGCAGATACCTAGACCCAACCAATGGACCAAAGTCAGGGACCC	228765
Sbjct	85621	CAGCTGACTGAGACAGAAGCAGATACCTAGACCCAACCAATGGACCAAAGTCAGGGACCC	85680
Query	228766	CTGTGGTTAAATTGGGGAAGGATTGAAGAAGCTGAAAGAAGAGTGACCCCAAAGGAAATC	228825
Sbjct	85681	CTGTGGTTAAATTGGGGAAGGATTGAAGAAGCTGAAAGAAGAGTGACCCCAAAGGAAATC	85740
Query	228826	AGAAGTAACAACCTTACCCAGACCTCAGGGAGCTCCAGAGACTGAGCCACCAACCAGGAG	228885
Sbjct	85741	AGAAGTAACAACCTTACCCAGACCTCAGGGAGCTCCAGAGACTGAGCCACCAACCAGGAG	85800
Query	228886	TATATGCAGGCTGGTCTGAGACCCTGACACATATATAGCAGAAGACTGCCTCATTAGGGC	228945
Sbjct	85801	TATATGCAGGCTGGTCTGAGACCCTGACACATATATAGCAGAAGACTGCCTCATTAGGGC	85860
Query	228946	TTAGTGGTAGAAGAGAGTCAGTGGGAGAAGAACTTGAGGCCTCAGGAAAGGAGGAGGTC	229005
Sbjct	85861	TTAGTGGTAGAAGAGAGTCAGTGGGAGAAGAACTTGAGGCCTCAGGAAAGGAGGAGGTC	85920
Query	229006	TGGTGCAGGGAAGCACCCCTCTCAGAGGCAAAGGGGAAGAGGAATGGGATGAGGAACCTGAG	229065
Sbjct	85921	TGGTGCAGGGAAGCACCCCTCTCAGAGGCAAAGGGGAAGAGGAATGGGATGAGGAACCTGAG	85980
Query	229066	ATTGGGGTGACTAAGAGGAGAAGCAATGATGTGAATGtaaaaaataaaaaataaaaaaat	229125
Sbjct	85981	ATTGGGGTGACTAAGAGGAGAAGCAATGATGTGAATGTAAATAAATAAAATAATAAAAAAT	86040
Query	229126	taaaaaatTATGTTTATTTACAACAACCTCCAAACTTTGGATGTTTATCAACCTGAGGAC	229185
Sbjct	86041	TAAAAAATTATGTTTATTTACAACAACCTCCAAACTTTGGATGTTTATCAACCTGAGGAC	86100
Query	229186	AACATGTTATTAATATTCTTTTACTAAATATATTTCAAGATATTTTCTACTGTTTTGGAC	229245
Sbjct	86101	AACATGTTATTAATATTCTTTTACTAAATATATTTCAAGATATTTTCTACTGTTTTGGAC	86160
Query	229246	TTTTGATATTTTTGCTTCTTTTTTAAACAGGGTTTTCTATGTAGCCTAGGTTGGTCTTG	229305
Sbjct	86161	TTTTGATATTTTTGCTTCTTTTTTAAACAGGGTTTTCTATGTAGCCTAGGTTGGTCTTG	86220
Query	229306	ACTTGTGATAATCCTAACCTGTAGTCACCAGTATACTGTATCTGGCACACCATGATTATT	229365
Sbjct	86221	ACTTGTGATAATCCTAACCTGTAGTCACCAGTATACTGTATCTGGCACACCATGATTATT	86280
Query	229366	TGCATATGTAAATAATGGGCTAGAATTCCTGTATAACCAAACCCACAAAATAAGCTGAA	229425
Sbjct	86281	TGCATATGTAAATAATGGGCTAGAATTCCTGTATAACCAAACCCACAAAATAAGCTGAA	86340
Query	229426	TCCTGTGGCATTATTTTCAAGTAACAAAATCTGTGCTAGTAGTGATTTTTTACCATGTCAG	229485
Sbjct	86341	TCCTGTGGCATTATTTTCAAGTAACAAAATCTGTGCTAGTAGTGATTTTTTACCATGTCAG	86400
Query	229486	AATTGCTACCTGCATAATAATGTATGCAGTTATTTTAATCTGTATTCCATTTTATTCTTT	229545
Sbjct	86401	AATTGCTACCTGCATAATAATGTATGCAGTTATTTTAATCTGTATTCCATTTTATTCTTT	86460
Query	229546	CTATCTGGAACCTGAGTCTTTATCTAAAAGCTAAGGACAAAAATAATGAATGAATAAAAC	229605
Sbjct	86461	CTATCTGGAACCTGAGTCTTTATCTAAAAGCTAAGGACAAAAATAATGAATGAATAAAAC	86520
Query	229606	ATGGTAAATTTGACTTAGGATGAAAACAATCTCTAAAGGAATGGAGGGGTGAAACATAG	229665

Sbjct	86521	ATGGTAAATTTGACTTAGGATGAAAACAATCTCTAAAGGAATTGGAGGGGTGAAACATAG	86580
Query	229666	ATAGGACTTATCAATCTTTATGACATTTGTTTGCAAATCTGTTTCTTTACTAGGTGATCC	229725
Sbjct	86581	ATAGGACTTATCAATCTTTATGACATTTGTTTGCAAATCTGTTTCTTTACTAGGTGATCC	86640
Query	229726	TGGTCTTTGTAAGCAATAAAATACTGTTGGCTTATTAACCTAGGCAGGAAATAGATTGAT	229785
Sbjct	86641	TGGTCTTTGTAAGCAATAAAATACTGTTGGCTTATTAACCTAGGCAGGAAATAGATTGAT	86700
Query	229786	GGAAGTTCTGGTACAGAGAGAGGAACCTAGAATAGAATCAGGTGCAGAAGGATTTGTCC	229845
Sbjct	86701	GGAAGTTCTGGTACAGAGAGAGGAACCTAGAATAGAATCAGGTGCAGAAGGATTTGTCC	86760
Query	229846	CAAACTCTAAAGAAAGTGAGAAAGCCATAGAGCGCTCAAAAAATACAATAAGTGAATTAT	229905
Sbjct	86761	CAAACTCTAAAGAAAGTGAGAAAGCCATAGAGCGCTCAAAAAATACAATAAGTGAATTAT	86820
Query	229906	TAAGTTATGAGCTAGTCAAGGAGCTGGGCCAAGATTATGGTCTAGGCATTTATTTGTTCA	229965
Sbjct	86821	TAAGTTATGAGCTAGTCAAGGAGCTGGGCCAAGATTATGGTCTAGGCATTTATTTGTTCA	86880
Query	229966	TATATTATTAAGTCTCAGAGTCATTATTTTCAGGAACCTCAGACACAATTGGAAAACATGCT	230025
Sbjct	86881	TATATTATTAAGTCTCAGAGTCATTATTTTCAGGAACCTCAGACACAATTGGAAAACATGCT	86940
Query	230026	ATTACACTGCAAAACTCTGCACCTGTTTTCAAATTATTATTTGAACTTTTTAAAAACAGTC	230085
Sbjct	86941	ATTACACTGCAAAACTCTGCACCTGTTTTCAAATTATTATTTGAACTTTTTAAAAACAGTC	87000
Query	230086	CaaaaaaaTAGGAAAAGGGAACCATTCTGCCTTAGTATTTTGATTGAATATTAAATTGAG	230145
Sbjct	87001	CAAAAAAATAGGAAAAGGGAACCATTCTGCCTTAGTATTTTGATTGAATATTAAATTGAG	87060
Query	230146	TATGCAGAATCAGAATCACTCATTGTTAGTATTTTCTTGACTTCTTATTAAAGTAGTTG	230205
Sbjct	87061	TATGCAGAATCAGAATCACTCATTGTTAGTATTTTCTTGACTTCTTATTAAAGTAGTTG	87120
Query	230206	GATGTGTTTGTGAGGTATGTGAATTTATGGATATAACTGTAAAAACATTGTCAGGTAGTA	230265
Sbjct	87121	GATGTGTTTGTGAGGTATGTGAATTTATGGATATAACTGTAAAAACATTGTCAGGTAGTA	87180
Query	230266	TGAACAAAGGAATTATTTTTCATTGTAGAAATGGGAAAACCTGCCCTTAGATTAGGAAAAC	230325
Sbjct	87181	TGAACAAAGGAATTATTTTTCATTGTAGAAATGGGAAAACCTGCCCTTAGATTAGGAAAAC	87240
Query	230326	CCAAGAAAGATTAGGGTGTCCCTGTATTAGTTTATTTTTTGTAGTAACAGGTTGGCTAT	230385
Sbjct	87241	CCAAGAAAGATTAGGGTGTCCCTGTATTAGTTTATTTTTTGTAGTAACAGGTTGGCTAT	87300
Query	230386	TTAATAAAATATGTTTGTTTTGCTTACAGTTTTGCACCTGAAAGTCCAAACAGCTCATAC	230445
Sbjct	87301	TTAATAAAATATGTTTGTTTTGCTTACAGTTTTGCACCTGAAAGTCCAAACAGCTCATAC	87360
Query	230446	AAAGGCACTGACTGTATTATCGTATTGATCACATGGTTATTATGTCATACTGGTAGGAAT	230505
Sbjct	87361	AAAGGCACTGACTGTATTATCGTATTGATCACATGGTTATTATGTCATACTGGTAGGAAT	87420
Query	230506	TAACACAAGAAGGTTTACAGTGGGATAGAGGAGGCAAAGGGCCAGTCAGAGATCTGTGGA	230565
Sbjct	87421	TAACACAAGAAGGTTTACAGTGGGATAGAGGAGGCAAAGGGCCAGTCAGAGATCTGTGGA	87480
Query	230566	AACCTTGCCCTCTTAAGTATCCAGTACCACACTGCTATTTGCATTGAAATCTTTGGGAAAA	230625
Sbjct	87481	AACCTTGCCCTCTTAAGTATCCAGTACCACACTGCTATTTGCATTGAAATCTTTGGGAAAA	87540
Query	230626	CATTCACCTTATTGTTTCAGCATACCAGTCAGAAGCATCTTCAGCTGAGGACTGAACTCA	230685
Sbjct	87541	CATTCACCTTATTGTTTCAGCATACCAGTCAGAAGCATCTTCAGCTGAGGACTGAACTCA	87600
Query	230686	GGGCCTTAGGCTTACTAGCCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAATCCCCAGAAG	230745
Sbjct	87601	GGGCCTTAGGCTTACTAGCCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAATCCCCAGAAG	87660
Query	230746	CATCTTTTTAATTGCTTTTCTGTTTTATAGGACAGGTAATCGAAGTAAAAGTCATTAATAC	230805
Sbjct	87661	CATCTTTTTAATTGCTTTTCTGTTTTATAGGACAGGTAATCGAAGTAAAAGTCATTAATAC	87720
Query	230806	TTGCTGAATGCCAACCAGCTTGTGTATATAGACATTGGTGATTGGCCAGATGGGAAATTG	230865
Sbjct	87721	TTGCTGAATGCCAACCAGCTTGTGTATATAGACATTGGTGATTGGCCAGATGGGAAATTG	87780
Query	230866	ACAGGTGATTTGGTAGGTCTTTGAGGCTGTAGGGAGCGGCTAAAGATGGCGCCGACATCC	230925
Sbjct	87781	ACAGGTGATTTGGTAGGTCTTTGAGGCTGTAGGGAGCGGCTAAAGATGGCGCCGACATCC	87840
Query	230926	GGTGGTCGTTGGTGATAAACACCTGCAATGCGCATGTGTTGGCATTTCTCTGGCATCTAC	230985
Sbjct	87841	GGTGGTCGTTGGTGATAAACACCTGCAATGCGCATGTGTTGGCATTTCTCTGGCATCTAC	87900

Query	230986	AAGGCCAGGGTGATATTCATGCTAATAAGGTGTTTCATACTCCACCAATCCCCAGAGGAC	231045
Sbjct	87901	AAGGCCAGGGTGATATTCATGCTAATAAGGTGTTTCATACTCCACCAATCCCCAGAGGAC	87960
Query	231046	AAGTTTACAGTCACTGTCTGTCTTGTATATAAGGCGAGTGCCTTTGTTCCCTCGGGGTCCC	231105
Sbjct	87961	AAGTTTACAGTCACTGTCTGTCTTGTATATAAGGCGAGTGCCTTTGTTCCCTCGGGGTCCC	88020
Query	231106	CAGTATCAAGAATGAGGTGTTCTCTGCAATAAAAGCTGTTGAGAAGAATCCAACGGTGTG	231165
Sbjct	88021	CAGTATCAAGAATGAGGTGTTCTCTGCAATAAAAGCTGTTGAGAAGAATCCAACGGTGTG	88080
Query	231166	CATCTTCCTTGTCTAGCTAAGGTGGGCGCTACAACCTGGTGGCCATGTACAGGGACCCGAGA	231225
Sbjct	88081	CATCTTCCTTGTCTAGCTAAGGTGGGCGCTACAACCTGGTGGCCATGTACAGGGACCCGAGA	88140
Query	231226	AAATTCTCTTTTCTCGTGTGGATTCAAGAACTTTTCAGTTTCAGGACTGCGACGTCGGTAA	231285
Sbjct	88141	AAATTCTCTTTTCTCGTGTGGATTCAAGAACTTTTCAGTTTCAGGACTGCGACGTCGGTAA	88200
Query	231286	GGCTCCCGGATAAGGGACGATAAAGCTCCTGGATAAGGGAATATAGAATTCCTTAATAGG	231345
Sbjct	88201	GGCTCCCGGATAAGGGACGATAAAGCTCCTGGATAAGGGAATATAGAATTCCTTAATAGG	88260
Query	231346	ACAATAAGGTTCTCTGGAGTAAGCAGAGACGATGAAAGCCTTGGTTTAGAGGTTAAAAAG	231405
Sbjct	88261	ACAATAAGGTTCTCTGGAGTAAGCAGAGACGATGAAAGCCTTGGTTTAGAGGTTAAAAAG	88320
Query	231406	TCTGTGGTCTAGAAAtttgtaattttgtttcttcttgtgtggtggatttgtttttctttt	231465
Sbjct	88321	TCTGTGGTCTAGAAAtttgtaattttgtttcttcttgtgtggtggatttgtttttctttt	88380
Query	231466	gAATTGCTACCATCCCGGACAGGAATGCATTCCCGGACAGGAATGCATTGCTGGGCAGA	231525
Sbjct	88381	GAATTGCTACCATCCCGGACAGGAATGCATTCCCGGACAGGAATGCATTGCTGGGCAGA	88440
Query	231526	GCCCACTAATGATGAGCTACAAGATTCTGTGTAAATAAACATGCCAGCTCGCCCTGCTT	231585
Sbjct	88441	GCCCACTAATGATGAGCTACAAGATTCTGTGTAAATAAACATGCCAGCTCGCCCTGCTT	88500
Query	231586	GTAAATTGATGGTAAATAAGCTCGTAAAGCATGGGAACTCACACTCCACCCCGCTCCTG	231645
Sbjct	88501	GTAAATTGATGGTAAATAAGCTCGTAAAGCATGGGAACTCACACTCCACCCCGCTCCTG	88560
Query	231646	TCAGCTCTTCAGGAGCTTCTTGGTCAGTGTAAGCTTAAAATCGAAAGGAAAAGAGACAAA	231705
Sbjct	88561	TCAGCTCTTCAGGAGCTTCTTGGTCAGTGTAAGCTTAAAATCGAAAGGAAAAGAGACAAA	88620
Query	231706	GAACCTTGAGGAATAAACTGCTCTTAAATAAAAGTTCCCCAGATAAGGCCTCCAGCTATG	231765
Sbjct	88621	GAACCTTGAGGAATAAACTGCTCTTAAATAAAAGTTCCCCAGATAAGGCCTCCAGCTATG	88680
Query	231766	GAGCAAGTGTAGTGAAAGGAAATTTAATTTTATGGACCCCGCTGTAGTGGCGGTGTGTTG	231825
Sbjct	88681	GAGCAAGTGTAGTGAAAGGAAATTTAATTTTATGGACCCCGCTGTAGTGGCGGTGTGTTG	88740
Query	231826	GTTGATAGCCAATGTTAATTTTTGAAGCATAGTGTTTATCATTTGCTTGTGCTCCCAGCC	231885
Sbjct	88741	GTTGATAGCCAATGTTAATTTTTGAAGCATAGTGTTTATCATTTGCTTGTGCTCCCAGCC	88800
Query	231886	CACACAGTAGGGGGGAACGAAACTAGCTGCGGAGCTGCTGCAGCCAGCATGGAGACTTCT	231945
Sbjct	88801	CACACAGTAGGGGGGAACGAAACTAGCTGCGGAGCTGCTGCAGCCAGCATGGAGACTTCT	88860
Query	231946	TAAGTCTCACCCAATTTTTCTGGCTCTTCAAGAGCTGTTTGAAAGAAAAAGACTTAGGAT	232005
Sbjct	88861	TAAGTCTCACCCAATTTTTCTGGCTCTTCAAGAGCTGTTTGAAAGAAAAAGACTTAGGAT	88920
Query	232006	AGAGAGATTTCTTAGTGAATGCGATGCCATTGCACCTTGGTTTATTATCTCTGGGAATCT	232065
Sbjct	88921	AGAGAGATTTCTTAGTGAATGCGATGCCATTGCACCTTGGTTTATTATCTCTGGGAATCT	88980
Query	232066	CACGGTGGACAGCTGAGATAAGCTGGAGAAAGATTAAATTTTGCTTGGGAGCAAGGAAC	232125
Sbjct	88981	CACGGTGGACAGCTGAGATAAGCTGGAGAAAGATTAAATTTTGCTTGGGAGCAAGGAAC	89040
Query	232126	CTTAAAGGAACAGACTGTGTTAGAAATGCCACAGGAGGAATGATCTGAAAAGGCTGAGAG	232185
Sbjct	89041	CTTAAAGGAACAGACTGTGTTAGAAATGCCACAGGAGGAATGATCTGAAAAGGCTGAGAG	89100
Query	232186	TGAGGTGGGGGAGGACTCTaaagaaagcaagaacaagaaagaaatttatccatccctcaa	232245
Sbjct	89101	TGAGGTGGGGGAGGACTCTAAAGAAAGCAAGAACAAGAAAGAAATTTATCCATCCCTCAA	89160
Query	232246	aaaacaaggtcagaaacaaaaacaaacccccccccccccccTCCAGTTGCTCCCTTTAG	232305
Sbjct	89161	AAAACAAGGTCAGAAACAAAAACAAACCAAAAAAAAAAATCCAGTTGCTCCCTTTAG	89220
Query	232306	TGGCCTGACCTTCAACATTGCTCACAGAAAGAGAGTGTTTCATTAAGGGAGCCTGCCTCA	232365

Sbjct	89221	TGGCCTGACCTTCAACATTTGCTCACAGAAAGAGAGTGTTCATTAAGGGAGCCTGCCTCA	89280
Query	232366	TCTGCTGGCCTTATTCCAAGAGAGGAGTCAGTCTCCAAAATTAAGTTACTTTTCTCATT	232425
Sbjct	89281	TCTGCTGGCCTTATTCCAAGAGAGGAGTCAGTCTCCAAAATTAAGTTACTTTTCTCATT	89340
Query	232426	GTCATCATTAATATGAAGAGTGCCTTTGATCCTATCCCCTCAGCAGCCAGTTCCTGCCTC	232485
Sbjct	89341	GTCATCATTAATATGAAGAGTGCCTTTGATCCTATCCCCTCAGCAGCCAGTTCCTGCCTC	89400
Query	232486	TATGGTCAAAATGCCCCAGGTTTGGGGACAGAGGGGAGCCCCTAAAGTAATTCAGAAAA	232545
Sbjct	89401	TATGGTCAAAATGCCCCAGGTTTGGGGACAGAGGGGAGCCCCTAAAGTAATTCAGAAAA	89460
Query	232546	AGTCTGCAGCAGACTGTGAGTAACTTTGTTTTGCCAGACAGAACAGGTTTTAATTTAAGA	232605
Sbjct	89461	AGTCTGCAGCAGACTGTGAGTAACTTTGTTTTGCCAGACAGAACAGGTTTTAATTTAAGA	89520
Query	232606	TGATAAGAGGAGAAGTCTTGACATCGACTCTTCAGCTTAATCCAATTAGAGGCTGTGGCC	232665
Sbjct	89521	TGATAAGAGGAGAAGTCTTGACATCGACTCTTCAGCTTAATCCAATTAGAGGCTGTGGCC	89580
Query	232666	AAGGTCAAGATTAATGTTTTCTTTTCCATGGGCCTTTAGCCCACTGAGACAGTTTGATAA	232725
Sbjct	89581	AAGGTCAAGATTAATGTTTTCTTTTCCATGGGCCTTTAGCCCACTGAGACAGTTTGATAA	89640
Query	232726	AGGGCCACTACTGAGGTCTGAAAGTCCCAGGTGAACCCATTACAATTCTTTTGTGAGCC	232785
Sbjct	89641	AGGGCCACTACTGAGGTCTGAAAGTCCCAGGTGAACCCATTACAATTCTTTTGTGAGCC	89700
Query	232786	ACTTGACGAAAAAATCATTTAAAAACATTAAATGATTTTCAAAAGTTACTAGGAAGCATA	232845
Sbjct	89701	ACTTGACGAAAAAATCATTTAAAAACATTAAATGATTTTCAAAAGTTACTAGGAAGCATA	89760
Query	232846	AATTGGATTCAACCCCTATATTTAAATGCCCAATGTAGAGTTACAGCCACTCTATGAGATC	232905
Sbjct	89761	AATTGGATTCAACCCCTATATTTAAATGCCCAATGTAGAGTTACAGCCACTCTATGAGATC	89820
Query	232906	CTGAAAGGGGATTCTCAGCTTACTTCACCCCGTGCTTTAACCAAGGAAACACGATTATCC	232965
Sbjct	89821	CTGAAAGGGGATTCTCAGCTTACTTCACCCCGTGCTTTAACCAAGGAAACACGATTATCC	89880
Query	232966	TTAAGGAAAGTAGAAAAAAGACTAGAAAAAGACAATGCTAACAAGGTACAAGGAAAAGGAA	233025
Sbjct	89881	TTAAGGAAAGTAGAAAAAAGACTAGAAAAAGACAATGCTAACAAGGTACAAGGAAAAGGAA	89940
Query	233026	GATCTCCTTTTGTGTATACTGAGAACTTTTCATCAGCCTACAGGAGTGCTATGGCAACAA	233085
Sbjct	89941	GATCTCCTTTTGTGTATACTGAGAACTTTTCATCAGCCTACAGGAGTGCTATGGCAACAA	90000
Query	233086	GGACCACTTCTGTGGATTATCCTCATATTTCTCCTAATAAGACCCCTGAATATTATCCT	233145
Sbjct	90001	GGACCACTTCTGTGGATTATCCTCATATTTCTCCTAATAAGACCCCTGAATATTATCCT	90060
Query	233146	TCTGCTGTTGCACAGCTTGCTATGTTAGATGTTAAATCTTGTATTCAGCATTTTGGTATT	233205
Sbjct	90061	TCTGCTGTTGCACAGCTTGCTATGTTAGATGTTAAATCTTGTATTCAGCATTTTGGTATT	90120
Query	233206	TTACCCAAGAAAATTATTATACCATATACTACAACCTCAAGTGGAAACATTGTGTGCCTTG	233265
Sbjct	90121	TTACCCAAGAAAATTATTATACCATATACTACAACCTCAAGTGGAAACATTGTGTGCCTTG	90180
Query	233266	ATAGATGATTGGGCCATATTATGCTGTAGTTTTGACGGAGAGTTTGACAATCATTATCCT	233325
Sbjct	90181	ATAGATGATTGGGCCATATTATGCTGTAGTTTTGACGGAGAGTTTGACAATCATTATCCT	90240
Query	233326	AAGGATCCTTTGTGTACAATTTTTTACTGAACATCTAGTAATTTTTCCTAAGGTCAGTGCC	233385
Sbjct	90241	AAGGATCCTTTGTGTACAATTTTTTACTGAACATCTAGTAATTTTTCCTAAGGTCAGTGCC	90300
Query	233386	TCAGAGCCTTTGTCTGGAGCGTTACATATTTACACAGATGGCTCCAAAACAGGTGTAGGT	233445
Sbjct	90301	TCAGAGCCTTTGTCTGGAGCGTTACATATTTACACAGATGGCTCCAAAACAGGTGTAGGT	90360
Query	233446	GCCTATATGTTGATTCTCAAGAACCAGTATTAACCTCAATACAGTCCAGGTACCCCCCAA	233505
Sbjct	90361	GCCTATATGTTGATTCTCAAGAACCAGTATTAACCTCAATACAGTCCAGGTACCCCCCAA	90420
Query	233506	ATTGCAGAATGTAAAATTGTATTGGAAGTTTTTAAAAGATTTTCATGATTCTTTTAATTTT	233565
Sbjct	90421	ATTGCAGAATGTAAAATTGTATTGGAAGTTTTTAAAAGATTTTCATGATTCTTTTAATTTT	90480
Query	233566	TGATTCTGTTTATGTAGTTAACGCCGTGCGCTCACTTGAAATTGCAGGGCCAATTAGGTC	233625
Sbjct	90481	TGATTCTGTTTATGTAGTTAACGCCGTGCGCTCACTTGAAATTGCAGGGCCAATTAGGTC	90540
Query	233626	GAATAGTACTGTATGTCAAATCTTTTAGAATTACAAAAGTTGATTTGGGCCAGGAAAAA	233685
Sbjct	90541	GAATAGTACTGTATGTCAAATCTTTTAGAATTACAAAAGTTGATTTGGGCCAGGAAAAA	90600

Query	233686	TAAATTTTTTCAAACAACATATTGGAGCTCATACTAATTTGCCTGGTCCCATGGCCAGTAA	233745
Sbjct	90601	TAAATTTTTTCAAACAACATATTGGAGCTCATACTAATTTGCCTGGTCCCATGGCCAGTAA	90660
Query	233746	TAACGTCCTGGTGGATGCTAGTACTCATAGAGAATTTATTTTTCATTTCAGCTCCAGTTGA	233805
Sbjct	90661	TAACGTCCTGGTGGATGCTAGTACTCATAGAGAATTTATTTTTCATTTCAGCTCCAGTTGA	90720
Query	233806	TCTCGCTAGAGAATTTTCATCAAAAGTTTCATGTTCTGCTTTCACTCTTCAACAAAAATT	233865
Sbjct	90721	TCTCGCTAGAGAATTTTCATCAAAAGTTTCATGTTCTGCTTTCACTCTTCAACAAAAATT	90780
Query	233866	TAAAACTCTAGAGCTGCAGCTCATGATGTGGTATTACGTTGCCAGAATTGTGTTGAGTT	233925
Sbjct	90781	TAAAACTCTAGAGCTGCAGCTCATGATGTGGTATTACGTTGCCAGAATTGTGTTGAGTT	90840
Query	233926	TCACCACCCTCCTCAGGTGGGAATTAACCTCATGGTCTGATTCCGTTAAAGCTTTGGCA	233985
Sbjct	90841	TCACCACCCTCCTCAGGTGGGAATTAACCTCATGGTCTGATTCCGTTAAAGCTTTGGCA	90900
Query	233986	GATGGATGTCACACACATATCTCAATTTGGGAATTTAAAAATATGCTCATGTTTCTGTTGA	234045
Sbjct	90901	GATGGATGTCACACACATATCTCAATTTGGGAATTTAAAAATATGCTCATGTTTCTGTTGA	90960
Query	234046	CACCTCTTCCGGTATTATACATGCCACTCTAATGACTGGTGAGAAGGCTCGTAATGCCAT	234105
Sbjct	90961	CACCTCTTCCGGTATTATACATGCCACTCTAATGACTGGTGAGAAGGCTCGTAATGCCAT	91020
Query	234106	TAGTCATTGCTTAGAGGCGTGGACAGCCTGGGGAAAGCCTGATAGTCTCAAGACAGACAA	234165
Sbjct	91021	TAGTCATTGCTTAGAGGCGTGGACAGCCTGGGGAAAGCCTGATAGTCTCAAGACAGACAA	91080
Query	234166	CGGGCCTGCCTACACTGCAAAGTCCTTTTCAGGCATTTTGCCAAACAATGCAGGTCAAACA	234225
Sbjct	91081	CGGGCCTGCCTACACTGCAAAGTCCTTTTCAGGCATTTTGCCAAACAATGCAGGTCAAACA	91140
Query	234226	TACTACAGGATTGCCATATAATCCCCAAGGTCAAGGAATTGTGGAAAGAGCACATCATAC	234285
Sbjct	91141	TACTACAGGATTGCCATATAATCCCCAAGGTCAAGGAATTGTGGAAAGAGCACATCATAC	91200
Query	234286	CTTAAAAGAGCTCTTACAAAAACAAAAAGGGGGAATTCCCTATGGCAGAACACCAAGAGA	234345
Sbjct	91201	CTTAAAAGAGCTCTTACAAAAACAAAAAGGGGGAATTCCCTATGGCAGAACACCAAGAGA	91260
Query	234346	ACAGTTGTCTTTAGCTCTTTTTACTCTAAATTTCTTAATTTTGGATGCACATGGCCGCTC	234405
Sbjct	91261	ACAGTTGTCTTTAGCTCTTTTTACTCTAAATTTCTTAATTTTGGATGCACATGGCCGCTC	91320
Query	234406	TGCTGTGGATCGCCATGCTGCTACTAACTTATGACTAATGCAGAAGTAAAGTGGAAGGA	234465
Sbjct	91321	TGCTGTGGATCGCCATGCTGCTACTAACTTATGACTAATGCAGAAGTAAAGTGGAAGGA	91380
Query	234466	TGTCTTAACTGATGAATGGCGTGGCCCAGATCCTGTGATTTCTAGATCTAGGGGAGCTAT	234525
Sbjct	91381	TGTCTTAACTGATGAATGGCGTGGCCCAGATCCTGTGATTTCTAGATCTAGGGGAGCTAT	91440
Query	234526	TTGTATTTTTCCGCAGGATCAAGAAAATCCAATCTGGGTGCCTGAGCGTTTGACTCGCAA	234585
Sbjct	91441	TTGTATTTTTCCGCAGGATCAAGAAAATCCAATCTGGGTGCCTGAGCGTTTGACTCGCAA	91500
Query	234586	ACTGTCTTCTGCTCTTCTGAAGATGAGACTATGAACCCTACTATTACTACTGGGAATGA	234645
Sbjct	91501	ACTGTCTTCTGCTCTTCTGAAGATGAGACTATGAACCCTACTATTACTACTGGGAATGA	91560
Query	234646	TAATACAGGTTGATTCACTCACTCTGTGGGCTATTTCCAGATCCTGGCCAGTACTTATGC	234705
Sbjct	91561	TAATACAGGTTGATTCACTCACTCTGTGGGCTATTTCCAGATCCTGGCCAGTACTTATGC	91620
Query	234706	CAGTTCATAGCAATTCTACTGTTTTTGCCAACTTTTCTCCACCTCCTGTTTGCGTGGTG	234765
Sbjct	91621	CAGTTCATAGCAATTCTACTGTTTTTGCCAACTTTTCTCCACCTCCTGTTTGCGTGGTG	91680
Query	234766	TTCTTGTATAGTGCCAAATGGAGAATTGCCCCAACGGTATACTGCCACTAATCTTTCTT	234825
Sbjct	91681	TTCTTGTATAGTGCCAAATGGAGAATTGCCCCAACGGTATACTGCCACTAATCTTTCTT	91740
Query	234826	TGTTGCATACACTATGTTTTCACTCTTAAAAATTCTCCAGCCTTGATATATGGCTGCGAA	234885
Sbjct	91741	TGTTGCATACACTATGTTTTCACTCTTAAAAATTCTCCAGCCTTGATATATGGCTGCGAA	91800
Query	234886	GGACAACATTGGCTAATTGGTTAGATCCTGTGAGTAATAGTGCTATGGGCAGTGGAAC TA	234945
Sbjct	91801	GGACAACATTGGCTAATTGGTTAGATCCTGTGAGTAATAGTGCTATGGGCAGTGGAAC TA	91860
Query	234946	TCCTGGCTGCTTTGAGTCAAATTACCCAAGGAGCCTCTTCAGGCAGTGGAGACACAGCTG	235005
Sbjct	91861	TCCTGGCTGCTTTGAGTCAAATTACCCAAGGAGCCTCTTCAGGCAGTGGAGACACAGCTG	91920
Query	235006	TCCTGTGTTTTCTCCCTTAGAGGCTTATGTATTACTCCTCTGCAAGCTAACCTTTCTCAG	235065



Sbjct	91921	TCCTGTGTTTCCTCCCTTAGAGGCTTATGTATTACTCCTCTGCAAGCTAACCTTTCTCAG	91980
Query	235066	TATTCTCAACAGAGCAAAGAAATCTTAAATTATCTGAAAGGAACTGGTCCATGAAAGCG	235125
Sbjct	91981	TATTCTCAACAGAGCAAAGAAATCTTAAATTATCTGAAAGGAACTGGTCCATGAAAGCG	92040
Query	235126	GAGCAATTATCGAGACACTGTTGCGTCTTCCTTGCTGAACGAAGAAGTTTCAGAGGCAAA	235185
Sbjct	92041	GAGCAATTATCGAGACACTGTTGCGTCTTCCTTGCTGAACGAAGAAGTTTCAGAGGCAAA	92100
Query	235186	CAGAGAGTCATGAGTCTAGGCCTTGGACATGGACAAATGACTATCCAAGTTATTCCCAGG	235245
Sbjct	92101	CAGAGAGTCATGAGTCTAGGCCTTGGACATGGACAAATGACTATCCAAGTTATTCCCAGG	92160
Query	235246	AGGCACCAATCAGGAATGGGTTTTCTGACTCAGAGTTATGTACTTTCTTCAGCCCACAC	235305
Sbjct	92161	AGGCACCAATCAGGAATGGGTTTTCTGACTCAGAGTTATGTACTTTCTTCAGCCCACAC	92220
Query	235306	CAAAACCCACTATACCTCTTAGAAGCCAACCTGGTAGGCCATCCACCATCCACCATCCAT	235365
Sbjct	92221	CAAAACCCACTATACCTCTTAGAAGCCAACCTGGTAGGCCATCCACCATCCACCATCCAT	92280
Query	235366	TGATCTAAGAGATTCTTTACCCAATGATACTCTCTAAAGTAGCACTGTCTGTGATAAAAC	235425
Sbjct	92281	TGATCTAAGAGATTCTTTACCCAATGATACTCTCTAAAGTAGCACTGTCTGTGATAAAAC	92340
Query	235426	TGGTTGCTACATGGCCCCCTGAACACACCATATCTTCTGGACTATGTGGTCAAGTTCAGAT	235485
Sbjct	92341	TGGTTGCTACATGGCCCCCTGAACACACCATATCTTCTGGACTATGTGGTCAAGTTCAGAT	92400
Query	235486	TGATCAGGAGCTCTGCATACTGTCTAAGCAAGGCAGGTCACCTAGGATCACATGTGCAC	235545
Sbjct	92401	TGATCAGGAGCTCTGCATACTGTCTAAGCAAGGCAGGTCACCTAGGATCACATGTGCAC	92460
Query	235546	TCCCTCCAGCCTTCTTCTGTCTGAGAAGAATACTTAAGGAGATTGAGCCAGAGGTCTTCT	235605
Sbjct	92461	TCCCTCCAGCCTTCTTCTGTCTGAGAAGAATACTTAAGGAGATTGAGCCAGAGGTCTTCT	92520
Query	235606	GCAGTGACCTGGAAGGAGGTAAGACAAGTATCTCTCTAGCTTTTGGGGTCAGTGTTCCTC	235665
Sbjct	92521	GCAGTGACCTGGAAGGAGGTAAGACAAGTATCTCTCTAGCTTTTGGGGTCAGTGTTCCTC	92580
Query	235666	TGCAGACTATGAAGATTACAGGACACTTCTGTTTGGAGTAGAGTGCCAGAAAgtgtgtgt	235725
Sbjct	92581	TGCAGACTATGAAGATTACAGGACACTTCTGTTTGGAGTAGAGTGCCAGAAAATGTGTGTT	92640
Query	235726	gttagtggttttctgagcattgtgtgtactactttgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	235785
Sbjct	92641	TGTAGTGTTTTTCTGAGCATTGTGTGACTACTTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTATGTGT	92700
Query	235786	gtgtgtgtgtgaagtgtgtgtgtgtgtAAATAACTGAGTCTTAAATGCACATTAGCAAAGT	235845
Sbjct	92701	GTGTGTGTGTAAGTGTGTGTGTGTGTAAATAACTGAGTCTTAAATGCACATTAGCAAAGT	92760
Query	235846	GCCAGCAACAACTGTTGGTTGTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACT	235905
Sbjct	92761	GCCAGCAACAACTGTTGGTTGTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAGTATTACT	92820
Query	235906	ACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAA	235965
Sbjct	92821	ACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAA	92880
Query	235966	AACTTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGC	236025
Sbjct	92881	AACTTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGC	92940
Query	236026	ATTACTACTGtttttgttttttggtttttCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGG	236085
Sbjct	92941	ATTACTACTGTTTTTGTTTTTTGGTTTTTCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGG	93000
Query	236086	CTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTCTTCATGCCACCTCGCTTACTGGACTAGGAT	236145
Sbjct	93001	CTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTCTTCATGCCACCTCGCTTACTGGACTAGGAT	93060
Query	236146	ACAATTGTTTTCTACTTATCTTTGACCCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTATTTC	236205
Sbjct	93061	ACAATTGTTTTCTACTTATCTTTGACCCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTATTTC	93120
Query	236206	TCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGC	236265
Sbjct	93121	TCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGC	93180
Query	236266	TCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTT	236325
Sbjct	93181	TCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTT	93240
Query	236326	TAAGGAGTGTAAGAGTGCAGTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATA	236385
Sbjct	93241	TAAGGAGTGTAAGAGTGCAGTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATA	93300

Query	236386	TGTAGGTTTGTGTGGTGGCTTCAAAGTGGATTAATTGGGCTGGACTAGGGAGGTCCCGAG	236445
Sbjct	93301	TGTAGGTTTGTGTGGTGGCTTCAAAGTGGATTAATTGGGCTGGACTAGGGAGGTCCCGAG	93360
Query	236446	GGAGGAGGGATGAATATTTTCTTACACACTTTAAATACTAAAATCTTCTTACAAACACA	236505
Sbjct	93361	GGAGGAGGGATGAATATTTTCTTACACACTTTAAATACTAAAATCTTCTTACAAACACA	93420
Query	236506	GTTCCGATACTAGCTTTTACCCCTTACACTTTATATCTTGACTtctgtctctgtctgtct	236565
Sbjct	93421	GTTCCGATACTAGCTTTTACCCCTTACACTTTATATCTTGACTTCTGTCTCTGTCTGTCT	93480
Query	236566	ctgtctctctgtttctgtctctatctctgtctctctcatcccatctctgACTTCCTGGTT	236625
Sbjct	93481	CTGTCTCTCTGTTTCTGTCTCTATCTCTGTCTCTCTCATCCCATCTCTGACTTCCTGGTT	93540
Query	236626	GCAATCCTAATTCTTCCACTACATTTCAGATTTTCAGTGTTCAGCCC	236685
Sbjct	93541	GCAATCCTAATTCTTCCACTACATTTCAGATTTTCAGTGTTCAGCCC	93600
Query	236686	TACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGGAGAAGGGACAGCTTTAGGAGCAGTGACAGTTG	236745
Sbjct	93601	TACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGGAGAAGGGACAGCTTTAGGAGCAGTGACAGTTG	93660
Query	236746	TCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCG	236805
Sbjct	93661	TCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCG	93720
Query	236806	CGGAGAGAGGCGACAAATGGCCAAATGGCCCAGCAGAATACCCAGCATGCAAAATACAGAC	236865
Sbjct	93721	CGGAGAGAGGCGACAAATGGCCAAATGGCCCAGCAGAATACCCAGCATGCAAAATACAGAC	93780
Query	236866	ATCAGCTGACAGCTGGGATATCAGTGGAAAAACCTTACAAAAGCCaaaaaaaaaaaaaaaa	236925
Sbjct	93781	ATCAGCTGACAGCTGGGATATCAGTGGAAAAACCTTACAAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAA	93840
Query	236926	aacacaacaacaacaacaacaaaaaacCAGCCTTTTTTATCAGGAGGCACAAGAACCTACAC	236985
Sbjct	93841	AACACAACAACAACAACAAAAAACCCAGCCTTTTTTATCAGGAGGCACAAGAACCTACAC	93900
Query	236986	AGAGAGAAATACCCAAAATATAAGAATCAGCCTCATTGGAGGGCAAAAGTGCCACAGAGA	237045
Sbjct	93901	AGAGAGAAATACCCAAAATATAAGAATCAGCCTCATTGGAGGGCAAAAGTGCCACAGAGA	93960
Query	237046	ATGGCAACCTGCTGCAGTGGGACAACAACGTACACACCATCATATACAGATTATGACGGA	237105
Sbjct	93961	ATGGCAACCTGCTGCAGTGGGACAACAACGTACACACCATCATATACAGATTATGACGGA	94020
Query	237106	GGTAGAGCAGCCACCTGTCTCCAAGAACATGGTTCAGAGCTGAGATCTTCCTAGTGT	237165
Sbjct	94021	GGTAGAGCAGCCACCTGTCTCCAAGAACATGGTTCAGAGCTGAGATCTTCCTAGTGT	94080
Query	237166	CAAAACCAATTGATTGTGAGAACTAAAAGTACATGCCTCTCTCAAAAACCCAGAATAATA	237225
Sbjct	94081	CAAAACCAATTGATTGTGAGAACTAAAAGTACATGCCTCTCTCAAAAACCCAGAATAATA	94140
Query	237226	TGGATATCCAAAACCTCAGATCAATCAAGTCCTACTTTTGGCCACTCGATTCTGTATTGTT	237285
Sbjct	94141	TGGATATCCAAAACCTCAGATCAATCAAGTCCTACTTTTGGCCACTCGATTCTGTATTGTT	94200
Query	237286	AGAACCTAAGACATACTACTCAAAGAACCAGACAAATATGGATGGCTGTTGCCTGTGC	237345
Sbjct	94201	AGAACCTAAGACATACTACTCAAAGAACCAGACAAATATGGATGGCTGTTGCCTGTGC	94260
Query	237346	CCTGGACAGCACTCAACCCAACCCTCCTTGCTCTTGTTGGTTGGGGTGAGTTGACAGATT	237405
Sbjct	94261	CCTGGACAGCACTCAACCCAACCCTCCTTGCTCTTGTTGGTTGGGGTGAGTTGACAGATT	94320
Query	237406	TTGGGAGCAGGTGAGAATGCTTCAAAGAGCTCATCTGAGCACTGCTGCAAGTTCCTTTAA	237465
Sbjct	94321	TTGGGAGCAGGTGAGAATGCTTCAAAGAGCTCATCTGAGCACTGCTGCAAGTTCCTTTAA	94380
Query	237466	TATTACGACTATTGGTCCCATGAAAGTATGTATTCTAAAAAGCAGTTTCTGATTGCCTG	237525
Sbjct	94381	TATTACGACTATTGGTCCCATGAAAGTATGTATTCTAAAAAGCAGTTTCTGATTGCCTG	94440
Query	237526	GCATTATTTTACCAGCAATACTTGGTCTCTCTGGAAGTCCTCAATTAAGTCCTCCTGTA	237585
Sbjct	94441	GCATTATTTTACCAGCAATACTTGGTCTCTCTGGAAGTCCTCAATTAAGTCCTCCTGTA	94500
Query	237586	GAAGTGCTTTTGTGGCTTTGTGGCCATGCTATCCCTGCTATAGCATAAAAGCTCATACCA	237645
Sbjct	94501	GAAGTGCTTTTGTGGCTTTGTGGCCATGCTATCCCTGCTATAGCATAAAAGCTCATACCA	94560
Query	237646	ATCCATCCCTACCTTTAGCTGCTTGACCATCCCGAGCCCCTTCTGTCAACCTGTCAAAAA	237705
Sbjct	94561	ATCCATCCCTACCTTTAGCTGCTTGACCATCCCGAGCCCCTTCTGTCAACCTGTCAAAAA	94620
Query	237706	TAAATTAATGAGCCCTTCTGCCTGGTCTTTTCTGTTCAGACAGACTGCTAGCCAGCCTGC	237765

Sbjct	94621	TAAATTAATGAGCCCTTCTGCCTGGTCTTTTCTGTTCAGACAGACTGCTAGCCAGCCTGC	94680
Query	237766	TTCCTAGAAGAGGCTATATCCCAATATATAACAGAGGCATTTGGTAAGATGCCTGCACTC	237825
Sbjct	94681	TTCCTAGAAGAGGCTATATCCCAATATATAACAGAGGCATTTGGTAAGATGCCTGCACTC	94740
Query	237826	AGCATTTTGATAAGAAACCCCCCTGAAGTCCCACAGCTGGTGTCTGGGGGCCAGTGGATCAG	237885
Sbjct	94741	AGCATTTTGATAAGAAACCCCCCTGAAGTCCCACAGCTGGTGTCTGGGGGCCAGTGGATCAG	94800
Query	237886	GGATCCATGAACCCCAAAAACCCCAACTGCCCAATACCAATCCTCTTCTGCCTGTTCTGT	237945
Sbjct	94801	GGATCCATGAACCCCAAAAACCCCAACTGCCCAATACCAATCCTCTTCTGCCTGTTCTGT	94860
Query	237946	TTTGCTGGAATAGACCACCAGCAAGTCTGCTCTCTGGAAGAGGATATATCCTCAGACATA	238005
Sbjct	94861	TTTGCTGGAATAGACCACCAGCAAGTCTGCTCTCTGGAAGAGGATATATCCTCAGACATA	94920
Query	238006	CCAGAGGAGCTGCTGCACTCAGAACACTTGAAATCAAATCCTGAAGCATAACAGAAGAAC	238065
Sbjct	94921	CCAGAGGAGCTGCTGCACTCAGAACACTTGAAATCAAATCCTGAAGCATAACAGAAGAAC	94980
Query	238066	CACTGCACTCCAAACATTTGATATCACATGCTGACGCATTCCAGGAGATCTGCTGCACCC	238125
Sbjct	94981	CACTGCACTCCAAACATTTGATATCACATGCTGACGCATTCCAGGAGATCTGCTGCACCC	95040
Query	238126	AGGGTATCTGTGCACAACAACTGGAGACATCCCAGGTAATCCACGGCACCCAGCACACCAC	238185
Sbjct	95041	AGGGTATCTGTGCACAACAACTGGAGACATCCCAGGTAATCCACGGCACCCAGCACACCAC	95100
Query	238186	AGCTTAAAGGTATGTCTGCAGTTCTTCTATACACAGGGCAATTACACCACAGTCTGAAG	238245
Sbjct	95101	AGCTTAAAGGTATGTCTGCAGTTCTTCTATACACAGGGCAATTACACCACAGTCTGAAG	95160
Query	238246	ACCTGCTAGGAGATCTACTCAGCAAGAAATCAGCAGCTTCTCTGCCCCCTCTGAATACCCT	238305
Sbjct	95161	ACCTGCTAGGAGATCTACTCAGCAAGAAATCAGCAGCTTCTCTGCCCCCTCTGAATACCCT	95220
Query	238306	CCAATTGGAAGGCCCAAGGAGGTTTGCTACAGCCAGGGCCACAGGCCAACCAGGGGAC	238365
Sbjct	95221	CCAATTGGAAGGCCCAAGGAGGTTTGCTACAGCCAGGGCCACAGGCCAACCAGGGGAC	95280
Query	238366	CTGTTACAACACAGAGACAAGAGAGGAAGACTCCAGACATAGTCACTCAGACCAGCAAGC	238425
Sbjct	95281	CTGTTACAACACAGAGACAAGAGAGGAAGACTCCAGACATAGTCACTCAGACCAGCAAGC	95340
Query	238426	ACTAGGGATAACCAGATAGAAAGGCAAGCACAAAGACCATAAGCAACAGAAGCCAATACAC	238485
Sbjct	95341	ACTAGGGATAACCAGATAGAAAGGCAAGCACAAAGACCATAAGCAACAGAAGCCAATACAC	95400
Query	238486	ATGGGTGTCCTAAGAACCAGTTCTCTCACCACAGCAAACCCCGAATATACCAACACACC	238545
Sbjct	95401	ATGGGTGTCCTAAGAACCAGTTCTCTCACCACAGCAAACCCCGAATATACCAACACACC	95460
Query	238546	TGAAAATCAGGAAGATGACCTAAACTTCTAACTCATGAAGAAAATAAGAGTCCTTTAAGG	238605
Sbjct	95461	TGAAAATCAGGAAGATGACCTAAACTTCTAACTCATGAAGAAAATAAGAGTCCTTTAAGG	95520
Query	238606	AAGATATATATAACTCAATGGAAGAAGTACAGGTAAATAGGTAGAAGCCCTTAAAGAGGA	238665
Sbjct	95521	AAGATATATATAACTCAATGGAAGAAGTACAGGTAAATAGGTAGAAGCCCTTAAAGAGGA	95580
Query	238666	AACAAATAAATCCTTTTAAAGAAATACGGGAAAACACAATCAAACAAGTGAAGAGATTGCA	238725
Sbjct	95581	AACAAATAAATCCTTTTAAAGAAATACGGGAAAACACAATCAAACAAGTGAAGAGATTGCA	95640
Query	238726	TAAAGCGGTCTAAGACCTAAAAGTGGAAGTAGAAATAATAAGAAAACACAAAGGGAGGC	238785
Sbjct	95641	TAAAGCGGTCTAAGACCTAAAAGTGGAAGTAGAAATAATAAGAAAACACAAAGGGAGGC	95700
Query	238786	AAACCAGGAAATGTAAAACCTAGGAAAGAGGCCAGGAATTACAGATGTATCCAatagaat	238845
Sbjct	95701	AAACCAGGAAATGTAAAACCTAGGAAAGAGGCCAGGAATTACAGATGTATCCAATAGAAT	95760
Query	238846	gcaagagataggagagagagaatctcagatatagaagatatagtagaagagatagatGCAAA	238905
Sbjct	95761	GCAAGAGATAGGAGAGAGAATCTCAGATATAGAAGATATAGTAGAAGAGATAGATGCAAA	95820
Query	238906	GGTCAAAGAAGATTCAAAACATAAAATACTCGTAACATAAAACATCCAGGAAATTCAGGA	238965
Sbjct	95821	GGTCAAAGAAGATTCAAAACATAAAATACTCGTAACATAAAACATCCAGGAAATTCAGGA	95880
Query	238966	CACAAATGAAAAGACCAAATCTAAGTATAAAGTGAATAGAGGAGAATGAAGATCCCCAGCT	239025
Sbjct	95881	CACAAATGAAAAGACCAAATCTAAGTATAAAGTGAATAGAGGAGAATGAAGATCCCCAGCT	95940
Query	239026	TAAAGGACCTGAAAATGTCTTCAACAAAATCATAGAAGAAACCGTTTCCAACTTTaaaaa	239085
Sbjct	95941	TAAAGGACCTGAAAATGTCTTCAACAAAATCATAGAAGAAACCGTTTCCAACTTTAAAAA	96000

Query	239086	aaGAGGTGACATAATGAGACAAGAATCCTATAGAACACAAAATAAATGCGACCAGAAACG	239145
Sbjct	96001	AAGAGGTGACATAATGAGACAAGAATCCTATAGAACACAAAATAAATGCGACCAGAAACG	96060
Query	239146	AAAATGCTCTCATCAGGTAATAGTCAAACCTTAAATGCACAGAATGAAGAAAGAATATTA	239205
Sbjct	96061	AAAATGCTCTCATCAGGTAATAGTCAAACCTTAAATGCACAGAATGAAGAAAGAATATTA	96120
Query	239206	AAAGCTGCAAGGGAAAATGGCCAAATAACATACTAAGGCAGACCTATCAGAATTACACCA	239265
Sbjct	96121	AAAGCTGCAAGGGAAAATGGCCAAATAACATACTAAGGCAGACCTATCAGAATTACACCA	96180
Query	239266	GACTTTTCAACAGAGATTATCAAAGCCAAAAAAGCATGGTCAGACGTCATACAGACTCTA	239325
Sbjct	96181	GACTTTTCAACAGAGATTATCAAAGCCAAAAAAGCATGGTCAGACGTCATACAGACTCTA	96240
Query	239326	AGAGATCATAAATGCCAGCCCAGGCCACTATACCCAGCAAAACTCTCAAACAATAGATAG	239385
Sbjct	96241	AGAGATCATAAATGCCAGCCCAGGCCACTATACCCAGCAAAACTCTCAAACAATAGATAG	96300
Query	239386	AAAAACTAAAATAGTCCAGGAAAAACCAAATTGAAACAGTATCTATCAATCCATCTCTAC	239445
Sbjct	96301	AAAAACTAAAATAGTCCAGGAAAAACCAAATTGAAACAGTATCTATCAATCCATCTCTAC	96360
Query	239446	AGAGGATCCTAGAAGGAAAACCTCCAGTACAAGGAAGATACCTCTACCCAAGAAAAGACAA	239505
Sbjct	96361	AGAGGATCCTAGAAGGAAAACCTCCAGTACAAGGAAGATACCTCTACCCAAGAAAAGACAA	96420
Query	239506	GATATTaaacatctcccaacaacccaaaaggaaaaaacacaaacacataattatgtaca	239565
Sbjct	96421	GATATTAAACATCTCCCAACAAACCAAAGGAAAAAACCAAAACACATAATTATGTACA	96480
Query	239566	aaaacaaaTATAGACCCCTGCCCACATCCCTGGCCCAAGAGGAAACTGTATAAGGCCTCT	239625
Sbjct	96481	AAAACAAATATAGACCCCTGCCCACATCCCTGGCCCAAGAGGAAACTGTATAAGGCCTCT	96540
Query	239626	GGGTGCCCGTGGGGGAGGGCCAGGAGCAGCAGGTCCACTGCGCCTGAGACACTGCCAGA	239685
Sbjct	96541	GGGTGCCCGTGGGGGAGGGCCAGGAGCAGCAGGTCCACTGCGCCTGAGACACTGCCAGA	96600
Query	239686	ACCTGAAGGGACTGACCGGATAAAGAGTTCTCTGCAGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGG	239745
Sbjct	96601	ACCTGAAGGGACTGACCGGATAAAGAGTTCTCTGCAGGGGCTGGGGATTTAGCTCAGTGG	96660
Query	239746	TAGAGCGTTTACCTAGGAATCGCAAGGCCCTGGGTTCCGTTCCCCAGCTCCaaaaaaaaga	239805
Sbjct	96661	TAGAGCGTTTACCTAGGAATCGCAAGGCCCTGGGTTCCGTTCCCCAGCTCCAAAAAAAAGA	96720
Query	239806	accaaaaaaaaaaaaaaaaGAGTTCTCTGCACACAAATCGCGTTGGAGGGAGAGCTAAACC	239865
Sbjct	96721	ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGTTCTCTGCACACAAATCGCGTTGGAGGGAGAGCTAAACC	96780
Query	239866	TACAGAGAGGCAGACACGCCTGGAAAACCAGAAGAGACTGCACTCTGCACACATCTCTGA	239925
Sbjct	96781	TACAGAGAGGCAGACACGCCTGGAAAACCAGAAGAGACTGCACTCTGCACACATCTCTGA	96840
Query	239926	CGCCAGAGGAAAAACACCAACAGCATCTGGAACCTTGGTGCACGGAGGCTCCCAGAAATG	239985
Sbjct	96841	CGCCAGAGGAAAAACACCAACAGCATCTGGAACCTTGGTGCACGGAGGCTCCCAGAAATG	96900
Query	239986	GCTGGGCAGATCTTCTGTTGCTGCTGCCGCGGGGAGCTCGTAGGCAACACCCCACGAG	240045
Sbjct	96901	GCTGGGCAGATCTTCTGTTGCTGCTGCCGCGGGGAGCTCGTAGGCAACACCCCACGAG	96960
Query	240046	CAAACCTTGAGCCTCAGGACCACAGGTAAGACCACCTTTTCTGCTGCAAGTGACCTGCCTGG	240105
Sbjct	96961	CAAACCTTGAGCCTCAGGACCACAGGTAAGACCACCTTTTCTGCTGCAAGTGACCTGCCTGG	97020
Query	240106	TGAAATCAGGACACAGGCCACAGGAACAGATGAAGACCTGTAGAGAGGAAAAACTACAC	240165
Sbjct	97021	TGAAATCAGGACACAGGCCACAGGAACAGATGAAGACCTGTAGAGAGGAAAAACTACAC	97080
Query	240166	GCCTGAAAGCAGAACTCTGTCCCCATAACAGGCTGAAAGAAAACAGGAAAACAGGTCT	240225
Sbjct	97081	GCCTGAAAGCAGAACTCTGTCCCCATAACAGGCTGAAAGAAAACAGGAAAACAGGTCT	97140
Query	240226	ACAGCACCCCTGACACACAGGCTTATAGGACAGTCTAGCCACTGTCAGAAATAGCAGAAC	240285
Sbjct	97141	ACAGCACCCCTGACACACAGGCTTATAGGACAGTCTAGCCACTGTCAGAAATAGCAGAAC	97200
Query	240286	AAAGTAACACTAGAGATAATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGCAGGAACCCAAGCAACAGAA	240345
Sbjct	97201	AAAGTAACACTAGAGATAATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGCAGGAACCCAAGCAACAGAA	97260
Query	240346	ACCAAGACTACATGGCATCATCGGAGCCCAATTCTCCACCAAAAACAAACTGAATATA	240405
Sbjct	97261	ACCAAGACTACATGGCATCATCGGAGCCCAATTCTCCACCAAAAACAAACTGAATATA	97320
Query	240406	CAAACACACCAGAAAAGCAAGATCTAGTTTCAAAATCATATTGATCATGATGCTGGAGG	240465

Sbjct	97321	CAAACACACCAGAAAAGCAAGATCTAGTTTCAAAATCATATTTGATCATGATGCTGGAGG	97380
Query	240466	ACTCCAAGAAAGATGTGAAGAACTCCCTTAGAGAACAAAGTAGAAGCCTACAGAGAGGAAG	240525
Sbjct	97381	ACTCCAAGAAAGATGTGAAGAACTCCCTTAGAGAACAAAGTAGAAGCCTACAGAGAGGAAG	97440
Query	240526	CTCAAAAATCCCTGAAAGAATTCCAGGAAAACATAGATAAACAAAGTAGAAGCCCATAGAG	240585
Sbjct	97441	CTCAAAAATCCCTGAAAGAATTCCAGGAAAACATAGATAAACAAAGTAGAAGCCCATAGAG	97500
Query	240586	AGGAGTCACAAAAACCCCTGAAAGAATTCCAGGAAAACACAATCAAACAGTTGAAGGAATT	240645
Sbjct	97501	AGGAGTCACAAAAACCCCTGAAAGAATTCCAGGAAAACACAATCAAACAGTTGAAGGAATT	97560
Query	240646	AAAAATGGAAATAGAAGCAATCAAGAAAGAACACATGGAAACAACCCTGGACATAGAAAA	240705
Sbjct	97561	AAAAATGGAAATAGAAGCAATCAAGAAAGAACACATGGAAACAACCCTGGACATAGAAAA	97620
Query	240706	CCAAAAGAAGAGACAAGGAGCTGTAGATACAAGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATAGA	240765
Sbjct	97621	CCAAAAGAAGAGACAAGGAGCTGTAGATACAAGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATAGA	97680
Query	240766	AGAGAGAATCTCGGGAGCAGAAGATTCCATAGAAATCATTGACTCAACTCTCAAAGATAA	240825
Sbjct	97681	AGAGAGAATCTCGGGAGCAGAAGATTCCATAGAAATCATTGACTCAACTCTCAAAGATAA	97740
Query	240826	TGTAAAGCAGAAAAAGCTACTGGTCCAAAACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAG	240885
Sbjct	97741	TGTAAAGCAGAAAAAGCTACTGGTCCAAAACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAG	97800
Query	240886	ATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGT	240945
Sbjct	97801	ATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGT	97860
Query	240946	AAATATCTTCAACAAAATCATAACAAGAAAACCTCCCTAACCTaaaaaaGAGATGCCCAT	241005
Sbjct	97861	AAATATCTTCAACAAAATCATAACAAGAAAACCTCCCTAACCTAAAAAAGAGATGCCCAT	97920
Query	241006	AGCCATACAAGAAGCCTACAGAACAAATAGATTGGACCAGAAAAGAAACTCCTCCCGTCA	241065
Sbjct	97921	AGCCATACAAGAAGCCTACAGAACAAATAGATTGGACCAGAAAAGAAACTCCTCCCGTCA	97980
Query	241066	CATAATAGTcgaacacaaaaatgcaaaaaataaagaaagaatatataaaagcagtaagggg	241125
Sbjct	97981	CATAATAGTCGAAACACAAAATGCAAAAATAAAGAAAGAATATTAAAAGCAGTAAGGGA	98040
Query	241126	aaaagGTCAAGTAACATATAAAGGCAGACCGATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGA	241185
Sbjct	98041	AAAAGGTCAAGTAACATATAAAGGCAGACCGATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGA	98100
Query	241186	GACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACTGATGTCATACAGACCTAAGAGAACACAAATG	241245
Sbjct	98101	GACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACTGATGTCATACAGACCTAAGAGAACACAAATG	98160
Query	241246	CCAGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGAT	241305
Sbjct	98161	CCAGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGAT	98220
Query	241306	ATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAT	241365
Sbjct	98221	ATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAT	98280
Query	241366	AATAAAGGGTAAAGCCCAACATAAGGAGGCAAACTATACCTTAGAAGAAGCAAGAACTA	241425
Sbjct	98281	AATAAAGGGTAAAGCCCAACATAAGGAGGCAAACTATACCTTAGAAGAAGCAAGAACTA	98340
Query	241426	ATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAAT	241485
Sbjct	98341	ATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAAT	98400
Query	241486	ATGAATATAACAGGAAGCAATAATCACTATTCTTAAATATCTCTCAACATCAATGGCCTC	241545
Sbjct	98401	ATGAATATAACAGGAAGCAATAATCACTATTCTTAAATATCTCTCAACATCAATGGCCTC	98460
Query	241546	AACTCTCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAACGAAGACCCTGCAATC	241605
Sbjct	98461	AACTCTCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAACGAAGACCCTGCAATC	98520
Query	241606	TGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACAGACAAAGACAGACACTTGCTCAGAGTGAAAGG	241665
Sbjct	98521	TGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACAGACAAAGACAGACACTTGCTCAGAGTGAAAGG	98580
Query	241666	CTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAAT	241725
Sbjct	98581	CTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAAT	98640
Query	241726	ATCAAATAAAATCATTTTTCAACTAAAAGTCATCACAAAAGATAAGGAAGGACACTTCAT	241785
Sbjct	98641	ATCAAATAAAATCATTTTTCAACTAAAAGTCATCACAAAAGATAAGGAAGGACACTTCAT	98700

Query	241786	ATTCATCAAAGAAAGAAATCCACCAAGATGAACTCTCAATCCTAAATATGTATGCCCCAA	241845
Sbjct	98701	ATTCATCAAAGAAAGAAATCCACCAAGATGAACTCTCAATCCTAAATATGTATGCCCCAA	98760
Query	241846	ATACAAGGGCACCTACATATGTAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCAC	241905
Sbjct	98761	ATACAAGGGCACCTACATATGTAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCAC	98820
Query	241906	CTCACACAATAATAGTAGAAGACTTCAACACCCCCTCTCATCAAAGGACAGATCATGGA	241965
Sbjct	98821	CTCACACAATAATAGTAGAAGACTTCAACACCCCCTCTCATCAAAGGACAGATCATGGA	98880
Query	241966	AACAGAAATTAAACAGAGACGTAGACAGACTAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGACTTAG	242025
Sbjct	98881	AACAGAAATTAAACAGAGACGTAGACAGACTAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGACTTAG	98940
Query	242026	ATATTTATAGAACATTCTACCCTAAAGCAAAGGATATAACTTCTTCTCAGGTCCTCATG	242085
Sbjct	98941	ATATTTATAGAACATTCTACCCTAAAGCAAAGGATATAACTTCTTCTCAGGTCCTCATG	99000
Query	242086	GTACTTTCTCTAAAATTGACCATATAATTGGTCAAAAAACGGGCCTCAGCAGGTACAGAA	242145
Sbjct	99001	GTACTTTCTCTAAAATTGACCATATAATTGGTCAAAAAACGGGCCTCAGCAGGTACAGAA	99060
Query	242146	AGATAGAAATAATCCCATGCATGCTATAGGACCACCACGGCCTAAAACCTGGTCTTCAATA	242205
Sbjct	99061	AGATAGAAATAATCCCATGCATGCTATAGGACCACCACGGCCTAAAACCTGGTCTTCAATA	99120
Query	242206	ACAATAAGGGGAAGAATGCCACATATACGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGATA	242265
Sbjct	99121	ACAATAAGGGGAAGAATGCCACATATACGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGATA	99180
Query	242266	ACCTGGTCAAGGAAAAAATAAAGAAAGAAATTAAAGACTTTTTAGAATTTAATGAAAATG	242325
Sbjct	99181	ACCTGGTCAAGGAAAAAATAAAGAAAGAAATTAAAGACTTTTTAGAATTTAATGAAAATG	99240
Query	242326	AAGGTACACCATACCCAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACCTCA	242385
Sbjct	99241	AAGGTACACCATACCCAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACCTCA	99300
Query	242386	TAGCGCTGAGTGCTGCAGAAAGAAACAGGAGAGAGCATATGTCACCAGCTTGACAGCAC	242445
Sbjct	99301	TAGCGCTGAGTGCTGCAGAAAGAAACAGGAGAGAGCATATGTCACCAGCTTGACAGCAC	99360
Query	242446	ACCTAAAAGCTCTAGAACAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGGCAGGAAA	242505
Sbjct	99361	ACCTAAAAGCTCTAGAACAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGGCAGGAAA	99420
Query	242506	TAATCAAACCTCGGAGCTGAAATCAACCAAGTAGGAACAAAAAGGACTACACAAAGAATCA	242565
Sbjct	99421	TAATCAAACCTCGGAGCTGAAATCAACCAAGTAGGAACAAAAAGGACTACACAAAGAATCA	99480
Query	242566	ACAGAACCAAATTTGGTTCCTTTGAGGAAATCAACAAGATAGATAAACCCCTTAGCAAGACT	242625
Sbjct	99481	ACAGAACCAAATTTGGTTCCTTTGAGGAAATCAACAAGATAGATAAACCCCTTAGCAAGACT	99540
Query	242626	AACCAGAGGACACAGAGAGTGTATCAAAATTAACAAAAACAGAAATGAAAAGGGAGACAT	242685
Sbjct	99541	AACCAGAGGACACAGAGAGTGTATCAAAATTAACAAAAACAGAAATGAAAAGGGAGACAT	99600
Query	242686	AACTACAGATTCAGAGGAAATTCAAAAATCATCAGATCTTACTATAAAAGCCTTTATTC	242745
Sbjct	99601	AACTACAGATTCAGAGGAAATTCAAAAATCATCAGATCTTACTATAAAAGCCTTTATTC	99660
Query	242746	AACAAAACCTTGAAAATCTGCAGGAAATGGACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTACCGAA	242805
Sbjct	99661	AACAAAACCTTGAAAATCTGCAGGAAATGGACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTACCGAA	99720
Query	242806	GTTAAATCAGGAACAGATAAACACAGTTAAACAACCCCATAACTCCTAAGGAAATAGAAGC	242865
Sbjct	99721	GTTAAATCAGGAACAGATAAACACAGTTAAACAACCCCATAACTCCTAAGGAAATAGAAGC	99780
Query	242866	AGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCCAGGTCCAGACGGGTTTAGTGCAGAATT	242925
Sbjct	99781	AGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCCAGGTCCAGACGGGTTTAGTGCAGAATT	99840
Query	242926	CTATCAAACCTTCATAGAAGACCTCATACCAATATTATCCAACTATTCCACAAAATTGA	242985
Sbjct	99841	CTATCAAACCTTCATAGAAGACCTCATACCAATATTATCCAACTATTCCACAAAATTGA	99900
Query	242986	AACAGATGGAGCCCTACCGAATTCTTCTATGAAGCCACAATTACTCTTATACCTAAACC	243045
Sbjct	99901	AACAGATGGAGCCCTACCGAATTCTTCTATGAAGCCACAATTACTCTTATACCTAAACC	99960
Query	243046	ACACAAAGACCCAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTAATGAATATCGGTGC	243105
Sbjct	99961	ACACAAAGACCCAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTAATGAATATCGGTGC	100020
Query	243106	AAAAATACTCAATAAAATTTCTGGCAAACCGAATCCAAGAGCACATCGAAACAATCATCCA	243165

Sbjct	100021	AAAAATACTCAATAAAATTCTGGCAAACCGAATCCAAGAGCACATCGAAACAATCATCCA	100080
Query	243166	CCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATGGTTTAATATAAGGAAAACCAT	243225
Sbjct	100081	CCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATGGTTTAATATAAGGAAAACCAT	100140
Query	243226	CAACGTGATCCATTATATAAAACAACTGAAAGAACAAAACCACATAATCATTTCATTAGA	243285
Sbjct	100141	CAACGTGATCCATTATATAAAACAACTGAAAGAACAAAACCACATAATCATTTCATTAGA	100200
Query	243286	TGCTGAGAAAGCATTTGACAAAATTCAACACCCCTTCATGATAAAAGTCCTGGAAAGAAT	243345
Sbjct	100201	TGCTGAGAAAGCATTTGACAAAATTCAACACCCCTTCATGATAAAAGTCCTGGAAAGAAT	100260
Query	243346	AGGAATTCAAGGCCCATACCTAAACATAGTAAAAGCCATATACAGCAAACCAGTTGCTAA	243405
Sbjct	100261	AGGAATTCAAGGCCCATACCTAAACATAGTAAAAGCCATATACAGCAAACCAGTTGCTAA	100320
Query	243406	CATTAAACTAAATGGAGAGAACTTGAAGCAATCCCATAAAATCAGGGACTAGACAAGG	243465
Sbjct	100321	CATTAAACTAAATGGAGAGAACTTGAAGCAATCCCATAAAATCAGGGACTAGACAAGG	100380
Query	243466	CTGCCCACTCTCTCCCTACTTATTCAATATAGTTCTTGAAGTTCTAGCCAGAGCAATCAG	243525
Sbjct	100381	CTGCCCACTCTCTCCCTACTTATTCAATATAGTTCTTGAAGTTCTAGCCAGAGCAATCAG	100440
Query	243526	ACAACAAAAGGAGGTCAAGGGGATACAGATCAGAAAAGAAGTCAAATATCACTATTTGC	243585
Sbjct	100441	ACAACAAAAGGAGGTCAAGGGGATACAGATCAGAAAAGAAGTCAAATATCACTATTTGC	100500
Query	243586	AGATAATATGATAGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCCACCAGAGAACTACTAAAGCT	243645
Sbjct	100501	AGATAATATGATAGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCCACCAGAGAACTACTAAAGCT	100560
Query	243646	GATAGACAACCTTCAGCAAAGTGGCTGGGTATAAAATTAACCTCAAATAAATCAGTAGCCTT	243705
Sbjct	100561	GATAGACAACCTTCAGCAAAGTGGCTGGGTATAAAATTAACCTCAAATAAATCAGTAGCCTT	100620
Query	243706	CCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAACTACACCCTTCATAAT	243765
Sbjct	100621	CCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAACTACACCCTTCATAAT	100680
Query	243766	AGACCCAAATAATATAAAGTACCTCGGTGTGACTTTAACCAAGCAAGTAAAAGATCTGTA	243825
Sbjct	100681	AGACCCAAATAATATAAAGTACCTCGGTGTGACTTTAACCAAGCAAGTAAAAGATCTGTA	100740
Query	243826	CAATAAGAACCTCAAGACACTGAAGAAGGAAATTGAAGAAGACCTCAGAAGATGGAAAGA	243885
Sbjct	100741	CAATAAGAACCTCAAGACACTGAAGAAGGAAATTGAAGAAGACCTCAGAAGATGGAAAGA	100800
Query	243886	TATTCCATGCTCATGGATTGGCAGGATTAATATAGTAAAAGTGGCCATTTTACCAAAAGC	243945
Sbjct	100801	TATTCCATGCTCATGGATTGGCAGGATTAATATAGTAAAAGTGGCCATTTTACCAAAAGC	100860
Query	243946	AATCTACAGATTCAATGCAATCCCATCAAATAACCGATCCCATTCTTCAAAGAGTTAGA	244005
Sbjct	100861	AATCTACAGATTCAATGCAATCCCATCAAATAACCGATCCCATTCTTCAAAGAGTTAGA	100920
Query	244006	CAAAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCCAGGATAGCTAAAGCTATCCT	244065
Sbjct	100921	CAAAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCCAGGATAGCTAAAGCTATCCT	100980
Query	244066	CAACAATAAAAGGACTTTAGAGGGAATCACTATCCCTGAACTCAAGCAGTATTACAGAGC	244125
Sbjct	100981	CAACAATAAAAGGACTTTAGAGGGAATCACTATCCCTGAACTCAAGCAGTATTACAGAGC	101040
Query	244126	AATAGTGATAAAAACTGCATGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAATGGAATAG	244185
Sbjct	101041	AATAGTGATAAAAACTGCATGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAATGGAATAG	101100
Query	244186	AATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGTCACTTGATTTTGGACAAAGGAGC	244245
Sbjct	101101	AATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGTCACTTGATTTTGGACAAAGGAGC	101160
Query	244246	CAAAACCATCCAATGGAAGAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAACTGGAG	244305
Sbjct	101161	CAAAACCATCCAATGGAAGAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAACTGGAG	101220
Query	244306	GTCAACATGTAGAAAAATGAAGATCGATCCATGCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTC	244365
Sbjct	101221	GTCAACATGTAGAAAAATGAAGATCGATCCATGCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTC	101280
Query	244366	CAAGTGATCAAGGACCTCCACATCAAACCTAGACACACTCAAACCTAATAGAAGAAAACT	244425
Sbjct	101281	CAAGTGATCAAGGACCTCCACATCAAACCTAGACACACTCAAACCTAATAGAAGAAAACT	101340
Query	244426	AGGGAAGCATTTGGAACACATGGGCACTGGAAAAAATTTCTGAACAAAACACCAATGGC	244485
Sbjct	101341	AGGGAAGCATTTGGAACACATGGGCACTGGAAAAAATTTCTGAACAAAACACCAATGGC	101400

Query	244486	TTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAATGGGATCTCATAAACTGCAAAGCTTCTGTAA	244545
Sbjct	101401	TTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAATGGGATCTCATAAACTGCAAAGCTTCTGTAA	101460
Query	244546	GGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAACCGGCAACCAACAGATTGGGAAAAGATCTTTAC	244605
Sbjct	101461	GGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAACCGGCAACCAACAGATTGGGAAAAGATCTTTAC	101520
Query	244606	CAATCCTACAACAGATAGAGGCCTTATATCCAAAATATACAAAGAACTCAAGAAGTTAGA	244665
Sbjct	101521	CAATCCTACAACAGATAGAGGCCTTATATCCAAAATATACAAAGAACTCAAGAAGTTAGA	101580
Query	244666	CCGCAGGGAGTCAAATAACCCCTATTAATAATAGGGTTCAGAGCTAAACAAAGAATTTCGCA	244725
Sbjct	101581	CCGCAGGGAGTCAAATAACCCCTATTAATAATAGGGTTCAGAGCTAAACAAAGAATTTCGCA	101640
Query	244726	GCTGAGGAATGCCGAATGGCTGAGAAACACCTAAAGAAATGTTCAACATCTTTAGTCATA	244785
Sbjct	101641	GCTGAGGAATGCCGAATGGCTGAGAAACACCTAAAGAAATGTTCAACATCTTTAGTCATA	101700
Query	244786	AGGGAAATGCAAATCAAAATAACCCCTGAGATTTACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAG	244845
Sbjct	101701	AGGGAAATGCAAATCAAAATAACCCCTGAGATTTACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAG	101760
Query	244846	ATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTGGTGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTC	244905
Sbjct	101761	ATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTGGTGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTC	101820
Query	244906	CATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTGCTC	244965
Sbjct	101821	CATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTGCTC	101880
Query	244966	AGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGATGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATAC	245025
Sbjct	101881	AGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGATGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATAC	101940
Query	245026	CCAAAAGATGCCTCAACATATAAAAGAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATCGCAGCCTTA	245085
Sbjct	101941	CCAAAAGATGCCTCAACATATAAAAGAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATCGCAGCCTTA	102000
Query	245086	TTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAG	245145
Sbjct	102001	TTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAG	102060
Query	245146	AAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTTATG	245205
Sbjct	102061	AAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTTATG	102120
Query	245206	AAATTCGTAGGCAAATGGTCAGAACTGGAAAACATCATCCTGAGTGAGGTAAACACAATTA	245265
Sbjct	102121	AAATTCGTAGGCAAATGGTCAGAACTGGAAAACATCATCCTGAGTGAGGTAAACACAATTA	102180
Query	245266	CAGAAAAACACACATGGTATGCACTCATTGATAAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAAT	245325
Sbjct	102181	CAGAAAAACACACATGGTATGCACTCATTGATAAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAAT	102240
Query	245326	TACCCTAGATGTCTAGAACAAATGAAACTCAAGATGGATGATCAAAATGGGAATGCTTCA	245385
Sbjct	102241	TACCCTAGATGTCTAGAACAAATGAAACTCAAGATGGATGATCAAAATGGGAATGCTTCA	102300
Query	245386	CTCCTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAA	245445
Sbjct	102301	CTCCTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAA	102360
Query	245446	AACAGAGACTGAAGGAACACCCATTGAGAGCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACA	245505
Sbjct	102361	AACAGAGACTGAAGGAACACCCATTGAGAGCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACA	102420
Query	245506	GCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGGCCGACAGGAGCCGGATGT	245565
Sbjct	102421	GCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGGCCGACAGGAGCCGGATGT	102480
Query	245566	AGATCTCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAACACAGAAGCGAATGCCAGCAGCA	245625
Sbjct	102481	AGATCTCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAACACAGAAGCGAATGCCAGCAGCA	102540
Query	245626	AACCACTGAACTGAGAACGGGACCCCGTTGTAGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCT	245685
Sbjct	102541	AACCACTGAACTGAGAACGGGACCCCGTTGTAGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCT	102600
Query	245686	TGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGCCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACT	245745
Sbjct	102601	TGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGCCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACT	102660
Query	245746	AAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGATCTGACCCCATAGGTAGCAAT	245805
Sbjct	102661	AAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGATCTGACCCCATAGGTAGCAAT	102720
Query	245806	GAATATCCTAGTAAGATCACCAAGTGAAGGGGAAGCCCTGGGTCCTGCTATGACTGAACC	245865



Sbjct	102721	GAATATCCTAGTAAGATCACCAGTGGGAAGGCCCTGGGTCTGCTATGACTGAACC	102780
Query	245866	CCCAGTGAATGTGATTGTtgggtggagggcggaatggggggaggatggggaggggaaca	245925
Sbjct	102781	CCCAGTGAATGTGATTGTTGGGTGGAGGGCGGCAATGGGGGGAGGATGGGGAGGGGAACA	102840
Query	245926	gacatagagaagggagggggaggggTTAGTGGGTTGTTGGCTTGGAAACCTGGAAAGGGA	245985
Sbjct	102841	GACATAGAGAAGGGAGGGGGAGGGGTTAGTGGGTTGTTGGCTTGGAAACCTGGAAAGGGA	102900
Query	245986	ATAACACTCGAAATGTATATAAGAAATACTCAAGTTAATaaaaaaaaaagaaagaaagaa	246045
Sbjct	102901	ATAACACTCGAAATGTATATAAGAAATACTCAAGTTAATAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAA	102960
Query	246046	agaaaagaaaacctccaaactaaaaaaaaagTCCAGGACCAGATGGATTTAGTTCAGAATT	246105
Sbjct	102961	AGAAAAGAAAACCTCCAAACTAAAAAAGTCCAGGACCAGATGGATTTAGTTCAGAATT	103020
Query	246106	CCACCAGACCTTCAAAGAAGACCTAATACCAATATCTTCAAACCTACTCCATAAAATAGAA	246165
Sbjct	103021	CCACCAGACCTTCAAAGAAGACCTAATACCAATATCTTCAAACCTACTCCATAAAATAGAA	103080
Query	246166	ACAGAAGGAACATTACCTAATTCATTCTATGAAGCCACAATTACTCTGACAACTAAACCA	246225
Sbjct	103081	ACAGAAGGAACATTACCTAATTCATTCTATGAAGCCACAATTACTCTGACAACTAAACCA	103140
Query	246226	CACTAGGACCCTACCGAAAAAGAGAACTTCAGACCAATCTCACTTATGAATGTCAGTGCA	246285
Sbjct	103141	CACTAGGACCCTACCGAAAAAGAGAACTTCAGACCAATCTCACTTATGAATGTCAGTGCA	103200
Query	246286	AAAATATTCAATAAAATTCTTGCAAACCTGAATACAAGAGCACATTTAAACCATCATTAC	246345
Sbjct	103201	AAAATATTCAATAAAATTCTTGCAAACCTGAATACAAGAGCACATTTAAACCATCATTAC	103260
Query	246346	CATGATCAAGTAGCCTTCATCCCAGGGAAGCAAGGTCGGTTTAAATATACGGAAATCCATT	246405
Sbjct	103261	CATGATCAAGTAGCCTTCATCCCAGGGAAGCAAGGTCGGTTTAAATATACGGAAATCCATT	103320
Query	246406	AATATAATCCATATAAACAAACTCAAAGaaaaaaaTCACATGGTCATCTTTTtagatgca	246465
Sbjct	103321	AATATAATCCATATAAACAAACTCAAAGAAAAAATCACATGGTCATCTTTTtagatgca	103380
Query	246466	GAAAAAGCATTTGACAAAGTACAACAACACTTCATGTTAAAAGTATTGGAAAGATCAGGA	246525
Sbjct	103381	GAAAAAGCATTTGACAAAGTACAACAACACTTCATGTTAAAAGTATTGGAAAGATCAGGA	103440
Query	246526	GTTTCGAGGCCATCCCTAAACATAATAAAAGCAATTTTCTGCGAACCAATAACCAATATC	246585
Sbjct	103441	GTTTCGAGGCCATCCCTAAACATAATAAAAGCAATTTTCTGCGAACCAATAACCAATATC	103500
Query	246586	AAATTAAATGAAGAGATACTTGAAGCAATCCCCTAAAAATCTGGGACAAGACAAGGATG	246645
Sbjct	103501	AAATTAAATGAAGAGATACTTGAAGCAATCCCCTAAAAATCTGGGACAAGACAAGGATG	103560
Query	246646	CCCACTCTCCTCATATCTATTCAATGTAGTACTAGAAGTGCTAGCTAGAAAAATAAGCCA	246705
Sbjct	103561	CCCACTCTCCTCATATCTATTCAATGTAGTACTAGAAGTGCTAGCTAGAAAAATAAGCCA	103620
Query	246706	ACAAAAAGAAATTAAGGGGATATAAATTGGAAATGAAGAATTAAGGTATGCCTATTTGC	246765
Sbjct	103621	ACAAAAAGAAATTAAGGGGATATAAATTGGAAATGAAGAATTAAGGTATGCCTATTTGC	103680
Query	246766	AGATGATATAATACTATACAAAAATGACCCCAAAAATTCTACCATAGAACTTCTCCAGCT	246825
Sbjct	103681	AGATGATATAATACTATACAAAAATGACCCCAAAAATTCTACCATAGAACTTCTCCAGCT	103740
Query	246826	GATAAACAACCTCTGCAAAGTGGCTGTATATAAAATTAACACAATTAAATCCGTATCCTT	246885
Sbjct	103741	GATAAACAACCTCTGCAAAGTGGCTGTATATAAAATTAACACAATTAAATCCGTATCCTT	103800
Query	246886	CCTTTATACAAAGGATAAACAGACTAAAAAAGAAATTAGGGAAACAATTCTCTTTTCAAT	246945
Sbjct	103801	CCTTTATACAAAGGATAAACAGACTAAAAAAGAAATTAGGGAAACAATTCTCTTTTCAAT	103860
Query	246946	AGTACAGATAATATAAAAAATCTTGGGGTAATTCTAACCAAACAAGTGAAAGACCTTTA	247005
Sbjct	103861	AGTACAGATAATATAAAAAATCTTGGGGTAATTCTAACCAAACAAGTGAAAGACCTTTA	103920
Query	247006	TGATAAAAACCTCAAGTCTATCAAGAAAGAAATCCAAGAAGATCTCAGAAAATGGAGAGA	247065
Sbjct	103921	TGATAAAAACCTCAAGTCTATCAAGAAAGAAATCCAAGAAGATCTCAGAAAATGGAGAGA	103980
Query	247066	TCTCCCATGCTCATGGATTAGCAGAATTAACAGTAAAAATGGCCATCCTACCGAAGGAAA	247125
Sbjct	103981	TCTCCCATGCTCATGGATTAGCAGAATTAACAGTAAAAATGGCCATCCTACCGAAGGAAA	104040
Query	247126	TCTACAGATTCAATGTAATCCCATCGAAATTCCAACATAATTCTTCAAACATATAGAAA	247185
Sbjct	104041	TCTACAGATTCAATGTAATCCCATCGAAATTCCAACATAATTCTTCAAACATATAGAAA	104100

Query	247186	GAGCAAAAATCAAGTTCATCTGGAAAAACCCAGAATAGAGAAAACAATTCTAAACAATAA	247245
Sbjct	104101	GAGCAAAAATCAAGTTCATCTGGAAAAACCCAGAATAGAGAAAACAATTCTAAACAATAA	104160
Query	247246	AAGAATGGCTAGGGGAATCACCTCAAAAATCACCTCAGAGCTTGACCTCAAGCTCTACTA	247305
Sbjct	104161	AAGAATGGCTAGGGGAATCACCTCAAAAATCACCTCAGAGCTTGACCTCAAGCTCTACTA	104220
Query	247306	CAGAACAATAGTAGTAGATAGAACTGCATGGTATTGGTACAGAAACAGACTGTTGGTCA	247365
Sbjct	104221	CAGAACAATAGTAGTAGATAGAACTGCATGGTATTGGTACAGAAACAGACTGTTGGTCA	104280
Query	247366	ATGGAATAGAAATTGAAGACCCAAAAATAAAACCACACACTTTGCACACTTGGTCTTTGAC	247425
Sbjct	104281	ATGGAATAGAAATTGAAGACCCAAAAATAAAACCACACACTTTGCACACTTGGTCTTTGAC	104340
Query	247426	AAAGAAGCCAAAAATATACAATGGAAAAAGAAAGCATCTTCAATAAATGGTGCTGGTCT	247485
Sbjct	104341	AAAGAAGCCAAAAATATACAATGGAAAAAGAAAGCATCTTCAATAAATGGTGCTGGTCT	104400
Query	247486	GACTGAGTGTGTATGTAGAAAAATGAAAATAGACCCATATTTGTCACCATGCACAAAGCT	247545
Sbjct	104401	GACTGAGTGTGTATGTAGAAAAATGAAAATAGACCCATATTTGTCACCATGCACAAAGCT	104460
Query	247546	CAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCAACATAAAACCAGATACAATGAATTTAATACAAGA	247605
Sbjct	104461	CAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCAACATAAAACCAGATACAATGAATTTAATACAAGA	104520
Query	247606	GAAAGTGGGAAAGAGCCTTGAAGTCAATGGCACAGGGGAAATTTCTTAACAGAACTCCA	247665
Sbjct	104521	GAAAGTGGGAAAGAGCCTTGAAGTCAATGGCACAGGGGAAATTTCTTAACAGAACTCCA	104580
Query	247666	ATGGCTCATGCTCTACTATTAAGAATTGATAATGGAACCTCAGGAACTGGAAAGCTTCT	247725
Sbjct	104581	ATGGCTCATGCTCTACTATTAAGAATTGATAATGGAACCTCAGGAACTGGAAAGCTTCT	104640
Query	247726	GTGGGGCAAAGACATAGTCAATAAGACAAATTGGCATCCTACAGATTGAGaaaaaaaTCT	247785
Sbjct	104641	GTGGGGCAAAGACATAGTCAATAAGACAAATTGGCATCCTACAGATTGAGAAAAAAATCT	104700
Query	247786	TCCTAATACCCACATCTGATAGAGGGCTGATATCCAAAATATATAAAGAACTCAAGAAGC	247845
Sbjct	104701	TCCTAATACCCACATCTGATAGAGGGCTGATATCCAAAATATATAAAGAACTCAAGAAGC	104760
Query	247846	TTACTACCAATAAAACCAATGACCCAATCAAAAAATGGGGTATAGAACTAAACAGAGTATT	247905
Sbjct	104761	TTACTACCAATAAAACCAATGACCCAATCAAAAAATGGGGTATAGAACTAAACAGAGTATT	104820
Query	247906	CAGAATAGAGGAATCTTAAATGGGTGAGAAGCACCTAAAGTTATGTTCAAAGCCCTTAGT	247965
Sbjct	104821	CAGAATAGAGGAATCTTAAATGGGTGAGAAGCACCTAAAGTTATGTTCAAAGCCCTTAGT	104880
Query	247966	GATCAGAGGAAGTCAAATCACAACAACCTGAAATTCTACCTTTCAGAATGGCTAAGATC	248025
Sbjct	104881	GATCAGAGGAAGTCAAATCACAACAACCTGAAATTCTACCTTTCAGAATGGCTAAGATC	104940
Query	248026	AAAGCCTCAGGTGACAACACATGTTGGCAAGGATGTGGAGCAAGGGGAACACTCCTCCAT	248085
Sbjct	104941	AAAGCCTCAGGTGACAACACATGTTGGCAAGGATGTGGAGCAAGGGGAACACTCCTCCAT	105000
Query	248086	TGTTGGTGAGATTGCAAACCTGATACAACATCTCTGGAAATCAGTCTAGAGGTTCTCTAGA	248145
Sbjct	105001	TGTTGGTGAGATTGCAAACCTGATACAACATCTCTGGAAATCAGTCTAGAGGTTCTCTAGA	105060
Query	248146	AAATTGGAAGTAGACCTAATTAAGGACCCAGAAATAACACTCTTGGAATATACCCCAAA	248205
Sbjct	105061	AAATTGGAAGTAGACCTAATTAAGGACCCAGAAATAACACTCTTGGAATATACCCCAAA	105120
Query	248206	GATGTACCACTGTGCCACAGGGGCAGATGTTCTATGTTTCACAGCACCTTATTTGTGATA	248265
Sbjct	105121	GATGTACCACTGTGCCACAGGGGCAGATGTTCTATGTTTCACAGCACCTTATTTGTGATA	105180
Query	248266	GCCAGAAGCTGGAAACAATGCAGATGTCTTATGACAGAAAGGATAAAGAAAATGTGGTTC	248325
Sbjct	105181	GCCAGAAGCTGGAAACAATGCAGATGTCTTATGACAGAAAGGATAAAGAAAATGTGGTTC	105240
Query	248326	ATTTACACAATGGAATACTACTCAGTTATTAAGAACGAGGACATCCTGAGTTTTGCAGGC	248385
Sbjct	105241	ATTTACACAATGGAATACTACTCAGTTATTAAGAACGAGGACATCCTGAGTTTTGCAGGC	105300
Query	248386	AAATGGAGGGAACTATAAAATGTCATCCTGAGTGAGGTAACCTAGAACCAAACGGACATG	248445
Sbjct	105301	AAATGGAGGGAACTATAAAATGTCATCCTGAGTGAGGTAACCTAGAACCAAACGGACATG	105360
Query	248446	CATAGCGTGGTCTCAATAATACATAGATATGAACCCCCACCCAAAAACGTACAGAATAC	248505
Sbjct	105361	CATAGCGTGGTCTCAATAATACATAGATATGAACCCCCACCCAAAAACGTACAGAATAC	105420
Query	248506	CCAAGATACAATCTGTAGAACTCCAAAAGGTCAACAAGCTGAAGGGCCCAAGTGAGGACT	248565

Sbjct	105421	CCAAGATACAATCTGTAGAACTCCAAAAGGTCAACAAGCTGAAGGGCCCAAGTGAGGACT	105480
Query	248566	CCTCAATCCCACCTTgggggggggAGAAGAAAGCAACCACAaggggaaatggagggagcac	248625
Sbjct	105481	CCTCAATCCCACCTTGGGGGGGGGAGAAGAAAGCAACCACAAGGGGAAATGGAGGGAGCAC	105540
Query	248626	agtggagggaaaggagatgaggggaaggggagaggggaaCATGATCTAATATCAGTGGGG	248685
Sbjct	105541	AGTGGAGGGAAAGGAGATGAGGGGAAGGGGAGAGGGGAACATGATCTAATATCAGTGGGG	105600
Query	248686	GAAAAGGACTGAAACCCCTGCAGAATGAAAGGAAACAGGCAACTTTGGGAAGGAGAAGTTT	248745
Sbjct	105601	GAAAAGGACTGAAACCCCTGCAGAATGAAAGGAAACAGGCAACTTTGGGAAGGAGAAGTTT	105660
Query	248746	GGGAAGATCCTCTAGAATGTAGCAGAGACCTTGGAAGTGAGAGACTCTCAGGACTCAAAG	248805
Sbjct	105661	GGGAAGATCCTCTAGAATGTAGCAGAGACCTTGGAAGTGAGAGACTCTCAGGACTCAAAG	105720
Query	248806	GGAGGACCCAGATGAAAGATTCTACAGTGGGGAGAGGAAACTTATTGAGCCACCTCCA	248865
Sbjct	105721	GGAGGACCCAGATGAAAGATTCTACAGTGGGGAGAGGAAACTTATTGAGCCACCTCCA	105780
Query	248866	GCAAAAACACAGGGTACCAAGCGAGGGATGGGGTTACTACTCCATAGCCAAAAACTTTGA	248925
Sbjct	105781	GCAAAAACACAGGGTACCAAGCGAGGGATGGGGTTACTACTCCATAGCCAAAAACTTTGA	105840
Query	248926	CCCAATGCAGGGATGAAAATGGAGAAGAGCCTGAGGAAAAGAAGGTCTAGCGACAGGCCC	248985
Sbjct	105841	CCCAATGCAGGGATGAAAATGGAGAAGAGCCTGAGGAAAAGAAGGTCTAGCGACAGGCCC	105900
Query	248986	AAAGTGGGCAACAGCTCAACAGGAGTTCCAGGATCTGACACCATTACTGAAGCTATGTG	249045
Sbjct	105901	AAAGTGGGCAACAGCTCAACAGGAGTTCCAGGATCTGACACCATTACTGAAGCTATGTG	105960
Query	249046	GCATTAATAAAAAGAGACCTACCGTGACTGCTCTCCAAGTACTCAACAAGCAGCTGAAA	249105
Sbjct	105961	GCATTAATAAAAAGAGACCTACCGTGACTGCTCTCCAAGTACTCAACAAGCAGCTGAAA	106020
Query	249106	GAGTCAGATACAGATATGTGCACCCAAACAATGAACAGAAGCTGCTGACCCCTCTGGCTG	249165
Sbjct	106021	GAGTCAGATACAGATATGTGCACCCAAACAATGAACAGAAGCTGCTGACCCCTCTGGCTG	106080
Query	249166	AAATAGGGAAAAACTGGAGGAAGCTGAGGAAGAGGGGACCTGTAGCAGAACCAGCAGT	249225
Sbjct	106081	AAATAGGGAAAAACTGGAGGAAGCTGAGGAAGAGGGGACCTGTAGCAGAACCAGCAGT	106140
Query	249226	CTCAATTAACCTGGACCCCTGTGATCTCTCAGACACTGGATCACCAACCAGGTAGAATAC	249285
Sbjct	106141	CTCAATTAACCTGGACCCCTGTGATCTCTCAGACACTGGATCACCAACCAGGTAGAATAC	106200
Query	249286	ACCAGCTGAGATGAGGTCTCCAACACATATATAGCAGAGGACTCCCAGGACTCTCTGGGT	249345
Sbjct	106201	ACCAGCTGAGATGAGGTCTCCAACACATATATAGCAGAGGACTCCCAGGACTCTCTGGGT	106260
Query	249346	TCAGCCAGAGAAGAAGCATCTAACCTTCAAGAGACTGGAGGCCTCAGGAATTTTAGAAGT	249405
Sbjct	106261	TCAGCCAGAGAAGAAGCATCTAACCTTCAAGAGACTGGAGGCCTCAGGAATTTTAGAAGT	106320
Query	249406	TTGGTGAGGTGGGTGGGGCCGGGAATAGAGACATCCTTGTggggatggagggcagggga	249465
Sbjct	106321	TTGGTGAGGTGGGTGGGGCCGGGAATAGAGACATCCTTGTGGGGATGGAGGGCAGGGGA	106380
Query	249466	gaggaaggagaaagaaaggggagagggaaagggtagggaggaggTATGGGATGTGGATCA	249525
Sbjct	106381	GAGGAAGGAGAAAGAAAGGGGAGAGGGAAAGGGTAGGGAGGAGGTATGGGATGTGGATCA	106440
Query	249526	CTTGGGATGGTGAACCTGGAAGGGAATTAAATCTGGAGTATaaaaagaaagaaagaaagaa	249585
Sbjct	106441	CTTGGGATGGTGAACCTGGAAGGGAATTAAATCTGGAGTATAAAAAGAAAGAAAGAAAGAA	106500
Query	249586	agaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaaagaa	249645
Sbjct	106501	AGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAA	106560
Query	249646	ggaagggaaggaaagaaTAAATTCAATAAACAAACCGCATTTCTGTTAAGATGTCCTTAGA	249705
Sbjct	106561	GGAAGGAAGGAAAGAAATAAATTCAATAAACAAACCGCATTTCTGTTAAGATGTCCTTAGA	106620
Query	249706	AAGCAGTATTCAAAAGTCTACAGTGCATAGCTTTGAAGGTTTTAGAGTCTGCCCTTCTG	249765
Sbjct	106621	AAGCAGTATTCAAAAGTCTACAGTGCATAGCTTTGAAGGTTTTAGAGTCTGCCCTTCTG	106680
Query	249766	ACTAGTGAAGACCGTTTATTATATTCCATAGTTTACAGCATCAGACTGCCCAATGAGTAT	249825
Sbjct	106681	ACTAGTGAAGACCGTTTATTATATTCCATAGTTTACAGCATCAGACTGCCCAATGAGTAT	106740
Query	249826	ATTCTGTTTTCCAGAACAAAAAGCTTCCACAGACTCCATCTTCCAAGAACACATTGTAA	249885
Sbjct	106741	ATTCTGTTTTCCAGAACAAAAAGCTTCCACAGACTCCATCTTCCAAGAACACATTGTAA	106800

Query	249886	CCAGCTGTTTACAGACTACATATCCAAACTGTCCAGACTCAACAATACTCTAAACTGTTC	249945
Sbjct	106801	CCAGCTGTTTACAGACTACATATCCAAACTGTCCAGACTCAACAATACTCTAAACTGTTC	106860
Query	249946	AGTGTCTCTTACGTCTGACTTCCTTAAGCCAGAACATCTTTCTATCTACAGGCCACAGTT	250005
Sbjct	106861	AGTGTCTCTTACGTCTGACTTCCTTAAGCCAGAACATCTTTCTATCTACAGGCCACAGTT	106920
Query	250006	TGAGACTTTTATAGCTTCCAAAGAATCACAGTGCTAAGATCCTGTGGGGTCTGATTACCTA	250065
Sbjct	106921	TGAGACTTTTATAGCTTCCAAAGAATCACAGTGCTAAGATCCTGTGGGGTCTGATTACCTA	106980
Query	250066	TATGTTCTGACTCTCCACAGTCCATAGATTCTGTCTATGTGCTGGAAGCTTCAATCTTTCT	250125
Sbjct	106981	TATGTTCTGACTCTCCACAGTCCATAGATTCTGTCTATGTGCTGGAAGCTTCAATCTTTCT	107040
Query	250126	GGAGCCTAGATGTTCCAAATGCCTGGAGCACACACTAGATAAGTATTCAAGCTCACACTT	250185
Sbjct	107041	GGAGCCTAGATGTTCCAAATGCCTGGAGCACACACTAGATAAGTATTCAAGCTCACACTT	107100
Query	250186	TTAAAAATATTACAGAGTAATAGCACCCCTAGCACCTTACTTTCCCTTGAGACTCTGCAGCTT	250245
Sbjct	107101	TTAAAAATATTACAGAGTAATAGCACCCCTAGCACCTTACTTTCCCTTGAGACTCTGCAGCTT	107160
Query	250246	CCAAAATGCCCAACCACACCACTTCTGGTTATCCAGAGGCCACAACATAGTCTTGAAGTGA	250305
Sbjct	107161	CCAAAATGCCCAACCACACCACTTCTGGTTATCCAGAGGCCACAACATAGTCTTGAAGTGA	107220
Query	250306	GCAGAGCCCCAAGCATTCAATGTGTACAGACAGCAGAGACTGTCAGTTGAGAACTGAGTG	250365
Sbjct	107221	GCAGAGCCCCAAGCATTCAATGTGTACAGACAGCAGAGACTGTCAGTTGAGAACTGAGTG	107280
Query	250366	CTTTACTATGCAGATTCCACAGTGTTTGACTGAATAGAGTCAGCAGTGTCTGACTTTTCT	250425
Sbjct	107281	CTTTACTATGCAGATTCCACAGTGTTTGACTGAATAGAGTCAGCAGTGTCTGACTTTTCT	107340
Query	250426	GAAACCACAGCATTAAATTGCTCCTAGGTCTACTATGTAGAAAGCATAAGGCTGTTTCAGA	250485
Sbjct	107341	GAAACCACAGCATTAAATTGCTCCTAGGTCTACTATGTAGAAAGCATAAGGCTGTTTCAGA	107400
Query	250486	TCACAAGTCTTTGGAAGTTCAGAGATGACAGCTTTAGAGATAGCTCTGGGTTGCAGCCCA	250545
Sbjct	107401	TCACAAGTCTTTGGAAGTTCAGAGATGACAGCTTTAGAGATAGCTCTGGGTTGCAGCCCA	107460
Query	250546	GAGGCTGCATCTTCAAAGATACCACAGATTCTAATATCCAGAACTTATAGTATCTGAGTT	250605
Sbjct	107461	GAGGCTGCATCTTCAAAGATACCACAGATTCTAATATCCAGAACTTATAGTATCTGAGTT	107520
Query	250606	TCCAGAAGCAATGTACATGACTCTCTAAAGCTTATATCTTCCCTCTGCCCATAGAAATA	250665
Sbjct	107521	TCCAGAAGCAATGTACATGACTCTCTAAAGCTTATATCTTCCCTCTGCCCATAGAAATA	107580
Query	250666	AGTGACTAGTGTCCATATACCATAAACATTTGACTTTTCACTGTGCCACAATTCAAGTCTT	250725
Sbjct	107581	AGTGACTAGTGTCCATATACCATAAACATTTGACTTTTCACTGTGCCACAATTCAAGTCTT	107640
Query	250726	TTCAGGATCTGCATTTCTATAAATTGTACTGATTACCAAAAAATTTAGACAGCCTATCGCC	250785
Sbjct	107641	TTCAGGATCTGCATTTCTATAAATTGTACTGATTACCAAAAAATTTAGACAGCCTATCGCC	107700
Query	250786	TATTTGCATCTGACTATCAAAGTCCCACATAGGTAGATGGTGGTGTATAAAGGGGAAAAA	250845
Sbjct	107701	TATTTGCATCTGACTATCAAAGTCCCACATAGGTAGATGGTGGTGTATAAAGGGGAAAAA	107760
Query	250846	GTTATAAAGTTAGAATGATGTAGGCAGAATGTTATTGTGCACTGTGTAGTTTACCCATCA	250905
Sbjct	107761	GTTATAAAGTTAGAATGATGTAGGCAGAATGTTATTGTGCACTGTGTAGTTTACCCATCA	107820
Query	250906	TATGATATTTCAACCAGATATGGCACTGTAATGGTTATTTCAAGAATATGCTGTCTCAAG	250965
Sbjct	107821	TATGATATTTCAACCAGATATGGCACTGTAATGGTTATTTCAAGAATATGCTGTCTCAAG	107880
Query	250966	GTTAAAAAAGAATTCTCAGCTGAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGT	251025
Sbjct	107881	GTTAAAAAAGAATTCTCAGCTGAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGT	107940
Query	251026	TCAATATCCTTAGTCATTAGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACCTCATA	251085
Sbjct	107941	TCAATATCCTTAGTCATTAGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACCTCATA	108000
Query	251086	CCAGTGAGAATGGCTAAGATAAAAACTCAGGGGACAGCAGATGCTGGCGAGGATGCGGA	251145
Sbjct	108001	CCAGTGAGAATGGCTAAGATAAAAACTCAGGGGACAGCAGATGCTGGCGAGGATGCGGA	108060
Query	251146	GAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATTTCTGGAAA	251205
Sbjct	108061	GAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATTTCTGGAAA	108120
Query	251206	TCAGTCTGGGGGTTCTCTCAGAAAATTGGAATTCCACTACCTGAGGACCTCTCCTGAGCAT	251265

Sbjct	108121	TCAGTCTGGGGGTTCTCTCAGAAAATTGGAATTCCACTACCTGAGGACCTCTCTGAGCAT	108180
Query	251266	ATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGACACGTACTCCACTATGTTTCATAGCAGC	251325
Sbjct	108181	ATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGACACGTACTCCACTATGTTTCATAGCAGC	108240
Query	251326	CTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGTCCTTCAACAGAGGAATGGAT	251385
Sbjct	108241	CTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGTCCTTCAACAGAGGAATGGAT	108300
Query	251386	ACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTT	251445
Sbjct	108301	ACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTT	108360
Query	251446	CATGAAATTAACAGGAAAAATTAATGGAAGTAGAAAATATCTTCCTGAGTGAGGTAACCCA	251505
Sbjct	108361	CATGAAATTAACAGGAAAAATTAATGGAAGTAGAAAATATCTTCCTGAGTGAGGTAACCCA	108420
Query	251506	ATCaaaaaaaCCCACACGTGGTATGCACTCACTGATAAGTGTATGTTAGTCCAAAAGCTC	251565
Sbjct	108421	ATCAAAAAAACCACACGTGGTATGCACTCACTGATAAGTGTATGTTAGTCCAAAAGCTC	108480
Query	251566	AATTACCCAAGATACTATCCACAGACCACATGTGCTAGAGTCCAGCCTCAACACAGGACT	251625
Sbjct	108481	AATTACCCAAGATACTATCCACAGACCACATGTGCTAGAGTCCAGCCTCAACACAGGACT	108540
Query	251626	GGAGTTTCTCAACTGGAAGCAGGGATATCTGTAAGGCGCATAATAAATATACACAGACTAC	251685
Sbjct	108541	GGAGTTTCTCAACTGGAAGCAGGGATATCTGTAAGGCGCATAATAAATATACACAGACTAC	108600
Query	251686	TCTTTGGGTACAAACTGACAGGAAATTTCAAGACTTAAAGCTccccctccccccTCCT	251745
Sbjct	108601	TCTTTGGGTACAAACTGACAGGAAATTTCAAGACTTAAAGCTCCCCCTCCCCCCTCCT	108660
Query	251746	TCCCTCACTGCCTCCCTCCTTTGCAGCTTGAGGCTGCACACACTCTGCATTCTCTTGAC	251805
Sbjct	108661	TCCCTCACTGCCTCCCTCCTTTGCAGCTTGAGGCTGCACACACTCTGCATTCTCTTGAC	108720
Query	251806	ACTCTGCTTTTCTCCATTGTGCTTTTCTTTCTCAAACCTCCCACTCATGCACACCTGT	251865
Sbjct	108721	ACTCTGCTTTTCTCCATTGTGCTTTTCTTTCTCAAACCTCCCACTCATGCACACCTGT	108780
Query	251866	GTTCACTACTCTTTAATTCTCACATACTCGTCATacacacctcacacatatgtcacacac	251925
Sbjct	108781	GTTCACTACTCTTTAATTCTCACATACTCGTCATACACACCTCACACATATGTCACACAC	108840
Query	251926	accacatgcactctcctttctctcacacacacaATCTTCATATATACCTCACATTCTCGC	251985
Sbjct	108841	ACCACATGCACTCTCCTTTCTCTCACACACACAATCTTCATATATACCTCACATTCTCGC	108900
Query	251986	TTCACTCACTTTTCATACTCTCTTTACATGTTATtctcatgctcgctcattagctctcac	252045
Sbjct	108901	TTCACTCACTTTTCATACTCTCTTTACATGTTATTCTCATGCTCGCTCATTAGCTCTCAC	108960
Query	252046	atttgctctcacactggctctctcatttgctcttcataattctctcttcactcactcttca	252105
Sbjct	108961	ATTTGCTCTCACTGGCTCTCTCATTTGCTCTTCATATTCTCTTCACTCACTCTTCA	109020
Query	252106	cgtgctctctcacacctttctcttGCCCCAGTCTTTTATTGATATTTCAAAGCATGTAGAA	252165
Sbjct	109021	CGTGCTCTCTCACCTTTCTCTTGCCCCAGTCTTTTATTGATATTTCAAAGCATGTAGAA	109080
Query	252166	AAAAGACATTATATATAATCATTGCCAAATCAAATTCAGAAGAATAACCAATTAAGAATT	252225
Sbjct	109081	AAAAGACATTATATATAATCATTGCCAAATCAAATTCAGAAGAATAACCAATTAAGAATT	109140
Query	252226	ACAGTTGTTCCCAAAGTTTCAAGCTTTCCTATTCTCAAGCCTGTGGCCAAAATAATAA	252285
Sbjct	109141	ACAGTTGTTCCCAAAGTTTCAAGCTTTCCTATTCTCAAGCCTGTGGCCAAAATAATAA	109200
Query	252286	CAATTGCAAACCTTATCATTATTTAAACTTTAGCTTTTAACTTATTATACTTCAGAGCTCA	252345
Sbjct	109201	CAATTGCAAACCTTATCATTATTTAAACTTTAGCTTTTAACTTATTATACTTCAGAGCTCA	109260
Query	252346	GAGTCCGAGCTCAGCTTGTTGCATTTTCTGGGAAGCTCTAATGATAAATGACAGACAA	252405
Sbjct	109261	GAGTCCGAGCTCAGCTTGTTGCATTTTCTGGGAAGCTCTAATGATAAATGACAGACAA	109320
Query	252406	AACTGCCAGGCAGTAGTCAGAAAGAATCAAGTTAACCCTTAATTCAGTAGTTCTGCTAGC	252465
Sbjct	109321	AACTGCCAGGCAGTAGTCAGAAAGAATCAAGTTAACCCTTAATTCAGTAGTTCTGCTAGC	109380
Query	252466	TTTCTGTTTCCTTGACACAAATGACACTTGTAAGAGTGTCTCAGTATTTTGACTTAGTTTA	252525
Sbjct	109381	TTTCTGTTTCCTTGACACAAATGACACTTGTAAGAGTGTCTCAGTATTTTGACTTAGTTTA	109440
Query	252526	CTAGTATATAATTTTATATATTCCATACTTCCTTATCCAGGAACCACTCTCAAATGTTAT	252585
Sbjct	109441	CTAGTATATAATTTTATATATTCCATACTTCCTTATCCAGGAACCACTCTCAAATGTTAT	109500

Query	252586	AAAAAACTTAATTTCTAACTTTAATAACTTTTTCTTTCTTAAGATCCCAATATCGGCTC	252645
Sbjct	109501	AAAAAACTTAATTTCTAACTTTAATAACTTTTTCTTTCTTAAGATCCCAATATCGGCTC	109560
Query	252646	TAATTCATTTTCTAATAATTTCTTTAAAGTTTCTTTGCAAGTCAAACATTAACCTGGAAC	252705
Sbjct	109561	TAATTCATTTTCTAATAATTTCTTTAAAGTTTCTTTGCAAGTCAAACATTAACCTGGAAC	109620
Query	252706	TACTATTGTGCAGTTATTACATTGTTTCCAAGATGAGAACACATAGCACACACCTGGGCT	252765
Sbjct	109621	TACTATTGTGCAGTTATTACATTGTTTCCAAGATGAGAACACATAGCACACACCTGGGCT	109680
Query	252766	TTTAGGGCTGTGCTGTACTGTGCCCCTAATGCCTCAATTTCCAATTGTTGAAGAATCATT	252825
Sbjct	109681	TTTAGGGCTGTGCTGTACTGTGCCCCTAATGCCTCAATTTCCAATTGTTGAAGAATCATT	109740
Query	252826	ACATCAAGGAACATCCAGTTTCACAGAAATCACTAGAGCAGAAGGAGAAAGAAGTAGGAA	252885
Sbjct	109741	ACATCAAGGAACATCCAGTTTCACAGAAATCACTAGAGCAGAAGGAGAAAGAAGTAGGAA	109800
Query	252886	AGTCAGATATAATAAGAATAATCATGCACAGCCAGGTCAACTGAAAGGCAGTCACACACAA	252945
Sbjct	109801	AGTCAGATATAATAAGAATAATCATGCACAGCCAGGTCAACTGAAAGGCAGTCACACACAA	109860
Query	252946	ATGAAATCTATACAGCCGTTGTCCAGGGCCAAGGTTAGGAGAAATAGGAAAAACCAGTTT	253005
Sbjct	109861	ATGAAATCTATACAGCCGTTGTCCAGGGCCAAGGTTAGGAGAAATAGGAAAAACCAGTTT	109920
Query	253006	TTACAAAGAGCTGCTGTGTGTGGGCTTCTGAGATATCTCTATCCCAGCCTTCTGCTGGCA	253065
Sbjct	109921	TTACAAAGAGCTGCTGTGTGTGGGCTTCTGAGATATCTCTATCCCAGCCTTCTGCTGGCA	109980
Query	253066	GTCCCTGTCAATCGTATGTTGTACCCAGCACACATGAACCTCAAGAAAAAGGATGACCTAA	253125
Sbjct	109981	GTCCCTGTCAATCGTATGTTGTACCCAGCACACATGAACCTCAAGAAAAAGGATGACCTAA	110040
Query	253126	GTGCAGATGCTTCAGTCCTTCTTAAAAGGGGGAACAAAAATATTCATAGGAAAGGATATA	253185
Sbjct	110041	GTGCAGATGCTTCAGTCCTTCTTAAAAGGGGGAACAAAAATATTCATAGGAAAGGATATA	110100
Query	253186	TAGACAAAGTTTGGACCAGAGATAGAAAGAATGGCCATTGAGAGTCTGCCCCACCTGGGA	253245
Sbjct	110101	TAGACAAAGTTTGGACCAGAGATAGAAAGAATGGCCATTGAGAGTCTGCCCCACCTGGGA	110160
Query	253246	ATACAACCCACATACATACCAGACAATATTTCTGAAATATTTCTGATGCCAAGAAGTGCA	253305
Sbjct	110161	ATACAACCCACATACATACCAGACAATATTTCTGAAATATTTCTGATGCCAAGAAGTGCA	110220
Query	253306	TACTGACAGGAGCCTGATAGGCTCCTGAAAGGCTCTGCCAAATATCATGACAAATATGGA	253365
Sbjct	110221	TACTGACAGGAGCCTGATAGGCTCCTGAAAGGCTCTGCCAAATATCATGACAAATATGGA	110280
Query	253366	GGTGAACAACAATTGAACTGTGTTCCCATTTGGATAAGTTAGAGAAAGGATTGAAGGAGCT	253425
Sbjct	110281	GGTGAACAACAATTGAACTGTGTTCCCATTTGGATAAGTTAGAGAAAGGATTGAAGGAGCT	110340
Query	253426	GAAGGAGCTTGTAAACCCCATGAGAAAAACAATACCGACCAACCAGAGCTCCCAGGCTAAA	253485
Sbjct	110341	GAAGGAGCTTGTAAACCCCATGAGAAAAACAATACCGACCAACCAGAGCTCCCAGGCTAAA	110400
Query	253486	CCACCATCCAAAGAATACACAAGGATAGACCCATAGTGCCAGCTGAACATTTAGCAGAGG	253545
Sbjct	110401	CCACCATCCAAAGAATACACAAGGATAGACCCATAGTGCCAGCTGAACATTTAGCAGAGG	110460
Query	253546	ATGGCCCTGTTGGGCACCAATTGAAGGAGAAGACCTTGGCCCTGCCAAGGCTGGATCCCC	253605
Sbjct	110461	ATGGCCCTGTTGGGCACCAATTGAAGGAGAAGACCTTGGCCCTGCCAAGGCTGGATCCCC	110520
Query	253606	CATTGTAGGGAGATGTCAGGGCAGGGAGGTGGGAAGGATAGGTAGTTAGGTGGAAGAACA	253665
Sbjct	110521	CATTGTAGGGAGATGTCAGGGCAGGGAGGTGGGAAGGATAGGTAGTTAGGTGGAAGAACA	110580
Query	253666	ACATCATGGAAGGAGGGGGAGGGGATATAGGATAGACGGTTTGTGGACAGGAAACTGGGA	253725
Sbjct	110581	ACATCATGGAAGGAGGGGGAGGGGATATAGGATAGACGGTTTGTGGACAGGAAACTGGGA	110640
Query	253726	AAGGGGATAACATTTAAAAATGTAAATAAAAAGGAATTCAACaaaaaaTGAAATGGACTT	253785
Sbjct	110641	AAGGGGATAACATTTAAAAATGTAAATAAAAAGGAATTCAACAAAAAATGAAATGGACTT	110700
Query	253786	ATGTGCCAGTGAGAGGGAGGGGAAGAATGGGCTGTTTCAAAGCCTATCTCCTGAGAGGT	253845
Sbjct	110701	ATGTGCCAGTGAGAGGGAGGGGAAGAATGGGCTGTTTCAAAGCCTATCTCCTGAGAGGT	110760
Query	253846	TCTGATGAACCTACTGATACAGATGAGGAGAATTGAAACTAACCATCAGACCGAGAACA	253905
Sbjct	110761	TCTGATGAACCTACTGATACAGATGAGGAGAATTGAAACTAACCATCAGACCGAGAACA	110820
Query	253906	GGGACTGCAATGGAGGAGTTAGAGGAAAAACCTGAAGGGGTTTGCACCCCCAAGGAAGACC	253965

Sbjct	110821	GGGACTGCAATGGAGGAGTTAGAGGAAAACCTGAAGGGGTTTGCAACCCCAAGGAAGACC	110880
Query	253966	AGAGCCTAGCCTCTGACATCCTAGATCCCACTACTTCTGGTTGTCTAGGCTGACAGCAT	254025
Sbjct	110881	AGAGCCTAGCCTCTGACATCCTAGATCCCACTACTTCTGGTTGTCTAGGCTGACAGCAT	110940
Query	254026	CTGGTGGTCCAGAGGAAACAGCGGCTTTCTTTCTGGAGCCCACCATGTAAGTAAGACGGT	254085
Sbjct	110941	CTGGTGGTCCAGAGGAAACAGCGGCTTTCTTTCTGGAGCCCACCATGTAAGTAAGACGGT	111000
Query	254086	CAGACAAGTAACAAGTCTGAACAACCTAAGTGTGAGGTCAGAGTATGTGACATTCAAGAAC	254145
Sbjct	111001	CAGACAAGTAACAAGTCTGAACAACCTAAGTGTGAGGTCAGAGTATGTGACATTCAAGAAC	111060
Query	254146	CCCAGCTTGCTTGTCTGCTTGTGTTTTtccccctccttccttccttccttccttccttcctt	254205
Sbjct	111061	CCCAGCTTGCTTGTCTGCTTGTGTTTTTCCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTT	111120
Query	254206	ccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttcctt	254265
Sbjct	111121	CCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTC	111180
Query	254266	ctctccccctctctctcctaccctccctcccacgctcctctctctctctctctctctctctc	254325
Sbjct	111181	CTCTCCCTCCCTCTCTCCTACCCTCCCTCCACGCTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTC	111240
Query	254326	tctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctct	254385
Sbjct	111241	TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT	111300
Query	254386	TGGTTAAGAGCTCACAGCTTATGACTTTTAAGAGCTGACAAATGAGTTCTATAAAACACA	254445
Sbjct	111301	TGGTTAAGAGCTCACAGCTTATGACTTTTAAGAGCTGACAAATGAGTTCTATAAAACACA	111360
Query	254446	GTGATTCTGCAGACTACATAGCTTCAGGTTTCCTGGCCTCTACCTCATCTTCCTGCTCAC	254505
Sbjct	111361	GTGATTCTGCAGACTACATAGCTTCAGGTTTCCTGGCCTCTACCTCATCTTCCTGCTCAC	111420
Query	254506	AGACCATTGTGTCCACAGCTCACAGCTTCAGATATTCTGCAGGTCAGAGTTAATTACTA	254565
Sbjct	111421	AGACCATTGTGTCCACAGCTCACAGCTTCAGATATTCTGCAGGTCAGAGTTAATTACTA	111480
Query	254566	TTTAGACTCCTCCAGTGTCTAACAATGCTTCTCACCCCTACCTCTTATCCTCCCCTTCT	254625
Sbjct	111481	TTTAGACTCCTCCAGTGTCTAACAATGCTTCTCACCCCTACCTCTTATCCTCCCCTTCT	111540
Query	254626	CCACCCCAACCACTGCACAAAGTTTGAGTACCTAGGTAGGGCCCAAAACAGACTTTCTAGC	254685
Sbjct	111541	CCACCCCAACCACTGCACAAAGTTTGAGTACCTAGGTAGGGCCCAAAACAGACTTTCTAGC	111600
Query	254686	TTGCACAAGTAAGTACCAATCTAGAGCCAATAAAATTTCTCGAAAGGCCATCCTTCTAAA	254745
Sbjct	111601	TTGCACAAGTAAGTACCAATCTAGAGCCAATAAAATTTCTCGAAAGGCCATCCTTCTAAA	111660
Query	254746	ATGCACACTGGTCCAGAGCTCACATCTTGACTCTCAAGTGCACCAGAAGCATCTGACTAC	254805
Sbjct	111661	ATGCACACTGGTCCAGAGCTCACATCTTGACTCTCAAGTGCACCAGAAGCATCTGACTAC	111720
Query	254806	CAAAGAGCTTACAAGTGTTTGAGGGGCACTGTTTACAGGGCAGTGAACGAGGAGGAAGA	254865
Sbjct	111721	CAAAGAGCTTACAAGTGTTTGAGGGGCACTGTTTACAGGGCAGTGAACGAGGAGGAAGA	111780
Query	254866	ATTCAGACAAGAGAAGCAAAGATTTTGTAGGACTGAGCAACGCAAGCAGAACTCTCTAGT	254925
Sbjct	111781	ATTCAGACAAGAGAAGCAAAGATTTTGTAGGACTGAGCAACGCAAGCAGAACTCTCTAGT	111840
Query	254926	AACTAGCTAAGCAATATATAAAACACAATGGGGGCACCCAAATTCATGGGGAAGAGAGC	254985
Sbjct	111841	AACTAGCTAAGCAATATATAAAACACAATGGGGGCACCCAAATTCATGGGGAAGAGAGC	111900
Query	254986	AGACCACCTAGGAGACATCCCAAGACCTCAGGACAGACTGCCACCTCTGCCACCTCGGC	255045
Sbjct	111901	AGACCACCTAGGAGACATCCCAAGACCTCAGGACAGACTGCCACCTCTGCCACCTCGGC	111960
Query	255046	CCATATCCCTGGTCCAAGGGGAAAGTGACAGTGCCTCTGGACACAGAGATATAGGAACA	255105
Sbjct	111961	CCATATCCCTGGTCCAAGGGGAAAGTGACAGTGCCTCTGGACACAGAGATATAGGAACA	112020
Query	255106	GATAGCCACTGGTACCCGTGGTTCTGGTCTGCAACCAGGACTGAACTGAACCGTCCAAAC	255165
Sbjct	112021	GATAGCCACTGGTACCCGTGGTTCTGGTCTGCAACCAGGACTGAACTGAACCGTCCAAAC	112080
Query	255166	AGTCCCTGCGCCAAAATCCAATGGGGGAGAGAGCTGGAACCTCAGAAGTGTGGATACTC	255225
Sbjct	112081	AGTCCCTGCGCCAAAATCCAATGGGGGAGAGAGCTGGAACCTCAGAAGTGTGGATACTC	112140
Query	255226	CTGAGAAGTCAGAGGAGAATACCCTCTGCCACAGTCCAGACCCAAGAGGGAATCGCATT	255285
Sbjct	112141	CTGAGAAGTCAGAGGAGAATACCCTCTGCCACAGTCCAGACCCAAGAGGGAATCGCATT	112200

Query	255286	GTGCCAACTGTGCTCACTGGGTGCAAGGAAGTACATAAGCAATCAGGGGCAGAACCTGGA	255345
Sbjct	112201	GTGCCAACTGTGCTCACTGGGTGCAAGGAAGTACATAAGCAATCAGGGGCAGAACCTGGA	112260
Query	255346	ATAGAGCTGGAAGACAGTCTCCAGGAGCACCAACACATCTGAAATCAGAGCACCTGGTAT	255405
Sbjct	112261	ATAGAGCTGGAAGACAGTCTCCAGGAGCACCAACACATCTGAAATCAGAGCACCTGGTAT	112320
Query	255406	CAGAGACAACCCAATGGCTAGAGGCGAGCCCAAGAGCCTAAGCAACAAAAACCAAGACTA	255465
Sbjct	112321	CAGAGACAACCCAATGGCTAGAGGCGAGCCCAAGAGCCTAAGCAACAAAAACCAAGACTA	112380
Query	255466	CTTGGCATCATCAGAGCCCAGTTCTCTACCAAAGAAAATACTGGATATCCAACACACCA	255525
Sbjct	112381	CTTGGCATCATCAGAGCCCAGTTCTCTACCAAAGAAAATACTGGATATCCAACACACCA	112440
Query	255526	GAAAAGCAAAATTTAGATTTAAAATCACATTTTTTTGATAATGATGGAGGACTTTAAGAAA	255585
Sbjct	112441	GAAAAGCAAAATTTAGATTTAAAATCACATTTTTTTGATAATGATGGAGGACTTTAAGAAA	112500
Query	255586	GACATAAAGAACTCCCTTAAAGAAATGCAGGGGCCTTGCTGATCCTGGCCACAGCTCCC	255645
Sbjct	112501	GACATAAAGAACTCCCTTAAAGAAATGCAGGGGCCTTGCTGATCCTGGCCACAGCTCCC	112560
Query	255646	TGCTCCCAAACCCCATGGGAGAGAGAGCTCTTCGCCCAGACATGTGGGCACTCCCGAGAC	255705
Sbjct	112561	TGCTCCCAAACCCCATGGGAGAGAGAGCTCTTCGCCCAGACATGTGGGCACTCCCGAGAC	112620
Query	255706	TGCAGGGCAGGAGAGACCACCACTAGTCCACCTTGCCACATCCCTGGCCCAAGAGG	255765
Sbjct	112621	TGCAGGGCAGGAGAGACCACCACTAGTCCACCTTGCCACATCCCTGGCCCAAGAGG	112680
Query	255766	AAACTGTACAGGGCCTCTAGAAACAGGAAGATAGGGGCACTCAAGCTGCAGGAAAGCTGC	255825
Sbjct	112681	AAACTGTACAGGGCCTCTAGAAACAGGAAGATAGGGGCACTCAAGCTGCAGGAAAGCTGC	112740
Query	255826	GGTCCAGACTCTGCCTGGAAGTGAAGGGACCTGGTCAAACAACCTTCTGCACCCAAATCC	255885
Sbjct	112741	GGTCCAGACTCTGCCTGGAAGTGAAGGGACCTGGTCAAACAACCTTCTGCACCCAAATCC	112800
Query	255886	CGTGGGAGGGAGAGCTAGACCTTCAGAGGGGCAGACACGCAGTAGTCAGCTGCTCTGGCT	255945
Sbjct	112801	CGTGGGAGGGAGAGCTAGACCTTCAGAGGGGCAGACACGCAGTAGTCAGCTGCTCTGGCT	112860
Query	255946	ACTCTCTGCCACATTTCTGACTCTAGAGGAAAATACCTGGTGCCATCTGGGCCCCCTGT	256005
Sbjct	112861	ACTCTCTGCCACATTTCTGACTCTAGAGGAAAATACCTGGTGCCATCTGGGCCCCCTGT	112920
Query	256006	GCACAGGGACCCAAGATAAGATGGGGCAGGCCCTTCTGGTTACTGCCCTCACTGAGAGCT	256065
Sbjct	112921	GCACAGGGACCCAAGATAAGATGGGGCAGGCCCTTCTGGTTACTGCCCTCACTGAGAGCT	112980
Query	256066	GAAACCCAGACCCAAGGAGCGACTTCAGGCCCCAGACCAGAGGTAAGACCAACTTTTCTG	256125
Sbjct	112981	GAAACCCAGACCCAAGGAGCGACTTCAGGCCCCAGACCAGAGGTAAGACCAACTTTTCTG	113040
Query	256126	CTCCAAGTGACCTGCCTGGTAGACTCAGGACACACTTCCACAGGAACACCTGAAGACCAG	256185
Sbjct	113041	CTCCAAGTGACCTGCCTGGTAGACTCAGGACACACTTCCACAGGAACACCTGAAGACCAG	113100
Query	256186	TAGACAGAAACAACTACAAGCCTGAAAGCAGAACACTCTGTTCCCATATCTGGCTGAAAG	256245
Sbjct	113101	TAGACAGAAACAACTACAAGCCTGAAAGCAGAACACTCTGTTCCCATATCTGGCTGAAAG	113160
Query	256246	AAAACAGAAAAATAAGTCTACAGCGCTCCTGACACACAGGCCTATAGGACAGTCTAACCA	256305
Sbjct	113161	AAAACAGAAAAATAAGTCTACAGCGCTCCTGACACACAGGCCTATAGGACAGTCTAACCA	113220
Query	256306	CGGTTGGAATAGCAGAACAAAGTAACACTAGAGATAATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGC	256365
Sbjct	113221	CGGTTGGAATAGCAGAACAAAGTAACACTAGAGATAATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGC	113280
Query	256366	AGGAACCCAAGCAACAGAAACCAAGACTGCATGGCATCATCAGAGCCCAATTCTTCCACC	256425
Sbjct	113281	AGGAACCCAAGCAACAGAAACCAAGACTGCATGGCATCATCAGAGCCCAATTCTTCCACC	113340
Query	256426	AAAGCACTGAATATCCAAACACAACAGAAAAGCAAGATTTAGATTTACAATCACATTTGA	256485
Sbjct	113341	AAAGCACTGAATATCCAAACACAACAGAAAAGCAAGATTTAGATTTACAATCACATTTGA	113400
Query	256486	TCATGATGATGGAGGACTTCAAGAAAGACATAAAGAACTCCCTCAGAGAAATGCAGGAAA	256545
Sbjct	113401	TCATGATGATGGAGGACTTCAAGAAAGACATAAAGAACTCCCTCAGAGAAATGCAGGAAA	113460
Query	256546	ACACAAATAAAAAAGCAGAAGCCAATAGAGAAGAAATAACAAATCCCTGAAAGAATTAC	256605
Sbjct	113461	ACACAAATAAAAAAGCAGAAGCCAATAGAGAAGAAATAACAAATCCCTGAAAGAATTAC	113520
Query	256606	AGGACAACACAATCAAACAGGTGAAGGAATTAATAATGGAAATAAAAGCAATAAAGAAAG	256665



Sbjct	113521	AGGACAACACAATCAAACAGGTGAAGGAATTA AAAATGGAAATAAAAGCAATAAAGAAAG	113580
Query	256666	CACAAAGGGAGACAACCTGGGATATACAAAACCAAAGGAAGAGATCAGGAGCAGTAGATA	256725
Sbjct	113581	CACAAAGGGAGACAACCTGGGATATACAAAACCAAAGGAAGAGATCAGGAGCAGTAGATA	113640
Query	256726	CAAGCATCACCAACAGAATACAAGAGATAGAAGAGAGAATTT CAGGAGCAGAAGATTCCA	256785
Sbjct	113641	CAAGCATCACCAACAGAATACAAGAGATAGAAGAGAGAATTT CAGGAGCAGAAGATTCCA	113700
Query	256786	TAGAAATCATCGACTCAACTGTCAAAGATAATGGAAAACAGAAAAAGATACTGGCCCCAA	256845
Sbjct	113701	TAGAAATCATCGACTCAACTGTCAAAGATAATGGAAAACAGAAAAAGATACTGGCCCCAA	113760
Query	256846	ACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAG	256905
Sbjct	113761	ACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAG	113820
Query	256906	AGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAAATATCTTCAACAAATCATAGAAGAAAA	256965
Sbjct	113821	AGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAAATATCTTCAACAAATCATAGAAGAAAA	113880
Query	256966	CTTCCCTAACCTa a a a a a aGAGATACCAATAGGCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAA	257025
Sbjct	113881	CTTCCCTAACCTA A A A A A A GAGATACCAATAGGCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAA	113940
Query	257026	TAGATTGGACCAGAAAAGAAAACCTCTCCCATCACATAATAGTCAATACACCAAATACACA	257085
Sbjct	113941	TAGATTGGACCAGAAAAGAAAACCTCTCCCATCACATAATAGTCAATACACCAAATACACA	114000
Query	257086	AGACAAAGAAAGAATATTTAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCAAGTAACATATAAAGGCAG	257145
Sbjct	114001	AGACAAAGAAAGAATATTTAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCAAGTAACATATAAAGGCAG	114060
Query	257146	ACCTATCAGAATTACACCAGACTTCTCATCAGGGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGAC	257205
Sbjct	114061	ACCTATCAGAATTACACCAGACTTCTCATCAGGGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGAC	114120
Query	257206	AGATGTCATACAGTCCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAA	257265
Sbjct	114121	AGATGTCATACAGTCCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAA	114180
Query	257266	ACTCTCAATTAACATAGAAGGAGAAACCAAGATATTCCATGACAAAACCAAATTTACACA	257325
Sbjct	114181	ACTCTCAATTAACATAGAAGGAGAAACCAAGATATTCCATGACAAAACCAAATTTACACA	114240
Query	257326	ATATTTTTCTACAAATAAAGTCCTGAAAGGCATAATAAATGTTAAAGCCCAACACAAGGA	257385
Sbjct	114241	ATATTTTTCTACAAATAAAGTCCTGAAAGGCATAATAAATGTTAAAGCCCAACACAAGGA	114300
Query	257386	CACAAGCTACACGCTAGAAAAAGCAAGAACTAATCATTTTGCAACAAAACAAAGAGAAG	257445
Sbjct	114301	CACAAGCTACACGCTAGAAAAAGCAAGAACTAATCATTTTGCAACAAAACAAAGAGAAG	114360
Query	257446	ACAAGCACACAAACATAATCTCACTTCCAAACATAAATATAACAGGAAGCAACAATCACT	257505
Sbjct	114361	ACAAGCACACAAACATAATCTCACTTCCAAACATAAATATAACAGGAAGCAACAATCACT	114420
Query	257506	ATTCCCTTAATATCTCTCAGTATCAATGGCCTCAACTCCCTCATAAAAAGACACAGATAAC	257565
Sbjct	114421	ATTCCCTTAATATCTCTCAGTATCAATGGCCTCAACTCCCTCATAAAAAGACACAGATAAC	114480
Query	257566	AAATTGGATATGCAATGAGGACCCTGCATTCTGTCTGCCTACAGGAAACACACCTCAGAGA	257625
Sbjct	114481	AAATTGGATATGCAATGAGGACCCTGCATTCTGTCTGCCTACAGGAAACACACCTCAGAGA	114540
Query	257626	CAAAGATAGACAGTACCTCTGAGTGACAGTATAAAAAACAGCTTTCCAAGCATTGGTCTGA	257685
Sbjct	114541	CAAAGATAGACAGTACCTCTGAGTGACAGTATAAAAAACAGCTTTCCAAGCATTGGTCTGA	114600
Query	257686	AGAAGCAAGCTGGAGTAGACATTCTAATATCGAATAAAATCGATTTTCAACTAAAATTCA	257745
Sbjct	114601	AGAAGCAAGCTGGAGTAGACATTCTAATATCGAATAAAATCGATTTTCAACTAAAATTCA	114660
Query	257746	TCAAAAAAGATAAGGACACTTCATATTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATGAACTCTC	257805
Sbjct	114661	TCAAAAAAGATAAGGACACTTCATATTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATGAACTCTC	114720
Query	257806	AATCCTAAATATCTATGCCCCAAATACAAGGGCACCTACATACATAAAAGAAACCTTACT	257865
Sbjct	114721	AATCCTAAATATCTATGCCCCAAATACAAGGGCACCTACATACATAAAAGAAACCTTACT	114780
Query	257866	AAAGCTCAAATCACATATGGCACATCACACAATGATAGTAGGAGATTTCAACACCCCCACT	257925
Sbjct	114781	AAAGCTCAAATCACATATGGCACATCACACAATGATAGTAGGAGATTTCAACACCCCCACT	114840
Query	257926	CTCATCAATGTGTGCGACAGATCATGGAAACAGAAATCAAGCTGAGACATAGACAGACTAA	257985
Sbjct	114841	CTCATCAATGTGTGCGACAGATCATGGAAACAGAAATCAAGCTGAGACATAGACAGACTAA	114900

Query	257986	GAGAAGTCATGAACCAAATGGATTTTAACAAATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAACAA	258045
Sbjct	114901	GAGAAGTCATGAACCAAATGGATTTTAACAAATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAACAA	114960
Query	258046	AAGGATATACCTTGTTCTCACCACCTCATGGTACTTTCTCCAAAAC TGACCACATAATCG	258105
Sbjct	114961	AAGGATATACCTTGTTCTCACCACCTCATGGTACTTTCTCCAAAAC TGACCACATAATCG	115020
Query	258106	GTCATAAAACAGGCCTCAATAGATACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCATCCTATCAG	258165
Sbjct	115021	GTCATAAAACAGGCCTCAATAGATACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCATCCTATCAG	115080
Query	258166	ATCACCACCTGGGTAAAGCTGGTCTTCAAAAATAATAAGGAAAGAACGCCACATATACAT	258225
Sbjct	115081	ATCACCACCTGGGTAAAGCTGGTCTTCAAAAATAATAAGGAAAGAACGCCACATATACAT	115140
Query	258226	GGAAGTTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACCTGGTCAAGGAAGAAATAAGGAAAGAAA	258285
Sbjct	115141	GGAAGTTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACCTGGTCAAGGAAGAAATAAGGAAAGAAA	115200
Query	258286	TTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAATGAAAGCACAAACATACCCAAACTTATGGGACA	258345
Sbjct	115201	TTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAATGAAAGCACAAACATACCCAAACTTATGGGACA	115260
Query	258346	CAATAAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAAC TCATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGG	258405
Sbjct	115261	CAATAAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAAC TCATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGG	115320
Query	258406	AAAGAGCATATGTCAGCAGCTTGAGAGCACACCTAAAAGCTCTAGAACAAAAAGAAGCAA	258465
Sbjct	115321	AAAGAGCATATGTCAGCAGCTTGAGAGCACACCTAAAAGCTCTAGAACAAAAAGAAGCAA	115380
Query	258466	ATACACTCAGGAGGAGTAGAATGCAGGAAATAATCAAAC TCAGAGCTGAAATCAACCAAG	258525
Sbjct	115381	ATACACTCAGGAGGAGTAGAATGCAGGAAATAATCAAAC TCAGAGCTGAAATCAACCAAG	115440
Query	258526	TAGAAACAAAAAGGACTATAGAAAGAATCAACAGAACCAAAAGTTGGTTCTTTGAGAAAA	258585
Sbjct	115441	TAGAAACAAAAAGGACTATAGAAAGAATCAACAGAACCAAAAGTTGGTTCTTTGAGAAAA	115500
Query	258586	TCAACAAGATAGATAAAGCTTTAGCCAGACTAACGAGAGGACACAGAGAGTGTGTACAAA	258645
Sbjct	115501	TCAACAAGATAGATAAAGCTTTAGCCAGACTAACGAGAGGACACAGAGAGTGTGTACAAA	115560
Query	258646	TTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGATT CAGAGAAAAATTCAAAAAA	258705
Sbjct	115561	TTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGATT CAGAGAAAAATTCAAAAAA	115620
Query	258706	CCATCAGATACTACTACAAAAGCCTATATTCAACTAAACTTGAAAATCTGCAGGAAATGG	258765
Sbjct	115621	CCATCAGATACTACTACAAAAGCCTATATTCAACTAAACTTGAAAATCTGCAGGAAATGG	115680
Query	258766	ACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTACTGAAGTTAAGTCAGGAACAGATAAACCATTTTAA	258825
Sbjct	115681	ACAATTTCTTAGACAGATACCAGGTACTGAAGTTAAGTCAGGAACAGATAAACCATTTTAA	115740
Query	258826	ACAAGCCCATAACTCCTAAAGAAATAGAAGCAGTCATTAAAAGTCTCTCAAACGCGCTTA	258885
Sbjct	115741	ACAAGCCCATAACTCCTAAAGAAATAGAAGCAGTCATTAAAAGTCTCTCAAACGCGCTTA	115800
Query	258886	TCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCGGCTCTGaaaaaaaagaaccaaaaaaaaa	258945
Sbjct	115801	TCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCGGCTCTGAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAA	115860
Query	258946	aaaaaaaaaGTCTCTCAAACAAAAAGAGCCAGGTCCAGACGGGTT CAGTGCAGAATTCT	259005
Sbjct	115861	AAAAAAAAAAGTCTCTCAAACAAAAAGAGCCAGGTCCAGACGGGTT CAGTGCAGAATTCT	115920
Query	259006	ATCACACATTCTAGAGGACCTCATACCAATACTATCCAAACTATTCCACAAAATTGAAA	259065
Sbjct	115921	ATCACACATTCTAGAGGACCTCATACCAATACTATCCAAACTATTCCACAAAATTGAAA	115980
Query	259066	CAGATGGAGCACTACCGTATTCTTCTATGAAGCCACAATTACTCTTATACCTAAAACAC	259125
Sbjct	115981	CAGATGGAGCACTACCGTATTCTTCTATGAAGCCACAATTACTCTTATACCTAAAACAC	116040
Query	259126	ACAAAGAACTAATAAAGAAAGAGAACATCAGACCAATTTCACTTATGAATATTGATTCAA	259185
Sbjct	116041	ACAAAGAACTAATAAAGAAAGAGAACATCAGACCAATTTCACTTATGAATATTGATTCAA	116100
Query	259186	AAATCCTCAATAAATTTTTGCAAAC TGAATTCAAGAGCACATCAAACAATCATCCACCA	259245
Sbjct	116101	AAATCCTCAATAAATTTTTGCAAAC TGAATTCAAGAGCACATCAAACAATCATCCACCA	116160
Query	259246	TGATCAAGTAGGCTTCATTCCAATGATGCAAGGATGGTTTAATATATAGAATACAATCAA	259305
Sbjct	116161	TGATCAAGTAGGCTTCATTCCAATGATGCAAGGATGGTTTAATATATAGAATACAATCAA	116220
Query	259306	CATAATCCATTATATAAAACAAACTGAAAGATAAAAAACCACATGATCATCCCACTAGATGC	259365

Sbjct	116221	CATAATCCATTATATAAAACAAACTGAAAGATAAAAAACCACATGATCATCCCACTAGATGC	116280
Query	259366	TGAGAAAGCATTTTGAAGAAATTCAACACTCCTTCATGATAAAAAATCCTGGAAAGAACAGG	259425
Sbjct	116281	TGAGAAAGCATTTTGAAGAAATTCAACACTCCTTCATGATAAAAAATCCTGGAAAGAACAGG	116340
Query	259426	AATTCAAGGTCAATATCTGAACATAGTAAAAGCCATGTATGGCCAACAAGTAGGTAATAA	259485
Sbjct	116341	AATTCAAGGTCAATATCTGAACATAGTAAAAGCCATGTATGGCCAACAAGTAGGTAATAA	116400
Query	259486	TAAACTAAATGGAGAGAAACTTGAAGCGATCCCACTAAAATCAGGGACTAGACAAGGCTG	259545
Sbjct	116401	TAAACTAAATGGAGAGAAACTTGAAGCGATCCCACTAAAATCAGGGACTAGACAAGGCTG	116460
Query	259546	CCCATTCTCTCCCTATTTATTCAATATAGTTCTTGAAGTCCTAGCCAGAGCAATCAGACA	259605
Sbjct	116461	CCCATTCTCTCCCTATTTATTCAATATAGTTCTTGAAGTCCTAGCCAGAGCAATCAGACA	116520
Query	259606	ACAAAAGGAGACAAAAAGGGGATACAGCTTGGAAAGGAAGAAGTCAAAATATCACTATT	259665
Sbjct	116521	ACAAAAGGAGACAAAAAGGGGATACAGCTTGGAAAGGAAGAAGTCAAAATATCACTATT	116580
Query	259666	TGCAGATGATATGATTGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCACCAGAGAACTACTAAA	259725
Sbjct	116581	TGCAGATGATATGATTGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCACCAGAGAACTACTAAA	116640
Query	259726	GCTGATAAACACCTTTTAGTAACGTGACTCGGTATAAAATTAAC TCAAATAAATCAGTTGC	259785
Sbjct	116641	GCTGATAAACACCTTTTAGTAACGTGACTCGGTATAAAATTAAC TCAAATAAATCAGTTGC	116700
Query	259786	CTTCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAATGACACCCTTCAT	259845
Sbjct	116701	CTTCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAATGACACCCTTCAT	116760
Query	259846	AATAGTCCCAAATAATATAAAGTACCTCGGTGTGACTTTAACCTAGCAAGTAAAAGATCT	259905
Sbjct	116761	AATAGTCCCAAATAATATAAAGTACCTCGGTGTGACTTTAACCTAGCAAGTAAAAGATCT	116820
Query	259906	GTACAATAAGAACTTCAAGACTCTGAAGAAAGAAATTGAAGAAGACCTCAGAAGATGGAA	259965
Sbjct	116821	GTACAATAAGAACTTCAAGACTCTGAAGAAAGAAATTGAAGAAGACCTCAGAAGATGGAA	116880
Query	259966	AGATATTCCATGCTCATGGATTGGCAAGATTAATATAGTAAAAATGGCCATTTTACCAAA	260025
Sbjct	116881	AGATATTCCATGCTCATGGATTGGCAAGATTAATATAGTAAAAATGGCCATTTTACCAAA	116940
Query	260026	AGCAATCTACAGATTCAATGCAATCCCCATCAAAATACCGATCCCATTCTTCAAAGAGTT	260085
Sbjct	116941	AGCAATCTACAGATTCAATGCAATCCCCATCAAAATACCGATCCCATTCTTCAAAGAGTT	117000
Query	260086	AGACAAAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCAGGATAGCTAAAGTATC	260145
Sbjct	117001	AGACAAAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCAGGATAGCTAAAGTATC	117060
Query	260146	CTCAACAATAAAAGGACTTCAGGGGAATCACTATCCCTGAACTCAAGCAGTATTACAGA	260205
Sbjct	117061	CTCAACAATAAAAGGACTTCAGGGGAATCACTATCCCTGAACTCAAGCAGTATTACAGA	117120
Query	260206	GCAATAGTGATAAAAACTGCATGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAATGGAAT	260265
Sbjct	117121	GCAATAGTGATAAAAACTGCATGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAATGGAAT	117180
Query	260266	AGAATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGTCACTTGATTTTTGACAAAGTA	260325
Sbjct	117181	AGAATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGTCACTTGATTTTTGACAAAGTA	117240
Query	260326	GCTAAACCATCAAATCAAAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAATGGCAT	260385
Sbjct	117241	GCTAAACCATCAAATCAAAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAATGGCAT	117300
Query	260386	GCATTCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTCCAAGTGGATCAAGGACTTCCACATCAAA	260445
Sbjct	117301	GCATTCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTCCAAGTGGATCAAGGACTTCCACATCAAA	117360
Query	260446	CCAGATACACTCAAAC TAATAGAAGAAAAAGTGGGGGAAAGTCTCAAACACATGGGTAAT	260505
Sbjct	117361	CCAGATACACTCAAAC TAATAGAAGAAAAAGTGGGGGAAAGTCTCAAACACATGGGTAAT	117420
Query	260506	GGGGAAATTTTCTGTAACAAAACGCCAACGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAA	260565
Sbjct	117421	GGGGAAATTTTCTGTAACAAAACGCCAACGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAA	117480
Query	260566	TGGGATCTCATAAAACTGGAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTTGTGTCAGGACAAAA	260625
Sbjct	117481	TGGGATCTCATAAAACTGGAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTTGTGTCAGGACAAAA	117540
Query	260626	CGGCAATCAACAGATTGGA AAAACATCTTTACCAATCCTACA ACTGAGAGAGAGCTAATAT	260685
Sbjct	117541	CGGCAATCAACAGATTGGA AAAACATCTTTACCAATCCTACA ACTGAGAGAGAGCTAATAT	117600

Query	260686	CCACAATATACAAAGAACTCAAGAAGTTAGACCGCAGGGAGACAAATGACCCTATTAATA	260745
Sbjct	117601	CCACAATATACAAAGAACTCAAGAAGTTAGACCGCAGGGAGACAAATGACCCTATTAATA	117660
Query	260746	AATGGGGTTTCAGAGCTAAACAAAGAATTCACTGCTGAATGGCTGAGAAGCACCTAAAGAA	260805
Sbjct	117661	AATGGGGTTTCAGAGCTAAACAAAGAATTCACTGCTGAATGGCTGAGAAGCACCTAAAGAA	117720
Query	260806	ATGTTCAACATCCTTAGTCATAAGGGACATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACTT	260865
Sbjct	117721	ATGTTCAACATCCTTAGTCATAAGGGACATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACTT	117780
Query	260866	CATACCAGTCAGGATGGCTAAGATAAAAACTCAGGTGACAGCAGATGCTGGTGAGGATGT	260925
Sbjct	117781	CATACCAGTCAGGATGGCTAAGATAAAAACTCAGGTGACAGCAGATGCTGGTGAGGATGT	117840
Query	260926	GGAGAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGTTGGGATTGCAAACCTGGTACAACCATTCTGG	260985
Sbjct	117841	GGAGAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGTTGGGATTGCAAACCTGGTACAACCATTCTGG	117900
Query	260986	AAATCAGTCTGGAGTTTCCTCAGAAAATTAGGCATTGAACTACCTGAGGATCCACCTATA	261045
Sbjct	117901	AAATCAGTCTGGAGTTTCCTCAGAAAATTAGGCATTGAACTACCTGAGGATCCACCTATA	117960
Query	261046	CCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCCCAACATATAAAAAAGACACGTGCTCCACT	261105
Sbjct	117961	CCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCCCAACATATAAAAAAGACACGTGCTCCACT	118020
Query	261106	ATGTTCATAGCAGTCATAGCATAGTATTCATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGAT	261165
Sbjct	118021	ATGTTCATAGCAGTCATAGCATAGTATTCATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGAT	118080
Query	261166	GCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACT	261225
Sbjct	118081	GCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAATATTACT	118140
Query	261226	CAGCTATCAAAAAACAACGGCTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGTTGGAAC TAGAAAACA	261285
Sbjct	118141	CAGCTATCAAAAAACAACGGCTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGTTGGAAC TAGAAAACA	118200
Query	261286	TCATCCTGAGTGAGGTTAACCCAATCACAGAAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGATC	261345
Sbjct	118201	TCATCCTGAGTGAGGTTAACCCAATCACAGAAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGATC	118260
Query	261346	AGTGAATATTAGTCTAAAAGCTCGAATTACCCAAGATAAAATCCACAGGCCACAGGAAGC	261405
Sbjct	118261	AGTGAATATTAGTCTAAAAGCTCGAATTACCCAAGATAAAATCCACAGGCCACAGGAAGC	118320
Query	261406	TCAAGAAGGAACACCAAAATGCGGATGCTCCCACTCCTTTTTAAAAGTGGA AAAAATATC	261465
Sbjct	118321	TCAAGAAGGAACACCAAAATGCGGATGCTCCCACTCCTTTTTAAAAGTGGA AAAAATATC	118380
Query	261466	CATAGGAGGGGATATGGAAGCCACATTTAGAGCAGTGACTCAAGGAATGGTTATT CAGAA	261525
Sbjct	118381	CATAGGAGGGGATATGGAAGCCACATTTAGAGCAGTGACTCAAGGAATGGTTATT CAGAA	118440
Query	261526	CCTGACCCACATCTGGCCCATATATATATACAGCCACCAAAC TAGTTAGGAATAATGAAG	261585
Sbjct	118441	CCTGACCCACATCTGGCCCATATATATATACAGCCACCAAAC TAGTTAGGAATAATGAAG	118500
Query	261586	CTAAAGAGTG CATGCTGAAAGGGACCGGATATAGATCTCTCCTGAGAGACACATCCAAAG	261645
Sbjct	118501	CTAAAGAGTG CATGCTGAAAGGGACCGGATATAGATCTCTCCTGAGAGACACATCCAAAG	118560
Query	261646	CATGTCCAATACAGAGGTCAATGCTAGCAGCAAATCATTGAACTGAGAACAGGACCCATT	261705
Sbjct	118561	CATGTCCAATACAGAGGTCAATGCTAGCAGCAAATCATTGAACTGAGAACAGGACCCATT	118620
Query	261706	GGGGGAATTACAGGAAGGATTGAAAGAGCCCAAGGGGCTCGCATCCCACTAAGAACACA	261765
Sbjct	118621	GGGGGAATTACAGGAAGGATTGAAAGAGCCCAAGGGGCTCGCATCCCACTAAGAACACA	118680
Query	261766	ATGCAAACCTGAGTGTCCAGGGACTAAACTACTACTGAAAACCTATACATGAACTGACCC	261825
Sbjct	118681	ATGCAAACCTGAGTGTCCAGGGACTAAACTACTACTGAAAACCTATACATGAACTGACCC	118740
Query	261826	ATAGCTCCAACAGCATATGTAGCAGAGAATAGACTTCTTGGGGCAAGGGTGGAATCTGAA	261885
Sbjct	118741	ATAGCTCCAACAGCATATGTAGCAGAGAATAGACTTCTTGGGGCAAGGGTGGAATCTGAA	118800
Query	261886	GCCTTGGTCTCTGCCAAGGTTGGAACCCAAGTGCAggggatatgggggtggtgtagaaggg	261945
Sbjct	118801	GCCTTGGTCTCTGCCAAGGTTGGAACCCAAGTGCAggggatatgggggtggtgtagaaggg	118860
Query	261946	gagtttatagggggaatacccttatgggggggTCTTGTGGACAGGAAACAGGGAAAAGGA	262005
Sbjct	118861	GAGTTTATAGGGGAATACCCTTATGGGGGGTCTTGTGGACAGGAAACAGGGAAAAGGA	118920
Query	262006	TTAATGTTTTAAATGAAAGTAAAGATATATATCTAATAAGAACATTTtaaaaattaacat	262065

Sbjct	118921	TTAATGTTTAAATGAAAGTAAAGATATATATCTAATAAGAACATTTTAAAAATTAACAT	118980
Query	262066	aaaatagatcagaatttgaaaatgtaaaaagcaaacaaacaacccaaaaGAACCCCA	262125
Sbjct	118981	AAAATAGATCAGAATTTGAAAATGTAAAAAGCAAACAAACAACCCAAAAGAACCCCA	119040
Query	262126	CTCGTCCATTGAAAACAGGATTGCAAACCTGTTCAACCACTCTGGAAATCAGTCTGGCAG	262185
Sbjct	119041	CTCGTCCATTGAAAACAGGATTGCAAACCTGTTCAACCACTCTGGAAATCAGTCTGGCAG	119100
Query	262186	TTCCCCCAGAAAACCTGGAAATTGTTCTACCTGAAGATTTCAGCTATACAACCTCTGGGCAT	262245
Sbjct	119101	TTCCCCCAGAAAACCTGGAAATTGTTCTACCTGAAGATTTCAGCTATACAACCTCTGGGCAT	119160
Query	262246	ATGCCCAAAGATGCTCCACAATACCACAAGGACACATGCTCCATTATGTTTCACAGCAGC	262305
Sbjct	119161	ATGCCCAAAGATGCTCCACAATACCACAAGGACACATGCTCCATTATGTTTCACAGCAGC	119220
Query	262306	CTTATTTCATAATACCCAGAAAACCTGGAAGCAAATCAGATTGTCCCTTGACTGAAAAATGGA	262365
Sbjct	119221	CTTATTTCATAATACCCAGAAAACCTGGAAGCAAATCAGATTGTCCCTTGACTGAAAAATGGA	119280
Query	262366	TATCAGCCAAAATGTACAGAAGACTCATGATACATCCACAGTCTGAAGAGTTAAACAAG	262425
Sbjct	119281	TATCAGCCAAAATGTACAGAAGACTCATGATACATCCACAGTCTGAAGAGTTAAACAAG	119340
Query	262426	AAGGAACTCCCAAGTGAGGGTACTTCAATCTCACTTACAAGGGGGAACAAAATAATCATG	262485
Sbjct	119341	AAGGAACTCCCAAGTGAGGGTACTTCAATCTCACTTACAAGGGGGAACAAAATAATCATG	119400
Query	262486	ggaggcgagaggaggaggagacctgagtgaggagaggaggagagaggagaaaggagagaa	262545
Sbjct	119401	GGAGGCAGAGGGAGGGAGGGACCTGAGTGGCAGAGGGGAGGGAGAAGGGAAAAGGGAGAA	119460
Query	262546	caggatcagacattgggggggaagacaggagagaaaaagCCCAGAGGGCCAGGAGAATGAAT	262605
Sbjct	119461	CAGGATCAGACATTGGGGGGAAGACAGGAGAGAAAAGCCCAGAGGGCCAGGAGAATGAAT	119520
Query	262606	AGAAACATGCTGTTCTCAGGGGTGGGTGATGGGAGTTGAGGCACTCGGGGAGAGGGGGGT	262665
Sbjct	119521	AGAAACATGCTGTTCTCAGGGGTGGGTGATGGGAGTTGAGGCACTCGGGGAGAGGGGGGT	119580
Query	262666	ATGCCATCATGGAAGGTGTTAACCCCTAGAAAGTCCTAGAGATCTGAGATGTGAGAGACC	262725
Sbjct	119581	ATGCCATCATGGAAGGTGTTAACCCCTAGAAAGTCCTAGAGATCTGAGATGTGAGAGACC	119640
Query	262726	TTGGCCCCAATGCCACCAGTGAGGAGATGGGACCGGAAGTGCTCACCTCTAGTAGTCAG	262785
Sbjct	119641	TTGGCCCCAATGCCACCAGTGAGGAGATGGGACCGGAAGTGCTCACCTCTAGTAGTCAG	119700
Query	262786	ACAGGGTCACCAAGTGAGGGATGGGGACACCAATCCACCTGCAGATTTTGGACCCACAAT	262845
Sbjct	119701	ACAGGGTCACCAAGTGAGGGATGGGGACACCAATCCACCTGCAGATTTTGGACCCACAAT	119760
Query	262846	TGTTCTGTGTAAAAGAAATGCAGAGACACAATGGAACACACAGTGAAGGAAAGGCGATC	262905
Sbjct	119761	TGTTCTGTGTAAAAGAAATGCAGAGACACAATGGAACACACAGTGAAGGAAAGGCGATC	119820
Query	262906	CCATGACTGGTCCAATGTGGATCCATCCCATGAGCAGGCACCAACTCTTACTGACACTGT	262965
Sbjct	119821	CCATGACTGGTCCAATGTGGATCCATCCCATGAGCAGGCACCAACTCTTACTGACACTGT	119880
Query	262966	TACTGATGCTCTGCTGTGCTCTCAGACAGGAGCCTAGCAAGGCTGTCTTCTGAGAGGCTC	263025
Sbjct	119881	TACTGATGCTCTGCTGTGCTCTCAGACAGGAGCCTAGCAAGGCTGTCTTCTGAGAGGCTC	119940
Query	263026	TGCCAGCAGCTGACTGAGACAGATGCAGATCCTTAAAGCCAACCACTCGACTGAGGTCGG	263085
Sbjct	119941	TGCCAGCAGCTGACTGAGACAGATGCAGATCCTTAAAGCCAACCACTCGACTGAGGTCGG	120000
Query	263086	TGGTGCAGTGTGGGAAAGTTAGGAGAAGAATTAAGAAAGTGAAGGGAAGGGCAACCTCA	263145
Sbjct	120001	TGGTGCAGTGTGGGAAAGTTAGGAGAAGAATTAAGAAAGTGAAGGGAAGGGCAACCTCA	120060
Query	263146	GAGGAAGAACAACAGTACCAACTAACCTGGACCCCTGGTAGCTCCCAAAGACTCAGTCAC	263205
Sbjct	120061	GAGGAAGAACAACAGTACCAACTAACCTGGACCCCTGGTAGCTCCCAAAGACTCAGTCAC	120120
Query	263206	CAACCAAAGAGCGTACATGGGCTGGTTCAAGTGGACCAACTGCCTTGTCTGTCCCCAGTG	263265
Sbjct	120121	CAACCAAAGAGCGTACATGGGCTGGTTCAAGTGGACCAACTGCCTTGTCTGTCCCCAGTG	120180
Query	263266	GCAGAGGACTCAGCTAATCCTGTCAAGACTCGATGCCCCAGGGAAGGGGGATGCCAGGG	263325
Sbjct	120181	GCAGAGGACTCAGCTAATCCTGTCAAGACTCGATGCCCCAGGGAAGGGGGATGCCAGGG	120240
Query	263326	ATGGGCGCACCATCTCAGAGGTGAAAGGATGGGGAATGGGGTGAAGAGCTCTGGGACGGG	263385
Sbjct	120241	ATGGGCGCACCATCTCAGAGGTGAAAGGATGGGGAATGGGGTGAAGAGCTCTGGGACGGG	120300

Query	263386	AGACTGGGAGGAGGCAACATTTGGGTGtaaataaagaaaaataactaatttttaaaactgaa	263445
Sbjct	120301	AGACTGGGAGGAGGCAACATTTGGGTGTAAATAAAGAAAATAACTAATTTTAAACTGAA	120360
Query	263446	aaacaataaaaagaagaagctaaaaataTTACCAATGACCTGCTGGGGAAGGGTTTGGGGT	263505
Sbjct	120361	AAACAATAAAAAGAAGAAGCTAAAATATTTACCAATGACCTGCTGGGGAAGGGTTTGGGGT	120420
Query	263506	TGATTAAAAATCATTAAAAGGGTTTAAAATATGTCTCTCGTGACCTCAGGTCTATTACAG	263565
Sbjct	120421	TGATTAAAAATCATTAAAAGGGTTTAAAATATGTCTCTCGTGACCTCAGGTCTATTACAG	120480
Query	263566	CTAACAGAGATTGATTTAACAAATATAAGTCTAGCCTTGCTCTGCTGGCATTACTACGATA	263625
Sbjct	120481	CTAACAGAGATTGATTTAACAAATATAAGTCTAGCCTTGCTCTGCTGGCATTACTACGATA	120540
Query	263626	TAGCTATGTTTTATACACTAACCCATGCAGGAACTGTTATGTTCTACACTACATAAAGA	263685
Sbjct	120541	TAGCTATGTTTTATACACTAACCCATGCAGGAACTGTTATGTTCTACACTACATAAAGA	120600
Query	263686	TTAAAAAATTCCCAGACTCTTTATGAATTATGTTTATAAGTTAAAAACCTTATAGCTTC	263745
Sbjct	120601	TTAAAAAATTCCCAGACTCTTTATGAATTATGTTTATAAGTTAAAAACCTTATAGCTTC	120660
Query	263746	CATTTAAATAGTTATGTTAAATCTAAACCCAAGAGAGGTTTAAACGTAAAGTCCTAGTCT	263805
Sbjct	120661	CATTTAAATAGTTATGTTAAATCTAAACCCAAGAGAGGTTTAAACGTAAAGTCCTAGTCT	120720
Query	263806	TACAAAAGCTATTAAATTACTGTAGACATTTAGCGACAATTTAAAAATGCATGTTCATAG	263865
Sbjct	120721	TACAAAAGCTATTAAATTACTGTAGACATTTAGCGACAATTTAAAAATGCATGTTCATAG	120780
Query	263866	TCACCTTATAAATGACCAAATTGTTGAATATGTTTCAGATTGCCaaaaaaaaaccacaaaaa	263925
Sbjct	120781	TCACCTTATAAATGACCAAATTGTTGAATATGTTTCAGATTGCCAAAAAAAAACCACAAAAA	120840
Query	263926	caaaaaaaaaCACACACAGACAAGGATCGCTTAACCTGAGATATGCCATAGAGACCACAGGA	263985
Sbjct	120841	CAAAAAAAAAACACACACAGACAAGGATCGCTTAACCTGAGATATGCCATAGAGACCACAGGA	120900
Query	263986	GCCTGGGATGACTGGTCTGGGTTATGAACTATGGACGAActctctgtctctctctgtctct	264045
Sbjct	120901	GCCTGGGATGACTGGTCTGGGTTATGAACTATGGACGAATCTCTGTCTCTCTGTCTCT	120960
Query	264046	gtctctctgtctctctctctctgtctctctctgtctctgtctctctgtctctgtctctct	264105
Sbjct	120961	GTCTCTCTGTCTCTCTCTCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCT	121020
Query	264106	ctctccctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctctct	264165
Sbjct	121021	CTCTCCCTCTCTCTTCTCTCTCTGCTCCTCTTGTTCTCTCTTTACTTTCTTCTTCTCTT	121080
Query	264166	tctttctcttttctctccacacactcaccctttctctttttctcttctctctctcCTGACTC	264225
Sbjct	121081	TCTTTCTCTTTTCTCTCCACACTCACCCCTTCTCTTTTCTCTTCTCTCTCTCTGACTC	121140
Query	264226	AGCATGGCAACTCCCCTGACCTCAGACCTTGAGCTCAATGAATTCAACCCAAAGCAGCTT	264285
Sbjct	121141	AGCATGGCAACTCCCCTGACCTCAGACCTTGAGCTCAATGAATTCAACCCAAAGCAGCTT	121200
Query	264286	TCCAGAATTATTCCTTTTAATATGATCTAATTGGCTTGAACCTGGCTCATTTACCAGCAG	264345
Sbjct	121201	TCCAGAATTATTCCTTTTAATATGATCTAATTGGCTTGAACCTGGCTCATTTACCAGCAG	121260
Query	264346	AGAAATAAAGTATCACTAATCGCTATTCATGTCTCTGATAAATGATTAGATaaaaaaaTG	264405
Sbjct	121261	AGAAATAAAGTATCACTAATCGCTATTCATGTCTCTGATAAATGATTAGATAAAAAAATG	121320
Query	264406	TTCTAAGATATGTAGAGGTTTGAAGATAAGTTCTGAGGGTCTCAAAAACCTATTAAACGGg	264465
Sbjct	121321	TTCTAAGATATGTAGAGGTTTGAAGATAAGTTCTGAGGGTCTCAAAAACCTATTAAACGGG	121380
Query	264466	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtAATATTTAGATTCTTGACCCCTCCTATGCTGTTATT	264525
Sbjct	121381	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGAATATTTAGATTCTTGACCCCTCCTATGCTGTTATT	121440
Query	264526	GCCCTGGGATCTTGAAGATGCAAGATTTGCTGGAGTAAGACTGCCCACTACTCAGTCACA	264585
Sbjct	121441	GCCCTGGGATCTTGAAGATGCAAGATTTGCTGGAGTAAGACTGCCCACTACTCAGTCACA	121500
Query	264586	AGCTCAGAATTCAGAGTTTCTTTAGTTGTCTCTGACTTACAAATGGTTTTTCATTAGGC	264645
Sbjct	121501	AGCTCAGAATTCAGAGTTTCTTTAGTTGTCTCTGACTTACAAATGGTTTTTCATTAGGC	121560
Query	264646	TAAAACATTTCTGTCCAACCTTTGTACCTAGCTCTCTGGACAAAACACCAAACCAAACCA	264705
Sbjct	121561	TAAAACATTTCTGTCCAACCTTTGTACCTAGCTCTCTGGACAAAACACCAAACCAAACCA	121620
Query	264706	AACATATCTTTTAACTAAAGCTATCGTTTTTGTCTAAGACTCAAAGGCATGAGTCTGCTC	264765

Sbjct	121621	AACATATCTTTTAACTAAAGCTATCGTTTTTGCTAAGACTCAAAGGCATGAGTCTGCTC	121680
Query	264766	TTGCTATCATACAGACACATGTAACTGCTTTTTTAAAATATGAATTTTAAATATGGTATG	264825
Sbjct	121681	TTGCTATCATACAGACACATGTAACTGCTTTTTTAAAATATGAATTTTAAATATGGTATG	121740
Query	264826	CTTATATATCTCCATCTGTGAGCTAAATTTTATATAAACTTCAGGGAGTCAAAGAAATCT	264885
Sbjct	121741	CTTATATATCTCCATCTGTGAGCTAAATTTTATATAAACTTCAGGGAGTCAAAGAAATCT	121800
Query	264886	CAAGACCTTGATCTACCCGCCACATGTCAAATGACTCTAGATAAGTACATCCAAACTTTC	264945
Sbjct	121801	CAAGACCTTGATCTACCCGCCACATGTCAAATGACTCTAGATAAGTACATCCAAACTTTC	121860
Query	264946	TGCACATGTCTGTCCCTCAAATGAGATTCCCCCTCTTTCTCCAGGAGATTCTTACCTT	265005
Sbjct	121861	TGCACATGTCTGTCCCTCAAATGAGATTCCCCCTCTTTCTCCAGGAGATTCTTACCTT	121920
Query	265006	CTCCAATTACTAGGAAATTATACCTTGTGCCCCTGGGAGTCTATGATATCTCAGCAGATT	265065
Sbjct	121921	CTCCAATTACTAGGAAATTATACCTTGTGCCCCTGGGAGTCTATGATATCTCAGCAGATT	121980
Query	265066	CTCAAGTGGCTGGCAAACCTCCATCCAGGGATCACCAGAGGACTGCAAACCTGCTGAGCTCT	265125
Sbjct	121981	CTCAAGTGGCTGGCAAACCTCCATCCAGGGATCACCAGAGGACTGCAAACCTGCTGAGCTCT	122040
Query	265126	GTCTGCACTTGCTGAAAGTAAACAGATCAGCTGTTGTGATTGTTTCCTATCTCTTCGAC	265185
Sbjct	122041	GTCTGCACTTGCTGAAAGTAAACAGATCAGCTGTTGTGATTGTTTCCTATCTCTTCGAC	122100
Query	265186	TGGATCAGCTAATCAGCTAATCTTCAAATAAATGCTTACTTGTGAAGAACCCTAGGGCCT	265245
Sbjct	122101	TGGATCAGCTAATCAGCTAATCTTCAAATAAATGCTTACTTGTGAAGAACCCTAGGGCCT	122160
Query	265246	TTGGCCAGCCTTACACCCCTGTCTCCGGGGCAAGACTAGGCCAAGTTCTATTCTCCACC	265305
Sbjct	122161	TTGGCCAGCCTTACACCCCTGTCTCCGGGGCAAGACTAGGCCAAGTTCTATTCTCCACC	122220
Query	265306	CACAGGAACATTTTTGAGTAGAAAATTCTCAGACTGTACTGACTGATGCTTGATGGCTTT	265365
Sbjct	122221	CACAGGAACATTTTTGAGTAGAAAATTCTCAGACTGTACTGACTGATGCTTGATGGCTTT	122280
Query	265366	AAAGGTAAATATTCTTAGCCGATAAGCAGTAACCTTGCTGAGGTAACCTGTTCCCATAAA	265425
Sbjct	122281	AAAGGTAAATATTCTTAGCCGATAAGCAGTAACCTTGCTGAGGTAACCTGTTCCCATAAA	122340
Query	265426	AGGCATAAGAACTGCTTGTAAATAGCCATTTCGGAGTCACTTTCTAGTCACTCACCTTGAGG	265485
Sbjct	122341	AGGCATAAGAACTGCTTGTAAATAGCCATTTCGGAGTCACTTTCTAGTCACTCACCTTGAGG	122400
Query	265486	GACTAATTGAAGGTTGACCTGAAGTGATGAAAAATAAACCTCTTGCTTTTCCATTGATC	265545
Sbjct	122401	GACTAATTGAAGGTTGACCTGAAGTGATGAAAAATAAACCTCTTGCTTTTCCATTGATC	122460
Query	265546	TGCATCTCGGTGTCTCACTCGGGGTTATCTCGAAGTAAGTACCACTGAAAGAGGGTTGTG	265605
Sbjct	122461	TGCATCTCGGTGTCTCACTCGGGGTTATCTCGAAGTAAGTACCACTGAAAGAGGGTTGTG	122520
Query	265606	GGGTGGGAGGGTCGTCCTGAATTTGGGTAGACACCCCTGCCCCATCCCTGGAGACCTAT	265665
Sbjct	122521	GGGTGGGAGGGTCGTCCTGAATTTGGGTAGACACCCCTGCCCCATCCCTGGAGACCTAT	122580
Query	265666	CAGAGTGCAAAAGGACAAACTCAGCAACAGGCACCTACTGCTGTTTGTCTCTGGTCTTTT	265725
Sbjct	122581	CAGAGTGCAAAAGGACAAACTCAGCAACAGGCACCTACTGCTGTTTGTCTCTGGTCTTTT	122640
Query	265726	GCTTTCACTTTTGACTCCTGAGCATGGTGTGGCTGGAAAGCCTCTACCCTGGTGTGGGT	265785
Sbjct	122641	GCTTTCACTTTTGACTCCTGAGCATGGTGTGGCTGGAAAGCCTCTACCCTGGTGTGGGT	122700
Query	265786	CAATTGCAGAGGGCAGATGTGGCTTAACTCTGTGACCCTGGGGATTCTGGAGGACACTTC	265845
Sbjct	122701	CAATTGCAGAGGGCAGATGTGGCTTAACTCTGTGACCCTGGGGATTCTGGAGGACACTTC	122760
Query	265846	AGGCCCCTGGAGGGAGTCAGGAGGACTCTGCACATTTGAAACTTGCTAAACTCCATACTG	265905
Sbjct	122761	AGGCCCCTGGAGGGAGTCAGGAGGACTCTGCACATTTGAAACTTGCTAAACTCCATACTG	122820
Query	265906	GTAGGATCCAAGGGAGTCGCCAGGTTACCTGGTTTTCTACACTCACAGCAGGGCCAAAgtg	265965
Sbjct	122821	GTAGGATCCAAGGGAGTCGCCAGGTTACCTGGTTTTCTACACTCACAGCAGGGCCAAAGTG	122880
Query	265966	tttggtgtgtgtgtctttctctgtgtttgttggtgttagttatctcattttgtgttcttgGA	266025
Sbjct	122881	TTTGTGTGTTGTCTTTCTCTGTGTTTGTGGTGTAGTTATCTCATTTTGTGTTCTTGGA	122940
Query	266026	CTTGAAGTCACAATATTTTTGGACATGGGACAGACTGAATCTACCCCATTAACATCCTA	266085
Sbjct	122941	CTTGAAGTCACAATATTTTTGGACATGGGACAGACTGAATCTACCCCATTAACATCCTA	123000

Query	266086	GTTAACCACTGGAGGGAAGGTAGGGAAAGAGGAGAAAACCTTGTCAGTAGCGAAAGACCCC	266145
Sbjct	123001	GTTAACCACTGGAGGGAAGGTAGGGAAAGAGGAGAAAACCTTGTCAGTAGCGAAAGACCCC	123060
Query	266146	CGGAGTGATGACACCCTCACTCAAGTCTTGGGATAACTCGACCCCATAGAAGCTCACACA	266205
Sbjct	123061	CGGAGTGATGACACCCTCACTCAAGTCTTGGGATAACTCGACCCCATAGAAGCTCACACA	123120
Query	266206	AGACCATCCTTGCTGTAATCACATGAGGTTTATGGATAGCAACCAGTGCCTGGGGTCGA	266265
Sbjct	123121	AGACCATCCTTGCTGTAATCACATGAGGTTTATGGATAGCAACCAGTGCCTGGGGTCGA	123180
Query	266266	GACTTGATATCCACGCAGGGGCAGTGGGGTTCGACCCCTAGAGGCTGGGAGAAGAGCTAT	266325
Sbjct	123181	GACTTGATATCCACGCAGGGGCAGTGGGGTTCGACCCCTAGAGGCTGGGAGAAGAGCTAT	123240
Query	266326	TTAAAGGGAGAAACCACAACCCGAGGGGGCAGGGATGGTGTCTATTGGAAAGTGTGTAGAG	266385
Sbjct	123241	TTAAAGGGAGAAACCACAACCCGAGGGGGCAGGGATGGTGTCTATTGGAAAGTGTGTAGAG	123300
Query	266386	TACAGTGAAAAATCACAAAGGAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTCTTGTAGGAGGAG	266445
Sbjct	123301	TACAGTGAAAAATCACAAAGGAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTCTTGTAGGAGGAG	123360
Query	266446	CCATCTCCTGCTTCTCAGATTGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTCCTAGGAGAAGTTGC	266505
Sbjct	123361	CCATCTCCTGCTTCTCAGATTGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTCCTAGGAGAAGTTGC	123420
Query	266506	TTCCTGCTTCTCAACATTGTTCTCTAAGATTTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCT	266565
Sbjct	123421	TTCCTGCTTCTCAACATTGTTCTCTAAGATTTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCT	123480
Query	266566	GTTGAGCTGGCCAATGTAATTACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATA	266625
Sbjct	123481	GTTGAGCTGGCCAATGTAATTACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATA	123540
Query	266626	CAATTCTGGGGCCTGAAACATATCCCTCCTGCAAGTTAAGCAGCCAGGCACTAATACTTA	266685
Sbjct	123541	CAATTCTGGGGCCTGAAACATATCCCTCCTGCAAGTTAAGCAGCCAGGCACTAATACTTA	123600
Query	266686	CTACTGAATGCAGGACATAGGAGCGGTAAACCATCCAGTGGCTGACATCCGCCCTACTGT	266745
Sbjct	123601	CTACTGAATGCAGGACATAGGAGCGGTAAACCATCCAGTGGCTGACATCCGCCCTACTGT	123660
Query	266746	GCCTAACCCCTACACCCCTGCTGAGCTTTTAGCCACCGTCCAGAATTTGGTACCTAGTCTC	266805
Sbjct	123661	GCCTAACCCCTACACCCCTGCTGAGCTTTTAGCCACCGTCCAGAATTTGGTACCTAGTCTC	123720
Query	266806	AGACTTGAAAGAAGCTTTCTTTTGCCTGCCTTTGTACCCCGAAGTCAAGAATACTTCGC	266865
Sbjct	123721	AGACTTGAAAGAAGCTTTCTTTTGCCTGCCTTTGTACCCCGAAGTCAAGAATACTTCGC	123780
Query	266866	CTCTGAGTGGAAGACCCAGAGGATGGGACCACCAGTCAGCTGACATGGGACTAGATTCT	266925
Sbjct	123781	CTCTGAGTGGAAGACCCAGAGGATGGGACCACCAGTCAGCTGACATGGGACTAGATTCT	123840
Query	266926	TTACCACTTGGGCTCAATCCAGCTACCTTACTGCCCGATCCACCTCAAGCCACCACATC	266985
Sbjct	123841	TTACCACTTGGGCTCAATCCAGCTACCTTACTGCCCGATCCACCTCAAGCCACCACATC	123900
Query	266986	ACAAATGTCAAGGAAAACTGCAGAATCCCATGGGTGGAGAAAAGAACTCTCCCACTGACC	267045
Sbjct	123901	ACAAATGTCAAGGAAAACTGCAGAATCCCATGGGTGGAGAAAAGAACTCTCCCACTGACC	123960
Query	267046	CCTGCTTGGAGACGAGGCTACCTGGTTTAAAGGGCAGGAAGCAGGCGACATTTGATTTTAA	267105
Sbjct	123961	CCTGCTTGGAGACGAGGCTACCTGGTTTAAAGGGCAGGAAGCAGGCGACATTTGATTTTAA	124020
Query	267106	TGTACTGAAGAGAGAGGtggttttggtttgttcttcttttgattggttggtttggtttttt	267165
Sbjct	124021	TGTACTGAAGAGAGAGGTTTTTGGTTTGTCTCTTTGATTGTTGTGGTTGTGTTTTT	124080
Query	267166	ccattttatttAAAATAGATCTCTTTCTCACTTCATATATCCTGATTATGGTATCTCCTCC	267225
Sbjct	124081	CCATTTATTTTAAAATAGATCTCTTTCTCACTTCATATATCCTGATTATGGTATCTCCTCC	124140
Query	267226	TTCTACACTTCCCAATACCTGCATCCATCACTTCTGTCCCTTCTTGATCCCTTCCTTTC	267285
Sbjct	124141	TTCTACACTTCCCAATACCTGCATCCATCACTTCTGTCCCTTCTTGATCCCTTCCTTTC	124200
Query	267286	TGTCTCTTATTGTAAAAAACAGGATTTTAATGTTtaataataaaattataacaagataaaaa	267345
Sbjct	124201	TGTCTCTTATTGTAAAAAACAGGATTTTAATGTTTAATAATAAATTATAACAAGATAAAAA	124260
Query	267346	cataactaaaaaaaaataacagaaagaaaagaaacaaaaagTAGGTACAAGAATCAGAGACCC	267405
Sbjct	124261	CATACTAAAAAATAACAGAAAGAAAAGAAACAAAAGTAGGTACAAGAATCAGAGACCC	124320
Query	267406	ACTCACAAATACCATACAAACACTAAACTGAAACCCATAATATATACACAGAGGACCTGG	267465



Sbjct	124321	ACTCACAAATACCATACAAACACTAAACTGAAACCCATAATATATACACAGAGGACCTGG	124380
Query	267466	TGGAGACCTATGGAGGTCCTGTGCATCCAGCCTCAGTCTCTGTGAGTTCATATGAGCTTT	267525
Sbjct	124381	TGGAGACCTATGGAGGTCCTGTGCATCCAGCCTCAGTCTCTGTGAGTTCATATGAGCTTT	124440
Query	267526	GCTCAGTTAATTTAGAGAGCCTTGTCTTTTCTTTCTGTCTCCATTCCCTTTGGCTCTTA	267585
Sbjct	124441	GCTCAGTTAATTTAGAGAGCCTTGTCTTTTCTTTCTGTCTCCATTCCCTTTGGCTCTTA	124500
Query	267586	CAATCATTCCAGTTACTCTTTCATGAGGTTCCCTGAGTCCTGACAGGAGGATTTGATGAA	267645
Sbjct	124501	CAATCATTCCAGTTACTCTTTCATGAGGTTCCCTGAGTCCTGACAGGAGGATTTGATGAA	124560
Query	267646	GAAATCCCACCTAGGGCTGAGTGTACCAAAGCTTCTCCCTCCCCATGCCCTCTTTCTACC	267705
Sbjct	124561	GAAATCCCACCTAGGGCTGAGTGTACCAAAGCTTCTCCCTCCCCATGCCCTCTTTCTACC	124620
Query	267706	ccccccATTCTGTATTTTTCTCCCATCCGCTGCAGGAGGAAGCTTTGATGACTGAACAAA	267765
Sbjct	124621	CCCCCATTTCTGTATTTTTCTCCCATCCGCTGCAGGAGGAAGCTTTGATGACTGAACAAA	124680
Query	267766	GCTGTATGAGTACAGCAAAATGCCCTTAACAGTAATTTGTTGGGATCTTTTAATTTTATT	267825
Sbjct	124681	GCTGTATGAGTACAGCAAAATGCCCTTAACAGTAATTTGTTGGGATCTTTTAATTTTATT	124740
Query	267826	TTTCTATAGATTGGTAGTATTTGCTTTTAGGTCAGTGGGCTCTTTAGTCTCAACTTCTTG	267885
Sbjct	124741	TTTCTATAGATTGGTAGTATTTGCTTTTAGGTCAGTGGGCTCTTTAGTCTCAACTTCTTG	124800
Query	267886	GCCACCCAAGCAGTGTCTAGATATAGGTCTGATGGAGGGAGCCGTAAGTCAAGTCAAATAT	267945
Sbjct	124801	GCCACCCAAGCAGTGTCTAGATATAGGTCTGATGGAGGGAGCCGTAAGTCAAGTCAAATAT	124860
Query	267946	TTACTAGTTAGCCCTCAAATATGTGACATAGATACCATAGCATGTCTTGGAGGTAGGATA	268005
Sbjct	124861	TTACTAGTTAGCCCTCAAATATGTGACATAGATACCATAGCATGTCTTGGAGGTAGGATA	124920
Query	268006	GCATTATACATCAAAAGATTTGTGGTTGGTACCTTCTGCTGGCCTTCAGGAACAAATAAG	268065
Sbjct	124921	GCATTATACATCAAAAGATTTGTGGTTGGTACCTTCTGCTGGCCTTCAGGAACAAATAAG	124980
Query	268066	CACACATGAGTGAGTGAGCACAGTCTCAGCTACATGAGGCTCACAATACCGCTCTTCCCA	268125
Sbjct	124981	CACACATGAGTGAGTGAGCACAGTCTCAGCTACATGAGGCTCACAATACCGCTCTTCCCA	125040
Query	268126	GCACATAATTGAACCACAGATGTGGAAATAGATGTAAACACTATTCATTAATGCTGAAAC	268185
Sbjct	125041	GCACATAATTGAACCACAGATGTGGAAATAGATGTAAACACTATTCATTAATGCTGAAAC	125100
Query	268186	ATCAAAATCTTAAAGTTTGCTTAATCATCGTAGGAGGAGGAGTCCGATGTCAGAAGACAGA	268245
Sbjct	125101	ATCAAAATCTTAAAGTTTGCTTAATCATCGTAGGAGGAGGAGTCCGATGTCAGAAGACAGA	125160
Query	268246	ATGAGCCAAGTGAAATAGTTCAGAGAATCATGGGACCCATCCGTAATCAACCAAATTTT	268305
Sbjct	125161	ATGAGCCAAGTGAAATAGTTCAGAGAATCATGGGACCCATCCGTAATCAACCAAATTTT	125220
Query	268306	CAGTGAAATATGAAGAGCAACGGTCCAGCAAAAGGTAAGGAAGGAATCCCATGCACTTG	268365
Sbjct	125221	CAGTGAAATATGAAGAGCAACGGTCCAGCAAAAGGTAAGGAAGGAATCCCATGCACTTG	125280
Query	268366	AATCTAAACACTGACCTTTCTACATCAGCTGCAAGAGCATTACAAGAGGCCAGGGTTAA	268425
Sbjct	125281	AATCTAAACACTGACCTTTCTACATCAGCTGCAAGAGCATTACAAGAGGCCAGGGTTAA	125340
Query	268426	AAATAGCTGTAAGTTCCCCATATGTGTGTATGTACATGTACCTGTCCTTCAGTCCTTTTG	268485
Sbjct	125341	AAATAGCTGTAAGTTCCCCATATGTGTGTATGTACATGTACCTGTCCTTCAGTCCTTTTG	125400
Query	268486	TAAGCATCCATGATTCCAAGAAGAATGATATCCAGATTCAAGTAGCATGTAAATGCAAGG	268545
Sbjct	125401	TAAGCATCCATGATTCCAAGAAGAATGATATCCAGATTCAAGTAGCATGTAAATGCAAGG	125460
Query	268546	AGTGTTTTATTCTGTAGAAAGTTCTGCATGCTGGGGTCTCCCATTATCAAGATAGATACCC	268605
Sbjct	125461	AGTGTTTTATTCTGTAGAAAGTTCTGCATGCTGGGGTCTCCCATTATCAAGATAGATACCC	125520
Query	268606	GAGTGAGCTTGACAGGTTTGATTTAAAGCACATTGGGGAATTCCCAGGTAGGTGACCTTAT	268665
Sbjct	125521	GAGTGAGCTTGACAGGTTTGATTTAAAGCACATTGGGGAATTCCCAGGTAGGTGACCTTAT	125580
Query	268666	CCCGCTCTATCTCTTAGGGAATGTTATTGGAGCATGGAGCCTGGAATCTGTTGTTGAGTA	268725
Sbjct	125581	CCCGCTCTATCTCTTAGGGAATGTTATTGGAGCATGGAGCCTGGAATCTGTTGTTGAGTA	125640
Query	268726	ATTCAGGGGTAGGTGGCCTGACCTTGTTCTATCTCTTAAGGACATTCAGAACTATTACCT	268785
Sbjct	125641	ATTCAGGGGTAGGTGGCCTGACCTTGTTCTATCTCTTAAGGACATTCAGAACTATTACCT	125700

Query	268786	GGGTGTGAAGGCTGGATACTGTTGCTGAGCCATTGTCCTTACTTTAGGCCAAGTGGTGGG	268845
Sbjct	125701	GGGTGTGAAGGCTGGATACTGTTGCTGAGCCATTGTCCTTACTTTAGGCCAAGTGGTGGG	125760
Query	268846	GCAGTTTCTGACTAGTTGCATGAAGCCTCAGTTTTTAGTCCTAATCTCTTGAAGTGCCAA	268905
Sbjct	125761	GCAGTTTCTGACTAGTTGCATGAAGCCTCAGTTTTTAGTCCTAATCTCTTGAAGTGCCAA	125820
Query	268906	TTTGAGACCTGTCATGGAGTCAGCCTGTCTCATCATTTACCCCTCAGTTTGGGCCATCTC	268965
Sbjct	125821	TTTGAGACCTGTCATGGAGTCAGCCTGTCTCATCATTTACCCCTCAGTTTGGGCCATCTC	125880
Query	268966	CAATCCTTGAGAGATTTTAATAAAACTGTTCTGAAACAAACCAAATAAGCACTGATTA	269025
Sbjct	125881	CAATCCTTGAGAGATTTTAATAAAACTGTTCTGAAACAAACCAAATAAGCACTGATTA	125940
Query	269026	TGCAGAGACAGTAAGTCCAAGCTAACATCAGTAGAATCTGGCATGGATTCTTTGACCACC	269085
Sbjct	125941	TGCAGAGACAGTAAGTCCAAGCTAACATCAGTAGAATCTGGCATGGATTCTTTGACCACC	126000
Query	269086	CCTGAGCAGCCAACATAGAAACATCATTCGTCATCTAAGGCTGCACAGAGTCCTCCCTAC	269145
Sbjct	126001	CCTGAGCAGCCAACATAGAAACATCATTCGTCATCTAAGGCTGCACAGAGTCCTCCCTAC	126060
Query	269146	TAGAGGAACAGCAAGTCTAGGCCTCTTCTGTTCTCTCAGACCACTTCTGTCAGGGATGCA	269205
Sbjct	126061	TAGAGGAACAGCAAGTCTAGGCCTCTTCTGTTCTCTCAGACCACTTCTGTCAGGGATGCA	126120
Query	269206	CTATTTTCATCTCCTATTTTCTGTATCTATCTCTATCCGTAGGGCCTTGAAATTTTTATC	269265
Sbjct	126121	CTATTTTCATCTCCTATTTTCTGTATCTATCTCTATCCGTAGGGCCTTGAAATTTTTATC	126180
Query	269266	TAGGAGTATTAGGACTGAGGCACCTACAATAGCAGCTCCAGCCAGCCCTATAGGCCAAGG	269325
Sbjct	126181	TAGGAGTATTAGGACTGAGGCACCTACAATAGCAGCTCCAGCCAGCCCTATAGGCCAAGG	126240
Query	269326	AGAGAACCTAGAAACACAACAGAAGTGACCTGATTGTGTGGAGGTGCTAGCTGGCTGGAG	269385
Sbjct	126241	AGAGAACCTAGAAACACAACAGAAGTGACCTGATTGTGTGGAGGTGCTAGCTGGCTGGAG	126300
Query	269386	ACATCCTACCCAGAGTAGTAAGTCATTCTGGGTACAAGCTGTACTAGAACATAAAAATCC	269445
Sbjct	126301	ACATCCTACCCAGAGTAGTAAGTCATTCTGGGTACAAGCTGTACTAGAACATAAAAATCC	126360
Query	269446	TCAGTTGCATTTATAGCCAGGCCATAAATGTATGTAGTAAGCCCTGAAGTACGCGTTACA	269505
Sbjct	126361	TCAGTTGCATTTATAGCCAGGCCATAAATGTATGTAGTAAGCCCTGAAGTACGCGTTACA	126420
Query	269506	GTGCAGTGGCAGAGGTGGGAATCAGTTGGGGATATCTTCTTTCCAATGCAGAGTCCCTGT	269565
Sbjct	126421	GTGCAGTGGCAGAGGTGGGAATCAGTTGGGGATATCTTCTTTCCAATGCAGAGTCCCTGT	126480
Query	269566	CTGGTAACCAACGGTTCCTTTGTAAAGTCCAGGGAGAGAGAGTTAAGAACCAGCAATCTG	269625
Sbjct	126481	CTGGTAACCAACGGTTCCTTTGTAAAGTCCAGGGAGAGAGAGTTAAGAACCAGCAATCTG	126540
Query	269626	ATCTGCCTTCTTGCCAGCCACTGTGAACTTGATGACAAGGTTTGTAGCATCTCCATTGGG	269685
Sbjct	126541	ATCTGCCTTCTTGCCAGCCACTGTGAACTTGATGACAAGGTTTGTAGCATCTCCATTGGG	126600
Query	269686	GGAATCCAGATAGTAATGGGGTAGTGGCTGGTGCAGCAAAATGTAGGCAGCAAGCAAGCA	269745
Sbjct	126601	GGAATCCAGATAGTAATGGGGTAGTGGCTGGTGCAGCAAAATGTAGGCAGCAAGCAAGCA	126660
Query	269746	GGATCACTGGAGTACTGGAGTCACAGTTTCAGTATCAACAGGGTATGGAGTGACCTTCCA	269805
Sbjct	126661	GGATCACTGGAGTACTGGAGTCACAGTTTCAGTATCAACAGGGTATGGAGTGACCTTCCA	126720
Query	269806	TTGTTCTCTGTTGCTGGAAGTCTCCTGTGCTGGACCTTGACTGCTGGATCGTCTCTCCTC	269865
Sbjct	126721	TTGTTCTCTGTTGCTGGAAGTCTCCTGTGCTGGACCTTGACTGCTGGATCGTCTCTCCTC	126780
Query	269866	ATAGGGTTAACACGAGAGTGATGTATACACATTCTGATCCTGTCCACCTTATCAGCCCTA	269925
Sbjct	126781	ATAGGGTTAACACGAGAGTGATGTATACACATTCTGATCCTGTCCACCTTATCAGCCCTA	126840
Query	269926	TGTGTGGTCAGGAACAAGGTGTAAGGCCCTTTCCAGCAAGGTTCCAGAGTCTTGTGGTTA	269985
Sbjct	126841	TGTGTGGTCAGGAACAAGGTGTAAGGCCCTTTCCAGCAAGGTTCCAGAGTCTTGTGGTTA	126900
Query	269986	TATCTGTTAATCCAGATTTGTACATGGTTCAAAGTAATGGGGGCTACGTAGAGGGACAA	270045
Sbjct	126901	TATCTGTTAATCCAGATTTGTACATGGTTCAAAGTAATGGGGGCTACGTAGAGGGACAA	126960
Query	270046	ACTCATAAACCTGGCTGATGGAAGGCCAGAGTTGCGTGTAGATCCTATGGAGGGCTCCCA	270105
Sbjct	126961	ACTCATAAACCTGGCTGATGGAAGGCCAGAGTTGCGTGTAGATCCTATGGAGGGCTCCCA	127020
Query	270106	AGGATTTTTTAAACGTTTGCTGGTCATATTCAGCTAAGATACCGACTGGAGGTAGGGCAG	270165

Sbjct	127021	AGGATTTTTTAAACGTTTGCTGGTCATATTAGCTAAGATACCGACTGGAGGTAGGGCAG	127080
Query	270166	CATGGGAGGGGGCCTCCCATATAGGATCTCAAAAAGCAGAGAAACCTAAAATATAGGCAG	270225
Sbjct	127081	CATGGGAGGGGGCCTCCCATATAGGATCTCAAAAAGCAGAGAAACCTAAAATATAGGCAG	127140
Query	270226	TGTTCTAGCTGTAAATAAGGCATAAAGTAGGAGAGATTCCCAGTCGCTGCCAGTTTCAG	270285
Sbjct	127141	TGTTCTAGCTGTAAATAAGGCATAAAGTAGGAGAGATTCCCAGTCGCTGCCAGTTTCAG	127200
Query	270286	GTGTAGATTTGGTAAAGGCCTCCTTCAGGGTCCGATTTCATCCCTTCTACTTGCCCTGAAC	270345
Sbjct	127201	GTGTAGATTTGGTAAAGGCCTCCTTCAGGGTCCGATTTCATCCCTTCTACTTGCCCTGAAC	127260
Query	270346	CATGGGGAAGGTATGCATAATATAAATTTCTATTGGTTCCCCAGAATCTCTACCTATGGT	270405
Sbjct	127261	CATGGGGAAGGTATGCATAATATAAATTTCTATTGGTTCCCCAGAATCTCTACCTATGGT	127320
Query	270406	AGAGGTGGAGTTACCTAAGAGAGGAATGCTGGTTCATTGTCAGACCGAAGCAGGGTAGGC	270465
Sbjct	127321	AGAGGTGGAGTTACCTAAGAGAGGAATGCTGGTTCATTGTCAGACCGAAGCAGGGTAGGC	127380
Query	270466	AAACCATATCTGGGTATGATGTCCTCCAGAAGCtttttttCCCACTATTTTGGCAGACTC	270525
Sbjct	127381	AAACCATATCTGGGTATGATGTCCTCCAGAAGCTTTTTTCCCACTATTTTGGCAGACTC	127440
Query	270526	CCTCTCTGTGAGGTAGGCTTCAACCCATCCTGAAAAGGTATCCATAACAATTAGCAAATA	270585
Sbjct	127441	CCTCTCTGTGAGGTAGGCTTCAACCCATCCTGAAAAGGTATCCATAACAATTAGCAAATA	127500
Query	270586	CTTGTGTCCATAAGTTCCTGGTTTTTATTCTGTAGTCTATTTCCCAATTAGCCCCTGGCT	270645
Sbjct	127501	CTTGTGTCCATAAGTTCCTGGTTTTTATTCTGTAGTCTATTTCCCAATTAGCCCCTGGCT	127560
Query	270646	GTTGACCCCTGATTCTGGTTCCTGTAGTCTGAGGAGTTCACAGCCTGGCAGATGGCTCAG	270705
Sbjct	127561	GTTGACCCCTGATTCTGGTTCCTGTAGTCTGAGGAGTTCACAGCCTGGCAGATGGCTCAG	127620
Query	270706	TCTGAGATTACCTGATCAACCACGTGTCTTAAGTCAAATATTTGTACCTTGCCCCCTCAC	270765
Sbjct	127621	TCTGAGATTACCTGATCAACCACGTGTCTTAAGTCAAATATTTGTACCTTGCCCCCTCAC	127680
Query	270766	AAAAATTACTTCAGTTTGAGTGACCAACAGTGAAGTTTAATGGATCTGATGGATGACTG	270825
Sbjct	127681	AAAAATTACTTCAGTTTGAGTGACCAACAGTGAAGTTTAATGGATCTGATGGATGACTG	127740
Query	270826	GCTTAGCAAACCTCTTAGGTAGGATGGTGCAGCCTTCAGAGGTCAGCAACCGTCAGTCTC	270885
Sbjct	127741	GCTTAGCAAACCTCTTAGGTAGGATGGTGCAGCCTTCAGAGGTCAGCAACCGTCAGTCTC	127800
Query	270886	TTCTGAAAACCTCCTTGGCATTTTCACCTGATGTCGTTTGTCTTCAGTAGTATACTCAGGGA	270945
Sbjct	127801	TTCTGAAAACCTCCTTGGCATTTTCACCTGATGTCGTTTGTCTTCAGTAGTATACTCAGGGA	127860
Query	270946	TGGTTAGGAGTGCATTGGGCAGCAAAGCTATCAGGAGTTGGCAGCTTGAGTAGCCTCCCT	271005
Sbjct	127861	TGGTTAGGAGTGCATTGGGCAGCAAAGCTATCAGGAGTTGGCAGCTTGAGTAGCCTCCCT	127920
Query	271006	TTTGGCTTTTATCAGCTAGCCTGTTCCCTCAGACAATTTCTGATGTCCCTGTCTGATTGAT	271065
Sbjct	127921	TTTGGCTTTTATCAGCTAGCCTGTTCCCTCAGACAATTTCTGATGTCCCTGTCTGATTGAT	127980
Query	271066	GCCCAGGGCAATGAACCTATAGCCATTTTGAGAGTGTTTTGAATAAAGCAAGTATTCCTTC	271125
Sbjct	127981	GCCCAGGGCAATGAACCTATAGCCATTTTGAGAGTGTTTTGAATAAAGCAAGTATTCCTTC	128040
Query	271126	CTTATTTTTGATGGTTTTTTCCTTGGGCAGTTATTAGTCCTATCTGCTGTCAGTGAAATG	271185
Sbjct	128041	CTTATTTTTGATGGTTTTTTCCTTGGGCAGTTATTAGTCCTATCTGCTGTCAGTGAAATG	128100
Query	271186	TTGGCTATGGCTCTTTTTTGCCAGTCTTAAAGCCTGGGTAAGAGCCTTTTGCTCAGCTTTC	271245
Sbjct	128101	TTGGCTATGGCTCTTTTTTGCCAGTCTTAAAGCCTGGGTAAGAGCCTTTTGCTCAGCTTTC	128160
Query	271246	TGAGCTGAAGTTCCAGCAGCAAATCAGTGGTCCAAATAACAGGTCCAAGTCCACTACCA	271305
Sbjct	128161	TGAGCTGAAGTTCCAGCAGCAAATCAGTGGTCCAAATAACAGGTCCAAGTCCACTACCA	128220
Query	271306	CCACCCCTGCGTCCCTGACTCCATTCTGGATGAAGCTGCTCCTATCCCTGTGGTACATAC	271365
Sbjct	128221	CCACCCCTGCGTCCCTGACTCCATTCTGGATGAAGCTGCTCCTATCCCTGTGGTACATAC	128280
Query	271366	GTTCCCCATCAGCCTGACACTCTGGATGTGCCCCAGTACTATACAGAGAGCAAACATGCT	271425
Sbjct	128281	GTTCCCCATCAGCCTGACACTCTGGATGTGCCCCAGTACTATACAGAGAGCAAACATGCT	128340
Query	271426	GCACATCTGTGGCTGGGTGAGAGAGGAGATGGCTGGGTTTAGGGCAGAAGATGGGTTAT	271485
Sbjct	128341	GCACATCTGTGGCTGGGTGAGAGAGGAGATGGCTGGGTTTAGGGCAGAAGATGGGTTAT	128400

Query	271486	ATCTTATGTGAGGGGACTCAAAGTAGAGCCTGAAAGTGCACCAACTGGGGTTGGACAGC	271545
Sbjct	128401	ATCTTATGTGAGGGGACTCAAAGTAGAGCCTGAAAGTGCACCAACTGGGGTTGGACAGC	128460
Query	271546	CACTGGCTGGGTGGATTCTTGAGGGTCCCCCTCAGTAGCATGGGGGAGGGGAGATAGTGAT	271605
Sbjct	128461	CACTGGCTGGGTGGATTCTTGAGGGTCCCCCTCAGTAGCATGGGGGAGGGGAGATAGTGAT	128520
Query	271606	AACAAGTCCCTGACCCATGGTTACGTTGCCAGCATCTTTGACTAGAAGGACAGTGGCAGC	271665
Sbjct	128521	AACAAGTCCCTGACCCATGGTTACGTTGCCAGCATCTTTGACTAGAAGGACAGTGGCAGC	128580
Query	271666	TGTGGTCCAGAAGCAGGCTGGCCATTTTGGCCCCACCGGTCCAGCTTCTTAGATAAAATC	271725
Sbjct	128581	TGTGGTCCAGAAGCAGGCTGGCCATTTTGGCCCCACCGGTCCAGCTTCTTAGATAAAATC	128640
Query	271726	AGACTCAGGTCTTTTCTATGATCCCAAAGTTTGGGTGAGCACCCCTTTGCTGTCCCCTC	271785
Sbjct	128641	AGACTCAGGTCTTTTCTATGATCCCAAAGTTTGGGTGAGCACCCCTTTGCTGTCCCCTC	128700
Query	271786	TCTCTGATCCACATACAGGTGAAATGGTTTGTGACTCTCTAGGAGGGCCAATGCTGCCAT	271845
Sbjct	128701	TCTCTGATCCACATACAGGTGAAATGGTTTGTGACTCTCTAGGAGGGCCAATGCTGCCAT	128760
Query	271846	CTCCAGTAAGGCTCTTCTTAGAGTCTTAAGAGCTACATTCCCTTTAAGGGTCCATCTACT	271905
Sbjct	128761	CTCCAGTAAGGCTCTTCTTAGAGTCTTAAGAGCTACATTCCCTTTAAGGGTCCATCTACT	128820
Query	271906	TTGTTTTCTTGGTCCTGGAAGACCTCATAAGGCTTTGGCTAGCTCAAGACCTTTGCACCC	271965
Sbjct	128821	TTGTTTTCTTGGTCCTGGAAGACCTCATAAGGCTTTGGCTAGCTCAAGACCTTTGCACCC	128880
Query	271966	AAAGTCTACAAAACCTGTGAGATCCCAGAAATTCCTGTACTTGCTTTAGGGTTGTTGCAA	272025
Sbjct	128881	AAAGTCTACAAAACCTGTGAGATCCCAGAAATTCCTGTACTTGCTTTAGGGTTGTTGCAA	128940
Query	272026	CTGGGATGCTGAGGATGGTTTGCTTCCAGGTGTCCAACAGCATGTTGGCTGGCCCCCGTT	272085
Sbjct	128941	CTGGGATGCTGAGGATGGTTTGCTTCCAGGTGTCCAACAGCATGTTGGCTGGCCCCCGTT	129000
Query	272086	GACTATGCATCCCAGATAGGGGACCTCAAGATGACAAAGCTGGGCCTGCCTTCTTAGCAG	272145
Sbjct	129001	GACTATGCATCCCAGATAGGGGACCTCAAGATGACAAAGCTGGGCCTGCCTTCTTAGCAG	129060
Query	272146	ACACTGGGCAGCCAAGTTGTCTCAGTTCCCTGTAGGAGTCTCATGAGGCCTCCTGGCATGT	272205
Sbjct	129061	ACACTGGGCAGCCAAGTTGTCTCAGTTCCCTGTAGGAGTCTCATGAGGCCTCCTGGCATGT	129120
Query	272206	CTCCAAGCCGGGAGCCCTGCAATACACAGGACCACAGTTATTTGGGGGTGGGCCACACA	272265
Sbjct	129121	CTCCAAGCCGGGAGCCCTGCAATACACAGGACCACAGTTATTTGGGGGTGGGCCACACA	129180
Query	272266	GGTGCTGACCCAAGTACTCAGGCAGTGCCTCCTCCAAGGTGATAGGTTTCAAGAGACCAGAT	272325
Sbjct	129181	GGTGCTGACCCAAGTACTCAGGCAGTGCCTCCTCCAAGGTGATAGGTTTCAAGAGACCAGAT	129240
Query	272326	CTTTTAAATCCAGACTCCATTTTAGAGAACCTGCCCTAAGTTTGAAGTTCAGGTTCAAACA	272385
Sbjct	129241	CTTTTAAATCCAGACTCCATTTTAGAGAACCTGCCCTAAGTTTGAAGTTCAGGTTCAAACA	129300
Query	272386	GGCATTAGTTTCCAAGTTACGccccagccccacccccAACAAAACCTGGGCCTCTCTCC	272445
Sbjct	129301	GGCATTAGTTTCCAAGTTACGCCCCAGCCCCACCCCCAACAAAACCTGGGCCTCTCTCC	129360
Query	272446	AGTCTCTAGGCTCACCCAGTAAGATCTGCACTCCAGGTTACACCCCCAACAGACCAGT	272505
Sbjct	129361	AGTCTCTAGGCTCACCCAGTAAGATCTGCACTCCAGGTTACACCCCCAACAGACCAGT	129420
Query	272506	GGCTCCAGGTTATTACCCCAACAGATCTGCAGCCCAGGTTACAAGCCCCCAACTCCCTT	272565
Sbjct	129421	GGCTCCAGGTTATTACCCCAACAGATCTGCAGCCCAGGTTACAAGCCCCCAACTCCCTT	129480
Query	272566	CCCCATCTCCTCACCCCACTGCCTAATGAGCACCAATGCAGAGAGAAATAGAAATTGAG	272625
Sbjct	129481	CCCCATCTCCTCACCCCACTGCCTAATGAGCACCAATGCAGAGAGAAATAGAAATTGAG	129540
Query	272626	TCTACAATTTGATCTCCAGCACCAGCCAGTTAAACTAAAGGCCTTAGTATCTTTCCAATT	272685
Sbjct	129541	TCTACAATTTGATCTCCAGCACCAGCCAGTTAAACTAAAGGCCTTAGTATCTTTCCAATT	129600
Query	272686	TAGATGCTTGACACACTTATCTGCTCCCCCACCCCTTTGCTGCTTGCTGTAAAGCTTAAT	272745
Sbjct	129601	TAGATGCTTGACACACTTATCTGCTCCCCCACCCCTTTGCTGCTTGCTGTAAAGCTTAAT	129660
Query	272746	CCTGGATAGATGCTCAGGGCCCTTATTCCAACAAAAGAAGTCTGCTGCCTGAGGTTA	272805
Sbjct	129661	CCTGGATAGATGCTCAGGGCCCTTATTCCAACAAAAGAAGTCTGCTGCCTGAGGTTA	129720
Query	272806	ACTGAGGGGCTGAGCTAGCTTAACTAGAAATAACCCCTCATGTGAGACTGCATTGGATCAG	272865

Sbjct	129721	ACTGAGGGGGCTGAGCTAGCTTAAGTAACTAGATAACCCCTCATGTGAGACTGCATTGGATCAG	129780
Query	272866	CTCCTGTCCGGTTTAATATTTAGTGGCACTAACAGCCTGCAGTCCTGAATCCTTGATGCA	272925
Sbjct	129781	CTCCTGTCCGGTTTAATATTTAGTGGCACTAACAGCCTGCAGTCCTGAATCCTTGATGCA	129840
Query	272926	GGTGTGTCCATGTCAAGTTGTCCCTTGAAGCCTCTCTCCAGTCTTGCCATTCAAAGACAA	272985
Sbjct	129841	GGTGTGTCCATGTCAAGTTGTCCCTTGAAGCCTCTCTCCAGTCTTGCCATTCAAAGACAA	129900
Query	272986	ATAGAGGCTGGCTTTAGGCCACAAAGCTATTCAAGTGTCTGAAGCTTTCAAAGGATGTCA	273045
Sbjct	129901	ATAGAGGCTGGCTTTAGGCCACAAAGCTATTCAAGTGTCTGAAGCTTTCAAAGGATGTCA	129960
Query	273046	GGGGCAGTTTGGTTAAACAAAAGCCATGTTACAGCTGACTGTTACTCTCTGGCTTCTGGG	273105
Sbjct	129961	GGGGCAGTTTGGTTAAACAAAAGCCATGTTACAGCTGACTGTTACTCTCTGGCTTCTGGG	130020
Query	273106	TCAAAAGCAGTATAGGTCCTATAGGTTTAAAAAAGCTCTAGATATTCCCTGGGGTCCTCAT	273165
Sbjct	130021	TCAAAAGCAGTATAGGTCCTATAGGTTTAAAAAAGCTCTAGATATTCCCTGGGGTCCTCAT	130080
Query	273166	TCTTTCCCTGCATCACCTGGCTAACCTTACATAAAATTTGTGGGCTATCCGGTGGCCTCTC	273225
Sbjct	130081	TCTTTCCCTGCATCACCTGGCTAACCTTACATAAAATTTGTGGGCTATCCGGTGGCCTCTC	130140
Query	273226	AGAGCCCCCACCCTGGCCATCAGAATCTGGCACCTGTTCTTTAACAGCATTGCTAAATTC	273285
Sbjct	130141	AGAGCCCCCACCCTGGCCATCAGAATCTGGCACCTGTTCTTTAACAGCATTGCTAAATTC	130200
Query	273286	TCAGTCAGGTCCAGTCCAAGGAAAGGCTGCACCTATATCAGCCTGAAGTAGAGTAGGCAG	273345
Sbjct	130201	TCAGTCAGGTCCAGTCCAAGGAAAGGCTGCACCTATATCAGCCTGAAGTAGAGTAGGCAG	130260
Query	273346	CCCATTTGCTCCAGAACCATTTTCTGGGTGGCTCCCAAGAACCTCTCTCTCTTTCCCTC	273405
Sbjct	130261	CCCATTTGCTCCAGAACCATTTTCTGGGTGGCTCCCAAGAACCTCTCTCTCTTTCCCTC	130320
Query	273406	TGTTGTGTAGTGACAGCTAGAGCTGACACCTGGGTTGACTGACACTCATCCAGGTAAGTC	273465
Sbjct	130321	TGTTGTGTAGTGACAGCTAGAGCTGACACCTGGGTTGACTGACACTCATCCAGGTAAGTC	130380
Query	273466	AACATGACTGAATCTAGAAGACCTGTGAGAGCTCATGTTCTATCTAAAAATGGGAGGGGG	273525
Sbjct	130381	AACATGACTGAATCTAGAAGACCTGTGAGAGCTCATGTTCTATCTAAAAATGGGAGGGGG	130440
Query	273526	GTTTCTGCCAGTTCTCTGCAAAATGGCACATGTGTATGAACACATATTCCCCTGAACATCT	273585
Sbjct	130441	GTTTCTGCCAGTTCTCTGCAAAATGGCACATGTGTATGAACACATATTCCCCTGAACATCT	130500
Query	273586	GGGGGGAGATTCTACCTGGGTTCCATAGCCTGGAGAGGTAAGGCCTTAGTAGACTGCCCT	273645
Sbjct	130501	GGGGGGAGATTCTACCTGGGTTCCATAGCCTGGAGAGGTAAGGCCTTAGTAGACTGCCCT	130560
Query	273646	CTGGAGAGTATGGGCCTGAATGTGAGGTGGACTCCAAGTGGGGTCGGGGAGGTCAGGGGC	273705
Sbjct	130561	CTGGAGAGTATGGGCCTGAATGTGAGGTGGACTCCAAGTGGGGTCGGGGAGGTCAGGGGC	130620
Query	273706	TGCTCTTCCCTCTGCCTGTGCTGGCTGAGGAAGGGTAGTGGCAGAGAGGGCATGATGAGG	273765
Sbjct	130621	TGCTCTTCCCTCTGCCTGTGCTGGCTGAGGAAGGGTAGTGGCAGAGAGGGCATGATGAGG	130680
Query	273766	AACATAGGAAGGGGACAGAAATCCTTGGGAGCAGAAAGAGGAAGCAAGGCAAGGGGCCG	273825
Sbjct	130681	AACATAGGAAGGGGACAGAAATCCTTGGGAGCAGAAAGAGGAAGCAAGGCAAGGGGCCG	130740
Query	273826	AGGCTGATTCTCCTTTAGAGAAGAAGGGTGGGGAGCAGAGAGGCCATAACaaaaaaaG	273885
Sbjct	130741	AGGCTGATTCTCCTTTAGAGAAGAAGGGTGGGGAGCAGAGAGGCCATAACAAAAAAG	130800
Query	273886	ACCTCATCCAAACAGGGACTTCTCAACCAGGTATTGCCACGTGGAGATGTATGACAGTTG	273945
Sbjct	130801	ACCTCATCCAAACAGGGACTTCTCAACCAGGTATTGCCACGTGGAGATGTATGACAGTTG	130860
Query	273946	GTCTGGGTGGCCTCAAAGTCTCATAACTAAACCTTCACCTGTAAATGATGGAGAGATG	274005
Sbjct	130861	GTCTGGGTGGCCTCAAAGTCTCATAACTAAACCTTCACCTGTAAATGATGGAGAGATG	130920
Query	274006	GAAAGTCCCCTCCTCAGTCTATAGGTGGGTCATTCAATTCCTGCAGTTATGCCTAGCTTGT	274065
Sbjct	130921	GAAAGTCCCCTCCTCAGTCTATAGGTGGGTCATTCAATTCCTGCAGTTATGCCTAGCTTGT	130980
Query	274066	AGGGACAAACTGCTAGCATTGGTCTAAGCTCCAccccccccAGTTACCTGGCAACAGCCA	274125
Sbjct	130981	AGGGACAAACTGCTAGCATTGGTCTAAGCTCCACCCCCCCCAGTTACCTGGCAACAGCCA	131040
Query	274126	GGTATGCATGACACTATAAAAGGGGCTGATGGCCCCCTCCTCATTCTGTTGctctcttgc	274185
Sbjct	131041	GGTATGCATGACACTATAAAAGGGGCTGATGGCCCCCTCCTCATTCTGTTGCTCTCTTGC	131100

Query	274186	tcttactctcttccccctttgtccgtctctccacattccccctctcccctactcttCCAAG	274245
Sbjct	131101	TCTTACTCTCTTCCCCCTTTGTCCGTCTCTCCACATTCCCCTCTCCCCTACTCTTCCAAG	131160
Query	274246	TACTCATAGACAGCCTCTACTTCTCTATTTCTCTACTCTTATTCCCCACCCCCAGTCTC	274305
Sbjct	131161	TACTCATAGACAGCCTCTACTTCTCTATTTCTCTACTCTTATTCCCCACCCCCAGTCTC	131220
Query	274306	TCTAGGCTTCTGCCACCCTCCCTGCCTGGTTGCTGACTTTGCAGCCTCTAGTTCTAATGG	274365
Sbjct	131221	TCTAGGCTTCTGCCACCCTCCCTGCCTGGTTGCTGACTTTGCAGCCTCTAGTTCTAATGG	131280
Query	274366	TGGGCTGGGAGAGCAGAAGCAGGTCTGGCCTAGCCCCCTTGAGTCCTGCTGGAGACTGGCT	274425
Sbjct	131281	TGGGCTGGGAGAGCAGAAGCAGGTCTGGCCTAGCCCCCTTGAGTCCTGCTGGAGACTGGCT	131340
Query	274426	GAGGAGACCTTCTCTTTCCCTGTGTGCAGCCATCTTCCCTCCCAAGTGTTCCAGTGCTCG	274485
Sbjct	131341	GAGGAGACCTTCTCTTTCCCTGTGTGCAGCCATCTTCCCTCCCAAGTGTTCCAGTGCTCG	131400
Query	274486	CTAGctctctgtctctctctccctatctctctctctctctcttctccttctgtcttgcctct	274545
Sbjct	131401	CTAGCTCTCTGTCTCTCTCTCCCTATCTCTCTCTCTCTCTTTCTCCTTCTGTCTTGCTCT	131460
Query	274546	ctttctcttttccgtgctctccatctgtctgtctatgtctctgtctttctctgttctctctg	274605
Sbjct	131461	CTTTCTCTTTCCGTGTCTCCATCTGTCTGTCTATGTCTCTGTCTTTCTCTGTTCTCTCTG	131520
Query	274606	tctctatctctcttgccttctctgtctctctatcttctctgtctctctgtctctctccttc	274665
Sbjct	131521	TCTCTATCTCTCTTGCTTTCTCTGTCTCTCTATTTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTCCTTC	131580
Query	274666	tgtctcgctctctttccctctgtgtctccatctgtctgtctatgtctctgtctgactcta	274725
Sbjct	131581	TGTCTCGCTCTCTTTCCCTCTGTGTCTCCATCTGTCTGTCTATGTCTCTGTCTGACTCTA	131640
Query	274726	ttctctctgtctctcttttctctgtctctctgtctctctcttctccttctgtctctccttct	274785
Sbjct	131641	TTCTCTCTGTCTCTCTTTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTTTCTCCTTCTGTCTCTCCTTCT	131700
Query	274786	ctctctgtgtgtgtctctctctgtctctctatcttctctgtctctctgtatctctctctgtct	274845
Sbjct	131701	CTCTCTGTGTGTGTCTCTCTGTCTCTCTATTTCTCTGTCTCTGTATTTCTCTCTCTGTCT	131760
Query	274846	ctctgtttctattctctctctgcctctgtctctctctctgcctctgtctctcatggctctcttc	274905
Sbjct	131761	CTCTGTTTCTATTCTCTCTGCCTCTGTCTCTCTCTGCCTCTGTCTCTCATGGTCTCTCTC	131820
Query	274906	tgtctcttggttttctctatcttctcttctctgtctctctctcttctctctgtctttctctg	274965
Sbjct	131821	TGTCTCTTGTTTTCTCTATTTCTCTTTCTCTGTCTCTCTCTTTCTCTCTGTCTTTCTCTG	131880
Query	274966	tgtctctctgtctctctctcttctccttctgtctctctctcttctctctgtgtgtctccatc	275025
Sbjct	131881	TGTCTCTCTGTCTCTCTCTTTCTCCTTCTGTCTCTCTCTTTCTCTCTGTGTGTCTCCATC	131940
Query	275026	tgtctgtctctctatgtctctgtctctctattctctctgtttctggctctctcttgccttct	275085
Sbjct	131941	TGTCTGTCTCTCTATGTCTCTGTCTCTATTCTCTCTGTTTCTGGCTCTCTCTTGCTTTCT	132000
Query	275086	ctgtctccctgtcttttctcttctctgttactctgtctctctctgtatctctcttctctct	275145
Sbjct	132001	CTGTCTCCCTGTCTTTCTCTTTCTCTGTTACTCTGTCTCTCTCTGTATCTCTCTTTCTCT	132060
Query	275146	ctctctgtctccctctgtctctctctctctgtctttctttgtctctctatctctctgtctct	275205
Sbjct	132061	CTCTCTGTCTCCCTCTGTCTCTCTCTGTCTTTTCTTTGTCTCTCTATTTCTCTGTCTCT	132120
Query	275206	ctgtctgtctctattctctctctccgtgtctctctctcggctctctgtctctcatggactttc	275265
Sbjct	132121	CTGTCTGTCTCTATTCTCTCTCTCCGTGTCTCTCTCGGTCTCTGTCTCTCATGGACTTTC	132180
Query	275266	tctgtctcttgccttctctatcttctcttctctctctcttctctctgtctctatcttctc	275325
Sbjct	132181	TCTGTCTCTTGCTTTCTCTATTTCTCTTTCTCTCTCTCTTTCTCTCTGTCTCTATTTCTC	132240
Query	275326	tatctctatcttctctctctgtctctccgtttgtctgtctctctgtctgtctctgtctgtc	275385
Sbjct	132241	TATCTCTATTTCTCTCTCTGTCTCTCCGTTTGTCTGTCTCTCTGTCTGTCTCTGTCTGTCT	132300
Query	275386	tctctgcctctgtctctctctgtctctctctgtctttctcttctcctcagctctctctgact	275445
Sbjct	132301	TCTCTGCCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTCTGTCTTTCTCTTTCTCCTCAGTCTCTCTGACT	132360
Query	275446	ctctgtctatctatctctgtcactctgcctctgtctttctgtctttctctgtttctcctc	275505
Sbjct	132361	CTCTGTCTATCTATCTCTGTCACTCTGCCTCTGTCTTTCTGTCTTTCTCTGTTTCTCCTC	132420
Query	275506	tgtctatctctctgtctctctcttctctctctgtctgcctctctgtccctctgtctctcct	275565

Sbjct	132421	TGTCTATCTCTCTGTCTCTCTTTCTCTCTCTGTCTGCCTCTCTGTCCCTCTGTCTCTCCT	132480
Query	275566	ctctgactctctctatatctctctatatctctctatttctctctctgtctctctgtctgtatct	275625
Sbjct	132481	CTCTGACTCTCTCTATCTCTCTATCTCTCTATTTCTCTCTCTGTCTCTCTGTCTGTATCT	132540
Query	275626	gtctgtctctctgacctctgtgtctgtctgtctctctgactatgtctctctctgtctctgt	275685
Sbjct	132541	GTCTGTCTCTCTGCCTCTGTGTCTGTCTGTCTCTCTGACTATGTCTCTCTCTGTCTCTGT	132600
Query	275686	ctctcatgggtctctgtctccctgtctttctctttctctgtctttctgtctctctctgtat	275745
Sbjct	132601	CTCTCATGGTCTCTGTCTCCCTGTCTTTCTCTTTCTCTGTCTTTCTGTCTCTCTGTAT	132660
Query	275746	ctctctcttttctctctctgtctccctctgtctctccctctctgtcttttctttgactctct	275805
Sbjct	132661	CTCTCTCTTTCTCTCTCTGTCTCCCTCTGTCTCTCCCTCTCTGTCTTTCTTTGACTCTCT	132720
Query	275806	atttctctgtctctctgtctgtctctattctctctctgtctgtgtctctctcgttctctg	275865
Sbjct	132721	ATTTCTCTGTCTCTCTGTCTGTCTCTATTCTCTCTCTGTCTGTGTCTCTCTCGTTCTCTG	132780
Query	275866	tctctcacggattctctctgtctctatgttgctttctctatttctctttctcgctctctc	275925
Sbjct	132781	TCTCTCACGGATTCTCTCTGTCTCTATGTTGCTTTCTCTAFTTCTCTTTCTCGCTCTCTC	132840
Query	275926	tttctctgtctctatatctctctatatctctatttctctctgtctctctgtttgtctgtctc	275985
Sbjct	132841	TTTCTCTGTCTCTATCTCTCTATCTCTCTATTTCTCTCTGTCTCTCTGTTGTCTGTCTC	132900
Query	275986	tctgtctgtctctgtctgtctctctgtctgtctctctgtctctctctgtcttttctctt	276045
Sbjct	132901	TCTGTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGTGTCTGTCTCTGTCTCTCTGTCTTTCTCTT	132960
Query	276046	tctcctcagtcctctctgactctctgtctgtctctctctctgtcactctgcctctgtctttct	276105
Sbjct	132961	TCTCCTCAGTCTCTCTGACTCTCTGTCTGTCTCTCTCTGTCACTCTGCCTCTGTCTTTCT	133020
Query	276106	gtcttttctctgtttctccgctgtctatatctctctgtctctcttttctctctctgtctgcctc	276165
Sbjct	133021	GTCTTTCTCTGTTTCTCCGCTGTCTATCTCTCTGTCTCTCTTTCTCTCTGTCTGCCTC	133080
Query	276166	tctgtctctctgtctctctctctctctctgactctctctctctctctctctctctctgtctcc	276225
Sbjct	133081	TCTGTCTCTCTGTCTCTCTCTGACTCTCTCTATCTCTCTATCTTTGTCTCTGTCTCC	133140
Query	276226	ctctgactctctctctgtctctctctctctctctctctctctctgtgtctctctctctctgactct	276285
Sbjct	133141	CTCTGACTCTCTCTCTGTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTGTGTCTCTCTCTCTGACTCT	133200
Query	276286	cagtctctctgtctctctctccatgactctctcttttctgtctccctctctgtctctctctcc	276345
Sbjct	133201	CAGTCTCTCTGTCTCTCTCCATGACTCTCTCTTTCTGTCTCCCTCTCTGTCTCTCTCTCC	133260
Query	276346	ctctctctgtctctgtctgtgtgtcctgcgtgtgatgtgtgtttgggactctgctcctg	276405
Sbjct	133261	CTCTCTCTGTCTCTGTCTGTGTCTCTGCGTGTGTATGTGTGTTTGGGACTCTGCTCCTG	133320
Query	276406	ctctctgCCCACAGCAGGCTCAAAGaaaaaaaaTCCAGCTTTTCGCCCTGTCCCCTTTCA	276465
Sbjct	133321	CTCTCTGCCACAGCAGGCTCAAAGAAAAAAAAATCCAGCTTTTCGCCCTGTCCCCTTTCA	133380
Query	276466	TAATCTGTTTGTCACCACCGCAATAATAGCATACTCATTGCTGGGATGGGAAACAGGCT	276525
Sbjct	133381	TAATCTGTTTGTCACCACCGCAATAATAGCATACTCATTGCTGGGATGGGAAACAGGCT	133440
Query	276526	ACTTTGAGTCCTCCTTGTCCTCCACCCCAACCAGGGCTGGGCCTGAAACAGTGGTCAGGG	276585
Sbjct	133441	ACTTTGAGTCCTCCTTGTCCTCCACCCCAACCAGGGCTGGGCCTGAAACAGTGGTCAGGG	133500
Query	276586	GCTTGACAGATGCCAGGTGGAAACTGCCACATGCCAGGTGGAAGTAGGAGCGTGACCCGC	276645
Sbjct	133501	GCTTGACAGATGCCAGGTGGAAACTGCCACATGCCAGGTGGAAGTAGGAGCGTGACCCGC	133560
Query	276646	AGAACCAAAGAACCAACCTCTCGGCTGCCCTCTACCTCAACTATGTGCATGCGTGATGC	276705
Sbjct	133561	AGAACCAAAGAACCAACCTCTCGGCTGCCCTCTACCTCAACTATGTGCATGCGTGATGC	133620
Query	276706	ATGCATGCGTGTGCCACTCCTGTCCCTACCTAGCTCCACAGACTAGCCATTACCAAGAC	276765
Sbjct	133621	ATGCATGCGTGTGCCACTCCTGTCCCTACCTAGCTCCACAGACTAGCCATTACCAAGAC	133680
Query	276766	TGGCCTGTGTTTCAGTTCCATCACTCTCTCCCTCACAGCACAACTTTCTTATTCCTTTTCT	276825
Sbjct	133681	TGGCCTGTGTTTCAGTTCCATCACTCTCTCCCTCACAGCACAACTTTCTTATTCCTTTTCT	133740
Query	276826	CTACCTACAAAACCTGTCAAAGTTCCGTATTATGACTTTCATTCTTATCCTGTCTGATAG	276885
Sbjct	133741	CTACCTACAAAACCTGTCAAAGTTCCGTATTATGACTTTCATTCTTATCCTGTCTGATAG	133800

Query	276886	GATTTTTGCTACTGCCTTTAAATTATGGTATGCTCTATTAGATATTACTAGGCAATATA	276945
Sbjct	133801	GATTTTTGCTACTGCCTTTAAATTATGGTATGCTCTATTAGATATTACTAGGCAATATA	133860
Query	276946	GCCCCGATCTTGTTAGAAATCTGCCTAATTATTAATATATTTAAGTTTATGAGACAGAAT	277005
Sbjct	133861	GCCCCGATCTTGTTAGAAATCTGCCTAATTATTAATATATTTAAGTTTATGAGACAGAAT	133920
Query	277006	CTTCTGAAATCTCTAACAGTTTGCCCCAAAAGGTTTCAGAAGATATGAACACAGCTTCAA	277065
Sbjct	133921	CTTCTGAAATCTCTAACAGTTTGCCCCAAAAGGTTTCAGAAGATATGAACACAGCTTCAA	133980
Query	277066	GAGTCTGCTTGGATTGTGATATGATAGCCACTGAGAAACACAGTGACAAAACCTGGATAC	277125
Sbjct	133981	GAGTCTGCTTGGATTGTGATATGATAGCCACTGAGAAACACAGTGACAAAACCTGGATAC	134040
Query	277126	CCTTAGAGTCAAATGATTTATCTAAATTAAGGTAAGTCAAAAATCTCATGTCACACCTAT	277185
Sbjct	134041	CCTTAGAGTCAAATGATTTATCTAAATTAAGGTAAGTCAAAAATCTCATGTCACACCTAT	134100
Query	277186	CCATTACACAGAGAAAAAGCTCTGTGTCTTCTGGGCTCCAAAGCCAGACTGAGTCTGCCC	277245
Sbjct	134101	CCATTACACAGAGAAAAAGCTCTGTGTCTTCTGGGCTCCAAAGCCAGACTGAGTCTGCCC	134160
Query	277246	AAGTTGCCATGGAGACCTTAGGGAACGTGTTGGGTAGTACACTCTGTCTATGTTTTAAATAA	277305
Sbjct	134161	AAGTTGCCATGGAGACCTTAGGGAACGTGTTGGGTAGTACACTCTGTCTATGTTTTAAATAA	134220
Query	277306	CATATGACTGCTAGATTATAAGCTATTCCCAGATTCTGACTACATTGACAGCTAAGGTA	277365
Sbjct	134221	CATATGACTGCTAGATTATAAGCTATTCCCAGATTCTGACTACATTGACAGCTAAGGTA	134280
Query	277366	GCTGTAGCTTAAACAACTAGGACACAGACTCTAAACTCAGTTTCTAGCGACTAGTTCAGCC	277425
Sbjct	134281	GCTGTAGCTTAAACAACTAGGACACAGACTCTAAACTCAGTTTCTAGCGACTAGTTCAGCC	134340
Query	277426	GTAAGCCTTCACAGATGGAATTGGTTGTTTCCTTATCTAAACCTGGATCCCGTTGATTAA	277485
Sbjct	134341	GTAAGCCTTCACAGATGGAATTGGTTGTTTCCTTATCTAAACCTGGATCCCGTTGATTAA	134400
Query	277486	ATGTTTCATATcccccccccccccttttttggttttcagtttaaacatttttttttttttg	277545
Sbjct	134401	ATGTTTCATATCCCCCCCCCCCCCTTTTTTGTTTTCAGTTTAAACATTTTTTTTTTTTGTG	134460
Query	277546	gtttctttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTC	277605
Sbjct	134461	GTTCTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTCCTAGGTAAGCGCTC	134520
Query	277606	TACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCAGTTTAAACATTTTTTAAACCAGGGTTGATCACA	277665
Sbjct	134521	TACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCCCAGTTTAAACATTTTTTAAACCAGGGTTGATCACA	134580
Query	277666	ACAGTCAACAGCACAAACAGAGGGGGAGCATAGCTATTGCCAACCCGGTCACCTGAGGCTC	277725
Sbjct	134581	ACAGTCAACAGCACAAACAGAGGGGGAGCATAGCTATTGCCAACCCGGTCACCTGAGGCTC	134640
Query	277726	TAGGAAGAGCTTTAGCTTTGTGATACAAGGGACCCCTAGACCCCCAAGGCTGCAGGCTGT	277785
Sbjct	134641	TAGGAAGAGCTTTAGCTTTGTGATACAAGGGACCCCTAGACCCCCAAGGCTGCAGGCTGT	134700
Query	277786	CTTCCCTCTCCCCCTGGCCTCCCCCACCAGCGAGGTGGCATCTATGAGGCCCAGCAGAT	277845
Sbjct	134701	CTTCCCTCTCCCCCTGGCCTCCCCCACCAGCGAGGTGGCATCTATGAGGCCCAGCAGAT	134760
Query	277846	GGCACTCTCCCTCTTCCAGTCTCTGTGGCTCACAACCAGGCTAAGGGGCAGAGGTAGCTG	277905
Sbjct	134761	GGCACTCTCCCTCTTCCAGTCTCTGTGGCTCACAACCAGGCTAAGGGGCAGAGGTAGCTG	134820
Query	277906	GGGAGACAAGGGGGTACACGAGGCCCAGGTGGCAGTGAGGGAGCTTGGAACCCTGAGGAG	277965
Sbjct	134821	GGGAGACAAGGGGGTACACGAGGCCCAGGTGGCAGTGAGGGAGCTTGGAACCCTGAGGAG	134880
Query	277966	GGCATGCTGACACCTTGCTGGAGAAAAGGCACCTAAATAGGGAAGCTGGACTTGTGGGCC	278025
Sbjct	134881	GGCATGCTGACACCTTGCTGGAGAAAAGGCACCTAAATAGGGAAGCTGGACTTGTGGGCC	134940
Query	278026	TCCCAGGGAGACACGGGTTAAAGGGAGCAGTATGGTGAAAACCTCCAATTCTGGTTCCAC	278085
Sbjct	134941	TCCCAGGGAGACACGGGTTAAAGGGAGCAGTATGGTGAAAACCTCCAATTCTGGTTCCAC	135000
Query	278086	TGCCAACATCCTACAAGGAAAGGCAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTATGCCTGAAACCT	278145
Sbjct	135001	TGCCAACATCCTACAAGGAAAGGCAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTATGCCTGAAACCT	135060
Query	278146	GTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCCACCCTGCTCCCCAAGCCCAAGTCCTTCCCATTGC	278205
Sbjct	135061	GTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCCACCCTGCTCCCCAAGCCCAAGTCCTTCCCATTGC	135120
Query	278206	CCAGCTGTAGGCCATGTGCTGGGAGAGAATGGATGTTAAAGGGGTCTCAGGCTGTCTTGG	278265



Sbjct	135121	CCAGCTGTAGGCCATGTGCTGGGAGAGAATGGATGTTAAAGGGTCTCAGGCTGTCTTGG	135180
Query	278266	TGCCTCAGCCACCTCCTCGTGGGCCAGAGCTCCACGTGGTGTTTTGGACCAAACCCCT	278325
Sbjct	135181	TGCCTCAGCCACCTCCTCGTGGGCCAGAGCTCCACGTGGTGTTTTGGACCAAACCCCT	135240
Query	278326	CATCTTAGTTGCCTTTGCTCTTAAACAGCTGCTGAAAGTGAGGTTTGCAGTAAAATGCAC	278385
Sbjct	135241	CATCTTAGTTGCCTTTGCTCTTAAACAGCTGCTGAAAGTGAGGTTTGCAGTAAAATGCAC	135300
Query	278386	GTGCATTGCAGCATAACTGCCAGGCTGAATTTGGTGCGGCAGTGTTTCGCAACAGAAACT	278445
Sbjct	135301	GTGCATTGCAGCATAACTGCCAGGCTGAATTTGGTGCGGCAGTGTTTCGCAACAGAAACT	135360
Query	278446	GGAGTTGTGGAAAATGAGCTTGTCTGCCACCAGCCGCTCCATAGGGTACACAGTCTTCTG	278505
Sbjct	135361	GGAGTTGTGGAAAATGAGCTTGTCTGCCACCAGCCGCTCCATAGGGTACACAGTCTTCTG	135420
Query	278506	GCAGGCTGCACAGGTCTCCTTCACCTGAGTCTGCAAGCTAAAGGACTTAGATAGCTGCAC	278565
Sbjct	135421	GCAGGCTGCACAGGTCTCCTTCACCTGAGTCTGCAAGCTAAAGGACTTAGATAGCTGCAC	135480
Query	278566	CGTGCTGTTGCCACTGCTGCCTTTGGCTTCATGAGACAAGGTGGCCTGGGCGGCTCCAGC	278625
Sbjct	135481	CGTGCTGTTGCCACTGCTGCCTTTGGCTTCATGAGACAAGGTGGCCTGGGCGGCTCCAGC	135540
Query	278626	AGCCTGGAACATGGCTCTTCAGAGGTGCTTGGCGGCCCTGGAGGAGATGCCAAGCCAAGA	278685
Sbjct	135541	AGCCTGGAACATGGCTCTTCAGAGGTGCTTGGCGGCCCTGGAGGAGATGCCAAGCCAAGA	135600
Query	278686	AGGCTCGGGCTGGCCTGCGCCGCAGGCGGGGGTAGGTTCGCTGGGGGACCGCTTCCGGTG	278745
Sbjct	135601	AGGCTCGGGCTGGCCTGCGCCGCAGGCGGGGGTAGGTTCGCTGGGGGACCGCTTCCGGTG	135660
Query	278746	CAAGAGGCTCGGGCTCTAGCTGCCATAGCTGCCAGTAGTCCCTGAGCAGCAGCCCCGTAT	278805
Sbjct	135661	CAAGAGGCTCGGGCTCTAGCTGCCATAGCTGCCAGTAGTCCCTGAGCAGCAGCCCCGTAT	135720
Query	278806	TTCTCTTCTTGTAAACTTTTCACTACATGGATCTAACTGTATAATCGCAAATTCTTAT	278865
Sbjct	135721	TTCTCTTCTTGTAAACTTTTCACTACATGGATCTAACTGTATAATCGCAAATTCTTAT	135780
Query	278866	TCCTTCTGTTCCACAAACAGATTATCTTAAAGAATGTTTCATGTCGTTAACTCttttttttt	278925
Sbjct	135781	TCCTTCTGTTCCACAAACAGATTATCTTAAAGAATGTTTCATGTCGTTAACTCTTTTTTTT	135840
Query	278926	tttAAGGATTATTTTATTTATATATGCGATTACACTGTCTCTGTCTTCAGACACACCAGA	278985
Sbjct	135841	TTTAAGGATTATTTTATTTATATATGCGATTACACTGTCTCTGTCTTCAGACACACCAGA	135900
Query	278986	AGAGGGCATTAGATCTCATTTTCAGATGGTTGTGTGCCACCATGTGGTTGCTGGGATTTGA	279045
Sbjct	135901	AGAGGGCATTAGATCTCATTTTCAGATGGTTGTGTGCCACCATGTGGTTGCTGGGATTTGA	135960
Query	279046	ACTCAGGATCTTGGAAGAAGCAGTCAGTTCTCTTAACCTCTGGGCCACCTCTCCAGCCCC	279105
Sbjct	135961	ACTCAGGATCTTGGAAGAAGCAGTCAGTTCTCTTAACCTCTGGGCCACCTCTCCAGCCCC	136020
Query	279106	ATGTTGTTAAATTAACCTTTTGTGTTATCTCTTTTGTAAACTTGTAACCTACAGGAAACC	279165
Sbjct	136021	ATGTTGTTAAATTAACCTTTTGTGTTATCTCTTTTGTAAACTTGTAACCTACAGGAAACC	136080
Query	279166	CACTCAGATCTATCCCTTATGGACCAAATAGACTCCACCCAGATAATCTGGGTAATCTGT	279225
Sbjct	136081	CACTCAGATCTATCCCTTATGGACCAAATAGACTCCACCCAGATAATCTGGGTAATCTGT	136140
Query	279226	CTATCTGTCTAATGTTCCCACTTACTACCTATTCCAAAGGGTGGGATTCCTCTGGGTTTC	279285
Sbjct	136141	CTATCTGTCTAATGTTCCCACTTACTACCTATTCCAAAGGGTGGGATTCCTCTGGGTTTC	136200
Query	279286	AAATGTACATCTAAGAAAAATTTACTTTTCTCCCAAATACACTTAATCTTATCTCTGCC	279345
Sbjct	136201	AAATGTACATCTAAGAAAAATTTACTTTTCTCCCAAATACACTTAATCTTATCTCTGCC	136260
Query	279346	tataatatatatatatatatgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	279405
Sbjct	136261	TATAATATATATATATATATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	136320
Query	279406	gtgtgtTCCAGCATCTTGCCAAGTCCAGACACTTAGTACATCTAGGACAGCTCCAGAGAA	279465
Sbjct	136321	GTGTGTTCCAGCATCTTGCCAAGTCCAGACACTTAGTACATCTAGGACAGCTCCAGAGAA	136380
Query	279466	GCAACCTCCAGATGCTGAACTGTCCCCTCACAGACACAGACGCTTCGATTGGACCTGTTT	279525
Sbjct	136381	GCAACCTCCAGATGCTGAACTGTCCCCTCACAGACACAGACGCTTCGATTGGACCTGTTT	136440
Query	279526	CTTCTCACCTATCCACAGACGGTTCAACAGACCCTGGACAACAAGGAAACAGCCAACCTCT	279585
Sbjct	136441	CTTCTCACCTATCCACAGACGGTTCAACAGACCCTGGACAACAAGGAAACAGCCAACCTCT	136500

Query	279586	AAGACTGGACAAACATCCCCATGCCCACTTTTCTAGGTTCCCTAGAGACATATGGCTGTA	279645
Sbjct	136501	AAGACTGGACAAACATCCCCATGCCCACTTTTCTAGGTTCCCTAGAGACATATGGCTGTA	136560
Query	279646	AAGCAAACAGGAAGTAGAGATCACAACAATGACAACCCTATTCTGCTTCACCATCATCT	279705
Sbjct	136561	AAGCAAACAGGAAGTAGAGATCACAACAATGACAACCCTATTCTGCTTCACCATCATCT	136620
Query	279706	CTTTTGAAAtttttcttttttttATTAAACCCAAACAGGGGAATGTTAGCATTCTGTCTAAG	279765
Sbjct	136621	CTTTTGAAATTTTCTTTTATTAAACCCAAACAGGGGAATGTTAGCATTCTGTCTAAG	136680
Query	279766	CTCCACCCCATAGGTTACCTGGCAACAAGAGTCAGGTATGCCTGACTATATAAAAGGGGA	279825
Sbjct	136681	CTCCACCCCATAGGTTACCTGGCAACAAGAGTCAGGTATGCCTGACTATATAAAAGGGGA	136740
Query	279826	TGCTTCCCCTCCTCActctcttgttctcttctcctcctcttctgtttcttaccactctttc	279885
Sbjct	136741	TGCTTCCCCTCCTCACTCTCTTGTCTCTTCTCCTCCTCTTGCTTCTTACCAACTCTTTC	136800
Query	279886	ccttgctcctctctccccccattccctccccctccACCTCCACATGCTCACAGCTGGcctct	279945
Sbjct	136801	CCTTGTCCCTTCTCCCCCATTCCCTCCCCTCCACCTCCACATGCTCACAGCTGGCCTCT	136860
Query	279946	ctgcctctctacttctctactcctctactccttctcctccactctccccctcctctc	280005
Sbjct	136861	CTGCCTCTCTACTTCTCTACTCCTCTACTCCTTCTCCCTCCACCTCTCCCCCTCCTCTC	136920
Query	280006	cctccccctccccctctctctctcctcctcctcctctcctcactcctttgtcctctcc	280065
Sbjct	136921	CCTCCCCCTCCCCCTCTCTCTCCTCCCTCCCTCTCCTCACTCCCTTGTCCCTCCC	136980
Query	280066	tctcctcctcctcctccccctctgtctcctctcctccactcaccctctctctctccac	280125
Sbjct	136981	TCTCCTCCTCCTCCTCCCCCTCTGTCTCCCTCTCCCTCCCACTCACCTCTCTCTCCAC	137040
Query	280126	tctcctctctctcctgtgcctctactaccctcttaactcctctccccATGCCCTGGATAAA	280185
Sbjct	137041	TCTCCCTCTCTCCTGTGCCTCTACTACCCTCTTAACTCCTCTCCCCATGCCCTGGATAAA	137100
Query	280186	CTTTATACTATACTGTATTATCCTGGGTTGGTTTCCTCAGGGGAAGGGATGTCTCAGCATG	280245
Sbjct	137101	CTTTATACTATACTGTATTATCCTGGGTTGGTTTCCTCAGGGGAAGGGATGTCTCAGCATG	137160
Query	280246	GGCCTGCAGAGGCACCCCTTTCCCTTATACCTCACCACACCTCCATAGAACATATCCCCA	280305
Sbjct	137161	GGCCTGCAGAGGCACCCCTTTCCCTTATACCTCACCACACCTCCATAGAACATATCCCCA	137220
Query	280306	CTCTTTATCTTTTCATAAACACATCATAAACAACCAGACCCAAGTCTTCTGTGACTCTGT	280365
Sbjct	137221	CTCTTTATCTTTTCATAAACACATCATAAACAACCAGACCCAAGTCTTCTGTGACTCTGT	137280
Query	280366	GAGGTCTTAAATGGTTTCAGGATCAGCCCCAGTGGAATGCTTTGTGCCTGCCCCGTCCTA	280425
Sbjct	137281	GAGGTCTTAAATGGTTTCAGGATCAGCCCCAGTGGAATGCTTTGTGCCTGCCCCGTCCTA	137340
Query	280426	GGAATTAAGAAAAATTTGTAGGAGAGGACAAAAAGCACAAACAGAATACACACAGAG	280485
Sbjct	137341	GGAATTAAGAAAAATTTGTAGGAGAGGACAAAAAGCACAAACAGAATACACACAGAG	137400
Query	280486	TGACATAGAAGGACATTCCCAGAAAAACAAAACTGAACCAAATGCTGTCTCAGATGGTC	280545
Sbjct	137401	TGACATAGAAGGACATTCCCAGAAAAACAAAACTGAACCAAATGCTGTCTCAGATGGTC	137460
Query	280546	TGGGCTGCCGCCACCTGTCCACCCACAAATTGCCACTGGCCACCTCAGGCTCCCTGACCC	280605
Sbjct	137461	TGGGCTGCCGCCACCTGTCCACCCACAAATTGCCACTGGCCACCTCAGGCTCCCTGACCC	137520
Query	280606	TGCTCCCCTCACATGCAGTCTGAGCCAGTTCCTACTTGCCCTCCCACCACCAATACCCT	280665
Sbjct	137521	TGCTCCCCTCACATGCAGTCTGAGCCAGTTCCTACTTGCCCTCCCACCACCAATACCCT	137580
Query	280666	AAGCTGGCTTGGCTATGCCCTTATGGTTTTCTTTCTCAGCCTTGCTGTATTTGGAAATC	280725
Sbjct	137581	AAGCTGGCTTGGCTATGCCCTTATGGTTTTCTTTCTCAGCCTTGCTGTATTTGGAAATC	137640
Query	280726	AAAGTTTGCCATCAATAACATTTTCAGAAATCCTTTATTACTGGCATTGAACTACTTGTA	280785
Sbjct	137641	AAAGTTTGCCATCAATAACATTTTCAGAAATCCTTTATTACTGGCATTGAACTACTTGTA	137700
Query	280786	AAGATGAGTAATTGACAAGAAATGACAATCAGAATTGTGGTTCTGGCTCAGTAGCATTTA	280845
Sbjct	137701	AAGATGAGTAATTGACAAGAAATGACAATCAGAATTGTGGTTCTGGCTCAGTAGCATTTA	137760
Query	280846	GACTTCATTTGGGTGAGTTTTCCCTTACCTTTGTAAACAAGCAACTGTTGATGTCTGAAAG	280905
Sbjct	137761	GACTTCATTTGGGTGAGTTTTCCCTTACCTTTGTAAACAAGCAACTGTTGATGTCTGAAAG	137820
Query	280906	CCAGGTGCTAACTAAGCTTGGTTCCCTAGAAGAACAGTCTCTCAGGAAATTCTTTTCTAA	280965

[illegible]

Query	282286	TCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCTGCGCCTCCTGGAAAAAGGGCCTTTTTTCGGCTTCT	282345
Sbjct	139201	TCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCTGCGCCTCCTGGAAAAAGGGCCTTTTTTCGGCTTCT	139260
Query	282346	GTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCAGCTGCTTGCTGATCTCTGAATTCTGCATGCTGGGA	282405
Sbjct	139261	GTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCAGCTGCTTGCTGATCTCTGAATTCTGCATGCTGGGA	139320
Query	282406	TTCTGTTGAGCCAACTTGCGCCTCTCTCCACGGGACCACACCATAAATGCATTTCATGGGG	282465
Sbjct	139321	TTCTGTTGAGCCAACTTGCGCCTCTCTCCACGGGACCACACCATAAATGCATTTCATGGGG	139380
Query	282466	CGCTTGACATGGCCCTCCATGCTATCTAGACAACTGTCACTGCTCCCAAAGCTCTCCCTT	282525
Sbjct	139381	CGCTTGACATGGCCCTCCATGCTATCTAGACAACTGTCACTGCTCCCAAAGCTCTCCCTT	139440
Query	282526	CTCCAGAGATTAATATGTCCTCAGGCTGTAGGGCTGAACACTGAAAGTGAAGATCTGAAA	282585
Sbjct	139441	CTCCAGAGATTAATATGTCCTCAGGCTGTAGGGCTGAACACTGAAAGTGAAGATCTGAAA	139500
Query	282586	TGCTGAATGTAGTGGAAGAATTAGGATTGCAACCAGGAAGTcagagatgggatgagagag	282645
Sbjct	139501	TGCTGAATGTAGTGGAAGAATTAGGATTGCAACCAGGAAGTCAGAGATGGGATGAGAGAG	139560
Query	282646	acagagatagagacagaaaacagagagacagagacagacagagacagaaAATCAAGATATAA	282705
Sbjct	139561	ACAGAGATAGAGACAGAAACAGAGAGACAGAGACAGACAGAGACAGAAATCAAGATATAA	139620
Query	282706	AGTGTAAGGGGTAAAAGCTAGTATCCGAACTGTGTTTGTAACAAAGATTTTAGTATTTAA	282765
Sbjct	139621	AGTGTAAGGGGTAAAAGCTAGTATCCGAACTGTGTTTGTAACAAAGATTTTAGTATTTAA	139680
Query	282766	AGTGTGTAAGAAAAATATTCATCCCTCCTCCCTCGGGACCTCCACGTCAGCCCAACTAA	282825
Sbjct	139681	AGTGTGTAAGAAAAATATTCATCCCTCCTCCCTCGGGACCTCCACGTCAGCCCAACTAA	139740
Query	282826	TCTACTTTGAAGCCACCACACAAACCTACATATTGTCAACCAAACCCCTGTGGATTGTA	282885
Sbjct	139741	TCTACTTTGAAGCCACCACACAAACCTACATATTGTCAACCAAACCCCTGTGGATTGTA	139800
Query	282886	AATGTAGAGACTGCACTTTTACACTCCTTAAAAACATACAACTTTCTCTTTGGTCATTTT	282945
Sbjct	139801	AATGTAGAGACTGCACTTTTACACTCCTTAAAAACATACAACTTTCTCTTTGGTCATTTT	139860
Query	282946	TTTCGCAACAAGCATTAAGATACAACAATGAGCATACTAAGCCGTTCTTTTTGCCCTGTAG	283005
Sbjct	139861	TTTCGCAACAAGCATTAAGATACAACAATGAGCATACTAAGCCGTTCTTTTTGCCCTGTAG	139920
Query	283006	CATACATGATATTTATGATGGACTAACTGAGAAATAAACAAGCATGTACAAGTGGTAGAG	283065
Sbjct	139921	CATACATGATATTTATGATGGACTAACTGAGAAATAAACAAGCATGTACAAGTGGTAGAG	139980
Query	283066	AGGGTCAAAGATAAGTAGGAAAACAATCAATTGTATCCTAGTCCAGTAAGCGAGATGGCA	283125
Sbjct	139981	AGGGTCAAAGATAAGTAGGAAAACAATCAATTGTATCCTAGTCCAGTAAGCGAGATGGCA	140040
Query	283126	TGAAGAAAAAGAATCAGTCTGTCCAGGGCAATAGCCCACTATAAAAGATCTACACAATGGG	283185
Sbjct	140041	TGAAGAAAAAGAATCAGTCTGTCCAGGGCAATAGCCCACTATAAAAGATCTACACAATGGG	140100
Query	283186	ACAAAGaaaaaaccaaaaacaaaaaCAGTAGTAATGCTGAATTTTAGAATTGAAAGCTACA	283245
Sbjct	140101	ACAAAGAAAAACCAAAAACAAAACAGTAGTAATGCTGAATTTTAGAATTGAAAGCTACA	140160
Query	283246	AAACCTAAAACCTCAACATATATCTCAAGGAAGTTTCTTTCTCTCTTTGTCATATACATG	283305
Sbjct	140161	AAACCTAAAACCTCAACATATATCTCAAGGAAGTTTCTTTCTCTCTTTGTCATATACATG	140220
Query	283306	CATCATAAAGCTCGTTTGTACAAATTTCTATGTAGTAATACTAAAAATATTGTTATTAG	283365
Sbjct	140221	CATCATAAAGCTCGTTTGTACAAATTTCTATGTAGTAATACTAAAAATATTGTTATTAG	140280
Query	283366	GATTATTTCAATACACCCAACAGTTGTTGCTGGCATGTTGCTAAAGTGCATTTGAGACTC	283425
Sbjct	140281	GATTATTTCAATACACCCAACAGTTGTTGCTGGCATGTTGCTAAAGTGCATTTGAGACTC	140340
Query	283426	AATTATTTacagatacacacagacacacacacactccacattcagataatcacacagaca	283485
Sbjct	140341	AATTATTTACAGATACACACAGACACACACACACTCCACATTAGATAATCACACAGACA	140400
Query	283486	ctcagacaaatacaacagaaaacacacTACTGTATTCTCTACTCTGAAAAAATGTGTCCTG	283545
Sbjct	140401	CTCAGACAAATACAACAGAAACACACTACTGTATTCTCTACTCTGAAAAAATGTGTCCTG	140460
Query	283546	AGCCTTGGTGGGCTGCAGAGGGACCCCCATCCAGAAGCTAGAGACATTTGCCTCAGGTCA	283605
Sbjct	140461	AGCCTTGGTGGGCTGCAGAGGGACCCCCATCCAGAAGCTAGAGACATTTGCCTCAGGTCA	140520
Query	283606	CTGCAGAAGACATCTGTCTGGATATCCAGAAGTACTTCTCTCTCCGACAGAGAAGGCTGG	283665

Sbjct	140521	CTGCAGAAGACATCTGTCTGGATATCCAGAAGTACTTCTCTCTCCGACAGAGAAGGCTGG	140580
Query	283666	AGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCAGCCTGGTATATGAGAGTTCACAGAGCTGCT	283725
Sbjct	140581	AGGGAGAACACATGCAATCCTGGCTGAGCAGCCTGGTATATGAGAGTTCACAGAGCTGCT	140640
Query	283726	GACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGTATACAAGGGATGGTAG	283785
Sbjct	140641	GACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAAGATAAGCAGTGTATACAAGGGATGGTAG	140700
Query	283786	GGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACACTTCACAGAGTGCCAGACAAACCATCTCTTAGTT	283845
Sbjct	140701	GGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACACTTCACAGAGTGCCAGACAAACCATCTCTTAGTT	140760
Query	283846	CAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCAGTAAGTAGAGTAATGTGGGGA	283905
Sbjct	140761	CAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCCAATGTCAGTAAGTAGAGTAATGTGGGGA	140820
Query	283906	GCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTGAGGAAAAGCCATTTGCTAGAGGTCCCTCCTGTGAG	283965
Sbjct	140821	GCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTGAGGAAAAGCCATTTGCTAGAGGTCCCTCCTGTGAG	140880
Query	283966	GCAATAGGACAGGTATTTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGTCTCTCCAGTTTGCTT	284025
Sbjct	140881	GCAATAGGACAGGTATTTTCTCAACATCCACAGCCAAGCCTATGTCTCTCCAGTTTGCTT	140940
Query	284026	CAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTGTGCTTG	284085
Sbjct	140941	CAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTGTGCTTG	141000
Query	284086	GCCCAAGAATGACCTACCACATATGTGTGCTTGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTC	284145
Sbjct	141001	GCCCAAGAATGACCTACCACATATGTGTGCTTGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTC	141060
Query	284146	TGCTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGCCCAAGATGGACCTACCACA	284205
Sbjct	141061	TGCTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTGCCCAAGATGGACCTACCACA	141120
Query	284206	TATGTCTGCTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATTTGTCTGCTTGCCCAAGAAGGCACA	284265
Sbjct	141121	TATGTCTGCTTGCCCAAGAAGGACCTACCACATTTGTCTGCTTGCCCAAGAAGGCACA	141180
Query	284266	GAAAGGTTTGTGAGCTCTTGGGCAGGAAGGGTGTTGCGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTT	284325
Sbjct	141181	GAAAGGTTTGTGAGCTCTTGGGCAGGAAGGGTGTTGCGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTT	141240
Query	284326	TCAGGCAGAGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAGTAAAGGAAACACTGTGAGT	284385
Sbjct	141241	TCAGGCAGAGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTCAAGTAAGAGTAAAGGAAACACTGTGAGT	141300
Query	284386	AATGCCCAGCCAGCCTTCCTCAATTGTGTGCTGGCATTTCATATTCTGTGTATATTCATG	284445
Sbjct	141301	AATGCCCAGCCAGCCTTCCTCAATTGTGTGCTGGCATTTCATATTCTGTGTATATTCATG	141360
Query	284446	CCGGATAGGTCTTGCCAGACCTTGAAGAAGTAGACCTTGAAGTAGGAAGGGGCCACATC	284505
Sbjct	141361	CCGGATAGGTCTTGCCAGACCTTGAAGAAGTAGACCTTGAAGTAGGAAGGGGCCACATC	141420
Query	284506	TTCTTGAGAATCAGCAAGGGAAGATCTGGAGAAGCCCCATGATCCTCAGACTCATCAAT	284565
Sbjct	141421	TTCTTGAGAATCAGCAAGGGAAGATCTGGAGAAGCCCCATGATCCTCAGACTCATCAAT	141480
Query	284566	CCCTGCTCTGCAGCTGCTGTGTCAATATAAGTCAAGGTGAGGGGCACCAGACACCCAGG	284625
Sbjct	141481	CCCTGCTCTGCAGCTGCTGTGTCAATATAAGTCAAGGTGAGGGGCACCAGACACCCAGG	141540
Query	284626	TGAGGCCTAGCAGTTTTCTGTGTTGTGGACACAATAACAGGAAAAGCTGATACTTGTGG	284685
Sbjct	141541	TGAGGCCTAGCAGTTTTCTGTGTTGTGGACACAATAACAGGAAAAGCTGATACTTGTGG	141600
Query	284686	AGAAAAGTCAGTTTGAGGGCACTGATGGGATGGAAGTTGGGGAGTTCCATAACCGTGCTGA	284745
Sbjct	141601	AGAAAAGTCAGTTTGAGGGCACTGATGGGATGGAAGTTGGGGAGTTCCATAACCGTGCTGA	141660
Query	284746	CAATGAAGCTGCACCTTTCCTAACACTGCGGGGATGGGCTTTCTGGGTTACTCTCAGAAA	284805
Sbjct	141661	CAATGAAGCTGCACCTTTCCTAACACTGCGGGGATGGGCTTTCTGGGTTACTCTCAGAAA	141720
Query	284806	CCCAGACTTTTACTCTTGAATCCTGTGTCTGAGTCAGTGTGTCTAGTGAGGTCACATCCCA	284865
Sbjct	141721	CCCAGACTTTTACTCTTGAATCCTGTGTCTGAGTCAGTGTGTCTAGTGAGGTCACATCCCA	141780
Query	284866	ACATTGAGAACTGCACTGGAGGGTGCCACAGGGAATTCTGTCAAGGCCAACATTCTGTGA	284925
Sbjct	141781	ACATTGAGAACTGCACTGGAGGGTGCCACAGGGAATTCTGTCAAGGCCAACATTCTGTGA	141840
Query	284926	TTTCCACATGAGGCAGGAGCAATTAGTGTGTCTCCAGGACTCTGAAGCAGGAGTTAAA	284985
Sbjct	141841	TTTCCACATGAGGCAGGAGCAATTAGTGTGTCTCCAGGACTCTGAAGCAGGAGTTAAA	141900

Query	284986	GTGCCCCAAATGCCTTGTCTGGTAGCCTGTTATTGCCTGGTTGCTCTTGATGGAGGCATT	285045
Sbjct	141901	GTGCCCCAAATGCCTTGTCTGGTAGCCTGTTATTGCCTGGTTGCTCTTGATGGAGGCATT	141960
Query	285046	GATGATCTGTGTGCTGTCTTCCTAAGAGAGTGCATGTAACCTATTAGGAGGAGGAAATAC	285105
Sbjct	141961	GATGATCTGTGTGCTGTCTTCCTAAGAGAGTGCATGTAACCTATTAGGAGGAGGAAATAC	142020
Query	285106	CTTTCTCTCTGACTTCCTCACTCAGCTCCAGAAAGGACCCCCGTCCATTCTGCCAAGCCA	285165
Sbjct	142021	CTTTCTCTCTGACTTCCTCACTCAGCTCCAGAAAGGACCCCCGTCCATTCTGCCAAGCCA	142080
Query	285166	CTGCCCTTGGCTTTGGCTCTCCATCCACTGGCAAAGGCATGTTTTGGCATCTTGCCACTT	285225
Sbjct	142081	CTGCCCTTGGCTTTGGCTCTCCATCCACTGGCAAAGGCATGTTTTGGCATCTTGCCACTT	142140
Query	285226	TGTATCCTCAAGTACAGCCCTTCTCTACCCCTATTTCCTCACGTGGATAACACCTCATGA	285285
Sbjct	142141	TGTATCCTCAAGTACAGCCCTTCTCTACCCCTATTTCCTCACGTGGATAACACCTCATGA	142200
Query	285286	CTACCAGTTGCTGAGGGAGTAGTGTCACTGAATGGCATGTCAGTCCCAGTCCTGTCTCAT	285345
Sbjct	142201	CTACCAGTTGCTGAGGGAGTAGTGTCACTGAATGGCATGTCAGTCCCAGTCCTGTCTCAT	142260
Query	285346	TTCTCCAAGCACACGCTGCCAGCCATCCAGATCATAGCATCCAGAGTCCCTTTTCTCCCA	285405
Sbjct	142261	TTCTCCAAGCACACGCTGCCAGCCATCCAGATCATAGCATCCAGAGTCCCTTTTCTCCCA	142320
Query	285406	TCAAGGGCATCAGAGGACTCCCTACCTGAGACTGCCTTCTAACTTTCTTAGCAGAGACCT	285465
Sbjct	142321	TCAAGGGCATCAGAGGACTCCCTACCTGAGACTGCCTTCTAACTTTCTTAGCAGAGACCT	142380
Query	285466	AAGGTAATGTGTACAGGCTGCACTTGGCCATGGATTCTTTTTGCCTGCTATTTATTCCAT	285525
Sbjct	142381	AAGGTAATGTGTACAGGCTGCACTTGGCCATGGATTCTTTTTGCCTGCTATTTATTCCAT	142440
Query	285526	GGATAGCCTCTGCCTTTTATAATTCTCCTCACGGGACTACCCCAAAACAATATGATAATGG	285585
Sbjct	142441	GGATAGCCTCTGCCTTTTATAATTCTCCTCACGGGACTACCCCAAAACAATATGATAATGG	142500
Query	285586	CTTAGAGAACCAGGTCCTTGAGTACTTTTGTTCTTCCAGCCTTCTCCAGGTGCTTTCCAA	285645
Sbjct	142501	CTTAGAGAACCAGGTCCTTGAGTACTTTTGTTCTTCCAGCCTTCTCCAGGTGCTTTCCAA	142560
Query	285646	TAATGTTTCTTTGTGTCAGGGTTAGGAGAGGGGCCCTGTCTATTTCCCCCAAGTTTACCAAG	285705
Sbjct	142561	TAATGTTTCTTTGTGTCAGGGTTAGGAGAGGGGCCCTGTCTATTTCCCCCAAGTTTACCAAG	142620
Query	285706	TCAAATGTAGTTATCTATTGCTTGTGTCAAACCCATCACACAGGACAAGAGGACTGGGGG	285765
Sbjct	142621	TCAAATGTAGTTATCTATTGCTTGTGTCAAACCCATCACACAGGACAAGAGGACTGGGGG	142680
Query	285766	GTCCTATCATCATCCACAGTCTAGCTTGAAACCTGAGTAGAATGGCCCTACTCCGACCCT	285825
Sbjct	142681	GTCCTATCATCATCCACAGTCTAGCTTGAAACCTGAGTAGAATGGCCCTACTCCGACCCT	142740
Query	285826	GTCTTGTTGACCTGTGTGGTCCTTGGGGTCAGTGACAGGTCTGACATAGAATGTCCCTCA	285885
Sbjct	142741	GTCTTGTTGACCTGTGTGGTCCTTGGGGTCAGTGACAGGTCTGACATAGAATGTCCCTCA	142800
Query	285886	AGGACCAAAACTGTTTCAATTCTTCAGAACAAAGAGGACAAACAAGGGCTGGGGAAGCCA	285945
Sbjct	142801	AGGACCAAAACTGTTTCAATTCTTCAGAACAAAGAGGACAAACAAGGGCTGGGGAAGCCA	142860
Query	285946	ATACAACAACCAAAGGACCTCAAGTGTTTGAGACACTCTATCCTGCATTGACATTCTCTGA	286005
Sbjct	142861	ATACAACAACCAAAGGACCTCAAGTGTTTGAGACACTCTATCCTGCATTGACATTCTCTGA	142920
Query	286006	AGTTGCAGTGACTAAGGCTAGACGGCCAAGGGAAAAGATCCAGCATTCCACGGAAATCCA	286065
Sbjct	142921	AGTTGCAGTGACTAAGGCTAGACGGCCAAGGGAAAAGATCCAGCATTCCACGGAAATCCA	142980
Query	286066	CACACAGCAAATAGCCAAAATATGTACTAGCCTCTCTTCCAAACCCCTTGATTATTCTGGC	286125
Sbjct	142981	CACACAGCAAATAGCCAAAATATGTACTAGCCTCTCTTCCAAACCCCTTGATTATTCTGGC	143040
Query	286126	CTGGAACCCCTCTATCCTGACATTAGAAGCACCTCTCCTTTTCCTGCCCCAACTGCCTTC	286185
Sbjct	143041	CTGGAACCCCTCTATCCTGACATTAGAAGCACCTCTCCTTTTCCTGCCCCAACTGCCTTC	143100
Query	286186	TTGGTATGGACATCAGCTATAGCTCATCTCAGAATGTACTGAGAAGCACCTCTGAATGT	286245
Sbjct	143101	TTGGTATGGACATCAGCTATAGCTCATCTCAGAATGTACTGAGAAGCACCTCTGAATGT	143160
Query	286246	CTCCTAACACTTCAGGAACAGCACTGCTGGTGTGAGATGCCACTCTCAAATAAATATCTA	286305
Sbjct	143161	CTCCTAACACTTCAGGAACAGCACTGCTGGTGTGAGATGCCACTCTCAAATAAATATCTA	143220
Query	286306	CCTGTTGATGAGCATATCTCTCATTGTTCTTTTACACTCAAATGACATATATGTATATAGA	286365

Sbjct	143221	CCTGTTGATGAGCATATCTCTCATTGTTCTTTTACACTCAAATGACATATATGTATATAGA	143280
Query	286366	AGAAAGTCAACATTATTTCACATATGTGCTAaacacacacacacaAGAAAAAGAGGTAGAGA	286425
Sbjct	143281	AGAAAGTCAACATTATTTCACATATGTGCTAACACACACACACAGAAAAAGAGGTAGAGA	143340
Query	286426	GAGTGGTCTatagatagatagatagatagatagatagatagatagatagatagatagataga	286485
Sbjct	143341	GAGTGGTCTATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATATAGA	143400
Query	286486	tatagagagacagacagagaaagacagacagagacagactgagagagaggaacacacaaaa	286545
Sbjct	143401	TATAGAGAGACAGACAGAGAAAGACAGACAGAGACAGACTGAGAGAGAGGAACACACAAA	143460
Query	286546	gaaaagcagggagagagagagggttgagagagagggaaacaaacacacacaaacacataca	286605
Sbjct	143461	GAAAAGCAGGGAGAGAGAGAGGTTGAGAGAGAGGGAAACAAACACACACAAACACATACA	143520
Query	286606	aagaaaaaacaggaagagagagacagagacagagagagacagggagatggagagagacaga	286665
Sbjct	143521	AAGAAAAACAGGAAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGACAGGGAGATGGAGAGAGACAGA	143580
Query	286666	gagtgagagggagatagaAAAACACACATTTGGGATGATGTCACAGGTGAGGCAGGTACA	286725
Sbjct	143581	GAGTGAGAGGGAGATAGAAAAACACACATTTGGGATGATGTCACAGGTGAGGCAGGTACA	143640
Query	286726	GGATAGAAGGAGGTCTGTGTTTGAATGAGAaggaaggacaggcaggagaaaagtgtgaag	286785
Sbjct	143641	GGATAGAAGGAGGTCTGTGTTTGAATGAGAAGGAAGACAGGCAGGAGAAAAGTTGAAG	143700
Query	286786	gaagatgagaagattggaacggaaaaagaagaaACAGGAGGGGAGGGACAGAAGCCGTGA	286845
Sbjct	143701	GAAGATGAGAAGATTGGAACGGAAAAAGAAGAAACAGGAGGGGAGGGACAGAAGCCGTGA	143760
Query	286846	CAGAACAATATGACAGGGGATGTTAAGATTCCATGCTGTACCTTTACAGGTTGTTATGGA	286905
Sbjct	143761	CAGAACAATATGACAGGGGATGTTAAGATTCCATGCTGTACCTTTACAGGTTGTTATGGA	143820
Query	286906	TGTTTTTAAGGGATGGATATGTATTGGGCTTTGTATGTTTAGGTGGGCGATTGTATCTTA	286965
Sbjct	143821	TGTTTTTAAGGGATGGATATGTATTGGGCTTTGTATGTTTAGGTGGGCGATTGTATCTTA	143880
Query	286966	TTAATTGGGCCAAAGGTTATGTGTTGTGTGTTCTTTCATGTAGTGATTTTAGTGTAAGA	287025
Sbjct	143881	TTAATTGGGCCAAAGGTTATGTGTTGTGTGTTCTTTCATGTAGTGATTTTAGTGTAAGA	143940
Query	287026	AAGTGTGCACTGGCTGTCTGGCCACCACAGAGTTGGGATGTGTGTTTCTGGCATGGAAAC	287085
Sbjct	143941	AAGTGTGCACTGGCTGTCTGGCCACCACAGAGTTGGGATGTGTGTTTCTGGCATGGAAAC	144000
Query	287086	CTGCCTTGGGAACTAAATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCACAGAGAGGCCTTCGGTA	287145
Sbjct	144001	CTGCCTTGGGAACTAAATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCACAGAGAGGCCTTCGGTA	144060
Query	287146	GTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGGCTTTGCTGACTGACAGTTAAGATATC	287205
Sbjct	144061	GTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGGCTTTGCTGACTGACAGTTAAGATATC	144120
Query	287206	CAGCAGGTATCTTGGGACACTGTGGAATAGACCTAAAGTGGTGATAAATGACCACCATAC	287265
Sbjct	144121	CAGCAGGTATCTTGGGACACTGTGGAATAGACCTAAAGTGGTGATAAATGACCACCATAC	144180
Query	287266	ttttttattttttatattttGacaacaacaacagacacacacacacacacacacacacac	287325
Sbjct	144181	TTTTTTATTTTTTTATATTTTGACAACAACAACAGACACACACACACACACACACACAC	144240
Query	287326	acacacacacCCACCCCAATAGTCACCTACGTAGGCTGTATATCCATCAAATACTTTACC	287385
Sbjct	144241	ACACACACACCCACCCCAATAGTCACCTACGTAGGCTGTATATCCATCAAATACTTTACC	144300
Query	287386	TTCTTTATCATCAACAACACTACTCCACATCACGTGTCCTGCTTGTAGTCCCAATGTCACCT	287445
Sbjct	144301	TTCTTTATCATCAACAACACTACTCCACATCACGTGTCCTGCTTGTAGTCCCAATGTCACCT	144360
Query	287446	TCTATCCCATATTTGTAGGTACACACTCAGAACTGTAAGATACAGGGTGCCCTGCCAGGA	287505
Sbjct	144361	TCTATCCCATATTTGTAGGTACACACTCAGAACTGTAAGATACAGGGTGCCCTGCCAGGA	144420
Query	287506	ATGACTCCTAAGGTGCTTCTAGGTATTGCAATGCTTATAGGAACATTCATGTAGGTGTCTG	287565
Sbjct	144421	ATGACTCCTAAGGTGCTTCTAGGTATTGCAATGCTTATAGGAACATTCATGTAGGTGTCTG	144480
Query	287566	ATGCTCCCCACCAAGTGCCACGCTAGCAACGGGATCAGACAAGTATGCTAGCCATTTGGTT	287625
Sbjct	144481	ATGCTCCCCACCAAGTGCCACGCTAGCAACGGGATCAGACAAGTATGCTAGCCATTTGGTT	144540
Query	287626	ATAATCATCATAGGAAGGAATTAGGCAAAAGGACCCACCACAGTCCCAGGAAACCATTCA	287685
Sbjct	144541	ATAATCATCATAGGAAGGAATTAGGCAAAAGGACCCACCACAGTCCCAGGAAACCATTCA	144600

Query	287686	CTCCTGCTGGCGCCTAAGGGTATAGAGACTAGGGGCTGCCCAGGAAGGTATATGAAGAAG	287745
Sbjct	144601	CTCCTGCTGGCGCCTAAGGGTATAGAGACTAGGGGCTGCCCAGGAAGGTATATGAAGAAG	144660
Query	287746	GTATCCATTTCCATGTCTATTGCCACAACCTTTGAGATCCTCATAAATTCTGAGTGACACAC	287805
Sbjct	144661	GTATCCATTTCCATGTCTATTGCCACAACCTTTGAGATCCTCATAAATTCTGAGTGACACAC	144720
Query	287806	AGATTCATAAATTCTGTCTGTGACAGAATATGAAGGAGGTCATGTTAGACATTCTTGCAG	287865
Sbjct	144721	AGATTCATAAATTCTGTCTGTGACAGAATATGAAGGAGGTCATGTTAGACATTCTTGCAG	144780
Query	287866	GCCACTGGAGTCAGGAAATTGACATGGCCCTGACTCTGTAGGAAGCTGATTAGACAATTT	287925
Sbjct	144781	GCCACTGGAGTCAGGAAATTGACATGGCCCTGACTCTGTAGGAAGCTGATTAGACAATTT	144840
Query	287926	CTGCTTGGTCCTAGGACTTTGGCTGAAGGACTCTAAGAAACACCTCTCAGCTGACAGGAG	287985
Sbjct	144841	CTGCTTGGTCCTAGGACTTTGGCTGAAGGACTCTAAGAAACACCTCTCAGCTGACAGGAG	144900
Query	287986	CCTCCTAAGGAGCTGTCTCCTAAGAGGCTCTGCCAGAGCTTGACAAATGCAGAGGCAGAT	288045
Sbjct	144901	CCTCCTAAGGAGCTGTCTCCTAAGAGGCTCTGCCAGAGCTTGACAAATGCAGAGGCAGAT	144960
Query	288046	GCTCTCAGCCAACCATTGAACTGAGAATGGGATCCCCAATGGAGGAGATAGAGAAAAGAC	288105
Sbjct	144961	GCTCTCAGCCAACCATTGAACTGAGAATGGGATCCCCAATGGAGGAGATAGAGAAAAGAC	145020
Query	288106	TGAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAGAACAACAACAGTATCAGCCAATAGCCC	288165
Sbjct	145021	TGAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAGAACAACAACAGTATCAGCCAATAGCCC	145080
Query	288166	CCCAGAGGCTCCCAGGGACTAAACCAATGTCCCAGGAGTACATAGGGATGGCTCCAGTTG	288225
Sbjct	145081	CCCAGAGGCTCCCAGGGACTAAACCAATGTCCCAGGAGTACATAGGGATGGCTCCAGTTG	145140
Query	288226	CATATGTAGCAGAGGATGGCTTTGTTGGCCATCAACAGTAAGAGAGGCCCTTGTTTCAA	288285
Sbjct	145141	CATATGTAGCAGAGGATGGCTTTGTTGGCCATCAACAGTAAGAGAGGCCCTTGTTTCAA	145200
Query	288286	GCTTGATGTCCCAGTGTAGGTCAATGTTGGGTGGCAGAGGTGGGACGGAGTGGGGGTGTG	288345
Sbjct	145201	GCTTGATGTCCCAGTGTAGGTCAATGTTGGGTGGCAGAGGTGGGACGGAGTGGGGGTGTG	145260
Query	288346	GGTGAAGGAGCACCTCATAGAAGCTGAGGGAGGATGGGATAGCGGATTTCTGGAGAAAA	288405
Sbjct	145261	GGTGAAGGAGCACCTCATAGAAGCTGAGGGAGGATGGGATAGCGGATTTCTGGAGAAAA	145320
Query	288406	AACTGGCAAAGCGAAAACATTTAGAGTGTAATAATATAATCCAATAACAAGTATTTATA	288465
Sbjct	145321	AACTGGCAAAGCGAAAACATTTAGAGTGTAATAATATAATCCAATAACAAGTATTTATA	145380
Query	288466	TATaaaaaaaaaCCTCTCATGCCCAGAGTGACTATTTTGTTTCGTCAGCATGAATTGATT	288525
Sbjct	145381	TATAAAAAAAAAACCTCTCATGCCCAGAGTGACTATTTTGTTTCGTCAGCATGAATTGATT	145440
Query	288526	TCCCTAATGTTCTAATtttttttAATAGTTCTCCTTTTTGACTTTGTTGAAATTATATCT	288585
Sbjct	145441	TCCCTAATGTTCTAATTTTTTTAATAGTTCTCCTTTTTGACTTTGTTGAAATTATATCT	145500
Query	288586	GATAATTGAGCTAAATCTGCATAATTGAATTAGTAAAATATGTGTAATGTCTAACCTACA	288645
Sbjct	145501	GATAATTGAGCTAAATCTGCATAATTGAATTAGTAAAATATGTGTAATGTCTAACCTACA	145560
Query	288646	AAGAAAAATAGACTGTCACTTCACTCAGTTAAGGAAGAAAATATAACAACAGGAGAAAA	288705
Sbjct	145561	AAGAAAAATAGACTGTCACTTCACTCAGTTAAGGAAGAAAATATAACAACAGGAGAAAA	145620
Query	288706	GGTTGTTTTATTATGGAAGGTAGGTAGACGGGAAGTAGAAAGTTAGGAAGTTCTTCCTCG	288765
Sbjct	145621	GGTTGTTTTATTATGGAAGGTAGGTAGACGGGAAGTAGAAAGTTAGGAAGTTCTTCCTCG	145680
Query	288766	TATCCTCCCttttttgtttgcttttcttttCTCCTCCTTAACCCAGGTTCTCTCCATCT	288825
Sbjct	145681	TATCCTCCCTTTTTTGTGTTGTCTTCTTTTTCTCCTCCTTAACCCAGGTTCTCTCCATCT	145740
Query	288826	GCCCTCTTGCTCTCCTTGCAAAACCACCAACAATGTATGTGTGTAGAGACATTATATT	288885
Sbjct	145741	GCCCTCTTGCTCTCCTTGCAAAACCACCAACAATGTATGTGTGTAGAGACATTATATT	145800
Query	288886	CTTAAACACAGCGAAAAGGAAACTATATTGTATCTTGTGTCTAAGCATGCTCATACATA	288945
Sbjct	145801	CTTAAACACAGCGAAAAGGAAACTATATTGTATCTTGTGTCTAAGCATGCTCATACATA	145860
Query	288946	TGAAGAATAAAGGGGGCTTCAGCTCAGAGTCTCTTAATCATTGTTCCAGCACCATAGTTT	289005
Sbjct	145861	TGAAGAATAAAGGGGGCTTCAGCTCAGAGTCTCTTAATCATTGTTCCAGCACCATAGTTT	145920
Query	289006	TAAGTGGGTTCCACAGCTAAATTTCTTTAGATGATGTGAACATAAATGTAATGATGACT	289065



Sbjct	145921	TAAGTGGGTTCCACAGCTAAATTCTTTTAGATGATGTGAACATAAATGTAATGATGACT	145980
Query	289066	CTGATACAAGCCGAACAAAATAAGAGACTACATGCTATATAAGTCATAAAGACTGGGTT	289125
Sbjct	145981	CTGATACAAGCCGAACAAAATAAGAGACTACATGCTATATAAGTCATAAAGACTGGGTT	146040
Query	289126	ATGCCTTCTACAAGGTTTGCTTGGGTGCTTGCAAGCCTAAAGGTTTTGCAGGTTGTACAC	289185
Sbjct	146041	ATGCCTTCTACAAGGTTTGCTTGGGTGCTTGCAAGCCTAAAGGTTTTGCAGGTTGTACAC	146100
Query	289186	AGTTAATATTAATTTGCTTCGTTACACTCTGTGTGGAAAGGGTTTCAGTCTTCTCTTAAT	289245
Sbjct	146101	AGTTAATATTAATTTGCTTCGTTACACTCTGTGTGGAAAGGGTTTCAGTCTTCTCTTAAT	146160
Query	289246	AAGGAGATGTGGCAAAATGTCTTGATAAATTCTGTCTTCAGAACTCTAGTGAGACTGCCT	289305
Sbjct	146161	AAGGAGATGTGGCAAAATGTCTTGATAAATTCTGTCTTCAGAACTCTAGTGAGACTGCCT	146220
Query	289306	AAAACACAGCTGGACTTGTTAACTGTTCTTATTCCCTTCCAAAGGGAGGAGACAGGCAAGA	289365
Sbjct	146221	AAAACACAGCTGGACTTGTTAACTGTTCTTATTCCCTTCCAAAGGGAGGAGACAGGCAAGA	146280
Query	289366	TCACTGGGCTTTCAACTGTGTATCTTGTCAATCCTCCACCTGGTTGTATGAGATTAGGC	289425
Sbjct	146281	TCACTGGGCTTTCAACTGTGTATCTTGTCAATCCTCCACCTGGTTGTATGAGATTAGGC	146340
Query	289426	TCTAGTTATATGAGACCGCAAGGTTTTCTGGGTATACAGGCTAAAACTCGAAATAGGGA	289485
Sbjct	146341	TCTAGTTATATGAGACCGCAAGGTTTTCTGGGTATACAGGCTAAAACTCGAAATAGGGA	146400
Query	289486	GGATCCCTTCAAAGAAGATATACTGAAGAAAGGCCTCAAATATTGCCTAACATTTCCCCT	289545
Sbjct	146401	GGATCCCTTCAAAGAAGATATACTGAAGAAAGGCCTCAAATATTGCCTAACATTTCCCCT	146460
Query	289546	TGAAAATTTTCTTATAACAAATGATGTCTCTGCCTACTATTTTATATCTCATGGTAGTTA	289605
Sbjct	146461	TGAAAATTTTCTTATAACAAATGATGTCTCTGCCTACTATTTTATATCTCATGGTAGTTA	146520
Query	289606	AGATGTTGTATTCAATGTCGTATATACATTAATAACATCAATAAActctctctctctctctct	289665
Sbjct	146521	AGATGTTGTATTCAATGTCGTATATACATTAATAACATCAATAAATCTCTCTCTCTCTCT	146580
Query	289666	ctctctctctctctctctcacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacac	289725
Sbjct	146581	CTCTCTCTCTCTCTCTCACACACACACACACACACACACACACACAGACACACACACACACA	146640
Query	289726	caTACATTGAAGAGTATTTTCAAATGCATAAAAAATAATTATGGGTGTCTACCGCTCTGTC	289785
Sbjct	146641	CATACATTGAAGAGTATTTTCAAATGCATAAAAAATAATTATGGGTGTCTACCGCTCTGTC	146700
Query	289786	TACTGCCTGCACCTTCTTAGTTCTTGTTAACCTAGCACCTACGACAAAACTTAATACTT	289845
Sbjct	146701	TACTGCCTGCACCTTCTTAGTTCTTGTTAACCTAGCACCTACGACAAAACTTAATACTT	146760
Query	289846	AAATATCCATATAAGGTAATCTTCTCTTGTACAATATGCCAGCATACATTCCCATAATTA	289905
Sbjct	146761	AAATATCCATATAAGGTAATCTTCTCTTGTACAATATGCCAGCATACATTCCCATAATTA	146820
Query	289906	TCATAGTCAACACATGTTGACAAGATATGACTGAAAGATGTATGTCTAATCCCTTATATC	289965
Sbjct	146821	TCATAGTCAACACATGTTGACAAGATATGACTGAAAGATGTATGTCTAATCCCTTATATC	146880
Query	289966	TTTGTTAACTTTGTGAAGCTTTATCTATTTAGAGTCCCTGAGTCACATAAAAAAGCCTTGG	290025
Sbjct	146881	TTTGTTAACTTTGTGAAGCTTTATCTATTTAGAGTCCCTGAGTCACATAAAAAAGCCTTGG	146940
Query	290026	TGGTTTGTAGAAGGATTCATAGAAAGAAATGGGGTTCCTACTCTCTCTCTATACTGTAAT	290085
Sbjct	146941	TGGTTTGTAGAAGGATTCATAGAAAGAAATGGGGTTCCTACTCTCTCTCTATACTGTAAT	147000
Query	290086	CGATAGTCCAAAGTTTATTTTCATTGTAAAAGAGCTTCAATTCAAAATGATAATTTCTAC	290145
Sbjct	147001	CGATAGTCCAAAGTTTATTTTCATTGTAAAAGAGCTTCAATTCAAAATGATAATTTCTAC	147060
Query	290146	GACTCATTAAGATAAAATTATAAAAACTAGTGTCTGTAACATTAGTAATTGTAAGCTCT	290205
Sbjct	147061	GACTCATTAAGATAAAATTATAAAAACTAGTGTCTGTAACATTAGTAATTGTAAGCTCT	147120
Query	290206	TAAAGACATTTAAGCCATACAAATTAATGGCCAGTCTCCTTATAAACGATCACGTTCTTT	290265
Sbjct	147121	TAAAGACATTTAAGCCATACAAATTAATGGCCAGTCTCCTTATAAACGATCACGTTCTTT	147180
Query	290266	CATGTACTCAGAACTGTGATTGTAGTCAAGCTAATGCAGATCTATTTCTTTTACCGAGAC	290325
Sbjct	147181	CATGTACTCAGAACTGTGATTGTAGTCAAGCTAATGCAGATCTATTTCTTTTACCGAGAC	147240
Query	290326	TAGCTTGGCAGGATGGACAAACTACATCTCCCATCTGTATATGTTGTCAAAGTTAAGTCC	290385
Sbjct	147241	TAGCTTGGCAGGATGGACAAACTACATCTCCCATCTGTATATGTTGTCAAAGTTAAGTCC	147300

Query	290386	GAATCAAGTATCTCGAAGCAAGTAAACTTACTCTCTTTAATGTaaaataaatattcaaaat	290445
Sbjct	147301	GAATCAAGTATCTCGAAGCAAGTAAACTTACTCTCTTTAATGTAAAATAATATTCAAAAT	147360
Query	290446	tggaaactagaaagcaaaaaacaaaactattttttatgaaaaataaatGCTTGGGTAAAAT	290505
Sbjct	147361	TGGAATACTAGAAAGCAAAAACAAAACATTTTTATGAAAAAATAAATGCTTGGGTAAAAT	147420
Query	290506	AGGTTTCATTTATAATACTTGCATAGCAGGATTCCGTAGGCCTATAAGTAGGTCCAT	290565
Sbjct	147421	AGGTTTCATTTATAATACTTGCATAGCAGGATTCCGTAGGCCTATAAGTAGGTCCAT	147480
Query	290566	TGTATGGAAGACAAGAGTAAGCCCCAGGCTAGCTTTGTTGCAGGAGAAATATGCATAGGA	290625
Sbjct	147481	TGTATGGAAGACAAGAGTAAGCCCCAGGCTAGCTTTGTTGCAGGAGAAATATGCATAGGA	147540
Query	290626	AAATAGGATGTCAAAGGCTGATGGTGCTGTCTTTGTCTGTTCAGGCCTGACCAGCTCTG	290685
Sbjct	147541	AAATAGGATGTCAAAGGCTGATGGTGCTGTCTTTGTCTGTTCAGGCCTGACCAGCTCTG	147600
Query	290686	ACTGTTGTAGACCTGACCAGCTCCTGCCTCATGGAGGATCTTCCAGTCTCACAAGCTTCC	290745
Sbjct	147601	ACTGTTGTAGACCTGACCAGCTCCTGCCTCATGGAGGATCTTCCAGTCTCACAAGCTTCC	147660
Query	290746	TTTATTTCCCAAAGAACAGAGAGTGAAAAATCAACTACTCTGGCCTCACTGTCTCCTACA	290805
Sbjct	147661	TTTATTTCCCAAAGAACAGAGAGTGAAAAATCAACTACTCTGGCCTCACTGTCTCCTACA	147720
Query	290806	CTGACATGTGAGGATGCTATAAACAGTGGAACCTGGAAGTAAGCCTATCACTGGACTGG	290865
Sbjct	147721	CTGACATGTGAGGATGCTATAAACAGTGGAACCTGGAAGTAAGCCTATCACTGGACTGG	147780
Query	290866	TATGGGACCTGCGTGCTAGTTCAATTGACCATGCCCTCTGCTATGCCTTTCAAGTCTTCA	290925
Sbjct	147781	TATGGGACCTGCGTGCTAGTTCAATTGACCATGCCCTCTGCTATGCCTTTCAAGTCTTCA	147840
Query	290926	TTTAAACAGGAGCTAATTTTCATGGTCCACACACTAACCACAAATGATCCATGACTAAAGG	290985
Sbjct	147841	TTTAAACAGGAGCTAATTTTCATGGTCCACACACTAACCACAAATGATCCATGACTAAAGG	147900
Query	290986	GGGCTGCCAAGTTCTCTGCCATCAAACCTCATAGTTTAGGGCAATGATTCTGTGTACTGAA	291045
Sbjct	147901	GGGCTGCCAAGTTCTCTGCCATCAAACCTCATAGTTTAGGGCAATGATTCTGTGTACTGAA	147960
Query	291046	GTGGTGCCTTTTGAAACTTAGCTAGACAATTTTGTAAACATAACTCAGAATGGGGTTCTA	291105
Sbjct	147961	GTGGTGCCTTTTGAAACTTAGCTAGACAATTTTGTAAACATAACTCAGAATGGGGTTCTA	148020
Query	291106	TTTGTCTTGTAATTGCCGATTAGATGCCGAATTCATGGAGtttttttaaaaaaaCGCT	291165
Sbjct	148021	TTTGTCTTGTAATTGCCGATTAGATGCCGAATTCATGGAGTTTTTTTAAAAAACGCT	148080
Query	291166	TCCAGGTGGTCTTTCTTTATCTGGGAGTCTGATGTAGCACACTGCTATTACAGTTGTTT	291225
Sbjct	148081	TCCAGGTGGTCTTTCTTTATCTGGGAGTCTGATGTAGCACACTGCTATTACAGTTGTTT	148140
Query	291226	TTTCCTACAAAACCTCTGGTACATCCTCCAGCCAGTTGTACAATGGCATTGAGGTTACTA	291285
Sbjct	148141	TTTCCTACAAAACCTCTGGTACATCCTCCAGCCAGTTGTACAATGGCATTGAGGTTACTA	148200
Query	291286	AACAAAAGTTATTTTGACTGTCTCTTAATGTTCCCTACAAAGTTGTACAGTTATTACCT	291345
Sbjct	148201	AACAAAAGTTATTTTGACTGTCTCTTAATGTTCCCTACAAAGTTGTACAGTTATTACCT	148260
Query	291346	CCTGACTTTTGTCTGGATCTTTGCCATCTGTTGAGTTTTATCGTGACCCCTTGGATGGA	291405
Sbjct	148261	CCTGACTTTTGTCTGGATCTTTGCCATCTGTTGAGTTTTATCGTGACCCCTTGGATGGA	148320
Query	291406	CCCTGTCACCGTTGTCTCCTGCTATTCTTCTTGTGTTGGACCTGACAACCTAGGACCTGAAA	291465
Sbjct	148321	CCCTGTCACCGTTGTCTCCTGCTATTCTTCTTGTGTTGGACCTGACAACCTAGGACCTGAAA	148380
Query	291466	GAATGTGATTGACTATGCTGCAATAGTGTACCCACCCTTACTTTAGTTTCTGTGTACTTG	291525
Sbjct	148381	GAATGTGATTGACTATGCTGCAATAGTGTACCCACCCTTACTTTAGTTTCTGTGTACTTG	148440
Query	291526	TATACATGAAGGTACTTTTGTACACGGATGTGACAAAGAAAGCAATGACCCAAGGACAGT	291585
Sbjct	148441	TATACATGAAGGTACTTTTGTACACGGATGTGACAAAGAAAGCAATGACCCAAGGACAGT	148500
Query	291586	TGTTTGAACTGAGAAAAGCATGTAAATAAACACCAGTAAGAACATACAAAATATTAACAA	291645
Sbjct	148501	TGTTTGAACTGAGAAAAGCATGTAAATAAACACCAGTAAGAACATACAAAATATTAACAA	148560
Query	291646	GAGCAGCAATTTCCAGATCTCGGTCTGGACAGACCAAAGTTAAACACAACCTGCCTGGCA	291705
Sbjct	148561	GAGCAGCAATTTCCAGATCTCGGTCTGGACAGACCAAAGTTAAACACAACCTGCCTGGCA	148620
Query	291706	TGTACTGTAGATTATATCTGGGAAAGCATGAAAGCAAAGCAGAAGGCCAAGTCTAGATTC	291765

Sbjct	148621	TGTACTGTAGATTATATCTGGGAAAGCATGAAAGCAAAGCAGAAGGCCAAGTCTAGATTC	148680
Query	291766	AAGTACACCGACCAGATTGGAACCTATAGCTGTGGACTGACATCCAACAAGAATAAAACA	291825
Sbjct	148681	AAGTACACCGACCAGATTGGAACCTATAGCTGTGGACTGACATCCAACAAGAATAAAACA	148740
Query	291826	TGCCTTATGAATTGAATGAAAATGTTTGTCTACAGGAGGCACAAAATCACATCCAACAACA	291885
Sbjct	148741	TGCCTTATGAATTGAATGAAAATGTTTGTCTACAGGAGGCACAAAATCACATCCAACAACA	148800
Query	291886	ATCTAGGGGACAAAAGTGGACATGAGGGGGAAAATAAGGTCTCTGCCCTTTTCCGATATC	291945
Sbjct	148801	ATCTAGGGGACAAAAGTGGACATGAGGGGGAAAATAAGGTCTCTGCCCTTTTCCGATATC	148860
Query	291946	ATCTCTCACAGTCCCCAAGGCATTGCTCACATTGGACCATTCTTTCAATGTTTCAGCAGA	292005
Sbjct	148861	ATCTCTCACAGTCCCCAAGGCATTGCTCACATTGGACCATTCTTTCAATGTTTCAGCAGA	148920
Query	292006	CACTATTTTATGTGTGAACAGCTGCTGCCCTTTCTACACAGTCCCTTTTGCCAGCTCAAA	292065
Sbjct	148921	CACTATTTTATGTGTGAACAGCTGCTGCCCTTTCTACACAGTCCCTTTTGCCAGCTCAAA	148980
Query	292066	AAGGAATCTGCATGCTAAACTCCTAAAGGCAATTCTGGCAACCTCTGACTCCTGGATCCA	292125
Sbjct	148981	AAGGAATCTGCATGCTAAACTCCTAAAGGCAATTCTGGCAACCTCTGACTCCTGGATCCA	149040
Query	292126	CCTCTTCACTCTTTTGGCCCACTGAGCACTGTTTTTCAGGTCTCAGAGCTAAAACAGGTG	292185
Sbjct	149041	CCTCTTCACTCTTTTGGCCCACTGAGCACTGTTTTTCAGGTCTCAGAGCTAAAACAGGTG	149100
Query	292186	AACTATATCCTTTTAATGTCTCTGCTTCACCAGTTCTCAAAAACCTTAGAGAAGTTTCTA	292245
Sbjct	149101	AACTATATCCTTTTAATGTCTCTGCTTCACCAGTTCTCAAAAACCTTAGAGAAGTTTCTA	149160
Query	292246	GCCCTTCAGAACCATGGCTGCTGCAATATCTACCCCAAGACTAGATCTGACTACTGCTAA	292305
Sbjct	149161	GCCCTTCAGAACCATGGCTGCTGCAATATCTACCCCAAGACTAGATCTGACTACTGCTAA	149220
Query	292306	AGAGAGGATCGGTGCCCTCTTCATCCAACAATGCTGCTCATGCACCAACAAACCCTAACT	292365
Sbjct	149221	AGAGAGGATCGGTGCCCTCTTCATCCAACAATGCTGCTCATGCACCAACAAACCCTAACT	149280
Query	292366	GGTTTGAAAGGTGGTTGAAACACACAAGGACAGACAAAAATACAACCACAAGCCTCCTTT	292425
Sbjct	149281	GGTTTGAAAGGTGGTTGAAACACACAAGGACAGACAAAAATACAACCACAAGCCTCCTTT	149340
Query	292426	TATGCATGGGCCATGAGTTCTCTCTCAGTCTGTCTCTTTCCCTGGATCACTCCTTTCTCT	292485
Sbjct	149341	TATGCATGGGCCATGAGTTCTCTCTCAGTCTGTCTCTTTCCCTGGATCACTCCTTTCTCT	149400
Query	292486	ATTATCATCTGCATTTTACACTTTTACACGGTCTTCACCCTACTGAAATTCACCTCATA	292545
Sbjct	149401	ATTATCATCTGCATTTTACACTTTTACACGGTCTTCACCCTACTGAAATTCACCTCATA	149460
Query	292546	CCCAAAGAAACCTCCATGTAAGCAGCTCTCCAGTGGATCTCACCAGCACGAGGCATTA	292605
Sbjct	149461	CCCAAAGAAACCTCCATGTAAGCAGCTCTCCAGTGGATCTCACCAGCACGAGGCATTA	149520
Query	292606	AGAGGCACCCACGTACGAGCAATTGAGCTCCAAGCGGTACAAGACAGCCAAAGGAAGACC	292665
Sbjct	149521	AGAGGCACCCACGTACGAGCAATTGAGCTCCAAGCGGTACAAGACAGCCAAAGGAAGACC	149580
Query	292666	TGACTTTGGTACAGCAAAGTATAGTACACCTTACTGAACCAAATAGATTGCCTGGCTGCAG	292725
Sbjct	149581	TGACTTTGGTACAGCAAAGTATAGTACACCTTACTGAACCAAATAGATTGCCTGGCTGCAG	149640
Query	292726	TGTTCTCTCCCAAATGCAATGCATTAGATGTAATGATTGCCGAAAAGGAAGGTGTCTCTG	292785
Sbjct	149641	TGTTCTCTCCCAAATGCAATGCATTAGATGTAATGATTGCCGAAAAGGAAGGTGTCTCTG	149700
Query	292786	CCTTGCTAGAGGAAGGATGCTGGCTTTCTGTGACCGATCTGGCCAAGTACCAGAGAAAGC	292845
Sbjct	149701	CCTTGCTAGAGGAAGGATGCTGGCTTTCTGTGACCGATCTGGCCAAGTACCAGAGAAAGC	149760
Query	292846	TAAGCCATCACTGAACAGAATTAAAAACAGAAAAGGGGCAGACAGCATTTCCTGACTGC	292905
Sbjct	149761	TAAGCCATCACTGAACAGAATTAAAAACAGAAAAGGGGCAGACAGCATTTCCTGACTGC	149820
Query	292906	CAAGTGATGGTTTTGCTTCCTAGTCAGGTACTAACATTATGATTTGTGCTAACTTCACTC	292965
Sbjct	149821	CAAGTGATGGTTTTGCTTCCTAGTCAGGTACTAACATTATGATTTGTGCTAACTTCACTC	149880
Query	292966	TTTGTTTTCCGGTTCTTTCTGCTGTCTCACCAAGTTTCTCCAATGTAGACTACAAGCTT	293023
Sbjct	149881	TTTGTTTTCCGGTTCTTTCTGCTGTCTCACCAAGTTTCTCCAATGTAGACTACAAGCTT	149938

Loading alignment... for sequences gi|291490836 AlignDB=on Reading indexes 4-4

[Download GenBankGraphics](#)

Sort by:

Next Previous [Descriptions](#)

Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-260G02 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence

Sequence ID: [gb|AC239701.6|](#)Length: 138396Number of Matches: 477

Related Information

[Map Viewer](#)-aligned genomic context

Range 1: 1 to 138396[GenBankGraphics](#) Next Match Previous Match [First Match](#)

Alignment statistics for match #1

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	Frame
2.556e+05 bits(138396)	0.0()	138396/138396(100%)	0/138396(0%)	Plus/Minus	

Features:

Query	1	AGCTTAGAGAACTTCAAAGACATTGGACCAGAAATAAAATTCCTCCAGTCACACAATAGT	60
Sbjct	138396	AGCTTAGAGAACTTCAAAGACATTGGACCAGAAATAAAATTCCTCCAGTCACACAATAGT	138337
Query	61	CAAAACACCAAACCCACAAATCAAAGAAAGAATATTAAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCA	120
Sbjct	138336	CAAAACACCAAACCCACAAATCAAAGAAAGAATATTAAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCA	138277
Query	121	AGTGACATACAAAGGCAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGAGACTATGAA	180
Sbjct	138276	AGTGACATACAAAGGCAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGAGACTATGAA	138217
Query	181	AGACAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAG	240
Sbjct	138216	AGACAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAG	138157
Query	241	CCTACTGTATCCACCAAAACTCTGAATTAACACAGATGGAAAAACAAGATATTCCATGA	300
Sbjct	138156	CCTACTGTATCCACCAAAACTCTGAATTAACACAGATGGAAAAACAAGATATTCCATGA	138097
Query	301	CAAAACCAAACCTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAGAACAGACAG	360
Sbjct	138096	CAAAACCAAACCTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAGAACAGACAG	138037
Query	361	AAAACTCCAACACAAGGAAGAAAACCTACACCCGAGAGAAGCAAAGAAGTAATCTTCCTGT	420
Sbjct	138036	AAAACTCCAACACAAGGAAGAAAACCTACACCCGAGAGAAGCAAAGAAGTAATCTTCCTGT	137977
Query	421	AACAAATCCAAAGAAGAGATACACAAACACAGTTCCACCTCTAACAACAAAATGACAG	480
Sbjct	137976	AACAAATCCAAAGAAGAGATACACAAACACAGTTCCACCTCTAACAACAAAATGACAG	137917
Query	481	GAAACAATCACCATTCTTTAAAAATCCCTTAACATCAATGGACTCAATTCCCCAATAAAA	540
Sbjct	137916	GAAACAATCACCATTCTTTAAAAATCCCTTAACATCAATGGACTCAATTCCCCAATAAAA	137857
Query	541	AGATCCAGACTAAAAGACTGAATACATAGAGAAGACCCAGCATTTTGCTGCATACAGGAA	600
Sbjct	137856	AGATCCAGACTAAAAGACTGAATACATAGAGAAGACCCAGCATTTTGCTGCATACAGGAA	137797
Query	601	ACACACCTCAGTGACAAAGACTGACATTACCTCAGAGTAAAAGGCTGGAAAACAATTTTC	660
Sbjct	137796	ACACACCTCAGTGACAAAGACTGACATTACCTCAGAGTAAAAGGCTGGAAAACAATTTTC	137737
Query	661	CAAACAAATGGTCCAAAGAAACAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCGAACAAACTCGAC	720
Sbjct	137736	CAAACAAATGGTCCAAAGAAACAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCGAACAAACTCGAC	137677
Query	721	TTTCAAATAAGTTATCAAAACAGATAAGGAAAGATGCTTTATACATCAAAGGAAAAATCT	780
Sbjct	137676	TTTCAAATAAGTTATCAAAACAGATAAGGAAAGATGCTTTATACATCAAAGGAAAAATCT	137617
Query	781	ACCAGAGTGAACCTCTCACTTGTTAACATCGATGCTCCAAATGCAAGTTCATAAAAGAAAC	840
Sbjct	137616	ACCAGAGTGAACCTCTCACTTGTTAACATCGATGCTCCAAATGCAAGTTCATAAAAGAAAC	137557
Query	841	TTTACTGAAGGCTATTAGCCCAAATGCTTGAATTACCCTAGATGCACAGAACACATGAAA	900
Sbjct	137556	TTTACTGAAGGCTATTAGCCCAAATGCTTGAATTACCCTAGATGCACAGAACACATGAAA	137497
Query	901	CTCAAGAAGGATGACCAAAATGCGGGTGCTTCACTCCTTCTTTAAGAGGGGAACAAGAAT	960
Sbjct	137496	CTCAAGAAGGATGACCAAAATGCGGGTGCTTCACTCCTTCTTTAAGAGGGGAACAAGAAT	137437
Query	961	ACCCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAACAGAGACTGAAGGAACACCCATTCA	1020
Sbjct	137436	ACCCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAACAGAGACTGAAGGAACACCCATTCA	137377

Query	1021	GAGCCTGCCCCACATTTGTCCCATACATATACAGCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAA	1080
Sbjct	137376	GAGCCTGCCCCACATTTGTCCCATACATATACAGCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAA	137317
Query	1081	GCAAAGAAGTGCAGACCGACAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGA	1140
Sbjct	137316	GCAAAGAAGTGCAGACCGACAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGA	137257
Query	1141	ATACAGCAAATACAGAGGTGAATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGTCCCCT	1200
Sbjct	137256	ATACAGCAAATACAGAGGTGAATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGTCCCCT	137197
Query	1201	ATTGAAGGAATCAGAGAAAGAACTGGAAGAGCTTGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGTAC	1260
Sbjct	137196	ATTGAAGGAATCAGAGAAAGAACTGGAAGAGCTTGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGTAC	137137
Query	1261	AACAATGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCCAAAGACTATACATGG	1320
Sbjct	137136	AACAATGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCCAAAGACTATACATGG	137077
Query	1321	ACTGACCCTGGACTCTGACCCCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGAGCACCAGTGG	1380
Sbjct	137076	ACTGACCCTGGACTCTGACCCCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGAGCACCAGTGG	137017
Query	1381	AAGGGGAAGCCCTGGGTCTTGCTAAGACTGAACCCCCAGTGAAGTAGTCTATggggggga	1440
Sbjct	137016	AAGGGGAAGCCCTGGGTCTTGCTAAGACTGAACCCCCAGTGAAGTAGTCTATGGGGGGGA	136957
Query	1441	gggcggaacgsggggaggggtgggaggggaacacccataaggaaggggaggggggaggg	1500
Sbjct	136956	GGGCGGCAACGGGGGAGGGTTGGGAGGGGAACACCCATAAGGAAGGGGAGGGGGAGGG	136897
Query	1501	ggaTGTTTGCCCGGAAACCGGGAAGGGAATAACACTCGAAATGTATATAAGAAATACTC	1560
Sbjct	136896	GGATGTTTGCCCGGAAACCGGGAAGGGAATAACACTCGAAATGTATATAAGAAATACTC	136837
Query	1561	AAGTTAATaaaaaaaaaaaaaaaaCTAAGTCAAATAGTGGAATTCTTAGGAGAGTGTTTG	1620
Sbjct	136836	AAGTTAATAAAAAAAAAAAAAAACTAAGTCAAATAGTGGAATTCTTAGGAGAGTGTTTG	136777
Query	1621	TGTGCAATATAAAGGAGCAGAAAGCTAGCCGAACATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTC	1680
Sbjct	136776	TGTGCAATATAAAGGAGCAGAAAGCTAGCCGAACATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTC	136717
Query	1681	TTTCTGACTACTGCCTGGCAGTTTTGTCTGTCAATTTATCATTAGAGCTTCCAGGAAAAT	1740
Sbjct	136716	TTTCTGACTACTGCCTGGCAGTTTTGTCTGTCAATTTATCATTAGAGCTTCCAGGAAAAT	136657
Query	1741	GCAACAAGCTGAGCTCAGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAGGTCGAATGTTAAAGTTT	1800
Sbjct	136656	GCAACAAGCTGAGCTCAGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAGGTCGAATGTTAAAGTTT	136597
Query	1801	AACTAATGATAAGTTTGCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATAGGGAAAGC	1860
Sbjct	136596	AACTAATGATAAGTTTGCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATAGGGAAAGC	136537
Query	1861	TTGAAACCTTGGGTAACAACTGTAATTCTTAATTCCTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTG	1920
Sbjct	136536	TTGAAACCTTGGGTAACAACTGTAATTCTTAATTCCTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTG	136477
Query	1921	AATTTGATTTGGCAATGATTGTGCAAAGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACAT	1980
Sbjct	136476	AATTTGATTTGGCAATGATTGTGCAAAGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACAT	136417
Query	1981	TAAAAATAGTGGGGCAAGAaagaggcgagagagaacgagaggagcatgtgaagctaagcgt	2040
Sbjct	136416	TAAAAATAGTGGGGCAAGAAAGAGGCGAGAGAGAACGAGAGGAGCATGTGAAGCTAAGCGT	136357
Query	2041	gagtgaagagagtgtgaagagtgaatgaagagagaatgtgaggtgtgtatgaagaatgtg	2100
Sbjct	136356	GAGTGAAGAGAGTGTGAAGAGTGAATGAAGAGAGAATGTGAGGTGTGTATGAAGAATGTG	136297
Query	2101	tgtgtgagtgaaaggaaagtgcattgtgtgtgtgtgagatatgtgtgaggtgtgtatgac	2160
Sbjct	136296	TGTGTGAGTGAAAGGAAAGTGCATGTGATGTGTGTGAGATATGTGTGAGGTGTGTATGAC	136237
Query	2161	gagtgtgtgtgagagtgaagaggaattaagacatctgtgtatgtgtgtgtgagTTTGAG	2220
Sbjct	136236	GAGTGTGTGTGAGAGTGAAAGAGGAATTAAGACATCTGTGTATGTGTGTGTGAGTTTGAG	136177
Query	2221	AAAAGAAAAGTACAGAGGAGAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTC	2280
Sbjct	136176	AAAAGAAAAGTACAGAGGAGAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTC	136117
Query	2281	AAGCTGCAGgtgtgtgtgtgtttgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtATgagag	2340
Sbjct	136116	AAGCTGCAGGTGTGTGTGTGTTTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTATGAGAG	136057
Query	2341	agagagacagacagacagacagacagagagacagagagggagagaggggagagagagag	2400

Sbjct	136056	AGAGAGACAGACAGACAGACAGACACAGAGAGACAGAGAGGGAGAGAGGGAGAGAGAGAG	135997
Query	2401	atggaggaggagaaggagaatggaagggaagaagagggaagaggagggaggaggaggaggga	2460
Sbjct	135996	ATGGAGGAGGAGAAGGAGAATGGAAGGAAGAAGAGGAAGAGGAGGGAGGGAGGAGGAGGA	135937
Query	2461	agatgatgaagacaacgaagaagaagaaATTGAAGAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCC	2520
Sbjct	135936	AGATGATGAAGACAACGAAGAAGAAGAAATTGAAGAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCC	135877
Query	2521	TGTCGGTTTGTACTCCAAAGTAGTCTTTTATACTTTTTCCCCTGCTTCCAGTTGAGAACT	2580
Sbjct	135876	TGTCGGTTTGTACTCCAAAGTAGTCTTTTATACTTTTTCCCCTGCTTCCAGTTGAGAACT	135817
Query	2581	GTCATTCAGAATTGAGGCTGGACCCTGACAATAGTCAGAGACTGCCAGCTGCACTTGGCT	2640
Sbjct	135816	GTCATTCAGAATTGAGGCTGGACCCTGACAATAGTCAGAGACTGCCAGCTGCACTTGGCT	135757
Query	2641	CTGGACGGTTGTCTAAATGTCTGAGCACAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCC	2700
Sbjct	135756	CTGGACGGTTGTCTAAATGTCTGAGCACAATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCC	135697
Query	2701	ATCATAGTCAAGGACGCCAGCCCTCTGGTACTGTGAGCTCCCAGTGAATCAATCTTAGCT	2760
Sbjct	135696	ATCATAGTCAAGGACGCCAGCCCTCTGGTACTGTGAGCTCCCAGTGAATCAATCTTAGCT	135637
Query	2761	TCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGGGTACTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGG	2820
Sbjct	135636	TCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGGGTACTTCATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGG	135577
Query	2821	AATTTAGTGTGGCTTCAGATGTCACATGCGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCA	2880
Sbjct	135576	AATTTAGTGTGGCTTCAGATGTCACATGCGTACTTGTAACTATTGCAATAGTCTTCTGCA	135517
Query	2881	TGACTTCAGAACCTCTGTGAGTTCATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATAC	2940
Sbjct	135516	TGACTTCAGAACCTCTGTGAGTTCATATGTGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATAC	135457
Query	2941	CATTGACCTGTAGCCATCCACATCCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCCTACC	3000
Sbjct	135456	CATTGACCTGTAGCCATCCACATCCTCTGGCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCCTACC	135397
Query	3001	ATTCCACAATGGATCTCTGATCCTTGGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCCACTGG	3060
Sbjct	135396	ATTCCACAATGGATCTCTGATCCTTGGAAGGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCCACTGG	135337
Query	3061	CTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTGACAAAAGCCACCTAATGGGTAAAGAGACTTGAGAGAT	3120
Sbjct	135336	CTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTGACAAAAGCCACCTAATGGGTAAAGAGACTTGAGAGAT	135277
Query	3121	GGCTTCGTGGTTAAGAGTGATTTGTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGT	3180
Sbjct	135276	GGCTTCGTGGTTAAGAGTGATTTGTGTTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGT	135217
Query	3181	AGGAATTCCAGTCCAGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACA	3240
Sbjct	135216	AGGAATTCCAGTCCAGGGGACCCAACACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACA	135157
Query	3241	TATGCCCCAACCATGCACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTC	3300
Sbjct	135156	TATGCCCCAACCATGCACAGCCAGGCAATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTC	135097
Query	3301	CTGCTACTCTAAAAGAACACAGTCTTTGTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAG	3360
Sbjct	135096	CTGCTACTCTAAAAGAACACAGTCTTTGTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAG	135037
Query	3361	TAGTCTTCTAAATAAAACTTTTTCTTTCTCCAACAACTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCT	3420
Sbjct	135036	TAGTCTTCTAAATAAAACTTTTTCTTTCTCCAACAACTGCCCTGGCTGTTTGCCCTTTCT	134977
Query	3421	AGCTGACAAGGAGTAAATGAACCTTAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAAC	3480
Sbjct	134976	AGCTGACAAGGAGTAAATGAACCTTAGGTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAAC	134917
Query	3481	AGTCCCCAAAGTATATCATGGACTTGCATAGAGaagcaaaacacacaaagtcaaaaagca	3540
Sbjct	134916	AGTCCCCAAAGTATATCATGGACTTGCATAGAGAAGCAAAACACACAAAGTCAAAAAGCA	134857
Query	3541	aacaagctataaaaacaccaaaccaacggatgcaaaagAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACT	3600
Sbjct	134856	AACAAGCTATAAAACACCAAAACCAACGGATGCAAAGAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACT	134797
Query	3601	GCCGTGGCTGAGCCCCAAAATGATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCT	3660
Sbjct	134796	GCCGTGGCTGAGCCCCAAAATGATTTTTTCTTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCT	134737
Query	3661	TTGTTTAGACAGGCTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAA	3720
Sbjct	134736	TTGTTTAGACAGGCTGACCCCTGCCATTGTGACAGGGGACAAATGAATGATTTTAGAAA	134677

Query	3721	AGCAAATGTTGTGCTGCATAACCATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCAC	3780
Sbjct	134676	AGCAAATGTTGTGCTGCATAACCATATAACAAAAGCTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCAC	134617
Query	3781	TACACTTTCACCACAGAACTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGA	3840
Sbjct	134616	TACACTTTCACCACAGAACTGGCATCCACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGA	134557
Query	3841	GGAGGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAA	3900
Sbjct	134556	GGAGGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCCTGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAA	134497
Query	3901	ACAAACAGGCCCTTGATAAGTAGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTATAAAGT	3960
Sbjct	134496	ACAAACAGGCCCTTGATAAGTAGTGTGAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTATAAAGT	134437
Query	3961	GAAGAGCTTGACACAGCGTACATAGTTGGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTTGGGTAAACGT	4020
Sbjct	134436	GAAGAGCTTGACACAGCGTACATAGTTGGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTTGGGTAAACGT	134377
Query	4021	CCATGGTCATCTATTGCTTCAGTGTACACTTGGAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGT	4080
Sbjct	134376	CCATGGTCATCTATTGCTTCAGTGTACACTTGGAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGT	134317
Query	4081	TCAGGCCAAATAGTAGTTATCAAGTTTTAATTCACTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGT	4140
Sbjct	134316	TCAGGCCAAATAGTAGTTATCAAGTTTTAATTCACTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGT	134257
Query	4141	ATGGGTACACAGAGAGGCAAGGAATGGTTCTTTCAGTAAACTAGATGTAGCCCAAGGTAA	4200
Sbjct	134256	ATGGGTACACAGAGAGGCAAGGAATGGTTCTTTCAGTAAACTAGATGTAGCCCAAGGTAA	134197
Query	4201	GGTAAGTAGCGTCTGGACCTGTACATTTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTC	4260
Sbjct	134196	GGTAAGTAGCGTCTGGACCTGTACATTTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTC	134137
Query	4261	CTAACATTGACCCCAACAATCGCCTAAACTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCACAC	4320
Sbjct	134136	CTAACATTGACCCCAACAATCGCCTAAACTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCACAC	134077
Query	4321	AGTGAGTCTGAGGCCAGCCTACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCTCACTGGTGCTCATAGG	4380
Sbjct	134076	AGTGAGTCTGAGGCCAGCCTACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCTCACTGGTGCTCATAGG	134017
Query	4381	CCTCACTGGGTTTACAGGAGATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTCTTAGCTGGTGTCTGGT	4440
Sbjct	134016	CCTCACTGGGTTTACAGGAGATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTCTTAGCTGGTGTCTGGT	133957
Query	4441	ACATGTTGGACTCAGCACTCTGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGGAAG	4500
Sbjct	133956	ACATGTTGGACTCAGCACTCTGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGGAAG	133897
Query	4501	CAACCTCTAGCCCAAGATTGTTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGATGTG	4560
Sbjct	133896	CAACCTCTAGCCCAAGATTGTTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGATGTG	133837
Query	4561	AAGTTTGGTTCCATCATAACAGACAGAGAGAGGGGGCAGACATTTCTCCCATGGGAGGAC	4620
Sbjct	133836	AAGTTTGGTTCCATCATAACAGACAGAGAGAGGGGGCAGACATTTCTCCCATGGGAGGAC	133777
Query	4621	TGTAAACCCCACTCTCTTGCCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGCCCTGGTCT	4680
Sbjct	133776	TGTAAACCCCACTCTCTTGCCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGCCCTGGTCT	133717
Query	4681	CCATGACAGTGTGTACACATTCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTTTCT	4740
Sbjct	133716	CCATGACAGTGTGTACACATTCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTTTCT	133657
Query	4741	TTCATCAGTCTCTGAATTTGTTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATGGGA	4800
Sbjct	133656	TTCATCAGTCTCTGAATTTGTTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATGGGA	133597
Query	4801	GAGAGCACAAACATTGTTACCCTGTGTACTTTTGTATTTTGATGGCTTAATGGGGAGAAGA	4860
Sbjct	133596	GAGAGCACAAACATTGTTACCCTGTGTACTTTTGTATTTTGATGGCTTAATGGGGAGAAGA	133537
Query	4861	ACTGGACAGATGGGACTCAGAGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCCTGAGTGTA	4920
Sbjct	133536	ACTGGACAGATGGGACTCAGAGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCCTGAGTGTA	133477
Query	4921	AGAAAAGTAAGGCAGAGAGGCAGAATGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTGTTG	4980
Sbjct	133476	AGAAAAGTAAGGCAGAGAGGCAGAATGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTGTTG	133417
Query	4981	CAATAGTGAGTGGCGTCAACCTTTTCTGGGATGAACGTTGAGTGCACTTAGTGGCGTGA	5040
Sbjct	133416	CAATAGTGAGTGGCGTCAACCTTTTCTGGGATGAACGTTGAGTGCACTTAGTGGCGTGA	133357
Query	5041	AGGAAAAATTTTTATACATAAACACATACTTGGGTAGCTACCAGGAACCTCCAGCTtgt	5100

[illegible]



Query	6421	TGAAAACAGTGTCTAGTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGAGTCAGAGGTTG	6480
Sbjct	131976	TGAAAACAGTGTCTAGTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGAGTCAGAGGTTG	131917
Query	6481	CCAGAATTGCCTTTAGGAGTTTAGCATGCAGATTCCTTTTTGAGCTGGCAAAGGGACTG	6540
Sbjct	131916	CCAGAATTGCCTTTAGGAGTTTAGCATGCAGATTCCTTTTTGAGCTGGCAAAGGGACTG	131857
Query	6541	TGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAAT	6600
Sbjct	131856	TGTAGAAAGGGCAGCAGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAAT	131797
Query	6601	GGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGTACTGTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGA	6660
Sbjct	131796	GGTCCAATGTGAGCAATGCCTTGGGTACTGTGAGAGATGATATCGGAAAAGGGCAGAGGA	131737
Query	6661	CCTTATTTTTTCCCCCTCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTG	6720
Sbjct	131736	CCTTATTTTTTCCCCCTCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTG	131677
Query	6721	TGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATG	6780
Sbjct	131676	TGCCTCCTGTGACAAACATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTGGATG	131617
Query	6781	TCAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCT	6840
Sbjct	131616	TCAGTCCACAGCTATAGGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCT	131557
Query	6841	GCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAA	6900
Sbjct	131556	GCTTTGCTTTTCATGCTTTCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAA	131497
Query	6901	CTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTT	6960
Sbjct	131496	CTTTGGTCTGTCCAGACCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTT	131437
Query	6961	CTTACTGGTGTTTATTTACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTCTCCTTGGGTCATTGCT	7020
Sbjct	131436	CTTACTGGTGTTTATTTACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTCTCCTTGGGTCATTGCT	131377
Query	7021	TTCTTTGTGCACATCCGTGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAG	7080
Sbjct	131376	TTCTTTGTGCACATCCGTGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAG	131317
Query	7081	TAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGTCAATCACAATTCTTTCAGGTCCTAGGTTGTCA	7140
Sbjct	131316	TAAGGGTGGGTACACTATTACAGCATAGTCAATCACAATTCTTTCAGGTCCTAGGTTGTCA	131257
Query	7141	GGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACAAT	7200
Sbjct	131256	GGTCCAACAAGAAGAATAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACAAT	131197
Query	7201	AAAACCTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACAACCT	7260
Sbjct	131196	AAAACCTCAACAGATGGCAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACAACCT	131137
Query	7261	TGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATT	7320
Sbjct	131136	TGTAGGGAACATTAAGAGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATT	131077
Query	7321	GTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTG	7380
Sbjct	131076	GTACAACCTGGCTGGAGGATGTACCAGAGTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTG	131017
Query	7381	TGCTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCGtttttttaaaaaaaac	7440
Sbjct	131016	TGCTACATCAGGACTCCCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCGTTTTTTAAAAAAAAC	130957
Query	7441	TCCATGGAATTCGGCATCTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATCTGAGTT	7500
Sbjct	130956	TCCATGGAATTCGGCATCTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATCTGAGTT	130897
Query	7501	ATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTCCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATT	7560
Sbjct	130896	ATGTTTACAAAATTGTCTAGCTAAGTTTCCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATT	130837
Query	7561	GCCCTAAACTATGAGTTTGTAGTGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATT	7620
Sbjct	130836	GCCCTAAACTATGAGTTTGTAGTGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTTAGTCATGGATCATT	130777
Query	7621	TGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGCTCCTGTTAAAATGAAGACTTGAAAGGCATA	7680
Sbjct	130776	TGTGGTTAGTGTGTGGACCATGAAATTAGCTCCTGTTAAAATGAAGACTTGAAAGGCATA	130717
Query	7681	GCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACGCAGGTCCCATACCAGTCCAGTGATAGGCTT	7740
Sbjct	130716	GCAGAGGGCATGGTCAATTGAACTAGCACGCAGGTCCCATACCAGTCCAGTGATAGGCTT	130657
Query	7741	ACTTTCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCCTCACATGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCC	7800

Sbjct	130656	TTCAGGTTCCACTGTTTATAGCATCCTCACATGTCAGTGTAGGAGACAGTGAGGCC	130597
Query	7801	AGAGTAGTTGATTTTTCTACTCTCTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGA	7860
Sbjct	130596	AGAGTAGTTGATTTTTCTACTCTCTGTTCTTTGGGAAATAAAGGAAGCTTGTGAGACTGGA	130537
Query	7861	AGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGTCAAGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGA	7920
Sbjct	130536	AGATCCTCCATGAGGCAGGAGCTGGTCAAGTCTACAACAGTCAGAGCTGGTCAGGCCTGA	130477
Query	7921	ACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTGACATCCTATTTTCCTATGCATATTTCTCCT	7980
Sbjct	130476	ACAGACAAAGACAGCACCATCAGCCTTTTGACATCCTATTTTCCTATGCATATTTCTCCT	130417
Query	7981	GCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTGTCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCC	8040
Sbjct	130416	GCAACAAAGCTAGCCTGGGGCTTACTCTTGTCTTCCATACAATGGACCTACTTATAGGCC	130357
Query	8041	TACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGTATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGCattttat	8100
Sbjct	130356	TACGGAAATCCTGCTATGCAAGTGTATTATAAATGAAACCTATTTTACCCAAGCATTTTAT	130297
Query	8101	tttttcataaaaaatagttttgtttttgcttctagtagtattccaattttgaatattattttAC	8160
Sbjct	130296	TTTTTCATAAAAATAGTTTTGTTTTTGCTTCTAGTATTCCAATTTTGAATATTATTTTAC	130237
Query	8161	ATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAGATACTTGATTTCGGACTTAACTTTGACAACA	8220
Sbjct	130236	ATTAAAGAGAGTAAGTTTACTTGCTTCGAGATACTTGATTTCGGACTTAACTTTGACAACA	130177
Query	8221	TATACAGATGGGAGATGTAGTTTGTCCATCCTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAAAGAAATAG	8280
Sbjct	130176	TATACAGATGGGAGATGTAGTTTGTCCATCCTGCCAAGCTAGTCTCGGTAAAAGAAATAG	130117
Query	8281	ATCTGCATTAGCTTGACTACAATCACAGTTCTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTAT	8340
Sbjct	130116	ATCTGCATTAGCTTGACTACAATCACAGTTCTGAGTACATGAAAGAACGTGATCGTTTAT	130057
Query	8341	AAGGAGACTGACCATTAATTTGTATGGCTTAAATGTCTTTAAGAGCTTACAATTACTAAT	8400
Sbjct	130056	AAGGAGACTGACCATTAATTTGTATGGCTTAAATGTCTTTAAGAGCTTACAATTACTAAT	129997
Query	8401	GTTCAGGACACTAGATTTTTTATAATTTTATCTTAATGAGTCGTAGAAATTATCATTTTGA	8460
Sbjct	129996	GTTCAGGACACTAGATTTTTTATAATTTTATCTTAATGAGTCGTAGAAATTATCATTTTGA	129937
Query	8461	ATTGAAGCTCTTTTACAATGAAAATAAACTTTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGA	8520
Sbjct	129936	ATTGAAGCTCTTTTACAATGAAAATAAACTTTGGACTATCGATTACAGTATAGAGAGAGA	129877
Query	8521	GTAGGAACCCCATTTCTTTCTATGAATCCTTCTACAAACCACCAAGGCTTTTATGTGAC	8580
Sbjct	129876	GTAGGAACCCCATTTCTTTCTATGAATCCTTCTACAAACCACCAAGGCTTTTATGTGAC	129817
Query	8581	TCAGGGACTCTAAATAGATAAAGCTTAACAAAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACAT	8640
Sbjct	129816	TCAGGGACTCTAAATAGATAAAGCTTAACAAAGTTAACAAAGATATAAGGGATTAGACAT	129757
Query	8641	ACATCTTTTCAGTCATATCTTGTCAACATGTGTTGACTACGATAATTATGGGAATGTATGC	8700
Sbjct	129756	ACATCTTTTCAGTCATATCTTGTCAACATGTGTTGACTACGATAATTATGGGAATGTATGC	129697
Query	8701	TGGCATATTGTACAAGAGAAGATTACCTTATATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTCA	8760
Sbjct	129696	TGGCATATTGTACAAGAGAAGATTACCTTATATGGATATTTAAGTATTAAGTTTTTGTCA	129637
Query	8761	TAGGTGCTGGGTTAACAAGAACTAAGAAGGTGCAGGCAGTAGACAGAGCGGTAGACACCC	8820
Sbjct	129636	TAGGTGCTGGGTTAACAAGAACTAAGAAGGTGCAGGCAGTAGACAGAGCGGTAGACACCC	129577
Query	8821	ATAATTATTTTTATGCATTGAAAATACTCTTCAA tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	8880
Sbjct	129576	ATAATTATTTTTATGCATTGAAAATACTCTTCAATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	129517
Query	8881	gtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	8940
Sbjct	129516	GTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	129457
Query	8941	ACGACATTGAATACAACATCTAAACTACCATGAGATATAAAAATAGTAGGCAGAGACATCA	9000
Sbjct	129456	ACGACATTGAATACAACATCTAAACTACCATGAGATATAAAAATAGTAGGCAGAGACATCA	129397
Query	9001	TTTGTATATAAGAAAATTTTCAAGGGGAAATGTTAGGCAATATTTGAGGCCTTCTTCAGT	9060
Sbjct	129396	TTTGTATATAAGAAAATTTTCAAGGGGAAATGTTAGGCAATATTTGAGGCCTTCTTCAGT	129337
Query	9061	ATATCTTCTTTGAAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACC	9120
Sbjct	129336	ATATCTTCTTTGAAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTTTTAGCCTGTATACCCAGAAAACC	129277

Query	9121	TTGCGGTCTCATATAACTAGAGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGAT	9180
Sbjct	129276	TTGCGGTCTCATATAACTAGAGCCTAATCTCATACAACCAGGTGGGAGGATTGACAAGAT	129217
Query	9181	ACACAGTTGAAAGCCCAGTGATCTTGCCTGTCTCCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGT	9240
Sbjct	129216	ACACAGTTGAAAGCCCAGTGATCTTGCCTGTCTCCTCCCTTTGGAAGGAATAAGAACAGT	129157
Query	9241	TAACAAGTCCAGCTGTGTTTTAGGCAGTCTCACTAGAGTTCTGAAGACAGAATTTATCAA	9300
Sbjct	129156	TAACAAGTCCAGCTGTGTTTTAGGCAGTCTCACTAGAGTTCTGAAGACAGAATTTATCAA	129097
Query	9301	GACATTTTGCCACATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTA	9360
Sbjct	129096	GACATTTTGCCACATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGAATCCCTTTCCACACAGAGTGTA	129037
Query	9361	TGAAGCAAATTAATATTAAGTGTGTACAACCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACCCA	9420
Sbjct	129036	TGAAGCAAATTAATATTAAGTGTGTACAACCTGCAAAACCTTTAGGCTTGCAAGCACCCA	128977
Query	9421	GGCAAACCTTGTAGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTA	9480
Sbjct	128976	GGCAAACCTTGTAGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGACTTATATAGCATGTAGTCTTTTA	128917
Query	9481	GTTTTGTTTCGGCTTGTATCAGAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAAT	9540
Sbjct	128916	GTTTTGTTTCGGCTTGTATCAGAGTCATCATCACATTTATGTTTCACATCATCTAAAAGAAT	128857
Query	9541	TTAGCTGTGGGAACCCAGTTAAAACTATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGC	9600
Sbjct	128856	TTAGCTGTGGGAACCCAGTTAAAACTATGGTGCTGGAACAATGATTAAGAGACTCTGAGC	128797
Query	9601	TGAAGCCCCCTTTATTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTT	9660
Sbjct	128796	TGAAGCCCCCTTTATTCTTCATATGTATGAGCATGCTTAGACACAAGATACAATATAGTT	128737
Query	9661	TTCTTTTTCGCTGGATTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTT	9720
Sbjct	128736	TTCTTTTTCGCTGGATTTAAGAATATAATGTCTCTACACACATACATTGTTTGGTGGTTT	128677
Query	9721	TGCAAGGAGAGACAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGaaaagaaag	9780
Sbjct	128676	TGCAAGGAGAGACAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTGGGTAAAGGAGGAGAAAAGAAAG	128617
Query	9781	acaaacaaaaaaGGGAGGATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCT	9840
Sbjct	128616	ACAAACAAAAAGGGAGGATACGAGGAAGAACTTCCTAACTTTCTACTTCCCGTCTACCT	128557
Query	9841	ACCTTCCATAATAAAACAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCCTTAAGTGTG	9900
Sbjct	128556	ACCTTCCATAATAAAACAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATATTTTCTTCCCTTAAGTGTG	128497
Query	9901	AAGTGACAGTCTATTTTTCTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTACTAATTCAATTA	9960
Sbjct	128496	AAGTGACAGTCTATTTTTCTTTGTAGGTTAGACATTACACATATTTACTAATTCAATTA	128437
Query	9961	TGCAGATTTAGCTCAATTATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTaa	10020
Sbjct	128436	TGCAGATTTAGCTCAATTATCAGATATAATTTCAACAAAGTCAAAAAGGAGAACTATTAA	128377
Query	10021	aaaaaTTAGAACATTAGGGGAAATCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGC	10080
Sbjct	128376	AAAAATTAGAACATTAGGGGAAATCAATTCATGCTGACGAACAAAATAGTCACTCTGGGC	128317
Query	10081	ATGAGAGGtttttttttttATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTACACTCTA	10140
Sbjct	128316	ATGAGAGGTTTTTTTTTATATATAAAATACTTGTTATTGGATTATATTATTTACACTCTA	128257
Query	10141	AATGTTTTTCGCTTTGCCAGTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTT	10200
Sbjct	128256	AATGTTTTTCGCTTTGCCAGTTTTTTCTCCAGAAATCCGCTATCCCATCCTCCCTCAGCTT	128197
Query	10201	CTATGAGGGTGCTCCTTCACCCACACCCCCACTCCGTCCACCTCTGCCACCCAACATTG	10260
Sbjct	128196	CTATGAGGGTGCTCCTTCACCCACACCCCCACTCCGTCCACCTCTGCCACCCAACATTG	128137
Query	10261	ACCTACACTGGGACATCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAA	10320
Sbjct	128136	ACCTACACTGGGACATCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTCTTACTGTTGATGGCCAACAA	128077
Query	10321	AGCCATCCTCTGCTACATATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTT	10380
Sbjct	128076	AGCCATCCTCTGCTACATATGCAACTGGAGCCATCCCTATGTACTCCTGGGACATTGGTT	128017
Query	10381	TAGTCCCTGGGAGCCCTCGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTG	10440
Sbjct	128016	TAGTCCCTGGGAGCCCTCGGGGGGCTATTGGCTGATACTGTTGTTGTTCTTATGGGGTTG	127957
Query	10441	TAAACCCCTTCAGCTCCTTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCA	10500

Sbjct	127956	CCCCCTTCAGCTCCCTTCAGTCTTTTCTCTATCTCCTCCATTGGGGATCCCATTCTCA	127897
Query	10501	GTTCAATGGTTGGCTGAGAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTT	10560
Sbjct	127896	GTTCAATGGTTGGCTGAGAGCATCTGCCTCTGCATTTGTCAAGCTCTGGCAGAGCCTCTT	127837
Query	10561	AGGAGACAGCTCCTTAGGAGGCTCCTGTGAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCTTCAGC	10620
Sbjct	127836	AGGAGACAGCTCCTTAGGAGGCTCCTGTGAGCTGAGAGGTGTTTCTTAGAGTCCTTCAGC	127777
Query	10621	CAAAGTCCTAGGACCAAGCAGAAATTGTCTAATCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGT	10680
Sbjct	127776	CAAAGTCCTAGGACCAAGCAGAAATTGTCTAATCAGCTTCCTACAGAGTCAGGGCCATGT	127717
Query	10681	CAATTTCTGACTCCAGTGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTC	10740
Sbjct	127716	CAATTTCTGACTCCAGTGGCCTGCAAGAATGTCTAACATGACCTCCTTCATATTCTGTC	127657
Query	10741	ACAGACACAGAAATTTATGAATCTGTGTGTCACCTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGT	10800
Sbjct	127656	ACAGACACAGAAATTTATGAATCTGTGTGTCACCTCAGAATTTATGAGGATCTCAAAGATGT	127597
Query	10801	GGCAATGACATGGAAATGGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCT	10860
Sbjct	127596	GGCAATGACATGGAAATGGATACCTTCTTCATATACCTTCCTGGTCAGGCCCTAGTCTCT	127537
Query	10861	ATACCCTTAGGCGCCAGCAAGAGTGAATGGTTTCCTGGGACTGTGGTGGGTCTTTTGCC	10920
Sbjct	127536	ATACCCTTAGGCGCCAGCAAGAGTGAATGGTTTCCTGGGACTGTGGTGGGTCTTTTGCC	127477
Query	10921	TAATTCCTTCCTATGATGATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCT	10980
Sbjct	127476	TAATTCCTTCCTATGATGATTATAACCAAATGGCTAGCATACTTGTCTGATCCCGTTGCT	127417
Query	10981	AGCTTGGCACTGGTGGGGAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTATAAGCATTGCAATA	11040
Sbjct	127416	AGCTTGGCACTGGTGGGGAGCCTCGACACCTACATGAATGTTCTATAAGCATTGCAATA	127357
Query	11041	CCTAGAAGCACCTTAGGAGTCATTCTGGCAGGGCACCTGTATCTTACAGTTCTGAGTG	11100
Sbjct	127356	CCTAGAAGCACCTTAGGAGTCATTCTGGCAGGGCACCTGTATCTTACAGTTCTGAGTG	127297
Query	11101	TGTACCTACAAATATGGGATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACACGTGATGTG	11160
Sbjct	127296	TGTACCTACAAATATGGGATAGAAGGTGACATTGGGACTACAAGCAGGACACGTGATGTG	127237
Query	11161	GAGTAGTTGTTGATGATAAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTG	11220
Sbjct	127236	GAGTAGTTGTTGATGATAAGGAAGGTAAAGTATTTGATGGATATACAGCCTACGTAGGTG	127177
Query	11221	ACTATTGGGgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtCaa	11280
Sbjct	127176	ACTATTGGGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCAA	127117
Query	11281	aatataaaaaataaaaaaGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGT	11340
Sbjct	127116	AATATAAAAAATAAAAAAGTATGGTGGTCATTTATCACCACCTTTAGGTCTATTCCACAGT	127057
Query	11341	GTCCCAAGATATCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTG	11400
Sbjct	127056	GTCCCAAGATATCTGCTGGATATCTTAACTGTCAGTCAGCAAAGCCTCTCACTTGCTCTG	126997
Query	11401	CTCCAACCCATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCT	11460
Sbjct	126996	CTCCAACCCATATCACACTACCGAAGGCCTCTCTGTGAGCCATCAGCAATCTTTCTTCCT	126937
Query	11461	ATTTAGTTCCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCA	11520
Sbjct	126936	ATTTAGTTCCCAAGGCAGGTTTCCATGCCAGAAACACACATCCCAACTCTGTGGTGGCCA	126877
Query	11521	GACAGCCAGTGCCCACTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAAT	11580
Sbjct	126876	GACAGCCAGTGCCCACTTTCTTACACTAAAATCACTACATGAAAGAACACACAACACAAT	126817
Query	11581	AACCTTTGGCCCAATTAATAAGATACAATCGCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACAT	11640
Sbjct	126816	AACCTTTGGCCCAATTAATAAGATACAATCGCCACCTAAACATACAAAGCCCAATACAT	126757
Query	11641	ATCCATCCCTTAAAAACATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATC	11700
Sbjct	126756	ATCCATCCCTTAAAAACATCCATAACAACCTGTAAAGGTACAGCATGGAATCTTAACATC	126697
Query	11701	CCCTGTCATATTGTTCTGTGACGTCTTCTGTCCCTCCCTCCTGTttcttcttttccggtt	11760
Sbjct	126696	CCCTGTCATATTGTTCTGTGACGTCTTCTGTCCCTCCCTCCTGTTTCTTCTTTTCCGTT	126637
Query	11761	ccaatcttctcatcttctccttcaaacttttctcctgctcctgtccttctcttcTCATTCAAACA	11820
Sbjct	126636	CCAATCTTCTCATCTTCTTCAAACCTTTCTCCTGCCTGTCTTCTTCTCATTCAAACA	126577

Query	11821	CAGACCTCCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTT	11880
Sbjct	126576	CAGACCTCCTTCTATCCTGTACCTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTT	126517
Query	11881	ctatctccctctcactctctgtctctctccatctccctgtctctctctgtctctgtctct	11940
Sbjct	126516	CTATCTCCCTCTCACTCTCTGTCTCTCTCCATCTCCCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCT	126457
Query	11941	ctcttccctgtttttcttttgatagtgtttgtgtgtgtttgtttctctctctctccatctct	12000
Sbjct	126456	CTCTTCCTGTTTTTCTTTGTATGTGTTTGTGTGTGTTTGTCTCTCTCTCCATCTCT	126397
Query	12001	ctctctccctgtcttttcttttgatgtgtttctctctctcagctgtctctgtctgtctttct	12060
Sbjct	126396	CTCTCTCCCTGCTTTTCTTTGTGTGTTTCTCTCTCTCAGTCTGTCTGTCTGTCTTTCT	126337
Query	12061	ctgtctgtctctctatatctctatctatctatctatctatctatctatctatctatctct	12120
Sbjct	126336	CTGTCTGTCTCTCTATATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCT	126277
Query	12121	atctatctatAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTTCTtggtgtgtgtgtgtgtTAGCACATA	12180
Sbjct	126276	ATCTATCTATAGACCACTCTCTCTACCTCTTTTTCTTGTGTGTGTGTGTGTTAGCACATA	126217
Query	12181	TGTGAATAATGTTGACTTTCTTCTATATACATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATG	12240
Sbjct	126216	TGTGAATAATGTTGACTTTCTTCTATATACATATATGTCATTTGAGTGTAAGAACAATG	126157
Query	12241	AGAGATATGCTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTG	12300
Sbjct	126156	AGAGATATGCTCATCAACAGGTAGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTG	126097
Query	12301	CTGTTCTCTGAAGTGTTAGGAGACATTCAAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGC	12360
Sbjct	126096	CTGTTCTCTGAAGTGTTAGGAGACATTCAAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGC	126037
Query	12361	TATAGCTGATGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATG	12420
Sbjct	126036	TATAGCTGATGTCCATACCAAGAAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATG	125977
Query	12421	TCAGGATAGAGGGGGTTCCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGGAAGAGAGGCTAGTACAT	12480
Sbjct	125976	TCAGGATAGAGGGGGTTCCAGGCCAGAATAATCAAGGGTTTGGGAAGAGAGGCTAGTACAT	125917
Query	12481	ATTTTGGCTATTTGCTGTGTGTGGATTTCCGTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGCCCGC	12540
Sbjct	125916	ATTTTGGCTATTTGCTGTGTGTGGATTTCCGTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGCCCGC	125857
Query	12541	CTAGCCTTAGTCACTGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTT	12600
Sbjct	125856	CTAGCCTTAGTCACTGCAACTTCAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTT	125797
Query	12601	GAGGTCCTTTGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAG	12660
Sbjct	125796	GAGGTCCTTTGGTTGTTGTATTGGCTTCCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAG	125737
Query	12661	AATTGAAACAGTTTGGTCCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCACTGACCCCAAG	12720
Sbjct	125736	AATTGAAACAGTTTGGTCCTTGAGGGACATTCTATGTCAGACCTGTCACTGACCCCAAG	125677
Query	12721	GACCACACAGGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTA	12780
Sbjct	125676	GACCACACAGGTCAACAAGACAGGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTA	125617
Query	12781	GACTGTGGATGATGATAGGACCCCCAGTCCTCTTGTCTGTGTGATGGGTTTGACACAAG	12840
Sbjct	125616	GACTGTGGATGATGATAGGACCCCCAGTCCTCTTGTCTGTGTGATGGGTTTGACACAAG	125557
Query	12841	CAATAGATAACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCCCTCTCCTA	12900
Sbjct	125556	CAATAGATAACTACATTTGACTTGGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCCCTCTCCTA	125497
Query	12901	ACCCTGACAAAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACT	12960
Sbjct	125496	ACCCTGACAAAGAAACATTATTGGAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACT	125437
Query	12961	CAAGGTTCTGGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAAT	13020
Sbjct	125436	CAAGGTTCTGGTTCTCTAAGCCATTATCATATTGTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAAT	125377
Query	13021	TATAAAGGCAGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTG	13080
Sbjct	125376	TATAAAGGCAGAGGCTATCCATGGAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTG	125317
Query	13081	CAGCCTGTACACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGG	13140
Sbjct	125316	CAGCCTGTACACATTACCTTAGGTCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGG	125257
Query	13141	GAGTCCTCTGATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGACTCTGGATGCTATGATCTGGATGGCT	13200

Sbjct	125256	CTCTGATGCCCTTGATGGGAGAAAAGGGACTCTGGATGCTATGATCTGGATGGCT	125197
Query	13201	GGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACT	13260
Sbjct	125196	GGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATGAGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTCACTGACACT	125137
Query	13261	ACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCATGAGATGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAA	13320
Sbjct	125136	ACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCATGAGATGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAA	125077
Query	13321	GGGCTGTACTTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGG	13380
Sbjct	125076	GGGCTGTACTTGAGGATACAAAGTGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGG	125017
Query	13381	AGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCCCTTTCTGGAGCTGAG	13440
Sbjct	125016	AGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGGCTTGGCAGAATGGACGGGGGTCCCTTTCTGGAGCTGAG	124957
Query	13441	TGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTATTTCTCCTCCTAATAGGTTACATGCACTCTCTTAGG	13500
Sbjct	124956	TGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTATTTCTCCTCCTAATAGGTTACATGCACTCTCTTAGG	124897
Query	13501	AAGACAGCACACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACC	13560
Sbjct	124896	AAGACAGCACACAGATCATCAATGCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACC	124837
Query	13561	AGACAAGGCATTTGGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTG	13620
Sbjct	124836	AGACAAGGCATTTGGGGCACTTTAACTCCTGCTTCAGAGTCCTGGAGGACACACTAATTG	124777
Query	13621	CTCCTGCCTCATGTGGGAAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCC	13680
Sbjct	124776	CTCCTGCCTCATGTGGGAAATCACAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCC	124717
Query	13681	TCCAGTGCAGTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGG	13740
Sbjct	124716	TCCAGTGCAGTTCTCAATGTTGGGATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGG	124657
Query	13741	ATTCAAGAGTAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTA	13800
Sbjct	124656	ATTCAAGAGTAAAGTCTGGGTTTCTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTA	124597
Query	13801	GGAAAGGTGCAGCTTCATTGTCAGCACGGTTATGGAACTCCCAGCTTCCATCCCATCAG	13860
Sbjct	124596	GGAAAGGTGCAGCTTCATTGTCAGCACGGTTATGGAACTCCCAGCTTCCATCCCATCAG	124537
Query	13861	TGCCCTCAAACCTGACTTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACAC	13920
Sbjct	124536	TGCCCTCAAACCTGACTTTTCTCCACAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACAC	124477
Query	13921	AGGAAAACCTGCTAGGCCTCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGAC	13980
Sbjct	124476	AGGAAAACCTGCTAGGCCTCACCTGGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGAC	124417
Query	13981	ACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTT	14040
Sbjct	124416	ACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATTGATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTT	124357
Query	14041	CCCTTGCTGATTCTCAAGAAGATGTGGCCCCCTTCCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGG	14100
Sbjct	124356	CCCTTGCTGATTCTCAAGAAGATGTGGCCCCCTTCCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGG	124297
Query	14101	TCTGCCCCAAGACCTATCCGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTG	14160
Sbjct	124296	TCTGCCCCAAGACCTATCCGGCATGAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTG	124237
Query	14161	AGGAAGGCTGGCTGGGCATTACTCACAGTGTTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGG	14220
Sbjct	124236	AGGAAGGCTGGCTGGGCATTACTCACAGTGTTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGG	124177
Query	14221	CATTCAAGCTCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCGACAATAC	14280
Sbjct	124176	CATTCAAGCTCTCTGCCTGAAAGGACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCGACAATAC	124117
Query	14281	CTTCCTGCCCCAAGAGCTGACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTG	14340
Sbjct	124116	CTTCCTGCCCCAAGAGCTGACAAACCTTTCTGTGCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTG	124057
Query	14341	GTAGGTCCTTCTTGGACCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACA	14400
Sbjct	124056	GTAGGTCCTTCTTGGACCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACA	123997
Query	14401	TATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGCAGGTCCTTCTTGGGCCAAG	14460
Sbjct	123996	TATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGCAGGTCCTTCTTGGGCCAAG	123937
Query	14461	CAGCATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGACCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGA	14520
Sbjct	123936	CAGCATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGACCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGA	123877

Query	14521	CCAAGCACACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTT	14580
Sbjct	123876	CCAAGCACACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTT	123817
Query	14581	CTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGCATATGTGGTAGG	14640
Sbjct	123816	CTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGCATATGTGGTAGG	123757
Query	14641	TCCTTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGT	14700
Sbjct	123756	TCCTTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCAGACATATGT	123697
Query	14701	GGTAGGTCCTTGAAGCAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATAC	14760
Sbjct	123696	GGTAGGTCCTTGAAGCAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATAC	123637
Query	14761	CTGTCCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTC	14820
Sbjct	123636	CTGTCCTATTGCCTCACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTC	123577
Query	14821	TGCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGGCTCCTCTGGTAGGCCATC	14880
Sbjct	123576	TGCATCTTCTGCTCCCCACATTACTCTACTTACCGACATTGGCTCCTCTGGTAGGCCATC	123517
Query	14881	TACCGTCCACTGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAGTGTCTCTGCCTGTG	14940
Sbjct	123516	TACCGTCCACTGAACTAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAGTGTCTCTGCCTGTG	123457
Query	14941	CTAAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAA	15000
Sbjct	123456	CTAAGAGTCCCCCTACCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAA	123397
Query	15001	TCCAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCAGGATTGCA	15060
Sbjct	123396	TCCAGATAGGTCAGCAGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCAGGATTGCA	123337
Query	15061	TGTGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGA	15120
Sbjct	123336	TGTGTTCTCCCTCCAGCCTTCTCTGTGCGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGA	123277
Query	15121	TGTCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCCCTCTGCAG	15180
Sbjct	123276	TGTCTTCTGCAGTGACCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCCCTCTGCAG	123217
Query	15181	CCCACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAgtgtgtttctgttg	15240
Sbjct	123216	CCCACCAAGGCTCAGGACACATTTTTTTCAGAGTAGAGAATACAGTAGTGTGTTTCTGTTG	123157
Query	15241	tatttgtctaaagtgtctgtgtgtgattacctgcatgtggagtgtgtgtgtgtctgtgtgt	15300
Sbjct	123156	TATTTGTCTAAGTGTCTGTGTGTGATTACCTGCATGTGGAGTGTGTGTGTCTGTGTGT	123097
Query	15301	ATCTGTAAATAATTGAGTCTCAAATGCACCTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTT	15360
Sbjct	123096	ATCTGTAAATAATTGAGTCTCAAATGCACCTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTT	123037
Query	15361	GTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAATATTACTACATAGGAAATTGTACAAA	15420
Sbjct	123036	GTATTGAAATAATCCTAATAACAATATTTTTAATATTACTACATAGGAAATTGTACAAA	122977
Query	15421	CGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGT	15480
Sbjct	122976	CGAGCTTTATGATGCATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGT	122917
Query	15481	TGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGtttttgtttt	15540
Sbjct	122916	TGAGTTTTAGGTTTTGTAGCTTTCAATTCTAAAACCTCAGCATTACTACTGTTTTGTGTTT	122857
Query	15541	tggtttttCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTG	15600
Sbjct	122856	TGGTTTTTCTTTGTCCCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTG	122797
Query	15601	ATTCTTTTTCTTCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTTAC	15660
Sbjct	122796	ATTCTTTTTCTTCATGCTACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGATTGTTTTCTTAC	122737
Query	15661	TTATCTTTGACCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTATTTCTCAGTTAGTCCATCAT	15720
Sbjct	122736	TTATCTTTGACCTCTCTACCACTTGTACATGCTTGTATTTCTCAGTTAGTCCATCAT	122677
Query	15721	AAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTA	15780
Sbjct	122676	AAATATCATGTATGCTACAGGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTA	122617
Query	15781	ATGCTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAGGT	15840
Sbjct	122616	ATGCTTGTTGAGAAGAAATGACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAGGT	122557
Query	15841	GCAGTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGT	15900

Sbjct	122556	GCAGTCTCTACATTTACAATCCACAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTGTGTGGT	122497
Query	15901	GGCTTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGGAGGTCCCGAGGGAGGAGGGATGAATA	15960
Sbjct	122496	GGCTTCAAAGTAGATTAGTTGGGCTGGACGTGGGAGGTCCCGAGGGAGGAGGGATGAATA	122437
Query	15961	TTTTCTTACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTTACAAACACAGTTCGGATACTAGCTT	16020
Sbjct	122436	TTTTCTTACACACTTTAAATACTAAAATCTTTGTTACAAACACAGTTCGGATACTAGCTT	122377
Query	16021	TTACCCCTTACACTTTATATCTTGATTtctgtctctgtctgtctgtctctctgtttct	16080
Sbjct	122376	TTACCCCTTACACTTTATATCTTGATTTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGTCTTCT	122317
Query	16081	gtctctatctctgtctctctcatcccatctctgACTTCCTGGTTGCAATCCTAATTCTTC	16140
Sbjct	122316	GTCTCTATCTCTGTCTCTCTCATCCCATCTCTGACTTCCTGGTTGCAATCCTAATTCTTC	122257
Query	16141	CACTACATTTCAGCATTTTCAGATCTTCACTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACAT	16200
Sbjct	122256	CACTACATTTCAGCATTTTCAGATCTTCACTTTCAGTGTTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACAT	122197
Query	16201	ATTAATCTCTGGAGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAG	16260
Sbjct	122196	ATTAATCTCTGGAGAAGGGAGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAG	122137
Query	16261	GGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAG	16320
Sbjct	122136	GGCCATGTCAAGCGCCCCATGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAG	122077
Query	16321	TTGGCTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAG	16380
Sbjct	122076	TTGGCTCAACAGAATCCCAGCATGCAGAATTTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAG	122017
Query	16381	TGGAAAAGCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCAGGAGGCGCAGAGACTGAAG	16440
Sbjct	122016	TGGAAAAGCCTTACAGAAGCCGAAAAAAGGCCCTTTTTCAGGAGGCGCAGAGACTGAAG	121957
Query	16441	ACCTTACACAGAGAGAAATATCCAAACTATAAATATCAGCCTCATCGAAGGGTTAAAGTG	16500
Sbjct	121956	ACCTTACACAGAGAGAAATATCCAAACTATAAATATCAGCCTCATCGAAGGGTTAAAGTG	121897
Query	16501	TCACAGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAAGTGTAACCTGCTG	16560
Sbjct	121896	TCACAGAGGAGTTATACTTTGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAAGTGTAACCTGCTG	121837
Query	16561	CAATGGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACAC	16620
Sbjct	121836	CAATGGGACAACAACCTACACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACAC	121777
Query	16621	CAGTCCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATAC	16680
Sbjct	121776	CAGTCCTCCAAGAACCAGAAAAGCATTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATAC	121717
Query	16681	CCACTAcagcagaaacagcagcagcagcagcagcagcagcacatgcacctgcagcagcag	16740
Sbjct	121716	CCACTACAGCAGAAACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCATGCACCTGCAGCAGCAG	121657
Query	16741	tagcagcagcaccagttccactagcagcagcTAACCTACTTACTGTCCACTGATATCACT	16800
Sbjct	121656	TAGCAGCAGCACCAGTTCCTACTAGCAGCAGCTAACCTACTTACTGTCCACTGATATCACT	121597
Query	16801	GGTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACGTGAGCAGAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGA	16860
Sbjct	121596	GGTGACCCTACACCATAGCAGGAGCACGTGAGCAGAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGA	121537
Query	16861	TACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCCTTCTGTAATTTACAGCTTGAGAT	16920
Sbjct	121536	TACTGGCTCTGCTCCTACCTATCCCAACACTCCCCCTTCTGTAATTTACAGCTTGAGAT	121477
Query	16921	TCCTACTTGGTTTGGATACTGATTTCCCTCTGTTGTAATAAAGGACAGCTCCttttttttg	16980
Sbjct	121476	TCCTACTTGGTTTGGATACTGATTTCCCTCTGTTGTAATAAAGGACAGCTCCTTTTTTTTG	121417
Query	16981	gggggggTGGTTGGAGGAGGAGACCAAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAG	17040
Sbjct	121416	GGGGGGGTGGTTGGAGGAGGAGACCAAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAG	121357
Query	17041	GAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTTCTTTAACAGCGTACTAATCGCATTGT	17100
Sbjct	121356	GAGAATGCTTAGAAGGGCTTACTACATACTTTTTCTTTAACAGCGTACTAATCGCATTGT	121297
Query	17101	TATTGCATTTAATCCATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATTTGTACTG	17160
Sbjct	121296	TATTGCATTTAATCCATGGAAGAAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATTTGTACTG	121237
Query	17161	CCAGCTCAAAGGCAGCAAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCAAGAGATTTCA	17220
Sbjct	121236	CCAGCTCAAAGGCAGCAAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCAAGAGATTTCA	121177



Query	17221	CTGaaaatctaaactagacagggaaaactataaataaataaataccaaaagtataaataa	17280
Sbjct	121176	CTGAAAATCTAAACTAGACAGGGAAAACATAAAATAAATAAATACAAAAGTATAAATAA	121117
Query	17281	gtaaataCCAAGTATCCTTGTCTTTTTGTTTTGTTATGTTTTCCACAAAGTATATTGA	17340
Sbjct	121116	GTAATAACCAAGTATCCTTGTCTTTTTGTTTTGTTATGTTTTCCACAAAGTATATTGA	121057
Query	17341	AACTCTGGAATTGTGACAAGAAGTATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACT	17400
Sbjct	121056	AACTCTGGAATTGTGACAAGAAGTATTATTTTGGCTTTATGTCCAAGGTTTCAAAGCACT	120997
Query	17401	TAATGACACAACTGTAAAATTAAACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTTAAGTTTCT	17460
Sbjct	120996	TAATGACACAACTGTAAAATTAAACTGCTGTTAGCTAATTTTGTTTAACTTAAGTTTCT	120937
Query	17461	TTTATCTCTGAAATAAGCCGTTTTTGGTCCCTGGATATTAACCTCCTACTGACCAGGGAC	17520
Sbjct	120936	TTTATCTCTGAAATAAGCCGTTTTTGGTCCCTGGATATTAACCTCCTACTGACCAGGGAC	120877
Query	17521	TGTGAGATCCTTTGTTCTCTGATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAA	17580
Sbjct	120876	TGTGAGATCCTTTGTTCTCTGATAATTGAAATTCAAAACAAAGACAATCAACATTACAAA	120817
Query	17581	Ccacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacagacacagacacacacag	17640
Sbjct	120816	CCACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACAGACACAGACACACACAG	120757
Query	17641	acacacacacacagacacacacacacacgcacagacacacacacacacgcacacacacacac	17700
Sbjct	120756	ACACACACACACAGACACACACACACACGCACAGACACACACACACACACGCACACACACAC	120697
Query	17701	acacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCATTAGAAAAAGAATT	17760
Sbjct	120696	ACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACCATTAGAAAAAGAATT	120637
Query	17761	TCCTGAGAGACTGTTCTTCTAGGAACCAAGCTTAGTTAGCACCTGGCTTTCAGACATCAA	17820
Sbjct	120636	TCCTGAGAGACTGTTCTTCTAGGAACCAAGCTTAGTTAGCACCTGGCTTTCAGACATCAA	120577
Query	17821	CAGTTGCTTGTTACAAAGGTAAGGGAAAACACCCAAATGAAGTCTAAATGCTACTGAG	17880
Sbjct	120576	CAGTTGCTTGTTACAAAGGTAAGGGAAAACACCCAAATGAAGTCTAAATGCTACTGAG	120517
Query	17881	CCAGAACCACAAATTCTGATTGTCAATTCTTGTCATTACTCATCTTTACAAGTAGTTCAA	17940
Sbjct	120516	CCAGAACCACAAATTCTGATTGTCAATTCTTGTCATTACTCATCTTTACAAGTAGTTCAA	120457
Query	17941	ATGCCAGTAATAAAGGATTTCTGAAATGTTATTGATGGCAAACCTTGATTTCCAAATACA	18000
Sbjct	120456	ATGCCAGTAATAAAGGATTTCTGAAATGTTATTGATGGCAAACCTTGATTTCCAAATACA	120397
Query	18001	GCAAGGCTGAGAAAGAAAACCATAAGGGGCATAGCCAAGCCAGCTTAGGGTATTGGTGGT	18060
Sbjct	120396	GCAAGGCTGAGAAAGAAAACCATAAGGGGCATAGCCAAGCCAGCTTAGGGTATTGGTGGT	120337
Query	18061	GGGAGGCCAAGTAGGGAACCTGGCTCAGACTGCATGTGAGGGGAGCAGGGTCAGGGAGCCT	18120
Sbjct	120336	GGGAGGCCAAGTAGGGAACCTGGCTCAGACTGCATGTGAGGGGAGCAGGGTCAGGGAGCCT	120277
Query	18121	GAGGTGGCCAGTGGCAATTTGTGGGTGGACAGGTGGCGGCAGCCCAGACCATCTGAGACA	18180
Sbjct	120276	GAGGTGGCCAGTGGCAATTTGTGGGTGGACAGGTGGCGGCAGCCCAGACCATCTGAGACA	120217
Query	18181	GCATTTGTTTCAGTTTTTTGTTTTCTGGGAATGTCTTCTATGTCACTCTGTGTGTAT	18240
Sbjct	120216	GCATTTGTTTCAGTTTTTTGTTTTCTGGGAATGTCTTCTATGTCACTCTGTGTGTAT	120157
Query	18241	TCTGTTTGTGCTTTTTTGCTCTCTCTACAAATTTTTCTTTAATTCCTAGGACGGGGCAGG	18300
Sbjct	120156	TCTGTTTGTGCTTTTTTGCTCTCTCTCTACAAATTTTTCTTTAATTCCTAGGACGGGGCAGG	120097
Query	18301	CACAAAGCATTCCACTGGGGCTGATCCTGAACCATTTTAGGACCTCACAGAGTCACAGAA	18360
Sbjct	120096	CACAAAGCATTCCACTGGGGCTGATCCTGAACCATTTTAGGACCTCACAGAGTCACAGAA	120037
Query	18361	GACTTGGGTCTGGTTGTTTATGATGTGTTTATGAAAAGATAAAGAGTGGGGATATGTTCT	18420
Sbjct	120036	GACTTGGGTCTGGTTGTTTATGATGTGTTTATGAAAAGATAAAGAGTGGGGATATGTTCT	119977
Query	18421	ATGGAGGTGTGGTGAGGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATC	18480
Sbjct	119976	ATGGAGGTGTGGTGAGGTATAGGGGAAAGGGGTGCCTCTGCAGGCCCATGCTGAGACATC	119917
Query	18481	CCTTCCCCTGAGGAACCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCAT	18540
Sbjct	119916	CCTTCCCCTGAGGAACCAACCCAGGATAATACAGTATAGTATAAAGTTTATCCAGGGCAT	119857
Query	18541	ggggagaggagttaagagggtagtagaggcacaggagagaggggagagtgggagagagagg	18600

Sbjct	119856	GAGAGGAGTTAAGAGGTTAGTAGAGGCACAGGAGAGAGGGAGAGTGGGAGAGAGAGG	119797
Query	18601	gtgagtgaggagggagagggagacagagggggaggaggaggagagggagggacaaagg	18660
Sbjct	119796	GTGAGTGGGAGGGAGAGGGGAGACAGAGGGGGAGGAGGAGGAGAGAGGGAGGGACAAAGG	119737
Query	18661	gagtgagggagagggagggagggagagagagagagggggagggggagggagagggaggggga	18720
Sbjct	119736	GAGTGAGGGAGAGGGAGGGAGGGAGAGAGAGAGGGGGAGGGGAGGGAGAGGGAGGGGGA	119677
Query	18721	gaggtggagggagaaaggagtagaggagtagagaagtagagaggcagagaggCCAGCTGTG	18780
Sbjct	119676	GAGGTGGAGGGAGAAGGAGTAGAGGAGTAGAGAAGTAGAGAGGCAGAGAGGCCAGCTGTG	119617
Query	18781	AGCATGTGGAGGTggagggggaggggaatggggggagaagggacaagggaaagagttggtaa	18840
Sbjct	119616	AGCATGTGGAGGTGGAGGGGAGGGAATGGGGGGAGAAGGGACAAGGGAAAGAGTTGGTAA	119557
Query	18841	gaaagcaagagggaggaagagaaacaagagagTGAGGAGGGGAAGCATCCCCCTTTATATA	18900
Sbjct	119556	GAAAGCAAGAGGGAGGAAGAGAACAAGAGAGTGAGGAGGGGAAGCATCCCCCTTTATATA	119497
Query	18901	GTCAGGCATACCTGACTCTTGTGTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGC	18960
Sbjct	119496	GTCAGGCATACCTGACTCTTGTGTGCCAGGTAACCTATGGGGTGGAGCTTAGACAGAATGC	119437
Query	18961	TAACATTCCCCTGTTTGGGTTTAATaaaaaaagaaaaaTTCAAAAGAGATGATGGTGAAG	19020
Sbjct	119436	TAACATTCCCCTGTTTGGGTTTAATAAAAAAGAAAAATTCAAAAGAGATGATGGTGAAG	119377
Query	19021	CAGGAATAGGGTTGTCATTGTTGTGATCTCTACTTCCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTC	19080
Sbjct	119376	CAGGAATAGGGTTGTCATTGTTGTGATCTCTACTTCCTGTTTGCTTTACAGCCATATGTC	119317
Query	19081	TCTAGGGAACCTAGAAAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTT	19140
Sbjct	119316	TCTAGGGAACCTAGAAAAGTGGGCATGGGGATGTTTGTCCAGTCTTAGAGTTGGCTGTTT	119257
Query	19141	CCTTGTTGTCCAGGGTCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGGTCCAATC	19200
Sbjct	119256	CCTTGTTGTCCAGGGTCTGTTGAACCGTCTGTGGATAGGTGAGAAGGAACAGGTCCAATC	119197
Query	19201	GAAGCGTCTGTGCTGTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGT	19260
Sbjct	119196	GAAGCGTCTGTGCTGTGAGGGGACAGTTCAGCATCTGGAGGTTGCTTCTCTGGAGCTGT	119137
Query	19261	CCTAGATGTACTAAGTGTCTGGACTTGGCAAGATGCTGGAacacacacacacacacacac	19320
Sbjct	119136	CCTAGATGTACTAAGTGTCTGGACTTGGCAAGATGCTGGAACACACACACACACACACAC	119077
Query	19321	acacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacatatatatatatattata	19380
Sbjct	119076	ACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACATATATATATATATTATA	119017
Query	19381	GGCAGAGAATAAGATTAAGTGTAATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTTCTTAGATGTACATTT	19440
Sbjct	119016	GGCAGAGAATAAGATTAAGTGTAATTTGGGAGAAAAGTAAATTTTTCTTAGATGTACATTT	118957
Query	19441	GAAACCCAGAGGAATCCCACCCTTTGGAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAG	19500
Sbjct	118956	GAAACCCAGAGGAATCCCACCCTTTGGAATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAG	118897
Query	19501	ACAGATTACCCAGATTATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTG	19560
Sbjct	118896	ACAGATTACCCAGATTATCTGGGTGGAGTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTG	118837
Query	19561	GGTTTCCTGTAGTTTACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACAT	19620
Sbjct	118836	GGTTTCCTGTAGTTTACAAGTTTACAAAAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAACAT	118777
Query	19621	GGGGCTGGAGAGGTGGCCCAGAGGTTAAGAGAAGTACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGT	19680
Sbjct	118776	GGGGCTGGAGAGGTGGCCCAGAGGTTAAGAGAAGTACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGT	118717
Query	19681	TCAAATCCCAGCAACCACATGGTGGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCT	19740
Sbjct	118716	TCAAATCCCAGCAACCACATGGTGGCACACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCT	118657
Query	19741	TCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGACAGTGAATCGCATATATAAAATAAAATAATCCTTaaa	19800
Sbjct	118656	TCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGACAGTGAATCGCATATATAAAATAAAATAATCCTTAAA	118597
Query	19801	aaaaaaaaaGAGTTAACGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGG	19860
Sbjct	118596	AAAAAAAAAGAGTTAACGACATGAACATTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGG	118537
Query	19861	AATAAGAATTTGCGATTATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGA	19920
Sbjct	118536	AATAAGAATTTGCGATTATACAGTTAGATCCATGTAGTGAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGA	118477

Query	19921	AATACGGGGCTGCTGCTCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTT	19980
Sbjct	118476	AATACGGGGCTGCTGCTCAGGGACTACTGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTT	118417
Query	19981	GCACCGGAAGCGGTCCCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCCAGCC	20040
Sbjct	118416	GCACCGGAAGCGGTCCCCAGCGACCTACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCCAGCC	118357
Query	20041	TTCTTGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGC	20100
Sbjct	118356	TTCTTGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGCCGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGC	118297
Query	20101	TGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCAC	20160
Sbjct	118296	TGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTTGTCTCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGCAACAGCAC	118237
Query	20161	GGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTG	20220
Sbjct	118236	GGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTTGCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTG	118177
Query	20221	CCAGAAGACTGTGTACCCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATT'TTCCACAACCTC	20280
Sbjct	118176	CCAGAAGACTGTGTACCCTATGGAGCGGCTGGTGGCAGACAAGCTCATT'TTCCACAACCTC	118117
Query	20281	CAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCA	20340
Sbjct	118116	CAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCGCACCAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCA	118057
Query	20341	CGTGCATTTTACTGCAAACCTCACTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCCAACTAAGAT	20400
Sbjct	118056	CGTGCATTTTACTGCAAACCTCACTTTCAGCAGCTGTTTAAGAGCAAAGGCCAACTAAGAT	117997
Query	20401	GAGGGGTTTGGTCCAAAACACCACGTGGAGCTCTGGGCCACAGAGGAGTGGGCTGAGGC	20460
Sbjct	117996	GAGGGGTTTGGTCCAAAACACCACGTGGAGCTCTGGGCCACAGAGGAGTGGGCTGAGGC	117937
Query	20461	ACCAAGACAGCCTGAGACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTG	20520
Sbjct	117936	ACCAAGACAGCCTGAGACCCCTTTAACATCCATTCTCTCCAGCACATGGCCTACAGCTG	117877
Query	20521	GGCAGTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGCTTGGGGGAGCAGGTGGGAAAGGATGAGGCTCC	20580
Sbjct	117876	GGCAGTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGCTTGGGGGAGCAGGTGGGAAAGGATGAGGCTCC	117817
Query	20581	CTCAGACAGGTTTCAGGCATAAGGCTCTGCTCCAGGATTCCCTTGCCTTTCCCTGTAGGAT	20640
Sbjct	117816	CTCAGACAGGTTTCAGGCATAAGGCTCTGCTCCAGGATTCCCTTGCCTTTCCCTGTAGGAT	117757
Query	20641	GTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTC	20700
Sbjct	117756	GTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGTTTTACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTC	117697
Query	20701	CCTGGGAGGCCACAAAGTCCAGCTTCCCTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCA	20760
Sbjct	117696	CCTGGGAGGCCACAAAGTCCAGCTTCCCTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCA	117637
Query	20761	GCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCCTGTACCCTCTT	20820
Sbjct	117636	GCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTCCCTCACTGCCACCTGGGCCTCCTGTACCCTCTT	117577
Query	20821	GTCTCCCCAGCTACCTCTGCCCTTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGA	20880
Sbjct	117576	GTCTCCCCAGCTACCTCTGCCCTTAGCCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGA	117517
Query	20881	GAGTGCCATCTGCAGGGCCTCATAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAG	20940
Sbjct	117516	GAGTGCCATCTGCAGGGCCTCATAGATGCCACCTCGCTGGTGGGGGAGGCCAGGGGGAG	117457
Query	20941	AGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCT	21000
Sbjct	117456	AGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGGTCTAGGGGTCCCTTGTATCACAAAGCTAAAGCT	117397
Query	21001	CTTCCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGT	21060
Sbjct	117396	CTTCCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTTGGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGT	117337
Query	21061	TGACTGTTGTGATCAACCTTGGTTTAAAAATGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTC	21120
Sbjct	117336	TGACTGTTGTGATCAACCTTGGTTTAAAAATGTTTAAACTGGGGGCTGGGGATTTAGCTC	117277
Query	21121	AGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGaaaa	21180
Sbjct	117276	AGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGAAAA	117217
Query	21181	aaagaaccaaaaaaaaaaaaaatgtttaaaactgaaaaacaaaaaaaggggggggATATGAAAC	21240
Sbjct	117216	AAAGAACCAAAAAAAAAAAAATGTTTAAACTGAAAACAAAAAAGGGGGGGGATATGAAAC	117157
Query	21241	ATTTAATCAACGGGATCCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCATCTGTGAAGGCTT	21300

Sbjct	117156	TAATCAACGGGATCCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTC	117097
Query	21301	ACGGCTGAAC TAGTCGCTAGAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTAAGCTACA	21360
Sbjct	117096	ACGGCTGAAC TAGTCGCTAGAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCCTAGTTGTTAAGCTACA	117037
Query	21361	GCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATA	21420
Sbjct	117036	GCTACCTTAGCTGTCAATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATA	116977
Query	21421	TGTTATTTTAAACATGACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCATGGCAAC	21480
Sbjct	116976	TGTTATTTTAAACATGACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCATGGCAAC	116917
Query	21481	TTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAAT	21540
Sbjct	116916	TTGGGCAGACTCAGTCTGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAAT	116857
Query	21541	GGATAGGTGTGACATGAGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAAATCATTGACTCTAA	21600
Sbjct	116856	GGATAGGTGTGACATGAGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAAATCATTGACTCTAA	116797
Query	21601	GGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGAC	21660
Sbjct	116796	GGGTATCCAGTTTTGTACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGAC	116737
Query	21661	TCTTGAAGCTGTGTTTCATATCTTCTGAAATCTTGTGGGGCAAAC TGTTAGAGATTT CAGA	21720
Sbjct	116736	TCTTGAAGCTGTGTTTCATATCTTCTGAAATCTTGTGGGGCAAAC TGTTAGAGATTT CAGA	116677
Query	21721	AGATTCTGTCTCATAAACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAGATCGGGG	21780
Sbjct	116676	AGATTCTGTCTCATAAACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAGATCGGGG	116617
Query	21781	GCTATATTGCCTAGTAATATCTGAATAGAGCATACCATAATTTAACGGCAGTAGCAAAAA	21840
Sbjct	116616	GCTATATTGCCTAGTAATATCTGAATAGAGCATACCATAATTTAACGGCAGTAGCAAAAA	116557
Query	21841	TCCTATCAGACAGGATAAGAATGAAAGTCATAATACGGAAC TTGACAGGTTTGTAGGT	21900
Sbjct	116556	TCCTATCAGACAGGATAAGAATGAAAGTCATAATACGGAAC TTGACAGGTTTGTAGGT	116497
Query	21901	AGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAAC TGAACACAGGC	21960
Sbjct	116496	AGAGAAAAGGAATAAGAAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAAC TGAACACAGGC	116437
Query	21961	CAGTCTTGGTAATGGCTAGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGC	22020
Sbjct	116436	CAGTCTTGGTAATGGCTAGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGC	116377
Query	22021	ATGCATACACGCATGCACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTC TTTGGTT	22080
Sbjct	116376	ATGCATACACGCATGCACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTC TTTGGTT	116317
Query	22081	CTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGC	22140
Sbjct	116316	CTGCGGTGCACGCTCCTAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGC	116257
Query	22141	AAGCCCTGACCACTGTTTTCAGGCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCA	22200
Sbjct	116256	AAGCCCTGACCACTGTTTTCAGGCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCA	116197
Query	22201	AAGTAGCCTGTTTCCCATCCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAG	22260
Sbjct	116196	AAGTAGCCTGTTTCCCATCCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAG	116137
Query	22261	ATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAGCTGGA tttttttt CTTTTGAGCCTGCTGCGGG cag	22320
Sbjct	116136	ATTATGAAAGGGGACAGGGCGAAAGCTGGA tttttttt CTTTTGAGCCTGCTGCGGG CAG	116077
Query	22321	agagcaggagcagagtc cccaaacacacatacacacgcaggacacacagacagagacagag	22380
Sbjct	116076	AGAGCAGGAGCAGAGTCCCAAACACACATACACACGCAGGACACACAGACAGAGACAGAG	116017
Query	22381	agagggagagagagacagagagggagacagaaagagagagtc atggagagagacagagag	22440
Sbjct	116016	AGAGGGAGAGAGAGACAGAGAGGGAGACAGAAAGAGAGAGTCATGGAGAGAGACAGAGAG	115957
Query	22441	actgagagtcagagagagagagacacagagagagagagagagagagacagagagagagtc	22500
Sbjct	115956	ACTGAGAGTCAGAGAGAGAGAGACACAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGAGAGAGAGTC	115897
Query	22501	agagggagacagagatatagagagatatagagagagtcagagaggagagacagaaggacagaga	22560
Sbjct	115896	AGAGGGAGACAGAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCAGAGAGGAGAGACAGAAGGACAGAGA	115837
Query	22561	ggcagacagagagagaaagagagacagagagatatagacagcggagaaacagagaaagacag	22620
Sbjct	115836	GGCAGACAGAGAGAGAAAGAGAGACAGAGAGATAGACAGCGGAGAAACAGAGAAAGACAG	115777

Query	22621	aaagacagaggcagagtgacagagagagacagacagagagtcagagagactgaggagaaa	22680
Sbjct	115776	AAAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGAGAGACAGACAGAGAGTCAGAGAGACTGAGGAGAAA	115717
Query	22681	gagaaagacagagagagacagagagacagacacagagagacagacagagacagacagaga	22740
Sbjct	115716	GAGAAAGACAGAGAGAGACAGAGAGACAGACACAGAGAGACAGACAGAGACAGACAGAGA	115657
Query	22741	gacagacaaaacggagagacagagagaaaatagagagatagagagatagagacagagaaaaga	22800
Sbjct	115656	GACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGACAGAGAAAAGA	115597
Query	22801	gagagcggagaaaagagaaaatagagaaaagcaacatagagacagagagaaatccgtgagagaca	22860
Sbjct	115596	GAGAGCGAGAAAAGAGAAAATAGAGAAAAGCAACATAGAGACAGAGAGAATCCGTGAGAGACA	115537
Query	22861	gagaatgagagagacacagacagagagagaatagagacagacagagagacagagaaaatag	22920
Sbjct	115536	GAGAATGAGAGAGACACAGACAGAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGAGAAATAG	115477
Query	22921	agagtcaaaagaaagacagagaggggagagacagaggggagacagagagagaaaagagagagat	22980
Sbjct	115476	AGAGTCAAAGAAAAGACAGAGAGGGAGAGACAGAGGGAGACAGAGAGAGAAAAGAGAGAGAT	115417
Query	22981	acagagagagacagagagacagagaaaagagaaaagacagggagacagagaccatgagagac	23040
Sbjct	115416	ACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAAGAGAAAAGACAGGGAGACAGAGACCATGAGAGAC	115357
Query	23041	agagacagagagagacatagtcagagagacagacagacacagagggcagagagacagacag	23100
Sbjct	115356	AGAGACAGAGAGAGACATAGTCAGAGAGACAGACAGACACAGAGGCAGAGAGACAGACAG	115297
Query	23101	atacagacagagagacagagagagaaaatagagagatagagagatagagagagtcagagag	23160
Sbjct	115296	ATACAGACAGAGAGACAGAGAGAGAAAATAGAGAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCAGAGAG	115237
Query	23161	gagagacagaggggacagagagggcagacagagagagaaaagagagacagagagagacagagg	23220
Sbjct	115236	GAGAGACAGAGGGACAGAGAGGCAGACAGAGAGAGAAAAGAGAGACAGAGAGAGACAGAGG	115177
Query	23221	agaaaacagagaaaagacagaaaagacagagggcagagtgacagagatagatagacagacagag	23280
Sbjct	115176	AGAAAACAGAGAAAAGACAGAAAAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGATAGATAGACAGACAGAG	115117
Query	23281	agtcagagagactgaggagaaaagagaaaagacagagagagacagagagacagagggcagaga	23340
Sbjct	115116	AGTCAGAGAGACTGAGGAGAAAAGAGAAAAGACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGGCAGAGA	115057
Query	23341	gacagacagagacggacagagagacagacaaaacggagagacagagagagaaaatagagata	23400
Sbjct	115056	GACAGACAGAGACGGACAGAGAGACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAGAAAATAGAGATA	114997
Query	23401	gagaaatagagacagagagaaaagagagagagaaaagagaaatagagaaaagcaagagacaga	23460
Sbjct	114996	GAGAAATAGAGACAGAGAGAAAAGAGAGAGAGAAAAGAGAAATAGAGAAAAGCAAGAGACAGA	114937
Query	23461	gaaagtcctatgagagacagagaccgagagagacacggagagagagaaatagagacagacag	23520
Sbjct	114936	GAAAGTCCATGAGAGACAGAGACCGAGAGAGACACGGAGAGAGAGAATAGAGACAGACAG	114877
Query	23521	agagacagagaaaatagagagacaaaagaaagacagagagagagacagaggggagacagagag	23580
Sbjct	114876	AGAGACAGAGAAAATAGAGAGACAAAGAAAAGACAGAGAGAGAGACAGAGGGGAGACAGAGAG	114817
Query	23581	agagaaaagagagagatacagagagagacagagtaacagagaaaagagaaaagacagggagac	23640
Sbjct	114816	AGAGAAAAGAGAGAGATACAGAGAGAGACAGAGTAACAGAGAAAAGAGAAAAGACAGGGAGAC	114757
Query	23641	agagaaaagcaagagagagccagaaaacagagagaaatagagacagagacatagagagacaga	23700
Sbjct	114756	AGAGAAAAGCAAGAGAGAGCCAGAAACAGAGAGAATAGAGACAGAGACATAGAGAGACAGA	114697
Query	23701	cagatggagacacacagagagaaaagagagagacagaaaggagaaaagagagagacagagaga	23760
Sbjct	114696	CAGATGGAGACACACAGAGAGAAAAGAGAGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGAGACAGAGAGA	114637
Query	23761	cacagagaaaagacagagagaaaagagagagacagagaaaagagaaaatagagaaaacaagaga	23820
Sbjct	114636	CACAGAGAAAAGACAGAGAGAAAAGAGAGAGACAGAGAAAAGAGAAAATAGAGAAAACAAGAGA	114577
Query	23821	cagagagagaccatgagagacagagggcagagagagacagagggcagagagaaatagaaaacag	23880
Sbjct	114576	CAGAGAGAGACCATGAGAGACAGAGGCAGAGAGAGACAGAGGCAGAGAGAATAGAAAACAG	114517
Query	23881	agagacagagagagagaaaatagagagacagagagacacacacagagaaggagagacagaa	23940
Sbjct	114516	AGAGACAGAGAGAGAGAAAATAGAGAGACAGAGAGACACACACACAGAGAAGGAGAGACAGAA	114457
Query	23941	ggagaaaagagagacagagagacagagaaaagagagagacagagagagaatagagtcagacaga	24000

Sbjct	114456	GAGAAAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAGAGAGAGACAGAGAGAATAGAGTCAGACAGA	114397
Query	24001	gacatagacagacagatggagacacggaagagagagcaagacagaaggagaaaga	24060
Sbjct	114396	GACATAGACAGACAGATGGAGACACGGAAAGAGAAAGAGAGCAAGACAGAAGGAGAAAGA	114337
Query	24061	gagagagagagatagggagagagagacagagagCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGG	24120
Sbjct	114336	GAGAGAGAGAGATAGGGAGAGAGAGACAGAGAGCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGG	114277
Query	24121	GAAGATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAA	24180
Sbjct	114276	GAAGATGGCTGCACACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAA	114217
Query	24181	GGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAA	24240
Sbjct	114216	GGGGCTAGGCCAGACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAA	114157
Query	24241	GTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAG	24300
Sbjct	114156	GTCAGCAACCAGGCAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAG	114097
Query	24301	AGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGaagagtaggggagagggg	24360
Sbjct	114096	AGTAGAGAAATAGAGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAAAGTAGGGGAGAGGGG	114037
Query	24361	aatgtggagagacggacaaagggggaagagagtaagagcaagagagCAACAGAATGAGGA	24420
Sbjct	114036	AATGTGGAGAGACGGACAAAGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAACAGAATGAGGA	113977
Query	24421	GGGGACCATCAGCCCCCTTTTATAGTGTCTATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAAC TGGGA	24480
Sbjct	113976	GGGGACCATCAGCCCCCTTTTATAGTGTCTATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAAC TGGGA	113917
Query	24481	GGGGTGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGA	24540
Sbjct	113916	GGGGTGGAGCTTAGACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGA	113857
Query	24541	ATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCCCCATCATTTACAGGGT	24600
Sbjct	113856	ATGAATGACCCACCTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCCCCATCATTTACAGGGT	113797
Query	24601	GAAGGTTTtagTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACTAACTGTCATACATCTCCTCGTG	24660
Sbjct	113796	GAAGGTTTtagTTTATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACTAACTGTCATACATCTCCTCGTG	113737
Query	24661	GCAATACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCT	24720
Sbjct	113736	GCAATACCTGGTTGAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCT	113677
Query	24721	GCTCCCCACCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTTCCTC	24780
Sbjct	113676	GCTCCCCACCTTCTTCTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTCGGCCCTTTGCCTTGCTTCCTC	113617
Query	24781	TTTCTGCTCCCAAGGAGGATTTCTGTCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTGCC	24840
Sbjct	113616	TTTCTGCTCCCAAGGAGGATTTCTGTCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTGCC	113557
Query	24841	ACTACCCTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACCCC	24900
Sbjct	113556	ACTACCCTTCCTCAGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACCCC	113497
Query	24901	ACTTGAGTCCACCTCACATT CAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTT	24960
Sbjct	113496	ACTTGAGTCCACCTCACATT CAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTT	113437
Query	24961	ACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCCAGATGTT CAGGGGAATATGTG	25020
Sbjct	113436	ACCTCTCCAGGCTATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCCAGATGTT CAGGGGAATATGTG	113377
Query	25021	TTCATGACACATGTGCCATTTCAGGAACTGGCAGAAACCCCTCCCATTTTtagATAG	25080
Sbjct	113376	TTCATGACACATGTGCCATTTCAGGAACTGGCAGAAACCCCTCCCATTTTtagATAG	113317
Query	25081	ACCATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATT CAGTCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTC	25140
Sbjct	113316	ACCATGAGCTCTCACAGGTCTTCTAGATT CAGTCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTC	113257
Query	25141	AGTCAACCCAGGTGTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAGAGAGAGAGGGTTC	25200
Sbjct	113256	AGTCAACCCAGGTGTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAGAGAGAGAGGGTTC	113197
Query	25201	TTGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCT	25260
Sbjct	113196	TTGGGAGCCACCCAGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCT	113137
Query	25261	GATATAGGTGCAGCCTTTCTTGGACTGGACCTGACTGAGAAATTAGCAATGCTGTTAAA	25320
Sbjct	113136	GATATAGGTGCAGCCTTTCTTGGACTGGACCTGACTGAGAAATTAGCAATGCTGTTAAA	113077

Query	25321	GAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCCA	25380
Sbjct	113076	GAACAGGTGCCAGATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCCA	113017
Query	25381	CAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTTATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCCAGGGAATATC	25440
Sbjct	113016	CAAATTTATGTAAGGTTAGCCAGGTTATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCCAGGGAATATC	112957
Query	25441	TAGAGTTTTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACA	25500
Sbjct	112956	TAGAGTTTTTTTAAACCTATAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACA	112897
Query	25501	GTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGTTAACAAACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTC	25560
Sbjct	112896	GTCAGCTGTGAACATGGCTTTTGTTAACAAACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTC	112837
Query	25561	AGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACT	25620
Sbjct	112836	AGACACTGAATAGCTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACT	112777
Query	25621	GGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAACCTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATTCAGGACTG	25680
Sbjct	112776	GGGAGAGAGGCTTCAAGGGACAACCTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATTCAGGACTG	112717
Query	25681	CAGGCTGTTAGCGCCACTAAAGTATTAAACTGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCAC	25740
Sbjct	112716	CAGGCTGTTAGCGCCACTAAAGTATTAAACTGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCAC	112657
Query	25741	ATCAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGAC	25800
Sbjct	112656	ATCAGGGTTTATTCTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGAC	112597
Query	25801	TTCTTTTGTTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCA	25860
Sbjct	112596	TTCTTTTGTTGGAATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCA	112537
Query	25861	GCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGC	25920
Sbjct	112536	GCAAAGGGGTGGGGGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGC	112477
Query	25921	CTTTAGTTTAACTGGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCT	25980
Sbjct	112476	CTTTAGTTTAACTGGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCT	112417
Query	25981	GCATTGGTGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTA	26040
Sbjct	112416	GCATTGGTGCTCATTAGGCAGTGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTA	112357
Query	26041	ACCTGGGGGTGCAGATCTCTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTTGGGGGTGT	26100
Sbjct	112356	ACCTGGGGGTGCAGATCTCTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTTGGGGGTGT	112297
Query	26101	AACCTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTTG	26160
Sbjct	112296	AACCTGGAGTGCAGATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTTG	112237
Query	26161	TTggggggtgggggctggggCGTAACTTGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAA	26220
Sbjct	112236	TTGGGGGTGGGGGCTGGGGCGTAACTTGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAA	112177
Query	26221	CTTAGGGCAGGTTCTCTAAATGGAGTCTGGATTTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATC	26280
Sbjct	112176	CTTAGGGCAGGTTCTCTAAATGGAGTCTGGATTTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATC	112117
Query	26281	ACCTTGGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCACCTGTGGGCCACCCCCAAATA	26340
Sbjct	112116	ACCTTGGAGGAGGCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCACCTGTGGGCCACCCCCAAATA	112057
Query	26341	ACTGTGGTCCTGTGTGATTGCAGGGCTCCCGGCTTGAGACATGCCAGGAGGCCTCATG	26400
Sbjct	112056	ACTGTGGTCCTGTGTGATTGCAGGGCTCCCGGCTTGAGACATGCCAGGAGGCCTCATG	111997
Query	26401	AGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACCTTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCCA	26460
Sbjct	111996	AGACTCCTACAGGAACCTGAGACAACCTTGGCTGCCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCCA	111937
Query	26461	GCTTTGTGCATCTTGAGGTCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATG	26520
Sbjct	111936	GCTTTGTGCATCTTGAGGTCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATG	111877
Query	26521	CTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCTAAAGCAA	26580
Sbjct	111876	CTGTTGGACACCTGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCCAGTTGCAACAACCCTAAAGCAA	111817
Query	26581	GTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCT	26640
Sbjct	111816	GTACAGGAATTTCTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCT	111757
Query	26641	AGCCAAAGCCTTATGAGGTCTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCCTTAAGAG	26700

Sbjct	111756	AGCCAAAGCCTTATGAGGTCCTTCAGGACCAAGAAAAACAAAGTAGATGGACCCCTTAAGAG	111697
Query	26701	GAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCT	26760
Sbjct	111696	GAATGTAGCTCTTAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCT	111637
Query	26761	AGAGAGTCAACAAACCATTTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGT	26820
Sbjct	111636	AGAGAGTCAACAAACCATTTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGT	111577
Query	26821	GCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTATCTAAGAAGCTGGA	26880
Sbjct	111576	GCTCACCCAAACTTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTATCTAAGAAGCTGGA	111517
Query	26881	CCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCTTCTAGT	26940
Sbjct	111516	CCCGGTGGGCCAAAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCTTCTAGT	111457
Query	26941	CAAAGATGCTGGCAACGTAACCATGGGTCAGGGACTTGTTATCACTATCTCCCCTCCCC	27000
Sbjct	111456	CAAAGATGCTGGCAACGTAACCATGGGTCAGGGACTTGTTATCACTATCTCCCCTCCCC	111397
Query	27001	ATGCTACTGAGGGGACCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCTGAACCCAGTTGGT	27060
Sbjct	111396	ATGCTACTGAGGGGACCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCTGAACCCAGTTGGT	111337
Query	27061	GCACTTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTA	27120
Sbjct	111336	GCACTTTTCAGGCTCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTA	111277
Query	27121	AACCCAGCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGTAT	27180
Sbjct	111276	AACCCAGCCATCCTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTGTAT	111217
Query	27181	AGTTCTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGG	27240
Sbjct	111216	AGTTCTGGGGCACATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGG	111157
Query	27241	AGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGACTTGGACCTG	27300
Sbjct	111156	AGCAGCTTCATCCAGAATGGAGTCAGGGACGCAGGGGTGGTGGTAGTGACTTGGACCTG	111097
Query	27301	TTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAGGCTC	27360
Sbjct	111096	TTATTTGGACCACTGATTTGCTGCTGGGAACTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAGGCTC	111037
Query	27361	TTACCCAGGCTTTAAGACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACACTGACAGCAGAT	27420
Sbjct	111036	TTACCCAGGCTTTAAGACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAACATTTACACTGACAGCAGAT	110977
Query	27421	AGGACTAATATCTGCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGCTTTATT	27480
Sbjct	110976	AGGACTAATATCTGCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGCTTTATT	110917
Query	27481	CAAAACACTCTCAAAATGGCTATAGTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGACATC	27540
Sbjct	110916	CAAAACACTCTCAAAATGGCTATAGTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGACATC	110857
Query	27541	AGAAATTGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGC	27600
Sbjct	110856	AGAAATTGTCTGAGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGC	110797
Query	27601	CAACTCCTGATAGCTTTGCTGCCCAATGCACTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAA	27660
Sbjct	110796	CAACTCCTGATAGCTTTGCTGCCCAATGCACTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAA	110737
Query	27661	GACAAACGACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGACGGTTGCTGACC	27720
Sbjct	110736	GACAAACGACATCAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGACGGTTGCTGACC	110677
Query	27721	TCTGAAGGCTGCACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCAT	27780
Sbjct	110676	TCTGAAGGCTGCACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCAT	110617
Query	27781	TAAACTTCACGTGGTCACTGCAAACTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAA	27840
Sbjct	110616	TAAACTTCACGTGGTCACTGCAAACTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAA	110557
Query	27841	TATTTGACTTAGGACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTG	27900
Sbjct	110556	TATTTGACTTAGGACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTG	110497
Query	27901	TGAACTCCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAA	27960
Sbjct	110496	TGAACTCCTCAGACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAA	110437
Query	27961	ATAGACTACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGA	28020
Sbjct	110436	ATAGACTACAGAAATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGA	110377



Query	28021	TACCTTTTCAGGATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGTCTGCCAAAATAGTGGG	28080
Sbjct	110376	TACCTTTTCAGGATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGTCTGCCAAAATAGTGGG	110317
Query	28081	aaaaaaaGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTG	28140
Sbjct	110316	AAAAAAGCTTCTGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTG	110257
Query	28141	ACAATGAACCAGCATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGTAGAGATTCTGG	28200
Sbjct	110256	ACAATGAACCAGCATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTCTACCATAGGTAGAGATTCTGG	110197
Query	28201	GGAACCAATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTCAGGGCAAGTAGAAGGG	28260
Sbjct	110196	GGAACCAATAGAAAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTCAGGGCAAGTAGAAGGG	110137
Query	28261	ATGAATCGGACCCTGAAGGCGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGG	28320
Sbjct	110136	ATGAATCGGACCCTGAAGGCGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGG	110077
Query	28321	GAATCTCTCCTACTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTC	28380
Sbjct	110076	GAATCTCTCCTACTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTC	110017
Query	28381	TCTGCTTTTTGAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGT	28440
Sbjct	110016	TCTGCTTTTTGAGATCCTATATGGGAGGCCCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGT	109957
Query	28441	ATCTTAGCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATC	28500
Sbjct	109956	ATCTTAGCTGAATATGACCAGCAAACGTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATC	109897
Query	28501	TACACGCAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTACGTAGCCCC	28560
Sbjct	109896	TACACGCAACTCTGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTACGTAGCCCC	109837
Query	28561	CATTACTTTGAACCATGTGACAAATCTGGATTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAAC	28620
Sbjct	109836	CATTACTTTGAACCATGTGACAAATCTGGATTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAAC	109777
Query	28621	CTTGCTGGAAAGGGCCTTACATCGTGTTCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACA	28680
Sbjct	109776	CTTGCTGGAAAGGGCCTTACATCGTGTTCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACA	109717
Query	28681	GGATCAGAATGTGGATACATCACTCTCGTGTTAACCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAG	28740
Sbjct	109716	GGATCAGAATGTGGATACATCACTCTCGTGTTAACCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAG	109657
Query	28741	TCAAGGTCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCC	28800
Sbjct	109656	TCAAGGTCCAGCACAGGAGACTTCCAGGCAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCC	109597
Query	28801	TGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACAT	28860
Sbjct	109596	TGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAGTACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACAT	109537
Query	28861	TTTGCTGCACCAGCCACTACCCATTACTATCTGGATTCCCCAATGGAGATGCTACAAA	28920
Sbjct	109536	TTTGCTGCACCAGCCACTACCCATTACTATCTGGATTCCCCAATGGAGATGCTACAAA	109477
Query	28921	CCTTGTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACT	28980
Sbjct	109476	CCTTGTCATCAAGTTCACAGTGGCTGGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACT	109417
Query	28981	CCTCTCTCCCTGGACTTAACAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAA	29040
Sbjct	109416	CCTCTCTCCCTGGACTTAACAAAGAACC GTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAA	109357
Query	29041	AGAAGATATCCCCAACTGATTCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGC	29100
Sbjct	109356	AGAAGATATCCCCAACTGATTCCACCTCTGCCACTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGC	109297
Query	29101	TTACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAATGCAACTGAGGATTTTTATGTTCTAGTAC	29160
Sbjct	109296	TTACTACATACATTTATGGCCTGGCTATAAATGCAACTGAGGATTTTTATGTTCTAGTAC	109237
Query	29161	AGCTTGTAACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGTAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCACCTC	29220
Sbjct	109236	AGCTTGTAACCCAGAATGACTTACTACTCTGGGTAGGATGTCTCCAGCCAGCTAGCACCTC	109177
Query	29221	CACACAATCAGGTCACCTTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGC	29280
Sbjct	109176	CACACAATCAGGTCACCTTCTGTTGTGTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGC	109117
Query	29281	TGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGTCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCT	29340
Sbjct	109116	TGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCAGTCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCT	109057
Query	29341	ACGGATAGAGATAGATACAGGAAAATAGGAGATGAAATAGTGCATCCCTGACAGAAGTGG	29400

Sbjct	109056	GATAGAGATAGATACAGGAAAATAGGAGATGAAATAGTGCATCCCTGACAGAAGTGG	108997
Query	29401	TCTGAGAGAACAGAAGAGGCCCTAGACTTGCTGTTCCCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAG	29460
Sbjct	108996	TCTGAGAGAACAGAAGAGGCCCTAGACTTGCTGTTCCCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAG	108937
Query	29461	CCTTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGC	29520
Sbjct	108936	CCTTAGATGACGAATGATGTTTCTATGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGC	108877
Query	29521	CAGATTCTACTGATGTTAGCTTGGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGG	29580
Sbjct	108876	CAGATTCTACTGATGTTAGCTTGGACTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGG	108817
Query	29581	TTTGTTTCAGAACAGTTTTTATTAATACTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCCAAACTGAGGG	29640
Sbjct	108816	TTTGTTTCAGAACAGTTTTTATTAATACTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCCAAACTGAGGG	108757
Query	29641	TGAAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAG	29700
Sbjct	108756	TGAAATGATGAGACAGGCTGACTCCATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAG	108697
Query	29701	GACTAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGT	29760
Sbjct	108696	GACTAAAACTGAGGCTTCATGCAACTAGTCAGAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGT	108637
Query	29761	AAGGACAATGGCTCAGCAACAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTC	29820
Sbjct	108636	AAGGACAATGGCTCAGCAACAGTATCCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTC	108577
Query	29821	CTTAAGAGATAGAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAG	29880
Sbjct	108576	CTTAAGAGATAGAACAAGGTCAGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAG	108517
Query	29881	GCTCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGGGA	29940
Sbjct	108516	GCTCCATGCTCCAATAACATTCCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGGGA	108457
Query	29941	ATTCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATG	30000
Sbjct	108456	ATTCCCCAATGTGCTTTAAATCAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATG	108397
Query	30001	GGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTTACATGCTACT	30060
Sbjct	108396	GGAGACCCCAGCATGCAGAACTTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTTACATGCTACT	108337
Query	30061	TGAATCTGGATATCATTCTTCTTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGG	30120
Sbjct	108336	TGAATCTGGATATCATTCTTCTTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGG	108277
Query	30121	TACATGTACATACACATATGGGGAACCTACAGCTATTTTTAACCCCTGGCCTCTTGTA	30180
Sbjct	108276	TACATGTACATACACATATGGGGAACCTACAGCTATTTTTAACCCCTGGCCTCTTGTA	108217
Query	30181	TGCTCTTGACAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATTCCCTC	30240
Sbjct	108216	TGCTCTTGACAGCTGATGTAGAAAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATTCCCTC	108157
Query	30241	CTTACCCTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGATTACGG	30300
Sbjct	108156	CTTACCCTTTTGCTGGACCGTTGCTCTTCATATTTCACTGAAAAATTTGGTTGATTACGG	108097
Query	30301	ATGGGTCCCATGATTCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGAC	30360
Sbjct	108096	ATGGGTCCCATGATTCTCTGAACTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGAC	108037
Query	30361	TCCGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAATGAATAG	30420
Sbjct	108036	TCCGCCTCCTACGATGATTAAGCAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAAATGAATAG	107977
Query	30421	TGTTTACATCTATTTCCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGA	30480
Sbjct	107976	TGTTTACATCTATTTCCACATCTGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGA	107917
Query	30481	GCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCCCTGAAGGCC	30540
Sbjct	107916	GCCTCATGTAGCTGAGACTGTGCTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCCCTGAAGGCC	107857
Query	30541	AGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATG	30600
Sbjct	107856	AGCAGAAGGTACCAACCACAAATCTTTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATG	107797
Query	30601	CTATGGTATCTATGTACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGACTTACGG	30660
Sbjct	107796	CTATGGTATCTATGTACATATTTGAGGGCTAACTAGTAAATATTTGACTTGACTTACGG	107737
Query	30661	CTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGACTAAAGA	30720
Sbjct	107736	CTCCCTCCATCAGACCTATATCTGACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGTTGAGACTAAAGA	107677

Query	30721	GCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTAAAAGATCCCA	30780
Sbjct	107676	GCCCAGTGACCTAAAAGCAAATACTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTAAAAGATCCCA	107617
Query	30781	ACAAATTACTGTTAAGGGCATTTTCGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGCT	30840
Sbjct	107616	ACAAATTACTGTTAAGGGCATTTTCGCTGTACTCATACAGCTTTGTTTCAGTCATCAAAGCT	107557
Query	30841	TCCTCCTGCAGCGGATGGGaaaaaaaTACAGAATggggggggTAGAAAAGAGGGCATGGGG	30900
Sbjct	107556	TCCTCCTGCAGCGGATGGGAAAAAATACAGAATGGGGGGGTAGAAAAGAGGGCATGGGG	107497
Query	30901	AGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCTGTCA	30960
Sbjct	107496	AGGGAGAAGCTTTGGTACACTCAGCCCTAAGTGGGATTTCTTCATCAAATCCTCCTGTCA	107437
Query	30961	GGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACTGGAATGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATGGA	31020
Sbjct	107436	GGACTCAGGGAACCTCATGAAAGAGTAACTGGAATGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATGGA	107377
Query	31021	GGACAGAAAGAAAAGACAAGGCTCTCTAAATTAAGTCTGAGCAAAGCTCATATGAACTCACA	31080
Sbjct	107376	GGACAGAAAGAAAAGACAAGGCTCTCTAAATTAAGTCTGAGCAAAGCTCATATGAACTCACA	107317
Query	31081	GAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCTCTGTGTGTATA	31140
Sbjct	107316	GAGACTGAGGCTGGATGCACAGGACCTCCATAGGTCTCCACCAGGTCTCTGTGTGTATA	107257
Query	31141	TTATGGGTTTCAGTTTAGTGTGTTGTATGGTATTTGTGAGTGGGTCTCTGATTCTTGTATC	31200
Sbjct	107256	TTATGGGTTTCAGTTTAGTGTGTTGTATGGTATTTGTGAGTGGGTCTCTGATTCTTGTATC	107197
Query	31201	TActttttgtttcttttctttctgttattttttagtatgttttatcttgttataattta	31260
Sbjct	107196	TACTTTTTGTTTCTTTTCTTCTGTTATTTTTTAGTATGTTTATCTTGTATAAATTA	107137
Query	31261	ttattaAACATTAAAATCCTGTTTTTTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAGAA	31320
Sbjct	107136	TTATTAAACATTAAAATCCTGTTTTTTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAGAA	107077
Query	31321	GGGACAGAAGTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGGAGATACCATAATCAG	31380
Sbjct	107076	GGGACAGAAGTGATGGATGCAGGTATTGGGAAGTGTAGAAGGAGGAGATACCATAATCAG	107017
Query	31381	GATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTaaataaatggaaaaacaaaccacaaccaa	31440
Sbjct	107016	GATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATTTTAAATAAATGAAAAACAAACCACAACCAA	106957
Query	31441	tcaaagaagaacaaaccaaacaCCTCTCTCTTCAGTACATTAAAATCAAATGTCGCCTG	31500
Sbjct	106956	TCAAAGAAGAACAAACAAAACACCTCTCTCTTCAGTACATTAAAATCAAATGTCGCCTG	106897
Query	31501	CTTCCTGCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTGAGTGGGAGAGTTCTTT	31560
Sbjct	106896	CTTCCTGCCCTTAAACCAGGTAGCCTCGTCTCCAAGCAGGGGTGAGTGGGAGAGTTCTTT	106837
Query	31561	TCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTGACATTTGTGATGTGGTGGCTTGAGGTGG	31620
Sbjct	106836	TCTCCACCCATGGGATTCTGCAGTTTTCTTGACATTTGTGATGTGGTGGCTTGAGGTGG	106777
Query	31621	GATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAATCTAGTCCCATGTCAG	31680
Sbjct	106776	GATCGGGCAGTAAGGTAGCTGGATTGAGCCCAAGTGGTAAAGAATCTAGTCCCATGTCAG	106717
Query	31681	CTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCGAAGTATTCTTGACTTCG	31740
Sbjct	106716	CTGACTGGTGGTCCCATCCTCTGGGTCTTTCCACTCAGAGGCGAAGTATTCTTGACTTCG	106657
Query	31741	GGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGACTAGGTACCAAATTCT	31800
Sbjct	106656	GGGTGCCAAAGGCAGGCAGAAGAAAGCTTCTTTCAAGTCTGAGACTAGGTACCAAATTCT	106597
Query	31801	GGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGGTGAGGGGTAGGCACAGTAGGGCGGATGTCAGC	31860
Sbjct	106596	GGACGGTGGCTAAAAGCTCAGCAGGGGTGAGGGGTAGGCACAGTAGGGCGGATGTCAGC	106537
Query	31861	CACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCTGCATTAGTAGTAAGTATTAGTGCCTGGCTG	31920
Sbjct	106536	CACTGGATGGTTTACCGCTCCTATGTCTGCATTAGTAGTAAGTATTAGTGCCTGGCTG	106477
Query	31921	CTTAACTTGACAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTC	31980
Sbjct	106476	CTTAACTTGACAGGAGGGATATGTTTCAGGCCCCAGAATTGTATGTTCCAAGAAGCCTCTC	106417
Query	31981	CTAGGGCTATAAAATGGGTAAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAACTAG	32040
Sbjct	106416	CTAGGGCTATAAAATGGGTAAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAACTAG	106357
Query	32041	CTGACCATAAATCTTAGAGAACAATGTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGA	32100

Sbjct	106356	CTGACCATAAAATCTTAGAGAACAAATGTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCTCTAGGAACGA	106297
Query	32101	GCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCTACAAGACAATCT	32160
Sbjct	106296	GCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGATGGCTCCTCTACAAGACAATCT	106237
Query	32161	TGGGAGACAGAGAGT     TCTTGTGATTTTTCACGTACTCTACACACTTTCCAATGA	32220
Sbjct	106236	TGGGAGACAGAGAGT     TCTTGTGATTTTTCACGTACTCTACACACTTTCCAATGA	106177
Query	32221	CACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCTCCCAGCCTC	32280
Sbjct	106176	CACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCTCCCAGCCTC	106117
Query	32281	TAGGGGTCTGAACCCCACTGCCCCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACTGCACTGGTT	32340
Sbjct	106116	TAGGGGTCTGAACCCCACTGCCCCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACTGCACTGGTT	106057
Query	32341	GCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAGCAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTTATGGGGT	32400
Sbjct	106056	GCTATCCATAAACCTCATGTGATTACAGCAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTTATGGGGT	105997
Query	32401	CGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCTACTCCGGGGGTCTTTCGCTACTGACA	32460
Sbjct	105996	CGAGTTATCCCAAGACTTGAGTGAGGGTGTCTACTCCGGGGGTCTTTCGCTACTGACA	105937
Query	32461	AGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGATGTTTAAATGGGGTAG	32520
Sbjct	105936	AGTTTCTCCTCTTTCCCTACCTTCCCTCCAGTGGTTAACTAGGATGTTTAAATGGGGTAG	105877
Query	32521	ATTCAGTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGACTTCAAGTCTcaagaacacaaaatgaga	32580
Sbjct	105876	ATTCAGTCTGTCCCATGTCCAAAAATATTGTGACTTCAAGTCCAAGAACACAAAATGAGA	105817
Query	32581	taactaacaccaacaacacacagagaaagacaacacacaaaacacTTTGGCCCTGCTGTGAG	32640
Sbjct	105816	TAACTAACACCAACAAACACAGAGAAAGACAACACACAAACACTTTGGCCCTGCTGTGAG	105757
Query	32641	TGTAGAAACCAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGATCCTACCAGTATGGAGTTTAGCAAGT	32700
Sbjct	105756	TGTAGAAACCAGGTAACCTGGCGACTCCCTTGATCCTACCAGTATGGAGTTTAGCAAGT	105697
Query	32701	TTCAATAGTGCAGAGTCTCTCTGACTCCCTCCAGGGGCTGAAGTGTCTCCAGAATCCC	32760
Sbjct	105696	TTCAATAGTGCAGAGTCTCTCTGACTCCCTCCAGGGGCTGAAGTGTCTCCAGAATCCC	105637
Query	32761	CAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCACACCAGGGTAGAGGC	32820
Sbjct	105636	CAGGGTCACAGAGTTAAGCCACATCTGCCCTCTGCAATTGACCCACACCAGGGTAGAGGC	105577
Query	32821	TTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAAGTGAAAGCAAAAGACCAGAGACAAACAG	32880
Sbjct	105576	TTTCCAGCCAACACCATGCTCAGGAGTCAAAAGTGAAAGCAAAAGACCAGAGACAAACAG	105517
Query	32881	CAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTTTTGCCTCTGATAGGTCTCCAGGGATGGGG	32940
Sbjct	105516	CAGTAGGTGCCTGTTGCTGAGTTTGTCTTTTGCCTCTGATAGGTCTCCAGGGATGGGG	105457
Query	32941	GCAGGGGTGTCTACCCAAATTCAGGACGACCCTCCCACCCACAAACCCTCTTTCAGTGGT	33000
Sbjct	105456	GCAGGGGTGTCTACCCAAATTCAGGACGACCCTCCCACCCACAAACCCTCTTTCAGTGGT	105397
Query	33001	ACTTACTTTCGAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCAATGGAAAAGCAAGAG	33060
Sbjct	105396	ACTTACTTTCGAGATAACCCCGAGTGAGACACCGAGATGCAGATCAATGGAAAAGCAAGAG	105337
Query	33061	GTTTATTTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCAAGGTGAGTGACTAGA	33120
Sbjct	105336	GTTTATTTTTTCATCACTTCAGGGTCAACCTTCAATTAGTCCCTCAAGGTGAGTGACTAGA	105277
Query	33121	AAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTATGGGAACAGGTTACCT	33180
Sbjct	105276	AAGTGACTCCGAATGGCTATTACAAGCAGTTCTTATGCCTTTTATGGGAACAGGTTACCT	105217
Query	33181	CAGCAAGGTTACTGCTTATCGGCTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGCATCAGTC	33240
Sbjct	105216	CAGCAAGGTTACTGCTTATCGGCTAAGAATATTAACCTTTAAAGCCATCAAGCATCAGTC	105157
Query	33241	AGTACAGTCTGAGAATTTTCTACTCAAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGC	33300
Sbjct	105156	AGTACAGTCTGAGAATTTTCTACTCAAAAAATGTTCTGTGGGTGGAGAATAGAACTTGGC	105097
Query	33301	CTAGTCTTGCCCCGGAGACAGGGGGTGTAAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACA	33360
Sbjct	105096	CTAGTCTTGCCCCGGAGACAGGGGGTGTAAAGGCTGGCCAAAGGCCCTAGGGTTCTTCACA	105037
Query	33361	AGTAAGCATTTATTTGAAGATTAGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAA	33420
Sbjct	105036	AGTAAGCATTTATTTGAAGATTAGCTGATTAGCTGATCCAGTCGAAGAGATAGGAAACAA	104977

Query	33421	TCACAACAGCTGATCTGTTTTACTTTTCAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGCAGT	33480
Sbjct	104976	TCACAACAGCTGATCTGTTTTACTTTTCAGCAAGTGCAGACAGAGCTCAGCAGTTTGCAGT	104917
Query	33481	CCTCTGGTGATCCCTGGATGGAGTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAG	33540
Sbjct	104916	CCTCTGGTGATCCCTGGATGGAGTTTGCCAGCCACTTGAGAATCTGCTGAGATATCATAG	104857
Query	33541	ACTCCCAGGGGCACAAGGTATAATTTCTTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGA	33600
Sbjct	104856	ACTCCCAGGGGCACAAGGTATAATTTCTTAGTAATTGGAGAAGGTAAGGAATCTCCTGGA	104797
Query	33601	GAAAGAGGGGGAATCTCATTTTGAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGATGTACTTAT	33660
Sbjct	104796	GAAAGAGGGGGAATCTCATTTTGAGGGACAGACATGTGCAGAAAGTTTGATGTACTTAT	104737
Query	33661	CTAGAGTCATTTGACATGTGGCGGGTAGATCAAGGTCTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGA	33720
Sbjct	104736	CTAGAGTCATTTGACATGTGGCGGGTAGATCAAGGTCTTGAGATTTCTTTGACTCCCTGA	104677
Query	33721	AGTTTATATGAAATTTAGCTCACAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTTAAATTCAT	33780
Sbjct	104676	AGTTTATATGAAATTTAGCTCACAGATGGAGATATATAAGCATACCATATTTAAATTCAT	104617
Query	33781	ATTTTAAAAAAGCAGTTAACATGTGTCTGTATGATAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGA	33840
Sbjct	104616	ATTTTAAAAAAGCAGTTAACATGTGTCTGTATGATAGCAAGAGCAGACTCATGCCTTTGA	104557
Query	33841	GTCTTAGCAAAAACGATAGCTTTAGATTTAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTTTTG	33900
Sbjct	104556	GTCTTAGCAAAAACGATAGCTTTAGATTTAAAGATATGTTTGGTTTGGTTTGGTGTTTTG	104497
Query	33901	TCCAGAGAGCTAGGTACAAAGGTTGGACAGAAATGTTTTCAGCCTAATGAAAACCATTTGT	33960
Sbjct	104496	TCCAGAGAGCTAGGTACAAAGGTTGGACAGAAATGTTTTCAGCCTAATGAAAACCATTTGT	104437
Query	33961	AAGTCAGGAGACAACCTAAAGAAAACCTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAG	34020
Sbjct	104436	AAGTCAGGAGACAACCTAAAGAAAACCTCAGAATTCTGAGCTTGTGACTGAGTAGTGGGCAG	104377
Query	34021	TCTTTGTTCTttttttttttttttttttttttttttttttCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGG	34080
Sbjct	104376	TCTTTGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGG	104317
Query	34081	GCCTTGTGCTTCTTAGGTAAGCGCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCAGCCAGTAGTGGG	34140
Sbjct	104316	GCCTTGTGCTTCTTAGGTAAGCGCTCTTCCACTGAGCTAAATCCCAGCCAGTAGTGGG	104257
Query	34141	CAGTCTTACTCCAGCAAATCTTGCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGG	34200
Sbjct	104256	CAGTCTTACTCCAGCAAATCTTGCATCTTCAAGATCCCAGGGCAATAACAGCATAGGAGG	104197
Query	34201	GTCAAGAAATCTGAAATATTacacacacacacacacacacacacacacacacacacacac	34260
Sbjct	104196	GTCAAGAAATCTGAAATATTACACACACACACACACACACACACACACACACAAACACACAC	104137
Query	34261	acacacacacacacacacacCTTTAATAGTTTTTGAGACCCTCAGACTCAGAACTTATCTTC	34320
Sbjct	104136	ACACACACACACACACACCTTTAATAGTTTTTGAGACCCTCAGACTCAGAACTTATCTTC	104077
Query	34321	AAACCTCTACATATCTTAGAACAttttttttATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGA	34380
Sbjct	104076	AAACCTCTACATATCTTAGAACATTTTTTTATCTAATCATTTATCAGAGACATGAATAGA	104017
Query	34381	GATTACTGATACTTTATTTCTCTGCTGGTGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTAT	34440
Sbjct	104016	GATTACTGATACTTTATTTCTCTGCTGGTGAAATGAGCCAGTTCAAGCCAATTAGATTAT	103957
Query	34441	ATTAAAAGGAATAATTCTGGAAAGCTGCTTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGA	34500
Sbjct	103956	ATTAAAAGGAATAATTCTGGAAAGCTGCTTTGGGTTGAATTCATTGAGCTCAAGGTCTGA	103897
Query	34501	GGTCAGGGGAGTTGCCATGCTGAGTCAGgagagagaagagaaaaagagaaaggggtgtgtg	34560
Sbjct	103896	GGTCAGGGGAGTTGCCATGCTGAGTCAGGAGAGAGAAGAGAAAAAGAGAAAGGGTGTGTG	103837
Query	34561	gagagaaaaagagaaagaaagaggaagaaagaaagtaaaaggagaaacaagaggagcaggagg	34620
Sbjct	103836	GAGAGAAAAGAGAAAGAAAGAGGAAGAAGAAAGTAAAGGAGAAACAAGAGGAGCAGGAGG	103777
Query	34621	agaagagagaggggagagagagagacagagacagagagacacagagacagagagagacaga	34680
Sbjct	103776	AGAAGAGAGAGGGAGAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGACACAGAGACAGAGAGAGACAGA	103717
Query	34681	gacagagagagacagagagagagaaacagagagagagacagagacagagagacagacagaga	34740
Sbjct	103716	GACAGAGAGAGACAGAGAGAGAAACAGAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGACAGACAGAGA	103657
Query	34741	gacagagacagagagagacagagaTTCGTCCATAGTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCA	34800

Sbjct	103656	GAGACAGAGAGAGACAGAGATTTCGTCCATAGTTCATAACCCAGACCAGTCATCCCA	103597
Query	34801	GGCTCCTGTGGTCTCCATGGCATATCTCAGTTAAGCGATCCTtgtgtgtgtgtgtgtgtg	34860
Sbjct	103596	GGCTCCTGTGGTCTCCATGGCATATCTCAGTTAAGCGATCCTTGTGTGTGTGTGTGTGTG	103537
Query	34861	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtTTGCAATCTGAACATATTCAACAATTT	34920
Sbjct	103536	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGCAATCTGAACATATTCAACAATTT	103477
Query	34921	GGTCATTGATAAGGTGACTATGAACATGCATTTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTA	34980
Sbjct	103476	GGTCATTGATAAGGTGACTATGAACATGCATTTTTTAAATTGTCGCTAAACGTCTACAGTA	103417
Query	34981	ACTTAATAGCTTTTGTAAAGACTAGGACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTAA	35040
Sbjct	103416	ACTTAATAGCTTTTGTAAAGACTAGGACTTTACGTTAAACCTCTCTTGGGTTTAGATTTAA	103357
Query	35041	CATAACTATTTTAAATTGAAGCTATAAGTTTTTAACTTATAAACATAAATTCATAAAGAAT	35100
Sbjct	103356	CATAACTATTTTAAATTGAAGCTATAAGTTTTTAACTTATAAACATAAATTCATAAAGAAT	103297
Query	35101	CTGGGGAATTTTTTAATCTTTATGTAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTAGT	35160
Sbjct	103296	CTGGGGAATTTTTTAATCTTTATGTAGTGTAGAACATAACAGTTTCCTGCATGGGTAGT	103237
Query	35161	GTATAAAACATAGCTATATCGTAGTAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTA	35220
Sbjct	103236	GTATAAAACATAGCTATATCGTAGTAATGCCAGCAGAGCAAGGCTAGACTTATATTGTTA	103177
Query	35221	AATCAATCTCTGTTAGCGTGAATAGACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCCTTT	35280
Sbjct	103176	AATCAATCTCTGTTAGCGTGAATAGACCTGAGGTCACGAGAGACATATTTTAAACCCTTT	103117
Query	35281	TAATGATTTTTAATCAACCCTAAACCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAAatattttagct	35340
Sbjct	103116	TAATGATTTTTAATCAACCCTAAACCCTTCCCCAGCAGGTCATTGGTAAATATTTTAGCT	103057
Query	35341	tcttcttttattgttttttcagtttttaaaattagttattttctttatttaCACCCAAATGT	35400
Sbjct	103056	TCTTCTTTTATTGTTTTTCAGTTTTTAAATTAGTTATTTTCTTTATTTACACCCAAATGT	102997
Query	35401	TGCCTCCTCCCAGTCTCCCGTCCCAGAGCTCTTCACCCCATTCCCCATCCTTTCACCTCT	35460
Sbjct	102996	TGCCTCCTCCCAGTCTCCCGTCCCAGAGCTCTTCACCCCATTCCCCATCCTTTCACCTCT	102937
Query	35461	GAGATGGTGCGCCCATCCCTGGGCATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGAT	35520
Sbjct	102936	GAGATGGTGCGCCCATCCCTGGGCATCCCCCTTCCCTGGGGCATCGAGTCTTGACAGGAT	102877
Query	35521	TAGCTGAGTCCTCTGCCACTGGGGACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCAC	35580
Sbjct	102876	TAGCTGAGTCCTCTGCCACTGGGGACAGACAAGGCAGTTGGTCCACTTGAACCAGCCCAC	102817
Query	35581	GTACGCTCTTTGGTTGGTGACTGAGTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGT	35640
Sbjct	102816	GTACGCTCTTTGGTTGGTGACTGAGTCTTTGGGAGCTACCAGGGGTCCAGGTTAGTTGGT	102757
Query	35641	ACTGTTGTTCTTCTCTGAGGTTGCCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACT	35700
Sbjct	102756	ACTGTTGTTCTTCTCTGAGGTTGCCCTTCCCTTCACTTCTTTTAATTCTTCTCCTAACT	102697
Query	35701	TTCCCACACTGCACCACCGACCTCAGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCT	35760
Sbjct	102696	TTCCCACACTGCACCACCGACCTCAGTCGAGTGGTTGGCTTTAAGGATCTGCATCTGTCT	102637
Query	35761	CAGTCAGCTGCTGGCAGAGCCTCTCAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCA	35820
Sbjct	102636	CAGTCAGCTGCTGGCAGAGCCTCTCAGAAGACAGCCTTGCTAGGCTCCTGTCTGAGAGCA	102577
Query	35821	CAGCAGAGCATCAGTAACAGTGTGAGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCAC	35880
Sbjct	102576	CAGCAGAGCATCAGTAACAGTGTGAGTAAGAGTTGGTGCCTGCTCATGGGATGGATCCAC	102517
Query	35881	ATTGGACCAGTCATGGGATCGCCTTTCCCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTT	35940
Sbjct	102516	ATTGGACCAGTCATGGGATCGCCTTTCCCTTCACTGTGTGTTCCATTGTGTCTCTGCATTT	102457
Query	35941	CTTTTACACAGGAACAATTGTGGGTCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCT	36000
Sbjct	102456	CTTTTACACAGGAACAATTGTGGGTCAAAAATCTGCAGGTGGATTGGTGTCCCCATCCCT	102397
Query	36001	CCACTGGTGACCCTGTCTGACTACTAGAGGTGAGCACTTCCAGTCCCATCTCCTCACTGG	36060
Sbjct	102396	CCACTGGTGACCCTGTCTGACTACTAGAGGTGAGCACTTCCAGTCCCATCTCCTCACTGG	102337
Query	36061	TGGGCATTTGGGCCAAGGTCTCTCACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCA	36120
Sbjct	102336	TGGGCATTTGGGCCAAGGTCTCTCACATCTCAGATCTCTAGGACTTTCTAGGGGTTACCA	102277

Query	36121	CCTTCCATGATGGCATAACCCCCCTCTCCCCGAGTGCCTCAACTCCCATCACCCACCCCTG	36180
Sbjct	102276	CCTTCCATGATGGCATAACCCCCCTCTCCCCGAGTGCCTCAACTCCCATCACCCACCCCTG	102217
Query	36181	AGAACAGCATGTTTCTATTCAATTCTCCTGGCCCTCTGGGctttctctctctctgtctttcccc	36240
Sbjct	102216	AGAACAGCATGTTTCTATTCAATTCTCCTGGCCCTCTGGGCTTCTCTCTCCTGTCTTCCCC	102157
Query	36241	ccaatgtctgatcctgttctcccttttcccttctccctccctctgccactcaggtcacct	36300
Sbjct	102156	CCAATGTCTGATCCTGTTCTCCCTTTTCCCTTCTCCCTCCCCCTCTGCCACTCAGGTCCCT	102097
Query	36301	ccctccctctgcctcccATGATTATTTTGTTCGCCCTTGTAAGTGAGATTGAAGCACCCCT	36360
Sbjct	102096	CCCTCCCTCTGCCTCCCATGATTATTTTGTTCGCCCTTGTAAGTGAGATTGAAGCACCCCT	102037
Query	36361	CACTTGGGAGTTCCTTCTTGTTTAACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTG	36420
Sbjct	102036	CACTTGGGAGTTCCTTCTTGTTTAACTCTTCAGACTGTGGGATGTATCATGAGTCTTCTG	101977
Query	36421	TACATTTTGGCTGATATCCATTTTTCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCT	36480
Sbjct	101976	TACATTTTGGCTGATATCCATTTTTCAGTCAAGGGACAATCTGATTTGCTTCCAGTTTCT	101917
Query	36481	GGGTATTATGAATAAGGCTGCTGTGAACATAATGGAGCATGTGTCCTTGTGGTATTGTGG	36540
Sbjct	101916	GGGTATTATGAATAAGGCTGCTGTGAACATAATGGAGCATGTGTCCTTGTGGTATTGTGG	101857
Query	36541	AGCATCTTTTGGGCATATGCCCAGGAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTT	36600
Sbjct	101856	AGCATCTTTTGGGCATATGCCCAGGAGTTGTATAGCTGAATCTTCAGGTAGAACAATTTT	101797
Query	36601	CAGTTTCTGGGGGAACCTGCCAGACTGATTTCCAGAGTGGTTGAACAAGTTTGCAATCCT	36660
Sbjct	101796	CAGTTTCTGGGGGAACCTGCCAGACTGATTTCCAGAGTGGTTGAACAAGTTTGCAATCCT	101737
Query	36661	GTTTTCAATGGACGAGTGGGGTTCtttttggttggttggttggttggtttttacattttca	36720
Sbjct	101736	GTTTTCAATGGACGAGTGGGGTTCCTTTTGGTTGTTTGTGTTGCTTTTACATTTTCA	101677
Query	36721	aattctgatctattttatgttaatttttaAAATGTTCTTATTAGATATATTCTTTACTT	36780
Sbjct	101676	AATTCTGATCTATTTTATGTTAATTTTTAAATGTTCTTATTAGATATATTCTTTACTT	101617
Query	36781	TCATTTTAAACATTAATCCCCCTTCCCTGTTTCCTGTCCACAAGACccccccataagggtta	36840
Sbjct	101616	TCATTTTAAACATTAATCCCCCTTCCCTGTTTCCTGTCCACAAGACCCCCCATAAGGGTA	101557
Query	36841	ttccccctataaaactcccccttatacaccccccccatatccccTGCACTTGGGTTCCAACCT	36900
Sbjct	101556	TTCCCCCTATAAACTCCCCCTTATACACCCCCCATATCCCTGCACTTGGGTTCCAACCT	101497
Query	36901	TGGCAGGACCAAGGCTTCAGATTCCACCCTTGCCCCAAGAAGTCTATTCTCTGCTACATA	36960
Sbjct	101496	TGGCAGGACCAAGGCTTCAGATTCCACCCTTGCCCCAAGAAGTCTATTCTCTGCTACATA	101437
Query	36961	TGCTGTTGGAGCTATGGGTCAGTTCATGTATAGGTTTTCAGTAGTAGTTTAGTCCCTGGA	37020
Sbjct	101436	TGCTGTTGGAGCTATGGGTCAGTTCATGTATAGGTTTTCAGTAGTAGTTTAGTCCCTGGA	101377
Query	37021	CACTCAGGTTTGCATTGTTGTTCTTAGTGGGATGCGAGCCCCCTGGGCTCTTTCAATCCT	37080
Sbjct	101376	CACTCAGGTTTGCATTGTTGTTCTTAGTGGGATGCGAGCCCCCTGGGCTCTTTCAATCCT	101317
Query	37081	TCCTTTAATTCCCCCAATGGGTCCTGTTCTCAGTTCAATGATTGCTGCTAGCAATGACC	37140
Sbjct	101316	TCCTTTAATTCCCCCAATGGGTCCTGTTCTCAGTTCAATGATTGCTGCTAGCAATGACC	101257
Query	37141	TCTGTATTGGACATGCTTTGGATGTGTCGCTCAGGAGAGATCTATATCCGGTCCCTTTCA	37200
Sbjct	101256	TCTGTATTGGACATGCTTTGGATGTGTCGCTCAGGAGAGATCTATATCCGGTCCCTTTCA	101197
Query	37201	GCATGCACTCTTTAGCTTCATTATTCCTAACCTAGTTTGGTGGCTGTATATATATATGGGC	37260
Sbjct	101196	GCATGCACTCTTTAGCTTCATTATTCCTAACCTAGTTTGGTGGCTGTATATATATATGGGC	101137
Query	37261	CAGATGTGGGTGAGTTCTGAATAACCATTCCTTGAGTCACTGCTCTAAATGTGGCTTCC	37320
Sbjct	101136	CAGATGTGGGTGAGTTCTGAATAACCATTCCTTGAGTCACTGCTCTAAATGTGGCTTCC	101077
Query	37321	ATATCCCCTCCTATGGATATTTTTTCCACTTTTAAAAAGGAGTGGGAGCATCCGCATTTT	37380
Sbjct	101076	ATATCCCCTCCTATGGATATTTTTTCCACTTTTAAAAAGGAGTGGGAGCATCCGCATTTT	101017
Query	37381	GGTGTTCCTTCTTGAGCTTCTGTGGCCTGTGGATTTTATCTTGGGTAATTGAGCTTTT	37440
Sbjct	101016	GGTGTTCCTTCTTGAGCTTCTGTGGCCTGTGGATTTTATCTTGGGTAATTGAGCTTTT	100957
Query	37441	AGACTAATATTCAGTCAATGAGTGCACACCATGTGTGTTTTCTGTGATTGGGTCAC	37500

Sbjct	100956	TAATATTCACTGATCAATGAGTGCACACCATGTGTGTTTTCTGTGATTGGGTCAC	100897
Query	37501	CTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGCCGTT	37560
Sbjct	100896	CTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGCCGTT	100837
Query	37561	GTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCT	37620
Sbjct	100836	GTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCT	100777
Query	37621	CTCTGTTGAAGAGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATGAATACTATGCTATG	37680
Sbjct	100776	CTCTGTTGAAGAGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATGAATACTATGCTATG	100717
Query	37681	ACTGCTATGAACATAGTGGAGTATGTGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTAT	37740
Sbjct	100716	ACTGCTATGAACATAGTGGAGTATGTGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTAT	100657
Query	37741	ATGCCCAAGAGAGGTATAGGTGGGTCTCAGGTAGTTCAATGCCTAATTTTCTGAGGAAA	37800
Sbjct	100656	ATGCCCAAGAGAGGTATAGGTGGGTCTCAGGTAGTTCAATGCCTAATTTTCTGAGGAAA	100597
Query	37801	CTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTTTGCAATCCCAACAACAATGGAGGAGT	37860
Sbjct	100596	CTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTTTGCAATCCCAACAACAATGGAGGAGT	100537
Query	37861	GTTCTCTTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATTTTAGCC	37920
Sbjct	100536	GTTCTCTTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATTTTAGCC	100477
Query	37921	ATTCTGACTGGTATGAAGTAGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATGTCCCTTATGACT	37980
Sbjct	100476	ATTCTGACTGGTATGAAGTAGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATGTCCCTTATGACT	100417
Query	37981	AAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTGAGCAGTGAATTCCTTGTTTA	38040
Sbjct	100416	AAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTGAGCAGTGAATTCCTTGTTTA	100357
Query	38041	GCTCTGAACCCATTTATTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTT	38100
Sbjct	100356	GCTCTGAACCCATTTATTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTT	100297
Query	38101	CTTTGTATATTTTGGATATTAGCTCTCTCTCAGTTGTAGGATTGGTAAAGATGTTTTCCA	38160
Sbjct	100296	CTTTGTATATTTTGGATATTAGCTCTCTCTCAGTTGTAGGATTGGTAAAGATGTTTTCCA	100237
Query	38161	ATCTGTTGATTGCCGTTTTGTCTTGACAATAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTCCAG	38220
Sbjct	100236	ATCTGTTGATTGCCGTTTTGTCTTGACAATAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTCCAG	100177
Query	38221	TTTTATGAGATCCCATTTTGTGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCGTTGGCGTTTTGTT	38280
Sbjct	100176	TTTTATGAGATCCCATTTTGTGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCGTTGGCGTTTTGTT	100117
Query	38281	CAGGAAAATTTCCCATTAACCATGTGTTTGAGACTTTCCCCCACTTTTTCTTCTATTAG	38340
Sbjct	100116	CAGGAAAATTTCCCATTAACCATGTGTTTGAGACTTTCCCCCACTTTTTCTTCTATTAG	100057
Query	38341	TTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAAGTCCTTGATCCACTTGACTTAAGCTTTGTACA	38400
Sbjct	100056	TTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAAGTCCTTGATCCACTTGACTTAAGCTTTGTACA	99997
Query	38401	GGGTGATAAGAATGCATGCCATTGAACCAGCACCATTGCTGAAAGTGCTATCTTTTTTG	38460
Sbjct	99996	GGGTGATAAGAATGCATGCCATTGAACCAGCACCATTGCTGAAAGTGCTATCTTTTTTG	99937
Query	38461	ATTTGATGGTTTAGCTACTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTC	38520
Sbjct	99936	ATTTGATGGTTTAGCTACTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTC	99877
Query	38521	TGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGT	38580
Sbjct	99876	TGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGT	99817
Query	38581	TTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTGAGGATAGTGATTCCCCCTGAAGT	38640
Sbjct	99816	TTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTGAGGATAGTGATTCCCCCTGAAGT	99757
Query	38641	CCTTTTATTGTTGAGGATACTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTG	38700
Sbjct	99756	CCTTTTATTGTTGAGGATACTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTG	99697
Query	38701	CAAATGTTTTGTCTAACTCTTTGAAGAATGGGATCGGTATTTTGATGGGGATTGCATTG	38760
Sbjct	99696	CAAATGTTTTGTCTAACTCTTTGAAGAATGGGATCGGTATTTTGATGGGGATTGCATTG	99637
Query	38761	AATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAATGGCCATTTTTACTATATTAATCTTGCCAATCCAT	38820
Sbjct	99636	AATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAATGGCCATTTTTACTATATTAATCTTGCCAATCCAT	99577



Query	38821	GAGCATGGAATATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTG	38880
Sbjct	99576	GAGCATGGAATATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTG	99517
Query	38881	AAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTAGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATA	38940
Sbjct	99516	AAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTAGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATA	99457
Query	38941	TTATTTGGGACTATTATGAAGGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCT	39000
Sbjct	99456	TTATTTGGGACTATTATGAAGGGTGTCAATTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCT	99397
Query	39001	TTTGTGTAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCGAGTCACGTTACTG	39060
Sbjct	99396	TTTGTGTAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCGAGTCACGTTACTG	99337
Query	39061	AAGGTGTTTATCAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATATACA	39120
Sbjct	99336	AAGGTGTTTATCAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATATACA	99277
Query	39121	ATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTGACTTCTTCTGTCCAAGCTGTATCCCCTTT	39180
Sbjct	99276	ATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTGACTTCTTCTGTCCAAGCTGTATCCCCTTT	99217
Query	39181	TTTGTCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTTCAAGAACTATATTGAATAAA	39240
Sbjct	99216	TTTGTCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTTCAAGAACTATATTGAATAAA	99157
Query	39241	TAGGGAGAGAATGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATCGCTTCAAGTTTC	39300
Sbjct	99156	TAGGGAGAGAATGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATCGCTTCAAGTTTC	99097
Query	39301	TCTCCATTTAGTTTATTATTACCTACTTGTTGGCCATACATGGCTTTTACTATGTTTCAGA	39360
Sbjct	99096	TCTCCATTTAGTTTATTATTACCTACTTGTTGGCCATACATGGCTTTTACTATGTTTCAGA	99037
Query	39361	TATTGACCTTGAATTCCTGTTCTTTCCAGGATTTTTATCATGAAGGAGTGTGAATTTCT	39420
Sbjct	99036	TATTGACCTTGAATTCCTGTTCTTTCCAGGATTTTTATCATGAAGGAGTGTGAATTTCT	98977
Query	39421	TCAAATGCTTTCTCAGCATCTAGTGGGATGATCATGTGGTTTTTATCTTTCAGTTTGTTT	39480
Sbjct	98976	TCAAATGCTTTCTCAGCATCTAGTGGGATGATCATGTGGTTTTTATCTTTCAGTTTGTTT	98917
Query	39481	ATATAATGGATTATGTTGATTGTATTCTATATATTAAACCATCCTTGCATCATTGGAATG	39540
Sbjct	98916	ATATAATGGATTATGTTGATTGTATTCTATATATTAAACCATCCTTGCATCATTGGAATG	98857
Query	39541	AAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCAAGTTTGCAAAA	39600
Sbjct	98856	AAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCAAGTTTGCAAAA	98797
Query	39601	ATTTATTGAGGATTTTTGCATCAATATTCATAAGTGAAATTGGTCTGATGTTCTCTTTCT	39660
Sbjct	98796	ATTTATTGAGGATTTTTGCATCAATATTCATAAGTGAAATTGGTCTGATGTTCTCTTTCT	98737
Query	39661	TTATTAGTTCTTTGTGTGTTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATACG	39720
Sbjct	98736	TTATTAGTTCTTTGTGTGTTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATACG	98677
Query	39721	GTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCCT	39780
Sbjct	98676	GTAGTGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCCT	98617
Query	39781	CTATGAATGTGTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGCTGGACCTGGGCTCTTTTGTGTTG	39840
Sbjct	98616	CTATGAATGTGTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGCTGGACCTGGGCTCTTTTGTGTTG	98557
Query	39841	AGAGACtttttttttttttttttttttggttcttttttttCAGAGCCGGGGACCGAACCCAGGG	39900
Sbjct	98556	AGAGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTCTTTTTTTTCAGAGCCGGGGACCGAACCCAGGG	98497
Query	39901	CCTTGCCTTCCTAGATAAGCGCGTTTGGAGAGACTTTTAATGACTGCTTCTATTTCTTTA	39960
Sbjct	98496	CCTTGCCTTCCTAGATAAGCGCGTTTGGAGAGACTTTTAATGACTGCTTCTATTTCTTTA	98437
Query	39961	GGAGTTATGGGCTTGTTTTAAATGGTTTTATCTGGGGTTGGGGATTAGCTCAGTGGTAGAG	40020
Sbjct	98436	GGAGTTATGGGCTTGTTTTAAATGGTTTTATCTGGGGTTGGGGATTAGCTCAGTGGTAGAG	98377
Query	40021	CGCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCCGTCCCCAGCTCCGaaaaaaaaagaaaag	40080
Sbjct	98376	CGCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCCGTCCCCAGCTCCGAAAAAAAAAGAAAAG	98317
Query	40081	aaaaaaaaaaaaaaaaTAAATGGTTTATCTGTTCTGACTTAACTTCAGTACCTGGTATCT	40140
Sbjct	98316	AAAAAAAAAAAAAAAAATAAATGGTTTATCTGTTCTGACTTAACTTCAGTACCTGGTATCT	98257
Query	40141	GTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGCAGATTTTCAAGTTTAGTTGAATATAGGCTTTTGTA	40200

Sbjct	98256	TAGGAAATTGTCCATTTCTGCAGATTTTCAAGTTTAGTTGAATATAGGCTTTTGTA	98197
Query	40201	GTAGTATCTGATGGTTTTTTGAATTTTCTCTGAATCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATT	40260
Sbjct	98196	GTAGTATCTGATGGTTTTTTGAATTTTCTCTGAATCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATT	98137
Query	40261	TCTGATTTTGTTAATTTGTACACACTCTCTGTGTCTCTCGTTAGTCTGGCTAAAGCTTT	40320
Sbjct	98136	TCTGATTTTGTTAATTTGTACACACTCTCTGTGTCTCTCGTTAGTCTGGCTAAAGCTTT	98077
Query	40321	ATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTCTATAGT	40380
Sbjct	98076	ATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTCTATAGT	98017
Query	40381	CCTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCATTCTACT	40440
Sbjct	98016	CCTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTCAAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCATTCTACT	97957
Query	40441	CCTCTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTGTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTCTCAAGCTGCT	40500
Sbjct	97956	CCTCTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTGTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTCTCAAGCTGCT	97897
Query	40501	GACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAG	40560
Sbjct	97896	GACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAG	97837
Query	40561	CACAGCTTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGGTATGTTGTGCTTTCATTTTCATTAAATTC	40620
Sbjct	97836	CACAGCTTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGGTATGTTGTGCTTTCATTTTCATTAAATTC	97777
Query	40621	TAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCCTTATTTCTTCCCTTGACCAGGTATCATTGAGTAGAGC	40680
Sbjct	97776	TAAGAAGTCTTTAATTTCTTTCCTTATTTCTTCCCTTGACCAGGTATCATTGAGTAGAGC	97717
Query	40681	ATTGTTCAACTTCCATGTATATGTGGGCGTTCTTTCCTTATTATTTTGAAGACCAGCTT	40740
Sbjct	97716	ATTGTTCAACTTCCATGTATATGTGGGCGTTCTTTCCTTATTATTTTGAAGACCAGCTT	97657
Query	40741	TACCCAGTGGTGATCTGATAGGATGCATGGGATTATTTCTATCTTCTGTATCTATTGAG	40800
Sbjct	97656	TACCCAGTGGTGATCTGATAGGATGCATGGGATTATTTCTATCTTCTGTATCTATTGAG	97597
Query	40801	GCCTGTTTTATGACCGATTATGTGGTCAGTTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGGTGAGAA	40860
Sbjct	97596	GCCTGTTTTATGACCGATTATGTGGTCAGTTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGGTGAGAA	97537
Query	40861	CAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATTTGTTAAATCCATTTG	40920
Sbjct	97536	CAAGGTATATCCTTTTGTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATTTGTTAAATCCATTTG	97477
Query	40921	GTTTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTATGTCTCAGCTTGATTTCTGTTTCCATGATCTGTC	40980
Sbjct	97476	GTTTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTATGTCTCAGCTTGATTTCTGTTTCCATGATCTGTC	97417
Query	40981	GACACATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCTACTATCATTGTGTGATGTGCCATAT	41040
Sbjct	97416	GACACATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCTACTATCATTGTGTGATGTGCCATAT	97357
Query	41041	GTGATTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTATGTATGTAGGTGCCCTTGTATTTGGGGCAT	41100
Sbjct	97356	GTGATTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTATGTATGTAGGTGCCCTTGTATTTGGGGCAT	97297
Query	41101	AGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTC	41160
Sbjct	97296	AGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTC	97237
Query	41161	CTTATCTTTTTTGATGAATTTTAGTTGAAAATCGATTTTATTCGATATTAGAATGTCTAC	41220
Sbjct	97236	CTTATCTTTTTTGATGAATTTTAGTTGAAAATCGATTTTATTCGATATTAGAATGTCTAC	97177
Query	41221	TCCAGCTTGCTTCTTCAGACCAATGCCTTGAAAGCTGTTTTTATACTGTCACCTCAGAGGT	41280
Sbjct	97176	TCCAGCTTGCTTCTTCAGACCAATGCCTTGAAAGCTGTTTTTATACTGTCACCTCAGAGGT	97117
Query	41281	ACTGTCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCAT	41340
Sbjct	97116	ACTGTCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCAT	97057
Query	41341	TGCATATCCAATTTGTTATCTGTGTCTTTTTATGAGGGAGTTGAGGCCATTGATACTGAG	41400
Sbjct	97056	TGCATATCCAATTTGTTATCTGTGTCTTTTTATGAGGGAGTTGAGGCCATTGATACTGAG	96997
Query	41401	AGATATTAAGGAATAGTGATTGTTGCTTCTGTTATATTTATGTTTGGAAGTGAGATTAT	41460
Sbjct	96996	AGATATTAAGGAATAGTGATTGTTGCTTCTGTTATATTTATGTTTGGAAGTGAGATTAT	96937
Query	41461	GTTTGTGTGCTTGTCTTCTTTGTTTTGTTTGCAAAATGATTAGTTTCTTGCTTTTTCTA	41520
Sbjct	96936	GTTTGTGTGCTTGTCTTCTTTGTTTTGTTTGCAAAATGATTAGTTTCTTGCTTTTTCTA	96877

Query	41521	GCGTGTAGCTTGTGTCCTTGTGTTGGGCTTTAACATTTATTATGCCTTTCAGGACTTTAT	41580
Sbjct	96876	GCGTGTAGCTTGTGTCCTTGTGTTGGGCTTTAACATTTATTATGCCTTTCAGGACTTTAT	96817
Query	41581	TTGTAGAAAAATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCTTCTA	41640
Sbjct	96816	TTGTAGAAAAATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCTTCTA	96757
Query	41641	TGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGG	41700
Sbjct	96756	TGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGG	96697
Query	41701	TCTGTATGACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCCCTGATGAGAAGTCTGGTG	41760
Sbjct	96696	TCTGTATGACATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCCCTGATGAGAAGTCTGGTG	96637
Query	41761	TAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACCTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATA	41820
Sbjct	96636	TAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACCTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATA	96577
Query	41821	TTCTTTCTTTGTCTTGTGTATTTGGTGTATTGACTATTATGTGATGGGAGGAGTTTCTTT	41880
Sbjct	96576	TTCTTTCTTTGTCTTGTGTATTTGGTGTATTGACTATTATGTGATGGGAGGAGTTTCTTT	96517
Query	41881	TCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGCCTATTGGTATCTCttttt	41940
Sbjct	96516	TCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGCCTATTGGTATCTCTTTTT	96457
Query	41941	ttAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTG	42000
Sbjct	96456	TTAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTG	96397
Query	42001	GGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTG	42060
Sbjct	96396	GGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTG	96337
Query	42061	GATTTCTGTATGTTTTGGGCCAGTATCTTTTTCTGTTTTCCATTATCTTTGACAGTTGA	42120
Sbjct	96336	GATTTCTGTATGTTTTGGGCCAGTATCTTTTTCTGTTTTCCATTATCTTTGACAGTTGA	96277
Query	42121	GTCGATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTCTCTCTTCTATCTCTTGTATTCT	42180
Sbjct	96276	GTCGATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTCTCTCTTCTATCTCTTGTATTCT	96217
Query	42181	GTTGGTGATGCTTGTATCTACTGCTCCTGATCTCTTCCTTTGGTTTTGTATATCCAGGT	42240
Sbjct	96216	GTTGGTGATGCTTGTATCTACTGCTCCTGATCTCTTCCTTTGGTTTTGTATATCCAGGT	96157
Query	42241	TGTCTCCCTTTGTGCTTTCTTTATTGCTTTTATTTCCATTTTAAATTCCTTCACCTGTTT	42300
Sbjct	96156	TGTCTCCCTTTGTGCTTTCTTTATTGCTTTTATTTCCATTTTAAATTCCTTCACCTGTTT	96097
Query	42301	GATTGTGTTGTCTGTAATCTTTTCAGGAGATTTTGTATTCTTCTCTATTGGCTTCTGC	42360
Sbjct	96096	GATTGTGTTGTCTGTAATCTTTTCAGGAGATTTTGTATTCTTCTCTATTGGCTTCTGC	96037
Query	42361	TTTTTTATTTGTGTTTTCTGCATTTCTCTGAGGGAGTTCTTTATGTCTTTCTTGAAGTC	42420
Sbjct	96036	TTTTTTATTTGTGTTTTCTGCATTTCTCTGAGGGAGTTCTTTATGTCTTTCTTGAAGTC	95977
Query	42421	CTCCATCATCATGATCAAATGTGATTGTAAATCTAAATCTTGCTTTTCTGTTGTGTTGG	42480
Sbjct	95976	CTCCATCATCATGATCAAATGTGATTGTAAATCTAAATCTTGCTTTTCTGTTGTGTTGG	95917
Query	42481	ATATTCAGTGCTTTGGTGGAAGAATTGGGCTCTGATGATGCCATGCAGTCTTGGTTTCTG	42540
Sbjct	95916	ATATTCAGTGCTTTGGTGGAAGAATTGGGCTCTGATGATGCCATGCAGTCTTGGTTTCTG	95857
Query	42541	TTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCT	42600
Sbjct	95856	TTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCT	95797
Query	42601	GCTATTTCCAACCGTGGTTAGACTGTCTATAGGCCTGTGTGTCAGGAGCGCTGTAGACT	42660
Sbjct	95796	GCTATTTCCAACCGTGGTTAGACTGTCTATAGGCCTGTGTGTCAGGAGCGCTGTAGACT	95737
Query	42661	TATTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATATGGGAACAGAGTGTTCTGCTTTCAGGCTTGTA	42720
Sbjct	95736	TATTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATATGGGAACAGAGTGTTCTGCTTTCAGGCTTGTA	95677
Query	42721	GTTGTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGGTGTTCTGTGGAAGTGTGTCCTGAGTCTACCAGG	42780
Sbjct	95676	GTTGTTTCTGTCTACTGGTCTTCAGGTGTTCTGTGGAAGTGTGTCCTGAGTCTACCAGG	95617
Query	42781	CAGGTCACCTGGAGCAGAAAAAGTTGGTCTTACCTCTGGTCTGGGGCCTGAAGTCGCTCCT	42840
Sbjct	95616	CAGGTCACCTGGAGCAGAAAAAGTTGGTCTTACCTCTGGTCTGGGGCCTGAAGTCGCTCCT	95557
Query	42841	TGGGTCTGGGTTTCAGCTCTCAGTGAGGGCAGTAACCAGAAGGGCCTGCCCCATCTTATC	42900

Sbjct	95556	TGGGTCTGGGTTTCAGCTCTCAGTGAGGGCAGTAACCAGAAGGGCCTGCCCCATCTTATC	95497
Query	42901	TTGGGTCCCTGTGCACAGGGGGCCAGATGGCACCAGGTATTTTCCTCTAGAGTCAGAAA	42960
Sbjct	95496	TTGGGTCCCTGTGCACAGGGGGCCAGATGGCACCAGGTATTTTCCTCTAGAGTCAGAAA	95437
Query	42961	TGTGGGCAGAGAGTAGCCAGATCAGCTGACTACTGCGTGTCTGCCCCCTCTGAAGGTCTAG	43020
Sbjct	95436	TGTGGGCAGAGAGTAGCCAGATCAGCTGACTACTGCGTGTCTGCCCCCTCTGAAGGTCTAG	95377
Query	43021	CTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGGAAGTTGTTTGACCAGGTCCCTTCAGTTCCAG	43080
Sbjct	95376	CTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGGAAGTTGTTTGACCAGGTCCCTTCAGTTCCAG	95317
Query	43081	GCAGAGTCTGGACCGCAGCTTTCTGCAGCTTGAGTGCCCCATCTTCCTGTTTCTAGAG	43140
Sbjct	95316	GCAGAGTCTGGACCGCAGCTTTCTGCAGCTTGAGTGCCCCATCTTCCTGTTTCTAGAG	95257
Query	43141	GCCCTGTACAGTTTCTCTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAAGGGTGGGCAGTACTGGTGGTC	43200
Sbjct	95256	GCCCTGTACAGTTTCTCTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAAGGGTGGGCAGTACTGGTGGTC	95197
Query	43201	TCTCCTGCCCTGCAGTCTCGGGAGTGCCACATGTCTGGGCGAAGAGCTCTCTCTCCCAT	43260
Sbjct	95196	TCTCCTGCCCTGCAGTCTCGGGAGTGCCACATGTCTGGGCGAAGAGCTCTCTCTCCCAT	95137
Query	43261	GGGGTTTGGGAGCAGGGAGCTGTGGGCCAGGATCAGCAAGGCCCTGCATTTCCTTAAGG	43320
Sbjct	95136	GGGGTTTGGGAGCAGGGAGCTGTGGGCCAGGATCAGCAAGGCCCTGCATTTCCTTAAGG	95077
Query	43321	GAGTTCCTTTATGTCTTTCTTAAAGTCCTCCATCATTATCAAAAAATGTGATTTTAAATCT	43380
Sbjct	95076	GAGTTCCTTTATGTCTTTCTTAAAGTCCTCCATCATTATCAAAAAATGTGATTTTAAATCT	95017
Query	43381	AAATTTTGCTTTTCTGGTGTGTTGGATATCCAGTATTTTCTTTGGTGAGAGAACTGGGCT	43440
Sbjct	95016	AAATTTTGCTTTTCTGGTGTGTTGGATATCCAGTATTTTCTTTGGTGAGAGAACTGGGCT	94957
Query	43441	CTGATGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTTGTGTGCTTAGGCTCTTGGGCTCGCCTCTAGCCA	43500
Sbjct	94956	CTGATGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTTGTGTGCTTAGGCTCTTGGGCTCGCCTCTAGCCA	94897
Query	43501	TTGGGTTGTCTCTGATACCAGGTGCTCTGATTTCAGATGTGTTGGTGCTCCTGGAGACTG	43560
Sbjct	94896	TTGGGTTGTCTCTGATACCAGGTGCTCTGATTTCAGATGTGTTGGTGCTCCTGGAGACTG	94837
Query	43561	TCTTCCAGCTCTATTCCAGGTTCTGCCCTGATTGCTTATGTACTTCCTTGCACCAGTG	43620
Sbjct	94836	TCTTCCAGCTCTATTCCAGGTTCTGCCCTGATTGCTTATGTACTTCCTTGCACCAGTG	94777
Query	43621	AGCACAGTTGGCACAATGCGATTCCCTCTTGGGTCTGGACTGTGGGCAGAGGGTATTCTC	43680
Sbjct	94776	AGCACAGTTGGCACAATGCGATTCCCTCTTGGGTCTGGACTGTGGGCAGAGGGTATTCTC	94717
Query	43681	CTCTGACTTCTCAGGAGTATCCACACTTCTGAGGTTCCAGCTCTCTCCCCATTGGATTT	43740
Sbjct	94716	CTCTGACTTCTCAGGAGTATCCACACTTCTGAGGTTCCAGCTCTCTCCCCATTGGATTT	94657
Query	43741	TGGCGCAGGGAGCTGTTTGACGAGTTTCAGTTCAGTCTGTTGAGACCAGAACCACGGG	43800
Sbjct	94656	TGGCGCAGGGAGCTGTTTGACGAGTTTCAGTTCAGTCTGTTGAGACCAGAACCACGGG	94597
Query	43801	TACCAGTGGCTATCTGTTCCATATCTCTGTGTCCAGAGGCACTGTGCACTTTCCCTTG	43860
Sbjct	94596	TACCAGTGGCTATCTGTTCCATATCTCTGTGTCCAGAGGCACTGTGCACTTTCCCTTG	94537
Query	43861	GACCAGGGATATGGGCCGAGGTGGGCAGAGGTGGCAGTCTGTCTGAGGTCTTGGGATGT	43920
Sbjct	94536	GACCAGGGATATGGGCCGAGGTGGGCAGAGGTGGCAGTCTGTCTGAGGTCTTGGGATGT	94477
Query	43921	CTCCTAGGTGGTCTGCTCTCTTCCCCATGGAATTTGGGTGCCCCATTGTGTTTTATATA	43980
Sbjct	94476	CTCCTAGGTGGTCTGCTCTCTTCCCCATGGAATTTGGGTGCCCCATTGTGTTTTATATA	94417
Query	43981	TTGCTTAGCTAGTTACTAGAGAGTTCTGCTTGCGTTGCTCAGTCCTACAAAATCTTTGCT	44040
Sbjct	94416	TTGCTTAGCTAGTTACTAGAGAGTTCTGCTTGCGTTGCTCAGTCCTACAAAATCTTTGCT	94357
Query	44041	TCTCTGTCTGAATTCTTCTCTCTCGTTCACTGCCCTGTAAACAGTGCCCCTGCAAACAC	44100
Sbjct	94356	TCTCTGTCTGAATTCTTCTCTCTCGTTCACTGCCCTGTAAACAGTGCCCCTGCAAACAC	94297
Query	44101	TTGTAAGCTCTTTGGTAGTCAGATGCTTCTGGTGCACTTGAGAGTCAAGATGTGAGCTCT	44160
Sbjct	94296	TTGTAAGCTCTTTGGTAGTCAGATGCTTCTGGTGCACTTGAGAGTCAAGATGTGAGCTCT	94237
Query	44161	GGACCAGTGTGCATTTTAGAAGGATGGCCTTTCGAGAAATTTTATTGGCTCTAGATTGTC	44220
Sbjct	94236	GGACCAGTGTGCATTTTAGAAGGATGGCCTTTCGAGAAATTTTATTGGCTCTAGATTGTC	94177

Query	44221	AGTTACTTGTGCAAGCTAGAAAAGTCTGTTTTGGGCCCTACCTAGGTACTCAAACCTTTGTG	44280
Sbjct	94176	AGTTACTTGTGCAAGCTAGAAAAGTCTGTTTTGGGCCCTACCTAGGTACTCAAACCTTTGTG	94117
Query	44281	CAGTGGTGGGGTGGAGAAGGGGAGGATAAGAGGTAGGGGTGAGAAGCATTGTTAGACACT	44340
Sbjct	94116	CAGTGGTGGGGTGGAGAAGGGGAGGATAAGAGGTAGGGGTGAGAAGCATTGTTAGACACT	94057
Query	44341	GGGAGGAGTCTAAATAGTAATTAACCTCTGACCTGCAGAATATCTGAAGCTGTGAGCTGTG	44400
Sbjct	94056	GGGAGGAGTCTAAATAGTAATTAACCTCTGACCTGCAGAATATCTGAAGCTGTGAGCTGTG	93997
Query	44401	GGACACAATGGTCTGTGAGCAGGAAGATGAGGTAGAGGCCAGGAAACCTGAAGCTATGTA	44460
Sbjct	93996	GGACACAATGGTCTGTGAGCAGGAAGATGAGGTAGAGGCCAGGAAACCTGAAGCTATGTA	93937
Query	44461	GTCTGCAGAATCACTGTGTTTTATAGAACTCATTTGTCAGCTCTTAAAAGTCATAAGCTG	44520
Sbjct	93936	GTCTGCAGAATCACTGTGTTTTATAGAACTCATTTGTCAGCTCTTAAAAGTCATAAGCTG	93877
Query	44521	TGAGCTCTTAACCACCATTACTGGCTCTAGATTTAGAAgagagagagagagagagagagaga	44580
Sbjct	93876	TGAGCTCTTAACCACCATTACTGGCTCTAGATTTAGAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA	93817
Query	44581	gagagagagagagagagagagagagagagagagagagagaggagcgtgggagggagggtaggag	44640
Sbjct	93816	GAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGAGCGTGGGAGGGAGGGTAGGAG	93757
Query	44641	agagggagggagagagagggggaagaaaggaaaagaagaaatgcaaggaaggaaggaaagaa	44700
Sbjct	93756	AGAGGGAGGGAGAGAGGGGGAAGAAAGGAAAAGAAGAAATGCAAGGAAGGAAGGAAAGAA	93697
Query	44701	ggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaaggaagggaaAAAACAAGCAG	44760
Sbjct	93696	GGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGGAAAAACAAGCAG	93637
Query	44761	ACAAGCAAGCTGGGGTTCTTGAATGTCACATACTCTGACCTCACACTTAGTTGTTTCAGAC	44820
Sbjct	93636	ACAAGCAAGCTGGGGTTCTTGAATGTCACATACTCTGACCTCACACTTAGTTGTTTCAGAC	93577
Query	44821	TTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTTACATGGTGGGCTCCAGAAAGAAAGCCGCTGTTTC	44880
Sbjct	93576	TTGTTACTTGTCTGACCGTCTTACTTACATGGTGGGCTCCAGAAAGAAAGCCGCTGTTTC	93517
Query	44881	CTCTGGACCACCAGATGCTGTGAGCCTAGGACAACCAGAAGTAGTGGGATCTAGGATGTC	44940
Sbjct	93516	CTCTGGACCACCAGATGCTGTGAGCCTAGGACAACCAGAAGTAGTGGGATCTAGGATGTC	93457
Query	44941	AGAGGCTAGGCTCTGGTCTTCCTTGGGGTTGCAAACCCCTTCAGGTTTTCTCTAACTCC	45000
Sbjct	93456	AGAGGCTAGGCTCTGGTCTTCCTTGGGGTTGCAAACCCCTTCAGGTTTTCTCTAACTCC	93397
Query	45001	TCCATTGCAGTCCCTGTTCTCGGTCTGATGGTTAGTTTCAATTCTCCTCATCTGTATCAG	45060
Sbjct	93396	TCCATTGCAGTCCCTGTTCTCGGTCTGATGGTTAGTTTCAATTCTCCTCATCTGTATCAG	93337
Query	45061	TAGGGTTCATCAGAACCTCTCAGGAGATAGGCTTTGAAACAGCCCATTCTTCCCCCTCCC	45120
Sbjct	93336	TAGGGTTCATCAGAACCTCTCAGGAGATAGGCTTTGAAACAGCCCATTCTTCCCCCTCCC	93277
Query	45121	TCTCACTGGCACATAAGTCCATTTCattttttGTTGAATTCTTTTTATTACATTTTA	45180
Sbjct	93276	TCTCACTGGCACATAAGTCCATTTCATTTTTTTGTTGAATTCTTTTTATTACATTTTA	93217
Query	45181	AATGTTATCCCTTTTCCAGTTTCTGTCCACAAACCGTCTATCCTATATCCCTCCCCC	45240
Sbjct	93216	AATGTTATCCCTTTTCCAGTTTCTGTCCACAAACCGTCTATCCTATATCCCTCCCCC	93157
Query	45241	TCCTTCCATGATGTTGTTCTTCCACCTAACTACCTATCCTTCCCACCTCCCTGCCCTGAC	45300
Sbjct	93156	TCCTTCCATGATGTTGTTCTTCCACCTAACTACCTATCCTTCCCACCTCCCTGCCCTGAC	93097
Query	45301	ATCTCCCTACAATGGGGGATCCAGCCTTGGCAGGGCCAAGGTCTTCTCCTTCAATTGGTG	45360
Sbjct	93096	ATCTCCCTACAATGGGGGATCCAGCCTTGGCAGGGCCAAGGTCTTCTCCTTCAATTGGTG	93037
Query	45361	CCCAACAGGGCCATCCTCTGCTAAATGTTTCTGAGCTGGCACTATGGGTCTATCCTTGTGTAT	45420
Sbjct	93036	CCCAACAGGGCCATCCTCTGCTAAATGTTTCTGAGCTGGCACTATGGGTCTATCCTTGTGTAT	92977
Query	45421	TCTTTGGATGGTGGTTTAGCCTGGGAGCTCTGGTTGGTTCGGTATTGTTTTTCTCATGGGG	45480
Sbjct	92976	TCTTTGGATGGTGGTTTAGCCTGGGAGCTCTGGTTGGTTCGGTATTGTTTTTCTCATGGGG	92917
Query	45481	TTACAAGCTCCTTCAGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAACTTATCCAATGGGAACACAGTTC	45540
Sbjct	92916	TTACAAGCTCCTTCAGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAACTTATCCAATGGGAACACAGTTC	92857
Query	45541	AATTGTTGTTACCTCCATATTTGTTCATGATATTTGGCAGAGCCTTTCAGGAGCCTATCA	45600

Sbjct	92856	 AATTGTTGTTCCACCTCCATATTTGTCATGATATTTGGCAGAGCCTTTCAGGAGCCTATCA	92797
Query	45601	GGCTCCTGTCTAGTATGCACCTTCTTGGCATCAGAAATATTTTCAGAAATATTGTCTGGTATG	45660
Sbjct	92796	GGCTCCTGTCTAGTATGCACCTTCTTGGCATCAGAAATATTTTCAGAAATATTGTCTGGTATG	92737
Query	45661	TATGTGGGTTGTATTCCCAGGTGGGGCAGACTCTGAATGGCCATTCTTTCTATCTCTGGT	45720
Sbjct	92736	TATGTGGGTTGTATTCCCAGGTGGGGCAGACTCTGAATGGCCATTCTTTCTATCTCTGGT	92677
Query	45721	CCAAACTTTGTCTATATATCCTTTCCCTATGAATATTTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAC	45780
Sbjct	92676	CCAAACTTTGTCTATATATCCTTTCCCTATGAATATTTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAC	92617
Query	45781	TGAAGCATCTGCACTTAGGTCATCCTTTTTCTTGAGGTTTCATGTGTGCTGGGTACAACAT	45840
Sbjct	92616	TGAAGCATCTGCACTTAGGTCATCCTTTTTCTTGAGGTTTCATGTGTGCTGGGTACAACAT	92557
Query	45841	ACGATGACAGGGACTGCCAGCAGAAGGCTGGGATAGAGATATCTCAGAAGCCACACACA	45900
Sbjct	92556	ACGATGACAGGGACTGCCAGCAGAAGGCTGGGATAGAGATATCTCAGAAGCCACACACA	92497
Query	45901	GCAGCTCTTTGTAAAACTGGTTTTTCTATTTCTCCTAACCTTGGCCCTGGACAACGGC	45960
Sbjct	92496	GCAGCTCTTTGTAAAACTGGTTTTTCTATTTCTCCTAACCTTGGCCCTGGACAACGGC	92437
Query	45961	TGTATAGATTTCAATTTGTGTGTGACTGCCTTTCAGTTGACCTGGCTGTGCATGATTATTC	46020
Sbjct	92436	TGTATAGATTTCAATTTGTGTGTGACTGCCTTTCAGTTGACCTGGCTGTGCATGATTATTC	92377
Query	46021	TATTATATCTGACTTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTAGTGATTTCTGTGAACTGG	46080
Sbjct	92376	TATTATATCTGACTTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTAGTGATTTCTGTGAACTGG	92317
Query	46081	ATGTTCCCTTGATGTAATGATTCTTCAACAATTGGAAATTGAGGCATTAGGGGCACAGTAC	46140
Sbjct	92316	ATGTTCCCTTGATGTAATGATTCTTCAACAATTGGAAATTGAGGCATTAGGGGCACAGTAC	92257
Query	46141	AGCACAGCCCTAAAAGCCCAGGTGTGTGCTATGTGTTCTCATCTTGGAACAATGTAATA	46200
Sbjct	92256	AGCACAGCCCTAAAAGCCCAGGTGTGTGCTATGTGTTCTCATCTTGGAACAATGTAATA	92197
Query	46201	ACTGCACAATAGTAGTTCCAGGTTAATGTTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGAAATTAT	46260
Sbjct	92196	ACTGCACAATAGTAGTTCCAGGTTAATGTTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGAAATTAT	92137
Query	46261	TAGAAAAATGAATTAGAGCCGATATTGGGATCTTAAGAAAGGAAAAAGTTATTAAAGTTAG	46320
Sbjct	92136	TAGAAAAATGAATTAGAGCCGATATTGGGATCTTAAGAAAGGAAAAAGTTATTAAAGTTAG	92077
Query	46321	AAATTAAGTTTTTTTATAACATTTGAGAGTGGTTCCTGGATAAGGAAGTATGGAATATATA	46380
Sbjct	92076	AAATTAAGTTTTTTTATAACATTTGAGAGTGGTTCCTGGATAAGGAAGTATGGAATATATA	92017
Query	46381	AAATTATATACTAGTAAACTAAGTCAAAATACTGAGACACTCTTACAAGTGTCAATTGTGT	46440
Sbjct	92016	AAATTATATACTAGTAAACTAAGTCAAAATACTGAGACACTCTTACAAGTGTCAATTGTGT	91957
Query	46441	GCAAGGAACAGAAAGCTAGCAGAACTACTGAATTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACT	46500
Sbjct	91956	GCAAGGAACAGAAAGCTAGCAGAACTACTGAATTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACT	91897
Query	46501	ACTGCCTGGCAGTTTTGTCTGTCATTTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAAATGCAACAAGC	46560
Sbjct	91896	ACTGCCTGGCAGTTTTGTCTGTCATTTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAAATGCAACAAGC	91837
Query	46561	TGAGCTCGGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAATAAGTTAAAAGCTAAAGTTTAAATAATGA	46620
Sbjct	91836	TGAGCTCGGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAATAAGTTAAAAGCTAAAGTTTAAATAATGA	91777
Query	46621	TAAGTTTGCAATTGTTATTATTTTGGCCACAGGCTTGAGAATAGGGAAAGCTTGAAACTT	46680
Sbjct	91776	TAAGTTTGCAATTGTTATTATTTTGGCCACAGGCTTGAGAATAGGGAAAGCTTGAAACTT	91717
Query	46681	TGGGGAACAACTGTAATTCCTAATTGGTTATTCTTCTGAATTTGATTTGGCAATGATTAT	46740
Sbjct	91716	TGGGGAACAACTGTAATTCCTAATTGGTTATTCTTCTGAATTTGATTTGGCAATGATTAT	91657
Query	46741	ATATAATGTCTTTTTTCTACATGCTTTTGAAATATCAATAAAAGACTGGGGCaaagagaaa	46800
Sbjct	91656	ATATAATGTCTTTTTTCTACATGCTTTTGAAATATCAATAAAAGACTGGGGCAAGAGAAA	91597
Query	46801	ggtgagagagcacgtgaagagtgagtggaagagagaatatgaagagcaaatgagagagcca	46860
Sbjct	91596	GGTGAGAGAGCACGTGAAGAGTGAGTGAAGAGAGAATATGAAGAGCAAATGAGAGAGCCA	91537
Query	46861	gtgtgagagcaaatgtgagagctaattgagcgagcatgagaATAACATGTAAAGAGAGTAT	46920
Sbjct	91536	GTGTGAGAGCAAATGTGAGAGCTAATGAGCGAGCATGAGAATAACATGTAAAGAGAGTAT	91477

Query	46921	GAAAAGTGAGTGAAGCGAGAATGTGAGGTATATATGAAGATtgtgtgtgtgagagaaagg	46980
Sbjct	91476	GAAAAGTGAGTGAAGCGAGAATGTGAGGTATATATGAAGATTGTGTGTGTGAGAGAAAGG	91417
Query	46981	agagtgcacatgtgggtgtgtgtgacatatgtgtgaggtgtgtATGACGAGTATGTGAGAATT	47040
Sbjct	91416	AGAGTGCATGTGGTGTGTGTGACATATGTGTGAGGTGTGTATGACGAGTATGTGAGAATT	91357
Query	47041	AAAGAGTAATGAACACAGGTGTGCATGAGTGTGGGAGTTTGAGAAAAGAAAAGCACAATG	47100
Sbjct	91356	AAAGAGTAATGAACACAGGTGTGCATGAGTGTGGGAGTTTGAGAAAAGAAAAGCACAATG	91297
Query	47101	GAGAAAAGCAGAGTGTGCAAGAGAATGCAGAGTGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAAAGGAGG	47160
Sbjct	91296	GAGAAAAGCAGAGTGTGCAAGAGAATGCAGAGTGTGTGCAGCCTCAAGCTGCAAAGGAGG	91237
Query	47161	GAGGCAGTGAGGGAAGGAaggggggaggggggAGCTTTAAGTCTTGAAATTTCTGTCTAG	47220
Sbjct	91236	GAGGCAGTGAGGGAAGGAGGGGGGAGGGGGGAGCTTTAAGTCTTGAAATTTCTGTCTAG	91177
Query	47221	TTTGTACCCAAAGAGTAGTCTGTGTATATTTATTATGCGCCTTACAGATATCCCTGCTTC	47280
Sbjct	91176	TTTGTACCCAAAGAGTAGTCTGTGTATATTTATTATGCGCCTTACAGATATCCCTGCTTC	91117
Query	47281	CAGTTGAGAACTCCAGTCCTGTGTTGAGGCTGGACTCTAGCACATGTGGTCTGTGGATAG	47340
Sbjct	91116	CAGTTGAGAACTCCAGTCCTGTGTTGAGGCTGGACTCTAGCACATGTGGTCTGTGGATAG	91057
Query	47341	TATCTTGGGTAATTGAGCTTTTGGACTAACATACACTTATCAGTGAGTGCATACCACGTG	47400
Sbjct	91056	TATCTTGGGTAATTGAGCTTTTGGACTAACATACACTTATCAGTGAGTGCATACCACGTG	90997
Query	47401	TGGGtttttttGATTGGGTTACCTCACTCAGGAAGATATTTTCTAGTTCCATTAATTTTC	47460
Sbjct	90996	TGGGTTTTTTTGATTGGGTTACCTCACTCAGGAAGATATTTTCTAGTTCCATTAATTTTC	90937
Query	47461	CTGTTAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGT	47520
Sbjct	90936	CTGTTAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTGTAGATGT	90877
Query	47521	ACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGG	47580
Sbjct	90876	ACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGG	90817
Query	47581	CTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGAGTACGTGTCTTTGTTGTATGTTGGAG	47640
Sbjct	90816	CTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGAGTACGTGTCTTTGTTGTATGTTGGAG	90757
Query	47641	CATCTTTTGGGTATATGCTCAGGAGAGGTCTCAGGTAGTGGAATTCCAATTTTCTGAGG	47700
Sbjct	90756	CATCTTTTGGGTATATGCTCAGGAGAGGTCTCAGGTAGTGGAATTCCAATTTTCTGAGG	90697
Query	47701	AACCCCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGG	47760
Sbjct	90696	AACCCCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGG	90637
Query	47761	AGTGTTCCTCTTTCTCCGCATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCCCCTGAGTTTTTTATCTTA	47820
Sbjct	90636	AGTGTTCCTCTTTCTCCGCATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCCCCTGAGTTTTTTATCTTA	90577
Query	47821	GCCATTCTCACTGGTATGAGGTAGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTCATTTCCTAATG	47880
Sbjct	90576	GCCATTCTCACTGGTATGAGGTAGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTCATTTCCTAATG	90517
Query	47881	ACTAAGGATATTGAACATTTCCTTAGGTACTTCTCAGCCATTTGATATTCTCAGCTGAG	47940
Sbjct	90516	ACTAAGGATATTGAACATTTCCTTAGGTACTTCTCAGCCATTTGATATTCTCAGCTGAG	90457
Query	47941	AATTCTTTTTTAACCTTGAGACAGCATATTCTTGAAATAACCATTACAGTGCCATATCTG	48000
Sbjct	90456	AATTCTTTTTTAACCTTGAGACAGCATATTCTTGAAATAACCATTACAGTGCCATATCTG	90397
Query	48001	GTTGAAATATCATATGATGGGTAAACTACACAGTGCACAATAACATTCTGCCTACATCAT	48060
Sbjct	90396	GTTGAAATATCATATGATGGGTAAACTACACAGTGCACAATAACATTCTGCCTACATCAT	90337
Query	48061	TCTAACTTTATAACTTTTTCCCTTTTATACACCACCATCTACCTATGTGGGACTTTGATA	48120
Sbjct	90336	TCTAACTTTATAACTTTTTCCCTTTTATACACCACCATCTACCTATGTGGGACTTTGATA	90277
Query	48121	GTCAGATGCAAATAGGCGATAGGCTGTCTAAATTTTTGGTAATCAGTACAATTTATAGAA	48180
Sbjct	90276	GTCAGATGCAAATAGGCGATAGGCTGTCTAAATTTTTGGTAATCAGTACAATTTATAGAA	90217
Query	48181	ATGCAGATCCTGAAAAGACTTGAATTGTGGCACAGTGAAAGTCAAATGTTTATGGTATAT	48240
Sbjct	90216	ATGCAGATCCTGAAAAGACTTGAATTGTGGCACAGTGAAAGTCAAATGTTTATGGTATAT	90157
Query	48241	GGACACTAGTCACTTATTTCTATGGGCAGAGGGAAGATATAAGCTTTAGAGAGTCATGTG	48300

Sbjct	90156	 GGACACTAGTCACCTTATTTCTATGGGCAGAGGGAAGATATAAGCTTTAGAGAGTCATGTG	90097
Query	48301	ACATTGCTTCTGGAAACTCAGATACTATAAGTTCTGGATATTAGAATCTGTGGTATCTTT	48360
Sbjct	90096	ACATTGCTTCTGGAAACTCAGATACTATAAGTTCTGGATATTAGAATCTGTGGTATCTTT	90037
Query	48361	GAAGATGCTGCCTCTGGGCTGCAACCCAGAGCTATCTCTAAAGCTGTCATCTCTGAACCT	48420
Sbjct	90036	GAAGATGCTGCCTCTGGGCTGCAACCCAGAGCTATCTCTAAAGCTGTCATCTCTGAACCT	89977
Query	48421	CCAAAGACTTGTGATCTGAACAGCCTTATGCTTTCTACATAGTAGACCTAGGAGCAATTT	48480
Sbjct	89976	CCAAAGACTTGTGATCTGAACAGCCTTATGCTTTCTACATAGTAGACCTAGGAGCAATTT	89917
Query	48481	AATGCTGTGGTTTCAGAAAAGTCAGACACTGCTGACTCTATTTCAGTCAAACACTGTGGAA	48540
Sbjct	89916	AATGCTGTGGTTTCAGAAAAGTCAGACACTGCTGACTCTATTTCAGTCAAACACTGTGGAA	89857
Query	48541	TCTGCATAGTAAAGCACTCAGTTCTCAACTGACAGTCTCTGCTGTCTGTACACATTGAAT	48600
Sbjct	89856	TCTGCATAGTAAAGCACTCAGTTCTCAACTGACAGTCTCTGCTGTCTGTACACATTGAAT	89797
Query	48601	GCTTTGGGCTCTGCTCAGTTCAAGACTATGTTGTGGCCTCTGGATAACCAGAAGTGGTGT	48660
Sbjct	89796	GCTTTGGGCTCTGCTCAGTTCAAGACTATGTTGTGGCCTCTGGATAACCAGAAGTGGTGT	89737
Query	48661	GGTGGGCATTTTGAAGCTGCAGAGTCTCAAGGGAAAGTAAGGTGCTAGGGTGCTATTAC	48720
Sbjct	89736	GGTGGGCATTTTGAAGCTGCAGAGTCTCAAGGGAAAGTAAGGTGCTAGGGTGCTATTAC	89677
Query	48721	TCTGAATATTTTAAAAGTGTGAGCTTGAATACTTATCTAGTGTGTGCTCCAGGCATTTGG	48780
Sbjct	89676	TCTGAATATTTTAAAAGTGTGAGCTTGAATACTTATCTAGTGTGTGCTCCAGGCATTTGG	89617
Query	48781	AACATCTAGGCTCCAGAAAGATTGAAGCTTCCAGCACATGACAGAATCTATGGACTGTGG	48840
Sbjct	89616	AACATCTAGGCTCCAGAAAGATTGAAGCTTCCAGCACATGACAGAATCTATGGACTGTGG	89557
Query	48841	AGAGTCAGAACATATAGGTAATCAGACCCACAGGATCTTAGCACTGTGATTCTTTGGAA	48900
Sbjct	89556	AGAGTCAGAACATATAGGTAATCAGACCCACAGGATCTTAGCACTGTGATTCTTTGGAA	89497
Query	48901	GCTATAAAGTCTCAAAGTGTGGCCTGTAGATAGAAAGATGTTCTGGCTTAAGGAAGTCAG	48960
Sbjct	89496	GCTATAAAGTCTCAAAGTGTGGCCTGTAGATAGAAAGATGTTCTGGCTTAAGGAAGTCAG	89437
Query	48961	ACGTAAGAGACACTGAACAGTTTAGAGTATTGTTGAGTCTGGACAGTTTGGATATGTAGT	49020
Sbjct	89436	ACGTAAGAGACACTGAACAGTTTAGAGTATTGTTGAGTCTGGACAGTTTGGATATGTAGT	89377
Query	49021	CTGTAAACAGCTGGTTACAATGTGTTCTTGGAAGATGGAGTCTGTGGGAAGCTTTTTGTT	49080
Sbjct	89376	CTGTAAACAGCTGGTTACAATGTGTTCTTGGAAGATGGAGTCTGTGGGAAGCTTTTTGTT	89317
Query	49081	CTGGGAAACAGAATATACTCATTGGGCAGTCTGATGCTGTGAACTATGGAATATAATAAA	49140
Sbjct	89316	CTGGGAAACAGAATATACTCATTGGGCAGTCTGATGCTGTGAACTATGGAATATAATAAA	89257
Query	49141	CGGTCTTCACACTAGTCAGAAAGGGGCAGACTCTAAAACCTTCAAAGCTATGCACTGTAGACT	49200
Sbjct	89256	CGGTCTTCACACTAGTCAGAAAGGGGCAGACTCTAAAACCTTCAAAGCTATGCACTGTAGACT	89197
Query	49201	TTTGAATACTGCTTTCTAAGGACATCTTAACAGAAATGCGGTTTGTTTATTGAATTTAtt	49260
Sbjct	89196	TTTGAATACTGCTTTCTAAGGACATCTTAACAGAAATGCGGTTTGTTTATTGAATTTATT	89137
Query	49261	ctttcccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttccttc	49320
Sbjct	89136	CTTTCCTTCCTTCCTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT	89077
Query	49321	ctttctttctttctttctttctttctttttATACTCCAGATTTAATTCCTTCCAGTTCA	49380
Sbjct	89076	CTTTCCTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTATACTCCAGATTTAATTCCTTCCAGTTCA	89017
Query	49381	CCATCCCAAGTGATCCACATCCCATAcctccctccctaccctttccctctccctctttcttt	49440
Sbjct	89016	CCATCCCAAGTGATCCACATCCCATACTCCTCCCTACCCTTTCCCTCTCCCTTTCTTT	88957
Query	49441	ctccctccctctccctgcctccatccccACAAGGATGTCTCTATTCCCCGGCCCCACCC	49500
Sbjct	88956	CTCCTTCCTCTCCCCCTGCCCTCCATCCCCACAAGGATGTCTCTATTCCCCGGCCCCACCC	88897
Query	49501	ACCTCACCAAACCTCTAAAATTCCTGAGGCCTCCAGTCTCTTGAAGGTTAGATGCTTCTT	49560
Sbjct	88896	ACCTCACCAAACCTCTAAAATTCCTGAGGCCTCCAGTCTCTTGAAGGTTAGATGCTTCTT	88837
Query	49561	CTCTGGCTGAACCCAGAGAGTCTCTGGGAGTCTCTGCTATATATGTGTTGGAGACCTCAT	49620
Sbjct	88836	CTCTGGCTGAACCCAGAGAGTCTCTGGGAGTCTCTGCTATATATGTGTTGGAGACCTCAT	88777



Query	49621	CTCAGCTGGTGTATTCTACCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTGAGAGATCACAGGGGTCCAG	49680
Sbjct	88776	CTCAGCTGGTGTATTCTACCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTGAGAGATCACAGGGGTCCAG	88717
Query	49681	GTTAATTGAGACTGCTGGTTCCTGCTACAGGGTCCCCCTCTTCCTCAGCTTCCTCCAGTTT	49740
Sbjct	88716	GTTAATTGAGACTGCTGGTTCCTGCTACAGGGTCCCCCTCTTCCTCAGCTTCCTCCAGTTT	88657
Query	49741	TTCCCTATTTTCAGCCAGAGGGGTGAGCAGCTTCTGTTTCATTGGTTGGGTGCACATATCTG	49800
Sbjct	88656	TTCCCTATTTTCAGCCAGAGGGGTGAGCAGCTTCTGTTTCATTGGTTGGGTGCACATATCTG	88597
Query	49801	TATCTGACTCTTTTCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCACGGTAGGTCTCTTT	49860
Sbjct	88596	TATCTGACTCTTTTCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCACGGTAGGTCTCTTT	88537
Query	49861	TTATTAATGCCACATAGCTTCAGTAATGGTGTGATCCTGGGAACTCCTGTTGAGCTGT	49920
Sbjct	88536	TTATTAATGCCACATAGCTTCAGTAATGGTGTGATCCTGGGAACTCCTGTTGAGCTGT	88477
Query	49921	TGCCCCACTTTGGGCCTGTCGCTAGACCTTCTTTTCCTCAGGCTCTTCTCCATTTTCATCC	49980
Sbjct	88476	TGCCCCACTTTGGGCCTGTCGCTAGACCTTCTTTTCCTCAGGCTCTTCTCCATTTTCATCC	88417
Query	49981	CTGCATTGGGTCAAAGTTTTTGGCTATGGAGTAGTAACCCCATCCCTCGCTTGGTACCCT	50040
Sbjct	88416	CTGCATTGGGTCAAAGTTTTTGGCTATGGAGTAGTAACCCCATCCCTCGCTTGGTACCCT	88357
Query	50041	GTGTTTTTGCTGGAGGTGGGCTCAATAAGTTTCTCTCCCCACTGTAGAATCTTTCATCT	50100
Sbjct	88356	GTGTTTTTGCTGGAGGTGGGCTCAATAAGTTTCTCTCCCCACTGTAGAATCTTTCATCT	88297
Query	50101	GGGGTCTCCTCTTGTAGTCTGAGAGTCTCTCACTTCCAAGGTCTCTGCTACATTCTAGA	50160
Sbjct	88296	GGGGTCTCCTCTTGTAGTCTGAGAGTCTCTCACTTCCAAGGTCTCTGCTACATTCTAGA	88237
Query	50161	GGATCTTCCCAAACCTCTCCTTCCCAAAGTTGCCGTGTTTCTTTTCATTCTGCAGGGTTTC	50220
Sbjct	88236	GGATCTTCCCAAACCTCTCCTTCCCAAAGTTGCCGTGTTTCTTTTCATTCTGCAGGGTTTC	88177
Query	50221	AGTCCTTTTCCCCCACTGATATTAGATCATGttccccctctccccctccccctcatctcctt	50280
Sbjct	88176	AGTCCTTTTCCCCCACTGATATTAGATCATGTTCCCCCTCTCCCCCTCCCCCTCATCTCCTT	88117
Query	50281	tccccctccactgtgctccccctccatttccccctTGTTGGTTGCTTTTCTCTccccccccAAGT	50340
Sbjct	88116	TCCCTCCACTGTGCTCCCTCCATTTCCCTTGTGGTTGCTTTTCTCTCCCCCCCCAAGT	88057
Query	50341	GGGATTGAGGAGTCCCTCACTTGGGCCCTTCAGCTTGTGACCTTTTGGAGTTCTACAGAT	50400
Sbjct	88056	GGGATTGAGGAGTCCCTCACTTGGGCCCTTCAGCTTGTGACCTTTTGGAGTTCTACAGAT	87997
Query	50401	TGTATCTTGGGTATTCTGTACGTTTTTGGGTGGGGGGTTACATCTATGTATTATTGAGA	50460
Sbjct	87996	TGTATCTTGGGTATTCTGTACGTTTTTGGGTGGGGGGTTACATCTATGTATTATTGAGA	87937
Query	50461	CCACGCTATGCATGTCCGTTTGGTTCTGAGTTACCTCACTCAGGATGACATTTTATAGTT	50520
Sbjct	87936	CCACGCTATGCATGTCCGTTTGGTTCTGAGTTACCTCACTCAGGATGACATTTTATAGTT	87877
Query	50521	CCCTCCATTTGCCTGCAAAACTCAGGATGTCTCGTTCTTAATAACTGAGTAGTATTCCA	50580
Sbjct	87876	CCCTCCATTTGCCTGCAAAACTCAGGATGTCTCGTTCTTAATAACTGAGTAGTATTCCA	87817
Query	50581	TTGTGTAAATGAACCACATTTTCTTTATCCTTTCTGTCATAGGACATCTGCATTGTTTCC	50640
Sbjct	87816	TTGTGTAAATGAACCACATTTTCTTTATCCTTTCTGTCATAGGACATCTGCATTGTTTCC	87757
Query	50641	AGCTTCTGGCTATCACAAATAAGGGTGCTGTGAACATAGAACATCTGCCCCCTGTGGCACA	50700
Sbjct	87756	AGCTTCTGGCTATCACAAATAAGGGTGCTGTGAACATAGAACATCTGCCCCCTGTGGCACA	87697
Query	50701	GTGGTACATCTTTGGGGTATATTCCCAAGAGTGTTATTTCTGGGTCCCTTAATTAGGTCTA	50760
Sbjct	87696	GTGGTACATCTTTGGGGTATATTCCCAAGAGTGTTATTTCTGGGTCCCTTAATTAGGTCTA	87637
Query	50761	CTTCCAATTTTCTGAGGAACCTCTAGACTGATTTCCAGAGATGTTGTATCAGTTTGCAAT	50820
Sbjct	87636	CTTCCAATTTTCTGAGGAACCTCTAGACTGATTTCCAGAGATGTTGTATCAGTTTGCAAT	87577
Query	50821	CTCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTTGGCTCCACATCCTTGCCAACATGTGTTGTCAC	50880
Sbjct	87576	CTCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTTGGCTCCACATCCTTGCCAACATGTGTTGTCAC	87517
Query	50881	CTGAGGCTTTGATCTTAGCCATTCTGAAAGGTAGAATTTACAGGGTTGTTGTGATTGACT	50940
Sbjct	87516	CTGAGGCTTTGATCTTAGCCATTCTGAAAGGTAGAATTTACAGGGTTGTTGTGATTGACT	87457
Query	50941	TCCTCTGATCACTAAGGGCTTTGAACATAACTTTAGGTGCTTCTACCCATTTAAGATTC	51000

Sbjct	87456	CTGATCACTAAGGGCTTTGAACATAACTTTAGGTGCTTCTACCCATTTAAGATTC	87397
Query	51001	CTCTATTCTGAATACTCTGTTTAGTTCTATAACCCATTTTTTTGATTGGGTCATTGGTTTA	51060
Sbjct	87396	CTCTATTCTGAATACTCTGTTTAGTTCTATAACCCATTTTTTTGATTGGGTCATTGGTTTA	87337
Query	51061	TTGGTAGTAAGCTTCTTGAGTTCTTTATATATTTTTGGATATCAGCCCTCTATCAGATGTG	51120
Sbjct	87336	TTGGTAGTAAGCTTCTTGAGTTCTTTATATATTTTTGGATATCAGCCCTCTATCAGATGTG	87277
Query	51121	GGGTTAGTGAAGAtttttttCTCAATCTGTAGGATGCCAATTTGTCTTATTGACTATGTC	51180
Sbjct	87276	GGGTTAGTGAAGATTTTTTCTCAATCTGTAGGATGCCAATTTGTCTTATTGACTATGTC	87217
Query	51181	TTTGCCCCACAGAAGCTTTCCAGTTTCCTGAGGTTCCATTATCAATTCTTAATAGTAGAG	51240
Sbjct	87216	TTTGCCCCACAGAAGCTTTCCAGTTTCCTGAGGTTCCATTATCAATTCTTAATAGTAGAG	87157
Query	51241	CATGAGCCATTGGAGTTCTGTTTAGGAAATTTCCCCTGTGCCAATGAGTTCAAGGCTCTT	51300
Sbjct	87156	CATGAGCCATTGGAGTTCTGTTTAGGAAATTTCCCCTGTGCCAATGAGTTCAAGGCTCTT	87097
Query	51301	TCCCACCTTCTCTTGATTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTGAGGTCCTTGATCCA	51360
Sbjct	87096	TCCCACCTTCTCTTGATTAAATTCATTGTATCTGGTTTTATGTTGAGGTCCTTGATCCA	87037
Query	51361	CTTGGA CTTGAGCTTTGTGCATGGTGACAAATATGGGTCTATTTTCATTTTTCTACATAC	51420
Sbjct	87036	CTTGGA CTTGAGCTTTGTGCATGGTGACAAATATGGGTCTATTTTCATTTTTCTACATAC	86977
Query	51421	ACACTCAGTCAGACCAGCACCATTTATTGAAGATGCTTCTTTTTTCCATTGTATATTTT	51480
Sbjct	86976	ACACTCAGTCAGACCAGCACCATTTATTGAAGATGCTTCTTTTTTCCATTGTATATTTT	86917
Query	51481	TGGCTTCTTTGTCAAAGACCAAGTGTCAAAGTGTTGGTTTTATTTTTGGGTCTTCAAT	51540
Sbjct	86916	TGGCTTCTTTGTCAAAGACCAAGTGTCAAAGTGTTGGTTTTATTTTTGGGTCTTCAAT	86857
Query	51541	TCTATTCCATTGACCAACAGTCTGTTTTCTGTACCAATACCATGCAGTTTCTATCTACTAC	51600
Sbjct	86856	TCTATTCCATTGACCAACAGTCTGTTTTCTGTACCAATACCATGCAGTTTCTATCTACTAC	86797
Query	51601	TATTGTTCTGTAGTAGAGCTTGAGGTCAAGCTCTGAGGTGATTTTTGAGGTGATTCCCCT	51660
Sbjct	86796	TATTGTTCTGTAGTAGAGCTTGAGGTCAAGCTCTGAGGTGATTTTTGAGGTGATTCCCCT	86737
Query	51661	AGCCATTCTTTTATTGTTTAGAATTGTTTTCTCTATTCTGGGTTTTTCCAGATGAAC TTG	51720
Sbjct	86736	AGCCATTCTTTTATTGTTTAGAATTGTTTTCTCTATTCTGGGTTTTTCCAGATGAAC TTG	86677
Query	51721	ATTTTGTCTCTTCTATATGTTTGAAGAATTATGTTGGAATTCGATGGGGATTACATTG	51780
Sbjct	86676	ATTTTGTCTCTTCTATATGTTTGAAGAATTATGTTGGAATTCGATGGGGATTACATTG	86617
Query	51781	AATCTGTAGATTTCCCTTCGGTAGGATGGCCATTTTTACTGTTAATTCTGCTAATCCATGA	51840
Sbjct	86616	AATCTGTAGATTTCCCTTCGGTAGGATGGCCATTTTTACTGTTAATTCTGCTAATCCATGA	86557
Query	51841	GCATGGGAGATCTCTCCATTTCTGAGATCTTCTTGATTCTTTCTTGATAGACTTGAA	51900
Sbjct	86556	GCATGGGAGATCTCTCCATTTCTGAGATCTTCTTGATTCTTTCTTGATAGACTTGAA	86497
Query	51901	GTTTTTATCATAAAGGCTTTCACTTGTTGGTTAGAATTACCCCAAGATATTTATATT	51960
Sbjct	86496	GTTTTTATCATAAAGGCTTTCACTTGTTGGTTAGAATTACCCCAAGATATTTATATT	86437
Query	51961	ATCTGTAGCTATTGAAAAGAGAATTGTTTCCCTAATTTCTTTTTTAGTCTGTTTATCCTT	52020
Sbjct	86436	ATCTGTAGCTATTGAAAAGAGAATTGTTTCCCTAATTTCTTTTTTAGTCTGTTTATCCTT	86377
Query	52021	TGTATAAAGGAAGGATACGGATTTAATTGTGTTAATTTTATATACAGCCACTTGCAGAA	52080
Sbjct	86376	TGTATAAAGGAAGGATACGGATTTAATTGTGTTAATTTTATATACAGCCACTTGCAGAA	86317
Query	52081	GTTGTTTATCAGCTGGAGAAGTTCTATGGTAGAATTTTTGGGGTCATTTTTGTATAGTAT	52140
Sbjct	86316	GTTGTTTATCAGCTGGAGAAGTTCTATGGTAGAATTTTTGGGGTCATTTTTGTATAGTAT	86257
Query	52141	TATATCATCTGCAAATAGGCATACCTTTAATTCTTCATTTCCAATTTATATCCCCTTAAT	52200
Sbjct	86256	TATATCATCTGCAAATAGGCATACCTTTAATTCTTCATTTCCAATTTATATCCCCTTAAT	86197
Query	52201	TTCTTTTTGTTGGCTTATTTTTCTAGCTAGCACTTCTAGTACTACATTGAATAGATATGA	52260
Sbjct	86196	TTCTTTTTGTTGGCTTATTTTTCTAGCTAGCACTTCTAGTACTACATTGAATAGATATGA	86137
Query	52261	GGAGAGTGGGCATCCTTGCTTGTCCTGCCAGATTTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTATCTCTT	52320
Sbjct	86136	GGAGAGTGGGCATCCTTGCTTGTCCTGCCAGATTTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTATCTCTT	86077

Query	52321	CATTTAATTTGATATTGGTTATTGGTTCGCAGAAAATTGCTTTTATTATGTTTAGGGATG	52380
Sbjct	86076	CATTTAATTTGATATTGGTTATTGGTTCGCAGAAAATTGCTTTTATTATGTTTAGGGATG	86017
Query	52381	GGCCTCGAACTCCTGATCTTTCCAATACTTTTAACATGAAGTGTGTTGTACTTTGTCAA	52440
Sbjct	86016	GGCCTCGAACTCCTGATCTTTCCAATACTTTTAACATGAAGTGTGTTGTACTTTGTCAA	85957
Query	52441	ATGCTTTTTCTGCATCTAAAAAGATGACCATGTGA	52500
Sbjct	85956	ATGCTTTTTCTGCATCTAAAAAGATGACCATGTGATTTTTTTCTTTGAGTTTGTTTATAT	85897
Query	52501	GGATTATATTAATGGATTTCCGTATATTAACCGACCTTGCTTCCCTGGGATGAAGGCTA	52560
Sbjct	85896	GGATTATATTAATGGATTTCCGTATATTAACCGACCTTGCTTCCCTGGGATGAAGGCTA	85837
Query	52561	CTTGATCATGGTGAATGATGGTTTTAATGTGCTCTTGATTTCAGTTTGCAAGAATTTTAT	52620
Sbjct	85836	CTTGATCATGGTGAATGATGGTTTTAATGTGCTCTTGATTTCAGTTTGCAAGAATTTTAT	85777
Query	52621	TGAATATTTTTGCACTGACATTCATAAGTGAGATTGGTCTGAAGTTCTCTTTTTCGGTAG	52680
Sbjct	85776	TGAATATTTTTGCACTGACATTCATAAGTGAGATTGGTCTGAAGTTCTCTTTTTCGGTAG	85717
Query	52681	GGTCCTAGTGTGGTTTAGTTGTCAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAATGAATTAGGTAATG	52740
Sbjct	85716	GGTCCTAGTGTGGTTTAGTTGTCAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAATGAATTAGGTAATG	85657
Query	52741	TTCCTTCTGTTTCTATTTTATGGAGTAGTTTGAAGATATTGGTATTAGGTCTTCTTTGAA	52800
Sbjct	85656	TTCCTTCTGTTTCTATTTTATGGAGTAGTTTGAAGATATTGGTATTAGGTCTTCTTTGAA	85597
Query	52801	GGTCTGGTGGAATTCTGAACTAAATCCATCTGGTCCTGGA	52860
Sbjct	85596	GGTCTGGTGGAATTCTGAACTAAATCCATCTGGTCCTGGACTTTTTTTTAGTTTGAGGT	85537
Query	52861	ttttcttttctttcttttctttcttttttttttATTAACCTGAGTATTTCTTATATACATTT	52920
Sbjct	85536	TTTCTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTATTAACCTGAGTATTTCTTATATACATTT	85477
Query	52921	CGAGTGTTATTCCCTTTCCAGGTTTCCAAGCCAACAACCCACTAA	52980
Sbjct	85476	CGAGTGTTATTCCCTTTCCAGGTTTCCAAGCCAACAACCCACTAACCCCTCCCCCTCCCT	85417
Query	52981	tctctatgtctgttccccctccccatcctccccccattgccgcctccaccaACAATCAC	53040
Sbjct	85416	TCTCTATGTCTGTTCCCTCCCCATCTCCCCCATTGCCGCCCTCCACCCAACAATCAC	85357
Query	53041	ATTCACTGGGGGTTTCAGTCATAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGATCTTAC	53100
Sbjct	85356	ATTCACTGGGGGTTTCAGTCATAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGATCTTAC	85297
Query	53101	TAGGATATTTCATTGCTACCTATGGGGTCAGATCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAG	53160
Sbjct	85296	TAGGATATTTCATTGCTACCTATGGGGTCAGATCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAG	85237
Query	53161	GTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCG	53220
Sbjct	85236	GTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCG	85177
Query	53221	AGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCTTACAACGGGGGTCCCGTTCTCAG	53280
Sbjct	85176	AGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTCTTACAACGGGGGTCCCGTTCTCAG	85117
Query	53281	TTCAGTGGTTTGTCTGCTGGCATTGCTTCTGTGTTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCA	53340
Sbjct	85116	TTCAGTGGTTTGTCTGCTGGCATTGCTTCTGTGTTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCA	85057
Query	53341	GGAGCGATCTACATCCGACTCCTGTGCGCCTGCACCTCTTGCTTCATCCATCTTGTCTA	53400
Sbjct	85056	GGAGCGATCTACATCCGACTCCTGTGCGCCTGCACCTCTTGCTTCATCCATCTTGTCTA	84997
Query	53401	ATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTC	53460
Sbjct	84996	ATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTC	84937
Query	53461	AGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTT	53520
Sbjct	84936	AGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTT	84877
Query	53521	AAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGAC	53580
Sbjct	84876	AAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGAC	84817
Query	53581	ATCTAGGGTAATTACGCACTTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTG	53640
Sbjct	84816	ATCTAGGGTAATTACGCACTTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTG	84757
Query	53641	TGTTTTTCTGTAATTGTGTTACCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTCGACCATTTGC	53700

Sbjct	84756	TCTGTAATTGTGTACCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTCGACCATTTGC	84697
Query	53701	CTACGAATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATGT	53760
Sbjct	84696	CTACGAATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAGATGT	84637
Query	53761	ACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTGGAAGGGCATCTGGGTCTTTCCAGCTTCTGG	53820
Sbjct	84636	ACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTGGAAGGGCATCTGGGTCTTTCCAGCTTCTGG	84577
Query	53821	CTATTATAAATAAGACTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTATATGTTGGGG	53880
Sbjct	84576	CTATTATAAATAAGACTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGTTATATGTTGGGG	84517
Query	53881	CATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTACAATGT	53940
Sbjct	84516	CATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTACAATGT	84457
Query	53941	CCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCC	54000
Sbjct	84456	CCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCC	84397
Query	54001	ACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTG	54060
Sbjct	84396	ACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTG	84337
Query	54061	AGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTT	54120
Sbjct	84336	AGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTT	84277
Query	54121	GCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTTCGGC	54180
Sbjct	84276	GCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTTCGGC	84217
Query	54181	ATTCCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTG	54240
Sbjct	84216	ATTCCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTG	84157
Query	54241	TTTCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCCTTGATATTTTGATATAAGGCCTCTATCTG	54300
Sbjct	84156	TTTCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCCTTGATATTTTGATATAAGGCCTCTATCTG	84097
Query	54301	TTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGATTTATCCTAACAACAG	54360
Sbjct	84096	TTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGATTTATCCTAACAACAG	84037
Query	54361	TGTCCTTTGAGTTACAGAAGCTTTCCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCAATTCTTGATC	54420
Sbjct	84036	TGTCCTTTGAGTTACAGAAGCTTTCCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCAATTCTTGATC	83977
Query	54421	TTAGAGCATTAGCCATTGGTGTTCGTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCA	54480
Sbjct	83976	TTAGAGCATTAGCCATTGGTGTTCGTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCA	83917
Query	54481	GATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGGTCCT	54540
Sbjct	83916	GATGCTTCCCTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGGTCCT	83857
Query	54541	TGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGGATGGATCGATCTGCATTCTTC	54600
Sbjct	83856	TGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGGATGGATCGATCTGCATTCTTC	83797
Query	54601	TACATGCTGACCTCCTGTTAAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATT	54660
Sbjct	83796	TACATGCTGACCTCCTGTTAAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATT	83737
Query	54661	GGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTG	54720
Sbjct	83736	GGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTG	83677
Query	54721	GGTCTTCAATTCTGTTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAATACCATGCAGTTT	54780
Sbjct	83676	GGTCTTCAATTCTGTTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAATACCATGCAGTTT	83617
Query	54781	TTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCC	54840
Sbjct	83616	TTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCC	83557
Query	54841	TTTTATAGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGC	54900
Sbjct	83556	TTTTATAGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGC	83497
Query	54901	AAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGA	54960
Sbjct	83496	AAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGA	83437
Query	54961	ATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGACATTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATG	55020
Sbjct	83436	ATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGACATTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATG	83377

Query	55021	AGCATGGAAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTTTTCTTCAATTTCTTCTTCAGAGTGTTGA	55080
Sbjct	83376	AGCATGGAAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTTTTCTTCAATTTCTTCTTCAGAGTGTTGA	83317
Query	55081	AGTTCTTATTGTACAGATCTTTACTTGCTTGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATAT	55140
Sbjct	83316	AGTTCTTATTGTACAGATCTTTACTTGCTTGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATAT	83257
Query	55141	TATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGTCTGTTCCCTAATTTCTTCTCGGCTTGTTTCTCTT	55200
Sbjct	83256	TATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGTCTGTTCCCTAATTTCTTCTCGGCTTGTTTCTCTT	83197
Query	55201	TTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGA	55260
Sbjct	83196	TTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGA	83137
Query	55261	AGTTGTTTATCAGCTTTAGGAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATATACTA	55320
Sbjct	83136	AGTTGTTTATCAGCTTTAGGAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATATACTA	83077
Query	55321	TCATGTCATCTGCAAAATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTCCGATCTGTATCCCTTTGA	55380
Sbjct	83076	TCATGTCATCTGCAAAATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTCCGATCTGTATCCCTTTGA	83017
Query	55381	TCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGG	55440
Sbjct	83016	TCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGG	82957
Query	55441	GAGAGAGTGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTC	55500
Sbjct	82956	GAGAGAGTGGGCAGCCTTGCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTC	82897
Query	55501	CATTTAGTTTAAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTAGGTATG	55560
Sbjct	82896	CATTTAGTTTAAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTAGGTATG	82837
Query	55561	GGCCTTGAATTCCTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGTGTTGAATTTGTCAA	55620
Sbjct	82836	GGCCTTGAATTCCTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGTGTTGAATTTGTCAA	82777
Query	55621	ATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATTATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATAT	55680
Sbjct	82776	ATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATTATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATAT	82717
Query	55681	AATGGATCACGTTGATGGTTTTCTTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGC	55740
Sbjct	82716	AATGGATCACGTTGATGGTTTTCTTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGC	82657
Query	55741	CTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGATTTCGGTTTGCCAGAATTT	55800
Sbjct	82656	CTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGATTTCGGTTTGCCAGAATTT	82597
Query	55801	TATTGAGTATTTTGCCTCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTG	55860
Sbjct	82596	TATTGAGTATTTTGCCTCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTG	82537
Query	55861	TTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTGTGCT	55920
Sbjct	82536	TTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTGTGCT	82477
Query	55921	CCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAG	55980
Sbjct	82476	CCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAG	82417
Query	55981	GTTTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCT	56040
Sbjct	82416	GTTTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCT	82357
Query	56041	TTAATGACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCC	56100
Sbjct	82356	TTAATGACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCC	82297
Query	56101	TGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGAAGATTTTCA	56160
Sbjct	82296	TGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGAAGATTTTCA	82237
Query	56161	AGTTTGTGTTGAATATAGGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTGTATTTCCTCTGAA	56220
Sbjct	82236	AGTTTGTGTTGAATATAGGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTGTATTTCCTCTGAA	82177
Query	56221	TCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGT	56280
Sbjct	82176	TCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGT	82117
Query	56281	CCTCTCGTTAGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAACTT	56340
Sbjct	82116	CCTCTCGTTAGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAACTT	82057
Query	56341	TTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTGTCTTCTACTGGTTGATTTTCAGCTCTGA	56400

Sbjct	82056	TCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTTGTTTCTACTGGTTGATTTCAAGCTCTGA	81997
Query	56401	GTTTGATTATTTCTCGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAG	56460
Sbjct	81996	GTTTGATTATTTCTCGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAG	81937
Query	56461	CTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCAC	56520
Sbjct	81936	CTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTCTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCAC	81877
Query	56521	TCGGCACTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGTATG	56580
Sbjct	81876	TCGGCACTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAGTTTGGGTATG	81817
Query	56581	TTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTAAGAAGTCTTTAACTTCTTTCTTTATTTCTTCCT	56640
Sbjct	81816	TTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTAAGAAGTCTTTAACTTCTTTCTTTATTTCTTCCT	81757
Query	56641	TGACCAGGTTATCATTGAGTAGAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGCATTCT	56700
Sbjct	81756	TGACCAGGTTATCATTGAGTAGAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGCATTCT	81697
Query	56701	TCCCTTATTGTCATTGAAGACAAGCTTTATCCCGTGGTGGTCTGATAGCACGCATGGGAT	56760
Sbjct	81696	TCCCTTATTGTCATTGAAGACAAGCTTTATCCCGTGGTGGTCTGATAGCACGCATGGGAT	81637
Query	56761	TATTTCTATCTTTCTGTACCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTT	56820
Sbjct	81636	TATTTCTATCTTTCTGTACCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTT	81577
Query	56821	GGAGAAAGTACCATGAGGTGCCTAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGT	56880
Sbjct	81576	GGAGAAAGTACCATGAGGTGCCTAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGT	81517
Query	56881	CCTATAAATATCTAAGTCCATTGGGCTCATGACTTCTCTTTGCTGTCTATGTCTCTGTT	56940
Sbjct	81516	CCTATAAATATCTAAGTCCATTGGGCTCATGACTTCTCTTTGCTGTCTATGTCTCTGTT	81457
Query	56941	TAATTTCTGTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCTACTATT	57000
Sbjct	81456	TAATTTCTGTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCTACTATT	81397
Query	57001	ATTGTGTGAGGTGCAACGTGTGTGTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGT	57060
Sbjct	81396	ATTGTGTGAGGTGCAACGTGTGTGTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGT	81337
Query	57061	GCCCTTGTATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCT	57120
Sbjct	81336	GCCCTTGTATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCT	81277
Query	57121	TTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGAAAATTGATT	57180
Sbjct	81276	TTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGAAAATTGATT	81217
Query	57181	TTATCTGATATTACAATCGCTACTCCAGCTTGCTTCTCCGACCATTGCTTGGAATTT	57240
Sbjct	81216	TTATCTGATATTACAATCGCTACTCCAGCTTGCTTCTCCGACCATTGCTTGGAATTT	81157
Query	57241	GTTTTCCAGCCTTTCACCTGAGGTAATGTCTGTCTTTCTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGT	57300
Sbjct	81156	GTTTTCCAGCCTTTCACCTGAGGTAATGTCTGTCTTTCTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGT	81097
Query	57301	AGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTTGTTGTGTATCAAGTTTGTTATCTATTTCTTTTATT	57360
Sbjct	81096	AGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTTGTTGTGTATCAAGTTTGTTATCTATTTCTTTTATT	81037
Query	57361	GGGGAGTTGAGGTCATTGATGTTGAGAGATAATAAGGAATAGTAATTATTTCTTCTCATA	57420
Sbjct	81036	GGGGAGTTGAGGTCATTGATGTTGAGAGATAATAAGGAATAGTAATTATTTCTTCTCATA	80977
Query	57421	TTTGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTGTGTTTGTACCAAGACGATT	57480
Sbjct	80976	TTTGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTGTGTTTGTACCAAGACGATT	80917
Query	57481	AGTTTCTTGCTTCTGCTAAGGTATAGCTTGCCCTCCTTATATTGGGCTTTATCATTTATTA	57540
Sbjct	80916	AGTTTCTTGCTTCTGCTAAGGTATAGCTTGCCCTCCTTATATTGGGCTTTATCATTTATTA	80857
Query	57541	TCGTTTGTAGTGCTGGATTTGTATAAAGATATTGTATAAATATGGTTTTGTCATGGAATA	57600
Sbjct	80856	TCGTTTGTAGTGCTGGATTTGTATAAAGATATTGTATAAATATGGTTTTGTCATGGAATA	80797
Query	57601	TCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGC	57660
Sbjct	80796	TCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGC	80737
Query	57661	ATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGATATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCT	57720
Sbjct	80736	ATTTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGATATCTGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCT	80677

Query	57721	CTGGCGAAAAGTCTTGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTT	57780
Sbjct	80676	CTGGCGAAAAGTCTTGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTT	80617
Query	57781	CCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTATGT	57840
Sbjct	80616	CCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACTATTATGT	80557
Query	57841	GACGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTGTTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGC	57900
Sbjct	80556	GACGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTGTTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGC	80497
Query	57901	TTATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATAATTCTGTTGAAGATAT	57960
Sbjct	80496	TTATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATAATTCTGTTGAAGATAT	80437
Query	57961	TTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTG	58020
Sbjct	80436	TTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTG	80377
Query	58021	ATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTTTA	58080
Sbjct	80376	ATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCTGCTTTA	80317
Query	58081	CATTATCTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCT	58140
Sbjct	80316	CATTATCTTTGACAGTTGAGTCGATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCT	80257
Query	58141	CTTCCATCTCTTGTATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGTCTTTCTTTTG	58200
Sbjct	80256	CTTCCATCTCTTGTATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGTCTTTCTTTTG	80197
Query	58201	GTTTTCTATATCCAGGGTTGTTAACATGTGTTCTTTCTTGATCGCTTCTATTTCATT	58260
Sbjct	80196	GTTTTCTATATCCAGGGTTGTTAACATGTGTTCTTTCTTGATCGCTTCTATTTCATT	80137
Query	58261	TAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGACTC	58320
Sbjct	80136	TAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGACTC	80077
Query	58321	CTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTG	58380
Sbjct	80076	CTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTG	80017
Query	58381	CGATTCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGTGTTTCTTAAGGGA	58440
Sbjct	80016	CGATTCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGTGTTTCTTAAGGGA	79957
Query	58441	GTTCTTCTCGTCTTTCTTGGAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAG	58500
Sbjct	79956	GTTCTTCTCGTCTTTCTTGGAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAG	79897
Query	58501	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATTCATGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTC	58560
Sbjct	79896	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATTCATGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTC	79837
Query	58561	TGATGGTGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCACTTGCCCTTGCCAT	58620
Sbjct	79836	TGATGGTGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCACTTGCCCTTGCCAT	79777
Query	58621	CAGATTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCCGTGATC	58680
Sbjct	79776	CAGATTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCCGTGATC	79717
Query	58681	AGGGGTGCTGTAGACCTGTTTTCTGTTTCTGTGCAGCCAGTTATGGGAACAGAGTGTT	58740
Sbjct	79716	AGGGGTGCTGTAGACCTGTTTTCTGTTTCTGTGCAGCCAGTTATGGGAACAGAGTGTT	79657
Query	58741	TGCTTTCGGGCATGTAGTTTTTCTCTCTACAGGTCTTCAGCTCTTCTGTGGGCCTGTG	58800
Sbjct	79656	TGCTTTCGGGCATGTAGTTTTTCTCTCTACAGGTCTTCAGCTCTTCTGTGGGCCTGTG	79597
Query	58801	TCTTGAGATCTCCAGGCAGTTCGCTTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCTGA	58860
Sbjct	79596	TCTTGAGATCTCCAGGCAGTTCGCTTGGAGCAGAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCTGA	79537
Query	58861	GGCTCATGTTTGCTCGTGGGGTGCTGCCTACGAGCTCTCCTCGGAGTAACAACCAGGAA	58920
Sbjct	79536	GGCTCATGTTTGCTCGTGGGGTGCTGCCTACGAGCTCTCCTCGGAGTAACAACCAGGAA	79477
Query	58921	GATCTGAGCTGCCCTTTCCAGGAGCTTCTGTGCACCAGAGTTCCAGATGGCGTTTGGTAT	58980
Sbjct	79476	GATCTGAGCTGCCCTTTCCAGGAGCTTCTGTGCACCAGAGTTCCAGATGGCGTTTGGTAT	79417
Query	58981	TTTCCTCTGGCATCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTGTCTTCTGGTTTCCCAGGCTTG	59040
Sbjct	79416	TTTCCTCTGGCATCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTGTCTTCTGGTTTCCCAGGCTTG	79357
Query	59041	TCTGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTA	59100

Sbjct	79356	TCTGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTA	79297
Query	59101	TCCGGTCGGTCCCTTCAGGTTCTGGCCGTGTCTCAGACTCAGTGGACCTGCTGCTGCTGT	59160
Sbjct	79296	TCCGGTCGGTCCCTTCAGGTTCTGGCCGTGTCTCAGACTCAGTGGACCTGCTGCTGCTGT	79237
Query	59161	GCCCTTATCCAAGGGAACCTCAGAAGCCGTATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGG	59220
Sbjct	79236	GCCCTTATCCAAGGGAACCTCAGAAGCCGTATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGG	79177
Query	59221	CAGGGGTGGGCTGTGTTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCACCTGTC	59280
Sbjct	79176	CAGGGGTGGGCTGTGTTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCACCTGTC	79117
Query	59281	CAGGCAGTGAGGACTCTCTCCACGCGGTTTGGGAGCAGATTATTTTAAATTTAATTTT	59340
Sbjct	79116	CAGGCAGTGAGGACTCTCTCCACGCGGTTTGGGAGCAGATTATTTTAAATTTAATTTT	79057
Query	59341	AGTGTTTTTCACTTATGCACTTTACATCTCACTTCCCTCTTCCTGATCACCCACTCTCAC	59400
Sbjct	79056	AGTGTTTTTCACTTATGCACTTTACATCTCACTTCCCTCTTCCTGATCACCCACTCTCAC	78997
Query	59401	AATCCTTACCCCATTCCTATTCCCTTCTCGTTTGAGAAGTTTGTGGCTCCCTCGGTAT	59460
Sbjct	78996	AATCCTTACCCCATTCCTATTCCCTTCTCGTTTGAGAAGTTTGTGGCTCCCTCGGTAT	78937
Query	59461	CCTCTAACTCTGTCATCTCAAATCTCTGTGAGGCTAGGTGCTTCTTCCCTCTGAGGCCAG	59520
Sbjct	78936	CCTCTAACTCTGTCATCTCAAATCTCTGTGAGGCTAGGTGCTTCTTCCCTCTGAGGCCAG	78877
Query	59521	ACAAGGCAGCCTTCCTAGAATAACAGCTTTTGGGATAGCTCCCACACCAATTGTTTCAGGA	59580
Sbjct	78876	ACAAGGCAGCCTTCCTAGAATAACAGCTTTTGGGATAGCTCCCACACCAATTGTTTCAGGA	78817
Query	59581	CCTCCATGAAAGTCAAGCTGCCTACATATCCCCTGCATATGTGTAGGGAGGCCTAGACCA	59640
Sbjct	78816	CCTCCATGAAAGTCAAGCTGCCTACATATCCCCTGCATATGTGTAGGGAGGCCTAGACCA	78757
Query	59641	AGCCTGTATATGTTCTTTGGTTGGTGTTCAGTCTCTGAGAGCCTAAAGAGTCCAAGTTA	59700
Sbjct	78756	AGCCTGTATATGTTCTTTGGTTGGTGTTCAGTCTCTGAGAGCCTAAAGAGTCCAAGTTA	78697
Query	59701	GTAGATTCCATTGGTCTTTCTGTGCAATTCCTATCCTTCCTTTTATTCTTCCATAAAAGT	59760
Sbjct	78696	GTAGATTCCATTGGTCTTTCTGTGCAATTCCTATCCTTCCTTTTATTCTTCCATAAAAGT	78637
Query	59761	CTCTAAGGTCCACCAATGTTTGGCCATGGGGATCTGCGTCTGTTTCAGTCACTTGCTGGG	59820
Sbjct	78636	CTCTAAGGTCCACCAATGTTTGGCCATGGGGATCTGCGTCTGTTTCAGTCACTTGCTGGG	78577
Query	59821	TGGACCCCTCTCAGAGGGCAGCATGCTCCTGTCTTCAAGCATAATACCACATTATTAATAG	59880
Sbjct	78576	TGGACCCCTCTCAGAGGGCAGCATGCTCCTGTCTTCAAGCATAATACCACATTATTAATAG	78517
Query	59881	TGATAGGGATTGGTGCTTGCCATGAGATGTGTATCCAGTTGAAGTGGTTATTGGTTGGC	59940
Sbjct	78516	TGATAGGGATTGGTGCTTGCCATGAGATGTGTATCCAGTTGAAGTGGTTATTGGTTGGC	78457
Query	59941	CATTCCCTCAGTCTCTGTTCACCCCCCATTTCTTGTAGACAGGATAAAATTGGGTAAAA	60000
Sbjct	78456	CATTCCCTCAGTCTCTGTTCACCCCCCATTTCTTGTAGACAGGATAAAATTGGGTAAAA	78397
Query	60001	AGTTTGTGAGAGTGTTTGATATCTTTGTCAATCCACTGGGTTTCCTGCTGGACTACAAG	60060
Sbjct	78396	AGTTTGTGAGAGTGTTTGATATCTTTGTCAATCCACTGGGTTTCCTGCTGGACTACAAG	78337
Query	60061	AGGTGGCCTCTTCAGGTTCCACATTCCCAGTGCTATGAATCACAGCTAAGATTACCTCCT	60120
Sbjct	78336	AGGTGGCCTCTTCAGGTTCCACATTCCCAGTGCTATGAATCACAGCTAAGATTACCTCCT	78277
Query	60121	TAGGTGTGTCCCATATTTCCAGGTCTCTGTCTTGACTTGGAATGTACACATTCCTCAT	60180
Sbjct	78276	TAGGTGTGTCCCATATTTCCAGGTCTCTGTCTTGACTTGGAATGTACACATTCCTCAT	78217
Query	60181	TCCCATCAGTTGCAGATTTTCATGGACCACTAGCTATCTCTCCTGTCTTCCTCACAGCT	60240
Sbjct	78216	TCCCATCAGTTGCAGATTTTCATGGACCACTAGCTATCTCTCCTGTCTTCCTCACAGCT	78157
Query	60241	ATCCTGAAACCCTGATGACCGTCTTCATTCCCTCCCACATTCCCTCCCTCCCTCCATCTCT	60300
Sbjct	78156	ATCCTGAAACCCTGATGACCGTCTTCATTCCCTCCCACATTCCCTCCCTCCCTCCATCTCT	78097
Query	60301	TATGACAATTTAATTTCCCATCTAAGTGAGAGTCTTCCTAAATGTTTAGCTTCTTTAGTT	60360
Sbjct	78096	TATGACAATTTAATTTCCCATCTAAGTGAGAGTCTTCCTAAATGTTTAGCTTCTTTAGTT	78037
Query	60361	CTATGAAGTGAAGCATGGTGCCTGTATGTTGTGGCTAATATCCAATATAAGGGAGTATAT	60420
Sbjct	78036	CTATGAAGTGAAGCATGGTGCCTGTATGTTGTGGCTAATATCCAATATAAGGGAGTATAT	77977



Query	60421	ACCATGCATGTAATTTTGGGACTGGGTACCTTACTCAGAATGCTCTTCATAGGTCCATC	60480
Sbjct	77976	ACCATGCATGTAATTTTGGGACTGGGTACCTTACTCAGAATGCTCTTCATAGGTCCATC	77917
Query	60481	CATTACCTGCATAATTGGCGATGGCTTTGTTTTTAATAGCTGAAAAGAATTGATTGTT	60540
Sbjct	77916	CATTACCTGCATAATTGGCGATGGCTTTGTTTTTAATAGCTGAAAAGAATTGATTGTT	77857
Query	60541	TAGATGTAAAACATCTTCTTTAACCATTTCTTTAGTTAAGAGACATTTAGGTTTCCAGTTT	60600
Sbjct	77856	TAGATGTAAAACATCTTCTTTAACCATTTCTTTAGTTAAGAGACATTTAGGTTTCCAGTTT	77797
Query	60601	CTGCGATTATGAATAAAGCTGTTATGAACATAACTGAGCAAGTTCTTTGTGGGACAGTGG	60660
Sbjct	77796	CTGCGATTATGAATAAAGCTGTTATGAACATAACTGAGCAAGTTCTTTGTGGGACAGTGG	77737
Query	60661	AGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGTGAATAGCTGTGTTTTGAGACACAACCTATTTT	60720
Sbjct	77736	AGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGTGAATAGCTGTGTTTTGAGACACAACCTATTTT	77677
Query	60721	CAGTTTTCTAAGAAACCACCACATTGTTTGCCAAAGTAGTTGAACAACATTACACTCCCA	60780
Sbjct	77676	CAGTTTTCTAAGAAACCACCACATTGTTTGCCAAAGTAGTTGAACAACATTACACTCCCA	77617
Query	60781	CCATGAATGAAGAAGTGTTTCATTACTCCACATCCTCACCAGCATCTCCTATCTTTACAGT	60840
Sbjct	77616	CCATGAATGAAGAAGTGTTTCATTACTCCACATCCTCACCAGCATCTCCTATCTTTACAGT	77557
Query	60841	TTTTGATCTTTGCTATTATGAGTGTAAGATGGAAACTCAGAGTTGTTATGAATTACATTT	60900
Sbjct	77556	TTTTGATCTTTGCTATTATGAGTGTAAGATGGAAACTCAGAGTTGTTATGAATTACATTT	77497
Query	60901	TCTGATGTCTATCAAACCAGAACatttttttcttagtaatttttaaaaaagcttttgtttgt	60960
Sbjct	77496	TCTGATGTCTATCAAACCAGAACATTTTCTTAGTAATTTTAAAAAAGCTTTTGTTTGT	77437
Query	60961	ctgtttgtttgtttatttatttttacactccagattttattaCCTCCCAGGCCACCCCC	61020
Sbjct	77436	CTGTTTGTTTGTTTATTTATTTTACACTCCAGATTTTATTACCTCCCAGGCCACCCCC	77377
Query	61021	TGACTATTCCACATCCCATAACCTCTCTCACTCCTGTAAGCGAAGGATGCTGACGGTACCT	61080
Sbjct	77376	TGACTATTCCACATCCCATAACCTCTCTCACTCCTGTAAGCGAAGGATGCTGACGGTACCT	77317
Query	61081	GGGAGAGAATGGGGGACAAGGGACACGAAGAAGGACACCAAGACAAGAGTCAGACCAAGG	61140
Sbjct	77316	GGGAGAGAATGGGGGACAAGGGACACGAAGAAGGACACCAAGACAAGAGTCAGACCAAGG	77257
Query	61141	CGACAACTTCAGTTTTTCCCCAAGGCTGAATTTATACCATAACATGGGTAACAGAGGGAGG	61200
Sbjct	77256	CGACAACTTCAGTTTTTCCCCAAGGCTGAATTTATACCATAACATGGGTAACAGAGGGAGG	77197
Query	61201	GGGGAAGTGTAACATTTATCCAGGCCAAGGACACAGTATTCGTGTGGTCAGGGAGTAG	61260
Sbjct	77196	GGGGAAGTGTAACATTTATCCAGGCCAAGGACACAGTATTCGTGTGGTCAGGGAGTAG	77137
Query	61261	GCTATGTTGACAGGATGTCAGAAAGGTCACAGGTTTGTATATTATTAGTCAGCAGGATG	61320
Sbjct	77136	GCTATGTTGACAGGATGTCAGAAAGGTCACAGGTTTGTATATTATTAGTCAGCAGGATG	77077
Query	61321	TCTTTATCATATTATTATTATCTTGACTACCAGATTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGC	61380
Sbjct	77076	TCTTTATCATATTATTATTATCTTGACTACCAGATTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGC	77017
Query	61381	TAGGGATTTTCTATAAACACAGTCATACTTAATTCTAACCATAATAATAACATCAACAAT	61440
Sbjct	77016	TAGGGATTTTCTATAAACACAGTCATACTTAATTCTAACCATAATAATAACATCAACAAT	76957
Query	61441	GGAGGGCCTCAAGGGCTCTCAACACACCCCCATTCCACCCAGCTCACCAGACCTCTAAAT	61500
Sbjct	76956	GGAGGGCCTCAAGGGCTCTCAACACACCCCCATTCCACCCAGCTCACCAGACCTCTAAAT	76897
Query	61501	TTCTTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTCATCTTCTCTGACTGAACCTAGACCCAGGACT	61560
Sbjct	76896	TTCTTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTCATCTTCTCTGACTGAACCTAGACCCAGGACT	76837
Query	61561	CTCACATATGTGTCGGAGGTCTCATCTCGGCTGGTGTATACCACCTCATTGGTGATCCAG	61620
Sbjct	76836	CTCACATATGTGTCGGAGGTCTCATCTCGGCTGGTGTATACCACCTCATTGGTGATCCAG	76777
Query	61621	GGTCTGAGAGATCTCGGGGTCCAGGTTAATTGAGACTGCTGGTCCTCCTACAGGGTCCT	61680
Sbjct	76776	GGTCTGAGAGATCTCGGGGTCCAGGTTAATTGAGACTGCTGGTCCTCCTACAGGGTCCT	76717
Query	61681	CCTCCTCAAAAACTTCTTCCGGCCTTTCCCTGATACAATCACAAGTGTGCTTGACTTGGT	61740
Sbjct	76716	CCTCCTCAAAAACTTCTTCCGGCCTTTCCCTGATACAATCACAAGTGTGCTTGACTTGGT	76657
Query	61741	TGAGTGTTAGTATCTACTTTTCCCTTAGTCAGCTGCTTCTTTGGGTCTTACAGAGGGCAA	61800

Sbjct	76656	TGAGTGTTAGTATCTACTTTTCCCTTAGTCAGCTGCTTCTTTGGGTCTTACAGAGGGCAA	76597
Query	61801	TCATTGCGGTGTAAGACTCAATCTGAGTCTCAACTACCAGAAAACCTTCCATGAATGAGAC	61860
Sbjct	76596	TCATTGCGGTGTAAGACTCAATCTGAGTCTCAACTACCAGAAAACCTTCCATGAATGAGAC	76537
Query	61861	GTGAGACCAAACATTGATTTAAAAGCAAGAGGATAATTATTCCAGCTAGCTGGGGTTCGC	61920
Sbjct	76536	GTGAGACCAAACATTGATTTAAAAGCAAGAGGATAATTATTCCAGCTAGCTGGGGTTCGC	76477
Query	61921	CTACATTGGAAAGAGAGGGACACAGAGCTGGTTTGAATCATGGTTTAATTCCTCCCGTGG	61980
Sbjct	76476	CTACATTGGAAAGAGAGGGACACAGAGCTGGTTTGAATCATGGTTTAATTCCTCCCGTGG	76417
Query	61981	TTAACTACCCTGATGGAACCTGTCAATTGTTTTACTCTTGCTTTTGACCTTCAGGCCCTG	62040
Sbjct	76416	TTAACTACCCTGATGGAACCTGTCAATTGTTTTACTCTTGCTTTTGACCTTCAGGCCCTG	76357
Query	62041	CATTTTAAATTGCCTTGAATCCTTTGTATAAGACTTCGTTAATACAGTGCAAGTGATCGT	62100
Sbjct	76356	CATTTTAAATTGCCTTGAATCCTTTGTATAAGACTTCGTTAATACAGTGCAAGTGATCGT	76297
Query	62101	GCTTAGACACCAGTACCAGGGTGTCATGGCCGAAGAAACTGGGTGATTTTCATGATTGTAA	62160
Sbjct	76296	GCTTAGACACCAGTACCAGGGTGTCATGGCCGAAGAAACTGGGTGATTTTCATGATTGTAA	76237
Query	62161	TACTCACAAGAAAAAGGGGAAATGAAAGAAAAGGGCTATTACTTTTCCAACAGCCTCAGG	62220
Sbjct	76236	TACTCACAAGAAAAAGGGGAAATGAAAGAAAAGGGCTATTACTTTTCCAACAGCCTCAGG	76177
Query	62221	GTGACAAACAGCCCTCTCACTCCCATCCAGGAGGGAGTGCCCAATCTTATCTGGCTCAG	62280
Sbjct	76176	GTGACAAACAGCCCTCTCACTCCCATCCAGGAGGGAGTGCCCAATCTTATCTGGCTCAG	76117
Query	62281	TTCCCGGGATGTCTCCAGGAAGTCAGGGAGCCCTTTCCTCCCTGCATATAGATTGAGGAT	62340
Sbjct	76116	TTCCCGGGATGTCTCCAGGAAGTCAGGGAGCCCTTTCCTCCCTGCATATAGATTGAGGAT	76057
Query	62341	CCTGACACTGCTGCCCTAGTCTGAGGCAACCTAAAGGTCAACTGAGCCCACCAATGCTTG	62400
Sbjct	76056	CCTGACACTGCTGCCCTAGTCTGAGGCAACCTAAAGGTCAACTGAGCCCACCAATGCTTG	75997
Query	62401	TATGCCCCAATCACCACCTGCTGTAACCCACCTGCCCTCTACGAAATGTATAAACTGTACT	62460
Sbjct	75996	TATGCCCCAATCACCACCTGCTGTAACCCACCTGCCCTCTACGAAATGTATAAACTGTACT	75937
Query	62461	AACAGATTGTTTTGGGGTCACCTCTCTTCTGATGCAGGCCGACCCCGAATTGCTGGAATA	62520
Sbjct	75936	AACAGATTGTTTTGGGGTCACCTCTCTTCTGATGCAGGCCGACCCCGAATTGCTGGAATA	75877
Query	62521	ATTATCCTCTTGCTTTTGCATCGATCTCTCCCTCATGTCTCATTACAAGAGTTTCCTGG	62580
Sbjct	75876	ATTATCCTCTTGCTTTTGCATCGATCTCTCCCTCATGTCTCATTACAAGAGTTTCCTGG	75817
Query	62581	AAGTTAAGACTCAGGTCGAGTTGGTACAGTAGGCTCCTGTGAGAGAGAAGAAAGCATTCA	62640
Sbjct	75816	AAGTTAAGACTCAGGTCGAGTTGGTACAGTAGGCTCCTGTGAGAGAGAAGAAAGCATTCA	75757
Query	62641	AGGAGGTGGAGAAGGGACACTGATTAGGGAGAGGACAGCAAGGAGAAAAAGGAGAACATGG	62700
Sbjct	75756	AGGAGGTGGAGAAGGGACACTGATTAGGGAGAGGACAGCAAGGAGAAAAAGGAGAACATGG	75697
Query	62701	TCAGGAATTTGGGGAGAGGACGAAGTGATGCTCTGAGGGCCAGCAGAATGAATGGAAACA	62760
Sbjct	75696	TCAGGAATTTGGGGAGAGGACGAAGTGATGCTCTGAGGGCCAGCAGAATGAATGGAAACA	75637
Query	62761	GGCAACCTTGGGAGGTAGGAAATGGGGGAACTCTCTATAATATACCAAAGACTGGTAGGT	62820
Sbjct	75636	GGCAACCTTGGGAGGTAGGAAATGGGGGAACTCTCTATAATATACCAAAGACTGGTAGGT	75577
Query	62821	GAGGAAAACACAGGAATCAGAGGGAGGGACCTTAGATAAGAGCCCGGAGTGTTAAAGG	62880
Sbjct	75576	GAGGAAAACACAGGAATCAGAGGGAGGGACCTTAGATAAGAGCCCGGAGTGTTAAAGG	75517
Query	62881	GAACATGTACAGTCTTCTCCAGTAGAAAGAGAGGTCATCAAGTGGAGTGATGGTGTTCG	62940
Sbjct	75516	GAACATGTACAGTCTTCTCCAGTAGAAAGAGAGGTCATCAAGTGGAGTGATGGTGTTCG	75457
Query	62941	CATCCCACAGTCAAAACCTTTCACCCAGAATTGTTCTATCTGAAAGAACTGCAGAGACAG	63000
Sbjct	75456	CATCCCACAGTCAAAACCTTTCACCCAGAATTGTTCTATCTGAAAGAACTGCAGAGACAG	75397
Query	63001	AAATGGAGAAGGATCTAAGGAAAAGAAGGTGCAGTGACAGGCCCAAATTGAGATCCAGCT	63060
Sbjct	75396	AAATGGAGAAGGATCTAAGGAAAAGAAGGTGCAGTGACAGGCCCAAATTGAGATCCAGCT	75337
Query	63061	CAGGAGAAGGTCCCAAGGCCTATCACTATTACTCAGTCTATGGTGTGTTTAGAGACAGAA	63120
Sbjct	75336	CAGGAGAAGGTCCCAAGGCCTATCACTATTACTCAGTCTATGGTGTGTTTAGAGACAGAA	75277

Query	63121	GTGTAGGATGGCTGCCCTCCAAGAAGCCCAAGAAGCAGATGATTAAGTAAAATGAACCCA	63180
Sbjct	75276	GTGTAGGATGGCTGCCCTCCAAGAAGCCCAAGAAGCAGATGATTAAGTAAAATGAACCCA	75217
Query	63181	ATGGACAGAACCCAGGGAACCTAAGCGGTTGAATTAGGGAAAGACTGGAAGAAGCTGAGGA	63240
Sbjct	75216	ATGGACAGAACCCAGGGAACCTAAGCGGTTGAATTAGGGAAAGACTGGAAGAAGCTGAGGA	75157
Query	63241	GGAAGGCGACTCCATAGGAAAACCAGCAGTCTCAACTAACCTGGATCCCAGAGACCTCTC	63300
Sbjct	75156	GGAAGGCGACTCCATAGGAAAACCAGCAGTCTCAACTAACCTGGATCCCAGAGACCTCTC	75097
Query	63301	AGACACTGAGTCACTAACCAGGCAGCATACACTATCTGATATGGTGGCCCCGACTCATAT	63360
Sbjct	75096	AGACACTGAGTCACTAACCAGGCAGCATACACTATCTGATATGGTGGCCCCGACTCATAT	75037
Query	63361	ACAGCAGAGGACCGCATAGTCAGGCCTTAGTGAGAGAAGATGCATCTAACCTTCATGAGA	63420
Sbjct	75036	ACAGCAGAGGACCGCATAGTCAGGCCTTAGTGAGAGAAGATGCATCTAACCTTCATGAGA	74977
Query	63421	TTTGAGGCTCCAGGGAGTGGGGAGGCCTGGTGGTGTGGGGTATATGGACATCCTCTTGG	63480
Sbjct	74976	TTTGAGGCTCCAGGGAGTGGGGAGGCCTGGTGGTGTGGGGTATATGGACATCCTCTTGG	74917
Query	63481	AGATAGGGAAGGAGGAATGGGATGAGGAACTGTTTGATGGCAGACTGGGAGGGAGATAAC	63540
Sbjct	74916	AGATAGGGAAGGAGGAATGGGATGAGGAACTGTTTGATGGCAGACTGGGAGGGAGATAAC	74857
Query	63541	AATGGCACTAGGGaaaaaaaaagtaagaaaattaaaaaaaaagaaaaataaaagaggaaa	63600
Sbjct	74856	AATGGCACTAGGGAAAAAAAAAAGTAAAGAAAATTAAAAAAAAGAAAAATAAAGAGGAAA	74797
Query	63601	agaagggaaacaaaaTTCTGTCCAGGAAACAATTTGTTTGATATTCCAAGTATCTCAGCC	63660
Sbjct	74796	AGAAAGGAAACAAAATTCTGTCCAGGAAACAATTTGTTTGATATTCCAAGTATCTCAGCC	74737
Query	63661	ATTGAGACTCCCTTCTGTGCCATGCACAACTGCACAACCTGGGGACCCAGAACATATAT	63720
Sbjct	74736	ATTGAGACTCCCTTCTGTGCCATGCACAACTGCACAACCTGGGGACCCAGAACATATAT	74677
Query	63721	AGCCATGAAAACCTAGAAAACATTGCTGATTCCAAATAGTGCATGCTGTCAGGAGCCTAGT	63780
Sbjct	74676	AGCCATGAAAACCTAGAAAACATTGCTGATTCCAAATAGTGCATGCTGTCAGGAGCCTAGT	74617
Query	63781	ATACTATATACTGACAGGCTTTACCAGAGCATGACAAACACAGAGGAAGATGCTCTCAGT	63840
Sbjct	74616	ATACTATATACTGACAGGCTTTACCAGAGCATGACAAACACAGAGGAAGATGCTCTCAGT	74557
Query	63841	GAATCACTGAACTGAGAATGGGTCCGCAATGGAAGAGGTTAGAGAAAGGATTGAAAGAGC	63900
Sbjct	74556	GAATCACTGAACTGAGAATGGGTCCGCAATGGAAGAGGTTAGAGAAAGGATTGAAAGAGC	74497
Query	63901	TGAAGAGGCTTGCAACCCCATATGAATAACAAATGCCAACCAACGAGGGATCACAGGGAC	63960
Sbjct	74496	TGAAGAGGCTTGCAACCCCATATGAATAACAAATGCCAACCAACGAGGGATCACAGGGAC	74437
Query	63961	TAAACCACTCCCCAAAGACTATACATGGACTGACCCATGGCTCCAGCTGTGTATGTAGCA	64020
Sbjct	74436	TAAACCACTCCCCAAAGACTATACATGGACTGACCCATGGCTCCAGCTGTGTATGTAGCA	74377
Query	64021	TCAGTGGAAGGAAAAGTTTTTGGTCCTGCCAAGGCCTGATACCACAGTGTAGGGAAATGT	64080
Sbjct	74376	TCAGTGGAAGGAAAAGTTTTTGGTCCTGCCAAGGCCTGATACCACAGTGTAGGGAAATGT	74317
Query	64081	CAAGGGAGAGAGGCAGGAATGGGTGGGTGGGTGGGTGAGTGAAGACACGGACAGAAGCAA	64140
Sbjct	74316	CAAGGGAGAGAGGCAGGAATGGGTGGGTGGGTGGGTGAGTGAAGACACGGACAGAAGCAA	74257
Query	64141	GTGAAGGAAGAATGGTGTAGGGGTATTATGGACTGGAATCTAGAAAATGGAAGAACATTT	64200
Sbjct	74256	GTGAAGGAAGAATGGTGTAGGGGTATTATGGACTGGAATCTAGAAAATGGAAGAACATTT	74197
Query	64201	TAACTGTAAATGAAAAATATCCAATAAACAGTAAAGATAAAAGATTTATGCACTAATAAA	64260
Sbjct	74196	TAACTGTAAATGAAAAATATCCAATAAACAGTAAAGATAAAAGATTTATGCACTAATAAA	74137
Query	64261	AAATGGGGTACAGAGCTAAACGAAGAATTCTCAACTGAGGAATTCAGAATGGTTGAGATG	64320
Sbjct	74136	AAATGGGGTACAGAGCTAAACGAAGAATTCTCAACTGAGGAATTCAGAATGGTTGAGATG	74077
Query	64321	CACCTAAAGAAATGTTCTACATACTTAGTCATTAGGGAATTGCAAAATCAAAACCCTAAGA	64380
Sbjct	74076	CACCTAAAGAAATGTTCTACATACTTAGTCATTAGGGAATTGCAAAATCAAAACCCTAAGA	74017
Query	64381	TTCAACCTCAGGGACAGGAGATGTTGGTGAGGATGTGGAGAAAGGAACACTCCTACATTG	64440
Sbjct	74016	TTCAACCTCAGGGACAGGAGATGTTGGTGAGGATGTGGAGAAAGGAACACTCCTACATTG	73957
Query	64441	TTGGTGGGATTGCAAGTCCATACAGCTACTCTGGAAACCAGCCTGGCAGTTCCTGAGAAA	64500

Sbjct	73956	TTGGTGGGATTGCAAGTCCATACAGCTACTCTGGAAACCAGCCTGGCAGTTCCTGAGAAA	73897
Query	64501	ACTGGACATAGTACTATCTGGGGACCCAGCTCTACAACACCTGGCCATCCACCCAAAAGA	64560
Sbjct	73896	ACTGGACATAGTACTATCTGGGGACCCAGCTCTACAACACCTGGCCATCCACCCAAAAGA	73837
Query	64561	TGCTCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTCATAGCAGCCTTATTTATAAT	64620
Sbjct	73836	TGCTCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTCATAGCAGCCTTATTTATAAT	73777
Query	64621	AGCCAGAAGCTGGAAAGAAACCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGGTTTCATTTATATGA	64680
Sbjct	73776	AGCCAGAAGCTGGAAAGAAACCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGGTTTCATTTATATGA	73717
Query	64681	TGGAATACTACTCAGCTGAATCAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTACGCAGATGAATG	64740
Sbjct	73716	TGGAATACTACTCAGCTGAATCAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTACGCAGATGAATG	73657
Query	64741	GAACTAAAAAATAACATCCTGAGTGAAGAAACCCGGTCACAAAACAAGACATATAGCCAA	64800
Sbjct	73656	GAACTAAAAAATAACATCCTGAGTGAAGAAACCCGGTCACAAAACAAGACATATAGCCAA	73597
Query	64801	CATCAAATTAATGGAAGAAACTTGAAGCAATCCCACTAAAATCAGGGACTAGACAAGA	64860
Sbjct	73596	CATCAAATTAATGGAAGAAACTTGAAGCAATCCCACTAAAATCAGGGACTAGACAAGA	73537
Query	64861	CTGGTGATTCTCTCCCTTATCTATTCAATAAAGTCCTGGCCACAGCTTCCAGGGACTAAA	64920
Sbjct	73536	CTGGTGATTCTCTCCCTTATCTATTCAATAAAGTCCTGGCCACAGCTTCCAGGGACTAAA	73477
Query	64921	CCACCAACCAAGGAGTACACATGGAGGGACCCATGGCTCCAGCAGCATATGTAGCAGAGG	64980
Sbjct	73476	CCACCAACCAAGGAGTACACATGGAGGGACCCATGGCTCCAGCAGCATATGTAGCAGAGG	73417
Query	64981	TTGGCCTTCTTTGGCATCAATAGGAGAAAAAGCACTTGGTTCTGTGAAGGCTCATTTCCC	65040
Sbjct	73416	TTGGCCTTCTTTGGCATCAATAGGAGAAAAAGCACTTGGTTCTGTGAAGGCTCATTTCCC	73357
Query	65041	AGTGTAGGAGAATCCAGGGTGTTGAGTTGGGAGTGGGTGGGTGGGAGTGGGAGCATCCTC	65100
Sbjct	73356	AGTGTAGGAGAATCCAGGGTGTTGAGTTGGGAGTGGGTGGGTGGGAGTGGGAGCATCCTC	73297
Query	65101	ATACAATCAGGGGGGTGGAATATGGGAGAGGAGGAAAGGGGATAGTATTTGAAATGTA	65160
Sbjct	73296	ATACAATCAGGGGGGTGGAATATGGGAGAGGAGGAAAGGGGATAGTATTTGAAATGTA	73237
Query	65161	AATACATAAAATATCCAATAAGAAAGGaaaaaaaaTTATAATAAAAAGACGTTTTTCCTATT	65220
Sbjct	73236	AATACATAAAATATCCAATAAGAAAGGAAAAAAAAATTATAATAAAAAGACGTTTTTCCTATT	73177
Query	65221	AAGGGGTTCCCATTTTCTCACACATGAGAATTGCATCATTTGGGATCCCTGATTATTATG	65280
Sbjct	73176	AAGGGGTTCCCATTTTCTCACACATGAGAATTGCATCATTTGGGATCCCTGATTATTATG	73117
Query	65281	AATCATGGACTCATTTCAAAGAACAAATAGTTTCATTTAATCTAAATCCTACACTGAAAA	65340
Sbjct	73116	AATCATGGACTCATTTCAAAGAACAAATAGTTTCATTTAATCTAAATCCTACACTGAAAA	73057
Query	65341	ACAACTGAGATGATAAATGTTATCACCACCTCATGTAGGAATGCTTGAAGAAACTAACCT	65400
Sbjct	73056	ACAACTGAGATGATAAATGTTATCACCACCTCATGTAGGAATGCTTGAAGAAACTAACCT	72997
Query	65401	TAAAAATCTTTGTTGGTCAAATTTTCTCAGACATATATAATGaaaaaaaaTGACGGGCCCCACT	65460
Sbjct	72996	TAAAAATCTTTGTTGGTCAAATTTTCTCAGACATATATAATGAAAAAAATGACGGGCCCCACT	72937
Query	65461	AGGATTAAGATGAAGGGAGGCCCTAACAACTCTAAAGAGCTTATACACACACAAGTGAGT	65520
Sbjct	72936	AGGATTAAGATGAAGGGAGGCCCTAACAACTCTAAAGAGCTTATACACACACAAGTGAGT	72877
Query	65521	CTCTCTTTTATATCATAGTTTTATTAAATATTGCTTTTCCATGATATGTTTAACAGCTCC	65580
Sbjct	72876	CTCTCTTTTATATCATAGTTTTATTAAATATTGCTTTTCCATGATATGTTTAACAGCTCC	72817
Query	65581	CCAAAACATTTCTGAGTAAGTATTCAAAGCGGCCATATTAAAATACAGCTTCAATATAAA	65640
Sbjct	72816	CCAAAACATTTCTGAGTAAGTATTCAAAGCGGCCATATTAAAATACAGCTTCAATATAAA	72757
Query	65641	GTTTGTACAGTTTTACAATATTCAAAACTGACAGATCATCTTaaaaaaaaTAAACATGG	65700
Sbjct	72756	GTTTGTACAGTTTTACAATATTCAAAACTGACAGATCATCTTAAAAAAAAATAAACATGG	72697
Query	65701	ACCATTACACCCAAAACATAGGAAAATAATTAAGTAACATGTTTGGCATTTCATTACTT	65760
Sbjct	72696	ACCATTACACCCAAAACATAGGAAAATAATTAAGTAACATGTTTGGCATTTCATTACTT	72637
Query	65761	TACAAAATAAAGCAGATATTTAACTCTATTACTGGCACATGGACACTGATCTGTTAACCT	65820
Sbjct	72636	TACAAAATAAAGCAGATATTTAACTCTATTACTGGCACATGGACACTGATCTGTTAACCT	72577

Query	65821	AGTTTGAAATGTGTACATTTTAAACATACTATACAAGATCATTATACACACATCAACAAC	65880
Sbjct	72576	AGTTTGAAATGTGTACATTTTAAACATACTATACAAGATCATTATACACACATCAACAAC	72517
Query	65881	aaaaaaaaGTGATGTTCTTTTGATGAAGTGCACCCTGAAGATGTTGCCAATGTTGCTAAA	65940
Sbjct	72516	AAAAAAAAAGTGATGTTCTTTTGATGAAGTGCACCCTGAAGATGTTGCCAATGTTGCTAAA	72457
Query	65941	TGTTTAGAACATTTAGCTCTTAAGATTaaaaaataaaaaataaaaaataaaaaCAAAGGTCC	66000
Sbjct	72456	TGTTTAGAACATTTAGCTCTTAAGATTAAAAATAAAAAATAAAAAATAAAACAAAGGTCC	72397
Query	66001	TTTTCTTTTTTAGGACTGCTGAATTCACCTTCTCTCTCTGCTCTGTTTCTCTCCCCCTC	66060
Sbjct	72396	TTTTCTTTTTTAGGACTGCTGAATTCACCTTCTCTCTCTCTGCTCTGTTTCTCTCCCCCTC	72337
Query	66061	CCTCgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtCTGTAGTTTTGTTTCA	66120
Sbjct	72336	CCTCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCTGTAGTTTTGTTTCA	72277
Query	66121	TTTGTCAGCCTTCCTGGTTTAAATCAATTGGGTCTATGGACACCCACCAGGGGGCAGTG	66180
Sbjct	72276	TTTGTCAGCCTTCCTGGTTTAAATCAATTGGGTCTATGGACACCCACCAGGGGGCAGTG	72217
Query	66181	TAAGATGTGCCATTAAATCACAAACAGCTGCAAATATTGTACATTACCTTGCCGTGGAG	66240
Sbjct	72216	TAAGATGTGCCATTAAATCACAAACAGCTGCAAATATTGTACATTACCTTGCCGTGGAG	72157
Query	66241	GGTTCATCTCTGCAAACCTCTTCAGAATGGTGTGACCATCATTGGGGCAGCAACAGAAG	66300
Sbjct	72156	GGTTCATCTCTGCAAACCTCTTCAGAATGGTGTGACCATCATTGGGGCAGCAACAGAAG	72097
Query	66301	AGTTCTGCTGTCTGGGAATGTCTGCCTGCTGGGTGATACCTGAAGCCATATCATAAATAA	66360
Sbjct	72096	AGTTCTGCTGTCTGGGAATGTCTGCCTGCTGGGTGATACCTGAAGCCATATCATAAATAA	72037
Query	66361	TTGGAACATTATACTAACAGGTTCTTGGGGAGGGACTGATGTTTTCTGGGTTAGCTGAA	66420
Sbjct	72036	TTGGAACATTATACTAACAGGTTCTTGGGGAGGGACTGATGTTTTCTGGGTTAGCTGAA	71977
Query	66421	GAAAAAACAGCATTTTGGATTTCAGGACCACGGCTGGTGTCCAGGAGCTGCAATTGGTG	66480
Sbjct	71976	GAAAAAACAGCATTTTGGATTTCAGGACCACGGCTGGTGTCCAGGAGCTGCAATTGGTG	71917
Query	66481	GTGCACTAGGAGGGATGGTGAGGCAAAATTGAACGTTCCATTTACAGCTGGGTTGCTTGGT	66540
Sbjct	71916	GTGCACTAGGAGGGATGGTGAGGCAAAATTGAACGTTCCATTTACAGCTGGGTTGCTTGGT	71857
Query	66541	CTGGGAACACCTCCAACCTGCATTATATGCACACAGTCCCGGAGGATGTGTGTTGGCGCTC	66600
Sbjct	71856	CTGGGAACACCTCCAACCTGCATTATATGCACACAGTCCCGGAGGATGTGTGTTGGCGCTC	71797
Query	66601	CCAACAGCTTGGTGAAGGCTATAAGTGTGTTGGCTTTAAATGGTGGTCTCTGCAACTCTTG	66660
Sbjct	71796	CCAACAGCTTGGTGAAGGCTATAAGTGTGTTGGCTTTAAATGGTGGTCTCTGCAACTCTTG	71737
Query	66661	TTTCAAAGAAATTTCTCCAAAACCTGAAGCTCATCAGGTTTCCACTGTCCTACATTTTCAG	66720
Sbjct	71736	TTTCAAAGAAATTTCTCCAAAACCTGAAGCTCATCAGGTTTCCACTGTCCTACATTTTCAG	71677
Query	66721	GTGTCACTTTTAGCTGAAGGGTCTGGTTGGTTTGGGGACTAAGGGTTACTCTGCATTTC	66780
Sbjct	71676	GTGTCACTTTTAGCTGAAGGGTCTGGTTGGTTTGGGGACTAAGGGTTACTCTGCATTTC	71617
Query	66781	GGGCATCTGTCTTGAACATGATTACACCAGGTTTATTGGAAGTATCAGCTGCAATGTCT	66840
Sbjct	71616	GGGCATCTGTCTTGAACATGATTACACCAGGTTTATTGGAAGTATCAGCTGCAATGTCT	71557
Query	66841	CCTGTTGGATAATTTCTTTGAAGGTGTCGTCTCATGATGACAGACCCAAGGAATCTCTCAA	66900
Sbjct	71556	CCTGTTGGATAATTTCTTTGAAGGTGTCGTCTCATGATGACAGACCCAAGGAATCTCTCAA	71497
Query	66901	GTGGGGAACAAAGGTAACCTGCCAGGCCAGGCACAAGGCCTGGCATTGGAGAAGGTA	66960
Sbjct	71496	GTGGGGAACAAAGGTAACCTGCCAGGCCAGGCACAAGGCCTGGCATTGGAGAAGGTA	71437
Query	66961	GCAGTAAGATGTTCAAGGCACTGTGAGTGAGAATGGTGGGTACAGATGCTGCACAGGAGC	67020
Sbjct	71436	GCAGTAAGATGTTCAAGGCACTGTGAGTGAGAATGGTGGGTACAGATGCTGCACAGGAGC	71377
Query	67021	GCTGAGGTAGTTTTTCGAGGTGGAGACATGTTGGTTGGCATTGTCTGGGAACCTTGTCAG	67080
Sbjct	71376	GCTGAGGTAGTTTTTCGAGGTGGAGACATGTTGGTTGGCATTGTCTGGGAACCTTGTCAG	71317
Query	67081	CTCGAGGGGAATGAAAAACATCTGGGACAGTTGAATGCAGAGATGGGTTAGCTGGTGACA	67140
Sbjct	71316	CTCGAGGGGAATGAAAAACATCTGGGACAGTTGAATGCAGAGATGGGTTAGCTGGTGACA	71257
Query	67141	TTCCAGGCAAAGGGGTTGTGTTGAGAGTCTGGACACAAACACTGGAGGAGACCTCCAC	67200

Sbjct	71256	CAGGCAAAGGGGTTGCTGGTGAGAGTCTGGACACAAACACTGGAGGAGACCCCTCCAC	71197
Query	67201	TTGATGACATAAGAGTGTATGGAGAACTAGAGTCAAGGGCTCCTGGAGGCTGTGTGTGCA	67260
Sbjct	71196	TTGATGACATAAGAGTGTATGGAGAACTAGAGTCAAGGGCTCCTGGAGGCTGTGTGTGCA	71137
Query	67261	TCATAGAGGGGGGCTGATTAAC TGGGCTGCGATAGGATGTAGGAGATGAAGTAAGAGGGT	67320
Sbjct	71136	TCATAGAGGGGGGCTGATTAAC TGGGCTGCGATAGGATGTAGGAGATGAAGTAAGAGGGT	71077
Query	67321	AAGCGCCCGATATCCCTGGCTGCTTTGGAAATGGCTGTTGCTGAGGTGGCTGGAGTCGTG	67380
Sbjct	71076	AAGCGCCCGATATCCCTGGCTGCTTTGGAAATGGCTGTTGCTGAGGTGGCTGGAGTCGTG	71017
Query	67381	ATATTAAAGAGTCCGTCCTATCTCCTCCTATAGGAGAAGGAGGGTAATCATCCTCCTTTA	67440
Sbjct	71016	ATATTAAAGAGTCCGTCCTATCTCCTCCTATAGGAGAAGGAGGGTAATCATCCTCCTTTA	70957
Query	67441	AAGCTCTTTTCTGAGCATCAACAAACATGTT CAGGAAAGTCTTTAATCCTGGTGCAGGAC	67500
Sbjct	70956	AAGCTCTTTTCTGAGCATCAACAAACATGTT CAGGAAAGTCTTTAATCCTGGTGCAGGAC	70897
Query	67501	AGAAGCCTTCAACTAACTTGCTGTTATCACAAAGACTATAGGCACCGTCCCGTACTGCCA	67560
Sbjct	70896	AGAAGCCTTCAACTAACTTGCTGTTATCACAAAGACTATAGGCACCGTCCCGTACTGCCA	70837
Query	67561	CGACACCGTGACTAAGGCAGTATATATCAATGCAGTACATGTTCTGAAGGCCAATCTGA	67620
Sbjct	70836	CGACACCGTGACTAAGGCAGTATATATCAATGCAGTACATGTTCTGAAGGCCAATCTGA	70777
Query	67621	TGTGGGTGGATGAATGTGGTAATATGGAGAAACACTGGTAGGCGGTGTTACTTCTCTGAG	67680
Sbjct	70776	TGTGGGTGGATGAATGTGGTAATATGGAGAAACACTGGTAGGCGGTGTTACTTCTCTGAG	70717
Query	67681	TCAAGCCCAGCACTGGAACAGTAGGGAGTTTGTTGATGGCATTTAATGGTGCCTGAGTAT	67740
Sbjct	70716	TCAAGCCCAGCACTGGAACAGTAGGGAGTTTGTTGATGGCATTTAATGGTGCCTGAGTAT	70657
Query	67741	CAAACAAAACCTGTAATAACTGGACCACATTTGGTGTTTTGTTGAACATTTCTGAAGGT	67800
Sbjct	70656	CAAACAAAACCTGTAATAACTGGACCACATTTGGTGTTTTGTTGAACATTTCTGAAGGT	70597
Query	67801	GATGGAGAATGGTAATATGACAATTACTGCAACCTGAGTTTGGGCCAACTGTTCCCAAAG	67860
Sbjct	70596	GATGGAGAATGGTAATATGACAATTACTGCAACCTGAGTTTGGGCCAACTGTTCCCAAAG	70537
Query	67861	AAATGTAAAATTTCTGATGAATGGAATTCCTACTGGATACTGATTGAGCTTCCTCTGGTGG	67920
Sbjct	70536	AAATGTAAAATTTCTGATGAATGGAATTCCTACTGGATACTGATTGAGCTTCCTCTGGTGG	70477
Query	67921	TTCCATAACACAAGATAAGTTTTCGATAAATTGTAAACACAAACTTCTGAGAAAAAATTCA	67980
Sbjct	70476	TTCCATAACACAAGATAAGTTTTCGATAAATTGTAAACACAAACTTCTGAGAAAAAATTCA	70417
Query	67981	GATGAGCAGGTATTTCTGGTAGAGAATGTGCAAATTC AACACACACTCATATAATCGGG	68040
Sbjct	70416	GATGAGCAGGTATTTCTGGTAGAGAATGTGCAAATTC AACACACACTCATATAATCGGG	70357
Query	68041	AAATGCTACTCCAGTCATTAAGAAACATTTCAACTACTCTTCTACCACCAACAGGTT CAG	68100
Sbjct	70356	AAATGCTACTCCAGTCATTAAGAAACATTTCAACTACTCTTCTACCACCAACAGGTT CAG	70297
Query	68101	ACAACAGATTTTTCATATGTCAGGTAAACATGTCTGGATGGTCCTTGCTCCCTGATAGAAG	68160
Sbjct	70296	ACAACAGATTTTTCATATGTCAGGTAAACATGTCTGGATGGTCCTTGCTCCCTGATAGAAG	70237
Query	68161	TGCCATTAAGAGGACAATTTGCAAACACTAACTCTGCCACCCATGTGCGGTTATTTCTAC	68220
Sbjct	70236	TGCCATTAAGAGGACAATTTGCAAACACTAACTCTGCCACCCATGTGCGGTTATTTCTAC	70177
Query	68221	CTTGTAATCGGAAAGTGCAATCAAGAAGAGAGCAGTCCAGAGCCTTCTGCGTTTCCTCAC	68280
Sbjct	70176	CTTGTAATCGGAAAGTGCAATCAAGAAGAGAGCAGTCCAGAGCCTTCTGCGTTTCCTCAC	70117
Query	68281	TTATTCCCTTACAGGGAGGAATTTTTAGTAAGCGAATTGCATAGCTGAAGCCGTCACCTT	68340
Sbjct	70116	TTATTCCCTTACAGGGAGGAATTTTTAGTAAGCGAATTGCATAGCTGAAGCCGTCACCTT	70057
Query	68341	CCACTTGTA CTCCCTGATGTGGTATCTCCAGGTTGGACAAC TCCAATCGAAGTCTTACAA	68400
Sbjct	70056	CCACTTGTA CTCCCTGATGTGGTATCTCCAGGTTGGACAAC TCCAATCGAAGTCTTACAA	69997
Query	68401	ATGGCATGTTGGTGT CACACATAGCGACAAAGTGAGCTAGAACTTTATTGAAGGCACACA	68460
Sbjct	69996	ATGGCATGTTGGTGT CACACATAGCGACAAAGTGAGCTAGAACTTTATTGAAGGCACACA	69937
Query	68461	TTTCTCCTGATTGTTTGGCTTTCTTGCAATTCTACAGGACATGGGTCATCAGATAAGTTGT	68520
Sbjct	69936	TTTCTCCTGATTGTTTGGCTTTCTTGCAATTCTACAGGACATGGGTCATCAGATAAGTTGT	69877

Query	68521	GCTTGGTACCAATTATGGTCTGTTTTCCAATCTTTGTATAGGACATCAAGTCCTGGATGT	68580
Sbjct	69876	GCTTGGTACCAATTATGGTCTGTTTTCCAATCTTTGTATAGGACATCAAGTCCTGGATGT	69817
Query	68581	TGTCCTTGAATTGCTGCAGCAGCAGTGCCATGACAGGTGTGTTCTCGCCATCTGCAGTAC	68640
Sbjct	69816	TGTCCTTGAATTGCTGCAGCAGCAGTGCCATGACAGGTGTGTTCTCGCCATCTGCAGTAC	69757
Query	68641	TCACAGACATAAAGTAATACTTGTATGATAGCTGGGTGGGCTTATTAGGAACCTCAAGCA	68700
Sbjct	69756	TCACAGACATAAAGTAATACTTGTATGATAGCTGGGTGGGCTTATTAGGAACCTCAAGCA	69697
Query	68701	TTTCCACAACAATGTAGTACTGCGGAAGGCGAGTAAGTTTAAATAAACAACCTGTTCTTAG	68760
Sbjct	69696	TTTCCACAACAATGTAGTACTGCGGAAGGCGAGTAAGTTTAAATAAACAACCTGTTCTTAG	69637
Query	68761	AAAGCCTACCAATGGGATGTGTTGAATAGTTGGCGAGCTGCAACGTTTCAGTGGTTATTG	68820
Sbjct	69636	AAAGCCTACCAATGGGATGTGTTGAATAGTTGGCGAGCTGCAACGTTTCAGTGGTTATTG	69577
Query	68821	CAGGCAGATGTTTTATAGATTGTTTGCAACGCTGTTGTCCCAGCCAAAACCTAAGTTGTT	68880
Sbjct	69576	CAGGCAGATGTTTTATAGATTGTTTGCAACGCTGTTGTCCCAGCCAAAACCTAAGTTGTT	69517
Query	68881	GAATCCAAGGGATGATCCGCTTCATGTCATCATTACGCGATTTTCCATGTCTCCAGAG	68940
Sbjct	69516	GAATCCAAGGGATGATCCGCTTCATGTCATCATTACGCGATTTTCCATGTCTCCAGAG	69457
Query	68941	TGGCCTGGTCAAGTCCATAAAGCATCAATTGGAACATTCCAGAATGCAAATCTACAAAAA	69000
Sbjct	69456	TGGCCTGGTCAAGTCCATAAAGCATCAATTGGAACATTCCAGAATGCAAATCTACAAAAA	69397
Query	69001	TGTGCAGGCACTCCGAATTACCACAGGGCTCCAAGATGGGTACAATAAGAGCTGGAAGTG	69060
Sbjct	69396	TGTGCAGGCACTCCGAATTACCACAGGGCTCCAAGATGGGTACAATAAGAGCTGGAAGTG	69337
Query	69061	CAGTCTCTATGGAAGAGTTTTTCATTAGCATTGAAGCTTCTAAGAATGGCCTTCAGTTCCT	69120
Sbjct	69336	CAGTCTCTATGGAAGAGTTTTTCATTAGCATTGAAGCTTCTAAGAATGGCCTTCAGTTCCT	69277
Query	69121	GCAGCTTCTGGTGGGCTCGTGAGTGTAACACTGTCAATCAGGAGCTTTTCTATTGATAAGT	69180
Sbjct	69276	GCAGCTTCTGGTGGGCTCGTGAGTGTAACACTGTCAATCAGGAGCTTTTCTATTGATAAGT	69217
Query	69181	GGTCAATCTTTCATGGCTCTTTCTACTAATTTAGAATCAGAAGCTGGTAAAGGAGGATCGT	69240
Sbjct	69216	GGTCAATCTTTCATGGCTCTTTCTACTAATTTAGAATCAGAAGCTGGTAAAGGAGGATCGT	69157
Query	69241	GGAAAATCTGTAAAGGCTTGAGACATCATTCTCATCGATTTTAATTGTAACCTTTGTGAA	69300
Sbjct	69156	GGAAAATCTGTAAAGGCTTGAGACATCATTCTCATCGATTTTAATTGTAACCTTTGTGAA	69097
Query	69301	CAGATGCTGTGCCTGtttttttCCCTAGAACCTGTTGGCTCCAAACCGAGAGGCACCTTC	69360
Sbjct	69096	CAGATGCTGTGCCTGTTTTTTTCCCTAGAACCTGTTGGCTCCAAACCGAGAGGCACCTTC	69037
Query	69361	CAGCACGGTATCTTTCCACCTGTACAAGGTCTCCCCACCTCTCTCTGATTAAACATTAGCG	69420
Sbjct	69036	CAGCACGGTATCTTTCCACCTGTACAAGGTCTCCCCACCTCTCTCTGATTAAACATTAGCG	68977
Query	69421	TCTGGGAATGTAATACTTCTAATTGAAGCGATAAGCAGAAAAAATGCAGGCAGTTGTACA	69480
Sbjct	68976	TCTGGGAATGTAATACTTCTAATTGAAGCGATAAGCAGAAAAAATGCAGGCAGTTGTACA	68917
Query	69481	TGTCCTGAAGAGGTTTCTCATCAGCAAAGAGCCTGGACTGGACTAGCTGATGGATAAAGT	69540
Sbjct	68916	TGTCCTGAAGAGGTTTCTCATCAGCAAAGAGCCTGGACTGGACTAGCTGATGGATAAAGT	68857
Query	69541	CAATTTGCATGCTATGAACCAAAGCTCGCCCATCTCCCGTTTGCTTATCCTCAACTAGAA	69600
Sbjct	68856	CAATTTGCATGCTATGAACCAAAGCTCGCCCATCTCCCGTTTGCTTATCCTCAACTAGAA	68797
Query	69601	TTTCTAGCTTGAGAAGACACCATGGGACTTTTGGGTCATCACCCATCACTGTCAAGGTTG	69660
Sbjct	68796	TTTCTAGCTTGAGAAGACACCATGGGACTTTTGGGTCATCACCCATCACTGTCAAGGTTG	68737
Query	69661	CTTCAAATTCTCTTTCAACTCGAAACTTCACACGGCCATTGCGCACTGTAAGATTGCTA	69720
Sbjct	68736	CTTCAAATTCTCTTTCAACTCGAAACTTCACACGGCCATTGCGCACTGTAAGATTGCTA	68677
Query	69721	GCTGTGGAGGAAGATCTGCTGTTACAAGCCTATGTCTAAGAATCTGATTAAGCTGATGAA	69780
Sbjct	68676	GCTGTGGAGGAAGATCTGCTGTTACAAGCCTATGTCTAAGAATCTGATTAAGCTGATGAA	68617
Query	69781	GTGCGGCTTGTTTCTCAATCTTGGAATAGGGTCTGGAGGAATAATTTTGTCCCTGATGC	69840
Sbjct	68616	GTGCGGCTTGTTTCTCAATCTTGGAATAGGGTCTGGAGGAATAATTTTGTCCCTGATGC	68557
Query	69841	AGGTTGAAAGCCTTGATAAGAGCCAGTAGTCAGTACATCAATGGCATATGGGATAGCAA	69900

Sbjct	68556	AGGTTGAAAGCCTTGGATAAGAGCCAGTAGTCAGTACATCAATGGCATATGGGATAGCAA	68497
Query	69901	AACTAGGCAGGCAGGCATGGACCAGGGCATCTCTAGCTAAGGAGGCCAAGCGGTCAGCGG	69960
Sbjct	68496	AACTAGGCAGGCAGGCATGGACCAGGGCATCTCTAGCTAAGGAGGCCAAGCGGTCAGCGG	68437
Query	69961	TATCCACAAATAAGATGGCTTGATGATCTAAAAAGCTTGTGATCATCGCACACTTTTCTA	70020
Sbjct	68436	TATCCACAAATAAGATGGCTTGATGATCTAAAAAGCTTGTGATCATCGCACACTTTTCTA	68377
Query	70021	CCTTGCCAGCATCACTGGCCCATTTTACTAAAGCTAATAACCGAACGAAGAGTTGACGTG	70080
Sbjct	68376	CCTTGCCAGCATCACTGGCCCATTTTACTAAAGCTAATAACCGAACGAAGAGTTGACGTG	68317
Query	70081	TCCGGCTAGCAAACGTGACAAATTTCTATTTTCTTTCCACATCAGATTTCTTTGGCAAGA	70140
Sbjct	68316	TCCGGCTAGCAAACGTGACAAATTTCTATTTTCTTTCCACATCAGATTTCTTTGGCAAGA	68257
Query	70141	AGTCCGTCAACACCATAAGCTCTGAGTAGGCCCTGTGCAGCAAAAATTTCGATGAGTGTGC	70200
Sbjct	68256	AGTCCGTCAACACCATAAGCTCTGAGTAGGCCCTGTGCAGCAAAAATTTCGATGAGTGTGC	68197
Query	70201	TAAGCCGGTATCCAGGGGTAGTCGCGGAGGCTGCTGCCACCGCCATGGCTCCGGGCGATG	70260
Sbjct	68196	TAAGCCGGTATCCAGGGGTAGTCGCGGAGGCTGCTGCCACCGCCATGGCTCCGGGCGATG	68137
Query	70261	GGGGAGCCGGGGCAGACACCAAGTCCCTGCTGCTGCCTTCGCCGCCACCTCTGCCACCTC	70320
Sbjct	68136	GGGGAGCCGGGGCAGACACCAAGTCCCTGCTGCTGCCTTCGCCGCCACCTCTGCCACCTC	68077
Query	70321	CGCGGCCAGGAGGGATGAGCTGGTGGTTGTCCAGCTGCACTGGAGCCATGGCGGCGCACA	70380
Sbjct	68076	CGCGGCCAGGAGGGATGAGCTGGTGGTTGTCCAGCTGCACTGGAGCCATGGCGGCGCACA	68017
Query	70381	GCCTGGCTCGGGGTAACCGCCTGAGATGCGGCCCTGGAGCCTCTTCCGGGACTCAATGAC	70440
Sbjct	68016	GCCTGGCTCGGGGTAACCGCCTGAGATGCGGCCCTGGAGCCTCTTCCGGGACTCAATGAC	67957
Query	70441	CTCACAGAGGTGAGCGCGGGCAGAGCGGCCCGCCCTAGCGCCAGGCCGCTCCTCCGCCC	70500
Sbjct	67956	CTCACAGAGGTGAGCGCGGGCAGAGCGGCCCGCCCTAGCGCCAGGCCGCTCCTCCGCCC	67897
Query	70501	CCCATATCAGGAAGTTGAGCCAGACTGCGGAGACCCGCACCCACGTAGTGCCGGGCGGG	70560
Sbjct	67896	CCCATATCAGGAAGTTGAGCCAGACTGCGGAGACCCGCACCCACGTAGTGCCGGGCGGG	67837
Query	70561	CGAGCGCGGAACCAGAGGGCTGAGAGGCTGCCAGTGGCCACTGagggggaagggtagg	70620
Sbjct	67836	CGAGCGCGGAACCAGAGGGCTGAGAGGCTGCCAGTGGCCACTGAGGGGAAGGGGTAGG	67777
Query	70621	ggtggaggtggggtggacggggtAGCTTCAGCGACTGCTCAGCGGCCGCCGGGCTGGGAG	70680
Sbjct	67776	GGTGAGGTGGGGTGACGGGGTAGCTTCAGCGACTGCTCAGCGGCCGCCGGGCTGGGAG	67717
Query	70681	TTGCTGCGTCCTTGTTGCTGGGTGGAGAGCGGAAGTTGCCAGGAAGAACGGAAGGAGAAC	70740
Sbjct	67716	TTGCTGCGTCCTTGTTGCTGGGTGGAGAGCGGAAGTTGCCAGGAAGAACGGAAGGAGAAC	67657
Query	70741	CCGCGGGAGGCCCTTTCCAAGGCAACCTGCAACCAATCCCCAAGCTGTTAGCCATTTTCGT	70800
Sbjct	67656	CCGCGGGAGGCCCTTTCCAAGGCAACCTGCAACCAATCCCCAAGCTGTTAGCCATTTTCGT	67597
Query	70801	TCAACATAGAACGAAAGAAAAATTTACTCAATAATACAATAATAAACTCAAATATTGA	70860
Sbjct	67596	TCAACATAGAACGAAAGAAAAATTTACTCAATAATACAATAATAAACTCAAATATTGA	67537
Query	70861	TTTGTTATTACATCATTAATTCTCTTTTGGTCTTCTTGTAATTGTATGAGAAGTTTGA	70920
Sbjct	67536	TTTGTTATTACATCATTAATTCTCTTTTGGTCTTCTTGTAATTGTATGAGAAGTTTGA	67477
Query	70921	ATCAACGTATAAAAAGATAAAGAGACTGGGGATACGTTATACGAAGATGTGGGGGAAGAG	70980
Sbjct	67476	ATCAACGTATAAAAAGATAAAGAGACTGGGGATACGTTATACGAAGATGTGGGGGAAGAG	67417
Query	70981	GGTGCCTTAGTGCGCCCTCCCCGAGTGAAGAATCACACAAAGGTATAGTATAGAATAGTT	71040
Sbjct	67416	GGTGCCTTAGTGCGCCCTCCCCGAGTGAAGAATCACACAAAGGTATAGTATAGAATAGTT	67357
Query	71041	TATTCAGCGCACgggggaggggaggttaagaaggcattaggggaagagaggtggaggagagg	71100
Sbjct	67356	TATTCAGCGCACGGGGAGGGGAGTTAAGAAGGCATTAGGGGAAGAGAGGTGGAGGAGAGG	67297
Query	71101	cgagaggagggggaagggacatgaggaggggaagaggggggaggggagaggagggcgaga	71160
Sbjct	67296	CGAGAGGAGGGGAAGGGACATGAGGAGGGGAAGAGGGGGAGGGGAGAGGAGGGCGAGA	67237
Query	71161	gtagaggctgtctatgagtacttgaagagtaggggagaggggaatgtggagagatggaca	71220
Sbjct	67236	GTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGAAGAGTAGGGGAGAGGGGAATGTGGAGAGATGGACA	67177



Query	71221	aagggggaagagagtaagagcaagagagCAACAGATTGAGGAGGGGGCCATTAGCCCCCTT	71280
Sbjct	67176	AAGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAACAGATTGAGGAGGGGGCCATTAGCCCCCTT	67117
Query	71281	TTATAGTATCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtggggggggaggggggCTCAACT	71340
Sbjct	67116	TTATAGTATCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtGGGGGGGAGGGGGGCTCAACT	67057
Query	71341	TAGACAGAATGCTAACAACAATCCTAAAACAGTATGTATGCTGCAAATATACGAGTCACT	71400
Sbjct	67056	TAGACAGAATGCTAACAACAATCCTAAAACAGTATGTATGCTGCAAATATACGAGTCACT	66997
Query	71401	TATGCGAAACAATTCTCTAAACTTCTAGACATAATAGTTCTTTTCAAGTCTCTATACAAT	71460
Sbjct	66996	TATGCGAAACAATTCTCTAAACTTCTAGACATAATAGTTCTTTTCAAGTCTCTATACAAT	66937
Query	71461	TGaaaaaaaTATAGAAGTGTATAGTCATTGCAAAATTCCTTGTGGAGTTACTAAAAGTTG	71520
Sbjct	66936	TGAAAAAATATAGAAGTGTATAGTCATTGCAAAATTCCTTGTGGAGTTACTAAAAGTTG	66877
Query	71521	CACCTGAAATCTTCTTGGATAGTGAATTATATTTTAGACTAGTATTAATTTTCAAATATG	71580
Sbjct	66876	CACCTGAAATCTTCTTGGATAGTGAATTATATTTTAGACTAGTATTAATTTTCAAATATG	66817
Query	71581	TGAGTGAACATATATTACGGTAATGAATAAGCAGTTAAAAATAGGGTTGGGGATTTAGCTC	71640
Sbjct	66816	TGAGTGAACATATATTACGGTAATGAATAAGCAGTTAAAAATAGGGTTGGGGATTTAGCTC	66757
Query	71641	AGTGGTAGAGCACTTGCCTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGGTTTGGTCCCCAGCTCAGaaaa	71700
Sbjct	66756	AGTGGTAGAGCACTTGCCTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGGTTTGGTCCCCAGCTCAGAAAA	66697
Query	71701	aaaggaaaaaaaaaagaagttagaaataaaaaagtcataataaagaagagtccttcaagtcata	71760
Sbjct	66696	AAAGGAAAAAAAAAAGAAGTTAGAAATAAAAAAGTCATATAAAGAAGAGTCTTCAAGTCATA	66637
Query	71761	aaatataaaaCACTACTAATGTGTGAAAACAGGAAATTATGAAACTACTGAGTATGGCTA	71820
Sbjct	66636	AAATATAAACACTACTAATGTGTGAAAACAGGAAATTATGAAACTACTGAGTATGGCTA	66577
Query	71821	GTATATGTTCTCAGACACAGGTACTTACGAGTCAAACAGAAGTAAGTAGACATGACCAAT	71880
Sbjct	66576	GTATATGTTCTCAGACACAGGTACTTACGAGTCAAACAGAAGTAAGTAGACATGACCAAT	66517
Query	71881	TTCCATACATCTACCACCCAAAGTTGGGCCAGCATCCTGATGGTAAGTCTAAGGGCTTCC	71940
Sbjct	66516	TTCCATACATCTACCACCCAAAGTTGGGCCAGCATCCTGATGGTAAGTCTAAGGGCTTCC	66457
Query	71941	CAGAAAGGAGAAACCAAACAGGCTGTAGCAGCTGACAAAATTGCTTTTCATCTTCTCCCTTC	72000
Sbjct	66456	CAGAAAGGAGAAACCAAACAGGCTGTAGCAGCTGACAAAATTGCTTTTCATCTTCTCCCTTC	66397
Query	72001	TGTTTCTGCTTCTGCAGACTTCAAGAAGTGAGATAGTCTCTGTAGTGAGAACACATTTA	72060
Sbjct	66396	TGTTTCTGCTTCTGCAGACTTCAAGAAGTGAGATAGTCTCTGTAGTGAGAACACATTTA	66337
Query	72061	TACTCATTGTGTGACCATGAATCATTGACAATGATCATTATCATCCCTATAATTTAAGT	72120
Sbjct	66336	TACTCATTGTGTGACCATGAATCATTGACAATGATCATTATCATCCCTATAATTTAAGT	66277
Query	72121	GTTTTTCAGTAGATGCTCAGTAAGATCAATATTGGAACATGTTTGATATTCTACTTATGGT	72180
Sbjct	66276	GTTTTTCAGTAGATGCTCAGTAAGATCAATATTGGAACATGTTTGATATTCTACTTATGGT	66217
Query	72181	AAGTGAGATTGCTAGTTTTATGGAGAAGATTACGATGAAATTGATGATGTTAAATACAAAA	72240
Sbjct	66216	AAGTGAGATTGCTAGTTTTATGGAGAAGATTACGATGAAATTGATGATGTTAAATACAAAA	66157
Query	72241	ACCACAAAATATTTTCAGATCAGTAATGTTGACTTATCTTTTTGTCTGCCATGATGCAAT	72300
Sbjct	66156	ACCACAAAATATTTTCAGATCAGTAATGTTGACTTATCTTTTTGTCTGCCATGATGCAAT	66097
Query	72301	GTGGGAATAAATGTGACACCCGCAGCCCAATGACTGTTACTCAACAGATACATTTTCCTA	72360
Sbjct	66096	GTGGGAATAAATGTGACACCCGCAGCCCAATGACTGTTACTCAACAGATACATTTTCCTA	66037
Query	72361	ATTTAATATTCAAATCTATAAAGTCCTATTGCTTACTGCAAAGATTAAGTGAATAGCTT	72420
Sbjct	66036	ATTTAATATTCAAATCTATAAAGTCCTATTGCTTACTGCAAAGATTAAGTGAATAGCTT	65977
Query	72421	GAACTCAGTGCACCACTATTTCTAGAAGCAAAGATGACACCTATAATAAGTCACATATGC	72480
Sbjct	65976	GAACTCAGTGCACCACTATTTCTAGAAGCAAAGATGACACCTATAATAAGTCACATATGC	65917
Query	72481	CATTGGACAATGTTTCTAGCATTTATTTTGATTTAGAATCGTTCTCTAGACCACCGTAAG	72540
Sbjct	65916	CATTGGACAATGTTTCTAGCATTTATTTTGATTTAGAATCGTTCTCTAGACCACCGTAAG	65857
Query	72541	TCAAAAAGTTGTCTTAAACTATAAAATAGCATGTGTGATTAAAGCCAATCAATAAATAA	72600

Sbjct	65856	TCAAAAAGTTGTTCTTAACCTATAAAATAGCATGTGTGATTAAAGCCAATCAATAAATAA	65797
Query	72601	AGAGCTGGAAGGTATGGATATAAATGGGAACAATGAAATGAGCTATGGCAATTTTTC AAG	72660
Sbjct	65796	AGAGCTGGAAGGTATGGATATAAATGGGAACAATGAAATGAGCTATGGCAATTTTTC AAG	65737
Query	72661	TCTATTACTCTGTTTTCCCTGAAATACAAATGttttttctttttaacatcaaccaactgatt	72720
Sbjct	65736	TCTATTACTCTGTTTTCCCTGAAATACAAATGTTTTTCTTTTAACATCAACCAACTGATT	65677
Query	72721	ggttttgattttttatttttgtttttttttttttgtttctttttttttttttttcttttctt	72780
Sbjct	65676	GGTTTTGATTTTATTTTTGTTTTTTTTTTTTGTTTCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCTT	65617
Query	72781	ttttt CGGAGCTGGGGACCGAACTCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCAC	72840
Sbjct	65616	TTTTTCGGAGCTGGGGACCGAACTCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCAC	65557
Query	72841	TGAGCTAAATCCCCACTCCCTGATTTTTATTTTAATGTTTTTGGTTCACAGAAAGGATCA	72900
Sbjct	65556	TGAGCTAAATCCCCACTCCCTGATTTTTATTTTAATGTTTTTGGTTCACAGAAAGGATCA	65497
Query	72901	TTTCACCATAGGGTATCTTTGAACTCCCTGTTGGGTATCTTTTTAACTTTTATATATTCA	72960
Sbjct	65496	TTTCACCATAGGGTATCTTTGAACTCCCTGTTGGGTATCTTTTTAACTTTTATATATTCA	65437
Query	72961	TAAAAACATGTCCCAAGAGAAGTGGTGACAAGGTCCATGAAGACTGCACCTGATAAACACA	73020
Sbjct	65436	TAAAAACATGTCCCAAGAGAAGTGGTGACAAGGTCCATGAAGACTGCACCTGATAAACACA	65377
Query	73021	CCTCTATTTCTTACACCTTTAGAACAGGTAGCTCCATCCAGAGATTAAACCTACAAACA	73080
Sbjct	65376	CCTCTATTTCTTACACCTTTAGAACAGGTAGCTCCATCCAGAGATTAAACCTACAAACA	65317
Query	73081	GAAACATTTCATGATATCATAAAGAAATAAGAAAAGGAGTATTGAAGTTCACTATTAAGAA	73140
Sbjct	65316	GAAACATTTCATGATATCATAAAGAAATAAGAAAAGGAGTATTGAAGTTCACTATTAAGAA	65257
Query	73141	GCAGCACTCACTGGAAATTAGAATTAACTGTACAAAGTAATGTCTTCATTATCAGATGT	73200
Sbjct	65256	GCAGCACTCACTGGAAATTAGAATTAACTGTACAAAGTAATGTCTTCATTATCAGATGT	65197
Query	73201	ATGAATCCAAATACTCTCTCGCCATATAGGGACAAATaaaaaaaaTTGGAGATGATGGA	73260
Sbjct	65196	ATGAATCCAAATACTCTCTCGCCATATAGGGACAAATAAAAAAAAAATTGGAGATGATGGA	65137
Query	73261	AATATTCTCAAAATTTACAAATGCATTTCAAACCCATCTTACATTATTTTTCTGATTCTG	73320
Sbjct	65136	AATATTCTCAAAATTTACAAATGCATTTCAAACCCATCTTACATTATTTTTCTGATTCTG	65077
Query	73321	TGAGATAATGCATTGCTAAAAGTCAGACTGAGTACTTCTGGTTACATTTTCTTTCTGAA	73380
Sbjct	65076	TGAGATAATGCATTGCTAAAAGTCAGACTGAGTACTTCTGGTTACATTTTCTTTCTGAA	65017
Query	73381	ATGCAAGAGGAAATACAGGGACAAAGTGTGGAGCAGAGTCTGAAGAAAAGGTCATCCAGA	73440
Sbjct	65016	ATGCAAGAGGAAATACAGGGACAAAGTGTGGAGCAGAGTCTGAAGAAAAGGTCATCCAGA	64957
Query	73441	GACTGCCCCACCTTGACATCCATCCCAAAGCAGCCACCAAACGCAGTCACTATTGCTGAT	73500
Sbjct	64956	GACTGCCCCACCTTGACATCCATCCCAAAGCAGCCACCAAACGCAGTCACTATTGCTGAT	64897
Query	73501	GCCAAGAAGTGCTTGCTGACTGGAATCAGATATGGATTCTCCTGAGAGGCTGTGCCAGAG	73560
Sbjct	64896	GCCAAGAAGTGCTTGCTGACTGGAATCAGATATGGATTCTCCTGAGAGGCTGTGCCAGAG	64837
Query	73561	GCCTCCTGACACAGATGAGGAGGGTTCCAGCTAACTATTGGATTGAACAAGGGACCCCAA	73620
Sbjct	64836	GCCTCCTGACACAGATGAGGAGGGTTCCAGCTAACTATTGGATTGAACAAGGGACCCCAA	64777
Query	73621	CGGTGGAGATAGAGAAAAGACTGAAGGAGCTGAAGGGGTTTGCAACCCCATAGGAAGAAC	73680
Sbjct	64776	CGGTGGAGATAGAGAAAAGACTGAAGGAGCTGAAGGGGTTTGCAACCCCATAGGAAGAAC	64717
Query	73681	AACAATATCAACCGACCAGAGCCCACCATTGCTCCCAGGAAATAAGCCACAGACTAATGA	73740
Sbjct	64716	AACAATATCAACCGACCAGAGCCCACCATTGCTCCCAGGAAATAAGCCACAGACTAATGA	64657
Query	73741	GTACACATGGAGGAGCCCATGACTCCAGCCACATATGAAGCAGAAGATGGCATTGTCAGG	73800
Sbjct	64656	GTACACATGGAGGAGCCCATGACTCCAGCCACATATGAAGCAGAAGATGGCATTGTCAGG	64597
Query	73801	CATCAATAGGAGGAAACACGCTTGCTCTGTTGAAGGCTCATATCCCCAATGTAGGGGAA	73860
Sbjct	64596	CATCAATAGGAGGAAACACGCTTGCTCTGTTGAAGGCTCATATCCCCAATGTAGGGGAA	64537
Query	73861	TGTTGGACACTGATGTGGGAGTGGGTAGGTAGGGGTGCGAGCATCCTCATAGGAGCAGGG	73920
Sbjct	64536	TGTTGGACACTGATGTGGGAGTGGGTAGGTAGGGGTGCGAGCATCCTCATAGGAGCAGGG	64477

Query	73921	GGAGGCTGAAAGGGGCATGGCTGAGGGAGTAATGGGGATAACATTTGAATTTTAATACAT	73980
Sbjct	64476	GGAGGCTGAAAGGGGCATGGCTGAGGGAGTAATGGGGATAACATTTGAATTTTAATACAT	64417
Query	73981	aaaataacccaaaattaaatttaaaaaaaggaaaaacaaattgaaatGTTTTACATTATC	74040
Sbjct	64416	AAAATAACCAAAAATTAAATTTAAAAAAGGAAAAACAAATTGAAATGTTTTACATTATC	64357
Query	74041	TATCAAGAGATCATGATATAATTTTATTCTGCAGCCTATATTTGTTAGTAAAGTTTAAAT	74100
Sbjct	64356	TATCAAGAGATCATGATATAATTTTATTCTGCAGCCTATATTTGTTAGTAAAGTTTAAAT	64297
Query	74101	GGCTACAAAAAGAGCTCCAAAATACAGGATAGACTTTCCCCCTTGTCTTCCATTAACAG	74160
Sbjct	64296	GGCTACAAAAAGAGCTCCAAAATACAGGATAGACTTTCCCCCTTGTCTTCCATTAACAG	64237
Query	74161	AGAAGCAAAAAGAACCACCTGGAGCTGGGCTCTAACAATTCTTGAGTTCTTTTTACCTTTT	74220
Sbjct	64236	AGAAGCAAAAAGAACCACCTGGAGCTGGGCTCTAACAATTCTTGAGTTCTTTTTACCTTTT	64177
Query	74221	GGACATTAGCCCTAGGTCAAATATAAGGTTAATGAAGATCATTTTCTTATCAGTAGGCTG	74280
Sbjct	64176	GGACATTAGCCCTAGGTCAAATATAAGGTTAATGAAGATCATTTTCTTATCAGTAGGCTG	64117
Query	74281	CAATTTTGTCCCATTAACAGTCTTTTGCCTTACAGAAGATTTGTAATTTATGAGGTTCTA	74340
Sbjct	64116	CAATTTTGTCCCATTAACAGTCTTTTGCCTTACAGAAGATTTGTAATTTATGAGGTTCTA	64057
Query	74341	TTTAACAATTGTTGACTTTAGCCTCTTAGCCATTTGTGCTGTTTGGGAAAGTCTCTTGTA	74400
Sbjct	64056	TTTAACAATTGTTGACTTTAGCCTCTTAGCCATTTGTGCTGTTTGGGAAAGTCTCTTGTA	63997
Query	74401	TCAGTGGAATTCTGGGTATTTCCCACTTTCACTTAAATGAGATTCAAAGTATCTGATTT	74460
Sbjct	63996	TCAGTGGAATTCTGGGTATTTCCCACTTTCACTTAAATGAGATTCAAAGTATCTGATTT	63937
Query	74461	TATATTGAGGTCCTTGATTCTCTTGACTTGACTTTTGTACAAGGTGATAACTATGATAC	74520
Sbjct	63936	TATATTGAGGTCCTTGATTCTCTTGACTTGACTTTTGTACAAGGTGATAACTATGATAC	63877
Query	74521	ATTTTCATTCTTCTACATGTAAACATCCAGTTAGAGCAGCACCATTTGTTTTAAGATGCT	74580
Sbjct	63876	ATTTTCATTCTTCTACATGTAAACATCCAGTTAGAGCAGCACCATTTGTTTTAAGATGCT	63817
Query	74581	TCCTTTTCTCCATTGTATGGCTCTGGCTTCTTTGTACAGCTCACATTTTGATAGATGTG	74640
Sbjct	63816	TCCTTTTCTCCATTGTATGGCTCTGGCTTCTTTGTACAGCTCACATTTTGATAGATGTG	63757
Query	74641	TAGGATTTTTGTTTTTGGTAGATTCAATTCTTTATGAATGTTTCTGTTTTTGCATAAATG	74700
Sbjct	63756	TAGGATTTTTGTTTTTGGTAGATTCAATTCTTTATGAATGTTTCTGTTTTTGCATAAATG	63697
Query	74701	TCATGCAGTTTTTATCACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGGTAATGGATAGTAATTC	74760
Sbjct	63696	TCATGCAGTTTTTATCACTATTTCTCTGTAGTACAGCTTGAGGTAATGGATAGTAATTC	63637
Query	74761	TCCCAAAATTCTTTTATTGTTTAGGATTGTTTCAGCTATCCTTAA	74820
Sbjct	63636	TCCCAAAATTCTTTTATTGTTTAGGATTGTTTCAGCTATCCTTAA	63577
Query	74821	AGTTAAGAATTGTAATTTTAAAGGTTAAAAAATTGTGGGATTTTTTACAGGGATTGAATTG	74880
Sbjct	63576	AGTTAAGAATTGTAATTTTAAAGGTTAAAAAATTGTGGGATTTTTTACAGGGATTGAATTG	63517
Query	74881	ACTCTATAGATTCTCTTTTAGTAAACATCCATCTATTTTCACTATGTTAATCCTACTATTC	74940
Sbjct	63516	ACTCTATAGATTCTCTTTTAGTAAACATCCATCTATTTTCACTATGTTAATCCTACTATTC	63457
Query	74941	CTTGATATCTTCTGCAGTTTCTTTCTCTGGGAGCATACAGATCTTTTACTTGCTTGTTG	75000
Sbjct	63456	CTTGATATCTTCTGCAGTTTCTTTCTCTGGGAGCATACAGATCTTTTACTTGCTTGTTG	63397
Query	75001	GATTCACCTCCCAGATAGCTTTTAATTATTTGTGTCTATTGTAAAGTGTGCTGTTTCCCTA	75060
Sbjct	63396	GATTCACCTCCCAGATAGCTTTTAATTATTTGTGTCTATTGTAAAGTGTGCTGTTTCCCTA	63337
Query	75061	ATTTATTTTCTCATCCCATATATCATATTATGAAGGAGGACAAC	75120
Sbjct	63336	ATTTATTTTCTCATCCCATATATCATATTATGAAGGAGGACAAC	63277
Query	75121	TACCCAATTACTTAAGTCTACTTCTGAAAAGGCTTTGCATCATATTTGCACTTTGGTGAA	75180
Sbjct	63276	TACCCAATTACTTAAGTCTACTTCTGAAAAGGCTTTGCATCATATTTGCACTTTGGTGAA	63217
Query	75181	GGTGTTTCATCAGTTGCAGGAGTTCTCTGCT	75240
Sbjct	63216	GGTGTTTCATCAGTTGCAGGAGTTCTCTGCT	63157
Query	75241	GTATATCATTTGTAAGTAGTGATACTTTCTGACTTCTTTTCCAATTTGTATTCCCTTGAT	75300

Sbjct	63156	ATATCATTTGTAAGTAGTGATACTTTCTGACTTCTTTTCCAATTTGTATTCCCTTGAT	63097
Query	75301	CTTGGCTAGTTTTCTTATTGCTCTGGCCAGAACTTTTAGTCTTATATAAAGTAGAAAGGA	75360
Sbjct	63096	CTTGGCTAGTTTTCTTATTGCTCTGGCCAGAACTTTTAGTCTTATATAAAGTAGAAAGGA	63037
Query	75361	AGAGAGAGTGCAGCCTTGTCTGTGCCCCGATTTTAGTGGAATTGTTTATATTTCTCTCC	75420
Sbjct	63036	AGAGAGAGTGCAGCCTTGTCTGTGCCCCGATTTTAGTGGAATTGTTTATATTTCTCTCC	62977
Query	75421	ATTTAGCTTGATGTTACCTATTGGCTTGCTGTAGTATTGCTTTGATTATGTTTAGTCATG	75480
Sbjct	62976	ATTTAGCTTGATGTTACCTATTGGCTTGCTGTAGTATTGCTTTGATTATGTTTAGTCATG	62917
Query	75481	AGTCTTATATCCCTGACCTTTCTAAATACTTTTAAGGAGTGTTAGATTTTGTCAAAGGCT	75540
Sbjct	62916	AGTCTTATATCCCTGACCTTTCTAAATACTTTTAAGGAGTGTTAGATTTTGTCAAAGGCT	62857
Query	75541	TTTTCAGCATCAAATGAGATGATTTCTTTCTTACACTTTATTTACATGTTGGTTCATATT	75600
Sbjct	62856	TTTTCAGCATCAAATGAGATGATTTCTTTCTTACACTTTATTTACATGTTGGTTCATATT	62797
Query	75601	GGTAATCCTTTGTACATTA AAAACATCTTGCTTGCTTAATTAATTATGTTGGATGAT	75660
Sbjct	62796	GGTAATCCTTTGTACATTA AAAACATCTTGCTTGCTTAATTAATTATGTTGGATGAT	62737
Query	75661	GTTTTTGATGTGTTTTTGATTGAGTTTGAGTCTTATTGAGTATTTTGCATCAATGAC	75720
Sbjct	62736	GTTTTTGATGTGTTTTTGATTGAGTTTGAGTCTTATTGAGTATTTTGCATCAATGAC	62677
Query	75721	CATAGAAGAAATCACTCTGAAGTTC tttttctttttacttttttattctttaatcatttt	75780
Sbjct	62676	CATAGAAGAAATCACTCTGAAGTTC TTTTCTTTTACTTTTTATTCTTTAATCATTTT	62617
Query	75781	ttacAGTCCAGATGTCATCCCCCTCCAGTCTGTCCCTAAATTGCTCTACATCCCATATG	75840
Sbjct	62616	TTACAGTCCAGATGTCATCCCCCTCCAGTCTGTCCCTAAATTGCTCTACATCCCATATG	62557
Query	75841	TACTTTCTCTCCGCTGACTCCAAGAGGATGTGCCCATTCCTACCCCCACTCCACCAGACC	75900
Sbjct	62556	TACTTTCTCTCCGCTGACTCCAAGAGGATGTGCCCATTCCTACCCCCACTCCACCAGACC	62497
Query	75901	TCCCTACTTCCTACGCATTCAAGTCTTTCAAGTGTTAGGTGCATCTTCTCTCACTGAGGC	75960
Sbjct	62496	TCCCTACTTCCTACGCATTCAAGTCTTTCAAGTGTTAGGTGCATCTTCTCTCACTGAGGC	62437
Query	75961	CAGACCAGGCAGTCCTTTGCTATATAGGTGTTGGAGGGCCTCCTATCAGCTGATGTATGC	76020
Sbjct	62436	CAGACCAGGCAGTCCTTTGCTATATAGGTGTTGGAGGGCCTCCTATCAGCTGATGTATGC	62377
Query	76021	TGCCTGGTTGATGGCTAGTGTCTGAGAGATCTAGGAATTCCAGGGCAGTTGAGACTGCTG	76080
Sbjct	62376	TGCCTGGTTGATGGCTAGTGTCTGAGAGATCTAGGAATTCCAGGGCAGTTGAGACTGCTG	62317
Query	76081	GTCTTCCCATGGAGCCACCCTCCTCCACAGCTTCTTCCACATTTTCCCTAAGATGACCAC	76140
Sbjct	62316	GTCTTCCCATGGAGCCACCCTCCTCCACAGCTTCTTCCACATTTTCCCTAAGATGACCAC	62257
Query	76141	AGGGCTCCCCAGCTTCAGACCATTGGTTGGGTGCTGGTATCTGCATCTGACTCTTTCAGT	76200
Sbjct	62256	AGGGCTCCCCAGCTTCAGACCATTGGTTGGGTGCTGGTATCTGCATCTGACTCTTTCAGT	62197
Query	76201	TGCTAGTTGAGCCTCTCAGAGATCAGCCATGGTAGTCTTCTGTCTCCAAGTACACCACAG	76260
Sbjct	62196	TGCTAGTTGAGCCTCTCAGAGATCAGCCATGGTAGTCTTCTGTCTCCAAGTACACCACAG	62137
Query	76261	CATCAGTAAACATTTTCAGGACCTCCAGCCTCCCCTTGAGTTGGATCCCAATTTGGACTT	76320
Sbjct	62136	CATCAGTAAACATTTTCAGGACCTCCAGCCTCCCCTTGAGTTGGATCCCAATTTGGACTT	62077
Query	76321	CTCACTGGACCTCCATTCTCTCATGCTCTACTCCATTTTCTCCCTTCAGTTCCTTCAAA	76380
Sbjct	62076	CTCACTGGACCTCCATTCTCTCATGCTCTACTCCATTTTCTCCCTTCAGTTCCTTCAAA	62017
Query	76381	CAGGAACAATTCTGAATCAAAGCTTTTTTACAGTGGGATAGCAACCCCATCCCTCCTCTTG	76440
Sbjct	62016	CAGGAACAATTCTGAATCAAAGCTTTTTTACAGTGGGATAGCAACCCCATCCCTCCTCTTG	61957
Query	76441	ATGTCCTATCCCTCCCTGCACTGGAAGTGGAAGTTGACAAGTTCCCTTCCCACTTCAGAA	76500
Sbjct	61956	ATGTCCTATCCCTCCCTGCACTGGAAGTGGAAGTTGACAAGTTCCCTTCCCACTTCAGAA	61897
Query	76501	CATTCCATGCAAGGTCTCTCTGAGTCTGAGAGTCTCTAACCTACTGGGTCTCAGGTACA	76560
Sbjct	61896	CATTCCATGCAAGGTCTCTCTGAGTCTGAGAGTCTCTAACCTACTGGGTCTCAGGTACA	61837
Query	76561	TTCTGGAGGGTCCCCACCTTCTACCTCCTGAGGTTGCCTGTTTCCATTCTTTCGGCTGG	76620
Sbjct	61836	TTCTGGAGGGTCCCCACCTTCTACCTCCTGAGGTTGCCTGTTTCCATTCTTTCGGCTGG	61777

Query	76621	CCCTCAGGTCTTCAGTCTTTTCTCCCAATACATGATCAGGTTCTCCCACTCCCCTGTC	76680
Sbjct	61776	CCCTCAGGTCTTCAGTCTTTTCTCCCAATACATGATCAGGTTCTCCCACTCCCCTGTC	61717
Query	76681	TGTCTTCTCTCACACCCAGGTCTACCTTCTTCTTAGCTCCACCCCTACCCCCAACCTG	76740
Sbjct	61716	TGTCTTCTCTCACACCCAGGTCTACCTTCTTCTTAGCTCCACCCCTACCCCCAACCTG	61657
Query	76741	TAATTCGAGCTTTCTTCTCCCCACACCCACCCCCGAAGTAGGATTGAGGCATTGTCAATT	76800
Sbjct	61656	TAATTCGAGCTTTCTTCTCCCCACACCCACCCCCGAAGTAGGATTGAGGCATTGTCAATT	61597
Query	76801	GGGTCCTTTTAGCTTGTTAAACTTCATGAGTCCCTTGGGTTGTGCCCTGGGTACTCTCCtt	76860
Sbjct	61596	GGGTCCTTTTAGCTTGTTAAACTTCATGAGTCCCTTGGGTTGTGCCCTGGGTACTCTCCTT	61537
Query	76861	tttttttttttGCTAACATCCACTTATTATTAGTGACCATGCATGTCTTTGCTTCTGAGT	76920
Sbjct	61536	TTTTTTTTTTTtGCTAACATCCACTTATTATTAGTGACCATGCATGTCTTTGCTTCTGAGT	61477
Query	76921	TACCTCACTCAGGATGATATTTTCTAATTCCACCTATTTACCTGCAAAACTCAGGAGGCG	76980
Sbjct	61476	TACCTCACTCAGGATGATATTTTCTAATTCCACCTATTTACCTGCAAAACTCAGGAGGCG	61417
Query	76981	CTCATTTGTAATAGTAAAATAATATTCCACTGTGTAAATGAACAACATTTTCCCCATTCC	77040
Sbjct	61416	CTCATTTGTAATAGTAAAATAATATTCCACTGTGTAAATGAACAACATTTTCCCCATTCC	61357
Query	77041	TCCATTGTGGGACATTGGGGTTGTTTTGAGCTTCTGGTTGTGACAAATAAGGCCACTTAT	77100
Sbjct	61356	TCCATTGTGGGACATTGGGGTTGTTTTGAGCTTCTGGTTGTGACAAATAAGGCCACTTAT	61297
Query	77101	GAACATAGTGAAACACATGCTCCCTGGAATGCTGGGACATCCTTTGAGTATATGCTCAA	77160
Sbjct	61296	GAACATAGTGAAACACATGCTCCCTGGAATGCTGGGACATCCTTTGAGTATATGCTCAA	61237
Query	77161	GAGTGGTGCAGTTAGGACTTCACCTAGAACAATTTCCAATTTTCTGAGAACTCTAGATT	77220
Sbjct	61236	GAGTGGTGCAGTTAGGACTTCACCTAGAACAATTTCCAATTTTCTGAGAACTCTAGATT	61177
Query	77221	GATTTCCAGAGTTGTTGTACCAGTTTCCAATCCCACCAGGAACGTAGGAGTGTTTCGTTCC	77280
Sbjct	61176	GATTTCCAGAGTTGTTGTACCAGTTTCCAATCCCACCAGGAACGTAGGAGTGTTTCGTTCC	61117
Query	77281	TCTTACTCCACATCCTCACCAACATGTGCTGTACCCGAGTTTTTGATCTTAGCCATTTT	77340
Sbjct	61116	TCTTACTCCACATCCTCACCAACATGTGCTGTACCCGAGTTTTTGATCTTAGCCATTTT	61057
Query	77341	GACTGATTACAGGTGGAATCTCAGTGAAAGATCTGTATGACAAGAACTTCAAGTCTCTCA	77400
Sbjct	61056	GACTGATTACAGGTGGAATCTCAGTGAAAGATCTGTATGACAAGAACTTCAAGTCTCTCA	60997
Query	77401	AGAAAGACCTTGACAAAGACCTCAGAAAATGGGCAGATTTTCCATGCTCATGGCTTGGCA	77460
Sbjct	60996	AGAAAGACCTTGACAAAGACCTCAGAAAATGGGCAGATTTTCCATGCTCATGGCTTGGCA	60937
Query	77461	GAATTAACACAGTGTA AAAATTGCAATCCTACCAAAGCAATCCCCATCAAAATCCCAAC	77520
Sbjct	60936	GAATTAACACAGTGTA AAAATTGCAATCCTACCAAAGCAATCCCCATCAAAATCCCAAC	60877
Query	77521	ATAATTCTTCAAAGATCTGGAAAGAGTAATTCTCAAATTCATCTGGAAAAACAATAAACC	77580
Sbjct	60876	ATAATTCTTCAAAGATCTGGAAAGAGTAATTCTCAAATTCATCTGGAAAAACAATAAACC	60817
Query	77581	CAGAAATAGTGAAAAATAACTGTAAACAATAAGAGAACTTCTGGATGAACCACCACCTATGA	77640
Sbjct	60816	CAGAAATAGTGAAAAATAACTGTAAACAATAAGAGAACTTCTGGATGAACCACCACCTATGA	60757
Query	77641	CCTCAAGCTATACTACAGAGCAATAGTGATTAAAAACTGCATGGTATCGATACAGAGACA	77700
Sbjct	60756	CCTCAAGCTATACTACAGAGCAATAGTGATTAAAAACTGCATGGTATCGATACAGAGACA	60697
Query	77701	GATTGATCAATGGAACATAACTGAAGACCCATCTTTTAGTTCTGAACCAGTGCCGAGAAC	77760
Sbjct	60696	GATTGATCAATGGAACATAACTGAAGACCCATCTTTTAGTTCTGAACCAGTGCCGAGAAC	60637
Query	77761	AGACCTTGGGTGCTGGCTCTGCATCCAGTCTCACAACTCAGAGGAAACCCAACCTCCCA	77820
Sbjct	60636	AGACCTTGGGTGCTGGCTCTGCATCCAGTCTCACAACTCAGAGGAAACCCAACCTCCCA	60577
Query	77821	GGGACTCTAACAAAGCCCAGCCTAATAGGCTGATGTGAGGAGCATGTGAAGAGGCCACAAC	77880
Sbjct	60576	GGGACTCTAACAAAGCCCAGCCTAATAGGCTGATGTGAGGAGCATGTGAAGAGGCCACAAC	60517
Query	77881	AACTGCACCAACACCTGAGTAACTTGGACCCCAGGATCCAGGGATGCAGGAATCTCCACC	77940
Sbjct	60516	AACTGCACCAACACCTGAGTAACTTGGACCCCAGGATCCAGGGATGCAGGAATCTCCACC	60457
Query	77941	TTGGCAGTGGCACAGGTTCTCCCTGTCTGAACTAGTGCCCTGAGCAGACTTTGGGCCCT	78000

Sbjct	60456	TTGGCAGTGGCAGAGGTTCTCCCTGTCTGAACTAGTGCCCTGAGCAGACTTTGGGCCCT	60397
Query	78001	GGCTCTGCAACTACTCCTACAACACCCAGAGAAAGTCTGACTCCCAGGGTCTCTGAAATT	78060
Sbjct	60396	GGCTCTGCAACTACTCCTACAACACCCAGAGAAAGTCTGACTCCCAGGGTCTCTGAAATT	60337
Query	78061	TCCAGGATCACAGGAGAGGCCACAACATCTTTCCCAGCACCCAGAGTAACTGGGACCACA	78120
Sbjct	60336	TCCAGGATCACAGGAGAGGCCACAACATCTTTCCCAGCACCCAGAGTAACTGGGACCACA	60277
Query	78121	ACAGGAATCAGTGAAACAAACGCCACCAACCAGAAGCAATGGTTCCTTCTAGCTTGCACA	78180
Sbjct	60276	ACAGGAATCAGTGAAACAAACGCCACCAACCAGAAGCAATGGTTCCTTCTAGCTTGCACA	60217
Query	78181	TATGCCCAGAGTAAACCCAGGGTTCTGGCTCCCCACCCACTGGTCCAACACCCTGAAAAA	78240
Sbjct	60216	TATGCCCAGAGTAAACCCAGGGTTCTGGCTCCCCACCCACTGGTCCAACACCCTGAAAAA	60157
Query	78241	GCTCAACTCCCAGAAGTTCTAACAGTACAGGTTTACAGGAGCTGGATCACATCAGCAATC	78300
Sbjct	60156	GCTCAACTCCCAGAAGTTCTAACAGTACAGGTTTACAGGAGCTGGATCACATCAGCAATC	60097
Query	78301	CAGGATGCCAGAGGCAGCTATACTCACAGGAGCTCTGAAACACCCAGCATATCAGATTCA	78360
Sbjct	60096	CAGGATGCCAGAGGCAGCTATACTCACAGGAGCTCTGAAACACCCAGCATATCAGATTCA	60037
Query	78361	CAGGATTGCAGAATCATAGTATCATACAGAGAGCTGTAATCTGAGAAGTTCTGACACAAC	78420
Sbjct	60036	CAGGATTGCAGAATCATAGTATCATACAGAGAGCTGTAATCTGAGAAGTTCTGACACAAC	59977
Query	78421	CAGGATCACAGGAGGAGGGACAGGCTCCAGTCAGAGGGAACAAAGTTAGCACTAGAGATA	78480
Sbjct	59976	CAGGATCACAGGAGGAGGGACAGGCTCCAGTCAGAGGGAACAAAGTTAGCACTAGAGATA	59917
Query	78481	ACCAGATTCAAGAACACAAGCAAGAAATACCAAGGCCTCATTAGAAATCCAGTTCTTCCAC	78540
Sbjct	59916	ACCAGATTCAAGAACACAAGCAAGAAATACCAAGGCCTCATTAGAAATCCAGTTCTTCCAC	59857
Query	78541	TACAGCATGTCCTGAATAGTGCTGTCTACACTAGACTAGCAAAGTCTCAGAACTGCAAGAC	78600
Sbjct	59856	TACAGCATGTCCTGAATAGTGCTGTCTACACTAGACTAGCAAAGTCTCAGAACTGCAAGAC	59797
Query	78601	TTTGGATTTAAATCACAACCTCAAGATGATAAAAGAGAGCTTTAGGAAACACAAAAATAAC	78660
Sbjct	59796	TTTGGATTTAAATCACAACCTCAAGATGATAAAAGAGAGCTTTAGGAAACACAAAAATAAC	59737
Query	78661	TCCCTTAAAGAAATACAGGGCAACACAGGGAAACAAGTAGAAGCCCTTAAAGAGGAAACA	78720
Sbjct	59736	TCCCTTAAAGAAATACAGGGCAACACAGGGAAACAAGTAGAAGCCCTTAAAGAGGAAACA	59677
Query	78721	CAAAAATTCCTTAAAGAATTACAGGAAAACACAACCAAACAGGTTAAGGAATTGAACAAA	78780
Sbjct	59676	CAAAAATTCCTTAAAGAATTACAGGAAAACACAACCAAACAGGTTAAGGAATTGAACAAA	59617
Query	78781	ACCATATAGGCTCTAAAACATGGAAATAGAAAAAAGGAAATCACAATGGTAGACAATCCT	78840
Sbjct	59616	ACCATATAGGCTCTAAAACATGGAAATAGAAAAAAGGAAATCACAATGGTAGACAATCCT	59557
Query	78841	GGAGATAGAAAACCTAAGAAAAAGATCAGGAATCACAGACGCAAGCATCACCAACAGAAT	78900
Sbjct	59556	GGAGATAGAAAACCTAAGAAAAAGATCAGGAATCACAGACGCAAGCATCACCAACAGAAT	59497
Query	78901	ACAAGACATAGAAGAGAGAATCTCAGGTGCAAAAGATACCATAGAAAATATTCACACAAC	78960
Sbjct	59496	ACAAGACATAGAAGAGAGAATCTCAGGTGCAAAAGATACCATAGAAAATATTCACACAAC	59437
Query	78961	AGTCAATGAAAAATGCAAATAGCAAAAAACTTGTAACCCAAAACATTAGGAAATCAAGGA	79020
Sbjct	59436	AGTCAATGAAAAATGCAAATAGCAAAAAACTTGTAACCCAAAACATTAGGAAATCAAGGA	59377
Query	79021	CACAAGAAGACAAAAACCTAAGGATGATAGGTATAGAAGAAAGTGAAGATTCCCAACTTA	79080
Sbjct	59376	CACAAGAAGACAAAAACCTAAGGATGATAGGTATAGAAGAAAGTGAAGATTCCCAACTTA	59317
Query	79081	AAGGGCCAGTAAATATCTTCAACAAAATTATAGAAGAAAACCTCCATAACCTAAAGAAAG	79140
Sbjct	59316	AAGGGCCAGTAAATATCTTCAACAAAATTATAGAAGAAAACCTCCATAACCTAAAGAAAG	59257
Query	79141	CGACGCCCATAAACATATAAGAAGCCTACAAAACCTCAAATAGACTGGATCAGAAAAGAA	79200
Sbjct	59256	CGACGCCCATAAACATATAAGAAGCCTACAAAACCTCAAATAGACTGGATCAGAAAAGAA	59197
Query	79201	AACCTTCTACCACGTAATAATCAAAACACCAAATGTacaaacaacaacaacaTCAA	79260
Sbjct	59196	AACCTTCTACCACGTAATAATCAAAACACCAAATGTACAAACAACAACAACATCAA	59137
Query	79261	TATTAAAGGGACTAAGAGAAAAAAGGTCAAGCGACATATAAAGGCAAACATCAGAATAAT	79320
Sbjct	59136	TATTAAAGGGACTAAGAGAAAAAAGGTCAAGCGACATATAAAGGCAAACATCAGAATAAT	59077

Query	79321	ACCAAATGTCTCAACAGACACTATGAAAGCAAGAAGTCTCTGGGTGAATGTCATACAGACC	79380
Sbjct	59076	ACCAAATGTCTCAACAGACACTATGAAAGCAAGAAGTCTCTGGGTGAATGTCATACAGACC	59017
Query	79381	CTAAGAGGACATAAATGCCAGCCCAGGCTACTATACCCAGCAAAACTCTCATACCAAAGT	79440
Sbjct	59016	CTAAGAGGACATAAATGCCAGCCCAGGCTACTATACCCAGCAAAACTCTCATACCAAAGT	58957
Query	79441	TGGTAAAACCAGATATTCCATGaaaaaaaaacaaaaaacacaacaaaaaaaaaacaaaT	79500
Sbjct	58956	TGGTAAAACCAGATATTCCATGAAAAAAAAACAAAAACAACAACAAAAAAAAAACAAAT	58897
Query	79501	TCACACAGTATGTTTCCACAAATCCAGCCCTCCAAAGGATAATAGATGGAACCTCCAAC	79560
Sbjct	58896	TCACACAGTATGTTTCCACAAATCCAGCCCTCCAAAGGATAATAGATGGAACCTCCAAC	58837
Query	79561	AAAGTGGGGAAACAACACCGAATAAAAAACAGCAAGAAAGTAATCTTTCAACAAGAAGTC	79620
Sbjct	58836	AAAGTGGGGAAACAACACCGAATAAAAAACAGCAAGAAAGTAATCTTTCAACAAGAAGTC	58777
Query	79621	CAAAAAGAAGATAGGCACAAAAGCATAATTTACCTCTAACACAAAATAACAGGAAGCAA	79680
Sbjct	58776	CAAAAAGAAGATAGGCACAAAAGCATAATTTACCTCTAACACAAAATAACAGGAAGCAA	58717
Query	79681	AACAGGAAGCAAAAATTACGTTTCCTTAATCTCCCTTAACAACATAAATGGACATAGACT	79740
Sbjct	58716	AACAGGAAGCAAAAATTACGTTTCCTTAATCTCCCTTAACAACATAAATGGACATAGACT	58657
Query	79741	AACTGATTGGATAGGTAAACAGGACCCAGCATTTTGCAGCATACAGGAAACGCACCTCAG	79800
Sbjct	58656	AACTGATTGGATAGGTAAACAGGACCCAGCATTTTGCAGCATACAGGAAACGCACCTCAG	58597
Query	79801	AAACAAAGACAGACACTAGATAAGAGTAAAAGGATAAGAAAAATTATTCCAAGTAAATGG	79860
Sbjct	58596	AAACAAAGACAGACACTAGATAAGAGTAAAAGGATAAGAAAAATTATTCCAAGTAAATGG	58537
Query	79861	TCCCAAGAAACAAGCTTCAGTAACCATTCTAATCACAAATAAAATTGACTTTCAGCCAAA	79920
Sbjct	58536	TCCCAAGAAACAAGCTTCAGTAACCATTCTAATCACAAATAAAATTGACTTTCAGCCAAA	58477
Query	79921	AGTTATCaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaacaaccaaccaaccaaaaaaatccaaaaaaaa	79980
Sbjct	58476	AGTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAACCAACCAACCAACCAAAAAATCCAAAAAA	58417
Query	79981	aaaaaaaaaCTGTACCAAGATGAAACCTCAATTCTGAACATCTATGCTCCAAATGCAAAT	80040
Sbjct	58416	AAAAAAAAAAGCTGTACCAAGATGAAACCTCAATTCTGAACATCTATGCTCCAAATGCAAAT	58357
Query	80041	GCACTCACATTTCATAAGAGAACTTTACTAAAGTTCAAAGTACACATTGCATTTTGTACT	80100
Sbjct	58356	GCACTCACATTTCATAAGAGAACTTTACTAAAGTTCAAAGTACACATTGCATTTTGTACT	58297
Query	80101	ATAATCGTAGAAGACTGCAACACTCCACCCTCATCAATAGACAGATCGTGGAAAGAGAAA	80160
Sbjct	58296	ATAATCGTAGAAGACTGCAACACTCCACCCTCATCAATAGACAGATCGTGGAAAGAGAAA	58237
Query	80161	CTAAATAGATGCCATGAACTAACAGAAGTTATGAACCAAATGGATTTAACAAAAATCTA	80220
Sbjct	58236	CTAAATAGATGCCATGAACTAACAGAAGTTATGAACCAAATGGATTTAACAAAAATCTA	58177
Query	80221	CAGAACATTTTATCCCACAAGAAAAGAGTATACATTTGTCTCAGCACCTCATGGTACTTC	80280
Sbjct	58176	CAGAACATTTTATCCCACAAGAAAAGAGTATACATTTGTCTCAGCACCTCATGGTACTTC	58117
Query	80281	TCAAAACTGACCATGTAATCGGTCATAAAACAGGCCTCAACAGATACAACCAGACTGAA	80340
Sbjct	58116	TCAAAACTGACCATGTAATCGGTCATAAAACAGGCCTCAACAGATACAACCAGACTGAA	58057
Query	80341	ATAATCCCATGCATCCTATCAGATCACACAGACTAAGAGTGGTCTTCAATAACAACAAA	80400
Sbjct	58056	ATAATCCCATGCATCCTATCAGATCACACAGACTAAGAGTGGTCTTCAATAACAACAAA	57997
Query	80401	AACAACAGAAATCCCACATACACATGGAAGTTCAATCCTCTGCTCAGAAATAACTAGCTC	80460
Sbjct	57996	AACAACAGAAATCCCACATACACATGGAAGTTCAATCCTCTGCTCAGAAATAACTAGCTC	57937
Query	80461	AAGGAAGAAATTGACTTTTTAAAATTTAATGAAAAATGGAGCCACAATATACAAAACCTTA	80520
Sbjct	57936	AAGGAAGAAATTGACTTTTTAAAATTTAATGAAAAATGGAGCCACAATATACAAAACCTTA	57877
Query	80521	TGGGACACAATGAAAGCAGTGCCAAAAGGACAACCTCAAAGCACTGAGTGCCCTCTGATTA	80580
Sbjct	57876	TGGGACACAATGAAAGCAGTGCCAAAAGGACAACCTCAAAGCACTGAGTGCCCTCTGATTA	57817
Query	80581	GTCTAGTGATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACAGGCTCCTGGTTTGGTTAATTCTCTGTA	80640
Sbjct	57816	GTCTAGTGATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACAGGCTCCTGGTTTGGTTAATTCTCTGTA	57757
Query	80641	GAGTCTTTTTGTCTTCTACTTGGTTGATTTAGCCCTGAGTTTGATTATTTCTGGAGCC	80700

Sbjct	57756	CTTTTTTTGTTCTACTTGGTTGATTTTCAGCCCTGAGTTTGATTATTTCTGGAGCC	57697
Query	80701	TACTCCTCTTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTGTGCTGTCAAGCTGCT	80760
Sbjct	57696	TACTCCTCTTGAGTGTATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTGTGCTGTCAAGCTGCT	57637
Query	80761	AGTATATGCTCTCCTTTGGAGGCACTCAAAGGTATGAGTTTTCTCTTAGTACTGCTTTC	80820
Sbjct	57636	AGTATATGCTCTCCTTTGGAGGCACTCAAAGGTATGAGTTTTCTCTTAGTACTGCTTTC	57577
Query	80821	ATTGTGTTCCATAAGTTTGGGTACGTGTGCCTTCATTTTCACAAAAATTTAAAATGTCTT	80880
Sbjct	57576	ATTGTGTTCCATAAGTTTGGGTACGTGTGCCTTCATTTTCACAAAAATTTAAAATGTCTT	57517
Query	80881	TAATTTCTTTTCGTTGTTTCCTTGACCAAGTTATCATTGAATAGAGCGCTGTTTACCTTCCA	80940
Sbjct	57516	TAATTTCTTTTCGTTGTTTCCTTGACCAAGTTATCATTGAATAGAGCGCTGTTTACCTTCCA	57457
Query	80941	TTTGTATGTGGACTTTCTGTTGTTTTTGTGTTTTTATAGATTACCGTTAGTCCATGATT	81000
Sbjct	57456	TTTGTATGTGGACTTTCTGTTGTTTTTGTGTTTTTATAGATTACCGTTAGTCCATGATT	57397
Query	81001	ATCTGCTAGGATGCATGGGAATATTTCACTCTTCCTGTATCTGTTGAGGCCTTGTTTGTG	81060
Sbjct	57396	ATCTGCTAGGATGCATGGGAATATTTCACTCTTCCTGTATCTGTTGAGGCCTTGTTTGTG	57337
Query	81061	ACCAATTATATTGTGCGCTTTTGGATAAGGTACCGTGAAGTGCTAAGAAGAAGAAGaaaa	81120
Sbjct	57336	ACCAATTATATTGTGCGCTTTTGGATAAGGTACCGTGAAGTGCTAAGAAGAAGAAGGAAAA	57277
Query	81121	aatatatataaataaattttttcattttatgatgaaatgttatataaatatctgttaaattgC	81180
Sbjct	57276	AATATATATAAATAAATTTTTTCATTTATGATGAAATGTTATATAAATATCTGTTAAATGC	57217
Query	81181	ATTTGGTTTCATAACTTCTGTTAGTTTCCTTATTTCTCTGTTTACTTTCTGTTTCCATGAT	81240
Sbjct	57216	ATTTGGTTTCATAACTTCTGTTAGTTTCCTTATTTCTCTGTTTACTTTCTGTTTCCATGAT	57157
Query	81241	CCAAAGATCAGAGTGGGTGTTGAAGTCTCCCACTATTTTTGTGTGAGGTGCAATGTTTGC	81300
Sbjct	57156	CCAAAGATCAGAGTGGGTGTTGAAGTCTCCCACTATTTTTGTGTGAGGTGCAATGTTTGC	57097
Query	81301	TTTCAGCTTTAGTAAGGACTGTTTTATGAATGCAGGTGCCCATGCACCTGGAGCATAGAT	81360
Sbjct	57096	TTTCAGCTTTAGTAAGGACTGTTTTATGAATGCAGGTGCCCATGCACCTGGAGCATAGAT	57037
Query	81361	ATTCAGGATTTCAGAGTTCATCTTGATTAATTTTTCTATGGATGAATATGAAGTGTCCTTC	81420
Sbjct	57036	ATTCAGGATTTCAGAGTTCATCTTGATTAATTTTTCTATGGATGAATATGAAGTGTCCTTC	56977
Query	81421	CTTATCATTTTTTGATAACTTTTTGTTGAAAGTCAATTTTATTTGATATTAGAATGGCTAC	81480
Sbjct	56976	CTTATCATTTTTTGATAACTTTTTGTTGAAAGTCAATTTTATTTGATATTAGAATGGCTAC	56917
Query	81481	CCCAGCTTCTTTTCATGGGACCGTTTGGTTGGAAAACCTGTTTTACACCCTTTTCCTCTGAG	81540
Sbjct	56916	CCCAGCTTCTTTTCATGGGACCGTTTGGTTGGAAAACCTGTTTTACACCCTTTTCCTCTGAG	56857
Query	81541	GTAGCGTCTATCTTTGTCCCTGAAGTGTTTTTCCTGTATGTAGCAAAATCCTAGGTCCTC	81600
Sbjct	56856	GTAGCGTCTATCTTTGTCCCTGAAGTGTTTTTCCTGTATGTAGCAAAATCCTAGGTCCTC	56797
Query	81601	TTTAGTTATCTAGTCTGTTAGTCTATGCCTTTTATTTGGGAACGACTCCATTGATGTTTC	81660
Sbjct	56796	TTTAGTTATCTAGTCTGTTAGTCTATGCCTTTTATTTGGGAACGACTCCATTGATGTTTC	56737
Query	81661	AGAGATATTAAGGAATAGTGATTGTTGCTTCCTGTTATTTTTGTGGTTCGAGGTGGAATT	81720
Sbjct	56736	AGAGATATTAAGGAATAGTGATTGTTGCTTCCTGTTATTTTTGTGGTTCGAGGTGGAATT	56677
Query	81721	ATGTTTGTGTGTCTCTTCTCTGTTTTCTTTGCAAGGCAATTACTTTCTTGCTTTTTCTA	81780
Sbjct	56676	ATGTTTGTGTGTCTCTTCTCTGTTTTCTTTGCAAGGCAATTACTTTCTTGCTTTTTCTA	56617
Query	81781	TGGTGTAGTTTCCCTCCTTGTGTTGGAGTTTTCCATCTATTATCCTTTGTAGGGCTGGAT	81840
Sbjct	56616	TGGTGTAGTTTCCCTCCTTGTGTTGGAGTTTTCCATCTATTATCCTTTGTAGGGCTGGAT	56557
Query	81841	TTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCGTGGAATATGTTGTTTTCTCCACTTA	81900
Sbjct	56556	TTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCGTGGAATATGTTGTTTTCTCCACTTA	56497
Query	81901	TGTTAATGGAGTGTTTTGTCTGGGATGGCATTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGACATC	81960
Sbjct	56496	TGTTAATGGAGTGTTTTGTCTGGGATGGCATTGTGTTCTCTTAGGGTCTGTATGACATC	56437
Query	81961	TGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATACTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGG	82020
Sbjct	56436	TGTCCAGGATCTTCTGGCTTTCATACTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGG	56377



Query	82021	TCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCTTACTGC	cttttaatatattctgctatttta	82080
Sbjct	56376	TCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCTTACTGCTTTTAATATTCTGCTATTTTA		56317
Query	82081	atattactgctattttaataaaatattttaaataattttaatattttaatattttaat		82140
Sbjct	56316	ATATTACTGCTATTTAATAAATATTTAAATATTTTAATATTTAATATTTTAATTTTAAT		56257
Query	82141	acatttgctgttttgactattat	GTGATGGGAGGACTTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTT	82200
Sbjct	56256	ACATTTGCTGTTTTGACTATTATGTGATGGGAGGACTTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTT		56197
Query	82201	GGAGTTCTGTAGACTTCTTGTATGTTTATGGGCATCTCTTCTTTAGCTCAGGGAAGTTT		82260
Sbjct	56196	GGAGTTCTGTAGACTTCTTGTATGTTTATGGGCATCTCTTCTTTAGCTCAGGGAAGTTT		56137
Query	82261	TCTTGTATAAATTTGTTGATGATATTTACTGGCCCTTTAAGTAGGGATTCTTCATTCTCT		82320
Sbjct	56136	TCTTGTATAAATTTGTTGATGATATTTACTGGCCCTTTAAGTAGGGATTCTTCATTCTCT		56077
Query	82321	CCTATACTTATTATCCTTAGTTTTATCTTCTCATTGTGTGCTGCATTTCCCTGAATGTTTT		82380
Sbjct	56076	CCTATACTTATTATCCTTAGTTTTATCTTCTCATTGTGTGCTGCATTTCCCTGAATGTTTT		56017
Query	82381	GGGTTAGGAGCTTTTGGGTTTTACAttttttttttttt	GAAGTTTGTCAATGTTTCTAT	82440
Sbjct	56016	GGGTTAGGAGCTTTTGGGTTTTACATTTTTTTTTTTTTGAAGTTGTCAATGTTTCTAT		55957
Query	82441	GGTTATTCTGCCCTGAGATTCTCCCGTCTATCTCTTGATTCTGTTGGTGATGCTCACA		82500
Sbjct	55956	GGTTATTCTGCCCTGAGATTCTCCCGTCTATCTCTTGATTCTGTTGGTGATGCTCACA		55897
Query	82501	TTTGTGACTCCTGGTCTCTTCCCTGGGTTTCTATCTTCAGGGTTGTCTCCCCTTGTGCAT		82560
Sbjct	55896	TTTGTGACTCCTGGTCTCTTCCCTGGGTTTCTATCTTCAGGGTTGTCTCCCCTTGTGCAT		55837
Query	82561	TCITTGTGTTTCTATTTCCATTTTTAAATCCTTGATGCTTTTGTTC AATTCCTTCACCT		82620
Sbjct	55836	TCITTGTGTTTCTATTTCCATTTTTAAATCCTTGATGCTTTTGTTC AATTCCTTCACCT		55777
Query	82621	GTTTGGTTGTGATTTCCCTGTAATTCCTTAAGGAATTTTGTGTTTCCCTCTTTAAGGGTTT		82680
Sbjct	55776	GTTTGGTTGTGATTTCCCTGTAATTCCTTAAGGAATTTTGTGTTTCCCTCTTTAAGGGTTT		55717
Query	82681	CTACTTGTTTACCTGTGTTCTCCTGTATTTCTTTAAGGGAGTTAGTTACTTATATCCTTC		82740
Sbjct	55716	CTACTTGTTTACCTGTGTTCTCCTGTATTTCTTTAAGGGAGTTAGTTACTTATATCCTTC		55657
Query	82741	TTAAAGTCCTCCATCATCATGAGGTGTGATTTCAAATCCTAATCTTGCTTTTCCAGTATT		82800
Sbjct	55656	TTAAAGTCCTCCATCATCATGAGGTGTGATTTCAAATCCTAATCTTGCTTTTCCAGTATT		55597
Query	82801	TGGTTATCCACTATTTGCTTTGGGGGATAACTGGGCTATGATGATGCCAAGTAGATTTAG		82860
Sbjct	55596	TGGTTATCCACTATTTGCTTTGGGGGATAACTGGGCTATGATGATGCCAAGTAGATTTAG		55537
Query	82861	TTTCTGTTGCTTAGGTTCCCTGCACTTTTCTCTTAACATCTGGTTGTCCCTGGTGTAGCT		82920
Sbjct	55536	TTTCTGTTGCTTAGGTTCCCTGCACTTTTCTCTTAACATCTGGTTGTCCCTGGTGTAGCT		55477
Query	82921	TGTCTTGCTGTCTCTGACAGTAGTTTGACAGTCCTGTAAGCCTGTGTGTCAGCACTCCTG		82980
Sbjct	55476	TGTCTTGCTGTCTCTGACAGTAGTTTGACAGTCCTGTAAGCCTGTGTGTCAGCACTCCTG		55417
Query	82981	GAGACCAGCTTTCTCACAGAGGGATCTAGGTATAGAGAGCTGTAGGACCTGGTCAGCTCC		83040
Sbjct	55416	GAGACCAGCTTTCTCACAGAGGGATCTAGGTATAGAGAGCTGTAGGACCTGGTCAGCTCC		55357
Query	83041	AGGCCCAGGCAGAACTGGAAGGGTTCTATCCCAGTCTGCTCCTGGGTTGTTGTGTCCTG		83100
Sbjct	55356	AGGCCCAGGCAGAACTGGAAGGGTTCTATCCCAGTCTGCTCCTGGGTTGTTGTGTCCTG		55297
Query	83101	AGGCTCCATGCAGGTCCCTGGCAGCAGAAGTGGTGGTCTTACCTCTGCTTTCAAGTGAGT		83160
Sbjct	55296	AGGCTCCATGCAGGTCCCTGGCAGCAGAAGTGGTGGTCTTACCTCTGCTTTCAAGTGAGT		55237
Query	83161	AAGTGAGCCTGGGGACTGGCTTTCCGACCTAGGCACAGGCAGAGACTGGAAGGATCCTCC		83220
Sbjct	55236	AAGTGAGCCTGGGGACTGGCTTTCCGACCTAGGCACAGGCAGAGACTGGAAGGATCCTCC		55177
Query	83221	TCTCCCTGACTGCTCCTAGGTTCTGTGTACAGAGGGCTCTGGGGGATTCTCTTGGACC		83280
Sbjct	55176	TCTCCCTGACTGCTCCTAGGTTCTGTGTACAGAGGGCTCTGGGGGATTCTCTTGGACC		55117
Query	83281	GGGAATGTGAGCAGAAGTGGGGGTGTCCCTGTGCTCTCAGGATTGTCTGCACCTCTGAG		83340
Sbjct	55116	GGGAATGTGAGCAGAAGTGGGGGTGTCCCTGTGCTCTCAGGATTGTCTGCACCTCTGAG		55057
Query	83341	GGTCCAGCTCTCTCCCCACAGGATTTTGGCATAGAGAAATGTGGGACCCAGTCAGATTT		83400

Sbjct	55056	CAGCTCTCTCCCCACAGGATTTTGGCATAGAGAAATGTGGGACCCAGTCAGATTT	54997
Query	83401	GGGTATAGGCAAAGAGCGGAAGAATCCTGTCCCAGATGGCTCCTGGGTTTCGTGTCTCTG	83460
Sbjct	54996	GGGTATAGGCAAAGAGCGGAAGAATCCTGTCCCAGATGGCTCCTGGGTTTCGTGTCTCTG	54937
Query	83461	TAGCCTCTAGGCAGGTCCCTCAGAGTATAAGTATTGGTCTTACCTCTGCTCTCAGGTGTA	83520
Sbjct	54936	TAGCCTCTAGGCAGGTCCCTCAGAGTATAAGTATTGGTCTTACCTCTGCTCTCAGGTGTA	54877
Query	83521	TCAGCACTCTTCTAGGCCCATTTGTTATTAAGAGAAAACCTACTTAATTTCAAAGAGAGTTG	83580
Sbjct	54876	TCAGCACTCTTCTAGGCCCATTTGTTATTAAGAGAAAACCTACTTAATTTCAAAGAGAGTTG	54817
Query	83581	TTTATTTTCTCTAAACAACTTTGCTAATTTATCAGGCTAATGTGTTTCTCTCCTTCACTG	83640
Sbjct	54816	TTTATTTTCTCTAAACAACTTTGCTAATTTATCAGGCTAATGTGTTTCTCTCCTTCACTG	54757
Query	83641	TCTAACAACCCCATGAAGATCTTAACCTGTTTACTATTCTATTTTATGGTGAAATGAAAT	83700
Sbjct	54756	TCTAACAACCCCATGAAGATCTTAACCTGTTTACTATTCTATTTTATGGTGAAATGAAAT	54697
Query	83701	ACTTCACATTTCTATACtttttctgatttttgacctcttttctataaaatgttggtttgt	83760
Sbjct	54696	ACTTCACATTTCTATACTTTTTCTGATTTTTGACCTCTTTTCTATAAAATGTTGGTTTGT	54637
Query	83761	tgttgggtttttgtttttgtttttgctgttctctttatgtttgAACAAATATTTTACAAAGTAT	83820
Sbjct	54636	TGTTGGGTTTTGTTTTGTTTTGCTGTTCTTTATGTTTGAACAATATTTTACAAAGTAT	54577
Query	83821	TAGTGTGTATAGGTGACTTATTAGGACATGTGTCTATCTGTACAATCTCCAGACTCCTGA	83880
Sbjct	54576	TAGTGTGTATAGGTGACTTATTAGGACATGTGTCTATCTGTACAATCTCCAGACTCCTGA	54517
Query	83881	TCCACCTTCTCCGGTATTTCCAGGCGGTCTCCCATCCAAGTACTAACCAGGCCGACCCT	83940
Sbjct	54516	TCCACCTTCTCCGGTATTTCCAGGCGGTCTCCCATCCAAGTACTAACCAGGCCGACCCT	54457
Query	83941	GCTTAGCTTCCGAGATCAGACGAGATCGGGCGCGTTCAGGGTGGTATGGCCGTAGACCTG	84000
Sbjct	54456	GCTTAGCTTCCGAGATCAGACGAGATCGGGCGCGTTCAGGGTGGTATGGCCGTAGACCTG	54397
Query	84001	ATCCGCCTTCTCAAGCACACTGTCTCATTTCTCTGAGACGGAGTTTCATTTTATACTTTA	84060
Sbjct	54396	ATCCGCCTTCTCAAGCACACTGTCTCATTTCTCTGAGACGGAGTTTCATTTTATACTTTA	54337
Query	84061	GACTTATATTAAACTTGCAATCTAAGTCAGCCTCCTGTGTTTTCTTATTCCCTACCTAGAA	84120
Sbjct	54336	GACTTATATTAAACTTGCAATCTAAGTCAGCCTCCTGTGTTTTCTTATTCCCTACCTAGAA	54277
Query	84121	TATTTTAAGTGCTTAGTTTGATAATGTCTATGTATTTGAGGTCTTTAGTATGTAACAGA	84180
Sbjct	54276	TATTTTAAGTGCTTAGTTTGATAATGTCTATGTATTTGAGGTCTTTAGTATGTAACAGA	54217
Query	84181	CTATGATAGTACTAGGTTTGGTGAAGGAGAAAAGTTTGTGTACATATGTGGGAGAGTATA	84240
Sbjct	54216	CTATGATAGTACTAGGTTTGGTGAAGGAGAAAAGTTTGTGTACATATGTGGGAGAGTATA	54157
Query	84241	TCCAAAAGCAGGGACAGGAGAGAAGGTATAAAGTAGGTATGAAACCCAACCAAGCCACAC	84300
Sbjct	54156	TCCAAAAGCAGGGACAGGAGAGAAGGTATAAAGTAGGTATGAAACCCAACCAAGCCACAC	54097
Query	84301	GGGGAAAAGAGTAGAACACAGGAGAGTGCAGAGAATGTAACCAATTCCAACAGCTAGGAA	84360
Sbjct	54096	GGGGAAAAGAGTAGAACACAGGAGAGTGCAGAGAATGTAACCAATTCCAACAGCTAGGAA	54037
Query	84361	GCACAAAGAGAACGGGACAAAATCCAGGTAACCAAATTTTTCAATTAGATATGGAAATGC	84420
Sbjct	54036	GCACAAAGAGAACGGGACAAAATCCAGGTAACCAAATTTTTCAATTAGATATGGAAATGC	53977
Query	84421	AGTTGGAGAAGAGAAGCCCCAAGTCTATGGCTGGAGAATTTAGGTTAGGGGGCAGGTTAT	84480
Sbjct	53976	AGTTGGAGAAGAGAAGCCCCAAGTCTATGGCTGGAGAATTTAGGTTAGGGGGCAGGTTAT	53917
Query	84481	GCCAATCTGGAGAGCCATATATCAGGGGAAACTTGGTGGCCAGGTCTGCTTCTAAATATT	84540
Sbjct	53916	GCCAATCTGGAGAGCCATATATCAGGGGAAACTTGGTGGCCAGGTCTGCTTCTAAATATT	53857
Query	84541	AAATGGAAAACCTAATCCATTCATTCCAAATTTAAACCTTATTGTATTCCATAGCCCACT	84600
Sbjct	53856	AAATGGAAAACCTAATCCATTCATTCCAAATTTAAACCTTATTGTATTCCATAGCCCACT	53797
Query	84601	GGTACTTTAACCCATGGTATTAGCAGTTTTCTTCTACTACTTTATTTATTGTATGACTAA	84660
Sbjct	53796	GGTACTTTAACCCATGGTATTAGCAGTTTTCTTCTACTACTTTATTTATTGTATGACTAA	53737
Query	84661	TATGCATTTGTACCTAAGAAAAATGAAATGCTACAGTGGTTTCTTACGATACAGAGGGAA	84720
Sbjct	53736	TATGCATTTGTACCTAAGAAAAATGAAATGCTACAGTGGTTTCTTACGATACAGAGGGAA	53677

Query	84721	GTCACATGAAATTTGGGCAGTCACAGAGTAATTATTATACGGTGATGATCACACAGTTGC	84780
Sbjct	53676	GTCACATGAAATTTGGGCAGTCACAGAGTAATTATTATACGGTGATGATCACACAGTTGC	53617
Query	84781	CATCTCATAGATGCCATCAAACATAGATTATCTTAATTAGCATAAGTCAATAGTCCTCCC	84840
Sbjct	53616	CATCTCATAGATGCCATCAAACATAGATTATCTTAATTAGCATAAGTCAATAGTCCTCCC	53557
Query	84841	TCAGATCATTACACAGTTATCATCAAAGTGTTGGCCATGATTTAGCAGTAATTACATCGT	84900
Sbjct	53556	TCAGATCATTACACAGTTATCATCAAAGTGTTGGCCATGATTTAGCAGTAATTACATCGT	53497
Query	84901	GGCCATCCCAAAGTGACCTCTATACACATATTCAACCCAGCATGGGAATCATTTGATAGT	84960
Sbjct	53496	GGCCATCCCAAAGTGACCTCTATACACATATTCAACCCAGCATGGGAATCATTTGATAGT	53437
Query	84961	CATCATAcAGTGTCTGTcATcATTcAGCCATcACAGAAATGGCCATcAGAAATTGACTATTA	85020
Sbjct	53436	CATCATAcAGTGTCTGTcATcATTcAGCCATcACAGAAATGGCCATcAGAAATTGACTATTA	53377
Query	85021	TGAAATGTCCATTACATGGTGGCCATCACTCAGTGGTTATCTAATATTGGCCATCTGACA	85080
Sbjct	53376	TGAAATGTCCATTACATGGTGGCCATCACTCAGTGGTTATCTAATATTGGCCATCTGACA	53317
Query	85081	GTGACAATCATTGTTCCCAATATACGTACTATCTATCACCTTAGATTTCTATATGGTGAC	85140
Sbjct	53316	GTGACAATCATTGTTCCCAATATACGTACTATCTATCACCTTAGATTTCTATATGGTGAC	53257
Query	85141	CATCATCCAATGATGAGCACTGAGGGATTATCACAGTCCGGACATAAGAAAGTGAGCAAA	85200
Sbjct	53256	CATCATCCAATGATGAGCACTGAGGGATTATCACAGTCCGGACATAAGAAAGTGAGCAAA	53197
Query	85201	TTACACCGACCATCCcACAGTAACAATCATATGACAGCCATCACTCAGTTGTCAACCCAC	85260
Sbjct	53196	TTACACCGACCATCCcACAGTAACAATCATATGACAGCCATCACTCAGTTGTCAACCCAC	53137
Query	85261	AATCATCAGCATATAGTGACCACCAAACCTTGACTATCACAAGTGTCATCATAcAGTG	85320
Sbjct	53136	AATCATCAGCATATAGTGACCACCAAACCTTGACTATCACAAGTGTCATCATAcAGTG	53077
Query	85321	GATATCAATTGGTGGTTATCACAAGTCTTCATCACTAACTTGCTTTCATACAGTGACCA	85380
Sbjct	53076	GATATCAATTGGTGGTTATCACAAGTCTTCATCACTAACTTGCTTTCATACAGTGACCA	53017
Query	85381	TAAGAGAGTTCCCATCACACGGTGTTcATAACAAAGGGACCACCATCAGTGTGCATTCCA	85440
Sbjct	53016	TAAGAGAGTTCCCATCACACGGTGTTcATAACAAAGGGACCACCATCAGTGTGCATTCCA	52957
Query	85441	CCAAGAGACTATCACACATTGGCCATGATATAGGTCTATTAAACATATCTCGCCTTCCAG	85500
Sbjct	52956	CCAAGAGACTATCACACATTGGCCATGATATAGGTCTATTAAACATATCTCGCCTTCCAG	52897
Query	85501	TATCCACTGTGCCCAGAGCTGGGGCTGTCCCACTGCTCTCAGACaaaaaaaaaaaaaaaaa	85560
Sbjct	52896	TATCCACTGTGCCCAGAGCTGGGGCTGTCCCACTGCTCTCAGACAAAAAAAAAAAAAAAAA	52837
Query	85561	aaaaaaaaaaaaaaaaaTCTGCTCTCAGAGAGTTGGTGTGCCAGAAGCACTCTACTTCCA	85620
Sbjct	52836	AAAAAAAAAAAAAAAAAATCTGCTCTCAGAGAGTTGGTGTGCCAGAAGCACTCTACTTCCA	52777
Query	85621	AAGCCCAGAGCCCACGGCCCACAGGTGGGACCCCACCTACTCACCCTGACTGTCCAAGG	85680
Sbjct	52776	AAGCCCAGAGCCCACGGCCCACAGGTGGGACCCCACCTACTCACCCTGACTGTCCAAGG	52717
Query	85681	ATAGACACAACAAGAGAGCACATGGGACAGGAGGCTCAGGGCAATCTAGGACAGGACATT	85740
Sbjct	52716	ATAGACACAACAAGAGAGCACATGGGACAGGAGGCTCAGGGCAATCTAGGACAGGACATT	52657
Query	85741	TCCAGTCTCCATCAGGATCCAGAGCTGGGGCTGTCCCATAGCTCTCTGACCCAAAACCTG	85800
Sbjct	52656	TCCAGTCTCCATCAGGATCCAGAGCTGGGGCTGTCCCATAGCTCTCTGACCCAAAACCTG	52597
Query	85801	CCGAGAGAGCTGGTATGCAAGGAATCCTCTCACTCCTAAGATCACAGCCTCCcAGGACAG	85860
Sbjct	52596	CCGAGAGAGCTGGTATGCAAGGAATCCTCTCACTCCTAAGATCACAGCCTCCcAGGACAG	52537
Query	85861	GTTCCGCAAGACAAGCTCCAGTCAGACACAGCAAAGTCAACTAACATCAGAGATGACCAG	85920
Sbjct	52536	GTTCCGCAAGACAAGCTCCAGTCAGACACAGCAAAGTCAACTAACATCAGAGATGACCAG	52477
Query	85921	ATAGCAAGAGGCAAGGACAAGATCCCAACAGACAGAAACCAAGACTACTTGGCATCATCA	85980
Sbjct	52476	ATAGCAAGAGGCAAGGACAAGATCCCAACAGACAGAAACCAAGACTACTTGGCATCATCA	52417
Query	85981	GAGCCCAGTTTTCCCAAATACTGGATATCCAAACACACCAGAAAAGCAAGATTTGGATTT	86040
Sbjct	52416	GAGCCCAGTTTTCCCAAATACTGGATATCCAAACACACCAGAAAAGCAAGATTTGGATTT	52357
Query	86041	AAAATCACATCTCATGCTGATAATAGAGGACTTTAAGAGGACATAATAAGTCCCTGAAG	86100

Sbjct	52356	TCACTCTCATGCTGATAATAGAGGACTTTAAGAGGACATAATAAGTCCCCTGAAG	52297
Query	86101	AAATACAGGACAACACAGGTAACAAGTAGAATCACTTAAAGAGGCAACACAAAAATACC	86160
Sbjct	52296	AAATACAGGACAACACAGGTAACAAGTAGAATCACTTAAAGAGGCAACACAAAAATACC	52237
Query	86161	ATAAAGAATTACAGGAAAAACATATACACAGGTGAAGGAAATGAACAAAACGATTTCAGG	86220
Sbjct	52236	ATAAAGAATTACAGGAAAAACATATACACAGGTGAAGGAAATGAACAAAACGATTTCAGG	52177
Query	86221	ATCTAAAAAGATGGAAATAGAAACAATGAGAGAAAACCTTGGAGACAGAAAACCTAGGAA	86280
Sbjct	52176	ATCTAAAAAGATGGAAATAGAAACAATGAGAGAAAACCTTGGAGACAGAAAACCTAGGAA	52117
Query	86281	AGAGATGAGGAGTCATAGACACAAACATTACCAACAGAATGCAAGAGATTGAAGAGAGAA	86340
Sbjct	52116	AGAGATGAGGAGTCATAGACACAAACATTACCAACAGAATGCAAGAGATTGAAGAGAGAA	52057
Query	86341	TTCCAGGGACAGAAGATAGCATacaaaaacattgacaaaatagtcaaagaaaatacaaaaa	86400
Sbjct	52056	TTCCAGGGACAGAAGATAGCATACAAAACATTGACAAAATAGTCAAAGAAAATACAAAAA	51997
Query	86401	gcaaaaagcttctaaaccaaaaacaTCCAGGAAATCCAGGACACAATGAGAAGATAGAACC	86460
Sbjct	51996	GCAAAAAGCTTCTAAACCAAAACATCCAGGAAATCCAGGACACAATGAGAAGATAGAACC	51937
Query	86461	TAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAATGAAGAATCACAATTTAAGGGGCCAGTAAATATCT	86520
Sbjct	51936	TAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAATGAAGAATCACAATTTAAGGGGCCAGTAAATATCT	51877
Query	86521	TCAACAAAATTATACAAGAAAACCTCCCTAACCTAAAGAAAGAGATGCCCATAGATACA	86580
Sbjct	51876	TCAACAAAATTATACAAGAAAACCTCCCTAACCTAAAGAAAGAGATGCCCATAGATACA	51817
Query	86581	AGAAGCTTAGAGAACTTCAAAGACATTGGACCAGAAATAAAATTCCTCCAGTCACACAAT	86640
Sbjct	51816	AGAAGCTTAGAGAACTTCAAAGACATTGGACCAGAAATAAAATTCCTCCAGTCACACAAT	51757
Query	86641	AGTCAAAACACCAAAACCCACAAATCAAAGAAAAGATATTTAAAGCAGTAAGGGAAAAGGG	86700
Sbjct	51756	AGTCAAAACACCAAAACCCACAAATCAAAGAAAAGATATTTAAAGCAGTAAGGGAAAAGGG	51697
Query	86701	TCAAGTAACATATAAAGGGAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGAGACTAT	86760
Sbjct	51696	TCAAGTAACATATAAAGGGAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCACCAGAGACTAT	51637
Query	86761	GAAAGACAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCC	86820
Sbjct	51636	GAAAGACAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCCAGCC	51577
Query	86821	CAGCCTACTGTATCCACCAAAACTCTGAATTAACACAGATGGAAAAACAAGATATTCCA	86880
Sbjct	51576	CAGCCTACTGTATCCACCAAAACTCTGAATTAACACAGATGGAAAAACAAGATATTCCA	51517
Query	86881	TGACAAAACCAAACCTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAGAACAGA	86940
Sbjct	51516	TGACAAAACCAAACCTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGAGAACAGA	51457
Query	86941	CAGAAAACCTCCAAACACAAGGAAGAAAACACACCCGAGAGAAGCAAAGAAGTAATCTTCC	87000
Sbjct	51456	CAGAAAACCTCCAAACACAAGGAAGAAAACACACCCGAGAGAAGCAAAGAAGTAATCTTCC	51397
Query	87001	TGTAACAAATCCAAAAGAAGAGATACACAAACACAGTTCCACCTCTAACACAAAAATGA	87060
Sbjct	51396	TGTAACAAATCCAAAAGAAGAGATACACAAACACAGTTCCACCTCTAACACAAAAATGA	51337
Query	87061	CAGGAAACAATCACCATTCTTTAAAAATCCCTTAACATCAATGGACTCAATTCCCCAATA	87120
Sbjct	51336	CAGGAAACAATCACCATTCTTTAAAAATCCCTTAACATCAATGGACTCAATTCCCCAATA	51277
Query	87121	AAAAGATCCAGACTAAAAGACTGAATACATAGAGAAGACCCAGCATTTTGCTGCATACAG	87180
Sbjct	51276	AAAAGATCCAGACTAAAAGACTGAATACATAGAGAAGACCCAGCATTTTGCTGCATACAG	51217
Query	87181	GAAACACACCTCAGTGACAAAGACTGACATTACCTCAGAGTAAAAGGCTGGAAAACAATT	87240
Sbjct	51216	GAAACACACCTCAGTGACAAAGACTGACATTACCTCAGAGTAAAAGGCTGGAAAACAATT	51157
Query	87241	TTCCAAAACAAATGGTCCAAAGAAACAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCGAACAAACTC	87300
Sbjct	51156	TTCCAAAACAAATGGTCCAAAGAAACAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCGAACAAACTC	51097
Query	87301	GACTTTCAAATAAGTTATCAAACAGATAAGGAAAGATGCTTTATACATCAAAGGAAAAA	87360
Sbjct	51096	GACTTTCAAATAAGTTATCAAACAGATAAGGAAAGATGCTTTATACATCAAAGGAAAAA	51037
Query	87361	TCTACCAGAGTGAACCTCTCACTTGTTAACATCGATGCTCCAAATGCAAGTTCATAAAAGA	87420
Sbjct	51036	TCTACCAGAGTGAACCTCTCACTTGTTAACATCGATGCTCCAAATGCAAGTTCATAAAAGA	50977

Query	87421	AACTTTACTGAAGGCTATTAGCCCAAATGCTTGAATTACCTTAGATGCACAGAACACATG	87480
Sbjct	50976	AACTTTACTGAAGGCTATTAGCCCAAATGCTTGAATTACCTTAGATGCACAGAACACATG	50917
Query	87481	AAACTCAAGAAGGATGACCAAAATGCGGGTGCTTCACTCCTTCTTTAAGAGGGGAACAAG	87540
Sbjct	50916	AAACTCAAGAAGGATGACCAAAATGCGGGTGCTTCACTCCTTCTTTAAGAGGGGAACAAG	50857
Query	87541	AATACCCCTTGGCAGGGAATAGGGAGGCAAAGTTTAGAACAGAGGCAGAAGGAACACCCAT	87600
Sbjct	50856	AATACCCCTTGGCAGGGAATAGGGAGGCAAAGTTTAGAACAGAGGCAGAAGGAACACCCAT	50797
Query	87601	TCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATATGTTGCTGGATGAAGGAAAAAGTGCAGACCGA	87660
Sbjct	50796	TCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATATGTTGCTGGATGAAGGAAAAAGTGCAGACCGA	50737
Query	87661	CAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAAACACAGAAGC	87720
Sbjct	50736	CAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAAACACAGAAGC	50677
Query	87721	GAATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGACCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAA	87780
Sbjct	50676	GAATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGACCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAA	50617
Query	87781	GGACTGGAAGAGCTTGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGCCAAGCAACCAG	87840
Sbjct	50616	GGACTGGAAGAGCTTGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGCCAAGCAACCAG	50557
Query	87841	AGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGAC	87900
Sbjct	50556	AGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGAC	50497
Query	87901	CTCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGATCACCAGTGGAAGGGGAAGCCCTGGGTCC	87960
Sbjct	50496	CTCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGATCACCAGTGGAAGGGGAAGCCCTGGGTCC	50437
Query	87961	TGCTAAGACTGAACCCCCAGTGAACCTAGACTAtggggggagggtggcaatggggggagga	88020
Sbjct	50436	TGCTAAGACTGAACCCCCAGTGAACCTAGACTATGGGGGGAGGGTGGCAATGGGGGGAGGA	50377
Query	88021	tggggagggggaacaccaatagagaaggggagggggggttaggggaATGTTGGCCTGGA	88080
Sbjct	50376	TGGGGAGGGGAACACCAATAGAGAAGGGGAGGGGGGTTAGGGGAATGTTGGCCTGGA	50317
Query	88081	CCGGGAAGGGGAATAACAATCGAAATGTAAATAAGAAATACTCAAGTTAATAAAGATTaa	88140
Sbjct	50316	CCGGGAAGGGGAATAACAATCGAAATGTAAATAAGAAATACTCAAGTTAATAAAGATTAA	50257
Query	88141	aaaaaGAATTGAGCAGACaaaaaaaGttttttttAATAGAAATTTCTTTTAAAAAATTGA	88200
Sbjct	50256	AAAAAGAATTGAGCAGACAAAAAAGTTTTTTTTAATAGAAATTTCTTTTAAAAAATTGA	50197
Query	88201	GAACCTATGGTCAGTGTGTACAGGTTAAGAATCACAAATACACAATCATATCTTTAATC	88260
Sbjct	50196	GAACCTATGGTCAGTGTGTACAGGTTAAGAATCACAAATACACAATCATATCTTTAATC	50137
Query	88261	AATATGGGGTGACTTTAGTTTTAATATCTAGTGTGTTTTGTCAAAGAACCAAACTCTGTA	88320
Sbjct	50136	AATATGGGGTGACTTTAGTTTTAATATCTAGTGTGTTTTGTCAAAGAACCAAACTCTGTA	50077
Query	88321	TGATCTCTAGCTTCATGTCCATGGGGGACAGTTTCCATTCTTACCCTCAGATCCACTTG	88380
Sbjct	50076	TGATCTCTAGCTTCATGTCCATGGGGGACAGTTTCCATTCTTACCCTCAGATCCACTTG	50017
Query	88381	TCTCTGGCCATATCTGCTGTGTTTCTTAGAAGCAACAAATAGAAAAGTCCTCTTTTAAA	88440
Sbjct	50016	TCTCTGGCCATATCTGCTGTGTTTCTTAGAAGCAACAAATAGAAAAGTCCTCTTTTAAA	49957
Query	88441	TCAAGCTGCTGGTTTTTACTGTTTGATTGGGGAATGGAGACCATTTTTAAAGGCCTGTA	88500
Sbjct	49956	TCAAGCTGCTGGTTTTTACTGTTTGATTGGGGAATGGAGACCATTTTTAAAGGCCTGTA	49897
Query	88501	TTGGATCCTGTGGTTTTGCTGACATTTTACTCTGAGTTGTTTCCTAGTCTTTCTTTGCTT	88560
Sbjct	49896	TTGGATCCTGTGGTTTTGCTGACATTTTACTCTGAGTTGTTTCCTAGTCTTTCTTTGCTT	49837
Query	88561	AGCTAGTGTTTTGGTTCttttttttttCCGGGGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTTACG	88620
Sbjct	49836	AGCTAGTGTTTTGGTTCttttttttttCCGGGGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTTACG	49777
Query	88621	CTTCCTAGGTAAGCGCTTAGCTAGTGTTTTGATGGCTTCAGtttttttCTGAATGTGTTT	88680
Sbjct	49776	CTTCCTAGGTAAGCGCTTAGCTAGTGTTTTGATGGCTTCAGTTTTTTTCTGAATGTGTTT	49717
Query	88681	ATCTTCCTTTTCATCCAAAGGATCCATTCAAGTGTCTATTGTAGACCTTTAGCTTGTTTT	88740
Sbjct	49716	ATCTTCCTTTTCATCCAAAGGATCCATTCAAGTGTCTATTGTAGACCTTTAGCTTGTTTT	49657
Query	88741	AATGTAGAAATGTTCTTCATTGCACTACGATAGATGGTTTTGCTGGATATAATAAAATG	88800

Sbjct	49656	TGTAGAAATGTTCTTCATTGCAC TACGATAGATGGTTTTGCTGGATATAATAAAATG	49597
Query	88801	GTTGACATaaaaaaaaaaaaaGAAAGAAAGAAACTTTACTGAAGCTCAAAGCATAACATTT	88860
Sbjct	49596	GTTGACATAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAACTTTACTGAAGCTCAAAGCATAACATTT	49537
Query	88861	CACTTCACACAATAATAGTAGGAGAGTTCAACACCACTCTCATCAATGAGCAGATCATGG	88920
Sbjct	49536	CACTTCACACAATAATAGTAGGAGAGTTCAACACCACTCTCATCAATGAGCAGATCATGG	49477
Query	88921	AAACAGAAACTAAACAGAGACACAGGGAAATTAACAGAAGTTATCAACTAAATGGATTTA	88980
Sbjct	49476	AAACAGAAACTAAACAGAGACACAGGGAAATTAACAGAAGTTATCAACTAAATGGATTTA	49417
Query	88981	ACATATATCCAAAGGACATTACATCCTAAAACAAAGGAATATACCTTCTTCTAAGAACCT	89040
Sbjct	49416	ACATATATCCAAAGGACATTACATCCTAAAACAAAGGAATATACCTTCTTCTAAGAACCT	49357
Query	89041	CATGGTACCTTCTCAAATTGACCATATCATTGGTAACAAAACAGACCTCAATAGTTAAA	89100
Sbjct	49356	CATGGTACCTTCTCAAATTGACCATATCATTGGTAACAAAACAGACCTCAATAGTTAAA	49297
Query	89101	AGGAGACTGAAATAATTCTCGCATCCTATCAGATCAGCATGGACTAAAGCTGGTCTTCAA	89160
Sbjct	49296	AGGAGACTGAAATAATTCTCGCATCCTATCAGATCAGCATGGACTAAAGCTGGTCTTCAA	49237
Query	89161	AATAACaaaaaaGCAGAAAACCAATATACACATGGAAGCTGAACAATGCTCTATTCAAT	89220
Sbjct	49236	AATAACAAAAAAGCAGAAAACCAATATACACATGGAAGCTGAACAATGCTCTATTCAAT	49177
Query	89221	GACAACTTGGTCAAGGAAGAAATAAAGAAATTAAGTCTCTTTGGAATTTAATGAAAATG	89280
Sbjct	49176	GACAACTTGGTCAAGGAAGAAATAAAGAAATTAAGTCTCTTTGGAATTTAATGAAAATG	49117
Query	89281	AAGGCACAACACACCTAAATTTATGGAACACAATGAAAGCGGTGCTCAGAGGAAAACCTCA	89340
Sbjct	49116	AAGGCACAACACACCTAAATTTATGGAACACAATGAAAGCGGTGCTCAGAGGAAAACCTCA	49057
Query	89341	TAGCTCTGAGTGCTTCCAAAAAGAAACAGGAGAGACCATACATCAGCACACCTAAACAGA	89400
Sbjct	49056	TAGCTCTGAGTGCTTCCAAAAAGAAACAGGAGAGACCATACATCAGCACACCTAAACAGA	48997
Query	89401	CACCTAAAAGCTCTGGAACAAAAAGAAGCAAAAACACGCAAGAGGAGCAGAAGGCAGGAA	89460
Sbjct	48996	CACCTAAAAGCTCTGGAACAAAAAGAAGCAAAAACACGCAAGAGGAGCAGAAGGCAGGAA	48937
Query	89461	ATAAGCTCAGGGCTGAAATCAACCAAGCAGAAACAAAAAGTACTGTACCAAGAATCAGTA	89520
Sbjct	48936	ATAAGCTCAGGGCTGAAATCAACCAAGCAGAAACAAAAAGTACTGTACCAAGAATCAGTA	48877
Query	89521	AACCAGGAGGTGGTTCTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAAACCTTCTCTGGACTAGC	89580
Sbjct	48876	AACCAGGAGGTGGTTCTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAAACCTTCTCTGGACTAGC	48817
Query	89581	TATAGGGCAGAGAGAAAGTATCCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGAGAGACATTGG	89640
Sbjct	48816	TATAGGGCAGAGAGAAAGTATCCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGAGAGACATTGG	48757
Query	89641	AGGAGTTAGAGAAAGTATTGAAGGAAC TAAAGGGGTTTGTGACCTCATAAGAACAAGAAT	89700
Sbjct	48756	AGGAGTTAGAGAAAGTATTGAAGGAAC TAAAGGGGTTTGTGACCTCATAAGAACAAGAAT	48697
Query	89701	ACCAACCAACCAGAGCTCCCAGGGACCAAACCACCATCCAAGACTACACATGAACAGAC	89760
Sbjct	48696	ACCAACCAACCAGAGCTCCCAGGGACCAAACCACCATCCAAGACTACACATGAACAGAC	48637
Query	89761	CCATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGGATGGCCGTGTTGGGCACCGATAGAAGGAGA	89820
Sbjct	48636	CCATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGGATGGCCGTGTTGGGCACCGATAGAAGGAGA	48577
Query	89821	AGCCCTTGGTCTCTGCCAAGGTTGGACCACCACTGTAGGGGAATGTCAGGGCAGGGATAAG	89880
Sbjct	48576	AGCCCTTGGTCTCTGCCAAGGTTGGACCACCACTGTAGGGGAATGTCAGGGCAGGGATAAG	48517
Query	89881	GGAAGGGGTGGGTGATTATGGAGAGGAAGAATGGAATACAGGATTTATGGGCAGGAAATC	89940
Sbjct	48516	GGAAGGGGTGGGTGATTATGGAGAGGAAGAATGGAATACAGGATTTATGGGCAGGAAATC	48457
Query	89941	AGGAAAGGGGGTAAACATTTGAAATGTAAATAAAGAACTATCCAACAAAagagagagagag	90000
Sbjct	48456	AGGAAAGGGGGTAAACATTTGAAATGTAAATAAAGAACTATCCAACAAAAGAGAGAGAGAG	48397
Query	90001	agagagaaaagagaaaaggggtgggggggttgagagtagggaggagagaaaagggCAGCATTT	90060
Sbjct	48396	AGAGAGAAAAGAGAAAAGGGGTGGGGGGTTGAGAGTAGGGAGGAGAGAAAGGCAGCATTT	48337
Query	90061	TCAACAAATGGTACTGGTTGACCTAGAGGTCTGCATGCAGAAGAATGCAAATCGATCCAT	90120
Sbjct	48336	TCAACAAATGGTACTGGTTGACCTAGAGGTCTGCATGCAGAAGAATGCAAATCGATCCAT	48277

Query	90121	TCTTATCTCCCTGTACGAAGCTCAAGTCCACGAGGATTGAAGACTGCCACATAAACCCAGA	90180
Sbjct	48276	TCTTATCTCCCTGTACGAAGCTCAAGTCCACGAGGATTGAAGACTGCCACATAAACCCAGA	48217
Query	90181	TACACTGAGAGTAACTGAAGAGCAAGTAGGGAAGAGCCTTGAACCTTGGGCACTGGAGA	90240
Sbjct	48216	TACACTGAGAGTAACTGAAGAGCAAGTAGGGAAGAGCCTTGAACCTTGGGCACTGGAGA	48157
Query	90241	AAATTTCTTTAAACAAAACACCAATGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCAACAAATGGGA	90300
Sbjct	48156	AAATTTCTTTAAACAAAACACCAATGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCAACAAATGGGA	48097
Query	90301	CCTCATAAAACTGCAAAGCTTCTGTAAGGCCAAGGACACCATCATTAGGACAGCAACCAA	90360
Sbjct	48096	CCTCATAAAACTGCAAAGCTTCTGTAAGGCCAAGGACACCATCATTAGGACAGCAACCAA	48037
Query	90361	CAGATTGGGAAAAGATCTTGACCAATCTTACAACAGATAGAGGGTTAGTATCCAAAATAT	90420
Sbjct	48036	CAGATTGGGAAAAGATCTTGACCAATCTTACAACAGATAGAGGGTTAGTATCCAAAATAT	47977
Query	90421	ACAAAGAACTCAAGAAGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATAAAAAATGGGGTAC	90480
Sbjct	47976	ACAAAGAACTCAAGAAGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATAAAAAATGGGGTAC	47917
Query	90481	AGAGGTAAACAAAGAATTACAGCTGAGGAATATCGAATGTCTGAGAAGCACTAAAGAAA	90540
Sbjct	47916	AGAGGTAAACAAAGAATTACAGCTGAGGAATATCGAATGTCTGAGAAGCACTAAAGAAA	47857
Query	90541	TCATCCATTCAACATCCTTAGTTATCCGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCCTGAGATTCC	90600
Sbjct	47856	TCATCCATTCAACATCCTTAGTTATCCGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCCTGAGATTCC	47797
Query	90601	ACCTCACACCAGTCAGAATGGCTAAGATAAAAATAAAAAGCTCAGGTGGCAGCAGATGCTG	90660
Sbjct	47796	ACCTCACACCAGTCAGAATGGCTAAGATAAAAATAAAAAGCTCAGGTGGCAGCAGATGCTG	47737
Query	90661	GCAAAAAATTTTGGGACATAGGTACACTCCTGCATTCTTCATGGGATTGCTAGCTAAGACA	90720
Sbjct	47736	GCAAAAAATTTTGGGACATAGGTACACTCCTGCATTCTTCATGGGATTGCTAGCTAAGACA	47677
Query	90721	ACCACTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTCTCAGGCAATTGGACATTGAACCTGCCTGAGGA	90780
Sbjct	47676	ACCACTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTCTCAGGCAATTGGACATTGAACCTGCCTGAGGA	47617
Query	90781	CCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGACAC	90840
Sbjct	47616	CCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCTCCAACATACAACAAAGACAC	47557
Query	90841	GTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAG	90900
Sbjct	47556	GTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAG	47497
Query	90901	ATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAGTACTA	90960
Sbjct	47496	ATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTACACAATGGAGTACTA	47437
Query	90961	CTCAGCTATCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCGTAGGCAAATAGATGGAACCTAGAAAA	91020
Sbjct	47436	CTCAGCTATCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCGTAGGCAAATAGATGGAACCTAGAAAA	47377
Query	91021	CATCATCCTGAGTGACGTTTTAACCCAATCACAGAAAAACACACATGGTATGCACTCACC	91080
Sbjct	47376	CATCATCCTGAGTGACGTTTTAACCCAATCACAGAAAAACACACATGGTATGCACTCACC	47317
Query	91081	GATAAGAGGATATTAGCCCCAAAAGCTTGGATACCCAAGATACAATTTACAGACTACATGA	91140
Sbjct	47316	GATAAGAGGATATTAGCCCCAAAAGCTTGGATACCCAAGATACAATTTACAGACTACATGA	47257
Query	91141	AGCTCAAGAAGAAGAGAGATAACAGTACTTCTTAGAAGGAGGGAAAAAATATGCCACGA	91200
Sbjct	47256	AGCTCAAGAAGAAGAGAGATAACAGTACTTCTTAGAAGGAGGGAAAAAATATGCCACGA	47197
Query	91201	TGAAATATGCAGTCACCAAACCCAGACACTATTGGGGGTGCCAAGACGTGCATATTTATA	91260
Sbjct	47196	TGAAATATGCAGTCACCAAACCCAGACACTATTGGGGGTGCCAAGACGTGCATATTTATA	47137
Query	91261	GGAGCTTAATATAGCTGTCTACTGAGAGGCTCTGCCAGAGCCTGACAAATACAGAGGTTG	91320
Sbjct	47136	GGAGCTTAATATAGCTGTCTACTGAGAGGCTCTGCCAGAGCCTGACAAATACAGAGGTTG	47077
Query	91321	GCAGCCAATTGAGCACAGGGTCACCAATGGAGGAGTTAGAGAAAGAACTGAGGTATCTGA	91380
Sbjct	47076	GCAGCCAATTGAGCACAGGGTCACCAATGGAGGAGTTAGAGAAAGAACTGAGGTATCTGA	47017
Query	91381	AGACAGTTGCAACCCCATAGGAAGAACAACAGTATCAACCAACCAGACACCCAGAGCTC	91440
Sbjct	47016	AGACAGTTGCAACCCCATAGGAAGAACAACAGTATCAACCAACCAGACACCCAGAGCTC	46957
Query	91441	CCAGGGACTAAACCGCCAACCTAAAGAGCATCATGGAGCAACCCATGGCTCCAGCCACATA	91500

Sbjct	46956	 CCAGGGACTAAACCGCCAACATAAGAGCATCATGGAGCAACCCATGGCTCCAGCCACATA	46897
Query	91501	 TGTAGACCATGGTCCTGTGAGGCATCAGTGGGAGGAGAAGCCCTTGTTCTGTGAAGGTT	91560
Sbjct	46896	 TGTAGACCATGGTCCTGTGAGGCATCAGTGGGAGGAGAAGCCCTTGTTCTGTGAAGGTT	46837
Query	91561	 TGATGCCCCAGTGTAGGGGAATGGGAGGTGGAAGGGAATGGGTGTGTGGGAGTA	91620
Sbjct	46836	 TGATGCCCCAGTGTAGGGGAATGGGAGGTGGAAGGGAATGGGTGTGTGGGAGTAGGGGGG	46777
Query	91621	 gCGGCAGCGGAGGGGTCCATCCTCATGGAATCTGGGGGTGGGAAAAATATGACTGGGGCTT	91680
Sbjct	46776	 GCGGCAGCGGAGGGGTCCATCCTCATGGAATCTGGGGGTGGGAAAAATATGACTGGGGCTT	46717
Query	91681	 TCTGGAGTGGAACCAGGAAAAGGGATAACATTTGCaatgaaaaataaaatatccagtaaa	91740
Sbjct	46716	 TCTGGAGTGGAACCAGGAAAAGGGATAACATTTGCAATGAAAATAAAATATCCAGTAAA	46657
Query	91741	 agaaaaattttaaaaatagaatgaacaatggtgtgaaaaGAGGAGAACGAAAGTATTTTTG	91800
Sbjct	46656	 AGAAAATTTTAAAAATAGAATGAACAATGGTGTGAAAAGAGGAGAACGAAAGTATTTTTG	46597
Query	91801	 TTCACCTTGGCTAGGCTTTTACTAAACTCAGGTCTCATAAGCTCTGGGCATCCCTTGGTC	91860
Sbjct	46596	 TTCACCTTGGCTAGGCTTTTACTAAACTCAGGTCTCATAAGCTCTGGGCATCCCTTGGTC	46537
Query	91861	 TCTGGTCAGGTGTGAAGACTGGGGAAAGGTAAAGGGTTGAGTAAAACAGAGGAGAGTAA	91920
Sbjct	46536	 TCTGGTCAGGTGTGAAGACTGGGGAAAGGTAAAGGGTTGAGTAAAACAGAGGAGAGTAA	46477
Query	91921	 GGGGAACAGAGAACAGGCAGCAGTCCCTCACCTGCACATGGATTAAAGGCTGTTTGTTC	91980
Sbjct	46476	 GGGGAACAGAGAACAGGCAGCAGTCCCTCACCTGCACATGGATTAAAGGCTGTTTGTTC	46417
Query	91981	 CCCCTTCAGGGAGGAAGAAATATAGCAGACTGCAAAGAAATGAGAAGGCTGGTATGAAGG	92040
Sbjct	46416	 CCCCTTCAGGGAGGAAGAAATATAGCAGACTGCAAAGAAATGAGAAGGCTGGTATGAAGG	46357
Query	92041	 AATGGTCGTCCTCTATGGTGACAGTCCCCAGAGTTAGTCACTTTGGTGTGGTGAGTTCAT	92100
Sbjct	46356	 AATGGTCGTCCTCTATGGTGACAGTCCCCAGAGTTAGTCACTTTGGTGTGGTGAGTTCAT	46297
Query	92101	 AAAGCACTGGAGTTCAACAGCAAGCTCTGGTCCTCAACTCCAATTCTCAGAGAGCAGAGG	92160
Sbjct	46296	 AAAGCACTGGAGTTCAACAGCAAGCTCTGGTCCTCAACTCCAATTCTCAGAGAGCAGAGG	46237
Query	92161	 CAAGAGGAATGCAGAGTCAAGCAAGGCACCCAGCTCGTCCCCTAGTCCACCTTCTGGTTG	92220
Sbjct	46236	 CAAGAGGAATGCAGAGTCAAGCAAGGCACCCAGCTCGTCCCCTAGTCCACCTTCTGGTTG	46177
Query	92221	 CAAGTGAAGAAACAAGCTCTAGCATGGCTGCAGCTCCTCGGGAGGCCAGGCTGCAGCTCT	92280
Sbjct	46176	 CAAGTGAAGAAACAAGCTCTAGCATGGCTGCAGCTCCTCGGGAGGCCAGGCTGCAGCTCT	46117
Query	92281	 GCAGACTGGAGCTCCTTGTCCTGACAGCTTTCTGGTCTCATTTCTACCACAGCTAGCTCT	92340
Sbjct	46116	 GCAGACTGGAGCTCCTTGTCCTGACAGCTTTCTGGTCTCATTTCTACCACAGCTAGCTCT	46057
Query	92341	 GGGCCCCCAGGAAGGGAGTGGGATACTAGCCGCCACCCCGCTCTCCAGCCTGACTGTCCA	92400
Sbjct	46056	 GGGCCCCCAGGAAGGGAGTGGGATACTAGCCGCCACCCCGCTCTCCAGCCTGACTGTCCA	45997
Query	92401	 GGATCTCCCTGAACACTGGGCTGTAGATTTTCAGCCGGTCCCAGCCACCACACTAACCTT	92460
Sbjct	45996	 GGATCTCCCTGAACACTGGGCTGTAGATTTTCAGCCGGTCCCAGCCACCACACTAACCTT	45937
Query	92461	 GGTAAAGCTCAAGCTGACACTGCCTCCACCTCCATTTCTTGGTCTCGGTAGGAGCGAATG	92520
Sbjct	45936	 GGTAAAGCTCAAGCTGACACTGCCTCCACCTCCATTTCTTGGTCTCGGTAGGAGCGAATG	45877
Query	92521	 GTAGCACCTCCACTTCAGGAGCACTCGAAAAGAAGCTGCTTGTCCCCAGCACCAGCATGC	92580
Sbjct	45876	 GTAGCACCTCCACTTCAGGAGCACTCGAAAAGAAGCTGCTTGTCCCCAGCACCAGCATGC	45817
Query	92581	 ATTTTGTCTGGTGAGCTGGCTCGTGCTTGGTCTTCTTGTAGGACCAGGACTGCCGCTGGA	92640
Sbjct	45816	 ATTTTGTCTGGTGAGCTGGCTCGTGCTTGGTCTTCTTGTAGGACCAGGACTGCCGCTGGA	45757
Query	92641	 CTTCTGCTGGCCTCGGC AAAAGCAGGTACCTCAAAGAGAAACCACAGTGGTCCCCGACC	92700
Sbjct	45756	 CTTCTGCTGGCCTCGGC AAAAGCAGGTACCTCAAAGAGAAACCACAGTGGTCCCCGACC	45697
Query	92701	 GCTGCTGGGGTGCAGAAAGAGAAGACAAACTCAGTGTGCCTCACCTGGGGTAGCCACAC	92760
Sbjct	45696	 GCTGCTGGGGTGCAGAAAGAGAAGACAAACTCAGTGTGCCTCACCTGGGGTAGCCACAC	45637
Query	92761	 AGCCCTTGCTCCGGCCCCACCAAGTTCTACCGGGCCACTCCTCTGCCGCCAGCTCCACTC	92820
Sbjct	45636	 AGCCCTTGCTCCGGCCCCACCAAGTTCTACCGGGCCACTCCTCTGCCGCCAGCTCCACTC	45577



Query	92821	ACGCCATGCCCCATCCTTCCACCTCCCCAGCCCCCTCCTAGTTCCTTACGCAGCCAATAT	92880
Sbjct	45576	ACGCCATGCCCCATCCTTCCACCTCCCCAGCCCCCTCCTAGTTCCTTACGCAGCCAATAT	45517
Query	92881	GGCGGATGCCAACACGTACCTGTGCGGCGCAAGGAACCCACGGCCGCAGAGGCGCTGTG	92940
Sbjct	45516	GGCGGATGCCAACACGTACCTGTGCGGCGCAAGGAACCCACGGCCGCAGAGGCGCTGTG	45457
Query	92941	GAATCACACTCTCGTAAATGCAGGTTTCCCAGCCCCGAGTGGTGCTGGAGTGAAGTAGGG	93000
Sbjct	45456	GAATCACACTCTCGTAAATGCAGGTTTCCCAGCCCCGAGTGGTGCTGGAGTGAAGTAGGG	45397
Query	93001	GTGGGGGGTGGAGGTAGGAGGTGAGGAGCGATGTGGCATGCAGGAAGCGCTACTCCCAGG	93060
Sbjct	45396	GTGGGGGGTGGAGGTAGGAGGTGAGGAGCGATGTGGCATGCAGGAAGCGCTACTCCCAGG	45337
Query	93061	GTCCGGAAGACTGGGAGGGGCGTTCTGCGCTGGGTAGGCGGGCAAACAGTCGGCAAGCAA	93120
Sbjct	45336	GTCCGGAAGACTGGGAGGGGCGTTCTGCGCTGGGTAGGCGGGCAAACAGTCGGCAAGCAA	45277
Query	93121	AGAGCTGGTCTCTGGCTAAACCTGACCACGCCACAGAGCATGCGCAGTGCTCCTTACGCAT	93180
Sbjct	45276	AGAGCTGGTCTCTGGCTAAACCTGACCACGCCACAGAGCATGCGCAGTGCTCCTTACGCAT	45217
Query	93181	GCTCAGCAGGTCTCTTAAGAGTACCTAACTGCGTGGCTGGCAGTAGGATTCTTAAATAG	93240
Sbjct	45216	GCTCAGCAGGTCTCTTAAGAGTACCTAACTGCGTGGCTGGCAGTAGGATTCTTAAATAG	45157
Query	93241	GATGCGGTAACCTCAGGGACTCTGCAGAGACCTTCAGGAGTCCTAACTCTGCCCCAAGGACC	93300
Sbjct	45156	GATGCGGTAACCTCAGGGACTCTGCAGAGACCTTCAGGAGTCCTAACTCTGCCCCAAGGACC	45097
Query	93301	AGCTTACTGGGCCTAACAAAAACAGAGTGTCTTACATACTGCGCCACGCCCATGTCAGTA	93360
Sbjct	45096	AGCTTACTGGGCCTAACAAAAACAGAGTGTCTTACATACTGCGCCACGCCCATGTCAGTA	45037
Query	93361	CCTAGTAACAAATACTACCAGGGCAGGATTTTAAAGTCAATCAAGTTAGCCATTTAGAA	93420
Sbjct	45036	CCTAGTAACAAATACTACCAGGGCAGGATTTTAAAGTCAATCAAGTTAGCCATTTAGAA	44977
Query	93421	GCTAGAGGCAGCAGATAATGCATTTGAAAGGACTCAGTAGAACTGTGCTCCCCGCCTTCC	93480
Sbjct	44976	GCTAGAGGCAGCAGATAATGCATTTGAAAGGACTCAGTAGAACTGTGCTCCCCGCCTTCC	44917
Query	93481	CACTCTATTAGGTTTGTCTCACTCCAGATGCTCCTGAGGGTTGCCCTCACATTACTGACA	93540
Sbjct	44916	CACTCTATTAGGTTTGTCTCACTCCAGATGCTCCTGAGGGTTGCCCTCACATTACTGACA	44857
Query	93541	AACTCACAATCTACTGCATGTGCCCAAACAAGTGACCAGacacgcacgcacaaaacacac	93600
Sbjct	44856	AACTCACAATCTACTGCATGTGCCCAAACAAGTGACCAGACACGCACGCACAAACACAC	44797
Query	93601	acacacacacacacagacgcgcgggacacacacaaaacacacgcgtgcgacacatacac	93660
Sbjct	44796	ACACACACACACACAGACGCGCGGGCACACACACAAAACACACGCGTGCGCACACATACAC	44737
Query	93661	gcgtacacacacaaaacacatacacgcgcgcacgcacacacacgcgcgcgcacacgcacac	93720
Sbjct	44736	GCGTACACACACAAAACACATACACGCGCGCACGCACACACACGCGCGCGCACACGCACAC	44677
Query	93721	acacgcacgcacacaaaacgcacacacacaaaacacacaaatagcgcgcgcgcgcacatac	93780
Sbjct	44676	ACACGCACGCACACAAAACGCACACACACAAAACACACAAATACGCGCGCGCGGCACATAC	44617
Query	93781	acgcgtacacacacaaaacacacgcgcgcgcgcgcacacgcacacacacaaaacacacacac	93840
Sbjct	44616	ACGCGTACACACACAAAACACGCGCGCGCGCGCACACGCACACACACAAAACACACACAC	44557
Query	93841	aagcacacaaaacacgcgcgcgcgcgcatactcgtgcacacactcgcgcacatactcgtgc	93900
Sbjct	44556	AAGCACACAAACACGCGCGCGCGGCATCTCGTGACACACTCGCGCACATACTCGTGC	44497
Query	93901	acacactcgcgcacacacacacatccaggcacacgcgcacacacatgcagtgcacacaca	93960
Sbjct	44496	ACACACTCGCGCACACACACACATCCAGGCACACGCGCACACACATGCAGTGACACACA	44437
Query	93961	cacacaacacacacCAATATGCAACTCTAGCCATAGCAATTACTAAATGACTCCCGCGAG	94020
Sbjct	44436	CACACAACACACACCAATATGCAACTCTAGCCATAGCAATTACTAAATGACTCCCGCGAG	44377
Query	94021	AATGTAAGATTTGCAGTGACAATAATGCTTCGGTAATCTTCACCTTGTGCTTTAAGCCTC	94080
Sbjct	44376	AATGTAAGATTTGCAGTGACAATAATGCTTCGGTAATCTTCACCTTGTGCTTTAAGCCTC	44317
Query	94081	TGCTAATCTTTGGCTCTAGTAATGTAACAGATAAAATTAAGTTACACACTGAAAGGAGGAT	94140
Sbjct	44316	TGCTAATCTTTGGCTCTAGTAATGTAACAGATAAAATTAAGTTACACACTGAAAGGAGGAT	44257
Query	94141	CTAAACCCTCAGCAAAACATTTTAATACTTAAATTaaaaaaaaGTCATTCCACCTTTTG	94200

Sbjct	44256	CTAAACCCTCAGCAAAACATTTTAACTACTTAAATTAATAAAAAAAGTCATTCCACCTTTTG	44197
Query	94201	ACACTTAGAGGCTTGAAAGTGAAAGATAGAGTTTTAAATAGCTCAAAACTCAGCAACAGG	94260
Sbjct	44196	ACACTTAGAGGCTTGAAAGTGAAAGATAGAGTTTTAAATAGCTCAAAACTCAGCAACAGG	44137
Query	94261	ATCTGACTCAGGAAGACAGATTGTTAAAAATGCAGGAGAAGCTGGTTCAGAGACACTGACC	94320
Sbjct	44136	ATCTGACTCAGGAAGACAGATTGTTAAAAATGCAGGAGAAGCTGGTTCAGAGACACTGACC	44077
Query	94321	CTCCTGCTTATCACCGGACTGAGTAAATGAGTAATGGGTTTTGTTCTGCCGCTGTGATGT	94380
Sbjct	44076	CTCCTGCTTATCACCGGACTGAGTAAATGAGTAATGGGTTTTGTTCTGCCGCTGTGATGT	44017
Query	94381	TTGTTCAAGTCCCCTCTGTTCCCTCCAGCCATTGTGTCTACGGAGAGTATTCCAGGAAA	94440
Sbjct	44016	TTGTTCAAGTCCCCTCTGTTCCCTCCAGCCATTGTGTCTACGGAGAGTATTCCAGGAAA	43957
Query	94441	CCCTACAGCCAAGCCTAACCCAGATGTGTTTCAGATGCAGATGCCTCATCAACTCTGACAA	94500
Sbjct	43956	CCCTACAGCCAAGCCTAACCCAGATGTGTTTCAGATGCAGATGCCTCATCAACTCTGACAA	43897
Query	94501	ACATTTACCCTAAAGGACAATCAGGATCTGTTCTCAGGAGAATGCTTGACCTTTCCCCTC	94560
Sbjct	43896	ACATTTACCCTAAAGGACAATCAGGATCTGTTCTCAGGAGAATGCTTGACCTTTCCCCTC	43837
Query	94561	ATTCAAACCTTAGAGTCTTAAGAACAATTCTGTGACTTTGACACTTGTGACTTGTGACAC	94620
Sbjct	43836	ATTCAAACCTTAGAGTCTTAAGAACAATTCTGTGACTTTGACACTTGTGACTTGTGACAC	43777
Query	94621	TTTTGGTATTTCCTTTTGACATCCCCCATCTCCTGGAGCTTGTGACTTCTTCCCTTAAA	94680
Sbjct	43776	TTTTGGTATTTCCTTTTGACATCCCCCATCTCCTGGAGCTTGTGACTTCTTCCCTTAAA	43717
Query	94681	AAGTCCTTCTCCCGGGTTGGAGGTTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGCAAGCGC	94740
Sbjct	43716	AAGTCCTTCTCCCGGGTTGGAGGTTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGCAAGCGC	43657
Query	94741	AAGGCCCTGGGTTGGGTCCCCAGCTCCAGAACAaaaaaaaaaaaaaGTA	94800
Sbjct	43656	AAGGCCCTGGGTTGGGTCCCCAGCTCCAGAACAaaaaaaaaaaaaaGTA	43597
Query	94801	ATTGGGGTTCGACACCTCTGTTTCTCGCTGGGATACGTTTCGGCCCGGAGATCTCCGTA	94860
Sbjct	43596	ATTGGGGTTCGACACCTCTGTTTCTCGCTGGGATACGTTTCGGCCCGGAGATCTCCGTA	43537
Query	94861	ATAGGTCTCTGTAATAAATCTCGCCTTTCCTTATTACATCCAAATGGTCTCTCTGTGTC	94920
Sbjct	43536	ATAGGTCTCTGTAATAAATCTCGCCTTTCCTTATTACATCCAAATGGTCTCTCTGTGTC	43477
Query	94921	TGGGGTCTGCGATTTCCCAAGACTTGAGTAAAGGTCTCTCTTCGGGGATCTTTCAAAGA	94980
Sbjct	43476	TGGGGTCTGCGATTTCCCAAGACTTGAGTAAAGGTCTCTCTTCGGGGATCTTTCAAAGA	43417
Query	94981	AGTTGCTACAGTGGCAAAATTAGCTCAGTACCTTGAGAGGTTTCTAACACACTACATAT	95040
Sbjct	43416	AGTTGCTACAGTGGCAAAATTAGCTCAGTACCTTGAGAGGTTTCTAACACACTACATAT	43357
Query	95041	AATGCACCACTTCCTCTCTTCTACATCTACAGCTGTTGTGCTGTGTTACTGAAGAACAGT	95100
Sbjct	43356	AATGCACCACTTCCTCTCTTCTACATCTACAGCTGTTGTGCTGTGTTACTGAAGAACAGT	43297
Query	95101	GAACTGTTCTTTCAATTTATGTCATCATCTGGTGTGGACaaaaaaccaaaaaaGGCCACAG	95160
Sbjct	43296	GAACTGTTCTTTCAATTTATGTCATCATCTGGTGTGGACAAAAACCAAAAAGGCCACAG	43237
Query	95161	AGGTTGGCAGTGATTTCAAATAAGAATTGCCAATAATGCCCTCTAACTCTGTTTAAATC	95220
Sbjct	43236	AGGTTGGCAGTGATTTCAAATAAGAATTGCCAATAATGCCCTCTAACTCTGTTTAAATC	43177
Query	95221	CAAGGAAAAATAAGCTTTAGAAGTATGGTTCTGCAACAGTGAGACCTTTGAATGAGAACA	95280
Sbjct	43176	CAAGGAAAAATAAGCTTTAGAAGTATGGTTCTGCAACAGTGAGACCTTTGAATGAGAACA	43117
Query	95281	TGAGACTTTGAATTGTGAAAgtggtgatggtggtgatggtggtggtggtggtggtggtggt	95340
Sbjct	43116	TGAGACTTTGAATTGTGAAAGTGTGTATGTGTGTATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	43057
Query	95341	gtggtgtTCAGTCACTCCCATTTAAGTGAATAAATTCATGCTTGGCAAAACTGAGTGTTA	95400
Sbjct	43056	GTGTGTTTCAGTCACTCCCATTTAAGTGAATAAATTCATGCTTGGCAAAACTGAGTGTTA	42997
Query	95401	TTAACTCCATACCATTGCGTTCTGAGTCTCACTTTTATATTACTTACCATCTCAGTTCAG	95460
Sbjct	42996	TTAACTCCATACCATTGCGTTCTGAGTCTCACTTTTATATTACTTACCATCTCAGTTCAG	42937
Query	95461	AACTCTTCTTCTCTTTTCAATATCATCTATTTTTCTCCTCCTGGATTATTTCCCATCAGC	95520
Sbjct	42936	AACTCTTCTTCTCTTTTCAATATCATCTATTTTTCTCCTCCTGGATTATTTCCCATCAGC	42877

Query	95521	AAAAACATAGTTTCTAACTTCTACCTACTATCATTGATGCACCTTTATACCTCCCTGTTA	95580
Sbjct	42876	AAAAACATAGTTTCTAACTTCTACCTACTATCATTGATGCACCTTTATACCTCCCTGTTA	42817
Query	95581	ATTTAAGTATTTTTCTTCATTTCGGCCTACAAAATAAATCTCTGTTCATTTTCCTCCTGCA	95640
Sbjct	42816	ATTTAAGTATTTTTCTTCATTTCGGCCTACAAAATAAATCTCTGTTCATTTTCCTCCTGCA	42757
Query	95641	CCGTTGACTGCTTCTTGCCCACTTTGCTATATGTTCTTCTTTATAATTTTCAATCATT	95700
Sbjct	42756	CCGTTGACTGCTTCTTGCCCACTTTGCTATATGTTCTTCTTTATAATTTTCAATCATT	42697
Query	95701	GGTACTTCAGTTCTCAGTCACTGGCATTATCTTTCTGGTTTTCTAGTTTTTCCTTATA	95760
Sbjct	42696	GGTACTTCAGTTCTCAGTCACTGGCATTATCTTTCTGGTTTTCTAGTTTTTCCTTATA	42637
Query	95761	TACAGATCAATAATTTAAACCGACCTGTATGCTACTGATGTCCAAAATTTCTCTAGCT	95820
Sbjct	42636	TACAGATCAATAATTTAAACCGACCTGTATGCTACTGATGTCCAAAATTTCTCTAGCT	42577
Query	95821	AGACTTTCTTGAAATCGAGAGGTGTACATCTTCAACCTGATCAATATATGTGCATAAATA	95880
Sbjct	42576	AGACTTTCTTGAAATCGAGAGGTGTACATCTTCAACCTGATCAATATATGTGCATAAATA	42517
Query	95881	TCTAATATTTTCATTCCAATTCAAGATTACTCAAATAACATAATTTCAAGCCAATAAATCT	95940
Sbjct	42516	TCTAATATTTTCATTCCAATTCAAGATTACTCAAATAACATAATTTCAAGCCAATAAATCT	42457
Query	95941	GTACCTTTGAGTTTTTCATCAAGGTAATTCACGGACTCCACTTCTTGACAAGTTTGCTGCT	96000
Sbjct	42456	GTACCTTTGAGTTTTTCATCAAGGTAATTCACGGACTCCACTTCTTGACAAGTTTGCTGCT	42397
Query	96001	CATACCTCACTATACTACATTCTGTTGGGAGCAAGGCCCTTAAAAACCCTCCATTATTGA	96060
Sbjct	42396	CATACCTCACTATACTACATTCTGTTGGGAGCAAGGCCCTTAAAAACCCTCCATTATTGA	42337
Query	96061	TGTTAATATTATAGTTAGAGTTTAGTATGACTGAGTTCATGGAAAATCCCCAGTCTGCTG	96120
Sbjct	42336	TGTTAATATTATAGTTAGAGTTTAGTATGACTGAGTTCATGGAAAATCCCCAGTCTGCTG	42277
Query	96121	CAGAAGACTAATACAAATCTGGTGGTCAATATGCGCAGTGATATGACAAAGTTTGACCT	96180
Sbjct	42276	CAGAAGACTAATACAAATCTGGTGGTCAATATGCGCAGTGATATGACAAAGTTTGACCT	42217
Query	96181	TTCTGAGAAACCAACATCCTGTTGACATCAGCTGACCCAAGAGTAGTGTGTCCTGGCT	96240
Sbjct	42216	TTCTGAGAAACCAACATCCTGTTGACATCAGCTGACCCAAGAGTAGTGTGTCCTGGCT	42157
Query	96241	TGTGTAGATGCTTCTCACTTCCCCATTCCCTCTGTTACCTCTGCTAGAGTATAAATTCAG	96300
Sbjct	42156	TGTGTAGATGCTTCTCACTTCCCCATTCCCTCTGTTACCTCTGCTAGAGTATAAATTCAG	42097
Query	96301	CCTTGGGaaaaaaataaaaaGAATAAATTTGTACACCTTGATCAGACTCTTGTCTTGGCATC	96360
Sbjct	42096	CCTTGGGAAAAAATAAAAAAGAATAAATTTGTACACCTTGATCAGACTCTTGTCTTGGCATC	42037
Query	96361	CTTCTTCGTGTCTCTTGTCCCCATTCCCTCCTAGGTGGTTCCCAACCTCCACTGACTGCC	96420
Sbjct	42036	CTTCTTCGTGTCTCTTGTCCCCATTCCCTCCTAGGTGGTTCCCAACCTCCACTGACTGCC	41977
Query	96421	CTGTGGGCCGGGACAACATTCAATTTCCACCATCaaataaataaataaataaataaataa	96480
Sbjct	41976	CTGTGGGCCGGGACAACATTCAATTTCCACCATCAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA	41917
Query	96481	ataaataaataaataaataaataaTTACTTTCCCTCTATGTTTCTTCATTCAATTATTCCTTA	96540
Sbjct	41916	ATAAATAAATAAATAAATAAATTTACTTTCCCTCTATGTTTCTTCATTCAATTATTCCTTA	41857
Query	96541	GTACATTGTTGTTTAAATCTCTCatatatacacacatatatacatatataTTCAATCCTGT	96600
Sbjct	41856	GTACATTGTTGTTTAAATCTCTCATATATACACACATATACATATATATTTCAATCCTGT	41797
Query	96601	GCTTTTAATAGACTCAATTTTCGGGAGTGATAAGTATTTAGTCAATTATCGATATTGTTAA	96660
Sbjct	41796	GCTTTTAATAGACTCAATTTTCGGGAGTGATAAGTATTTAGTCAATTATCGATATTGTTAA	41737
Query	96661	TTTTGATCTGAGCTCTTGGAAGTGCTTCAGATCAACACACAATATTTAAGAGAATTGACC	96720
Sbjct	41736	TTTTGATCTGAGCTCTTGGAAGTGCTTCAGATCAACACACAATATTTAAGAGAATTGACC	41677
Query	96721	ATGTAGCTCCTTAAGTATATTTGGAGTGTGTGTCAGTTATCTCTTGCATGTCACTCTGCT	96780
Sbjct	41676	ATGTAGCTCCTTAAGTATATTTGGAGTGTGTGTCAGTTATCTCTTGCATGTCACTCTGCT	41617
Query	96781	GATCAAAGTTCCTAAAAGATACTCCATCATCTCCATTGAAATGTTCAAATCTCTTACTCT	96840
Sbjct	41616	GATCAAAGTTCCTAAAAGATACTCCATCATCTCCATTGAAATGTTCAAATCTCTTACTCT	41557
Query	96841	GAATGTAAATGAAATTACTTCATGAAATCTTTGTGACTGTAGTGTATCACATTTTGCAA	96900

Sbjct	41556	GTAATGAAATGAAATTACTTCATGAAATTCCTTTGTGACTGTAGTGTATCACATTTTGCAA	41497
Query	96901	TGTAAGTAAAAATGCTTGAGTCCTCCCATGGAAAACTGAAATGCtttttattttttACTA	96960
Sbjct	41496	TGTAAGTAAAAATGCTTGAGTCCTCCCATGGAAAACTGAAATGCTTTTTATTTTTTACTA	41437
Query	96961	TGGATGTTTGTTTATAATACTTCCAAATTCAAATTTTGGCCTTCAGGTC'TTGTTGAGA	97020
Sbjct	41436	TGGATGTTTGTTTATAATACTTCCAAATTCAAATTTTGGCCTTCAGGTC'TTGTTGAGA	41377
Query	97021	CAACATTATTATCTATAAATAATGTAAATGATATAAAATAAGGCTATTTATGACTGTAC	97080
Sbjct	41376	CAACATTATTATCTATAAATAATGTAAATGATATAAAATAAGGCTATTTATGACTGTAC	41317
Query	97081	AAAATATTATATTTAACAATAAAATGATGTGAAATTTGCTGCTGAGTTACACATCACCATA	97140
Sbjct	41316	AAAATATTATATTTAACAATAAAATGATGTGAAATTTGCTGCTGAGTTACACATCACCATA	41257
Query	97141	CTGATTCCTTATCAGAAAAGTTATGTGTAATTAGTAGGAAATGCAGGTAACATAATTTA	97200
Sbjct	41256	CTGATTCCTTATCAGAAAAGTTATGTGTAATTAGTAGGAAATGCAGGTAACATAATTTA	41197
Query	97201	CTAAACTATCTTAGAAGATTTTATTCATaaaaaaaaagtcaaaagtaagaactcaaataaa	97260
Sbjct	41196	CTAAACTATCTTAGAAGATTTTATTCATAAAAAAAGTCAAAAGTAAGAACTCAAATAAA	41137
Query	97261	atacacctccaaaataccacaaaaacaaagcaaaaacctaagAAGATTATGCATGCATAT	97320
Sbjct	41136	ATACACCTCCAAAATACCACAAAACAAAGCAAAAACCTAAAGAAGATTATGCATGCATAT	41077
Query	97321	CCACCGAGACATCTCTAGGAAACCTGGTAATGTGTGAACATCCCATAAATCTTCTTTCTT	97380
Sbjct	41076	CCACCGAGACATCTCTAGGAAACCTGGTAATGTGTGAACATCCCATAAATCTTCTTTCTT	41017
Query	97381	TCAAAGAAAGAGATCTTTCTATATTTAACTGCTATATTGAAACACAAGATTTAAGCTATC	97440
Sbjct	41016	TCAAAGAAAGAGATCTTTCTATATTTAACTGCTATATTGAAACACAAGATTTAAGCTATC	40957
Query	97441	AGAGTCCCCACAAAGGACTAAAGCCAGCATGAATATTATTTATTCAGATTCATGAATTTT	97500
Sbjct	40956	AGAGTCCCCACAAAGGACTAAAGCCAGCATGAATATTATTTATTCAGATTCATGAATTTT	40897
Query	97501	ATTCTTTTGGCACTGACCATATATAGACATCACAATCCAAAAGCCTTTAGTTGCCTGAGC	97560
Sbjct	40896	ATTCTTTTGGCACTGACCATATATAGACATCACAATCCAAAAGCCTTTAGTTGCCTGAGC	40837
Query	97561	TACTGTAAATGAACTGATTCACTATACATGATACACATTTTCATGGAATATTGAAAACAT	97620
Sbjct	40836	TACTGTAAATGAACTGATTCACTATACATGATACACATTTTCATGGAATATTGAAAACAT	40777
Query	97621	GTTTATAAGACAGGCATGGAAGCTCACGCTCACTCCAGAACTAAGGAAGCTCAGGTAGTA	97680
Sbjct	40776	GTTTATAAGACAGGCATGGAAGCTCACGCTCACTCCAGAACTAAGGAAGCTCAGGTAGTA	40717
Query	97681	GAACTGCCGTGAGTTTGAGTTCGGTCTTGGCTATAAACTGAAAAGTTACCTTAAACTAA	97740
Sbjct	40716	GAACTGCCGTGAGTTTGAGTTCGGTCTTGGCTATAAACTGAAAAGTTACCTTAAACTAA	40657
Query	97741	CAAAATTTAaagaagaagaaggaagaggaggaggaagaggaggaggaggaagaggaggag	97800
Sbjct	40656	CAAAATTTAAGAAGAAGAAGGAAGAGGAGGAGGAAGAGGAGGAGGAAGAGGAGGAG	40597
Query	97801	gaggaggaagaggaggaggaggagaaggaagaagaagaagaagaagaagaagaag	97860
Sbjct	40596	GAGGAGGAAGAGGAGGAGGAGGAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAG	40537
Query	97861	aagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagaagGATCATTTTCAAGA	97920
Sbjct	40536	AAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGATCATTTTCAAGA	40477
Query	97921	ACTTAAAGTATGAATTTTTTAAATACAGTGATAGTATTGAACACAATGCCAGTAGTATCAT	97980
Sbjct	40476	ACTTAAAGTATGAATTTTTTAAATACAGTGATAGTATTGAACACAATGCCAGTAGTATCAT	40417
Query	97981	AGATTTAAATAGCTGTAGAATacacacgcacatgcacacgtgcacacacacatgcacact	98040
Sbjct	40416	AGATTTAAATAGCTGTAGAATACACACGCACATGCACACGTGCACACACACATGCACACT	40357
Query	98041	cacaagcaaacactcatcacacacatgcacaagcacgcacacatacaaaATAGGATCAAA	98100
Sbjct	40356	CACAAGCAAACACTCATACACACACATGCACAAGCACGCACACATACAAATAGGATCAAA	40297
Query	98101	TTTTAGACTTAACTTAGAATGTATTTCTTTTGTTATTATTGGATAGTTTTTATTTACATT	98160
Sbjct	40296	TTTTAGACTTAACTTAGAATGTATTTCTTTTGTTATTATTGGATAGTTTTTATTTACATT	40237
Query	98161	TCAAATATTATCCCCCTTCCCAGTTTCCTATCCATAAACCCCCATCTATTACTCTTCCCC	98220
Sbjct	40236	TCAAATATTATCCCCCTTCCCAGTTTCCTATCCATAAACCCCCATCTATTACTCTTCCCC	40177

Query	98221	ATTTTGTATGAGGGTGTTCACAGCCAACAACCCACCCTTTCCTGAATCCCCGACCTG	98280
Sbjct	40176	ATTTTGTATGAGGGTGTTCACAGCCAACAACCCACCCTTTCCTGAATCCCCGACCTG	40117
Query	98281	ACATTCCCCTACACTGGAGGTCCAACCTTGGCAGGAGCAAGTGCTTCTCCTCCCATTGGT	98340
Sbjct	40116	ACATTCCCCTACACTGGAGGTCCAACCTTGGCAGGAGCAAGTGCTTCTCCTCCCATTGGT	40057
Query	98341	GCCCAACAAGGCTATTCCCTGCCACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTGAGTCCATGTGTA	98400
Sbjct	40056	GCCCAACAAGGCTATTCCCTGCCACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTGAGTCCATGTGTA	39997
Query	98401	GTCTTTGGGTAAATGTTTTAGTCCGTGGAAGCTCTGGTTGGCTGGCGTTGTTGTTTATATG	98460
Sbjct	39996	GTCTTTGGGTAAATGTTTTAGTCCGTGGAAGCTCTGGTTGGCTGGCGTTGTTGTTTATATG	39937
Query	98461	GGGTTGCAAGCTCCTTCAACTCTTTCAATACTTCCTCTAATCCCCCAAGGAAGTCCTAT	98520
Sbjct	39936	GGGTTGCAAGCTCCTTCAACTCTTTCAATACTTCCTCTAATCCCCCAAGGAAGTCCTAT	39877
Query	98521	TCTCAGTTCAGTGGTTCAATATTGGAACATGCTTGATATTCTACTTATGGTAAGTGAGAT	98580
Sbjct	39876	TCTCAGTTCAGTGGTTCAATATTGGAACATGCTTGATATTCTACTTATGGTAAGTGAGAT	39817
Query	98581	TTCTAGTTTATGGAGAAGATTACGATGAAATTGATGATGTTAAATACAAAAACCACAAAA	98640
Sbjct	39816	TTCTAGTTTATGGAGAAGATTACGATGAAATTGATGATGTTAAATACAAAAACCACAAAA	39757
Query	98641	TATTTTCAGATCCGTAATGTTGACTTATCTTTTTGTCTGCCATGATGCAATGTGGGAATA	98700
Sbjct	39756	TATTTTCAGATCCGTAATGTTGACTTATCTTTTTGTCTGCCATGATGCAATGTGGGAATA	39697
Query	98701	AATGTGACACCCGCAGCCCAATGACTGTTACTCAACAGATACATTTTCCTAATTTAATAT	98760
Sbjct	39696	AATGTGACACCCGCAGCCCAATGACTGTTACTCAACAGATACATTTTCCTAATTTAATAT	39637
Query	98761	TCAAAATCTATAAAGTCCTATTGCTTACTGCAAAGATTAAGTGAATAGCTTGAAGTCAGT	98820
Sbjct	39636	TCAAAATCTATAAAGTCCTATTGCTTACTGCAAAGATTAAGTGAATAGCTTGAAGTCAGT	39577
Query	98821	GCACCACTATTTCTAGAAGCAAAGATGACACCTATAATAAGTCACATATGCCATTGGACA	98880
Sbjct	39576	GCACCACTATTTCTAGAAGCAAAGATGACACCTATAATAAGTCACATATGCCATTGGACA	39517
Query	98881	ATGTTTCTAGCATTTATTTTGATTTAGAATCGTTCTCTAGACCACCGTAAGTCAAAAAGT	98940
Sbjct	39516	ATGTTTCTAGCATTTATTTTGATTTAGAATCGTTCTCTAGACCACCGTAAGTCAAAAAGT	39457
Query	98941	TGTTCTTAAACTATAAAATAGCATGTGTGATTAAAGCCAATCAATAAATAAAGAGCTGGA	99000
Sbjct	39456	TGTTCTTAAACTATAAAATAGCATGTGTGATTAAAGCCAATCAATAAATAAAGAGCTGGA	39397
Query	99001	AGGTATGGATATAAATGGGAACAATGAAATGAGCTATGGCAATTTTCAAGTCTATTACT	99060
Sbjct	39396	AGGTATGGATATAAATGGGAACAATGAAATGAGCTATGGCAATTTTCAAGTCTATTACT	39337
Query	99061	CTGTTTTCCCTGAAATACAAATGtttttcttttaacatcaaccaactgattgggttttgat	99120
Sbjct	39336	CTGTTTTCCCTGAAATACAAATGTTTTCTTTTAAACATCAACCAACTGATTGGTTTTGAT	39277
Query	99121	tttttatttttatgggtttttttttgtttcagtttttttttcttttctttttttCGGAGCT	99180
Sbjct	39276	TTTTATTTTTATGGTTTTTTTTTGTTTCAGTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTCGGAGCT	39217
Query	99181	GGGGACCGAACTCAGGGCCTTGCACTTGCTAGGGAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCC	99240
Sbjct	39216	GGGGACCGAACTCAGGGCCTTGCACTTGCTAGGGAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCC	39157
Query	99241	CCACTCCCTGATTTTTATTTTAATGTTTTTGGTTCACAGAAAGGATCATTTTCATCGCTTC	99300
Sbjct	39156	CCACTCCCTGATTTTTATTTTAATGTTTTTGGTTCACAGAAAGGATCATTTTCATCGCTTC	39097
Query	99301	TCGGCCTTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGAAAGGATCATTTACCATAGGGTATCTTTGAA	99360
Sbjct	39096	TCGGCCTTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGAAAGGATCATTTACCATAGGGTATCTTTGAA	39037
Query	99361	CTCCCTGTTGGGTATCTTTTAACTTTTATATATTATAAAACATGTCCCAAGAGAAGTG	99420
Sbjct	39036	CTCCCTGTTGGGTATCTTTTAACTTTTATATATTATAAAACATGTCCCAAGAGAAGTG	38977
Query	99421	GTGACAAGGTCCATGAAGACTGCACCTGATAAACACACCTCTATTTCTTTACACCTTTAG	99480
Sbjct	38976	GTGACAAGGTCCATGAAGACTGCACCTGATAAACACACCTCTATTTCTTTACACCTTTAG	38917
Query	99481	AACAGGTAGCTCCATCCAGAGATTAAACCTACAAACAGAAACATTCATGATATCATAAAG	99540
Sbjct	38916	AACAGGTAGCTCCATCCAGAGATTAAACCTACAAACAGAAACATTCATGATATCATAAAG	38857
Query	99541	AAATAAGAAAAGGAGTATTGAAGTTCACTATTAAGAAGCAGCACCCACTGGAAATTAGAA	99600

Sbjct	38856	AAGAAAAGGAGTATTGAAGTTCACATTATTAAGAAGCAGCACCCACTGGAAATTAGAA	38797
Query	99601	TTAAACTGTACAAAGTAATGTCTTCATTATCAGATGTGTGAATCCAAATACTCTCTCGCC	99660
Sbjct	38796	TTAAACTGTACAAAGTAATGTCTTCATTATCAGATGTGTGAATCCAAATACTCTCTCGCC	38737
Query	99661	ATATAGGGACAAATaaaaaaaaTTGGAGATGATGGAAATATTCTCAAAATTTACAAATGC	99720
Sbjct	38736	ATATAGGGACAAATAAAAAAAAAATTGGAGATGATGGAAATATTCTCAAAATTTACAAATGC	38677
Query	99721	ATTTCAAACCCATCTTACATTATTTTTCTGATTCTGTGAGATAATGCATTGCTAAAAGTC	99780
Sbjct	38676	ATTTCAAACCCATCTTACATTATTTTTCTGATTCTGTGAGATAATGCATTGCTAAAAGTC	38617
Query	99781	AGACTGAGTACTTCTGGTTACATTTTCTCTTCTGAAACAGTCGTATGAAATGTTTTAGAT	99840
Sbjct	38616	AGACTGAGTACTTCTGGTTACATTTTCTCTTCTGAAACAGTCGTATGAAATGTTTTAGAT	38557
Query	99841	GATCATAAATAATTCCATACAATTTTACAGTTGTGAAGACCTCAAAACCAATGTGGTGT	99900
Sbjct	38556	GATCATAAATAATTCCATACAATTTTACAGTTGTGAAGACCTCAAAACCAATGTGGTGT	38497
Query	99901	TAGCTTGGGCTCCATGATGAAAGCTTCTAAAAATGTTTAAGTATAAGAGCAAAGACCATA	99960
Sbjct	38496	TAGCTTGGGCTCCATGATGAAAGCTTCTAAAAATGTTTAAGTATAAGAGCAAAGACCATA	38437
Query	99961	CTTAAGGTTTGAGGACCTAAGTGATATAAAATTTGAAAATGGCATGTAAC TTCACTTCTAT	100020
Sbjct	38436	CTTAAGGTTTGAGGACCTAAGTGATATAAAATTTGAAAATGGCATGTAAC TTCACTTCTAT	38377
Query	100021	TTTTCACTATTTGCTATGAGATAGACGGGCTTCTTAGGTCACCACTACCAAATCATGTC	100080
Sbjct	38376	TTTTCACTATTTGCTATGAGATAGACGGGCTTCTTAGGTCACCACTACCAAATCATGTC	38317
Query	100081	TTACTACACCAAAAACCTGCAGGCAAAAGTTATTTGTAGTGGGCCCTTAGTTTTATAAAA	100140
Sbjct	38316	TTACTACACCAAAAACCTGCAGGCAAAAGTTATTTGTAGTGGGCCCTTAGTTTTATAAAA	38257
Query	100141	TATTCAGCAAAATGTACTTCTTATTTTATCGGACATTGTTTTCTGTCATTGCTTTTACAA	100200
Sbjct	38256	TATTCAGCAAAATGTACTTCTTATTTTATCGGACATTGTTTTCTGTCATTGCTTTTACAA	38197
Query	100201	ACGTATACTAGTACACTGGTTTTCTCTGGTTTTTATTATCAGTGATAATTCATTGATTAA	100260
Sbjct	38196	ACGTATACTAGTACACTGGTTTTCTCTGGTTTTTATTATCAGTGATAATTCATTGATTAA	38137
Query	100261	TAACCGCCCCCTTTTTCCCCAGTATTTGCCAGGCTAGGATTGTAATTGTTTCATGGATTC	100320
Sbjct	38136	TAACCGCCCCCTTTTTCCCCAGTATTTGCCAGGCTAGGATTGTAATTGTTTCATGGATTC	38077
Query	100321	CCTCTTATTGAGAGGGCCTTAAGTCCAATTTTAGAATAGTTACCACCAAGCTATGCTTAC	100380
Sbjct	38076	CCTCTTATTGAGAGGGCCTTAAGTCCAATTTTAGAATAGTTACCACCAAGCTATGCTTAC	38017
Query	100381	CAACATTGAAATCTACAGGTATACTGCCATGCTGATCATTGTTATGGTTCACATCCTCA	100440
Sbjct	38016	CAACATTGAAATCTACAGGTATACTGCCATGCTGATCATTGTTATGGTTCACATCCTCA	37957
Query	100441	TTTGTGCACGTCaaaaaaaTTATAATATTGCATAAAGAACCTCACAATGAAAAATCTTAT	100500
Sbjct	37956	TTTGTGCACGTCAAAAAAATTATAATATTGCATAAAGAACCTCACAATGAAAAATCTTAT	37897
Query	100501	TACAAACATTTTTCACGAAATGCATT CATAATAAATCAATCAAAAAATTCCTGGCATTT	100560
Sbjct	37896	TACAAACATTTTTCACGAAATGCATT CATAATAAATCAATCAAAAAATTCCTGGCATTT	37837
Query	100561	TAGTGGTATATTGTTTTAAATTCTCAACAAAGTAACCATCTTGAAATACCAGGACAGTTAG	100620
Sbjct	37836	TAGTGGTATATTGTTTTAAATTCTCAACAAAGTAACCATCTTGAAATACCAGGACAGTTAG	37777
Query	100621	GCTAAATGAGAAAAATATCCAAATTTGATTGGGTTGCAATAGTTCTGCTTTTAAAAAATT	100680
Sbjct	37776	GCTAAATGAGAAAAATATCCAAATTTGATTGGGTTGCAATAGTTCTGCTTTTAAAAAATT	37717
Query	100681	TTTCTTGGTTATTTTATGTATTTACATTTCAACTGTTTCATGGGTATCTCTTGAAGTTAGG	100740
Sbjct	37716	TTTCTTGGTTATTTTATGTATTTACATTTCAACTGTTTCATGGGTATCTCTTGAAGTTAGG	37657
Query	100741	GAAGTTTTCTTCTATAATTTTCTTGAAGATATTTACCGGCCCTTCACGTTGGTAATCTGC	100800
Sbjct	37656	GAAGTTTTCTTCTATAATTTTCTTGAAGATATTTACCGGCCCTTCACGTTGGTAATCTGC	37597
Query	100801	ATTCCTTTCTATACTTATCATCCTTTCTTAGGACTTCTCATTCTATCCTGGATTTCTCTG	100860
Sbjct	37596	ATTCCTTTCTATACTTATCATCCTTTCTTAGGACTTCTCATTCTATCCTGGATTTCTCTG	37537
Query	100861	GATATTTTGGGTTTGGAGCTTTTTTGCTTTGTGTATTTCTTTCACTATTGTGTCATTATT	100920
Sbjct	37536	GATATTTTGGGTTTGGAGCTTTTTTGCTTTGTGTATTTCTTTCACTATTGTGTCATTATT	37477

Query	100921	TTCTATAGAATCGTCTGCACCTGAGATCCTCTCTTCTATCTCTTGCATTCTGTTGGTGAT	100980
Sbjct	37476	TTCTATAGAATCGTCTGCACCTGAGATCCTCTCTTCTATCTCTTGCATTCTGTTGGTGAT	37417
Query	100981	GCTTGTATCTATGAGTTCTCATCTCTTTCTAGGTTTCTATCTCCAGGGCTGTTTATTG	101040
Sbjct	37416	GCTTGTATCTATGAGTTCTCATCTCTTTCTAGGTTTCTATCTCCAGGGCTGTTTATTG	37357
Query	101041	TTTCTATTTCCATTTGTATATCCTGAATGATTTTGTTCAGTTCCTTCACCTGTTTGTATT	101100
Sbjct	37356	TTTCTATTTCCATTTGTATATCCTGAATGATTTTGTTCAGTTCCTTCACCTGTTTGTATT	37297
Query	101101	ATGTTTCCCTGTAATACTTTATGGAGTTTTTGTGTTTTCTCTTAAAGGGCTTCTACTTTG	101160
Sbjct	37296	ATGTTTCCCTGTAATACTTTATGGAGTTTTTGTGTTTTCTCTTAAAGGGCTTCTACTTTG	37237
Query	101161	TTTTCTGTACTCAGTTTAGAGAGTTATTTATGCCCTTAAATTCCTCTCTCATTATCATG	101220
Sbjct	37236	TTTTCTGTACTCAGTTTAGAGAGTTATTTATGCCCTTAAATTCCTCTCTCATTATCATG	37177
Query	101221	AGATGTGGTTTTTAAATGCATGTCTTTCTTTCTGGTGTGTTGGGATATCCAATATTTGCT	101280
Sbjct	37176	AGATGTGGTTTTTAAATGCATGTCTTTCTTTCTGGTGTGTTGGGATATCCAATATTTGCT	37117
Query	101281	GTGGTGAGAGAACTGGGTTCTGATGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTC	101340
Sbjct	37116	GTGGTGAGAGAACTGGGTTCTGATGATGCCAAGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTC	37057
Query	101341	TTGCACTTGCCTTTCACCATCTGGTTATCTCTAATGTTAGTTGGTTTTGCTGTCTCCTAC	101400
Sbjct	37056	TTGCACTTGCCTTTCACCATCTGGTTATCTCTAATGTTAGTTGGTTTTGCTGTCTCCTAC	36997
Query	101401	TGGAGCTTGTCCCTCCAGTGGGCGTATCAAGCTGTGATCTTAGGAATGAGAGGACTCCTT	101460
Sbjct	36996	TGGAGCTTGTCCCTCCAGTGGGCGTATCAAGCTGTGATCTTAGGAATGAGAGGACTCCTT	36937
Query	101461	GCATACCAGCTCTCTCAGGGCAGGGTTTGGGTGAGGAAGCTGTGGGACAGCCCCAGCTCT	101520
Sbjct	36936	GCATACCAGCTCTCTCAGGGCAGGGTTTGGGTGAGGAAGCTGTGGGACAGCCCCAGCTCT	36877
Query	101521	GGGAGCAGATGGTGGGTCTCTCCTTGGTATAGTCAGTGAATATAGGGTCCCACCTATGG	101580
Sbjct	36876	GGGAGCAGATGGTGGGTCTCTCCTTGGTATAGTCAGTGAATATAGGGTCCCACCTATGG	36817
Query	101581	ACTGTAGGCTTATAAGGGAGAGTGCTCCTGGAACCAGCTCTTGAAGACAGGTTTGGG	101640
Sbjct	36816	ACTGTAGGCTTATAAGGGAGAGTGCTCCTGGAACCAGCTCTTGAAGACAGGTTTGGG	36757
Query	101641	TCTGAAGGACTGTGGGACAGCACTGGGTGCAGATGGAGACCAGAAGGGTCTGTCTTAGG	101700
Sbjct	36756	TCTGAAGGACTGTGGGACAGCACTGGGTGCAGATGGAGACCAGAAGGGTCTGTCTTAGG	36697
Query	101701	CCTCCCTATGGTTCTACTTTCTTAAACACATTGtttttttGTGTACCACCTTATGAACCC	101760
Sbjct	36696	CCTCCCTATGGTTCTACTTTCTTAAACACATTGTTTTTTGTGTACCACCTTATGAACCC	36637
Query	101761	TGTCATGTGTTTGAATTTCAATTTAAATATGTTGCCTGTAATAACCTTTTAATATAAATAA	101820
Sbjct	36636	TGTCATGTGTTTGAATTTCAATTTAAATATGTTGCCTGTAATAACCTTTTAATATAAATAA	36577
Query	101821	TTTTCAGTTATAGTCACAGCCAAAGAGTTTTTGTTTACATTCTTTAATATTATTCAGATT	101880
Sbjct	36576	TTTTCAGTTATAGTCACAGCCAAAGAGTTTTTGTTTACATTCTTTAATATTATTCAGATT	36517
Query	101881	TCTCCCTTTTATAATAGTAACATTCTTTTAGTGAAAACATGACTATATTCCCTTTTGTTTaa	101940
Sbjct	36516	TCTCCCTTTTATAATAGTAACATTCTTTTAGTGAAAACATGACTATATTCCCTTTTGTTTAA	36457
Query	101941	aaaaaaTCTGAGCTCAAACTATATGACATGTTTTAAAAAATTTGCTCCTGTTTGCTGAAC	102000
Sbjct	36456	AAAAAATCTGAGCTCAAACTATATGACATGTTTTAAAAAATTTGCTCCTGTTTGCTGAAC	36397
Query	102001	TACAATTTTATTTATGTGTCAAACAAACATTTTATAAGCAAATATACTGGTAAATCCTGT	102060
Sbjct	36396	TACAATTTTATTTATGTGTCAAACAAACATTTTATAAGCAAATATACTGGTAAATCCTGT	36337
Query	102061	TACACTACATTATAATTTTCAATTATTCTTCTTCAAAGGATATATGGCCAAACTTCTT	102120
Sbjct	36336	TACACTACATTATAATTTTCAATTATTCTTCTTCAAAGGATATATGGCCAAACTTCTT	36277
Query	102121	TGAATTACTCTCACCAGGAGTGTATCATACCACCTTTACCTTGAGAAATGATtaaaacat	102180
Sbjct	36276	TGAATTACTCTCACCAGGAGTGTATCATACCACCTTTACCTTGAGAAATGATTAACACAT	36217
Query	102181	aaaaacaaattaataaaaaaGGAGAGAGTATGCAGATACTCTTAAAAATGAGGATATTCT	102240
Sbjct	36216	AAAAACAAATTAATAAAAAAGGAGAGAGTATGCAGATACTCTTAAAAATGAGGATATTCT	36157
Query	102241	CCATGAGTCCAAGATACTAGCTttttttttATTAGTCTTTATTCTAGTAAAGGTGTAATT	102300

Sbjct	36156	GAGTCCAAGATACTAGCTTTTTTTTATTAGTCTTTATTCTAGTAAAGGTGTAATT	36097
Query	102301	CATCTGCTTACAGAGAACATTGTGGAACATAAACCAACCTCACAGGGGAGaaaaaaaatt	102360
Sbjct	36096	CATCTGCTTACAGAGAACATTGTGGAACATAAACCAACCTCACAGGGGAGAAAAAAATT	36037
Query	102361	aaaaaaaaTCTAGGAGCAGTTTATAGTAATGATACGTGTGGAATATCAAAGGTCAA	102420
Sbjct	36036	AAAAAAAAATCTAGGAGCAGTTTATAGTAATGATACGTGTGGAATATCAAAGGTCAA	35977
Query	102421	TAAAGTAAGAGAAAGAGAAGGCAGGGACTAGTTAAGGGACATGCATGAAATTGTGGGCA	102480
Sbjct	35976	TAAAGTAAGAGAAAGAGAAGGCAGGGACTAGTTAAGGGACATGCATGAAATTGTGGGCA	35917
Query	102481	TGCTGTGCTAGATAGCTTTGTTTGTGGATTTCGGGTTTATTCCCGTCATCCTGATTGAAT	102540
Sbjct	35916	TGCTGTGCTAGATAGCTTTGTTTGTGGATTTCGGGTTTATTCCCGTCATCCTGATTGAAT	35857
Query	102541	TACTTTTTTACTCAAATGACTAATATATATCATGCCTGTCTTTCCTTGTTAAAATGGTGA	102600
Sbjct	35856	TACTTTTTTACTCAAATGACTAATATATATCATGCCTGTCTTTCCTTGTTAAAATGGTGA	35797
Query	102601	GGCTTCTGTGGACTGTACAAAAGCAAACTAAACTGTGTTAATATTTATTCTAGGTAGTT	102660
Sbjct	35796	GGCTTCTGTGGACTGTACAAAAGCAAACTAAACTGTGTTAATATTTATTCTAGGTAGTT	35737
Query	102661	AACAGAAAATTGTTTTACCTCAGATGAATATGTGTGTAATAACTTAACTGCCTCACAATT	102720
Sbjct	35736	AACAGAAAATTGTTTTACCTCAGATGAATATGTGTGTAATAACTTAACTGCCTCACAATT	35677
Query	102721	TCAAAATGTAAATAGACAAGAGGATATATTTATTAAGTGAGGTTAAGACATAAAATTTT	102780
Sbjct	35676	TCAAAATGTAAATAGACAAGAGGATATATTTATTAAGTGAGGTTAAGACATAAAATTTT	35617
Query	102781	GAGAAATAATACAGCTATTATTACTTCAGGGCTTTAAATATGCATAGACTATTGAAATTA	102840
Sbjct	35616	GAGAAATAATACAGCTATTATTACTTCAGGGCTTTAAATATGCATAGACTATTGAAATTA	35557
Query	102841	TTTaaaaaaatttttttATTAACCTGAGTATTTCTTATTTACATTTCGAGTGTTATTCCC	102900
Sbjct	35556	TTTAAAAAATTTTTTATTAACCTGAGTATTTCTTATTTACATTTCGAGTGTTATTCCC	35497
Query	102901	CTTCCTGGTTTCCGGGCAAAACatccccctaataccctccctcccttctttatgggtgttc	102960
Sbjct	35496	CTTCCTGGTTTCCGGGCAACATCCCCCTAATCCCTCCCTCCCTTCTTTATGGGTGTTT	35437
Query	102961	ccctcccccatcctccccccattgccgcctccccccATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCA	103020
Sbjct	35436	CCCTCCCCATCCTCCCCCATTGCCGCCCTCCCCCATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCA	35377
Query	103021	GTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCT	103080
Sbjct	35376	GTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCT	35317
Query	103081	ACCTATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCC	103140
Sbjct	35316	ACCTATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCC	35257
Query	103141	CTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCACCTTCAAGCTC	103200
Sbjct	35256	CTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCACCTTCAAGCTC	35197
Query	103201	TTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCCTTCAATGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTTTCAG	103260
Sbjct	35196	TTCCAGTCCTTTCTCTGATTCCCTTCAATGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTTTCAG	35137
Query	103261	CAGGACTTTTATACAGCAACAATAAGCAGTGTTAGAAATGTTTGTTAGTATTGGAGAATA	103320
Sbjct	35136	CAGGACTTTTATACAGCAACAATAAGCAGTGTTAGAAATGTTTGTTAGTATTGGAGAATA	35077
Query	103321	AAATGCTGTGGCCCAGGCACATCCTGTGTTCAGTATCTTGTTAATATCCAGACCTCAAAT	103380
Sbjct	35076	AAATGCTGTGGCCCAGGCACATCCTGTGTTCAGTATCTTGTTAATATCCAGACCTCAAAT	35017
Query	103381	TATGTCCAAGAGCTCATTTCTGCAAATACAGAAACAGTTAATTTTAGAGCCCTTATTTTA	103440
Sbjct	35016	TATGTCCAAGAGCTCATTTCTGCAAATACAGAAACAGTTAATTTTAGAGCCCTTATTTTA	34957
Query	103441	GGGACCCCTTATCAGTTTGTAAAGAGAAATACTAAGTGGTAGATATAAAACAGACACTGACC	103500
Sbjct	34956	GGGACCCCTTATCAGTTTGTAAAGAGAAATACTAAGTGGTAGATATAAAACAGACACTGACC	34897
Query	103501	AACAAAAATGACTTTGTCACTCTTTTGTGTAGGAATGCTCAGCCAAGCATCATTGTTTA	103560
Sbjct	34896	AACAAAAATGACTTTGTCACTCTTTTGTGTAGGAATGCTCAGCCAAGCATCATTGTTTA	34837
Query	103561	TAATAACCTTGGAAACAAAATCCTaaaaaaaTAACTGATGCCTTTTATCCATGAGGTAG	103620
Sbjct	34836	TAATAACCTTGGAAACAAAATCCTAAAAAAATTAAGTATGCCTTTTATCCATGAGGTAG	34777



Query	103621	GATGAAATACCAGGAATAATGTGTCCTTTTATCTTATTGCTGTAAACAGACACCATGACC	103680
Sbjct	34776	GATGAAATACCAGGAATAATGTGTCCTTTTATCTTATTGCTGTAAACAGACACCATGACC	34717
Query	103681	AACACGAGTTTTATAAAGGACAACATTTAATTGGGGCTGACTTAATTTCCATTATCATGA	103740
Sbjct	34716	AACACGAGTTTTATAAAGGACAACATTTAATTGGGGCTGACTTAATTTCCATTATCATGA	34657
Query	103741	AGGCAGAAGCATGGCAACATGAGTACAAGACGGAAGCATGCAACAAGGTAGGCATGGTAC	103800
Sbjct	34656	AGGCAGAAGCATGGCAACATGAGTACAAGACGGAAGCATGCAACAAGGTAGGCATGGTAC	34597
Query	103801	ATGAGTAGCTGAGTTCTACATCTTCACTGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCCTCCTCAGGC	103860
Sbjct	34596	ATGAGTAGCTGAGTTCTACATCTTCACTGGAAGCCAGGAACAGACTGAGCCTCCTCAGGC	34537
Query	103861	AGCTAGGAGGGTCTCCAAGCCCACCCACAGTGACACACTACCTCTAAGAAGACCACACC	103920
Sbjct	34536	AGCTAGGAGGGTCTCCAAGCCCACCCACAGTGACACACTACCTCTAAGAAGACCACACC	34477
Query	103921	TTCTAATAGTGCCACTCCAAGCATATGCAAACCATCACACCTTTTAATAAAATGTATTTT	103980
Sbjct	34476	TTCTAATAGTGCCACTCCAAGCATATGCAAACCATCACACCTTTTAATAAAATGTATTTT	34417
Query	103981	TAATCAAATCCCCCAATTAATaaaaaaaaGTTTTGTGCTTTGAAATGTTGCATGCACCA	104040
Sbjct	34416	TAATCAAATCCCCCAATTAATAAAAAAAAAAGTTTTGTGCTTTGAAATGTTGCATGCACCA	34357
Query	104041	CTGTTTCTAAGTGGTAAC TAGATTTCTTTTTGAAGTTGGTTAACCTTGACAGACAGCAGT	104100
Sbjct	34356	CTGTTTCTAAGTGGTAAC TAGATTTCTTTTTGAAGTTGGTTAACCTTGACAGACAGCAGT	34297
Query	104101	GTGCCATGCCCTTTTGCCAAGCTTTGTAAAGGCTGTCATGAAATACGCTACTAGCTTATGAA	104160
Sbjct	34296	GTGCCATGCCCTTTTGCCAAGCTTTGTAAAGGCTGTCATGAAATACGCTACTAGCTTATGAA	34237
Query	104161	CCTACAGTTGACAAAAACAAACCTTTATTAATAACAATTTGCCAAGTGCTGGGAGAAGAA	104220
Sbjct	34236	CCTACAGTTGACAAAAACAAACCTTTATTAATAACAATTTGCCAAGTGCTGGGAGAAGAA	34177
Query	104221	AGAGGTATTTTCATACTAATGATAATTATGATAGTAATTATGATTGTTCCATTAAATTGT	104280
Sbjct	34176	AGAGGTATTTTCATACTAATGATAATTATGATAGTAATTATGATTGTTCCATTAAATTGT	34117
Query	104281	ATACTGGATATATTTTGTTCTTCATTGAAATTTATTTTGCATTAGCCTGCTGAGTAATCC	104340
Sbjct	34116	ATACTGGATATATTTTGTTCTTCATTGAAATTTATTTTGCATTAGCCTGCTGAGTAATCC	34057
Query	104341	ATTTTAGCAATCCTGCATCCTATTTTACTAGTACTACCCTAAAACATATTATCTCCTTAA	104400
Sbjct	34056	ATTTTAGCAATCCTGCATCCTATTTTACTAGTACTACCCTAAAACATATTATCTCCTTAA	33997
Query	104401	AACCATATCAGGTTGTAATGGAATTTTGTAGGGTTTTTTACTTAAAGTTTATAGAGGC	104460
Sbjct	33996	AACCATATCAGGTTGTAATGGAATTTTGTAGGGTTTTTTACTTAAAGTTTATAGAGGC	33937
Query	104461	AATAAATGATTTCCTCAACTAACAGACCTCTCTTTCAAAGTTCATTCTCTTTGTGTTGTGT	104520
Sbjct	33936	AATAAATGATTTCCTCAACTAACAGACCTCTCTTTCAAAGTTCATTCTCTTTGTGTTGTGT	33877
Query	104521	TTTTCTCTTTAAAGTGAATTATTTCTTCCCTCAAATAAGATTCTTATGAGAGGAATAATA	104580
Sbjct	33876	TTTTCTCTTTAAAGTGAATTATTTCTTCCCTCAAATAAGATTCTTATGAGAGGAATAATA	33817
Query	104581	GGGGTTTTGGAGTTCAAACAAGGGAGAACAAATAATGTTAAAGTTTACATCTGTGTAGAG	104640
Sbjct	33816	GGGGTTTTGGAGTTCAAACAAGGGAGAACAAATAATGTTAAAGTTTACATCTGTGTAGAG	33757
Query	104641	TATGCATGCCTGGTACCTACAGAGACCAGAAAATTGTGTCAGGTCCTCTGGAAGTGGAGT	104700
Sbjct	33756	TATGCATGCCTGGTACCTACAGAGACCAGAAAATTGTGTCAGGTCCTCTGGAAGTGGAGT	33697
Query	104701	TAAATAGGTGGTTGGGACCTTCTGTGTGGGGTGCTGAGAATCAAATTCAGTCCTCTGA	104760
Sbjct	33696	TAAATAGGTGGTTGGGACCTTCTGTGTGGGGTGCTGAGAATCAAATTCAGTCCTCTGA	33637
Query	104761	AAGAGGAACAAGTTCTCTTAACTACTCAGCTGTCTCTCCAGCTGTCATTTTGATTTTGAG	104820
Sbjct	33636	AAGAGGAACAAGTTCTCTTAACTACTCAGCTGTCTCTCCAGCTGTCATTTTGATTTTGAG	33577
Query	104821	ACAGGATCTTGTTTTGGTGTCTGGCCATCTTCAAAGTTGCAGCAATTCACCTGTTTTGT	104880
Sbjct	33576	ACAGGATCTTGTTTTGGTGTCTGGCCATCTTCAAAGTTGCAGCAATTCACCTGTTTTGT	33517
Query	104881	TCACTCAAATCTGGGTTATAGGCATGTAATAGACTATAGGGATCCAAACACAAGATATT	104940
Sbjct	33516	TCACTCAAATCTGGGTTATAGGCATGTAATAGACTATAGGGATCCAAACACAAGATATT	33457
Query	104941	ATACCTTTAAAGATAAGTAATCTTTCAAGCTATTAAAAGGCTTTTTTCTGCCCATGTCTC	105000

Sbjct	33456	 ATACCTTTTAAAGATAAGTAATCTTTCAAGCTATTAAAAGGCTTTTCTGCCCATGTCTC	33397
Query	105001	 CATTGCTTGATGTTGTATCAATAATTCTTCTTAGCTTAATTTCTATAGATCACAGATCTA	105060
Sbjct	33396	 CATTGCTTGATGTTGTATCAATAATTCTTCTTAGCTTAATTTCTATAGATCACAGATCTA	33337
Query	105061	 ATACCTAGGGCAGACTTTGAATGTCATTTAGATAAGTTTATTATACAAGaaaaaaaaT	105120
Sbjct	33336	 ATACCTAGGGCAGACTTTGAATGTCATTTAGATAAGTTTATTATACAAGAAAAAAAAAT	33277
Query	105121	 CCTTCTATTATGGGGTCATAATGTATTTGTATTTCAGAACCTTGTCTTTTAGTCTGTCACT	105180
Sbjct	33276	 CCTTCTATTATGGGGTCATAATGTATTTGTATTTCAGAACCTTGTCTTTTAGTCTGTCACT	33217
Query	105181	 AATCACATAGGATCAGCAGGCAATATAGTCAATCTGACATATTCAATCAAAAAATGCTGA	105240
Sbjct	33216	 AATCACATAGGATCAGCAGGCAATATAGTCAATCTGACATATTCAATCAAAAAATGCTGA	33157
Query	105241	 GAAGACTGTCTTATATAGTCGCTTCTACTACATACCTCTGTGGGAAGTTTATTAGTTGCT	105300
Sbjct	33156	 GAAGACTGTCTTATATAGTCGCTTCTACTACATACCTCTGTGGGAAGTTTATTAGTTGCT	33097
Query	105301	 ATTCATTAGGGATAGTTTGTGATAATGCTGTCATCCCTAACAAAAGATAGAGGTACCTAG	105360
Sbjct	33096	 ATTCATTAGGGATAGTTTGTGATAATGCTGTCATCCCTAACAAAAGATAGAGGTACCTAG	33037
Query	105361	 CAGACATTCGTTTCATAAGATGATATTGCTTAATTGACTTCATTCTTTACAATATTTGAA	105420
Sbjct	33036	 CAGACATTCGTTTCATAAGATGATATTGCTTAATTGACTTCATTCTTTACAATATTTGAA	32977
Query	105421	 TGAATAGCCAGGATGCTGACTATTGGGGGAGTTAGTGATTTAAATTGAAGACATATAAAT	105480
Sbjct	32976	 TGAATAGCCAGGATGCTGACTATTGGGGGAGTTAGTGATTTAAATTGAAGACATATAAAT	32917
Query	105481	 AAAGAACCTCTAATAATTCCTGATAGAATCATTATAGTAGATGACAGTTAGTGACCAGTG	105540
Sbjct	32916	 AAAGAACCTCTAATAATTCCTGATAGAATCATTATAGTAGATGACAGTTAGTGACCAGTG	32857
Query	105541	 GGCAATGTCATGCTGGATCAACAAGGTGTATAAAGCTTGATAACTAAGTTGAGTAAGTGT	105600
Sbjct	32856	 GGCAATGTCATGCTGGATCAACAAGGTGTATAAAGCTTGATAACTAAGTTGAGTAAGTGT	32797
Query	105601	 TTAGATTAATTATAATAGGAGTTAAGATTTGAGGGTGAGGGTCTATGATATGGCTTAGC	105660
Sbjct	32796	 TTAGATTAATTATAATAGGAGTTAAGATTTGAGGGTGAGGGTCTATGATATGGCTTAGC	32737
Query	105661	 AGTAAAAAGCATGTACTATTGTAGAAGATTGGAATTTGGCTCCAAAACCTACATTGAATT	105720
Sbjct	32736	 AGTAAAAAGCATGTACTATTGTAGAAGATTGGAATTTGGCTCCAAAACCTACATTGAATT	32677
Query	105721	 GATCATAATTGGCTAGGATCCAGCTGTAGAAAATCTGATAAACTCTTCATAGCTCGGTGA	105780
Sbjct	32676	 GATCATAATTGGCTAGGATCCAGCTGTAGAAAATCTGATAAACTCTTCATAGCTCGGTGA	32617
Query	105781	 GCACCTGTACGCACATGTAGGTATTTCTGCGCATATACACATAATGTATAACAATTACGT	105840
Sbjct	32616	 GCACCTGTACGCACATGTAGGTATTTCTGCGCATATACACATAATGTATAACAATTACGT	32557
Query	105841	 GGCTAGAGAGATGGCTCAGTACTTAAGAGCACTTGTCTTGTAGAGGGTCTAGATTCAGT	105900
Sbjct	32556	 GGCTAGAGAGATGGCTCAGTACTTAAGAGCACTTGTCTTGTAGAGGGTCTAGATTCAGT	32497
Query	105901	 TCCTAGCACCCACATGGTGGCTCACAGTTATCTGTAAGTCTAGTTTCAGGGTATCTAACA	105960
Sbjct	32496	 TCCTAGCACCCACATGGTGGCTCACAGTTATCTGTAAGTCTAGTTTCAGGGTATCTAACA	32437
Query	105961	 CTTTCTAGCTAAACTTATGCATACCACATGTATACAAAAGTAACCCCAAAAATTCTACCA	106020
Sbjct	32436	 CTTTCTAGCTAAACTTATGCATACCACATGTATACAAAAGTAACCCCAAAAATTCTACCA	32377
Query	106021	 GAGAGCTCCTTCAGCTGAAAACATCTGTAGCAAAGTGGCTGGCTATAAAATCAACTCTAA	106080
Sbjct	32376	 GAGAGCTCCTTCAGCTGAAAACATCTGTAGCAAAGTGGCTGGCTATAAAATCAACTCTAA	32317
Query	106081	 AAAGAATCAGTAGCCTTACTCTACTACAATGATGAAAGGTCTGAGAAAGAAATTAGGGAA	106140
Sbjct	32316	 AAAGAATCAGTAGCCTTACTCTACTACAATGATGAAAGGTCTGAGAAAGAAATTAGGGAA	32257
Query	106141	 ACAACACTCTTCACAATAGTGAAAAGTAATATAAAATATCTGGGTGTGTCTCTAACTGAA	106200
Sbjct	32256	 ACAACACTCTTCACAATAGTGAAAAGTAATATAAAATATCTGGGTGTGTCTCTAACTGAA	32197
Query	106201	 CATGTGGCAGATCTCTATAACAAGAACTTCAAGTCTGAAGAAAGAACTGAAGAAGATCT	106260
Sbjct	32196	 CATGTGGCAGATCTCTATAACAAGAACTTCAAGTCTGAAGAAAGAACTGAAGAAGATCT	32137
Query	106261	 CAGAAGATGGAAAGATTTCTTATGCTCATGGAATGGCAGAATTAATATAGTAAAAATGGT	106320
Sbjct	32136	 CAGAAGATGGAAAGATTTCTTATGCTCATGGAATGGCAGAATTAATATAGTAAAAATGGT	32077

Query	106321	CATCTTACTGAATGCAATCTACAGATTCAATGCAATCCCCAACAAAATTTTAACTCAATT	106380
Sbjct	32076	CATCTTACTGAATGCAATCTACAGATTCAATGCAATCCCCAACAAAATTTTAACTCAATT	32017
Query	106381	CTTCATAGGTTTAGAAGAAGCAATTCTCAAATTCATTTGGAATAACATAAAAGTCATGAT	106440
Sbjct	32016	CTTCATAGGTTTAGAAGAAGCAATTCTCAAATTCATTTGGAATAACATAAAAGTCATGAT	31957
Query	106441	AGTGAAAAATATCCTCAACAATaaaaaaaaaaaaaaaaagaaaaaaaaaCTTCT	106500
Sbjct	31956	AGTGAAAAATATCCTCAACAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAC TTCT	31897
Query	106501	GTGGGAATCACCAACCTGACCTCAAAC TGTATTACAGAACAATAGTGATTGAAAATTGTG	106560
Sbjct	31896	GTGGGAATCACCAACCTGACCTCAAAC TGTATTACAGAACAATAGTGATTGAAAATTGTG	31837
Query	106561	TGGTATTGGCACAGAGACAGGCAGGTAGATCAATGGAGTCTTCAGTTCTAATTGAAGACT	106620
Sbjct	31836	TGGTATTGGCACAGAGACAGGCAGGTAGATCAATGGAGTCTTCAGTTCTAATTGAAGACT	31777
Query	106621	CAGAAATGAACCCACACACCTATGGGCAC TTGATTTT TGACAAAGGAGCTAAAACCATCA	106680
Sbjct	31776	CAGAAATGAACCCACACACCTATGGGCAC TTGATTTT TGACAAAGGAGCTAAAACCATCA	31717
Query	106681	AATGGAAGAAAGAAAGCATTTTCAACAAATGGTGCTGGTTCAACTGCAGGT CAGCACATA	106740
Sbjct	31716	AATGGAAGAAAGAAAGCATTTTCAACAAATGGTGCTGGTTCAACTGCAGGT CAGCACATA	31657
Query	106741	GAGGAATGCAAAATCGATCCATTCTTATCATGCTAAGACTAAACCAGGAATTAAACCACTA	106800
Sbjct	31656	GAGGAATGCAAAATCGATCCATTCTTATCATGCTAAGACTAAACCAGGAATTAAACCACTA	31597
Query	106801	TCCAAAATGAACACATGGACAGACCCATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGAATGACC	106860
Sbjct	31596	TCCAAAATGAACACATGGACAGACCCATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGAATGACC	31537
Query	106861	TTGTTGGGCACTAATGGGAGGAGAAGCCCTTGGGCCTGCCAAGCCTGGACACACCAGTGT	106920
Sbjct	31536	TTGTTGGGCACTAATGGGAGGAGAAGCCCTTGGGCCTGCCAAGCCTGGACACACCAGTGT	31477
Query	106921	AGGGGAATGT CAGGGAGGGGAGGCAGGAAGGAGCGTGTGGTTTTTGG AATGGGAAAACCCCT	106980
Sbjct	31476	AGGGGAATGT CAGGGAGGGGAGGCAGGAAGGAGCGTGTGGTTTTTGG AATGGGAAAACCCCT	31417
Query	106981	CATAGAAGAAGGGGAAGGGCGAAAGGGAGAGAGGGCATATGGATGGAAAACCAAGAAAGG	107040
Sbjct	31416	CATAGAAGAAGGGGAAGGGCGAAAGGGAGAGAGGGCATATGGATGGAAAACCAAGAAAGG	31357
Query	107041	GAATAACATTGaaatgtaaattttaaaaaatcaaaaaaaaaaccccaataaaaataaaagtgc	107100
Sbjct	31356	GAATAACATTGAAATGTAAATTTAAAAATCAAAAAAAAAACCCCAATAAAATAAAAGTGCA	31297
Query	107101	aaaCTTCTGCAAGACACTATTAGTAGGACAGAAGGAGAAAAACCCCTCATGACCCCTGGTT	107160
Sbjct	31296	AAACTTCTGCAAGACACTATTAGTAGGACAGAAGGAGAAAAACCCCTCATGACCCCTGGTT	31237
Query	107161	GCTGCCGCCGCAGAGCGCCCGTGGGCAGCACCCCACGAGCAAAC TTGAGCCTCGGGACCA	107220
Sbjct	31236	GCTGCCGCCGCAGAGCGCCCGTGGGCAGCACCCCACGAGCAAAC TTGAGCCTCGGGACCA	31177
Query	107221	CAGGTAAGACCAAAC TTTTCTGCTGCAAGAGACCTGCCTGGTGAAC TCTGGGCACACAGAG	107280
Sbjct	31176	CAGGTAAGACCAAAC TTTTCTGCTGCAAGAGACCTGCCTGGTGAAC TCTGGGCACACAGAG	31117
Query	107281	GCAGAATTCTCTTAGGACCGGGCACGTCTGTGTTTACCAGGAGTCCCACACCCGCGGAC	107340
Sbjct	31116	GCAGAATTCTCTTAGGACCGGGCACGTCTGTGTTTACCAGGAGTCCCACACCCGCGGAC	31057
Query	107341	CCCGGCCCGCAGCAGCTCTCTGCTCCCAGACCCCGAGGGAGAGACCCAACCGCCTGAT	107400
Sbjct	31056	CCCGGCCCGCAGCAGCTCTCTGCTCCCAGACCCCGAGGGAGAGACCCAACCGCCTGAT	30997
Query	107401	CAGGTGGGCACTCCTGAGGCTGCAGAGCGGAGGAGACCACCAACACTGCCCACCCCTGCC	107460
Sbjct	30996	CAGGTGGGCACTCCTGAGGCTGCAGAGCGGAGGAGACCACCAACACTGCCCACCCCTGCC	30937
Query	107461	CACATCCCTGGCCCAAGAGGAAACTGTATAAGGCCTCTGGGTTCCCGTGGGGGAGGGCCC	107520
Sbjct	30936	CACATCCCTGGCCCAAGAGGAAACTGTATAAGGCCTCTGGGTTCCCGTGGGGGAGGGCCC	30877
Query	107521	AGGAGCGGCAGGACCGCTGCGCCTGAGACACGCCGGAACCTGAAGGAAACAGACCGGATA	107580
Sbjct	30876	AGGAGCGGCAGGACCGCTGCGCCTGAGACACGCCGGAACCTGAAGGAAACAGACCGGATA	30817
Query	107581	AACAGTTCTCTGCACCCAAATCCCGTGGGAGGGAGAGCTAAACCTTCAGAGAGGCAGACA	107640
Sbjct	30816	AACAGTTCTCTGCACCCAAATCCCGTGGGAGGGAGAGCTAAACCTTCAGAGAGGCAGACA	30757
Query	107641	CGCCTGGGAAACCAGAAGAGACTGCACTCTGCACACATCTCTGACTCCAGAGGAAAACAC	107700

Sbjct	30756	TGGGAAACCAGAAGAGACTGCACTCTGCACACATCTCTGACTCCAGAGGAAAACAC	30697
Query	107701	CAAACGCCATCTGGAACCTGGTGCCTGAGGCTCCCGGAAACAGCGGCGCAGATCTGCC	107760
Sbjct	30696	CAAACGCCATCTGGAACCTGGTGCCTGAGGCTCCCGGAAACAGCGGCGCAGATCTGCC	30637
Query	107761	TGGTTGCTGCCGCCGAGAGAGCTCATGGGCAGCACCCCGCGAGCAAACCTTGAGCCTCGG	107820
Sbjct	30636	TGGTTGCTGCCGCCGAGAGAGCTCATGGGCAGCACCCCGCGAGCAAACCTTGAGCCTCGG	30577
Query	107821	GACCACAGGTAAGACCAACGTTTCTGCTGCAAGTGACGTGCCTGGTGAACCTCAAGACACA	107880
Sbjct	30576	GACCACAGGTAAGACCAACGTTTCTGCTGCAAGTGACGTGCCTGGTGAACCTCAAGACACA	30517
Query	107881	GGCCACAGGAACAGCTTAAAGACCTGTAGAGAGGAAAAACTACACGCCCGAAAGCAGAAC	107940
Sbjct	30516	GGCCACAGGAACAGCTTAAAGACCTGTAGAGAGGAAAAACTACACGCCCGAAAGCAGAAC	30457
Query	107941	ACTCTGTCCCATAACTGACTGAAAGAGAGGAAAAACAGGTCTACAGCACTCCTGACACAC	108000
Sbjct	30456	ACTCTGTCCCATAACTGACTGAAAGAGAGGAAAAACAGGTCTACAGCACTCCTGACACAC	30397
Query	108001	AGGCTTATAGGACAGTCTAGCCACTGTGAGAAATAGCAGAACAAAGTAACACTAGAGATA	108060
Sbjct	30396	AGGCTTATAGGACAGTCTAGCCACTGTGAGAAATAGCAGAACAAAGTAACACTAGAGATA	30337
Query	108061	ATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGCAGGAACCCAAGCAACAGAAACCAAGACTACATGGCAC	108120
Sbjct	30336	ATCTGATGGCGAGAGGCAAGCGCAGGAACCCAAGCAACAGAAACCAAGACTACATGGCAC	30277
Query	108121	CATCGGAGCCCAATTCTCCAATCAAAACAAACATGGAATATCCAAACACACCAGAAAAGC	108180
Sbjct	30276	CATCGGAGCCCAATTCTCCAATCAAAACAAACATGGAATATCCAAACACACCAGAAAAGC	30217
Query	108181	AAGATCTAGTTTCAAAATCATATTTGATCATGATGCTGGAGGACTTCAAGAAAGATGTGA	108240
Sbjct	30216	AAGATCTAGTTTCAAAATCATATTTGATCATGATGCTGGAGGACTTCAAGAAAGATGTGA	30157
Query	108241	AGAACTCCCTTAGAGAAACACAGGAAAAACATTAATAAAACAAGTAGAAGCCTACAGAGAGG	108300
Sbjct	30156	AGAACTCCCTTAGAGAAACACAGGAAAAACATTAATAAAACAAGTAGAAGCCTACAGAGAGG	30097
Query	108301	AATCGCAAAAATGCCTGAAAGAATTCCAGGAAAAACACAATCAAAACAGTTGAAGGAATGAA	108360
Sbjct	30096	AATCGCAAAAATGCCTGAAAGAATTCCAGGAAAAACACAATCAAAACAGTTGAAGGAATGAA	30037
Query	108361	AAATGGAAAAAGAAGCAATCAAGAAAGAACACAAGGAAACAACCTGGATATAGAAAACC	108420
Sbjct	30036	AAATGGAAAAAGAAGCAATCAAGAAAGAACACAAGGAAACAACCTGGATATAGAAAACC	29977
Query	108421	AAAAGAAGAGACAAGGAGCTGTAGATACAAGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATGGAAG	108480
Sbjct	29976	AAAAGAAGAGACAAGGAGCTGTAGATACAAGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATGGAAG	29917
Query	108481	AGAGAATCTCAGGAGCAGAAGATTCCATAGAAATCATTGACTCAACTGTCAAAGATAATG	108540
Sbjct	29916	AGAGAATCTCAGGAGCAGAAGATTCCATAGAAATCATTGACTCAACTGTCAAAGATAATG	29857
Query	108541	TAAAGTGAAAAAGCTACTGGTCCAAAAACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGAT	108600
Sbjct	29856	TAAAGTGAAAAAGCTACTGGTCCAAAAACATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGAT	29797
Query	108601	CAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAA	108660
Sbjct	29796	CAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAGAGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAA	29737
Query	108661	ATATCTTCAACAAAATCATAGAAGAAAACCTTCCCTAACCTaaaaaaaGAGATACCCATAG	108720
Sbjct	29736	ATATCTTCAACAAAATCATAGAAGAAAACCTTCCCTAACCTAAAAAAGAGATACCCATAG	29677
Query	108721	GCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAATAGATTGGACCAGAAAAGAAACCTCCCCTC	108780
Sbjct	29676	GCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAATAGATTGGACCAGAAAAGAAACCTCCCCTC	29617
Query	108781	ACATAGTAGTCAAAACACCAAACGCACAAAATAAGAAAGAATATTTAAAGCAGTAAGGG	108840
Sbjct	29616	ACATAGTAGTCAAAACACCAAACGCACAAAATAAGAAAGAATATTTAAAGCAGTAAGGG	29557
Query	108841	AAAAAGGTCAAGTAACATATAAATGGAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAG	108900
Sbjct	29556	AAAAAGGTCAAGTAACATATAAATGGAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAG	29497
Query	108901	AGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACTGATATCATACAGACACTAAGAGAACACAAAT	108960
Sbjct	29496	AGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACTGATATCATACAGACACTAAGAGAACACAAAT	29437
Query	108961	GCCAGCCCAAGTTACTGTTTCCTGCAAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGA	109020
Sbjct	29436	GCCAGCCCAAGTTACTGTTTCCTGCAAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGA	29377

Query	109021	TATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGA	109080
Sbjct	29376	TATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAATATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGA	29317
Query	109081	TAATAAATGGTAAAGCCCAACATAAGGAGGCAACCTATTACCCTAGAAGAAGCAAGAAAC	109140
Sbjct	29316	TAATAAATGGTAAAGCCCAACATAAGGAGGCAACCTATTACCCTAGAAGAAGCAAGAAAC	29257
Query	109141	TAATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAA	109200
Sbjct	29256	TAATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAA	29197
Query	109201	ATATGAATATAACGGGAAGCAATAATCACTATTTCCTTAATATCTCTCAACATCGATGGCC	109260
Sbjct	29196	ATATGAATATAACGGGAAGCAATAATCACTATTTCCTTAATATCTCTCAACATCGATGGCC	29137
Query	109261	TCAACTCCCCAATGAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATATGCAATGAAGACCCTGCAT	109320
Sbjct	29136	TCAACTCCCCAATGAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATATGCAATGAAGACCCTGCAT	29077
Query	109321	TCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACAGACAAAGACAGACACTACCTCAGAGTGAAAC	109380
Sbjct	29076	TCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACAGACAAAGACAGACACTACCTCAGAGTGAAAC	29017
Query	109381	GCTGGAAAACAACCTTTCCAAGCAAATGGTTGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAA	109440
Sbjct	29016	GCTGGAAAACAACCTTTCCAAGCAAATGGTTGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAA	28957
Query	109441	TATCAAATAAAATCAATTTTCAACTAAAAGTCATCAAAAAGATAAGGAAGGACACTTCAT	109500
Sbjct	28956	TATCAAATAAAATCAATTTTCAACTAAAAGTCATCAAAAAGATAAGGAAGGACACTTCAT	28897
Query	109501	ATTTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATGAACTCTCAATCCTAAATATCTATGCCCCAAA	109560
Sbjct	28896	ATTTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATGAACTCTCAATCCTAAATATCTATGCCCCAAA	28837
Query	109561	TACAAGGACACCTACATATGTAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCACC	109620
Sbjct	28836	TACAAGGACACCTACATATGTAAAAGAAACCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCACC	28777
Query	109621	TCACACAATAATAGTATGAGATTTCAACACTCCACTCTCATCAATGGACAGATCATGGAA	109680
Sbjct	28776	TCACACAATAATAGTATGAGATTTCAACACTCCACTCTCATCAATGGACAGATCATGGAA	28717
Query	109681	ACAGAAATTAAACAGAGATGTAGACAGACTAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGATTTAAC	109740
Sbjct	28716	ACAGAAATTAAACAGAGATGTAGACAGACTAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGATTTAAC	28657
Query	109741	AGATATTTTATAGAACATTCTATCCTAAAGCAAAAGGATATACCTTCTTCTCAGCTCCTCA	109800
Sbjct	28656	AGATATTTTATAGAACATTCTATCCTAAAGCAAAAGGATATACCTTCTTCTCAGCTCCTCA	28597
Query	109801	TGGTACTTTTCTCTAAAATTGACCATATAATTGGTCAAAAACGGGCCTCAACAGGTACAG	109860
Sbjct	28596	TGGTACTTTTCTCTAAAATTGACCATATAATTGGTCAAAAACGGGCCTCAACAGGTACAG	28537
Query	109861	AAAGATAGAAATAATCCCATGCGTGCTATCAGACCACCAGGGCCTAAAGCTGGTCTTCAA	109920
Sbjct	28536	AAAGATAGAAATAATCCCATGCGTGCTATCAGACCACCAGGGCCTAAAGCTGGTCTTCAA	28477
Query	109921	TAACAATAAGGAAAGAATGCCACATATACGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGA	109980
Sbjct	28476	TAACAATAAGGAAAGAATGCCACATATACGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGA	28417
Query	109981	TAACCTGGTCAAGGAAGAAGTAAAGAAAGAACTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAA	110040
Sbjct	28416	TAACCTGGTCAAGGAAGAAGTAAAGAAAGAACTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAA	28357
Query	110041	TGAAGGTACAACATACCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACT	110100
Sbjct	28356	TGAAGGTACAACATACCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACT	28297
Query	110101	CATAGCGCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGGAGAGAGCATATGTCAGCAGCTTGACAGC	110160
Sbjct	28296	CATAGCGCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGGAGAGAGCATATGTCAGCAGCTTGACAGC	28237
Query	110161	ACACCTAAAAGCTGTAGAACAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGATAGGA	110220
Sbjct	28236	ACACCTAAAAGCTGTAGAACAAAAAGAAGCAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGATAGGA	28177
Query	110221	AATAATCAAACCTCAGAGCTGACATCAACCAAGAAATCAACCAGAAACAAAAAGGACCATA	110280
Sbjct	28176	AATAATCAAACCTCAGAGCTGACATCAACCAAGAAATCAACCAGAAACAAAAAGGACCATA	28117
Query	110281	GAAAGAATCAACAGAACC AAAAGTTGGTTCTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAACAC	110340
Sbjct	28116	GAAAGAATCAACAGAACC AAAAGTTGGTTCTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAACAC	28057
Query	110341	TTAGCCAGACTAATGAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTACAAAATCAGAAATGAA	110400

Sbjct	28056	TTAGCCAGACTAATGAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTAACAAAATCAGAAATGAA	27997
Query	110401	AAGGAAGACATAACTACAGGTTTCAGAGGAAATTCCAAAAATCATCAGATCTTTAGTCATA	110460
Sbjct	27996	AAGGAAGACATAACTACAGGTTTCAGAGGAAATTCCAAAAATCATCAGATCTTTAGTCATA	27937
Query	110461	AGGGTAATGCAAATCAAAACAACCTTGAGATTTACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAG	110520
Sbjct	27936	AGGGTAATGCAAATCAAAACAACCTTGAGATTTACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAG	27877
Query	110521	ATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTGGCGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTC	110580
Sbjct	27876	ATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTGGCGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTC	27817
Query	110581	CATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTTCCTC	110640
Sbjct	27816	CATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACAACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTTCCTC	27757
Query	110641	AGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCA	110700
Sbjct	27756	AGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCA	27697
Query	110701	AAAGATGCCCCAACATATAAAAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTT	110760
Sbjct	27696	AAAGATGCCCCAACATATAAAAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTT	27637
Query	110761	ATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGATGCCCTTCAACACAGGAATGGATACAGAAA	110820
Sbjct	27636	ATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGATGCCCTTCAACACAGGAATGGATACAGAAA	27577
Query	110821	ATGTGGTACATCTATACAATGGAATACTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTATGAAA	110880
Sbjct	27576	ATGTGGTACATCTATACAATGGAATACTACTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTATGAAA	27517
Query	110881	TTCATAGGCAAAATGGTTGGAACCTGGAACATCATCCTGAGTGAGGTAACACAATTACAG	110940
Sbjct	27516	TTCATAGGCAAAATGGTTGGAACCTGGAACATCATCCTGAGTGAGGTAACACAATTACAG	27457
Query	110941	AAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGATAAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAATTAC	111000
Sbjct	27456	AAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGATAAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAATTAC	27397
Query	111001	CCTAGATGCCTAGAACAAATGAAACTCAAGACGGATGATCAAAATGTGAATGCTTCACTC	111060
Sbjct	27396	CCTAGATGCCTAGAACAAATGAAACTCAAGACGGATGATCAAAATGTGAATGCTTCACTC	27337
Query	111061	CTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAC	111120
Sbjct	27336	CTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAC	27277
Query	111121	AGAGACTGAAGGAACACCCATTTCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGCC	111180
Sbjct	27276	AGAGACTGAAGGAACACCCATTTCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGCC	27217
Query	111181	ACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGACTGACAGGAGCCGGATGTAGA	111240
Sbjct	27216	ACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGACTGACAGGAGCCGGATGTAGA	27157
Query	111241	TCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAATACATCAGCGTATGCCAGCAGCAAAC	111300
Sbjct	27156	TCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAATACATCAGCGTATGCCAGCAGCAAAC	27097
Query	111301	CACTGAACCTGAGAATAGGTCCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCTCGA	111360
Sbjct	27096	CACTGAACCTGAGAATAGGTCCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCTCGA	27037
Query	111361	AGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAG	111420
Sbjct	27036	AGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAATGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAG	26977
Query	111421	CCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATGA	111480
Sbjct	26976	CCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATGA	26917
Query	111481	ATATCCTAGTAAGATCCCAGTGGAAGGGGAAGCCCTGGGTCTGCTAAGACTGAACCCCC	111540
Sbjct	26916	ATATCCTAGTAAGATCCCAGTGGAAGGGGAAGCCCTGGGTCTGCTAAGACTGAACCCCC	26857
Query	111541	AGTGAACCTAGACTTTggaggggagggcggaatggggggaggatggggaggggaacagcca	111600
Sbjct	26856	AGTGAACCTAGACTTTGGAGGGAGGGCGGAATGGGGGGAGGATGGGGAGGGGAACAGCCA	26797
Query	111601	aaaagaaggggagggggagggattagggggaTGTTTGCCGAAACCGGGAAAGGGAATAA	111660
Sbjct	26796	AAAAGAAGGGGAGGGGGAGGGATTAGGGGGATGTTTGCCGAAACCGGGAAAGGGAATAA	26737
Query	111661	CAATTGAAATGTAAATAAAAAATACCCAAGTTTATAAAGATGGAGGaaaaaaaGTCACCAC	111720
Sbjct	26736	CAATTGAAATGTAAATAAAAAATACCCAAGTTTATAAAGATGGAGGAAAAAAAGTCACCAC	26677

Query	111721	CCCCAAAAGAAGATACATgatagatagatagatagatagatagatagatTGA	111780
Sbjct	26676	CCCCAAAAGAAGATACATGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATTGA	26617
Query	111781	CAGATCTGTGACTTATTAATAAAGTACAGATTCTTTCCACCCAAGAATGTATGTTGATCT	111840
Sbjct	26616	CAGATCTGTGACTTATTAATAAAGTACAGATTCTTTCCACCCAAGAATGTATGTTGATCT	26557
Query	111841	TAATAAAAATACACAACAAAGGGAGCTGTGGTGAGGTTTCAGGTTAGAATGACATAATTG	111900
Sbjct	26556	TAATAAAAATACACAACAAAGGGAGCTGTGGTGAGGTTTCAGGTTAGAATGACATAATTG	26497
Query	111901	CCTTTTGTTGTAGTCTCTCAGATGTAAGTGAGTTCTTAATTTTCTTCCCTGAATGCCCC	111960
Sbjct	26496	CCTTTTGTTGTAGTCTCTCAGATGTAAGTGAGTTCTTAATTTTCTTCCCTGAATGCCCC	26437
Query	111961	TTAGGAATAGGATTATATCTAGGGCATTGTTTCATGCTAGAGAAATACTCTACCACTGTCT	112020
Sbjct	26436	TTAGGAATAGGATTATATCTAGGGCATTGTTTCATGCTAGAGAAATACTCTACCACTGTCT	26377
Query	112021	GTAACTTTCATGTCTGTAACCCCATTTATTTTCTATAACACTTACAGGGCAAGCTATAGG	112080
Sbjct	26376	GTAACTTTCATGTCTGTAACCCCATTTATTTTCTATAACACTTACAGGGCAAGCTATAGG	26317
Query	112081	AAGACTCTCAACTGTCCATTTTGCCATCCCAAACTGGTCCATGACTGGGAATGTTTAGT	112140
Sbjct	26316	AAGACTCTCAACTGTCCATTTTGCCATCCCAAACTGGTCCATGACTGGGAATGTTTAGT	26257
Query	112141	TATCTCATAGAGAAAAGACATGCCTCAGAACACACTGCAGGACAGACAGTAGTATAGGAA	112200
Sbjct	26256	TATCTCATAGAGAAAAGACATGCCTCAGAACACACTGCAGGACAGACAGTAGTATAGGAA	26197
Query	112201	GGGTTTGTTATTGTCTACCTGCACATATGCCAGGAGAGGAAACTGGTTAATCTATCCAT	112260
Sbjct	26196	GGGTTTGTTATTGTCTACCTGCACATATGCCAGGAGAGGAAACTGGTTAATCTATCCAT	26137
Query	112261	ATAGTAACATTTACCAAAGCAACCACATACTATATTGAGTACACAAGGTTAGTAAGACAC	112320
Sbjct	26136	ATAGTAACATTTACCAAAGCAACCACATACTATATTGAGTACACAAGGTTAGTAAGACAC	26077
Query	112321	AGCTAAGATCAGGCTACTTACAGGTACTAACATGGACAATTAAACCCATTCAATACAGTA	112380
Sbjct	26076	AGCTAAGATCAGGCTACTTACAGGTACTAACATGGACAATTAAACCCATTCAATACAGTA	26017
Query	112381	ATTACTTGGTAGCGGGTCCGTAACATTGTCTCAGTTTCCAGTATGTCTGTATATGGTTCC	112440
Sbjct	26016	ATTACTTGGTAGCGGGTCCGTAACATTGTCTCAGTTTCCAGTATGTCTGTATATGGTTCC	25957
Query	112441	TTCTGTGTCAAGGTCAGTTACTAAAGACCACATGACCTATGGCAGAGAGTAGAAAAACCT	112500
Sbjct	25956	TTCTGTGTCAAGGTCAGTTACTAAAGACCACATGACCTATGGCAGAGAGTAGAAAAACCT	25897
Query	112501	CTACCCGACTTCTCTGTATGCTGAAATTATTAGCCCTGGTTTGCAAGCATACTGATCCT	112560
Sbjct	25896	CTACCCGACTTCTCTGTATGCTGAAATTATTAGCCCTGGTTTGCAAGCATACTGATCCT	25837
Query	112561	CATATGTTCCAAGCTTATACAGGCATGCTGTCTCCAAAAACATTTTACATGTGCTGCAC	112620
Sbjct	25836	CATATGTTCCAAGCTTATACAGGCATGCTGTCTCCAAAAACATTTTACATGTGCTGCAC	25777
Query	112621	TCCATGCAATGTGCTACTCTGAAGTTTCCAACCAACACTGTTTCAGTTTAAGATACTTTTG	112680
Sbjct	25776	TCCATGCAATGTGCTACTCTGAAGTTTCCAACCAACACTGTTTCAGTTTAAGATACTTTTG	25717
Query	112681	TTGTTATCAAAAAGGATTCAATTATCCCATCATTGACTCCAGGATAATCTCAATTCTGTAC	112740
Sbjct	25716	TTGTTATCAAAAAGGATTCAATTATCCCATCATTGACTCCAGGATAATCTCAATTCTGTAC	25657
Query	112741	TTTATTGGTGTACCTAGAAGAGAGGACACAGAGATCTTCTCCAAAACATAAAATAAGTGA	112800
Sbjct	25656	TTTATTGGTGTACCTAGAAGAGAGGACACAGAGATCTTCTCCAAAACATAAAATAAGTGA	25597
Query	112801	TACTGAGCTATGGTTCTGAACCCATAGGGAACAATAGTGATTACCGAGCTCTGCATAGAC	112860
Sbjct	25596	TACTGAGCTATGGTTCTGAACCCATAGGGAACAATAGTGATTACCGAGCTCTGCATAGAC	25537
Query	112861	AACCTCTTAGCATGCCAACCCCATGCACCTGCACCTACATTTCTCTCAAAAGTTCTTCAT	112920
Sbjct	25536	AACCTCTTAGCATGCCAACCCCATGCACCTGCACCTACATTTCTCTCAAAAGTTCTTCAT	25477
Query	112921	TTAATTGGAGATTATCCAGGTCAACTAACAGCACATGTGCTGTAAAGGCAAAAACCAAGT	112980
Sbjct	25476	TTAATTGGAGATTATCCAGGTCAACTAACAGCACATGTGCTGTAAAGGCAAAAACCAAGT	25417
Query	112981	CCAGGAGTTGTAGTAATGGGTCATAAATTATGAACATTTGCTGATCTCTCAAAGTATCCA	113040
Sbjct	25416	CCAGGAGTTGTAGTAATGGGTCATAAATTATGAACATTTGCTGATCTCTCAAAGTATCCA	25357
Query	113041	ACTGGTTCTTATCAAACATCTATATCAGAGGATCTTATTCTCTGGTCTTCAAGGTAATGG	113100

Sbjct	25356	 ACTGGTTCCTTATCAAACATCTATATCAGAGGATCTTATTCTCTGGTCTTCAAGGTAATGG	25297
Query	113101	CATGTGGGAGTCACAGACATAAGTAGGcaaaaaacacttggttagcaaaaataaatgaaa	113160
Sbjct	25296	CATGTGGGAGTCACAGACATAAGTAGGCAAAAACACTTGTTAGCACAAAATAAATGAAA	25237
Query	113161	ataaatgtaaacacaacaaaacaaaaGAGGAACACCAAATGCATGGTGAAGGCTGACACCA	113220
Sbjct	25236	ATAAATGTAAACAACAAAACCAAAAGAGGGAACACCAAATGCATGGTGAAGGCTGACACCA	25177
Query	113221	TCTATAAAAAAGTTATTTCTCTACATGACTTGGAAAGTCATTATCCCTGTTGTATGGTTCT	113280
Sbjct	25176	TCTATAAAAAAGTTATTTCTCTACATGACTTGGAAAGTCATTATCCCTGTTGTATGGTTCT	25117
Query	113281	CACTGGTGATTTACTGCAAGAAAAATGAGGAGCATAGCCCTGGGTCTCCTGATTTCTtttt	113340
Sbjct	25116	CACTGGTGATTTACTGCAAGAAAAATGAGGAGCATAGCCCTGGGTCTCCTGATTTCTTTT	25057
Query	113341	ttttATTTCCTCAGAACTCTAGAGCAATGTTTCTGTGATTTATAATAAATTAGTCCACA	113400
Sbjct	25056	TTTTATTTCCTCAGAACTCTAGAGCAATGTTTCTGTGATTTATAATAAATTAGTCCACA	24997
Query	113401	GAGTCAATGAGTGTGGGATATAAAGTACTATATTTACGGTAGTTGAACACATGATGAC	113460
Sbjct	24996	GAGTCAATGAGTGTGGGATATAAAGTACTATATTTACGGTAGTTGAACACATGATGAC	24937
Query	113461	ATGGGTGTAGTATGGTACTGCTTACATCATAAAGTGTGTATCCACTGAGTAAGCCAAACT	113520
Sbjct	24936	ATGGGTGTAGTATGGTACTGCTTACATCATAAAGTGTGTATCCACTGAGTAAGCCAAACT	24877
Query	113521	ATAGACACAGAAGACACCAACATTCTGTGTATCCCTGTCTGGCTAGGAACCTACTATGTG	113580
Sbjct	24876	ATAGACACAGAAGACACCAACATTCTGTGTATCCCTGTCTGGCTAGGAACCTACTATGTG	24817
Query	113581	ACTTGGGGTGCCTGGAAATTCATTACTACCTCTGAGATCTGAGGCTACAGAAGTGAGATA	113640
Sbjct	24816	ACTTGGGGTGCCTGGAAATTCATTACTACCTCTGAGATCTGAGGCTACAGAAGTGAGATA	24757
Query	113641	GGACAACCTTAGTAAAGAAGATGTTCTTAAGTATAAAAGGTTAGTGACCATTTTTTATTCA	113700
Sbjct	24756	GGACAACCTTAGTAAAGAAGATGTTCTTAAGTATAAAAGGTTAGTGACCATTTTTTATTCA	24697
Query	113701	TAAAAATACATTTAAAAGGTCTGTCAATATAAAGAATGATGAGGCTTAGCACACTTTgaa	113760
Sbjct	24696	TAAAAATACATTTAAAAGGTCTGTCAATATAAAGAATGATGAGGCTTAGCACACTTTGAA	24637
Query	113761	aaacaagaacaagaatatataaaacaccaagaataaaacaaaaacaaaaacaaaaactaa	113820
Sbjct	24636	AAACAAGAACAAGAATATATAAAACACCAAGAATAAAACAAAAACAAAAACAAAACTAA	24577
Query	113821	aaacccaaaaacaaaaaagtgaaaacccaaaccatagccaaacagaaaaaTGTGCTAAGC	113880
Sbjct	24576	AAACCCAAAACAAAAAAGTGAAAACCCAAACCATAGCCAAACAGAAAAATGTTGCTAAGC	24517
Query	113881	ATTATTCTCTCACTTCAGATTTAACAGCACAGTCTTACAGGCCATGACTGGTCTGGAGAC	113940
Sbjct	24516	ATTATTCTCTCACTTCAGATTTAACAGCACAGTCTTACAGGCCATGACTGGTCTGGAGAC	24457
Query	113941	TTAGTAGCAAGGCAGTCACCTCAGTTCTCTCAAAGGGTGTTGTCAGAGAAGGAAAGGGAA	114000
Sbjct	24456	TTAGTAGCAAGGCAGTCACCTCAGTTCTCTCAAAGGGTGTTGTCAGAGAAGGAAAGGGAA	24397
Query	114001	TAGAAGCAACCTGGCTGATTCAATTGGCTATATAAAATTAGGGCCTATTCAGACTAAGGAA	114060
Sbjct	24396	TAGAAGCAACCTGGCTGATTCAATTGGCTATATAAAATTAGGGCCTATTCAGACTAAGGAA	24337
Query	114061	ACAAAATATGAGGAAGGAAACTCATCCAAGGAATTCTATATTTGCTGGGGATGAAGCTGC	114120
Sbjct	24336	ACAAAATATGAGGAAGGAAACTCATCCAAGGAATTCTATATTTGCTGGGGATGAAGCTGC	24277
Query	114121	TGATATAACATCTATTTCTGCAGTAGGTTCTCTTTCTTAGCTGGGACAAATTCCAGTTCA	114180
Sbjct	24276	TGATATAACATCTATTTCTGCAGTAGGTTCTCTTTCTTAGCTGGGACAAATTCCAGTTCA	24217
Query	114181	TGCTGCAGTCTCTCAGACCTCAGAGATGATGACAGTTATGATATAGGCTTAGTGAAGTTC	114240
Sbjct	24216	TGCTGCAGTCTCTCAGACCTCAGAGATGATGACAGTTATGATATAGGCTTAGTGAAGTTC	24157
Query	114241	TGCCATACCAACTGTCAGGCTGATAACTCCCATACACTCAATAATACAAGAAAGTTAACA	114300
Sbjct	24156	TGCCATACCAACTGTCAGGCTGATAACTCCCATACACTCAATAATACAAGAAAGTTAACA	24097
Query	114301	CTAATCTTTTAAATGAAATCATTGTTTATACTCCCAATGAATAAAAGTCACAACAGATAT	114360
Sbjct	24096	CTAATCTTTTAAATGAAATCATTGTTTATACTCCCAATGAATAAAAGTCACAACAGATAT	24037
Query	114361	CTTTATGTAAAATAAGCTACAGTAGTCAATATCATATGAGCAATATACATATTACTCATG	114420
Sbjct	24036	CTTTATGTAAAATAAGCTACAGTAGTCAATATCATATGAGCAATATACATATTACTCATG	23977



Query	114421	ATGAGTTACTGGTGGTACACATCATTTTATAGTTAAACATAAGGCAGTCTTGCAGCCTTT	114480
Sbjct	23976	ATGAGTTACTGGTGGTACACATCATTTTATAGTTAAACATAAGGCAGTCTTGCAGCCTTT	23917
Query	114481	GCAACTGAACAAGTTCATGAGGTTAGGTCTGGAACTCTTTAACCTACTGTATCCAGAGA	114540
Sbjct	23916	GCAACTGAACAAGTTCATGAGGTTAGGTCTGGAACTCTTTAACCTACTGTATCCAGAGA	23857
Query	114541	ATGGATAGAAATGTGTAAATACTGGGGGGAGTATCATTAAGAAGTGAACCTGATGTTT	114600
Sbjct	23856	ATGGATAGAAATGTGTAAATACTGGGGGGAGTATCATTAAGAAGTGAACCTGATGTTT	23797
Query	114601	CTGATG <sup>gaaaaaa</sup> TATAATTATAGCCAGCCAAGGGTCCAGGTTAATTGATTCTGTTGGTC	114660
Sbjct	23796	CTGATG <sup>AAAAAA</sup> AATATAATTATAGCCAGCCAAGGGTCCAGGTTAATTGATTCTGTTGGTC	23737
Query	114661	TTCTTG <sup>TAGAA</sup> TTTCTATCCCCTTTTGGCCTATAATCCTTCCTTCTGTTCTTCCTTAAGA	114720
Sbjct	23736	TTCTTG <sup>TAGAA</sup> TTTCTATCCCCTTTTGGCCTATAATCCTTCCTTCTGTTCTTCCTTAAGA	23677
Query	114721	GTCCTTAAGCTCCATCCATTGTTTACCTGTGGCTGTCTGCATCTGTCTGTATCAGATAAC	114780
Sbjct	23676	GTCCTTAAGCTCCATCCATTGTTTACCTGTGGCTGTCTGCATCTGTCTGTATCAGATAAC	23617
Query	114781	CAGTTCTTAACAGTCAGCTCTTTATAACTCTGGTTTATCCAAGATGGAAAACCAACTTCC	114840
Sbjct	23616	CAGTTCTTAACAGTCAGCTCTTTATAACTCTGGTTTATCCAAGATGGAAAACCAACTTCC	23557
Query	114841	TTCTGCCTCTCTCTTTACTCTCTAAGCTCCTGATTCTTTCATGTAGACTCCTCAGTCTTG	114900
Sbjct	23556	TTCTGCCTCTCTCTTTACTCTCTAAGCTCCTGATTCTTTCATGTAGACTCCTCAGTCTTG	23497
Query	114901	CAAACATAATAGGGGTCAATTCTCTAGGGACTAGCTGAAAGCCCTAATGAACAGTTGGGT	114960
Sbjct	23496	CAAACATAATAGGGGTCAATTCTCTAGGGACTAGCTGAAAGCCCTAATGAACAGTTGGGT	23437
Query	114961	GTTGTTACAACACTGGTGACATCAGAGGATGCTAAGAGCTATCCAGGATACAATAGAATG	115020
Sbjct	23436	GTTGTTACAACACTGGTGACATCAGAGGATGCTAAGAGCTATCCAGGATACAATAGAATG	23377
Query	115021	TCCAGACAAGGGAGTGCTGATGTCATGAAGAACAGACTTTGCTTTCTGCTAATGTTCTTC	115080
Sbjct	23376	TCCAGACAAGGGAGTGCTGATGTCATGAAGAACAGACTTTGCTTTCTGCTAATGTTCTTC	23317
Query	115081	CTATTCTGACCAAAAGCTGACAAACCTTTCTGGGAGACTCTCCTGGAGCATAGCCATTG	115140
Sbjct	23316	CTATTCTGACCAAAAGCTGACAAACCTTTCTGGGAGACTCTCCTGGAGCATAGCCATTG	23257
Query	115141	ATTA <sup>ACT</sup> CCTTCTTCCAAAACAAGATTTCTGAGTGCCAAAACCAGAGACAACCTGATGGC	115200
Sbjct	23256	ATTA <sup>ACT</sup> CCTTCTTCCAAAACAAGATTTCTGAGTGCCAAAACCAGAGACAACCTGATGGC	23197
Query	115201	CAGAGGCAAGTGCAGGAACCAAAGCAACAGAAACCAAGACTACTTGGCATCATCAGAGCC	115260
Sbjct	23196	CAGAGGCAAGTGCAGGAACCAAAGCAACAGAAACCAAGACTACTTGGCATCATCAGAGCC	23137
Query	115261	CAGTTCTCCCAACAAAGCAAATACTGAACATCCAAACACAGCAGAAAAGCAAGATCTAAA	115320
Sbjct	23136	CAGTTCTCCCAACAAAGCAAATACTGAACATCCAAACACAGCAGAAAAGCAAGATCTAAA	23077
Query	115321	ATCACATCTCATGAGGAAGATAGAGAACTTTAAGAAGGACATAAGTCCCTT <sup>aaaaaaa</sup> TT	115380
Sbjct	23076	ATCACATCTCATGAGGAAGATAGAGAACTTTAAGAAGGACATAAGTCCCTT <sup>AAAAAA</sup> AAT	23017
Query	115381	ACAGGACAACACAAGTAAACAAGTAGAAACCTTTAAAGAGGAAACACAAAAATCACTTAA	115440
Sbjct	23016	ACAGGACAACACAAGTAAACAAGTAGAAACCTTTAAAGAGGAAACACAAAAATCACTTAA	22957
Query	115441	AGAATGACAGGAAAACACAACCAGGTGAAAGAATTGAACAAAACCATCCATGATTTAAAA	115500
Sbjct	22956	AGAATGACAGGAAAACACAACCAGGTGAAAGAATTGAACAAAACCATCCATGATTTAAAA	22897
Query	115501	ATAAAAAATAGAAGCAATAAATAAAGCACAAAGGTGTCGATGCCCGCACTGACACGGCACC	115560
Sbjct	22896	ATAAAAAATAGAAGCAATAAATAAAGCACAAAGGTGTCGATGCCCGCACTGACACGGCACC	22837
Query	115561	AAGAGTTGGGCGTAAGCTTGTGGGATTAAAGAACACACAGGTTTATTAGTGTTAAGCA	115620
Sbjct	22836	AAGAGTTGGGCGTAAGCTTGTGGGATTAAAGAACACACAGGTTTATTAGTGTTAAGCA	22777
Query	115621	AGAAAAGGAAGAGGGTCTGTAGCTTTATTACCGAATATATACTCCAAGTTTGAAAGAT	115680
Sbjct	22776	AGAAAAGGAAGAGGGTCTGTAGCTTTATTACCGAATATATACTCCAAGTTTGAAAGAT	22717
Query	115681	CCCACACAGAGAGACCCCTTACTCAAGTCTTGGGAAATCGCGGACCCAGACACAGAGAGA	115740
Sbjct	22716	CCCACACAGAGAGACCCCTTACTCAAGTCTTGGGAAATCGCGGACCCAGACACAGAGAGA	22657
Query	115741	CCATTTTGGATGTAATAAGCAAAGGTGAGATTTATTACAGAGACCTATTACGGAGATCCC	115800

Sbjct	22656	 CCATTTTGGATGTAATAAGCAAAGGTGAGATTATTACAGAGACCTATTACGGAGATCCC	22597
Query	115801	TGGGCGACACATATCCCACGCAGGAGTCAGAGGTGTCGACCCCGAGAGGCTGGGAGAAAG	115860
Sbjct	22596	TGGGCGACACATATCCCACGCAGGAGTCAGAGGTGTCGACCCCGAGAGGCTGGGAGAAAG	22537
Query	115861	AATATTTAAAGGCAGAGGCTGTGAGCCCAGGGGATGGGGGATTTCAAAGGGGAAGGCACC	115920
Sbjct	22536	AATATTTAAAGGCAGAGGCTGTGAGCCCAGGGGATGGGGGATTTCAAAGGGGAAGGCACC	22477
Query	115921	ACAAGTTACAGGATTGTTTTATGGCTCCAGGAGATAAGGGGTTTATtaaaaataaaaataaa	115980
Sbjct	22476	ACAAGTTACAGGATTGTTTTATGGCTCCAGGAGATAAGGGGTTTATTAAAAATAAAATAAA	22417
Query	115981	taaaaataaaataaaaaataaaaaataaaaaataaaaaataaaaaataaaaaaccaaa	116040
Sbjct	22416	TAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAACCAAA	22357
Query	116041	aGGTTTTATTGCCCCCTGATTCTCTGGAACAGAGCTACTAAATCAGGAGAACGGTCGGGTC	116100
Sbjct	22356	AGGTTTTATTGCCCCCTGATTCTCTGGAACAGAGCTACTAAATCAGGAGAACGGTCGGGTC	22297
Query	116101	TTCAGGTCTCTCATTATTTTTTAAAAGTTTGTCAAAATTGATGGAGCATTGTATTGTAAAC	116160
Sbjct	22296	TTCAGGTCTCTCATTATTTTTTAAAAGTTTGTCAAAATTGATGGAGCATTGTATTGTAAAC	22237
Query	116161	ACCTCTGGTTAGGCTTGGGCTGCCCGGTTTCTGGAGTGCTCTCTGCAGGACACAATGGC	116220
Sbjct	22236	ACCTCTGGTTAGGCTTGGGCTGCCCGGTTTCTGGAGTGCTCTCTGCAGGACACAATGGC	22177
Query	116221	TGGAAAACACAAGTAGGGGCTTCTCAGGGTCTGGAGGACATCTGGTTAAAGTATGATTCT	116280
Sbjct	22176	TGGAAAACACAAGTAGGGGCTTCTCAGGGTCTGGAGGACATCTGGTTAAAGTATGATTCT	22117
Query	116281	GAGTAAGCTGGGGGATGTCTGTGGATGGTTATGGGTCAGTCCTTGATAGCCTGAGCTGG	116340
Sbjct	22116	GAGTAAGCTGGGGGATGTCTGTGGATGGTTATGGGTCAGTCCTTGATAGCCTGAGCTGG	22057
Query	116341	TTTTTGATTCCttttttttttATCTTCATGGCCTGCTATTCTGGCGGCAGGGCTTAGCT	116400
Sbjct	22056	TTTTTGATTCCTTTTTTTTTATCTTCATGGCCTGCTATTCTGGCGGCAGGGCTTAGCT	21997
Query	116401	CTGAGTTTGTGGCTTTTGGGGCTTACTCTTTTAATTTTATATTTCTAAACGTAGAATTCTG	116460
Sbjct	21996	CTGAGTTTGTGGCTTTTGGGGCTTACTCTTTTAATTTTATATTTCTAAACGTAGAATTCTG	21937
Query	116461	TATAATTCTCCTTTTCAGAAGTTTCGAGCGTGCCAGAGGCTGAAGGGCCAGCCTCGGCTGAG	116520
Sbjct	21936	TATAATTCTCCTTTTCAGAAGTTTCGAGCGTGCCAGAGGCTGAAGGGCCAGCCTCGGCTGAG	21877
Query	116521	GCTGCAAAAATAACCTAGCTCTTACTATTAATAAAAAAGCTTTGGATGTTaaaaaaag	116580
Sbjct	21876	GCTGCAAAAATAACCTAGCTCTTACTATTAATAAAAAAGCTTTGGATGTTAAAAAAAG	21817
Query	116581	aaaaaaaGATCATATTTTATAAGGTTATTTATGTAATGAATTATATAAGGTTAAAAAGTT	116640
Sbjct	21816	AAAAAAGATCATATTTTATAAGGTTATTTATGTAATGAATTATATAAGGTTAAAAAGTT	21757
Query	116641	TACCTTACTTGATATAGGAGCATTCTACCAGACCTCTCTTTAAATTCCAAGCAAGGTTCT	116700
Sbjct	21756	TACCTTACTTGATATAGGAGCATTCTACCAGACCTCTCTTTAAATTCCAAGCAAGGTTCT	21697
Query	116701	TAACTCACTTCCAGAAATGGGACATTGCTGATTGATTGGACTATATTGGATTAATCTTGT	116760
Sbjct	21696	TAACTCACTTCCAGAAATGGGACATTGCTGATTGATTGGACTATATTGGATTAATCTTGT	21637
Query	116761	CTGGCCATGTATGGGGATGGTGTTAAGGACATTTCGCCTTGGACTGCAACTTGTACAAGTA	116820
Sbjct	21636	CTGGCCATGTATGGGGATGGTGTTAAGGACATTTCGCCTTGGACTGCAACTTGTACAAGTA	21577
Query	116821	GATCAGAGGttttttttttttttttttATCATTTATCAAACAATGTCTTTTATTGCAACAGA	116880
Sbjct	21576	GATCAGAGGTTTTTTTTTTTTTTTATCATTTATCAAACAATGTCTTTTATTGCAACAGA	21517
Query	116881	TTATCATCAGCCAAAACAAGAAAGAGCTAGGCAAACCTTGTTGACAAAAGAAAAAGAAAT	116940
Sbjct	21516	TTATCATCAGCCAAAACAAGAAAGAGCTAGGCAAACCTTGTTGACAAAAGAAAAAGAAAT	21457
Query	116941	GCAAAATAGCAGGAATGAGACCTTTCACAGATATTTAAACTGAGAGTGAGAGGAAAGTCAAAG	117000
Sbjct	21456	GCAAAATAGCAGGAATGAGACCTTTCACAGATATTTAAACTGAGAGTGAGAGGAAAGTCAAAG	21397
Query	117001	AAAAAATGGGTGTTAGTAAACAACAGGTGAGCCACCTTCCAGTTGTGGCTCATTTCTGG	117060
Sbjct	21396	AAAAAATGGGTGTTAGTAAACAACAGGTGAGCCACCTTCCAGTTGTGGCTCATTTCTGG	21337
Query	117061	AATTCAGAATTTATATTCATTATTAATAACCTATTAAATATGTTAATACTACCTCACACC	117120
Sbjct	21336	AATTCAGAATTTATATTCATTATTAATAACCTATTAAATATGTTAATACTACCTCACACC	21277

[illegible]

Sbjct	19956	AGCTGAAACAAACAGACTCTAAGCATTTTACACATATACACATTTAGTAAATGGAG	19897
Query	118501	TAGGCTTCAACAAATTA <del>tttttttt</del> CTCCCACTGAAAGGTAAAAGTTTTAAAGTTGCCCC	118560
Sbjct	19896	TAGGCTTCAACAAATTA <del>TTTTTTTT</del> CTCCCACTGAAAGGTAAAAGTTTTAAAGTTGCCCC	19837
Query	118561	CCTAGACACAAAGTTT <del>TT</del> AGAGCAGAAGAAAAATAAGAACAATAAGAATTGTATGTTCCGAG	118620
Sbjct	19836	CCTAGACACAAAGTTT <del>TT</del> AGAGCAGAAGAAAAATAAGAACAATAAGAATTGTATGTTCCGAG	19777
Query	118621	AAGCCTCTCCTAGGGCTATA <del>AAAA</del> TGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCC	118680
Sbjct	19776	AAGCCTCTCCTAGGGCTATA <del>AAAA</del> TGGGTAATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCC	19717
Query	118681	AGAAACTAGCTGACCATAAATCTT <del>TT</del> AGAGAAAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCC	118740
Sbjct	19716	AGAAACTAGCTGACCATAAATCTT <del>TT</del> AGAGAAAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCC	19657
Query	118741	TAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGACGGCTCCTCCTACG	118800
Sbjct	19656	TAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACAATCTGAGAAGCAGGAGACGGCTCCTCCTACG	19597
Query	118801	AGACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTT <del>TT</del> CCTTG <del>TT</del> GATTTTTCTACTGTTATTCTACACACT	118860
Sbjct	19596	AGACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTT <del>TT</del> CCTTG <del>TT</del> GATTTTTCTACTGTTATTCTACACACT	19537
Query	118861	TTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCT	118920
Sbjct	19536	TTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGGGTTGTGGTTTCTCCCTTTAAATAGCTCTTCT	19477
Query	118921	CCCAGCCTCTAGGGGTGGAACCCCACTGCCCCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACT	118980
Sbjct	19476	CCCAGCCTCTAGGGGTGGAACCCCACTGCCCCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACT	19417
Query	118981	GCACTGGTTGCTATCGATAAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTC	119040
Sbjct	19416	GCACTGGTTGCTATCGATAAAACCTCATGTGATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTC	19357
Query	119041	TTGGGGAGTCGTGTCATCCTGAGACTTGAATGAGGGTGTGTCATCACTCCAGGGGTCTTTTA	119100
Sbjct	19356	TTGGGGAGTCGTGTCATCCTGAGACTTGAATGAGGGTGTGTCATCACTCCAGGGGTCTTTTA	19297
Query	119101	CCACAAC <del>TT</del> TATATATCCCAGCAAAATCTTTCAATCAATATAGAATGACAATGTGATTACA	119160
Sbjct	19296	CCACAAC <del>TT</del> TATATATCCCAGCAAAATCTTTCAATCAATATAGAATGACAATGTGATTACA	19237
Query	119161	TTCTAG <del>tttttttt</del> CTAGTGAATGACTAATGAAAAAACAGTATGTTCCCCAATAACTTT	119220
Sbjct	19236	TTCTAGTTTTTTTTTCTAGTGAATGACTAATGAAAAAACAGTATGTTCCCCAATAACTTT	19177
Query	119221	ACATGAAAAGACACTACATAGTAAAGATAAAGAAAACAAATCTTTGAAGTTAACACCCGA	119280
Sbjct	19176	ACATGAAAAGACACTACATAGTAAAGATAAAGAAAACAAATCTTTGAAGTTAACACCCGA	19117
Query	119281	CTTGAGGGTATCAAAACTAGTATACCTGTGCAATAAGGTCTGGTTTCAGTATGGAACACT	119340
Sbjct	19116	CTTGAGGGTATCAAAACTAGTATACCTGTGCAATAAGGTCTGGTTTCAGTATGGAACACT	19057
Query	119341	AGATCTGTAGGACCGAACAGCCTTACATCTAGGAGGTCACAAAAACATGGAGATGGAGAA	119400
Sbjct	19056	AGATCTGTAGGACCGAACAGCCTTACATCTAGGAGGTCACAAAAACATGGAGATGGAGAA	18997
Query	119401	CGATGCAATAAGCAATAGGTTTAATGATCCAATGCACTGAGGTGGCCCTGTAATCGGGAC	119460
Sbjct	18996	CGATGCAATAAGCAATAGGTTTAATGATCCAATGCACTGAGGTGGCCCTGTAATCGGGAC	18937
Query	119461	AGAGGTGACCTCAAAGAACAAAAGCACACACCCTTTATACTATTTTCAGGATTATAGACTT	119520
Sbjct	18936	AGAGGTGACCTCAAAGAACAAAAGCACACACCCTTTATACTATTTTCAGGATTATAGACTT	18877
Query	119521	TAAGTTACTTCTCATTTGGTTGGGCCTATTACCTTTTGAATTCATTGTACCTATTGTCCT	119580
Sbjct	18876	TAAGTTACTTCTCATTTGGTTGGGCCTATTACCTTTTGAATTCATTGTACCTATTGTCCT	18817
Query	119581	TTGAGTTTATTGGAGGCCCTTGGTGGGAAAATATCTTCAGCACTCAGAGGGGGTAGTGAA	119640
Sbjct	18816	TTGAGTTTATTGGAGGCCCTTGGTGGGAAAATATCTTCAGCACTCAGAGGGGGTAGTGAA	18757
Query	119641	GGATCCTGCCCTACAGTGGTTAGCTCATTCATGCGGATGGGGTGGTAAGGGTGGTTAAC	119700
Sbjct	18756	GGATCCTGCCCTACAGTGGTTAGCTCATTCATGCGGATGGGGTGGTAAGGGTGGTTAAC	18697
Query	119701	TCATTTTCTGGAACAGGGTCTTATCCTATATTCTACCTGGTGTTCCTAAGGCAGCCTT	119760
Sbjct	18696	TCATTTTCTGGAACAGGGTCTTATCCTATATTCTACCTGGTGTTCCTAAGGCAGCCTT	18637
Query	119761	TGTCCTTAAGTTTGAATCTTACACATCTAATTGTCGGCGCCAGCACTGACACAGTACCGA	119820
Sbjct	18636	TGTCCTTAAGTTTGAATCTTACACATCTAATTGTCGGCGCCAGCACTGACACAGTACCGA	18577

Query	119821	GAATCAGGCAAAAAGCCTGTGGGATTAAAGAAacacacacacacacaGAGGTTATTCGTGT	119880
Sbjct	18576	GAATCAGGCAAAAAGCCTGTGGGATTAAAGAAAACACACACACACAGAGGTTATTCGTGT	18517
Query	119881	CAAGCCAGAAGAGAAAAAGGCTCTCCTATAACTTTATTGACCAACTATATACCCCAAGTAC	119940
Sbjct	18516	CAAGCCAGAAGAGAAAAAGGCTCTCCTATAACTTTATTGACCAACTATATACCCCAAGTAC	18457
Query	119941	ACCAGGGAGAAAAATATTTGGGAAGCACAGTGGGAAACCCTGGCTGGAGACTTCGGCCTGA	120000
Sbjct	18456	ACCAGGGAGAAAAATATTTGGGAAGCACAGTGGGAAACCCTGGCTGGAGACTTCGGCCTGA	18397
Query	120001	ATAAAGTAGGGAATATTACAGGAAGACCAGCCTAAATCTTAAAGACAAAGACCGAGAAAA	120060
Sbjct	18396	ATAAAGTAGGGAATATTACAGGAAGACCAGCCTAAATCTTAAAGACAAAGACCGAGAAAA	18337
Query	120061	CAAAAGGCAGGAAAGATTACCCAGGTGTGAGGTACCAGGCAAGACTGCTCCTTTGTTAG	120120
Sbjct	18336	CAAAAGGCAGGAAAGATTACCCAGGTGTGAGGTACCAGGCAAGACTGCTCCTTTGTTAG	18277
Query	120121	GAACAGAAGGCTTCAGCAGGGATCAGCAGGAGTCAAACCCTGCAAGAGACTCAGAAGGAT	120180
Sbjct	18276	GAACAGAAGGCTTCAGCAGGGATCAGCAGGAGTCAAACCCTGCAAGAGACTCAGAAGGAT	18217
Query	120181	TTTGTGTTGGGCTGAAAGCATTCTGTGATTGTAATCTTTTTGTGCCGTAAATAATCTTAAC	120240
Sbjct	18216	TTTGTGTTGGGCTGAAAGCATTCTGTGATTGTAATCTTTTTGTGCCGTAAATAATCTTAAC	18157
Query	120241	TGTGGCCATACAGTCACAAAGCGGCTAGGTCCAAATCCAATATGACTCCCTGCATCTCCC	120300
Sbjct	18156	TGTGGCCATACAGTCACAAAGCGGCTAGGTCCAAATCCAATATGACTCCCTGCATCTCCC	18097
Query	120301	CCATTTTTCTTTTATAAAAAGACCATTAGGTGGAAGTAGTGGTCTGAGAGAGATCAAACAT	120360
Sbjct	18096	CCATTTTTCTTTTATAAAAAGACCATTAGGTGGAAGTAGTGGTCTGAGAGAGATCAAACAT	18037
Query	120361	GCCTCACAGAGTGCCCAGCTCGGCCATGGCGAGCCACTCTTGCACTTAGGACTGCACCCC	120420
Sbjct	18036	GCCTCACAGAGTGCCCAGCTCGGCCATGGCGAGCCACTCTTGCACTTAGGACTGCACCCC	17977
Query	120421	AATGGCTAGGAATGAACTTATGCTATAACACACCATTCTGGGCTATACGTGTATGTTATT	120480
Sbjct	17976	AATGGCTAGGAATGAACTTATGCTATAACACACCATTCTGGGCTATACGTGTATGTTATT	17917
Query	120481	TGGGGGAGAAACTGGGCAGAGGAGCATTGACTGGCCCGTATGTTTAAACGGGGTGTAGC	120540
Sbjct	17916	TGGGGGAGAAACTGGGCAGAGGAGCATTGACTGGCCCGTATGTTTAAACGGGGTGTAGC	17857
Query	120541	CACCTCTGTCTTAGGATCGACCTCTCGAACCCAGCCTTATCCGTCATAGGATCACCTTG	120600
Sbjct	17856	CACCTCTGTCTTAGGATCGACCTCTCGAACCCAGCCTTATCCGTCATAGGATCACCTTG	17797
Query	120601	TCGCCCCCAAGGTTCCATTGTCTTAGATTGGTCAAGGGTCAGAGGAAGTTCCCCTTTGCT	120660
Sbjct	17796	TCGCCCCCAAGGTTCCATTGTCTTAGATTGGTCAAGGGTCAGAGGAAGTTCCCCTTTGCT	17737
Query	120661	GAGGATAGCTACAATGGGTCATCTTCTCATTCTTACTTGAGCCCAGGGGTGAAAGAG	120720
Sbjct	17736	GAGGATAGCTACAATGGGTCATCTTCTCATTCTTACTTGAGCCCAGGGGTGAAAGAG	17677
Query	120721	CAGGGGCCAGATGGCATTAAATTTAGGAGATTGTGGAAGTTGAGCCTCTCCCGGTATGTAG	120780
Sbjct	17676	CAGGGGCCAGATGGCATTAAATTTAGGAGATTGTGGAAGTTGAGCCTCTCCCGGTATGTAG	17617
Query	120781	TGGGCACCTCATCTTGTTCTGTCTCTCTGGTTCCTTCAGCTGCTACGGTCATCTAAT	120840
Sbjct	17616	TGGGCACCTCATCTTGTTCTGTCTCTCTGGTTCCTTCAGCTGCTACGGTCATCTAAT	17557
Query	120841	TATTTTATAGGATCTTCATACATACTGTCAGCAGTCTGGTAAATGAAAAGAGGTTAAGCC	120900
Sbjct	17556	TATTTTATAGGATCTTCATACATACTGTCAGCAGTCTGGTAAATGAAAAGAGGTTAAGCC	17497
Query	120901	CAAGCATTTACCTATCTTTGCTCCTTTCTGACTGTTCTTCTGTTCCCCCTATACAACTTC	120960
Sbjct	17496	CAAGCATTTACCTATCTTTGCTCCTTTCTGACTGTTCTTCTGTTCCCCCTATACAACTTC	17437
Query	120961	TCTTAGCCATGAAACCTTCACCACATGAAGCTATGACCTTTGATCCAGCTAACAACTGC	121020
Sbjct	17436	TCTTAGCCATGAAACCTTCACCACATGAAGCTATGACCTTTGATCCAGCTAACAACTGC	17377
Query	121021	CTTCTTGCTGCTACAGACCTGTTTCCATGCCTCCAAAAACCAACCACTGTCTCAGTTTC	121080
Sbjct	17376	CTTCTTGCTGCTACAGACCTGTTTCCATGCCTCCAAAAACCAACCACTGTCTCAGTTTC	17317
Query	121081	TCCTTCTCACAGTCAACCCAAAAGCCTCCTTGTTCTACCTCTCCAGACCCCTCCCCTCC	121140
Sbjct	17316	TCCTTCTCACAGTCAACCCAAAAGCCTCCTTGTTCTACCTCTCCAGACCCCTCCCCTCC	17257
Query	121141	TCCTGTGACAGCTTCAGGTCTGCATTGGCACCTACATTACCCCTCCCCATCACCTGCTC	121200

Sbjct	17256	TCCTGTGACAGCTTCAGGTCTGCATTGGCACCTACATTACCCCTCCCCATCACCTGCTC	17197
Query	121201	CAAGGCCACAGCCAAATCCCCAAGTCCTTCCACCCCCAGGACACCTGACCCAGCACTAGT	121260
Sbjct	17196	CAAGGCCACAGCCAAATCCCCAAGTCCTTCCACCCCCAGGACACCTGACCCAGCACTAGT	17137
Query	121261	CTTTCCTTTTAAGGGAAGTTGCAGGGGTAGATGACCTTGTCAGAGTACATGGTCCTTTCTC	121320
Sbjct	17136	CTTTCCTTTTAAGGGAAGTTGCAGGGGTAGATGACCTTGTCAGAGTACATGGTCCTTTCTC	17077
Query	121321	TCCGAGTAAACTTTCCAGGTAGAAAGGAGATTGGGTTCCTTATACCTCTAACTCCTCTGC	121380
Sbjct	17076	TCCGAGTAAACTTTCCAGGTAGAAAGGAGATTGGGTTCCTTATACCTCTAACTCCTCTGC	17017
Query	121381	CTTTATTAAAGAGGTTTCAGTACATTATTCAGTCTTAAAGCCTAACTTTCCACACTGTACA	121440
Sbjct	17016	CTTTATTAAAGAGGTTTCAGTACATTATTCAGTCTTAAAGCCTAACTTTCCACACTGTACA	16957
Query	121441	TGTGATCCTAATAATTTACTTCCTGACAAAGGCAGGCAAGTTTGGGAGCAGGCAAGAACA	121500
Sbjct	16956	TGTGATCCTAATAATTTACTTCCTGACAAAGGCAGGCAAGTTTGGGAGCAGGCAAGAACA	16897
Query	121501	CATGCAGATGATACTCATCAAACAGATGCAACATATCCAATCAGACTGAAACAGTACTTG	121560
Sbjct	16896	CATGCAGATGATACTCATCAAACAGATGCAACATATCCAATCAGACTGAAACAGTACTTG	16837
Query	121561	ACCAAGATTCTCCATGGATTTATAATTCACAGGTATTTTAAACAGAGAAAGATTCTATAA	121620
Sbjct	16836	ACCAAGATTCTCCATGGATTTATAATTCACAGGTATTTTAAACAGAGAAAGATTCTATAA	16777
Query	121621	GCTGCCTCCTGGCTGGTCTTAGTAAGGCAGCCTTAAAACAGTAAATTTTGAAAACTCT	121680
Sbjct	16776	GCTGCCTCCTGGCTGGTCTTAGTAAGGCAGCCTTAAAACAGTAAATTTTGAAAACTCT	16717
Query	121681	GAGTTAATCCAGGACAAACAGGAAAAACCATCTCAACTTTTAGAATGCCTTACAAAGACT	121740
Sbjct	16716	GAGTTAATCCAGGACAAACAGGAAAAACCATCTCAACTTTTAGAATGCCTTACAAAGACT	16657
Query	121741	CTAGTACAATACACTAATCTGGACCTGAAAACACAGAAGGTAAACCACCTTCTGATGACC	121800
Sbjct	16656	CTAGTACAATACACTAATCTGGACCTGAAAACACAGAAGGTAAACCACCTTCTGATGACC	16597
Query	121801	TACTTCTTTTCTCAGACCTACTCCAGCATAAAAGACAAACCTAGTAAGCTGGAGGTGGGG	121860
Sbjct	16596	TACTTCTTTTCTCAGACCTACTCCAGCATAAAAGACAAACCTAGTAAGCTGGAGGTGGGG	16537
Query	121861	GACCCTAACTCCACAGGCAGAAGTTTGGCACTGGCCTTCAAAGTATACCATAAGGAAGA	121920
Sbjct	16536	GACCCTAACTCCACAGGCAGAAGTTTGGCACTGGCCTTCAAAGTATACCATAAGGAAGA	16477
Query	121921	TGAGAAAACCTGCAGACAAAAATACCATATGCTGGCAAAGACTGTCCGACCAGCCCCAGC	121980
Sbjct	16476	TGAGAAAACCTGCAGACAAAAATACCATATGCTGGCAAAGACTGTCCGACCAGCCCCAGC	16417
Query	121981	TACTACCCCAGACTCCTGGTCTTCTAAGGCTAAGAGACCACCAGGCTCCTGCTACAAGTG	122040
Sbjct	16416	TACTACCCCAGACTCCTGGTCTTCTAAGGCTAAGAGACCACCAGGCTCCTGCTACAAGTG	16357
Query	122041	TGGTCAGAGAGGTCATGAGGCAAATAAGGGCTTGCCCTAATTTCTTCAGGTCAAAGAGGC	122100
Sbjct	16356	TGGTCAGAGAGGTCATGAGGCAAATAAGGGCTTGCCCTAATTTCTTCAGGTCAAAGAGGC	16297
Query	122101	TATGTCCTAGGTGCCATCAAGAGGGACACTGTGCTCCCAATTGCCTTCATGTTGCAAAGA	122160
Sbjct	16296	TATGTCCTAGGTGCCATCAAGAGGGACACTGTGCTCCCAATTGCCTTCATGTTGCAAAGA	16237
Query	122161	ACAGGGGACATCATGTCTAGATAAACCCTCCAGTGGATCTTCGAGGCTTGGCTATGAATGA	122220
Sbjct	16236	ACAGGGGACATCATGTCTAGATAAACCCTCCAGTGGATCTTCGAGGCTTGGCTATGAATGA	16177
Query	122221	CTGAAGGGGCCCTAACTCTCTTGACCAGACCCTAGCAGGTGCCACGTAGCTACTGTCAA	122280
Sbjct	16176	CTGAAGGGGCCCTAACTCTCTTGACCAGACCCTAGCAGGTGCCACGTAGCTACTGTCAA	16117
Query	122281	TGAGGATGCTGAGGGTACCTGGGAGAGAATGGGGGACAAGAGATGCAAAGAAGGACGCCA	122340
Sbjct	16116	TGAGGATGCTGAGGGTACCTGGGAGAGAATGGGGGACAAGAGATGCAAAGAAGGACGCCA	16057
Query	122341	AGACAAGAGTCTGATCAAGGCGACAATTTTATTTTTCCTAAGGCTGAATTTATACCATA	122400
Sbjct	16056	AGACAAGAGTCTGATCAAGGCGACAATTTTATTTTTCCTAAGGCTGAATTTATACCATA	15997
Query	122401	ACATGGGTAACAGAGGGAGGGGGGAAGTGTGAAACATTTGCACAGGCCAAGGACACAGTA	122460
Sbjct	15996	ACATGGGTAACAGAGGGAGGGGGGAAGTGTGAAACATTTGCACAGGCCAAGGACACAGTA	15937
Query	122461	TTCGTGTGGTCAGCTGATGTCAACTGGATGTCAGAAAGGGCACAGGTTTGTATATCTAT	122520
Sbjct	15936	TTCGTGTGGTCAGCTGATGTCAACTGGATGTCAGAAAGGGCACAGGTTTGTATATCTAT	15877

Query	122521	TAGTCAGAAGGATGTTGATTTTTTCAGAAAGGTTACAAGTCATTGCATTGGGTATCTTGAC	122580
Sbjct	15876	TAGTCAGAAGGATGTTGATTTTTTCAGAAAGGTTACAAGTCATTGCATTGGGTATCTTGAC	15817
Query	122581	ATCAGATGTATTTCTCAGCAAGGTCACAACCTTTATCATATCATTATTCATCCTGACCACC	122640
Sbjct	15816	ATCAGATGTATTTCTCAGCAAGGTCACAACCTTTATCATATCATTATTCATCCTGACCACC	15757
Query	122641	AGATTTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGCTGGGGATTTTCCATGATCTCAGTCACACTTAA	122700
Sbjct	15756	AGATTTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGCTGGGGATTTTCCATGATCTCAGTCACACTTAA	15697
Query	122701	TGCTAACCATAATATTAACCTTCAATAATGGAGGGCTTCAAGGGCATCACTCCTAACAAGC	122760
Sbjct	15696	TGCTAACCATAATATTAACCTTCAATAATGGAGGGCTTCAAGGGCATCACTCCTAACAAGC	15637
Query	122761	CACCATGGTATGTGAGTGGCCCTTCTCCTACCTCTTGGACACTTGTGTGTGACGATTTCA	122820
Sbjct	15636	CACCATGGTATGTGAGTGGCCCTTCTCCTACCTCTTGGACACTTGTGTGTGACGATTTCA	15577
Query	122821	TTATGTAGGTGAAGACAGGTACAGGATAGAACGAGGCCTGTCATTGGATGAGAAGGAAGG	122880
Sbjct	15576	TTATGTAGGTGAAGACAGGTACAGGATAGAACGAGGCCTGTCATTGGATGAGAAGGAAGG	15517
Query	122881	ATGGGCGGAAGAAAAGTTTGAGGGAAGGGTAGGAGACTAGAATGGAAGAGAGAAGGAGAC	122940
Sbjct	15516	ATGGGCGGAAGAAAAGTTTGAGGGAAGGGTAGGAGACTAGAATGGAAGAGAGAAGGAGAC	15457
Query	122941	TCAGAGAAATGAAGAGTGTATGGGCCACCACAGAGTTGAGATGTGTGTTTCTGGCATGGA	123000
Sbjct	15456	TCAGAGAAATGAAGAGTGTATGGGCCACCACAGAGTTGAGATGTGTGTTTCTGGCATGGA	15397
Query	123001	AACCTGCCTTGGGAACCTAGATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCAGAGAGAGGCCTTCA	123060
Sbjct	15396	AACCTGCCTTGGGAACCTAGATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCAGAGAGAGGCCTTCA	15337
Query	123061	GTAGTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGCCTTTGCTGACTGAGACTAAGATA	123120
Sbjct	15336	GTAGTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGCCTTTGCTGACTGAGACTAAGATA	15277
Query	123121	TCTAGCAGATACCTTGGGACACTGCGGTGCCGGACCTACAGCAAGTAAAAAGACTGTTTT	123180
Sbjct	15276	TCTAGCAGATACCTTGGGACACTGCGGTGCCGGACCTACAGCAAGTAAAAAGACTGTTTT	15217
Query	123181	AAATAAAAGAAATAATATAATTTTATAACAAAACATTCGAGCCACTTACTCAATCCTGAC	123240
Sbjct	15216	AAATAAAAGAAATAATATAATTTTATAACAAAACATTCGAGCCACTTACTCAATCCTGAC	15157
Query	123241	AGAGTTATGGGAACCCCATCTCCCTCTTGTTTTGCTATTATTGGAGTAGGAGGACAAC	123300
Sbjct	15156	AGAGTTATGGGAACCCCATCTCCCTCTTGTTTTGCTATTATTGGAGTAGGAGGACAAC	15097
Query	123301	TTTACCTTCCTTACTGGACTCACCTACAGCCTACTCCTGAGGACTTAAATTCTTAAAAT	123360
Sbjct	15096	TTTACCTTCCTTACTGGACTCACCTACAGCCTACTCCTGAGGACTTAAATTCTTAAAAT	15037
Query	123361	GTGTCACTGCTTCTTGCAAAATCTGTCAGATGTCAGGCTCCAACCAAGGTATTGTTGTG	123420
Sbjct	15036	GTGTCACTGCTTCTTGCAAAATCTGTCAGATGTCAGGCTCCAACCAAGGTATTGTTGTG	14977
Query	123421	CCCCCTTCACAACCCACCAGGCCAGAGGCTTCCTTCCTGGAAGTCACTGGCAATTTGACT	123480
Sbjct	14976	CCCCCTTCACAACCCACCAGGCCAGAGGCTTCCTTCCTGGAAGTCACTGGCAATTTGACT	14917
Query	123481	TCTCCACATGCACACCATCAAATGTGCCAAGTACCTCCTGGTATTGGTGGACACCTTCT	123540
Sbjct	14916	TCTCCACATGCACACCATCAAATGTGCCAAGTACCTCCTGGTATTGGTGGACACCTTCT	14857
Query	123541	CAGGTGGGTAGAGGCATTTCCCACTAACAAGGGCTCAGACAGTCTTTGATCACCT	123600
Sbjct	14856	CAGGTGGGTAGAGGCATTTCCCACTAACAAGGGCTCAGACAGTCTTTGATCACCT	14797
Query	123601	CATCCCCCTGATTTGGTGTCCCACCTCCTTCCAGTCAGACAATGGTCCTGAGTTTGCCTC	123660
Sbjct	14796	CATCCCCCTGATTTGGTGTCCCACCTCCTTCCAGTCAGACAATGGTCCTGAGTTTGCCTC	14737
Query	123661	CCAAATCTCTCAAATTCTGGCTAAGGCCTAGACATCTTCTGGCATTTCCACATTCCATAC	123720
Sbjct	14736	CCAAATCTCTCAAATTCTGGCTAAGGCCTAGACATCTTCTGGCATTTCCACATTCCATAC	14677
Query	123721	CACCTCAATCGTCAGGAAACATAGAAAGAACTAACTGTTCTTTAAAACTACTCTTGTC	123780
Sbjct	14676	CACCTCAATCGTCAGGAAACATAGAAAGAACTAACTGTTCTTTAAAACTACTCTTGTC	14617
Query	123781	AAGCTGTCACAGGAAGTCCATCTAGATTAGGTAAACTCTTCTGGCTCTCTTCAGTCTAC	123840
Sbjct	14616	AAGCTGTCACAGGAAGTCCATCTAGATTAGGTAAACTCTTCTGGCTCTCTTCAGTCTAC	14557
Query	123841	AAGCTCTCCCTATGCAACCTCTCCAAGACTGACCATTGAACTCATGTATGGATGTCAGG	123900

Sbjct	14556	TCTCCCTATGCAACCTCTCCAAGACTGACCATTGAACTCATGTATGGATGTCAGG	14497
Query	123901	TCCTAACCCTCGGCCTTAACCTAAATGCTCTCCCCTTCTAGACCATCTACTCACCTCACT	123960
Sbjct	14496	TCCTAACCCTCGGCCTTAACCTAAATGCTCTCCCCTTCTAGACCATCTACTCACCTCACT	14437
Query	123961	GCTTTGCTACCTTCATAGAACTTTGCTGACCACATCTACCTTGGCCACACACTGTTTCC	124020
Sbjct	14436	GCTTTGCTACCTTCATAGAACTTTGCTGACCACATCTACCTTGGCCACACACTGTTTCC	14377
Query	124021	TGTCATCTGCCCATCAACATTAGAGAATAGGTTCTTCTATCCTCTCCAGACCATTGTCCC	124080
Sbjct	14376	TGTCATCTGCCCATCAACATTAGAGAATAGGTTCTTCTATCCTCTCCAGACCATTGTCCC	14317
Query	124081	TCATTTTTCTATCCTAAATGGCAGGGCCCTTTTAAAGGTGATTGTTATGACACCTACAGCT	124140
Sbjct	14316	TCATTTTTCTATCCTAAATGGCAGGGCCCTTTTAAAGGTGATTGTTATGACACCTACAGCT	14257
Query	124141	GCCAAATTGGAGGGACTCCCTCACTGAGTCAAACCTTTTATCCCTTGCTGGGGGGCCAAC	124200
Sbjct	14256	GCCAAATTGGAGGGACTCCCTCACTGAGTCAAACCTTTTATCCCTTGCTGGGGGGCCAAC	14197
Query	124201	CATGACATTAGTCTTCTTTCTCCTTAGTTCTTGAGACAGTGGAGTGGGAAGATCATCAGG	124260
Sbjct	14196	CATGACATTAGTCTTCTTTCTCCTTAGTTCTTGAGACAGTGGAGTGGGAAGATCATCAGG	14137
Query	124261	AGAAGGTAAGACTTTGTCTTATGAGATGTTTAGGGTTGCTGTATAATAAGTTGACTTATC	124320
Sbjct	14136	AGAAGGTAAGACTTTGTCTTATGAGATGTTTAGGGTTGCTGTATAATAAGTTGACTTATC	14077
Query	124321	TAAGTCTAAGTTACTATGCTACTGTAGCTGATTTTCTTATCTATGCTAGTCACTATGCTC	124380
Sbjct	14076	TAAGTCTAAGTTACTATGCTACTGTAGCTGATTTTCTTATCTATGCTAGTCACTATGCTC	14017
Query	124381	TGTTACTGTAAC TGACTGGCCTCTGTTCCCTCTGAGGCCAGAACTGTATAGTCTCTGGCA	124440
Sbjct	14016	TGTTACTGTAAC TGACTGGCCTCTGTTCCCTCTGAGGCCAGAACTGTATAGTCTCTGGCA	13957
Query	124441	TTTAGCACCTCATTCTGAAACAGCAAGAAATAAACTAGAGGATTAATTGCCAAAGCCTTT	124500
Sbjct	13956	TTTAGCACCTCATTCTGAAACAGCAAGAAATAAACTAGAGGATTAATTGCCAAAGCCTTT	13897
Query	124501	TCCCTTTTGTCCCTATGCCTCTTGCTTGTCAGGCTAAGGGGAAGTTTGGAGCAATAGACT	124560
Sbjct	13896	TCCCTTTTGTCCCTATGCCTCTTGCTTGTCAGGCTAAGGGGAAGTTTGGAGCAATAGACT	13837
Query	124561	TCTATTGAACCGAGAGAAGTGAATTGTGCTTGCGAGAAGGAAAAACTTCTACATAAGCAAA	124620
Sbjct	13836	TCTATTGAACCGAGAGAAGTGAATTGTGCTTGCGAGAAGGAAAAACTTCTACATAAGCAAA	13777
Query	124621	TCAACATAAACTTATATAAGTTTCATATACAGTTTCATGAATGCATATTTATTCAATTACAC	124680
Sbjct	13776	TCAACATAAACTTATATAAGTTTCATATACAGTTTCATGAATGCATATTTATTCAATTACAC	13717
Query	124681	TCAAAATAAATTGGGCCCAACTTACATGCATTCTcacaattactttcttacacaaacacat	124740
Sbjct	13716	TCAAAATAAATTGGGCCCAACTTACATGCATTCTCACAATTACTTTCTTACACAAACACAT	13657
Query	124741	gtatacattctcacaattacatacttacacacacatccatacttacatTTGCATATGAAG	124800
Sbjct	13656	GTATACATTCTCACAATTACATACTTACACACACATCCATACTTACATTGTCATATGAAG	13597
Query	124801	CAAAAGACCAAGTACAGGTGCAGAAAGAACTCACTCACTCGGGATGAAAGATGAGCTCCA	124860
Sbjct	13596	CAAAAGACCAAGTACAGGTGCAGAAAGAACTCACTCACTCGGGATGAAAGATGAGCTCCA	13537
Query	124861	ATCTTTATTGTCATAGAGAAGGAAATATGATAATATTAATATGATTCTATAAGAATTCCTA	124920
Sbjct	13536	ATCTTTATTGTCATAGAGAAGGAAATATGATAATATTAATATGATTCTATAAGAATTCCTA	13477
Query	124921	AAATCATAACATTGATTATTAAGCTCTTTTATAGAGGGACTGTTATTAAGCCTTTTTCTG	124980
Sbjct	13476	AAATCATAACATTGATTATTAAGCTCTTTTATAGAGGGACTGTTATTAAGCCTTTTTCTG	13417
Query	124981	ATAGTCAAAACTGCAGTGAGAACTCGGCCAGTCTTGCAAGTGTCAACAGTTAATTGCTCT	125040
Sbjct	13416	ATAGTCAAAACTGCAGTGAGAACTCGGCCAGTCTTGCAAGTGTCAACAGTTAATTGCTCT	13357
Query	125041	TAGATGGTAACCAAACTTTCTCCTACTCAGAGCACATTCCAAGAGGTTGTaaaaaaTTA	125100
Sbjct	13356	TAGATGGTAACCAAACTTTCTCCTACTCAGAGCACATTCCAAGAGGTTGTAAAAAATTA	13297
Query	125101	ACCAAAGGTCATAAAAAGGGAAC TAATGATTTATTACAGGTGCTAGGACAGAGGATAAAA	125160
Sbjct	13296	ACCAAAGGTCATAAAAAGGGAAC TAATGATTTATTACAGGTGCTAGGACAGAGGATAAAA	13237
Query	125161	TATTGACTGGGTTTATCTATATAAACTTCACTAATAAAATTAGTTATGGTTTTAAACCTCT	125220
Sbjct	13236	TATTGACTGGGTTTATCTATATAAACTTCACTAATAAAATTAGTTATGGTTTTAAACCTCT	13177



Query	125221	GGTGAACCTGTGGAGTTGTGGCAGGAGATGGATGTTTAGCCAGATAATTATGCCTAATGG	125280
Sbjct	13176	GGTGAACCTGTGGAGTTGTGGCAGGAGATGGATGTTTAGCCAGATAATTATGCCTAATGG	13117
Query	125281	ATATGGATGCAAACATACTCTGTTGTAATCTTCTATTTCAATTTATGATTTGACTTTTTTA	125340
Sbjct	13116	ATATGGATGCAAACATACTCTGTTGTAATCTTCTATTTCAATTTATGATTTGACTTTTTTA	13057
Query	125341	TGTGAACTTGTGATAAACTTTGTAACATGTGATCATGTATTTTGAATGATGTTTAAGTGC	125400
Sbjct	13056	TGTGAACTTGTGATAAACTTTGTAACATGTGATCATGTATTTTGAATGATGTTTAAGTGC	12997
Query	125401	TGAGAACAAAGAGTCAGGCCTGAGCTGAAGGGGATTGAGCTAAAGAGTCAGGACTGAATG	125460
Sbjct	12996	TGAGAACAAAGAGTCAGGCCTGAGCTGAAGGGGATTGAGCTAAAGAGTCAGGACTGAATG	12937
Query	125461	AAGGAAAAC TGAGCTGAATTGAGCTAAAGAGAACTGAGCTGAATTAAGCTAAGGAGAACT	125520
Sbjct	12936	AAGGAAAAC TGAGCTGAATTGAGCTAAAGAGAACTGAGCTGAATTAAGCTAAGGAGAACT	12877
Query	125521	GAGCTAAAAAGATCTGAGGACGTTTTCTGACCAATTATACGGTCAATTTTAGAGAAAGTA	125580
Sbjct	12876	GAGCTAAAAAGATCTGAGGACGTTTTCTGACCAATTATACGGTCAATTTTAGAGAAAGTA	12817
Query	125581	CCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATA	125640
Sbjct	12816	CCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATA	12757
Query	125641	TCTGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAATTC	125700
Sbjct	12756	TCTGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAATTC	12697
Query	125701	TGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTACTATTATTGTGTGA	125760
Sbjct	12696	TGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTACTATTATTGTGTGA	12637
Query	125761	GGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTTCTTTACATATGTAGGTGCCCTTGTA	125820
Sbjct	12636	GGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTTCTTTACATATGTAGGTGCCCTTGTA	12577
Query	125821	TTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAAT	125880
Sbjct	12576	TTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAAT	12517
Query	125881	ATGAAGTGTCTTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAATTGATTTTATTTGAT	125940
Sbjct	12516	ATGAAGTGTCTTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAATTGATTTTATTTGAT	12457
Query	125941	ATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAG	126000
Sbjct	12456	ATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAG	12397
Query	126001	CGTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTTGTCTGTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAG	126060
Sbjct	12396	CGTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTTGTCTGTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAG	12337
Query	126061	AATGCAGGGTCCCTATTGCATATCCAGTTTGTTTCATCTATGTCTTTTCATTGGGGAGTAG	126120
Sbjct	12336	AATGCAGGGTCCCTATTGCATATCCAGTTTGTTTCATCTATGTCTTTTCATTGGGGAGTAG	12277
Query	126121	AGGCCATCAATGTTGAGAGATATTAAGGAATAGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATA	126180
Sbjct	12276	AGGCCATCAATGTTGAGAGATATTAAGGAATAGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATA	12217
Query	126181	TTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGCTCCCAAGACGATT	126240
Sbjct	12216	TTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTTTGTGCTCCCAAGACGATT	12157
Query	126241	AGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGTTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTA	126300
Sbjct	12156	AGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGTTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTA	12097
Query	126301	TCCTTTGTAGAGCTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATA	126360
Sbjct	12096	TCCTTTGTAGAGCTGGATTTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATA	12037
Query	126361	TCTTGGTTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGT	126420
Sbjct	12036	TCTTGGTTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGT	11977
Query	126421	ATTTGTGTTCTCGTAGGGTCTATGACATTTTTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCT	126480
Sbjct	11976	ATTTGTGTTCTCGTAGGGTCTATGACATTTTTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCT	11917
Query	126481	GGTGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTTCC	126540
Sbjct	11916	GGTGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTTCC	11857
Query	126541	CTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCATTTGGTGTTTTGACTACTATGTGA	126600

Sbjct	11856	CTTACTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCATTTGGTGTTTTGACTACTATGTGA	11797
Query	126601	CGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGTATGCTT	126660
Sbjct	11796	CGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGTATGCTT	11737
Query	126661	ATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTAGGGAAGTTTTCTCTATGATTTTGTGAAGATATTT	126720
Sbjct	11736	ATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTAGGGAAGTTTTCTCTATGATTTTGTGAAGATATTT	11677
Query	126721	ACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGAT	126780
Sbjct	11676	ACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGAT	11617
Query	126781	CTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACA	126840
Sbjct	11616	CTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACA	11557
Query	126841	TTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCT	126900
Sbjct	11556	TTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCT	11497
Query	126901	TCCATCTCTTGATTCTGTTGGTGAAGCTTGATCTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGG	126960
Sbjct	11496	TCCATCTCTTGATTCTGTTGGTGAAGCTTGATCTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGG	11437
Query	126961	TTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTGTTCTTTCTTGATTGCTTCTTTTTCCATTTTT	127020
Sbjct	11436	TTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTGTTCTTTCTTGATTGCTTCTTTTTCCATTTTT	11377
Query	127021	CATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGACTCC	127080
Sbjct	11376	CATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGACTCC	11317
Query	127081	TCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGT	127140
Sbjct	11316	TCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGT	11257
Query	127141	GATTCCCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTAGTTATGTTTTCTTGTCTCTAAGGGAG	127200
Sbjct	11256	GATTCCCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTAGTTATGTTTTCTTGTCTCTAAGGGAG	11197
Query	127201	TTCTTCTCGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAGA	127260
Sbjct	11196	TTCTTCTCGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAGA	11137
Query	127261	TCTTGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCACGAAGCCCAAGGCCCTG	127320
Sbjct	11136	TCTTGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCACGAAGCCCAAGGCCCTG	11077
Query	127321	GATTCGGTCCCCACCTCTGaaaaaaaaaagacccccccccccccccccccccGAAACTAG	127380
Sbjct	11076	GATTCGGTCCCCACCTCTGAAAAAAAAAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTAG	11017
Query	127381	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATTCCGTGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTC	127440
Sbjct	11016	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATTCCGTGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTC	10957
Query	127441	CAATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTTCTGTTGCTTGGGTTCCTGCACTTGCCCTCTTGCCAT	127500
Sbjct	10956	CAATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTTCTGTTGCTTGGGTTCCTGCACTTGCCCTCTTGCCAT	10897
Query	127501	CAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATA	127560
Sbjct	10896	CAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATA	10837
Query	127561	AGCCTGTGTGTGAGGAGTGTGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTCAGCCAGTTATGGG	127620
Sbjct	10836	AGCCTGTGTGTGAGGAGTGTGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTCAGCCAGTTATGGG	10777
Query	127621	GACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGCATGTAGTTTTTCTATCTACAGGCCTTCAGCTGTTCC	127680
Sbjct	10776	GACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGCATGTAGTTTTTCTATCTACAGGCCTTCAGCTGTTCC	10717
Query	127681	TGTGGGTCGTCTTGAGTTCACAGGCAGGTCGCTTGGAGTAGGTAGGTTTGTCTTACCTG	127740
Sbjct	10716	TGTGGGTCGTCTTGAGTTCACAGGCAGGTCGCTTGGAGTAGGTAGGTTTGTCTTACCTG	10657
Query	127741	TGGTCCTGAGGCTGAAGTTTGCTGGTGGGGTGTGCTTATGAACTCTCCGGGGCAGCAGC	127800
Sbjct	10656	TGGTCCTGAGGCTGAAGTTTGCTGGTGGGGTGTGCTTATGAACTCTCCGGGGCAGCAGC	10597
Query	127801	AACCAGGGAGATCTGCGCTGCCCTTTCCGGGAGCTAACGTGCACCAGGTTCCAGGTGGCG	127860
Sbjct	10596	AACCAGGGAGATCTGCGCTGCCCTTTCCGGGAGCTAACGTGCACCAGGTTCCAGGTGGCG	10537
Query	127861	TTTGGTGTTTTCTCTGGAGTCAGAGATGTGGGCCAAATGTAGTCTCTTCTGGTTTCCCA	127920
Sbjct	10536	TTTGGTGTTTTCTCTGGAGTCAGAGATGTGGGCCAAATGTAGTCTCTTCTGGTTTCCCA	10477

Query	127921	GGTGTGCCTACCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTTCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAAC	127980
Sbjct	10476	GGTGTGCCTACCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTTCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAAC	10417
Query	127981	TGTTTATCTGGTCGGTCCCTTCAGGTTCCGGCCGTGTCTCAGAAGCAGCTGATTTCTCTGC	128040
Sbjct	10416	TGTTTATCTGGTCGGTCCCTTCAGGTTCCGGCCGTGTCTCAGAAGCAGCTGATTTCTCTGC	10357
Query	128041	TCCTGTGCCCTTATCCAAGGGAACCCAGAGACAGTATACAGTTTCTCTTTGGGCCAGGGA	128100
Sbjct	10356	TCCTGTGCCCTTATCCAAGGGAACCCAGAGACAGTATACAGTTTCTCTTTGGGCCAGGGA	10297
Query	128101	TGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTGGTGGTCTCTTCTGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCCA	128160
Sbjct	10296	TGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTGGTGGTCTCTTCTGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCCA	10237
Query	128161	CCTGTCTCCACAGTGAGCTCTCTCTCCCATGGGAGCAGTGAGCTCCATGGAGGCAGGGAA	128220
Sbjct	10236	CCTGTCTCCACAGTGAGCTCTCTCTCCCATGGGAGCAGTGAGCTCCATGGAGGCAGGGAA	10177
Query	128221	CACAAGATTGGGAATCCCGCTAAAAACCGGAAGTCAACAATAGCTattccttatttttctt	128280
Sbjct	10176	CACAAGATTGGGAATCCCGCTAAAAACCGGAAGTCAACAATAGCTATTCTTATTTTTCTT	10117
Query	128281	tttatatatatttttattgggtattttaattggtttacattttGAATATCATCTCCTTTCCAG	128340
Sbjct	10116	TTTATATATTTTTATTGGTTATTTAATTGTTTACATTTTGAATATCATCTCCTTTCCAG	10057
Query	128341	TTTCCTGTCCATAAACCCCATGACATCCCTTCTCCCCTTTCTTCTATGAGGGTGTTCCT	128400
Sbjct	10056	TTTCCTGTCCATAAACCCCATGACATCCCTTCTCCCCTTTCTTCTATGAGGGTGTTCCT	9997
Query	128401	CTGCCTACCCACCTACCCCTTCCACCTCTCTGCCCTGACATTCACCTACACTAGGGATC	128460
Sbjct	9996	CTGCCTACCCACCTACCCCTTCCACCTCTCTGCCCTGACATTCACCTACACTAGGGATC	9937
Query	128461	TAGCTTTGGCGGGACCAAGTGCTTCTCCTCCCATTGGTGCCCAACAAGGCCATCCTCTGC	128520
Sbjct	9936	TAGCTTTGGCGGGACCAAGTGCTTCTCCTCCCATTGGTGCCCAACAAGGCCATCCTCTGC	9877
Query	128521	CACATATGCATCTGGAGCCCTGGGTGAGTCCATGTATATAGTCTTTGTATGGTGGTTTAG	128580
Sbjct	9876	CACATATGCATCTGGAGCCCTGGGTGAGTCCATGTATATAGTCTTTGTATGGTGGTTTAG	9817
Query	128581	TCCCTGGGAACCTCTGGTTGGTTGGTATTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAGCCCTTCAGC	128640
Sbjct	9816	TCCCTGGGAACCTCTGGTTGGTTGGTATTGTTGTTCTTATGGGGTTGTAAGCCCTTCAGC	9757
Query	128641	TCCTTCAATTCTTTCTCTGATTTCTTCAACAGGGACCTTATTCTCAGTTGAGTGGTTTGC	128700
Sbjct	9756	TCCTTCAATTCTTTCTCTGATTTCTTCAACAGGGACCTTATTCTCAGTTGAGTGGTTTGC	9697
Query	128701	TGCTAGCATTACCTCTGTATTTGTCTATGTTCTGGCACAGCCTCTCAGGAGACAGCTATA	128760
Sbjct	9696	TGCTAGCATTACCTCTGTATTTGTCTATGTTCTGGCACAGCCTCTCAGGAGACAGCTATA	9637
Query	128761	TCATGTTCTCTGTCAGCATACACTTCTTGGCATCAGCAATATTGTCTAGTTTCGGTGGCTA	128820
Sbjct	9636	TCATGTTCTCTGTCAGCATACACTTCTTGGCATCAGCAATATTGTCTAGTTTCGGTGGCTA	9577
Query	128821	TGTATATATACCGGCTATATCCCTAGGTGGGGCAGGCTATAGATAGCCTTTCTCTCAGTT	128880
Sbjct	9576	TGTATATATACCGGCTATATCCCTAGGTGGGGCAGGCTATAGATAGCCTTTCTCTCAGTT	9517
Query	128881	TTTGCTATTTTTTTCACATCTCTGATTGATAATTATTTTGATTTCCTGTTCCATGCCCTGA	128940
Sbjct	9516	TTTGCTATTTTTTTCACATCTCTGATTGATAATTATTTTGATTTCCTGTTCCATGCCCTGA	9457
Query	128941	GTGATAGGTTAATTCCCAGGTAAATGGAGAGCATCTCCAAAAGTATTCTTTCTAGTAT	129000
Sbjct	9456	GTGATAGGTTAATTCCCAGGTAAATGGAGAGCATCTCCAAAAGTATTCTTTCTAGTAT	9397
Query	129001	AGTTATAGTTACCATAACAGGGCATATCTCTCCTCATCATTTCTTTCAACTGTAACATTTG	129060
Sbjct	9396	AGTTATAGTTACCATAACAGGGCATATCTCTCCTCATCATTTCTTTCAACTGTAACATTTG	9337
Query	129061	ATTCCAACAAATGATTACATAATAGATTTCAAATAGAAAATTGTGAAAAAGCACATGA	129120
Sbjct	9336	ATTCCAACAAATGATTACATAATAGATTTCAAATAGAAAATTGTGAAAAAGCACATGA	9277
Query	129121	AGTATGTGAAGTTCTACTTAGCTAATTAACATCAAGTGTGTATGGCCAACACACATTTCT	129180
Sbjct	9276	AGTATGTGAAGTTCTACTTAGCTAATTAACATCAAGTGTGTATGGCCAACACACATTTCT	9217
Query	129181	GGACAGGCAAATGGCAATGTTTCTTTCTCCTATCTAGTCTCATAGGATACATACCTCCT	129240
Sbjct	9216	GGACAGGCAAATGGCAATGTTTCTTTCTCCTATCTAGTCTCATAGGATACATACCTCCT	9157
Query	129241	GCTATCCCAGGGTTAAAAAATATGGTTATCATTACCTGCTATTTCAATGGATCATGAGCA	129300

Sbjct	9156	TCCAGGGTTAAAAAATATGGTTATCATTACCTGCTATTTCAATGGATCATGAGCA	9097
Query	129301	TGGAACACAGTTGTATTCCATGCACATTGACAGAGTTCATAGATTTCCACAATCTTAAGT	129360
Sbjct	9096	TGGAACACAGTTGTATTCCATGCACATTGACAGAGTTCATAGATTTCCACAATCTTAAGT	9037
Query	129361	GAAGAAAAGCAGCCTCTTACCATGATACTTTCTCTCAAAACACCTGTCATACAAAAGTTC	129420
Sbjct	9036	GAAGAAAAGCAGCCTCTTACCATGATACTTTCTCTCAAAACACCTGTCATACAAAAGTTC	8977
Query	129421	ACAAAAGTTGTGAACTCAGGCATCAACTCTATCCAGATGCCCAGGAAGAACATCTTCAA	129480
Sbjct	8976	ACAAAAGTTGTGAACTCAGGCATCAACTCTATCCAGATGCCCAGGAAGAACATCTTCAA	8917
Query	129481	AATAAATAAATTGCGCTCTGAGAATCAGCAGATGCCAAGCATTCCTGGTGGGAAAATATT	129540
Sbjct	8916	AATAAATAAATTGCGCTCTGAGAATCAGCAGATGCCAAGCATTCCTGGTGGGAAAATATT	8857
Query	129541	GGTTCATTCACTAAGAGATACCTACTTAATCTCTTAAGCATTCCCTTCCTGTTGGTTTT	129600
Sbjct	8856	GGTTCATTCACTAAGAGATACCTACTTAATCTCTTAAGCATTCCCTTCCTGTTGGTTTT	8797
Query	129601	CTATGGTTTCTTATAGAGGAGTCTAACATTGTTACATAGTTTTGTCTATATAACCACAT	129660
Sbjct	8796	CTATGGTTTCTTATAGAGGAGTCTAACATTGTTACATAGTTTTGTCTATATAACCACAT	8737
Query	129661	ACTTGGTAAGGTTCTCACTATGAATCAGAGATTCATTGGTTTCCCTTAAAATACAGGCT	129720
Sbjct	8736	ACTTGGTAAGGTTCTCACTATGAATCAGAGATTCATTGGTTTCCCTTAAAATACAGGCT	8677
Query	129721	CTATCTGGAAGAACATGTCACCTTTCTGCTGTCACATCAAGATGTATGTAGTCTGTCCACC	129780
Sbjct	8676	CTATCTGGAAGAACATGTCACCTTTCTGCTGTCACATCAAGATGTATGTAGTCTGTCCACC	8617
Query	129781	ATTACAAAAGATGTTATTAGTCTCCACCCCTTATATCAATAAAACTTGACAACATTTTGT	129840
Sbjct	8616	ATTACAAAAGATGTTATTAGTCTCCACCCCTTATATCAATAAAACTTGACAACATTTTGT	8557
Query	129841	TGACAGATGAATTGGAGTAGTATATCTTGCAGCCTCTTAAAATAATCTTTCAGTTTAGCT	129900
Sbjct	8556	TGACAGATGAATTGGAGTAGTATATCTTGCAGCCTCTTAAAATAATCTTTCAGTTTAGCT	8497
Query	129901	TCCTTTATTTTGCACCTTGAATTCTTGCACCTCTATCTCTTTGAAGAATTATGAGAATTTCT	129960
Sbjct	8496	TCCTTTATTTTGCACCTTGAATTCTTGCACCTCTATCTCTTTGAAGAATTATGAGAATTTCT	8437
Query	129961	CACAATTTTCCTGTTTTTTCCTATACAAAGTCACTACCTTTGCCTGTGAGTTGAACAGGAGA	130020
Sbjct	8436	CACAATTTTCCTGTTTTTTCCTATACAAAGTCACTACCTTTGCCTGTGAGTTGAACAGGAGA	8377
Query	130021	AGGAGCTAGAGGGAGACCAGAGATGGAAGCAAGAAATGGTaaaaaaaaaCTTTAAATAT	130080
Sbjct	8376	AGGAGCTAGAGGGAGACCAGAGATGGAAGCAAGAAATGGTAAAAAAAAAACCTTTAAATAT	8317
Query	130081	TTGATAAATCTAAGAAAAGATCCTAAGAATTGTGCCAGCCATGATGATAAATACCTCTGT	130140
Sbjct	8316	TTGATAAATCTAAGAAAAGATCCTAAGAATTGTGCCAGCCATGATGATAAATACCTCTGT	8257
Query	130141	TACAAGCAGTTGGGGGTCAGGGTTAGGTAGATCTTTGTGACTTTGAGGCTAGCCATGTAG	130200
Sbjct	8256	TACAAGCAGTTGGGGGTCAGGGTTAGGTAGATCTTTGTGACTTTGAGGCTAGCCATGTAG	8197
Query	130201	AAAAAGTGCATTTGGGGATTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGTAAGCG	130260
Sbjct	8196	AAAAAGTGCATTTGGGGATTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGTAAGCG	8137
Query	130261	CAAGGCCCTGGATTGCGTTCTTAGCTCTGGaaaaaaaaagaaagaaaaaaaaTGCATTTAGCA	130320
Sbjct	8136	CAAGGCCCTGGATTGCGTTCTTAGCTCTGGAAAAAAAAAGAAAGAAAAAAAAATGCATTTAGCA	8077
Query	130321	AGTCTTAGTGCAACCAAGGGTAGTCAGTAAGCACTTTTATTGataataacaaaagtaaaa	130380
Sbjct	8076	AGTCTTAGTGCAACCAAGGGTAGTCAGTAAGCACTTTTATTGATAATAACAAAAGTAAAA	8017
Query	130381	tacaaaaataaaaccaaacaaaaaaTGGTTTCTGAGAATTTGCTTCACTCTACTCATTTGA	130440
Sbjct	8016	TACAAAATAAAACCAACAAAAAATGGTTTCTGAGAATTTGCTTCACTCTACTCATTTGA	7957
Query	130441	GCCTCTGGATGGTGCCCTGGACATTGTGTATGAACTATAAGTTACAGGAAGTCAATGGAG	130500
Sbjct	7956	GCCTCTGGATGGTGCCCTGGACATTGTGTATGAACTATAAGTTACAGGAAGTCAATGGAG	7897
Query	130501	CTGAATGGAACCTCAATGTTACCCAACCCATGCAAAACAGGATAACACTAAGGAAAGCAGT	130560
Sbjct	7896	CTGAATGGAACCTCAATGTTACCCAACCCATGCAAAACAGGATAACACTAAGGAAAGCAGT	7837
Query	130561	TGTCATGTTTTCTCACTGGGGAGATGGACTACAAGAGGCCAGAGAACTGTACATAAAGAG	130620
Sbjct	7836	TGTCATGTTTTCTCACTGGGGAGATGGACTACAAGAGGCCAGAGAACTGTACATAAAGAG	7777

Query	130621	TAATGTATGAACTATAAATTCAGAAAGGAAAGGTGATTTCAGGCATAAAGATGATACTATT	130680
Sbjct	7776	TAATGTATGAACTATAAATTCAGAAAGGAAAGGTGATTTCAGGCATAAAGATGATACTATT	7717
Query	130681	ATTTCTTTCCAAACAAGAACCTTCTGGGACTGAATTTGCCTTGTGGTCTTGTTCATACAA	130740
Sbjct	7716	ATTTCTTTCCAAACAAGAACCTTCTGGGACTGAATTTGCCTTGTGGTCTTGTTCATACAA	7657
Query	130741	CAATAAAATGAAAGTTTAATATCTGACTACATCCTGTTTTAGAAATATGACTTTTGTAAA	130800
Sbjct	7656	CAATAAAATGAAAGTTTAATATCTGACTACATCCTGTTTTAGAAATATGACTTTTGTAAA	7597
Query	130801	GATTGATGATTGGGTTTTAGAAGGCGTCACTCTTGCTGTGTTTAGGTCTAAGAACTCATA	130860
Sbjct	7596	GATTGATGATTGGGTTTTAGAAGGCGTCACTCTTGCTGTGTTTAGGTCTAAGAACTCATA	7537
Query	130861	TTTAATCACTTAGACCAAGTGAAGGGAATGGAGTAATGGCAAAGTCACTCAGGATGAAAT	130920
Sbjct	7536	TTTAATCACTTAGACCAAGTGAAGGGAATGGAGTAATGGCAAAGTCACTCAGGATGAAAT	7477
Query	130921	CTTTCTACACTTTGTTAAAACTTGACAGTATAGGAATCATAGGAGCAACATAGGTAACCC	130980
Sbjct	7476	CTTTCTACACTTTGTTAAAACTTGACAGTATAGGAATCATAGGAGCAACATAGGTAACCC	7417
Query	130981	AAAGGAGTGAGGCTGCAAAAAAGAAGCTAGAATTACTTTCCAAC TGACTAACATGAAAGT	131040
Sbjct	7416	AAAGGAGTGAGGCTGCAAAAAAGAAGCTAGAATTACTTTCCAAC TGACTAACATGAAAGT	7357
Query	131041	ACACAATGATTGGCATTTAGCATAAAATTCCTGGATTTTTGTCCCatatatatatatata	131100
Sbjct	7356	ACACAATGATTGGCATTTAGCATAAAATTCCTGGATTTTTGTCCCATATATATATATATA	7297
Query	131101	tatatatatatatatatatatatatatatatatatatatatatatatTGCAGCATTCCTTCA	131160
Sbjct	7296	TATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT	7237
Query	131161	CAAATAAACTTTTGGGtcttttttctctttttctctttttttttttttttttttCGGAGCTGGGG	131220
Sbjct	7236	CAAATAAACTTTTGGGTTTTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGG	7177
Query	131221	ACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAA	131280
Sbjct	7176	ACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAA	7117
Query	131281	CCCCACAAATAAACTTTAATACATATTGGGTGTTACATATCGTAGGGCATGAGTTCTAT	131340
Sbjct	7116	CCCCACAAATAAACTTTAATACATATTGGGTGTTACATATCGTAGGGCATGAGTTCTAT	7057
Query	131341	GCCAAACTTTTACAATAAATATGAACACTTACCAAGCTACTAAGGAAAAGTGAGATTAGA	131400
Sbjct	7056	GCCAAACTTTTACAATAAATATGAACACTTACCAAGCTACTAAGGAAAAGTGAGATTAGA	6997
Query	131401	CAATAGTTAGGAATGTTAAGAAAAAGATTCTAGGTTTTCTGTAAAAAGTGACTGATCTTA	131460
Sbjct	6996	CAATAGTTAGGAATGTTAAGAAAAAGATTCTAGGTTTTCTGTAAAAAGTGACTGATCTTA	6937
Query	131461	GTGGATTTGAGTTGAAGACCCAAACATAAAGCCACGTATACACAGACACCTGACTTTTCA	131520
Sbjct	6936	GTGGATTTGAGTTGAAGACCCAAACATAAAGCCACGTATACACAGACACCTGACTTTTCA	6877
Query	131521	TAAAGAATCTAGAAAAACAACTAGAAAAAATATAGCTATATTTGGATTTTTTACATGTA	131580
Sbjct	6876	TAAAGAATCTAGAAAAACAACTAGAAAAAATATAGCTATATTTGGATTTTTTACATGTA	6817
Query	131581	GCAATCTGGTTTAACCTGTTTATCCTGAAAAAACTCCAAATGACTCAGATTTTAAGTTAT	131640
Sbjct	6816	GCAATCTGGTTTAACCTGTTTATCCTGAAAAAACTCCAAATGACTCAGATTTTAAGTTAT	6757
Query	131641	ATCAGATATACTGAGCCTATTAGAAGAGAAAGTAGAGAACAGCTTTGAAGTTATTAGCAC	131700
Sbjct	6756	ATCAGATATACTGAGCCTATTAGAAGAGAAAGTAGAGAACAGCTTTGAAGTTATTAGCAC	6697
Query	131701	AGGAAAAGACTTCCTGAAGAGAATACCATTAACAGATGGACTAAGATTTCTGAATTTGTG	131760
Sbjct	6696	AGGAAAAGACTTCCTGAAGAGAATACCATTAACAGATGGACTAAGATTTCTGAATTTGTG	6637
Query	131761	TTCTTTAACAATAATTGGGAGTTCATGAACTAAAATGCTTCAGCATTTGTTTGGACATC	131820
Sbjct	6636	TTCTTTAACAATAATTGGGAGTTCATGAACTAAAATGCTTCAGCATTTGTTTGGACATC	6577
Query	131821	ATCTGGACAAGGCAGCAGTCTACAGAATGGGAAAAGATTTTAATCAACTACATATATGTA	131880
Sbjct	6576	ATCTGGACAAGGCAGCAGTCTACAGAATGGGAAAAGATTTTAATCAACTACATATATGTA	6517
Query	131881	GATGATTAATATCTAAAATAAAGTACAGATGTCTGCTATCCAAAATATATAAAGAACTCG	131940
Sbjct	6516	GATGATTAATATCTAAAATAAAGTACAGATGTCTGCTATCCAAAATATATAAAGAACTCG	6457
Query	131941	AGAAACTAAATATCAAAAAATCAAAACCAATTTAATAATTGGTTACAGATCTAAATAGA	132000

Sbjct	6456	AACTAAATATCAAAAAATCAAAACCCAATTTAATAATTGGTTACAGATCTAAATAGA	6397
Query	132001	GAATCTCAACAGAGAAAAACCCAAATGACTGACAAACACTTAAAAGAAATGTCAACACCCT	132060
Sbjct	6396	GAATCTCAACAGAGAAAAACCCAAATGACTGACAAACACTTAAAAGAAATGTCAACACCCT	6337
Query	132061	GAGTCATCCCCAAAAATACAAGTTGAAACTAGTTTGAGATTTTCATTTTACACAGTTCAGAA	132120
Sbjct	6336	GAGTCATCCCCAAAAATACAAGTTGAAACTAGTTTGAGATTTTCATTTTACACAGTTCAGAA	6277
Query	132121	TCTCTAAGATAAGTAACAGAAGTAACATCTCCTATGGTAAAGATGTGGGACAAGGAGAAC	132180
Sbjct	6276	TCTCTAAGATAAGTAACAGAAGTAACATCTCCTATGGTAAAGATGTGGGACAAGGAGAAC	6217
Query	132181	ACTCTTCTATTTCTGATGGGAGTACAAACTTGTACAGCCACTCTGGAAATCAATTTGGTG	132240
Sbjct	6216	ACTCTTCTATTTCTGATGGGAGTACAAACTTGTACAGCCACTCTGGAAATCAATTTGGTG	6157
Query	132241	GTTTCTGAGGAAGTCAGGAAC TAATCTACCTTTAGCTCTAGCTCAACTATGCTCATCACA	132300
Sbjct	6156	GTTTCTGAGGAAGTCAGGAAC TAATCTACCTTTAGCTCTAGCTCAACTATGCTCATCACA	6097
Query	132301	GCTTTATTTCATAATAGAACTGGAAACAGCCTAGATGCCCCCTCAACTGAAGAATAGATAA	132360
Sbjct	6096	GCTTTATTTCATAATAGAACTGGAAACAGCCTAGATGCCCCCTCAACTGAAGAATAGATAA	6037
Query	132361	AGAAAATGTAGTTTCATTTACACAATGGAATGCTACTTAGCTATTAAATACAAGGACATCA	132420
Sbjct	6036	AGAAAATGTAGTTTCATTTACACAATGGAATGCTACTTAGCTATTAAATACAAGGACATCA	5977
Query	132421	TGAACTTTTCAGGAAAATTGTTTGAAACTAGAATATATCATTCTGAGTGAGGTAACCTTAG	132480
Sbjct	5976	TGAACTTTTCAGGAAAATTGTTTGAAACTAGAATATATCATTCTGAGTGAGGTAACCTTAG	5917
Query	132481	ACCCAAAATGACATGCATGGTATGTACTCATGGATAATGTGGATATTAGCTATTAAGTCT	132540
Sbjct	5916	ACCCAAAATGACATGCATGGTATGTACTCATGGATAATGTGGATATTAGCTATTAAGTCT	5857
Query	132541	GTTGTGGTAAGATTAAATAAGGCTTCTTTTATCTCATATTATGTCTGGCACCATAGTACC	132600
Sbjct	5856	GTTGTGGTAAGATTAAATAAGGCTTCTTTTATCTCATATTATGTCTGGCACCATAGTACC	5797
Query	132601	TCATGGCATCTGTTGGGTGATTTTCATCTCAGTCAGTAAAGCATCTTACCTGCTCTGCTCC	132660
Sbjct	5796	TCATGGCATCTGTTGGGTGATTTTCATCTCAGTCAGTAAAGCATCTTACCTGCTCTGCTCC	5737
Query	132661	ATTCCATATCACACTGCTGATGGCTACCCTCTACGCCTGGCAACAATTTCTCTACCCATC	132720
Sbjct	5736	ATTCCATATCACACTGCTGATGGCTACCCTCTACGCCTGGCAACAATTTCTCTACCCATC	5677
Query	132721	TAGTTCTCAAGGCAGGTTGCCACCATGCCAAATATACACATCCCAATTTTGTGGTGGCCC	132780
Sbjct	5676	TAGTTCTCAAGGCAGGTTGCCACCATGCCAAATATACACATCCCAATTTTGTGGTGGCCC	5617
Query	132781	AGTGTGTCCAGCCACCACACACTCTGTTGAACTCAAATCGCCATTTGAAAGAACACACAA	132840
Sbjct	5616	AGTGTGTCCAGCCACCACACACTCTGTTGAACTCAAATCGCCATTTGAAAGAACACACAA	5557
Query	132841	CACAGTAACCTCTGATCCAGATGATAAGATATAAATGCCTACCTAAACATACAAAGTCCT	132900
Sbjct	5556	CACAGTAACCTCTGATCCAGATGATAAGATATAAATGCCTACCTAAACATACAAAGTCCT	5497
Query	132901	ATACACATCCATCCCTTAAGAATATTTCATAACAGCCTGTAAATGTGCAGAAAGGAATCTT	132960
Sbjct	5496	ATACACATCCATCCCTTAAGAATATTTCATAACAGCCTGTAAATGTGCAGAAAGGAATCTT	5437
Query	132961	AACATCTGCCACCATGTTCTCCCAGCTGCTCTCACTTCTCAATGGCTCCAGTCTCCTCCT	133020
Sbjct	5436	AACATCTGCCACCATGTTCTCCCAGCTGCTCTCACTTCTCAATGGCTCCAGTCTCCTCCT	5377
Query	133021	CCTTCTCTAAAATTTTTCTCCTGCCCATTTTTTCATTCTTGTCCAATGACAGGCCTTGTTCT	133080
Sbjct	5376	CCTTCTCTAAAATTTTTCTCCTGCCCATTTTTTCATTCTTGTCCAATGACAGGCCTTGTTCT	5317
Query	133081	ATCTTGTGCCTGCCTTCATCTGCATAATGACATCATCCTACATAAGTCAATGATAACTAA	133140
Sbjct	5316	ATCTTGTGCCTGCCTTCATCTGCATAATGACATCATCCTACATAAGTCAATGATAACTAA	5257
Query	133141	TCTAAAATTTCATGGAAACACTGAGATTGGTTATATAATAGGGGGACTGGAGGAGACAGAT	133200
Sbjct	5256	TCTAAAATTTCATGGAAACACTGAGATTGGTTATATAATAGGGGGACTGGAGGAGACAGAT	5197
Query	133201	GTCATTAGGAAAAGAAATAAAATATTTAAAAATAAGTAAAGTGGGGACTTAATTTGGAGG	133260
Sbjct	5196	GTCATTAGGAAAAGAAATAAAATATTTAAAAATAAGTAAAGTGGGGACTTAATTTGGAGG	5137
Query	133261	ATCAAGTTGAGAGGATGAGGGAGGGAACACTGGGAAAGACAGCTAAAATTAAGGGCCACT	133320
Sbjct	5136	ATCAAGTTGAGAGGATGAGGGAGGGAACACTGGGAAAGACAGCTAAAATTAAGGGCCACT	5077

Query	133321	TGAGGGGCAGTATAGAAACCTAATACAGTAGAATATGGAAATATGAAGGTGATCTGAGTG	133380
Sbjct	5076	TGAGGGGCAGTATAGAAACCTAATACAGTAGAATATGGAAATATGAAGGTGATCTGAGTG	5017
Query	133381	AAACTTCCTAAAAAATtctctctctctctctctctcacacacacacacacacacacac	133440
Sbjct	5016	AAACTTCCTAAAAAATTCTCTCTCTCTCTCTCTCACACACACACACACACACACAC	4957
Query	133441	acacacacac TTTTATGAAATCACCAAATAATGAGAGAAACAGAGTACTTCTAACTGGTC	133500
Sbjct	4956	ACACACACACTTTTATGAAATCACCAAATAATGAGAGAAACAGAGTACTTCTAACTGGTC	4897
Query	133501	ATCTCTTGTAACAAATAAAATGCCTTCATAACTGAGGTTGGGTTCCATCTAATTCAGTT	133560
Sbjct	4896	ATCTCTTGTAACAAATAAAATGCCTTCATAACTGAGGTTGGGTTCCATCTAATTCAGTT	4837
Query	133561	ATTGCCCAAAGGGGACCCATGGGAATCCTCAAATAAACTGGGCTTTTGCCAAGACTACAG	133620
Sbjct	4836	ATTGCCCAAAGGGGACCCATGGGAATCCTCAAATAAACTGGGCTTTTGCCAAGACTACAG	4777
Query	133621	GCTGCTCTCCATAAGCTGACAGCAAGACCTCATAGCTGAAGACAAACACCTACACCACTC	133680
Sbjct	4776	GCTGCTCTCCATAAGCTGACAGCAAGACCTCATAGCTGAAGACAAACACCTACACCACTC	4717
Query	133681	ACTGAATATGCAGAAGCTGACCTGGTGCCAAAATAAAGCCTTTACCACTATATTCTAGTa	133740
Sbjct	4716	ACTGAATATGCAGAAGCTGACCTGGTGCCAAAATAAAGCCTTTACCACTATATTCTAGTA	4657
Query	133741	tttttttaaattttatttattttaTGTATGTGAGTACACTGTCACTGTTTTCCAGACGTC	133800
Sbjct	4656	TTTTTTTAAATTTTATTTATTTTATGTATGTGAGTACACTGTCACTGTTTTCCAGACGTC	4597
Query	133801	CACAAGAAGAGGGCATCAGATCCCATTACAGACAGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGG	133860
Sbjct	4596	CACAAGAAGAGGGCATCAGATCCCATTACAGACAGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGG	4537
Query	133861	GATTTGAACTCAGGAACCTCGGAAGACCAGTCAGTGCTCTCAATCTCTGAGTCATCTCTC	133920
Sbjct	4536	GATTTGAACTCAGGAACCTCGGAAGACCAGTCAGTGCTCTCAATCTCTGAGTCATCTCTC	4477
Query	133921	CAGACATATTCTAGTATTTTTATTACAGGAATGTAGTAATAATTTATTAATAAAATCCCAG	133980
Sbjct	4476	CAGACATATTCTAGTATTTTTATTACAGGAATGTAGTAATAATTTATTAATAAAATCCCAG	4417
Query	133981	CACAGGTTGCTTCCCATCTTGACATTTTCTTTCCTGAATGAAACACACATACACATAGC	134040
Sbjct	4416	CACAGGTTGCTTCCCATCTTGACATTTTCTTTCCTGAATGAAACACACATACACATAGC	4357
Query	134041	CTTATATTTGAATATGCCTTAAACAGCACAAATAGCTGGGTGACTATAAAGCATCTATGCT	134100
Sbjct	4356	CTTATATTTGAATATGCCTTAAACAGCACAAATAGCTGGGTGACTATAAAGCATCTATGCT	4297
Query	134101	GCTAGACTCTCCCTCTTGCCAATAATTCCAAGTTAGTACTTACTAATTTCTATGTTCCAT	134160
Sbjct	4296	GCTAGACTCTCCCTCTTGCCAATAATTCCAAGTTAGTACTTACTAATTTCTATGTTCCAT	4237
Query	134161	CTTGGCTGCTCTTAACCCAATTAGTCAGCTGTCTGGGCCATGTTTTCTTGAGCCAAGCA	134220
Sbjct	4236	CTTGGCTGCTCTTAACCCAATTAGTCAGCTGTCTGGGCCATGTTTTCTTGAGCCAAGCA	4177
Query	134221	TAATCAAAACACCACATTCCACTCCCTGCCTCATAGGCTTGTCAAGACACATGAATCTAT	134280
Sbjct	4176	TAATCAAAACACCACATTCCACTCCCTGCCTCATAGGCTTGTCAAGACACATGAATCTAT	4117
Query	134281	GGGGGTTATACCAAGCCATTCAACAATAAAAAATTTAGTTCAACTTTCAAAGTCCCCACA	134340
Sbjct	4116	GGGGGTTATACCAAGCCATTCAACAATAAAAAATTTAGTTCAACTTTCAAAGTCCCCACA	4057
Query	134341	ATCTCTAACAATCTCAACAATGTTAAAAGTTCAAAGTTTTTCTGAGATCCATCCAATCAC	134400
Sbjct	4056	ATCTCTAACAATCTCAACAATGTTAAAAGTTCAAAGTTTTTCTGAGATCCATCCAATCAC	3997
Query	134401	TTCACTGTAATCCCCAAAGCAAAACAGGAAACCACCTGGGCAAACCTCAAACCTCTGCATC	134460
Sbjct	3996	TTCACTGTAATCCCCAAAGCAAAACAGGAAACCACCTGGGCAAACCTCAAACCTCTGCATC	3937
Query	134461	TTCGTGTCTGATGTCAAAGTGGTCTTCAAGTCTCCAGCTCCTTTTTCATCTATGTTGATT	134520
Sbjct	3936	TTCGTGTCTGATGTCAAAGTGGTCTTCAAGTCTCCAGCTCCTTTTTCATCTATGTTGATT	3877
Query	134521	ACAAAAAGACGTCTTTCTATTAGTTTGACTCCATGCTAGCAGCTTTCCTTGGCAGAAATC	134580
Sbjct	3876	ACAAAAAGACGTCTTTCTATTAGTTTGACTCCATGCTAGCAGCTTTCCTTGGCAGAAATC	3817
Query	134581	CCACACCTCTGACATCTTTACCATCTTGGGATCTCCAAGTCAACTTCAACTTCCTAGCTT	134640
Sbjct	3816	CCACACCTCTGACATCTTTACCATCTTGGGATCTCCAAGTCAACTTCAACTTCCTAGCTT	3757
Query	134641	CTTGTTCTAATGTGTGGGATCCACACATGATCTTCTGAACAACCTCCAAAGGCTGGCATC	134700

Sbjct	3756	TTCTAATGTGTGGGATCCACACATGATCTTCTGAACAACCTCAAAGGGCTGGCATC	3697
Query	134701	ACTTCTCCAGCTCTGCTGTCTATAACCATTCTAAGCTATGGTTGACTCCACTCCATTGGTG	134760
Sbjct	3696	ACTTCTCCAGCTCTGCTGTCTATAACCATTCTAAGCTATGGTTGACTCCACTCCATTGGTG	3637
Query	134761	CTGCTATTCTTGGTGATCATTGATAGTACTGGCAACTGCTGAAAGACCCCCGAAGGGAGC	134820
Sbjct	3636	CTGCTATTCTTGGTGATCATTGATAGTACTGGCAACTGCTGAAAGACCCCCGAAGGGAGC	3577
Query	134821	CCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGC	134880
Sbjct	3576	CCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGC	3517
Query	134881	AATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTG	134940
Sbjct	3516	AATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTG	3457
Query	134941	GGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCA	135000
Sbjct	3456	GGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCA	3397
Query	135001	CAGAGCTTATAAAGGaaaaaaaaCCACAAACCaggggggatcaggagggagggagggagggg	135060
Sbjct	3396	CAGAGCTTATAAAGGAAAAAAACCACAAACCAGGGGGGATCAGGAGGGAGGGAGGAGGGG	3337
Query	135061	aATTCCAAAACCATAGACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACACTA	135120
Sbjct	3336	AATTCCAAAACCATAGACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACACTA	3277
Query	135121	GGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCC	135180
Sbjct	3276	GGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCC	3217
Query	135181	ATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATG	135240
Sbjct	3216	ATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATG	3157
Query	135241	CAAGAATATTCCGGAACCATGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACA	135300
Sbjct	3156	CAAGAATATTCCGGAACCATGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACA	3097
Query	135301	GACTCTACTTCTTCTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGC	135360
Sbjct	3096	GACTCTACTTCTTCTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGC	3037
Query	135361	GGCTTTTTATTAAATTTTTAATCCTTCATTCCCCACTTCTTCTTTTTCATCGGCTCTAAT	135420
Sbjct	3036	GGCTTTTTATTAAATTTTTAATCCTTCATTCCCCACTTCTTCTTTTTCATCGGCTCTAAT	2977
Query	135421	CTTAGAGCCATTGTTTCATCCCATTTGTAACCTCTTGTAAGTGTGTCGAGGACCAGTACCT	135480
Sbjct	2976	CTTAGAGCCATTGTTTCATCCCATTTGTAACCTCTTGTAAGTGTGTCGAGGACCAGTACCT	2917
Query	135481	GAACAGCACTCACTCTTTCTTTTATAAATGTCACCAGCCTATTGAATATACATGGCCCGA	135540
Sbjct	2916	GAACAGCACTCACTCTTTCTTTTATAAATGTCACCAGCCTATTGAATATACATGGCCCGA	2857
Query	135541	AAGTAAGTAGAAGCATGAGGATTATAATGGGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTA	135600
Sbjct	2856	AAGTAAGTAGAAGCATGAGGATTATAATGGGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTA	2797
Query	135601	ACCATGGGGACTTATTAAACCAACTTTCAAACCATCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTT	135660
Sbjct	2796	ACCATGGGGACTTATTAAACCAACTTTCAAACCATCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTT	2737
Query	135661	TCCGTATATCTAAGCGTTCCTAAGTTTAGCCATCGAATCCTTGATTACTCCAGAATGAT	135720
Sbjct	2736	TCCGTATATCTAAGCGTTCCTAAGTTTAGCCATCGAATCCTTGATTACTCCAGAATGAT	2677
Query	135721	CAACATAAAAAACAACATTCTTCTTTTAGAGCAGCACAGAGTCTCCTTCCTTGAGGAATA	135780
Sbjct	2676	CAACATAAAAAACAACATTCTTCTTTTAGAGCAGCACAGAGTCTCCTTCCTTGAGGAATA	2617
Query	135781	ATAAATCTAGTCCCCTTCTGTTCTGTAGTACCACCTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTT	135840
Sbjct	2616	ATAAATCTAGTCCCCTTCTGTTCTGTAGTACCACCTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTT	2557
Query	135841	CTAGTTTAGTTATAGATTGTTCTATGGATCTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCGTAATT	135900
Sbjct	2556	CTAGTTTAGTTATAGATTGTTCTATGGATCTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCGTAATT	2497
Query	135901	CTTCATAATATTGGGGGGTCTGAATTAATGCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTA	135960
Sbjct	2496	CTTCATAATATTGGGGGGTCTGAATTAATGCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTA	2437
Query	135961	TCCCCAGTCCCATGAGTACTGCAAAGGTCAAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTC	136020
Sbjct	2436	TCCCCAGTCCCATGAGTACTGCAAAGGTCAAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTC	2377



Query	136021	GGTGATCAAACCTCATCTACAAAAGAGCCATCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTT	136080
Sbjct	2376	GGTGATCAAACCTCATCTACAAAAGAGCCATCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTT	2317
Query	136081	GAACCAAAATACAGTAATCTTTGGAAGTATTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGA	136140
Sbjct	2316	GAACCAAAATACAGTAATCTTTGGAAGTATTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGA	2257
Query	136141	GACCAGTGTTCAGGCCCATACTGTGTCTA <del>ggggggg</del> TACTAGATACTGATTACCTTCCG	136200
Sbjct	2256	GACCAGTGTTCAGGCCCATACTGTGTCTAGGGGGGTACTAGATACTGATTACCTTCCG	2197
Query	136201	TAGGCTGGACGTTTGCATTGATTACAAAGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTA	136260
Sbjct	2196	TAGGCTGGACGTTTGCATTGATTACAAAGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTA	2137
Query	136261	AACAAAGTCCACTTCCTGAGACTGCTGTTAGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGC	136320
Sbjct	2136	AACAAAGTCCACTTCCTGAGACTGCTGTTAGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGC	2077
Query	136321	ATTGAGAGGAGTCTGTTGTTTTGTTGTAACCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATG	136380
Sbjct	2076	ATTGAGAGGAGTCTGTTGTTTTGTTGTAACCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATG	2017
Query	136381	GGGGGCTAGAGGCATAGCACAAACCAACAAGACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTCA	136440
Sbjct	2016	GGGGGCTAGAGGCATAGCACAAACCAACAAGACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTCA	1957
Query	136441	GGACCAGGAATGCCCTTGTATTAGGCTAAACAGACGATTTTCAGTGTCCGGGGGTATGG	136500
Sbjct	1956	GGACCAGGAATGCCCTTGTATTAGGCTAAACAGACGATTTTCAGTGTCCGGGGGTATGG	1897
Query	136501	GAGTATTTGAAGTGAGGGAGGTTCTTTAGCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTG	136560
Sbjct	1896	GAGTATTTGAAGTGAGGGAGGTTCTTTAGCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTG	1837
Query	136561	GGGGGCTACTGAGGCTTAAGCGAACCATGACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCAT	136620
Sbjct	1836	GGGGGCTACTGAGGCTTAAGCGAACCATGACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCAT	1777
Query	136621	TAAAAACTACCCCCATCTCATGCCCTCATCCATGTTTGGGTATCATAATTTTTACCAG	136680
Sbjct	1776	TAAAAACTACCCCCATCTCATGCCCTCATCCATGTTTGGGTATCATAATTTTTACCAG	1717
Query	136681	TGTCTGTAAATTGATCCGAATTCTATCTAAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTAT	136740
Sbjct	1716	TGTCTGTAAATTGATCCGAATTCTATCTAAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTAT	1657
Query	136741	ATGGTTCCATTATGACATACCTCCCTGGCCCAGAGTTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGT	136800
Sbjct	1656	ATGGTTCCATTATGACATACCTCCCTGGCCCAGAGTTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGT	1597
Query	136801	CATGAGTATATTGCTGTCCCATTTCGAATCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATT	136860
Sbjct	1596	CATGAGTATATTGCTGTCCCATTTCGAATCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATT	1537
Query	136861	TAGCACAATAATGTGAGGCTGGCCCCCACATATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGC	136920
Sbjct	1536	TAGCACAATAATGTGAGGCTGGCCCCCACATATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGC	1477
Query	136921	AGTAAACCCCATAGCTTCTTATTTGATTAGGGGAATGGAAGTGGGGATAATCTGTTTGA	136980
Sbjct	1476	AGTAAACCCCATAGCTTCTTATTTGATTAGGGGAATGGAAGTGGGGATAATCTGTTTGA	1417
Query	136981	GGCAGAAAGCTAGGTGAGGCCACCATGTCCCTGGCGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATA	137040
Sbjct	1416	GGCAGAAAGCTAGGTGAGGCCACCATGTCCCTGGCGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATA	1357
Query	137041	AAACCTGATCCAGAGCAGGACCAAGAACCTGCCAGGTTAGAATTAAAGGCTGATGTGGGT	137100
Sbjct	1356	AAACCTGATCCAGAGCAGGACCAAGAACCTGCCAGGTTAGAATTAAAGGCTGATGTGGGT	1297
Query	137101	TGTAATTTGGTAGGTAAACCTGACCTGAGTGAGGAGCAGCCTTAACTGAATCATCTGGTG	137160
Sbjct	1296	TGTAATTTGGTAGGTAAACCTGACCTGAGTGAGGAGCAGCCTTAACTGAATCATCTGGTG	1237
Query	137161	GGTGCTCACGGTCAGGCCTGGTGGTCTTGGCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTC	137220
Sbjct	1236	GGTGCTCACGGTCAGGCCTGGTGGTCTTGGCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTC	1177
Query	137221	GGTTTGCATCAGCAGTAGCAGCGACAGCAGTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAG	137280
Sbjct	1176	GGTTTGCATCAGCAGTAGCAGCGACAGCAGTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAG	1117
Query	137281	TCTGGATGATTTCCGGTTTCGCTGGCGTTGGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAG	137340
Sbjct	1116	TCTGGATGATTTCCGGTTTCGCTGGCGTTGGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAG	1057
Query	137341	GTTTCCTAGCTGGAGGATTCGAGCTCCTATGTTTCCTGGCCATATTCCTGCATCTTGGC	137400

Sbjct	1056	CTAGCTGGAGGATTCGCAGCTCCTATGTTTCCTGGCCATATTCCTGCATCTTGGC	997
Query	137401	TCTTCACTTCTGCAGCACAGGCGAAGCTTAAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAG	137460
Sbjct	996	TCTTCACTTCTGCAGCACAGGCGAAGCTTAAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAG	937
Query	137461	TTGTTGTCTTCATTTTGGCTGGGTGTCTTCTTGACGTGGGAAGCGTGTATCCAAGCAGCG	137520
Sbjct	936	TTGTTGTCTTCATTTTGGCTGGGTGTCTTCTTGACGTGGGAAGCGTGTATCCAAGCAGCG	877
Query	137521	ATCCCATCCACCTTTACTGCCGTGGGGTGGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCAC	137580
Sbjct	876	ATCCCATCCACCTTTACTGCCGTGGGGTGGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCAC	817
Query	137581	CGAGGCTCCAAGGTGCCAGCTCGATGTCGTCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAAC	137640
Sbjct	816	CGAGGCTCCAAGGTGCCAGCTCGATGTCGTCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAAC	757
Query	137641	CTGTGGGGCACCTCTGAAGTTCGCCGTGCGTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCAGATCTGT	137700
Sbjct	756	CTGTGGGGCACCTCTGAAGTTCGCCGTGCGTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCAGATCTGT	697
Query	137701	GTTCTGATGACTTCCAGAGCCTTTAGATGAGTAAACAAAGCAGAGGATGAGGAAGAGTCG	137760
Sbjct	696	GTTCTGATGACTTCCAGAGCCTTTAGATGAGTAAACAAAGCAGAGGATGAGGAAGAGTCG	637
Query	137761	GCACTGGGATCCAATATCCCACTGGACTCAGTCAAGGGGGGCGTCCCCCATGGAGAATC	137820
Sbjct	636	GCACTGGGATCCAATATCCCACTGGACTCAGTCAAGGGGGGCGTCCCCCATGGAGAATC	577
Query	137821	TCATAAGGAGTGAGGCCGAAACGTCCGGGTGTGTTTTGGACCCTAAGAAGCGCAAAGGGA	137880
Sbjct	576	TCATAAGGAGTGAGGCCGAAACGTCCGGGTGTGTTTTGGACCCTAAGAAGCGCAAAGGGA	517
Query	137881	AGGAGAGTCACCCAGTCTTTACCACCGGTCTCAATGGCTAATTTAGTTAGGGTCTCTTTT	137940
Sbjct	516	AGGAGAGTCACCCAGTCTTTACCACCGGTCTCAATGGCTAATTTAGTTAGGGTCTCTTTT	457
Query	137941	AGAGTTCTATTCAATTCTTTCTACCTGTCCTGAACTCTGGGGTCTATATGCACAATGTAAT	138000
Sbjct	456	AGAGTTCTATTCAATTCTTTCTACCTGTCCTGAACTCTGGGGTCTATATGCACAATGTAAT	397
Query	138001	TTCCAATCTGTCCCCAGTTGCGAGGCCAATCCCTGACTTACCTGGGCAACAAAAGCTGGC	138060
Sbjct	396	TTCCAATCTGTCCCCAGTTGCGAGGCCAATCCCTGACTTACCTGGGCAACAAAAGCTGGC	337
Query	138061	CCATTATCCGAGCCGATTACCTTAGGTACCCCCAACCCGGGGTAAGATTTCTTCAAGAATC	138120
Sbjct	336	CCATTATCCGAGCCGATTACCTTAGGTACCCCCAACCCGGGGTAAGATTTCTTCAAGAATC	277
Query	138121	TTCTTGGCCACCACCTGAGCAGTTTCGGATTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAA	138180
Sbjct	276	TTCTTGGCCACCACCTGAGCAGTTTCGGATTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAA	217
Query	138181	AAGGTATCAACAAAGACTAATAGATATTTATTACCATATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTA	138240
Sbjct	216	AAGGTATCAACAAAGACTAATAGATATTTATTACCATATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTA	157
Query	138241	AAATCCACTTCCCAGTGGACTCCTGGTCCGTCTCCTCGTCTTCTTTTCCAGGTTCTTGA	138300
Sbjct	156	AAATCCACTTCCCAGTGGACTCCTGGTCCGTCTCCTCGTCTTCTTTTCCAGGTTCTTGA	97
Query	138301	TAGGGCTTAGCGGCGTTAGTAAGTGTACAGGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATT	138360
Sbjct	96	TAGGGCTTAGCGGCGTTAGTAAGTGTACAGGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATT	37
Query	138361	GTTGAATTCAAATTTAACACATGGTATTTAGAAGCT	138396
Sbjct	36	GTTGAATTCAAATTTAACACATGGTATTTAGAAGCT	1

Load next setPrevious Match

Loading alignment... for sequences gi|289579667 AlignDB=on Reading indexes 5-5

[Download GenBankGraphics](#)

Sort by:

Next Previous [Descriptions](#)

Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX-144J13 (Amplicon Express Rat SHR-Akr BAC library) complete sequence

Sequence ID: [gb|AC239813.3|](#)Length: 116507Number of Matches: 553

Related Information

[Map Viewer](#)-aligned genomic context

Range 1: 1 to 116507[GenBankGraphics](#) Next Match Previous Match [First Match](#)

Alignment statistics for match #1

Score Expect Identities Gaps Strand Frame  
2.151e+05 bits(116507) 0.0(0) 116507/116507(100%) 0/116507(0%) Plus/Minus

Features:

Query	108450	AGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATGGAAGAGAGAATCTCAGGAGCAGAAGATTCCATA	108509
Sbjct	116507	AGCTTCACCAACAGAATACAAGAGATGGAAGAGAGAATCTCAGGAGCAGAAGATTCCATA	116448
Query	108510	GAAATCATTGACTCAACTGTCAAAGATAATGTAAAGTGGA AAAAGCTACTGGTCCAAAAC	108569
Sbjct	116447	GAAATCATTGACTCAACTGTCAAAGATAATGTAAAGTGGA AAAAGCTACTGGTCCAAAAC	116388
Query	108570	ATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAG	108629
Sbjct	116387	ATACAGGAAATCCAGGACTCAATGAGAAGATCAAACCTAAGGATAATAGGTATAGAAGAG	116328
Query	108630	AGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAAATATCTTCAACAAAATCATAGAAGAAAAC	108689
Sbjct	116327	AGTGAAGACTCCCAGCTCAAAGGACCAGTAAATATCTTCAACAAAATCATAGAAGAAAAC	116268
Query	108690	TTCCCTAACCTaaaaaaaGAGATACCCATAGGCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAAT	108749
Sbjct	116267	TTCCCTAACCTAAAAAAGAGATACCCATAGGCATACAAGAAGCCTACAGAACTCCAAAT	116208
Query	108750	AGATTGGACCAGAAAAGAAACACCTCCCGTCACATAGTAGTCAAAACACCAAACGCACAA	108809
Sbjct	116207	AGATTGGACCAGAAAAGAAACACCTCCCGTCACATAGTAGTCAAAACACCAAACGCACAA	116148
Query	108810	AATAAAGAAAGAATATTAAAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCAAGTAACATATAAATGGAGA	108869
Sbjct	116147	AATAAAGAAAGAATATTAAAAAGCAGTAAGGGAAAAAGGTCAAGTAACATATAAATGGAGA	116088
Query	108870	CCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAGAGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACT	108929
Sbjct	116087	CCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAGAGACTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACT	116028
Query	108930	GATATCATACAGACACTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAAGTTACTGTTTCCTGCAAAA	108989
Sbjct	116027	GATATCATACAGACACTAAGAGAACACAAATGCCAGCCCAAGTTACTGTTTCCTGCAAAA	115968
Query	108990	CTCTCAATTAAACATAGATGGAGAAACCAAGATATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAA	109049
Sbjct	115967	CTCTCAATTAAACATAGATGGAGAAACCAAGATATTCCATGACAAAACCAAATTTACACAA	115908
Query	109050	TATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGATAATAAATGGTAAAGCCCAACATAAGGAG	109109
Sbjct	115907	TATCTTTCTACAAATCCAGCACTACAAAGGATAATAAATGGTAAAGCCCAACATAAGGAG	115848
Query	109110	GCAACCTATTACCCTAGAAGAAGCAAGAAACTAATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAA	109169
Sbjct	115847	GCAACCTATTACCCTAGAAGAAGCAAGAAACTAATCGTCTTGGGAGCAAAACAAAGAGAA	115788
Query	109170	GAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAATATGAATATAACGGGAAGCAATAATCAC	109229
Sbjct	115787	GAAAAGCACACAAACATAACCTCACATCCAAATATGAATATAACGGGAAGCAATAATCAC	115728
Query	109230	TATTCCTTAATATCTCTCAACATCGATGGCCTCAACTCCCCAATGAAAAGACATAGATTA	109289
Sbjct	115727	TATTCCTTAATATCTCTCAACATCGATGGCCTCAACTCCCCAATGAAAAGACATAGATTA	115668
Query	109290	ACAAACTGGATATGCAATGAAGACCTGCAATTCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACA	109349
Sbjct	115667	ACAAACTGGATATGCAATGAAGACCTGCAATTCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCACA	115608
Query	109350	GACAAAGACAGACACTACCTCAGAGTGAAACGCTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGT	109409
Sbjct	115607	GACAAAGACAGACACTACCTCAGAGTGAAACGCTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGT	115548
Query	109410	TGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCAAATAAAATCAATTTTCAACTAAAA	109469
Sbjct	115547	TGGAAGAAGCAAGCTGGAGTAGCCATTCTAATATCAAATAAAATCAATTTTCAACTAAAA	115488
Query	109470	GTCATCAAAAAGATAAGGAAGGACACTTCATATTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATG	109529
Sbjct	115487	GTCATCAAAAAGATAAGGAAGGACACTTCATATTCATCAAAGGAAAAATCCACCAAGATG	115428
Query	109530	AACTCTCAATCCTAAATATCTATGCCCCAAATACAAGGACACCTACATATGTAAAAGAAA	109589
Sbjct	115427	AACTCTCAATCCTAAATATCTATGCCCCAAATACAAGGACACCTACATATGTAAAAGAAA	115368
Query	109590	CCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCACCTCACACAATAATAGTATGAGATTTCAACA	109649
Sbjct	115367	CCTTACTAAAGCTCAAAACACACATTGCACCTCACACAATAATAGTATGAGATTTCAACA	115308
Query	109650	CTCCACTCTCATCAATGGACAGATCATGGAAACAGAAATTAAACAGAGATGTAGACAGAC	109709

Sbjct	115307	CTCCACTCTCATCAATGGACAGATCATGGAACAGAAATTAACAGAGATGTAGACAGAC	115248
Query	109710	TAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGATTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAG	109769
Sbjct	115247	TAAGAGAAGTCATGAGCCAAATGGATTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCTAAAG	115188
Query	109770	CAAAAGGATATACCTTCTTCTCAGCTCCTCATGGTACTTTCTCTAAAATTGACCATATAA	109829
Sbjct	115187	CAAAAGGATATACCTTCTTCTCAGCTCCTCATGGTACTTTCTCTAAAATTGACCATATAA	115128
Query	109830	TTGGTCAAAAAACGGGCCTCAACAGGTACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCGTGCTAT	109889
Sbjct	115127	TTGGTCAAAAAACGGGCCTCAACAGGTACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCGTGCTAT	115068
Query	109890	CAGACCACCAGGGCCTAAAGCTGGTCTTCAATAACAATAAGGAAAGAATGCCACATATA	109949
Sbjct	115067	CAGACCACCAGGGCCTAAAGCTGGTCTTCAATAACAATAAGGAAAGAATGCCACATATA	115008
Query	109950	CGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACCTGGTCAAGGAAGAAGTAAAGAAAG	110009
Sbjct	115007	CGTGGAAATTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACCTGGTCAAGGAAGAAGTAAAGAAAG	114948
Query	110010	AACTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAATGAAGGTACAACATACCCAAACTTATGGG	110069
Sbjct	114947	AACTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGAAAATGAAGGTACAACATACCCAAACTTATGGG	114888
Query	110070	ACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACCTCATAGCGCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAAC	110129
Sbjct	114887	ACACAATGAAAGCTGTGCTAAGAGGAAAACCTCATAGCGCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAAC	114828
Query	110130	AGGAGAGAGCATATGTCAGCAGCTTGACAGCACACCTAAAAGCTGTAGAACAAAAAGAAG	110189
Sbjct	114827	AGGAGAGAGCATATGTCAGCAGCTTGACAGCACACCTAAAAGCTGTAGAACAAAAAGAAG	114768
Query	110190	CAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGATAGGAAATAATCAAACCTCAGAGCTGACATCAACC	110249
Sbjct	114767	CAAATACACCCAGGAGGAGTAGAAGATAGGAAATAATCAAACCTCAGAGCTGACATCAACC	114708
Query	110250	AAGAAATCAACCAGAAACAAAAAGGACCATAGAAAGAATCAACAGAACCAAAGTTGGTT	110309
Sbjct	114707	AAGAAATCAACCAGAAACAAAAAGGACCATAGAAAGAATCAACAGAACCAAAGTTGGTT	114648
Query	110310	CTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAACACTTAGCCAGACTAATGAGAGGACACAGAGA	110369
Sbjct	114647	CTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAACACTTAGCCAGACTAATGAGAGGACACAGAGA	114588
Query	110370	GTGTGTCCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGAAGACATAACTACAGGTTTCAGAGGA	110429
Sbjct	114587	GTGTGTCCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGAAGACATAACTACAGGTTTCAGAGGA	114528
Query	110430	AATTCCAAAAATCATCAGATCTTTAGTCATAAGGGTAATGCAAATCAAAACAACCCTGAG	110489
Sbjct	114527	AATTCCAAAAATCATCAGATCTTTAGTCATAAGGGTAATGCAAATCAAAACAACCCTGAG	114468
Query	110490	ATTTCACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTG	110549
Sbjct	114467	ATTTCACCTCACACCAGTGAGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCAGGTGACAGCAGATGCTG	114408
Query	110550	GCGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACA	110609
Sbjct	114407	GCGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGGATTGCAGACTGGTACA	114348
Query	110610	ACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTCCCTCAGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGA	110669
Sbjct	114347	ACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGGTTCCCTCAGAAAATTGGACATTGAACTGCCTGAGGA	114288
Query	110670	TCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCCCAACATATAAAAAAGACAC	110729
Sbjct	114287	TCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATATACCCAAAAGATGCCCAACATATAAAAAAGACAC	114228
Query	110730	GTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAG	110789
Sbjct	114227	GTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAG	114168
Query	110790	ATGCCCTTCAACACAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTATACAATGGAATACTA	110849
Sbjct	114167	ATGCCCTTCAACACAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACATCTATACAATGGAATACTA	114108
Query	110850	CTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGTTGGAACCTGGAAAA	110909
Sbjct	114107	CTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTTATGAAATTCATAGGCAAATGGTTGGAACCTGGAAAA	114048
Query	110910	CATCATCCTGAGTGAGGTAACACAATTACAGAAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGAT	110969
Sbjct	114047	CATCATCCTGAGTGAGGTAACACAATTACAGAAAAACACACATGGTGTGCACTCATTGAT	113988
Query	110970	AAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAATTACCCTAGATGCCTAGAACAAATGAACTCAA	111029
Sbjct	113987	AAGTGGCTATTAGCCCAAATGCGTGAATTACCCTAGATGCCTAGAACAAATGAACTCAA	113928

Query	111030	GACGGATGATCAAAATGTGAATGCTTCACTCCTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCCT	111089
Sbjct	113927	GACGGATGATCAAAATGTGAATGCTTCACTCCTTCTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCCT	113868
Query	111090	TGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAACAGAGACTGAAGGAACACCCATTGAGAGCC	111149
Sbjct	113867	TGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAACAGAGACTGAAGGAACACCCATTGAGAGCC	113808
Query	111150	TGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAA	111209
Sbjct	113807	TGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGCCACCCAATTAGACAAGATGGATGAAGCAAA	113748
Query	111210	GAAGTGCAGACTGACAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACA	111269
Sbjct	113747	GAAGTGCAGACTGACAGGAGCCGGATGTAGATCGCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACA	113688
Query	111270	GCAAAATACATCAGCGTATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGTCCCCGTTGA	111329
Sbjct	113687	GCAAAATACATCAGCGTATGCCAGCAGCAAACCACTGAACTGAGAATAGGTCCCCGTTGA	113628
Query	111330	AGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCTCGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAA	111389
Sbjct	113627	AGGAATCAGAGAAAGGACTGGAAGAGCTCGAAGGGGCTCGAGACCCCATATGAACAACAA	113568
Query	111390	TGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGA	111449
Sbjct	113567	TGTCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAAGCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGA	113508
Query	111450	CCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGATCCCAGTGGAAGGGG	111509
Sbjct	113507	CCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATGAATATCCTAGTAAGATCCCAGTGGAAGGGG	113448
Query	111510	AAGCCCTGGGTCTCTGCTAAGACTGAACCCCACTGAACTAGACTTTggagggagggcggc	111569
Sbjct	113447	AAGCCCTGGGTCTCTGCTAAGACTGAACCCCACTGAACTAGACTTTGGAGGGAGGGCGGC	113388
Query	111570	aatgggggggaggatggggaggggaacagccaaaaaagaaggggagggggagggattagggg	111629
Sbjct	113387	AATGGGGGGAGGATGGGGAGGGGAACAGCCAAAAAGAAGGGGAGGGGAGGGATTAGGGG	113328
Query	111630	gaTGTTTGCCGGAACCGGAAAGGGAATAACAATTGAAATGTAAATAAAAAATACCCAAG	111689
Sbjct	113327	GATGTTTGCCGGAACCGGAAAGGGAATAACAATTGAAATGTAAATAAAAAATACCCAAG	113268
Query	111690	TTTATAAAGATGGAGGaaaaaaagTCACCACCCCCAAAAGAAGATACATgatagatagat	111749
Sbjct	113267	TTTATAAAGATGGAGGAAAAAAAGTCACCACCCCCAAAAGAAGATACATGATAGATAGAT	113208
Query	111750	agatagatagatagatagatagatagatTGACAGATCTGTGACTTATTAATAAAGTACAG	111809
Sbjct	113207	AGATAGATAGATAGATAGATAGATAGATTGACAGATCTGTGACTTATTAATAAAGTACAG	113148
Query	111810	ATTCTTTCCACCCAAGAATGTATGTTGATCTTAATAAAAAATACACAACAAAGGGAGCTGT	111869
Sbjct	113147	ATTCTTTCCACCCAAGAATGTATGTTGATCTTAATAAAAAATACACAACAAAGGGAGCTGT	113088
Query	111870	GGTGAGGTTTCAGGTTAGAATGACATAATTGCCTTTTGTTGTAGTCTCTCAGATGTAAGT	111929
Sbjct	113087	GGTGAGGTTTCAGGTTAGAATGACATAATTGCCTTTTGTTGTAGTCTCTCAGATGTAAGT	113028
Query	111930	GAGTTCTTAATTTTCTTCCCTGAATGCCCCTTAGGAATAGGATTATATCTAGGGCATTG	111989
Sbjct	113027	GAGTTCTTAATTTTCTTCCCTGAATGCCCCTTAGGAATAGGATTATATCTAGGGCATTG	112968
Query	111990	TTCATGCTAGAGAAATACTCTACCACTGTCTGTAACCTTTCATGTCTGTAACCCATTAT	112049
Sbjct	112967	TTCATGCTAGAGAAATACTCTACCACTGTCTGTAACCTTTCATGTCTGTAACCCATTAT	112908
Query	112050	TTTCTATAAACTTACAGGGCAAGCTATAGGAAGACTCTCAACTGTCCATTTTGCCATCC	112109
Sbjct	112907	TTTCTATAAACTTACAGGGCAAGCTATAGGAAGACTCTCAACTGTCCATTTTGCCATCC	112848
Query	112110	CAAACTGGTCCATGACTGGGAATGTTTAGTTATCTCATAGAGAAAAGACATGCCTCAGA	112169
Sbjct	112847	CAAACTGGTCCATGACTGGGAATGTTTAGTTATCTCATAGAGAAAAGACATGCCTCAGA	112788
Query	112170	ACACACTGCAGGACAGACAGTAGTATAGGAAGGGTTTGGTTATTGTCTACCTGCACATAT	112229
Sbjct	112787	ACACACTGCAGGACAGACAGTAGTATAGGAAGGGTTTGGTTATTGTCTACCTGCACATAT	112728
Query	112230	GCCAGGAGAGGAAACTGGTTAATCTATCCATATAGTAACATTTACCAAAGCAACCACATA	112289
Sbjct	112727	GCCAGGAGAGGAAACTGGTTAATCTATCCATATAGTAACATTTACCAAAGCAACCACATA	112668
Query	112290	CTATATTGAGTACACAAGGTTAGTAAGACACAGCTAAGATCAGGCTACTTACAGGTACTA	112349
Sbjct	112667	CTATATTGAGTACACAAGGTTAGTAAGACACAGCTAAGATCAGGCTACTTACAGGTACTA	112608
Query	112350	ACATGGACAATTAAACCCATTCAATACAGTAATTACTTGGTAGCGGGTCCGTAACATTGT	112409

Sbjct	112607	ACATGGACAATTAAACCCATTCAATACAGTAATTACTTGGTAGCGGGTCCGTAACATTGT	112548
Query	112410	CTCAGTTTCCAGTATGTCTGTATATGGTTCCTTCTGTGTCAAGGTCAGTTACTAAAGACC	112469
Sbjct	112547	CTCAGTTTCCAGTATGTCTGTATATGGTTCCTTCTGTGTCAAGGTCAGTTACTAAAGACC	112488
Query	112470	ACATGACCTATGGCAGAGAGTAGAAAAACCTCTACCCGACTTCTCTGTATGCTGAAATTT	112529
Sbjct	112487	ACATGACCTATGGCAGAGAGTAGAAAAACCTCTACCCGACTTCTCTGTATGCTGAAATTT	112428
Query	112530	ATTAGCCCTGGTTTGCAAGCATACTGATCCTCATATGTTCCAAGCTTATACAGGCATGCT	112589
Sbjct	112427	ATTAGCCCTGGTTTGCAAGCATACTGATCCTCATATGTTCCAAGCTTATACAGGCATGCT	112368
Query	112590	GTCCTCCAAAAACATTTTACATGTGCTGCACTCCATGCAATGTGCTACTCTGAAGTTTCC	112649
Sbjct	112367	GTCCTCCAAAAACATTTTACATGTGCTGCACTCCATGCAATGTGCTACTCTGAAGTTTCC	112308
Query	112650	AACCAACACTGTTTCAGTTTAAAGATACTTTTGTGTATCAAAAAAGGATTCAATTATCCCAT	112709
Sbjct	112307	AACCAACACTGTTTCAGTTTAAAGATACTTTTGTGTATCAAAAAAGGATTCAATTATCCCAT	112248
Query	112710	CATTGACTCCAGGATAATCTCAATTCTGTACTTTATTGGTGACCTAGAAGAGAGGACAC	112769
Sbjct	112247	CATTGACTCCAGGATAATCTCAATTCTGTACTTTATTGGTGACCTAGAAGAGAGGACAC	112188
Query	112770	AGAGATCTTCTCCAAAACATAAAATAAGTGATACTGAGCTATGGTTCTGAACCCATAGGG	112829
Sbjct	112187	AGAGATCTTCTCCAAAACATAAAATAAGTGATACTGAGCTATGGTTCTGAACCCATAGGG	112128
Query	112830	AACAATAGTGATTACCGAGCTCTGCATAGACAACCTCTTAGCATGCCAACCCCATGCACC	112889
Sbjct	112127	AACAATAGTGATTACCGAGCTCTGCATAGACAACCTCTTAGCATGCCAACCCCATGCACC	112068
Query	112890	TGCACCTACATTCTCTCAAAAGTCTTCATTTAATTGGAGATTATCCAGGTCAACTAAC	112949
Sbjct	112067	TGCACCTACATTCTCTCAAAAGTCTTCATTTAATTGGAGATTATCCAGGTCAACTAAC	112008
Query	112950	AGCACATGTGCTGTAAAGGCAAAAACCAAGTCCAGGAGTTGTAGTAATGGGTCATAAATT	113009
Sbjct	112007	AGCACATGTGCTGTAAAGGCAAAAACCAAGTCCAGGAGTTGTAGTAATGGGTCATAAATT	111948
Query	113010	ATGAACATTTGCTGATCTCTCAAAGTATCCAACCTGGTTCTTATCAAACATCTATATCAGA	113069
Sbjct	111947	ATGAACATTTGCTGATCTCTCAAAGTATCCAACCTGGTTCTTATCAAACATCTATATCAGA	111888
Query	113070	GGATCTTATTCTCTGGTCTTCAAGGTAATGGCATGTGGGAGTCACAGACATAAGTAGGca	113129
Sbjct	111887	GGATCTTATTCTCTGGTCTTCAAGGTAATGGCATGTGGGAGTCACAGACATAAGTAGGCA	111828
Query	113130	aaaaacacttgtagcacaaaaataaatgaaaataaatgtaaacacaaaaccaaaaGAGG	113189
Sbjct	111827	AAAAACACTTGTTAGCACAAAATAAATGAAAATAAATGTAAACAACAAAACCAAAGAGG	111768
Query	113190	AACACCAAATGCATGGTGAAGGCTGACACCATCTATAAAAAGTTATTTCTCTACATGACT	113249
Sbjct	111767	AACACCAAATGCATGGTGAAGGCTGACACCATCTATAAAAAGTTATTTCTCTACATGACT	111708
Query	113250	TGGAAAGTCATTATCCCTGTTGTATGGTTCTCACTGGTGATTTACTGCAAGAAAAATGAG	113309
Sbjct	111707	TGGAAAGTCATTATCCCTGTTGTATGGTTCTCACTGGTGATTTACTGCAAGAAAAATGAG	111648
Query	113310	GAGCATAGCCCTGGGTCTCCTGATTTcttttttttATTTCCTCAGAAACTCTAGAGCAAT	113369
Sbjct	111647	GAGCATAGCCCTGGGTCTCCTGATTTCTTTTTTTATTTCCTCAGAAACTCTAGAGCAAT	111588
Query	113370	GTTTCTGTGATTATAATAAATTAGTCCACAGAGTCAATGAGTGTGGGATATAAAGTACT	113429
Sbjct	111587	GTTTCTGTGATTATAATAAATTAGTCCACAGAGTCAATGAGTGTGGGATATAAAGTACT	111528
Query	113430	ATATTTACGGGATAGTTGAACACATGATGACATGGGTGTAGTATGGTACTGCTTACATCA	113489
Sbjct	111527	ATATTTACGGGATAGTTGAACACATGATGACATGGGTGTAGTATGGTACTGCTTACATCA	111468
Query	113490	TAAAGTGTGTATCCACTGAGTAAGCCAAACTATAGACACAGAAGACACCAACATTCTGTG	113549
Sbjct	111467	TAAAGTGTGTATCCACTGAGTAAGCCAAACTATAGACACAGAAGACACCAACATTCTGTG	111408
Query	113550	TATCCCTGTCTGGCTAGGAACTCACTATGTGACTTGGGGTGCCTGGAAATTCATTACTAC	113609
Sbjct	111407	TATCCCTGTCTGGCTAGGAACTCACTATGTGACTTGGGGTGCCTGGAAATTCATTACTAC	111348
Query	113610	CTCTGAGATCTGAGGCTACAGAAGTGAGATAGGACAACCTTAGTAAAGAAGATGTTCTTAA	113669
Sbjct	111347	CTCTGAGATCTGAGGCTACAGAAGTGAGATAGGACAACCTTAGTAAAGAAGATGTTCTTAA	111288
Query	113670	GTATAAAAGGTTAGTGACCATTTTTTATTCAAAAAATACATTTAAAGGTCTGTCAATA	113729
Sbjct	111287	GTATAAAAGGTTAGTGACCATTTTTTATTCAAAAAATACATTTAAAGGTCTGTCAATA	111228

Query	113730	TAAAGAATGATGAGGCTTAGCACACTTTgaaaaacaagaacaagaatatataaaacacca	113789
Sbjct	111227	TAAAGAATGATGAGGCTTAGCACACTTTGAAAAACAAGAACAAGAATATATAAAACACCA	111168
Query	113790	agaataaaacaaaaacaaaaacaaaaactaaaaacccaaaaacaaaaaagtgaaaacccaa	113849
Sbjct	111167	AGAATAAAACAAAAACAAAAACAAAACTAAAAACCCAAAACAAAAAGTGAAAACCCAA	111108
Query	113850	accatagccaaacagaaaaaTGTTGCTAAGCATTATTCTCTCACTTCAGATTTAACAGCA	113909
Sbjct	111107	ACCATAGCCAAACAGAAAAATGTTGCTAAGCATTATTCTCTCACTTCAGATTTAACAGCA	111048
Query	113910	CAGTCTTACAGGCCATGACTGGTCTGGAGACTTAGTAGCAAGGCAGTCACCTCAGTTCTC	113969
Sbjct	111047	CAGTCTTACAGGCCATGACTGGTCTGGAGACTTAGTAGCAAGGCAGTCACCTCAGTTCTC	110988
Query	113970	TCAAAGGGTGTTGTGCAGAGAAGGAAAGGGAATAGAAGCAACCTGGCTGATTCATTGGCTA	114029
Sbjct	110987	TCAAAGGGTGTTGTGCAGAGAAGGAAAGGGAATAGAAGCAACCTGGCTGATTCATTGGCTA	110928
Query	114030	TATAAAATTAGGGCCTATTTCAGACTAAGGAAACAAAATATGAGGAAGGAAACTCATCCAA	114089
Sbjct	110927	TATAAAATTAGGGCCTATTTCAGACTAAGGAAACAAAATATGAGGAAGGAAACTCATCCAA	110868
Query	114090	GGAATTCTATATTTGCTGGGGATGAAGCTGCTGATATAACATCTATTTCTGCAGTAGGTT	114149
Sbjct	110867	GGAATTCTATATTTGCTGGGGATGAAGCTGCTGATATAACATCTATTTCTGCAGTAGGTT	110808
Query	114150	CTCTTTCTTAGCTGGGACAAATTCAGTTCATGCTGCAGTCTCTCAGACCTCAGAGATGA	114209
Sbjct	110807	CTCTTTCTTAGCTGGGACAAATTCAGTTCATGCTGCAGTCTCTCAGACCTCAGAGATGA	110748
Query	114210	TGACAGTTATGATATAGGCTTAGTGAAGTTCTGCCATACCAACTGTGAGGCTGATAACTC	114269
Sbjct	110747	TGACAGTTATGATATAGGCTTAGTGAAGTTCTGCCATACCAACTGTGAGGCTGATAACTC	110688
Query	114270	CCATACACTCAATAATACAAGAAAGTTAACACTAATCTTTTAAATGAAATCATTGTTTAT	114329
Sbjct	110687	CCATACACTCAATAATACAAGAAAGTTAACACTAATCTTTTAAATGAAATCATTGTTTAT	110628
Query	114330	ACTCCCAATGAATAAAAGTCACAACAGATATCTTTATGTAAAATAAGCTACAGTAGTCAA	114389
Sbjct	110627	ACTCCCAATGAATAAAAGTCACAACAGATATCTTTATGTAAAATAAGCTACAGTAGTCAA	110568
Query	114390	TATCATATGAGCAATATACATATTACTCATGATGAGTTACTGGTGGTACACATCATTTTA	114449
Sbjct	110567	TATCATATGAGCAATATACATATTACTCATGATGAGTTACTGGTGGTACACATCATTTTA	110508
Query	114450	TAGTTAAACATAAGGCAGTCTTGCGAGCCTTTGCAACTGAACAAGTTCATGAGGTTAGGTC	114509
Sbjct	110507	TAGTTAAACATAAGGCAGTCTTGCGAGCCTTTGCAACTGAACAAGTTCATGAGGTTAGGTC	110448
Query	114510	TGGAAACTCTTTAACCTACTGTATCCAGAGAATGGATAGAAATGTGTAAATACTGGGGGG	114569
Sbjct	110447	TGGAAACTCTTTAACCTACTGTATCCAGAGAATGGATAGAAATGTGTAAATACTGGGGGG	110388
Query	114570	AGTATCATTAAAGAAGTGGAACCTGATGTTTCTGATGaaaaaaaTATAATTATAGCCAGC	114629
Sbjct	110387	AGTATCATTAAAGAAGTGGAACCTGATGTTTCTGATGAAAAAATATAATTATAGCCAGC	110328
Query	114630	CAAGGGTCCAGGTTAATTGATTCTGTTGGTCTTCTTGTAGAATTCTATCCCTTTTGGC	114689
Sbjct	110327	CAAGGGTCCAGGTTAATTGATTCTGTTGGTCTTCTTGTAGAATTCTATCCCTTTTGGC	110268
Query	114690	CTATAATCCTTCCTTCTGTTCTTCCTTAAGAGTCCCTAAGCTCCATCCATTGTTTACCTG	114749
Sbjct	110267	CTATAATCCTTCCTTCTGTTCTTCCTTAAGAGTCCCTAAGCTCCATCCATTGTTTACCTG	110208
Query	114750	TGGCTGTCTGCATCTGTCTGTATCAGATAACCAGTTCTTAACAGTCAGCTCTTTATAACT	114809
Sbjct	110207	TGGCTGTCTGCATCTGTCTGTATCAGATAACCAGTTCTTAACAGTCAGCTCTTTATAACT	110148
Query	114810	CTGGTTTATCCAAGATGGAAAACCAACTTCCTTCTGCCTCTCTCTTTACTCTCTAAGCTC	114869
Sbjct	110147	CTGGTTTATCCAAGATGGAAAACCAACTTCCTTCTGCCTCTCTCTTTACTCTCTAAGCTC	110088
Query	114870	CTGATTCTTTTCATGTAGACTCCTCAGTCTTGCAAACATAATAGGGGTCAATTCTCTAGGG	114929
Sbjct	110087	CTGATTCTTTTCATGTAGACTCCTCAGTCTTGCAAACATAATAGGGGTCAATTCTCTAGGG	110028
Query	114930	ACTAGCTGAAAGCCCTAATGAACAGTTGGGTGTTGTTACAACACTGGTGACATCAGAGGA	114989
Sbjct	110027	ACTAGCTGAAAGCCCTAATGAACAGTTGGGTGTTGTTACAACACTGGTGACATCAGAGGA	109968
Query	114990	TGCTAAGAGCTATCCAGGATACAATAGAATGTCCAGACAAGGGAGTGCTGATGTCATGAA	115049
Sbjct	109967	TGCTAAGAGCTATCCAGGATACAATAGAATGTCCAGACAAGGGAGTGCTGATGTCATGAA	109908
Query	115050	GAACAGACTTTGCTTTCTGCTAATGTTCTTCTCTATCTGACCAAAAGCTGACAAACCCTT	115109

Sbjct	109907	GAACAGACTTTGCTTTCTGCTAATGTTCTTCTTATTCTGACCAAAAGCTGACAAACCCTT	109848
Query	115110	TCTGGGAGACTCTCCTGGAGCATAGCCATTGATTAACTCCTTCTTCCAAAACAAGATTTC	115169
Sbjct	109847	TCTGGGAGACTCTCCTGGAGCATAGCCATTGATTAACTCCTTCTTCCAAAACAAGATTTC	109788
Query	115170	TGAGTGCCAAAACCAGAGACAACCTGATGGCCAGAGGCAAGTGCAGGAACCAAAGCAACA	115229
Sbjct	109787	TGAGTGCCAAAACCAGAGACAACCTGATGGCCAGAGGCAAGTGCAGGAACCAAAGCAACA	109728
Query	115230	GAAACCAAGACTACTTGGCATCATCAGAGCCCAGTTCTCCCAACAAAGCAAATACTGAAC	115289
Sbjct	109727	GAAACCAAGACTACTTGGCATCATCAGAGCCCAGTTCTCCCAACAAAGCAAATACTGAAC	109668
Query	115290	ATCCAAACACAGCAGAAAAGCAAGATCTAAAATCACATCTCATGAGGAAGATAGAGAACT	115349
Sbjct	109667	ATCCAAACACAGCAGAAAAGCAAGATCTAAAATCACATCTCATGAGGAAGATAGAGAACT	109608
Query	115350	TTAAGAAGGACATAAGTCCCTTaaaaaaaTTACAGGACAACACAAGTAAACAAGTAGAAA	115409
Sbjct	109607	TTAAGAAGGACATAAGTCCCTTAAAAAAATTACAGGACAACACAAGTAAACAAGTAGAAA	109548
Query	115410	CCCTTAAAGAGGAAACACAAAAATCACTTAAAGAATGACAGGAAAACACAACCAGGTGAA	115469
Sbjct	109547	CCCTTAAAGAGGAAACACAAAAATCACTTAAAGAATGACAGGAAAACACAACCAGGTGAA	109488
Query	115470	AGAATTGAACAAAACCATCCATGATTTAAAAATAAAAAATAGAAGCAATAAATAAAGCACA	115529
Sbjct	109487	AGAATTGAACAAAACCATCCATGATTTAAAAATAAAAAATAGAAGCAATAAATAAAGCACA	109428
Query	115530	AAGGTGTCGATGCCCGCACTGACACGGCACCAAGAGTTGGGCGTAAGCTTGTGGGATTAA	115589
Sbjct	109427	AAGGTGTCGATGCCCGCACTGACACGGCACCAAGAGTTGGGCGTAAGCTTGTGGGATTAA	109368
Query	115590	AGAACACACACAGGTTTATTAGTGTTAAGCAAGAAAAGGAAGAGGGTCCTGTAGCTTTAT	115649
Sbjct	109367	AGAACACACACAGGTTTATTAGTGTTAAGCAAGAAAAGGAAGAGGGTCCTGTAGCTTTAT	109308
Query	115650	TCACCGAATATATACTCCAAGTTTGAAAGATCCCACACAGAGAGACCCTTACTCAAGTCT	115709
Sbjct	109307	TCACCGAATATATACTCCAAGTTTGAAAGATCCCACACAGAGAGACCCTTACTCAAGTCT	109248
Query	115710	TGGGAAATCGCGGACCCCAGACACAGAGAGACCATTTTGATGTAATAAGCAAAGGTGAG	115769
Sbjct	109247	TGGGAAATCGCGGACCCCAGACACAGAGAGACCATTTTGATGTAATAAGCAAAGGTGAG	109188
Query	115770	ATTTATTACAGAGACCTATTACGGAGATCCCTGGGCGACACATATCCCACGCAGGAGTCA	115829
Sbjct	109187	ATTTATTACAGAGACCTATTACGGAGATCCCTGGGCGACACATATCCCACGCAGGAGTCA	109128
Query	115830	GAGGTGTCGACCCCCGAGAGGCTGGGAGAAAAGATATTTAAAGGCAGAGGCTGTGAGCCCA	115889
Sbjct	109127	GAGGTGTCGACCCCCGAGAGGCTGGGAGAAAAGATATTTAAAGGCAGAGGCTGTGAGCCCA	109068
Query	115890	GGGGATGGGGGATTTCAAAGGGGAAGGCACCACAAGTTACAGGATTGTTTTATGGCTCCA	115949
Sbjct	109067	GGGGATGGGGGATTTCAAAGGGGAAGGCACCACAAGTTACAGGATTGTTTTATGGCTCCA	109008
Query	115950	GGAGATAAGGGGTTTATtaaaataaaaataaaaataaaaataaaaataaaaataaaaataa	116009
Sbjct	109007	GGAGATAAGGGGTTTATTAATAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA	108948
Query	116010	aataaataaaaataaaaataaaaataaaaacaaaaGGTTTTATTGCCCCCTGATTCTCTGGAAC	116069
Sbjct	108947	AATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA	108888
Query	116070	AGAGCTACTAAATCAGGAGAACGGTCGGGTCTTCAGGTCCTCATTATTTTTAAAAGTTTG	116129
Sbjct	108887	AGAGCTACTAAATCAGGAGAACGGTCGGGTCTTCAGGTCCTCATTATTTTTAAAAGTTTG	108828
Query	116130	TCAAAATTGATGGAGCATTTGTATTTGAAACACCTCTGGTTAGGCTTGGGCTGCCCGGTT	116189
Sbjct	108827	TCAAAATTGATGGAGCATTTGTATTTGAAACACCTCTGGTTAGGCTTGGGCTGCCCGGTT	108768
Query	116190	TCCTGGAGTGCTCTCTGCAGGACACAATGGCTGGAAAACACAAGTAGGGGCTTCTCAGGG	116249
Sbjct	108767	TCCTGGAGTGCTCTCTGCAGGACACAATGGCTGGAAAACACAAGTAGGGGCTTCTCAGGG	108708
Query	116250	TCTGGAGGACATCTGGTTAAAGTATGATTCTGAGTAAGCTGGGGGATGTCTGTGGATGGT	116309
Sbjct	108707	TCTGGAGGACATCTGGTTAAAGTATGATTCTGAGTAAGCTGGGGGATGTCTGTGGATGGT	108648
Query	116310	TTATGGGTCAGTCCCTTGATAGCCTGAGCTGGTTTTTGTATTCCtttttttttATCTTCAT	116369
Sbjct	108647	TTATGGGTCAGTCCCTTGATAGCCTGAGCTGGTTTTTGTATTCTTTTTTTTTTATCTTCAT	108588
Query	116370	GGCCTGCTATTCTCTGGCGCAGGGCTTAGCTCTGAGTTTGTGGCTTTTGGGGCTTACTCT	116429
Sbjct	108587	GGCCTGCTATTCTCTGGCGCAGGGCTTAGCTCTGAGTTTGTGGCTTTTGGGGCTTACTCT	108528



Query	116430	TTTAATTTTATATTTCTAAACGTAGAAATTCGTATAATTCTCCTTTCAGAAGTTCGAGCGT	116489
Sbjct	108527	TTTAATTTTATATTTCTAAACGTAGAAATTCGTATAATTCTCCTTTCAGAAGTTCGAGCGT	108468
Query	116490	GCCAGAGGCTGAAGGGCCAGCCTCGGCTGAGGCTGCAAAAACCTAACCTAGCTCTTACTA	116549
Sbjct	108467	GCCAGAGGCTGAAGGGCCAGCCTCGGCTGAGGCTGCAAAAACCTAACCTAGCTCTTACTA	108408
Query	116550	TTAATAAAAAAGCTTTGGATGTTaaaaaaagaaaaaaaGATCATATTTTATAAGGTTATT	116609
Sbjct	108407	TTAATAAAAAAGCTTTGGATGTTAAAAAAGAAAAAAGATCATATTTTATAAGGTTATT	108348
Query	116610	TATGTAATGAATTATATAAGGTTAAAAAGTTTACCTTACTTGATATAGGAGCATTCTACC	116669
Sbjct	108347	TATGTAATGAATTATATAAGGTTAAAAAGTTTACCTTACTTGATATAGGAGCATTCTACC	108288
Query	116670	AGACCTCTCTTTAAATTCCAAGCAAGGTTCTTAACTCACTTCCAGAAATGGGACATTGCT	116729
Sbjct	108287	AGACCTCTCTTTAAATTCCAAGCAAGGTTCTTAACTCACTTCCAGAAATGGGACATTGCT	108228
Query	116730	GATTGATTGGACTATATTGGATTAATCTTGTCTGGCCATGTATGGGGATGGTGTTAAGGA	116789
Sbjct	108227	GATTGATTGGACTATATTGGATTAATCTTGTCTGGCCATGTATGGGGATGGTGTTAAGGA	108168
Query	116790	CATTCGCCTTGGACTGCAACTTGTAACAGTAGATCAGAGGtttttttttttttttttttATCA	116849
Sbjct	108167	CATTCGCCTTGGACTGCAACTTGTAACAGTAGATCAGAGGTTTTTTTTTTTTTTTTTATCA	108108
Query	116850	TTTATCAAACAATGTCTTTTATTGCAACAGATTATCATCAGCCAAAACAAGAAAGAGCTA	116909
Sbjct	108107	TTTATCAAACAATGTCTTTTATTGCAACAGATTATCATCAGCCAAAACAAGAAAGAGCTA	108048
Query	116910	GGCAAACCTTGTGACAAAAGAAAAAGAAATGCAAATAGCAGGAATGAGACCTTTCACAG	116969
Sbjct	108047	GGCAAACCTTGTGACAAAAGAAAAAGAAATGCAAATAGCAGGAATGAGACCTTTCACAG	107988
Query	116970	ATATTAAACTGAGAGTGGAGGAAAGTCAAAGAAAAAATGGGTGTTAGTAAACAACAGGTG	117029
Sbjct	107987	ATATTAAACTGAGAGTGGAGGAAAGTCAAAGAAAAAATGGGTGTTAGTAAACAACAGGTG	107928
Query	117030	AGCCACCTTCCCAGTTGTGGCTCATTTCTGGAATTCAGAATTTATATTCATTATTAATAA	117089
Sbjct	107927	AGCCACCTTCCCAGTTGTGGCTCATTTCTGGAATTCAGAATTTATATTCATTATTAATAA	107868
Query	117090	CCTATTAAATATGTTAATACTACCTCACACCTGTTCAAACCTTACAGTACCTGTAATATA	117149
Sbjct	107867	CCTATTAAATATGTTAATACTACCTCACACCTGTTCAAACCTTACAGTACCTGTAATATA	107808
Query	117150	GACTATTATAAAAAATACTATGATCCCTGGTAGGCTGAGATTAGTAACCTTAGCTTCACAT	117209
Sbjct	107807	GACTATTATAAAAAATACTATGATCCCTGGTAGGCTGAGATTAGTAACCTTAGCTTCACAT	107748
Query	117210	CTCTCTTTTAACCACATAGACTTCTCCACCATGAAGGACTATATTCAAATAGAGTCCTTCT	117269
Sbjct	107747	CTCTCTTTTAACCACATAGACTTCTCCACCATGAAGGACTATATTCAAATAGAGTCCTTCT	107688
Query	117270	ATATTGGAACATATTCCAGGATGTGAAATAATTGCTTCCTTTTTTGTACACCTGCTGTCAT	117329
Sbjct	107687	ATATTGGAACATATTCCAGGATGTGAAATAATTGCTTCCTTTTTTGTACACCTGCTGTCAT	107628
Query	117330	GTATTAGTCCATAGAAAAAGAAGATTACATAGTACATCTACTTAATCCTTCCAGCTACT	117389
Sbjct	107627	GTATTAGTCCATAGAAAAAGAAGATTACATAGTACATCTACTTAATCCTTCCAGCTACT	107568
Query	117390	GAAAGTCTGCTTCTTCTATATCCACAGAAAGCCTTCTTTTCTGAAGTAAATATACTCAGC	117449
Sbjct	107567	GAAAGTCTGCTTCTTCTATATCCACAGAAAGCCTTCTTTTCTGAAGTAAATATACTCAGC	107508
Query	117450	TAATGACTTTTTTCCAAGAGAGGGAAGTATCAAGAAATATGTACCACAGTCAGT	117509
Sbjct	107507	TAATGACTTTTTTCCAAGAGAGGGAAGTATCAAGAAATATGTACCACAGTCAGT	107448
Query	117510	AAATACAAACTTGTACAATCGCTAGTCACCTAAGGGACTAATTAAAGCCTGCCTATGGTT	117569
Sbjct	107447	AAATACAAACTTGTACAATCGCTAGTCACCTAAGGGACTAATTAAAGCCTGCCTATGGTT	107388
Query	117570	TTAATTCAACCAATAGATGTTCAATTGAAGTTATGTACCAGTTTCTGGGTCACCTTCTAAG	117629
Sbjct	107387	TTAATTCAACCAATAGATGTTCAATTGAAGTTATGTACCAGTTTCTGGGTCACCTTCTAAG	107328
Query	117630	ATCCAGGATGTAAAAGGAAAGATAAATATTAGAAATATATGTTCTCCAGGCATAAAGTA	117689
Sbjct	107327	ATCCAGGATGTAAAAGGAAAGATAAATATTAGAAATATATGTTCTCCAGGCATAAAGTA	107268
Query	117690	AAGTGCCTAACATGTCTGATGAGGGAATTAAGAAATTAATGAAGGTTTGTATTGTAGTG	117749
Sbjct	107267	AAGTGCCTAACATGTCTGATGAGGGAATTAAGAAATTAATGAAGGTTTGTATTGTAGTG	107208
Query	117750	TGTGATCTGGTAAACAACAGCTTACCCTTACTGCCCATCCTGGACTATTGTAAATGTTAG	117809

Sbjct	107207	TGTGATCTGGTAACAACACAGCTTACCCTTACTGCCCATCCTGGACTATTGTAAATGTTAG	107148
Query	117810	GGAAGTCCCAACCAATGCTGTTTCATATATGCTGGTCAGTTCTCCTAGAAAAATTATCTGT	117869
Sbjct	107147	GGAAGTCCCAACCAATGCTGTTTCATATATGCTGGTCAGTTCTCCTAGAAAAATTATCTGT	107088
Query	117870	TTTTCTAAGCCCCCATACTCCCAACCTCCTGGTATAAAATCTGTTAAGGTTGTCAAAGAC	117929
Sbjct	107087	TTTTCTAAGCCCCCATACTCCCAACCTCCTGGTATAAAATCTGTTAAGGTTGTCAAAGAC	107028
Query	117930	TAGCTTTGACACCACAGCATAAACTGAGGCAGGTAGCAAGGTATGGGGTTGGTGATCATG	117989
Sbjct	107027	TAGCTTTGACACCACAGCATAAACTGAGGCAGGTAGCAAGGTATGGGGTTGGTGATCATG	106968
Query	117990	GCCAGTGCTGATTGGACCTGGCTGGGTCAACTGGCTCGGAGTAAGTGTTGATAGCAACCA	118049
Sbjct	106967	GCCAGTGCTGATTGGACCTGGCTGGGTCAACTGGCTCGGAGTAAGTGTTGATAGCAACCA	106908
Query	118050	ATGATTAGAGAAATCACTACTGGATTAGCAACCTGCTGGCAGGTATGATTAGAGAAATCA	118109
Sbjct	106907	ATGATTAGAGAAATCACTACTGGATTAGCAACCTGCTGGCAGGTATGATTAGAGAAATCA	106848
Query	118110	CTCAGCAGACTTTTCTGTGAGATAACAAACCTTGATTTCATTGGGACTAGACACTCCCAGT	118169
Sbjct	106847	CTCAGCAGACTTTTCTGTGAGATAACAAACCTTGATTTCATTGGGACTAGACACTCCCAGT	106788
Query	118170	GGCCAGGAAGAAACTCTCAATTCTTTAACTCTTAGAGGTCAACAAGAAAAGGAAAGAGA	118229
Sbjct	106787	GGCCAGGAAGAAACTCTCAATTCTTTAACTCTTAGAGGTCAACAAGAAAAGGAAAGAGA	106728
Query	118230	AAATTCATacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCA	118289
Sbjct	106727	AAATTCATACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACCA	106668
Query	118290	Ggagagagagagagagagagagaaagagagagagagagagagagagagagagagagagagag	118349
Sbjct	106667	GGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG	106608
Query	118350	agagagagaCTTAGTGAATGAAGCAAAGCAGGCTACAATAACTTCACACATGCACATACA	118409
Sbjct	106607	AGAGAGAGACTTAGTGAATGAAGCAAAGCAGGCTACAATAACTTCACACATGCACATACA	106548
Query	118410	TACAAATACATACACAGACTGAATGGATAAAGCAAAGCTGAAACAAACAGACTCTAAGCA	118469
Sbjct	106547	TACAAATACATACACAGACTGAATGGATAAAGCAAAGCTGAAACAAACAGACTCTAAGCA	106488
Query	118470	TTTTACACATATACACATTTAGTAAATGGAGTAGGCTTCAACAAATTAattttttttCTCC	118529
Sbjct	106487	TTTTACACATATACACATTTAGTAAATGGAGTAGGCTTCAACAAATTATTTTTTTTCTCC	106428
Query	118530	CACTGAAAGGTAAAAGTTTTAAAGTTGCCCCCTAGACACAAAGTTTAGAGCAGAAGAAA	118589
Sbjct	106427	CACTGAAAGGTAAAAGTTTTAAAGTTGCCCCCTAGACACAAAGTTTAGAGCAGAAGAAA	106368
Query	118590	AATAAGAACAATAAGAATTGTATGTTCCGAGAAGCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTA	118649
Sbjct	106367	AATAAGAACAATAAGAATTGTATGTTCCGAGAAGCCTCTCCTAGGGCTATAAAATGGGTA	106308
Query	118650	ATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGA	118709
Sbjct	106307	ATTACATTGGCCAGCTCAACAGCTTTCTCCCAGAACTAGCTGACCATAAATCTTAGAGA	106248
Query	118710	AAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACA	118769
Sbjct	106247	AAAATCTTGAGAAGCAGGAAGCAACTTCTCCTAGGAACGAGCAGACCATGAAGTTAAACA	106188
Query	118770	ATCTGAGAAGCAGGAGACGGCTCCTCCTACGAGACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTC	118829
Sbjct	106187	ATCTGAGAAGCAGGAGACGGCTCCTCCTACGAGACAATCTTGGGAGACAGAGAGTTTTTC	106128
Query	118830	CTTGTGATTTTTCACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGG	118889
Sbjct	106127	CTTGTGATTTTTCACTGTTATTCTACACACTTTCCAATGACACCATCCCTGCCCCCTCGG	106068
Query	118890	GTTGTGGTTTTCTCCCTTTTAAATAGCTCTTCTCCCAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGC	118949
Sbjct	106067	GTTGTGGTTTTCTCCCTTTTAAATAGCTCTTCTCCCAGCCTCTAGGGGTGCAACCCCACTGC	106008
Query	118950	CCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACTGCACTGGTTGCTATCGATAAACCTCATGT	119009
Sbjct	106007	CCCTGCGTGGGATACAAGTCTCGACCCCACTGCACTGGTTGCTATCGATAAACCTCATGT	105948
Query	119010	GATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTTGGGGAGTCGTGTCATCCTGAGACTTGA	119069
Sbjct	105947	GATTACAACAAGGATGGTCTTGTGTGAGTTCTTGGGGAGTCGTGTCATCCTGAGACTTGA	105888
Query	119070	ATGAGGGTGTCACTACTCCAGGGGTCTTTTACCACAACCTTATATATCCCAGCAAATCTT	119129
Sbjct	105887	ATGAGGGTGTCACTACTCCAGGGGTCTTTTACCACAACCTTATATATCCCAGCAAATCTT	105828

Query	119130	TCAATCAATATAGAATGACAATGTGATTACATTCTAGtttttttttCTAGTGAATGACTA	119189
Sbjct	105827	TCAATCAATATAGAATGACAATGTGATTACATTCTAGTTTTTTTTTCTAGTGAATGACTA	105768
Query	119190	ATGAAAAAACAGTATGTTCCCAATAACTTTACATGAAAAGACACTACATAGTAAAGATA	119249
Sbjct	105767	ATGAAAAAACAGTATGTTCCCAATAACTTTACATGAAAAGACACTACATAGTAAAGATA	105708
Query	119250	AAGAAAACAAATCTTTGAAGTTAACACCCGACTTGAGGGTATCAAACTAGTATACCTGT	119309
Sbjct	105707	AAGAAAACAAATCTTTGAAGTTAACACCCGACTTGAGGGTATCAAACTAGTATACCTGT	105648
Query	119310	GCAATAAGGTCTGGTTTCAGTATGGAACACTAGATCTGTAGGACCGAACAGCCTTACATC	119369
Sbjct	105647	GCAATAAGGTCTGGTTTCAGTATGGAACACTAGATCTGTAGGACCGAACAGCCTTACATC	105588
Query	119370	TAGGAGGTCACAAAAACATGGAGATGGAGAACGATGCAATAAGCAATAGGTTTAATGATC	119429
Sbjct	105587	TAGGAGGTCACAAAAACATGGAGATGGAGAACGATGCAATAAGCAATAGGTTTAATGATC	105528
Query	119430	CAATGCACTGAGGTGGCCCTGTAATCGGGACAGAGGTGACCTCAAAGAACAAAAGCACAC	119489
Sbjct	105527	CAATGCACTGAGGTGGCCCTGTAATCGGGACAGAGGTGACCTCAAAGAACAAAAGCACAC	105468
Query	119490	ACCCTTTTATACTATTTTCAGGATTATAGACTTTAAGTTACTTCTCATTGGTTGGGCCTATT	119549
Sbjct	105467	ACCCTTTTATACTATTTTCAGGATTATAGACTTTAAGTTACTTCTCATTGGTTGGGCCTATT	105408
Query	119550	ACCTTTTGAATTCATTGTCACCTATTGTCCTTTGAGTTTATTGGAGGCCCTTGGTGGGAA	119609
Sbjct	105407	ACCTTTTGAATTCATTGTCACCTATTGTCCTTTGAGTTTATTGGAGGCCCTTGGTGGGAA	105348
Query	119610	AATATCTTCAGCACTCAGAGGGGGTAGTGAAGGATCCTGCCCCACAGTGGTTAGCTCAT	119669
Sbjct	105347	AATATCTTCAGCACTCAGAGGGGGTAGTGAAGGATCCTGCCCCACAGTGGTTAGCTCAT	105288
Query	119670	TCATGCGGATGGGGTGGTAAGGGTGGTTAACTCATTTTCTGGAACAGGGTCTTATCCTAT	119729
Sbjct	105287	TCATGCGGATGGGGTGGTAAGGGTGGTTAACTCATTTTCTGGAACAGGGTCTTATCCTAT	105228
Query	119730	ATTCTACCTGGTGTGTTTGCCTAAGGCAGCCTTTGTCCTTAAGTTTGAATCCTTACACATCTA	119789
Sbjct	105227	ATTCTACCTGGTGTGTTTGCCTAAGGCAGCCTTTGTCCTTAAGTTTGAATCCTTACACATCTA	105168
Query	119790	ATTGTCGGCGCCAGCACTGACACAGTACCGAGAATCAGGCAAAAGCCTGTGGGATTAAAG	119849
Sbjct	105167	ATTGTCGGCGCCAGCACTGACACAGTACCGAGAATCAGGCAAAAGCCTGTGGGATTAAAG	105108
Query	119850	AAacacacacacacacacagAGGTTATTCTGTGTCAAGCCAGAAGAGAAAAGGCTCTCCTATA	119909
Sbjct	105107	AAACACACACACACACAGAGGTTATTCTGTGTCAAGCCAGAAGAGAAAAGGCTCTCCTATA	105048
Query	119910	ACTTTATTGACCAACTATATACCCCAAGTACACCAGGGAGAAAAATATTTGGGAAGCACAG	119969
Sbjct	105047	ACTTTATTGACCAACTATATACCCCAAGTACACCAGGGAGAAAAATATTTGGGAAGCACAG	104988
Query	119970	TGGGAAACCCCTGGCTGGGAGACTTCGGCCTGAATAAAGTAGGGAAATATTCAGGAAGACCA	120029
Sbjct	104987	TGGGAAACCCCTGGCTGGGAGACTTCGGCCTGAATAAAGTAGGGAAATATTCAGGAAGACCA	104928
Query	120030	GCCTAAATCTTAAAGACAAAGACCGAGAAAAACAAAAGGCAGGAAAGATTACCCAGGTGT	120089
Sbjct	104927	GCCTAAATCTTAAAGACAAAGACCGAGAAAAACAAAAGGCAGGAAAGATTACCCAGGTGT	104868
Query	120090	GAGGTACCAGGCAAGACTGCTCCTTTGTTAGGAACAGAAGGCTTCAGCAGGGATCAGCAG	120149
Sbjct	104867	GAGGTACCAGGCAAGACTGCTCCTTTGTTAGGAACAGAAGGCTTCAGCAGGGATCAGCAG	104808
Query	120150	GAGTCAAACCTGCAAGAGACTCAGAAGGATTTTGTGTTGGGCTGAAAGCATTCTGTGATT	120209
Sbjct	104807	GAGTCAAACCTGCAAGAGACTCAGAAGGATTTTGTGTTGGGCTGAAAGCATTCTGTGATT	104748
Query	120210	GTAATCTTTTTGTGCCGTAAATAATCTTAACTGTGGCCATACAGTCACAAAGCGGCTAGG	120269
Sbjct	104747	GTAATCTTTTTGTGCCGTAAATAATCTTAACTGTGGCCATACAGTCACAAAGCGGCTAGG	104688
Query	120270	TCCAAATCCAATATGACTCCCTGCATCTCCCCATTTTCTTTTATAAAAGACCATTAGG	120329
Sbjct	104687	TCCAAATCCAATATGACTCCCTGCATCTCCCCATTTTCTTTTATAAAAGACCATTAGG	104628
Query	120330	TGGAAGTAGTGGTCTGAGAGAGATCAAACATGCCTCACAGAGTGCCAGCTCGGCCATGG	120389
Sbjct	104627	TGGAAGTAGTGGTCTGAGAGAGATCAAACATGCCTCACAGAGTGCCAGCTCGGCCATGG	104568
Query	120390	CGAGCCACTCTTGCAGTTAGGACTGCACCCCAATGGCTAGGAATGAACTTATGCTATAAC	120449
Sbjct	104567	CGAGCCACTCTTGCAGTTAGGACTGCACCCCAATGGCTAGGAATGAACTTATGCTATAAC	104508
Query	120450	ACACCATTCTGGGCTATACGTGTATGTTATTTGGGGGAGAACTGGGCAGAGGAGCATTT	120509

Sbjct	104507	ACACCATTCTGGGCTATACGTGTATGTTATTTGGGGGAGAACTGGGCAGAGGAGCATTT	104448
Query	120510	GACTGGCCCGTATGTTTAAACGGGGTGTAGCCACCTCTGTCTTAGGATCGACCTCTCGAA	120569
Sbjct	104447	GACTGGCCCGTATGTTTAAACGGGGTGTAGCCACCTCTGTCTTAGGATCGACCTCTCGAA	104388
Query	120570	CCCCAGCCTTATCCGTCATAGGATCACCTTGTGCGCCCCAAGGTTCCATTGTCTTAGATT	120629
Sbjct	104387	CCCCAGCCTTATCCGTCATAGGATCACCTTGTGCGCCCCAAGGTTCCATTGTCTTAGATT	104328
Query	120630	GGTCAAGGGTCAGAGGAAGTTCCCCTTTGCTGAGGATAGCTACAATGGGTCATCTTCTCA	120689
Sbjct	104327	GGTCAAGGGTCAGAGGAAGTTCCCCTTTGCTGAGGATAGCTACAATGGGTCATCTTCTCA	104268
Query	120690	TTCTCTTACTTGAGCCCAGGGGTGAAAGAGCAGGGGCCAGATGGCATTAAATTTAGGAGA	120749
Sbjct	104267	TTCTCTTACTTGAGCCCAGGGGTGAAAGAGCAGGGGCCAGATGGCATTAAATTTAGGAGA	104208
Query	120750	TTGTGGAAGTTGAGCCTCTCCCGGTATGTAGTGGGCACCTCATCTTGTTTCGTTGTCTCTC	120809
Sbjct	104207	TTGTGGAAGTTGAGCCTCTCCCGGTATGTAGTGGGCACCTCATCTTGTTTCGTTGTCTCTC	104148
Query	120810	TGGTTCTCTTCAGCTGCTACGGTCATCTAATTATTTTATAGGATCTTCATACATACTGTC	120869
Sbjct	104147	TGGTTCTCTTCAGCTGCTACGGTCATCTAATTATTTTATAGGATCTTCATACATACTGTC	104088
Query	120870	AGCAGTCTGGTAAATGAAAAGAGGTTAAGCCCAAGCATTTACCTATCTTTGCTCCTTTCT	120929
Sbjct	104087	AGCAGTCTGGTAAATGAAAAGAGGTTAAGCCCAAGCATTTACCTATCTTTGCTCCTTTCT	104028
Query	120930	GACTGTTCTTCTTGTTCCCTTATACAACTTCTCTTAGCCATGAAACCTTCACCACATGAA	120989
Sbjct	104027	GACTGTTCTTCTTGTTCCCTTATACAACTTCTCTTAGCCATGAAACCTTCACCACATGAA	103968
Query	120990	GCTATGACCTTTGATCCAGCTAACAACTGCCTTCTTGCTGCTACAGACCTGTTTCCATG	121049
Sbjct	103967	GCTATGACCTTTGATCCAGCTAACAACTGCCTTCTTGCTGCTACAGACCTGTTTCCATG	103908
Query	121050	CCTCCAAAAACCCAACCACTGTCTCAGTTTCTCCTTCTCACAAGTCAACCCAAAAGCCTC	121109
Sbjct	103907	CCTCCAAAAACCCAACCACTGTCTCAGTTTCTCCTTCTCACAAGTCAACCCAAAAGCCTC	103848
Query	121110	CTTGTTCTACCTCTCCAGACCCCTCCCTCCTCCTGTGACAGCTTCAGGTCTGCATTGGC	121169
Sbjct	103847	CTTGTTCTACCTCTCCAGACCCCTCCCTCCTCCTGTGACAGCTTCAGGTCTGCATTGGC	103788
Query	121170	ACCTACATTACCCCTCCCCATCACCTGCTCCAAGGCCACAGCCAAATCCCCAAGTCCTT	121229
Sbjct	103787	ACCTACATTACCCCTCCCCATCACCTGCTCCAAGGCCACAGCCAAATCCCCAAGTCCTT	103728
Query	121230	CCACCCCCAGGACACCTGACCCAGCACTAGTCTTTCCCTTTAAGGGAAGTTGCAGGGGTAG	121289
Sbjct	103727	CCACCCCCAGGACACCTGACCCAGCACTAGTCTTTCCCTTTAAGGGAAGTTGCAGGGGTAG	103668
Query	121290	ATGACCTTGTGAGAGTACATGGTCCTTTCTCTCCGAGTAACTTTCCAGGTAGAAAGGA	121349
Sbjct	103667	ATGACCTTGTGAGAGTACATGGTCCTTTCTCTCCGAGTAACTTTCCAGGTAGAAAGGA	103608
Query	121350	GATTGGGTTCTTATACCTCTAACTCCTCTGCCTTTATTAAAGAGGTTTCAGTACATTATTC	121409
Sbjct	103607	GATTGGGTTCTTATACCTCTAACTCCTCTGCCTTTATTAAAGAGGTTTCAGTACATTATTC	103548
Query	121410	AGTCTTAAAGCCTAACTTTCCACACTGTACATGTGATCCTAATAATTTACTTCCTGACAA	121469
Sbjct	103547	AGTCTTAAAGCCTAACTTTCCACACTGTACATGTGATCCTAATAATTTACTTCCTGACAA	103488
Query	121470	AGGCAGGCAAGTTTGGGAGCAGGCAAGAACACATGCAGATGATACTCATCAAACAGATGC	121529
Sbjct	103487	AGGCAGGCAAGTTTGGGAGCAGGCAAGAACACATGCAGATGATACTCATCAAACAGATGC	103428
Query	121530	AACATATCCAATCAGACTGAAACAGTACTTGACCAAGATTCTCCATGGATTTATAATTCC	121589
Sbjct	103427	AACATATCCAATCAGACTGAAACAGTACTTGACCAAGATTCTCCATGGATTTATAATTCC	103368
Query	121590	ACAGGTATTTTAAACAGAGAAAGATTATAAGCTGCCTCCTGGCTGGTCTTAGTAAGGCA	121649
Sbjct	103367	ACAGGTATTTTAAACAGAGAAAGATTATAAGCTGCCTCCTGGCTGGTCTTAGTAAGGCA	103308
Query	121650	GCCTTAAAACCAGTAAATTTTGAAAACTCTGAGTTAATCCAGGACAAACAGGAAAAACC	121709
Sbjct	103307	GCCTTAAAACCAGTAAATTTTGAAAACTCTGAGTTAATCCAGGACAAACAGGAAAAACC	103248
Query	121710	ATCTCAACTTTTAGAATGCCTTACAAAGACTCTAGTACAATACACTAATCTGGACCCTGA	121769
Sbjct	103247	ATCTCAACTTTTAGAATGCCTTACAAAGACTCTAGTACAATACACTAATCTGGACCCTGA	103188
Query	121770	AAACACAGAAGGTAAACCCTTCTGATGACCTACTTCTTTTCTCAGACCTACTCCAGCAT	121829
Sbjct	103187	AAACACAGAAGGTAAACCCTTCTGATGACCTACTTCTTTTCTCAGACCTACTCCAGCAT	103128

Query	121830	AAAAGACAAACCTAGTAAGCTGGAGGTGGGGGACCCTAACTCCACAGGCAGAAGTTTTGG	121889
Sbjct	103127	AAAAGACAAACCTAGTAAGCTGGAGGTGGGGGACCCTAACTCCACAGGCAGAAGTTTTGG	103068
Query	121890	CACTGGCCTTCAAAGTATACCATAAGGAAGATGAGAAAACCTGCAGACAAAAATACCATA	121949
Sbjct	103067	CACTGGCCTTCAAAGTATACCATAAGGAAGATGAGAAAACCTGCAGACAAAAATACCATA	103008
Query	121950	TGCTGGCAAAGACTGTCCGACCAGCCCCAGCTACTACCCCAGACTCCTGGTCTTCTAAGG	122009
Sbjct	103007	TGCTGGCAAAGACTGTCCGACCAGCCCCAGCTACTACCCCAGACTCCTGGTCTTCTAAGG	102948
Query	122010	CTAAGAGACCACCAGGCTCCTGCTACAAGTGTGGTCAGAGAGGTCATGAGGCAAATAAGG	122069
Sbjct	102947	CTAAGAGACCACCAGGCTCCTGCTACAAGTGTGGTCAGAGAGGTCATGAGGCAAATAAGG	102888
Query	122070	GCTTGCCCTAATTTCTTCAGGTCAAAGAGGCTATGTCCTAGGTGCCATCAAGAGGGACAC	122129
Sbjct	102887	GCTTGCCCTAATTTCTTCAGGTCAAAGAGGCTATGTCCTAGGTGCCATCAAGAGGGACAC	102828
Query	122130	TGTGCTCCCAATTGCCTTCATGTTGCAAAGAACAGGGGACATCATGTCTAGATAACCCCTC	122189
Sbjct	102827	TGTGCTCCCAATTGCCTTCATGTTGCAAAGAACAGGGGACATCATGTCTAGATAACCCCTC	102768
Query	122190	CAGTGGAATCTTCGAGGCTTGGCTATGAATGACTGAAGGGGCCCTAACTCTCTTGACCAGA	122249
Sbjct	102767	CAGTGGAATCTTCGAGGCTTGGCTATGAATGACTGAAGGGGCCCTAACTCTCTTGACCAGA	102708
Query	122250	CCACTAGCAGGTGCCACGTAGCTACTGTCAATGAGGATGCTGAGGGTACCTGGGAGAGAA	122309
Sbjct	102707	CCACTAGCAGGTGCCACGTAGCTACTGTCAATGAGGATGCTGAGGGTACCTGGGAGAGAA	102648
Query	122310	TGGGGGACAAGAGATGCAAAGAAGGACGCCAAGACAAGAGTCTGATCAAGGCGACAATTT	122369
Sbjct	102647	TGGGGGACAAGAGATGCAAAGAAGGACGCCAAGACAAGAGTCTGATCAAGGCGACAATTT	102588
Query	122370	TATTTTTTTCCTAAGGCTGAATTTATACCATAACATGGGTAACAGAGGGAGGGGGAAGTG	122429
Sbjct	102587	TATTTTTTTCCTAAGGCTGAATTTATACCATAACATGGGTAACAGAGGGAGGGGGAAGTG	102528
Query	122430	TGAAACATTTGCACAGGCCAAGGACACAGTATTCGTGTGGTCAGCTGATGTCAACTGGAT	122489
Sbjct	102527	TGAAACATTTGCACAGGCCAAGGACACAGTATTCGTGTGGTCAGCTGATGTCAACTGGAT	102468
Query	122490	GTCAGAAAGGGCACAGGTTTGTGCATATCTATTAGTCAGAAGGATGTTGATTTTTTCAGAAA	122549
Sbjct	102467	GTCAGAAAGGGCACAGGTTTGTGCATATCTATTAGTCAGAAGGATGTTGATTTTTTCAGAAA	102408
Query	122550	GGTTACAAGTCATTGCATTGGGTATCTTGACATCAGATGTATTCTCAGCAAGGTCACAA	122609
Sbjct	102407	GGTTACAAGTCATTGCATTGGGTATCTTGACATCAGATGTATTCTCAGCAAGGTCACAA	102348
Query	122610	CTTTATCATATCATTATTCATCCTGACCACCAGATTTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGCT	122669
Sbjct	102347	CTTTATCATATCATTATTCATCCTGACCACCAGATTTGTATTAGTCTTCTGCAGCTGGCT	102288
Query	122670	GGGGATTTTCCATGATCTCAGTCACACTTAATGCTAACCATAATATTAACCTCAATAATG	122729
Sbjct	102287	GGGGATTTTCCATGATCTCAGTCACACTTAATGCTAACCATAATATTAACCTCAATAATG	102228
Query	122730	GAGGGCTTCAAGGGCATCACTCCTAACAAGCCACCATGGTATGTGAGTGGCCCTTCTCCT	122789
Sbjct	102227	GAGGGCTTCAAGGGCATCACTCCTAACAAGCCACCATGGTATGTGAGTGGCCCTTCTCCT	102168
Query	122790	ACCTCTTGAGACACTTGTGTGTGACGATTTTCATTATGTAGGTGAAGACAGGTACAGGATAG	122849
Sbjct	102167	ACCTCTTGAGACACTTGTGTGTGACGATTTTCATTATGTAGGTGAAGACAGGTACAGGATAG	102108
Query	122850	AACGAGGCCTGTCATTGGATGAGAAGGAAGGATGGCGGAAGAAAAGTTTGAGGGAAGGG	122909
Sbjct	102107	AACGAGGCCTGTCATTGGATGAGAAGGAAGGATGGCGGAAGAAAAGTTTGAGGGAAGGG	102048
Query	122910	TAGGAGACTAGAATGGAAGAGAGAAGGAGACTCAGAGAAATGAAGAGTGTATGGGCCACC	122969
Sbjct	102047	TAGGAGACTAGAATGGAAGAGAGAAGGAGACTCAGAGAAATGAAGAGTGTATGGGCCACC	101988
Query	122970	ACAGAGTTGAGATGTGTGTTTCTGGCATGGAAACCTGCCTTGGGAACTAGATAGGAAGAA	123029
Sbjct	101987	ACAGAGTTGAGATGTGTGTTTCTGGCATGGAAACCTGCCTTGGGAACTAGATAGGAAGAA	101928
Query	123030	AGATTGCTGATGGCTCAGAGAGAGGCCCTTCAGTAGTGTGATATGGGTGGAGCAGAGCAA	123089
Sbjct	101927	AGATTGCTGATGGCTCAGAGAGAGGCCCTTCAGTAGTGTGATATGGGTGGAGCAGAGCAA	101868
Query	123090	GTGAGAGGCTTTGCTGACTGAGACTAAGATATCTAGCAGATACCTTGGGACACTGCGGTG	123149
Sbjct	101867	GTGAGAGGCTTTGCTGACTGAGACTAAGATATCTAGCAGATACCTTGGGACACTGCGGTG	101808
Query	123150	CCGGACCTACAGCAAGTAAAAAGACTGTTTTAAATAAAAGAAATAATATAATTTTATAAC	123209

Sbjct	101807	CCGGACCTACAGCAAGTAAAAAGACTGTTTTAAATAAAAAGAAATAATATAATTTTATAAC	101748
Query	123210	AAAACATTTCGAGCCACTTACTCAATCCTGACAGAGTTATGGGAACCCCCATTCTCCCTCT	123269
Sbjct	101747	AAAACATTTCGAGCCACTTACTCAATCCTGACAGAGTTATGGGAACCCCCATTCTCCCTCT	101688
Query	123270	TGTTTTGCTATTATTGGAGTAGGAGGACAACCTTTACCTTCCTTACTGGACTCACCTACAG	123329
Sbjct	101687	TGTTTTGCTATTATTGGAGTAGGAGGACAACCTTTACCTTCCTTACTGGACTCACCTACAG	101628
Query	123330	CCTACTCCTGAGGACTTAAATTTCTTAAATGTGTCACTGC'TTCTTGCAAAATCTGTCAG	123389
Sbjct	101627	CCTACTCCTGAGGACTTAAATTTCTTAAATGTGTCACTGC'TTCTTGCAAAATCTGTCAG	101568
Query	123390	ATGTCAGGCTCCAACCTCAAGGTATTGTTGTGCCCCCTTCACAACCCACCAGGCCAGAGGC	123449
Sbjct	101567	ATGTCAGGCTCCAACCTCAAGGTATTGTTGTGCCCCCTTCACAACCCACCAGGCCAGAGGC	101508
Query	123450	TTCCTTCCTGGAAGTACTGGCAATTTGACTTCTCCACATGCACACCATCAAATGTGCC	123509
Sbjct	101507	TTCCTTCCTGGAAGTACTGGCAATTTGACTTCTCCACATGCACACCATCAAATGTGCC	101448
Query	123510	AAGTACCTCCTGGTATTGGTGGACACCTTCTCAGGTGGGTAGAGGCATTTCCACAACATA	123569
Sbjct	101447	AAGTACCTCCTGGTATTGGTGGACACCTTCTCAGGTGGGTAGAGGCATTTCCACAACATA	101388
Query	123570	ACAAAAGGGCTCAGACAGTCTTTGATCACCTCATCCCCTGATTTGGTGTCCCACCCTCCT	123629
Sbjct	101387	ACAAAAGGGCTCAGACAGTCTTTGATCACCTCATCCCCTGATTTGGTGTCCCACCCTCCT	101328
Query	123630	TCCAGTCAGACAATGGTCCTGAGTTTGCCTCCCAAATCTCTCAAATTCTGGCTAAGGCCT	123689
Sbjct	101327	TCCAGTCAGACAATGGTCCTGAGTTTGCCTCCCAAATCTCTCAAATTCTGGCTAAGGCCT	101268
Query	123690	AGACATCTTCTGGCATTTCACATTCCATACCACCCTCAATCGTCAGGAAACATAGAAAG	123749
Sbjct	101267	AGACATCTTCTGGCATTTCACATTCCATACCACCCTCAATCGTCAGGAAACATAGAAAG	101208
Query	123750	AACTAACTGTTCTTTAAAAACTACTCTTGTCAAGCTGTCACAGGAACTCCATCTAGATTA	123809
Sbjct	101207	AACTAACTGTTCTTTAAAAACTACTCTTGTCAAGCTGTCACAGGAACTCCATCTAGATTA	101148
Query	123810	GGTAAAACTCTTCTGGCTCTTTTCAAGTCTACAAGCTCTCCCTATGCAACCTCTCCAAGAC	123869
Sbjct	101147	GGTAAAACTCTTCTGGCTCTTTTCAAGTCTACAAGCTCTCCCTATGCAACCTCTCCAAGAC	101088
Query	123870	TGACCATTGAACTCATGTATGGATGTGAGGTCTTAACCTCGGCCCTTAACCTAAATGCT	123929
Sbjct	101087	TGACCATTGAACTCATGTATGGATGTGAGGTCTTAACCTCGGCCCTTAACCTAAATGCT	101028
Query	123930	CTCCCCCTTCTAGACCATCTACTCACCTCACTGCTTTGCTACCTTCATAGAACTTTGCTGA	123989
Sbjct	101027	CTCCCCCTTCTAGACCATCTACTCACCTCACTGCTTTGCTACCTTCATAGAACTTTGCTGA	100968
Query	123990	CCACTATCTACCTTGGCCACACACTGTTTCTGTGTCATCTGCCCATCAACATTAGAGAATA	124049
Sbjct	100967	CCACTATCTACCTTGGCCACACACTGTTTCTGTGTCATCTGCCCATCAACATTAGAGAATA	100908
Query	124050	GGTTCTTCTATCCTCTCCAGACCATTGTCCCTCATTTTTCTATCCTAAATGGCAGGGCCC	124109
Sbjct	100907	GGTTCTTCTATCCTCTCCAGACCATTGTCCCTCATTTTTCTATCCTAAATGGCAGGGCCC	100848
Query	124110	TTTTAAGGTGATTGTTATGACACCTACAGCTGCCAAATTGGAGGGACTCCCTCACTGAGT	124169
Sbjct	100847	TTTTAAGGTGATTGTTATGACACCTACAGCTGCCAAATTGGAGGGACTCCCTCACTGAGT	100788
Query	124170	CAAACCTTTTATCCCTTGCTGGGGGGCCAACCATGACATTAGTCTTCTTTCTCCTTAGTT	124229
Sbjct	100787	CAAACCTTTTATCCCTTGCTGGGGGGCCAACCATGACATTAGTCTTCTTTCTCCTTAGTT	100728
Query	124230	CTTGAGACAGTGGAGTGGGAAGATCATCAGGAGAAGGTAAGACTTTGTCTTATGAGATGT	124289
Sbjct	100727	CTTGAGACAGTGGAGTGGGAAGATCATCAGGAGAAGGTAAGACTTTGTCTTATGAGATGT	100668
Query	124290	TTAGGGTTGCTGTATAATAAGTTGACTTATCTAAGTCTAAGTTACTATGCTACTGTAGCT	124349
Sbjct	100667	TTAGGGTTGCTGTATAATAAGTTGACTTATCTAAGTCTAAGTTACTATGCTACTGTAGCT	100608
Query	124350	GATTTTCTTATCTATGCTAGTCACTATGCTCTGTTACTGTAACTGACTGGCCTCTGTTCC	124409
Sbjct	100607	GATTTTCTTATCTATGCTAGTCACTATGCTCTGTTACTGTAACTGACTGGCCTCTGTTCC	100548
Query	124410	TCTGAGGCCAGAAACTGTATAGTCTCTGGCATTTAGCACCTCATTCTGAAACAGCAAGAA	124469
Sbjct	100547	TCTGAGGCCAGAAACTGTATAGTCTCTGGCATTTAGCACCTCATTCTGAAACAGCAAGAA	100488
Query	124470	ATAAACTAGAGGATTAATTGCCAAAGCCTTTTCCCTTTTGTCCCTATGCCTCTTGCTTGT	124529
Sbjct	100487	ATAAACTAGAGGATTAATTGCCAAAGCCTTTTCCCTTTTGTCCCTATGCCTCTTGCTTGT	100428

Query	124530	CAGGCTAAGGGGAAGTTTGGAGCAATAGACTTCTATTGAACCGAGAGAAGTGAATTGTGC	124589
Sbjct	100427	CAGGCTAAGGGGAAGTTTGGAGCAATAGACTTCTATTGAACCGAGAGAAGTGAATTGTGC	100368
Query	124590	TTGCAGAAGGAAAAACTTCTACATAAGCAAATCAACATAAACTTATATAAGTTCATATAC	124649
Sbjct	100367	TTGCAGAAGGAAAAACTTCTACATAAGCAAATCAACATAAACTTATATAAGTTCATATAC	100308
Query	124650	AGTTCATGAATGCATATTTATTTCATTTACACTCAAAATAATTGGGCCCAACTTACATGCA	124709
Sbjct	100307	AGTTCATGAATGCATATTTATTTCATTTACACTCAAAATAATTGGGCCCAACTTACATGCA	100248
Query	124710	TTCTcacaattacttttcttacacaaacacatgtatacattctcacaattacatactttaca	124769
Sbjct	100247	TTCTCACAATTACTTTTCTTACACAAACACATGTATACATTCTCACAATTACATACTTACA	100188
Query	124770	cacacatccatactttacatTTGCATATGAAGCAAAAGACCAAGTACAGGTGCAGAAAGAA	124829
Sbjct	100187	CACACATCCATACTTTACATTTGCATATGAAGCAAAAGACCAAGTACAGGTGCAGAAAGAA	100128
Query	124830	CTCACTCACTCGGGATGAAAGATGAGCTCCAATCTTTATTGCATAGAGAAGGAAATATGA	124889
Sbjct	100127	CTCACTCACTCGGGATGAAAGATGAGCTCCAATCTTTATTGCATAGAGAAGGAAATATGA	100068
Query	124890	TAATATTAATATGATTCTATAAGAATTCCTAAAATCATAACATTGATTATTAAGCTCTTT	124949
Sbjct	100067	TAATATTAATATGATTCTATAAGAATTCCTAAAATCATAACATTGATTATTAAGCTCTTT	100008
Query	124950	TATAGAGGGACTGTTATTAAGCCTTTTTCTGATAGTCAAAACTGCAGTGAGAACTCGGCC	125009
Sbjct	100007	TATAGAGGGACTGTTATTAAGCCTTTTTCTGATAGTCAAAACTGCAGTGAGAACTCGGCC	99948
Query	125010	AGTCTTGCAAGTGTCAACAGTTAATTGCTCTTAGATGGTAACCAAACCTTTCTCCTACTCA	125069
Sbjct	99947	AGTCTTGCAAGTGTCAACAGTTAATTGCTCTTAGATGGTAACCAAACCTTTCTCCTACTCA	99888
Query	125070	GAGCACATTCCAAGAGGTTGTaaaaaaaTTAACCAAAGGTCATAAAAAGGGAACATAATGA	125129
Sbjct	99887	GAGCACATTCCAAGAGGTTGTAAAAAAATTAACCAAAGGTCATAAAAAGGGAACATAATGA	99828
Query	125130	TTTATTACAGGTGCTAGGACAGAGGATAAAATATTGACTGGGTTTATCTATATAAACTTC	125189
Sbjct	99827	TTTATTACAGGTGCTAGGACAGAGGATAAAATATTGACTGGGTTTATCTATATAAACTTC	99768
Query	125190	ACTAATAAATTAGTTATGGTTTTAAACCTCTGGTGAACCTGTGGAGTTGTGGCAGGAGAT	125249
Sbjct	99767	ACTAATAAATTAGTTATGGTTTTAAACCTCTGGTGAACCTGTGGAGTTGTGGCAGGAGAT	99708
Query	125250	GGATGTTTAGCCAGATAAATTATGCCTAATGGATATGGATGCAAACATACTCTGTTGTAAT	125309
Sbjct	99707	GGATGTTTAGCCAGATAAATTATGCCTAATGGATATGGATGCAAACATACTCTGTTGTAAT	99648
Query	125310	CTTCTATTTCAATTTATGATTTGACTTTTTATGTGAACCTTGTGATAAACTTTGTAACATG	125369
Sbjct	99647	CTTCTATTTCAATTTATGATTTGACTTTTTATGTGAACCTTGTGATAAACTTTGTAACATG	99588
Query	125370	TGATCATGTATTTTGAATGATGTTTAAAGTGCTGAGAACAAAGAGTCAGGCCTGAGCTGAA	125429
Sbjct	99587	TGATCATGTATTTTGAATGATGTTTAAAGTGCTGAGAACAAAGAGTCAGGCCTGAGCTGAA	99528
Query	125430	GGGGATTGAGCTAAAGAGTCAGGACTGAATGAAGGAAAACCTGAGCTGAATTGAGCTAAAG	125489
Sbjct	99527	GGGGATTGAGCTAAAGAGTCAGGACTGAATGAAGGAAAACCTGAGCTGAATTGAGCTAAAG	99468
Query	125490	AGAACTGAGCTGAATTAAGCTAAGGAGAACTGAGCTAAAAAGATCTGAGGACGTTTTCTG	125549
Sbjct	99467	AGAACTGAGCTGAATTAAGCTAAGGAGAACTGAGCTAAAAAGATCTGAGGACGTTTTCTG	99408
Query	125550	ACCAATTATACGGTCAATTTTAGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCC	125609
Sbjct	99407	ACCAATTATACGGTCAATTTTAGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCC	99348
Query	125610	TTTTGCTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTC	125669
Sbjct	99347	TTTTGCTTTTAGGATAGAATGTTCTATAAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTC	99288
Query	125670	TCTTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAG	125729
Sbjct	99287	TCTTAGTCTGTCTACATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAG	99228
Query	125730	TGGGGTGTTGAAATCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAA	125789
Sbjct	99227	TGGGGTGTTGAAATCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAA	99168
Query	125790	GGTTTCTTTTACATATGTAGGTGCCCTTGATTTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAG	125849
Sbjct	99167	GGTTTCTTTTACATATGTAGGTGCCCTTGATTTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAG	99108
Query	125850	TTCATCTTGGTGGATTTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGCTTTCCTTATCTTTTTTGAT	125909

Sbjct	99107	TTCATCTTGGTGGATTTCCTTTGATGAATATGAAGTGCTTCCTTATCTTTTTTGAT	99048
Query	125910	GACTTTTAGTTGGAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTT	125969
Sbjct	99047	GACTTTTAGTTGGAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTT	98988
Query	125970	CCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCGTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTT	126029
Sbjct	98987	CCGACCATTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCGTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTT	98928
Query	126030	GTCTGTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCATTGCATATCCAGTT	126089
Sbjct	98927	GTCTGTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCATTGCATATCCAGTT	98868
Query	126090	TGTTCATCTATGTCTTTTCATTGGGGAGTAGAGGCCATCAATGTTGAGAGATATTAAGGA	126149
Sbjct	98867	TGTTCATCTATGTCTTTTCATTGGGGAGTAGAGGCCATCAATGTTGAGAGATATTAAGGA	98808
Query	126150	ATAGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTT	126209
Sbjct	98807	ATAGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTT	98748
Query	126210	TTCTTCTCTTTGTTTTGCTCCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGTTT	126269
Sbjct	98747	TTCTTCTCTTTGTTTTGCTCCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGTTT	98688
Query	126270	GCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGAGCTGGATTGTAGAAAGA	126329
Sbjct	98687	GCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGAGCTGGATTGTAGAAAGA	98628
Query	126330	TATTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAG	126389
Sbjct	98627	TATTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAG	98568
Query	126390	AGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGTATTTGTGTTCTCGTAGGGTCTATGACATT	126449
Sbjct	98567	AGTTTTGCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGTATTTGTGTTCTCGTAGGGTCTATGACATT	98508
Query	126450	TTTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGG	126509
Sbjct	98507	TTTCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGG	98448
Query	126510	TCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTCTTTATT	126569
Sbjct	98447	TCTGCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTCTTTATT	98388
Query	126570	TTGTGCATTTGGTGTTTTTGACTACTATGTGACGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCT	126629
Sbjct	98387	TTGTGCATTTGGTGTTTTTGACTACTATGTGACGGGAGGAGTTTCTTTTCTGGTCCAATCT	98328
Query	126630	ATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGCTTATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTTAGGGAA	126689
Sbjct	98327	ATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGCTTATGGGTATCTCTTTCTTTAGGTTAGGGAA	98268
Query	126690	GTTTTCTTCTATGATTTTGTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACT	126749
Sbjct	98267	GTTTTCTTCTATGATTTTGTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACT	98208
Query	126750	CTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCTGTAT	126809
Sbjct	98207	CTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCTGTAT	98148
Query	126810	GTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTC	126869
Sbjct	98147	GTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACTTTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTC	98088
Query	126870	TATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTTCCATCTCTTGATTCTGTTGGTGAAGCT	126929
Sbjct	98087	TATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTTCCATCTCTTGATTCTGTTGGTGAAGCT	98028
Query	126930	TGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTG TG	126989
Sbjct	98027	TGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTG TG	97968
Query	126990	TTCTTTCTTGATTGCTTCTTTTCCATTTTTCATTCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCT	127049
Sbjct	97967	TTCTTTCTTGATTGCTTCTTTTCCATTTTTCATTCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCT	97908
Query	127050	CTGGAATTCTTTCAGGGATTTTGTGACTCCTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTAT	127109
Sbjct	97907	CTGGAATTCTTTCAGGGATTTTGTGACTCCTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTAT	97848
Query	127110	GTTTTCTGGAATTCTTTCAGGGATTTTGTGATTCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTT	127169
Sbjct	97847	GTTTTCTGGAATTCTTTCAGGGATTTTGTGATTCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTT	97788
Query	127170	AGTTATGTTTTCTTTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCTCGTCTTCTTGAAGTCCTCCAG	127229
Sbjct	97787	AGTTATGTTTTCTTTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCTCGTCTTCTTGAAGTCCTCCAG	97728



Query	127230	CATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAGATCTTGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGT	127289
Sbjct	97727	CATCATGATCAAATATGATTTTGAACTAGATCTTGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGT	97668
Query	127290	AGAGCGCTTGCCTACGAAGCCCAAGGCCCTGGATTTCGGTCCCCACCTCTGaaaaaaaaga	127349
Sbjct	97667	AGAGCGCTTGCCTACGAAGCCCAAGGCCCTGGATTTCGGTCCCCACCTCTGAAAAAAAAGA	97608
Query	127350	acccccccccccccccccccccGAACTAGATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATT	127409
Sbjct	97607	ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTAGATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATT	97548
Query	127410	CCGTGTTTGCCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGT	127469
Sbjct	97547	CCGTGTTTGCCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCATGTAGTCTTGGTTTCTGT	97488
Query	127470	TGCTTGGGTTTCCTGCACTTGCCTCTTGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTG	127529
Sbjct	97487	TGCTTGGGTTTCCTGCACTTGCCTCTTGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTG	97428
Query	127530	CTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCTTATAAGCCTGTGTGTCAGGAGTGTGTAGACCT	127589
Sbjct	97427	CTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCTTATAAGCCTGTGTGTCAGGAGTGTGTAGACCT	97368
Query	127590	GTTTTCCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGCATGTAG	127649
Sbjct	97367	GTTTTCCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTTCTGCTTTTCGGGCATGTAG	97308
Query	127650	TTTTTCCTATCTACAGGCCTTCAGCTGTTCTGTGGGTCTGCTTTCAGTTTCACCAGGCAGG	127709
Sbjct	97307	TTTTTCCTATCTACAGGCCTTCAGCTGTTCTGTGGGTCTGCTTTCAGTTTCACCAGGCAGG	97248
Query	127710	TCGCTTGGAGTAGGTAGGTTTGTCTTACCTGTGGTCTGAGGCTGAAGTTTGCTGGTGGG	127769
Sbjct	97247	TCGCTTGGAGTAGGTAGGTTTGTCTTACCTGTGGTCTGAGGCTGAAGTTTGCTGGTGGG	97188
Query	127770	GTGTTGCTTATGAACCTCTCCGGGGCAGCAGCAACCAGGGAGATCTGCGCTGCCCTTTCCG	127829
Sbjct	97187	GTGTTGCTTATGAACCTCTCCGGGGCAGCAGCAACCAGGGAGATCTGCGCTGCCCTTTCCG	97128
Query	127830	GGAGCTAACGTGCACCAGGTTCCAGGTGGCGTTTGGTGTTTTCTCTGGAGTCAGAGATG	127889
Sbjct	97127	GGAGCTAACGTGCACCAGGTTCCAGGTGGCGTTTGGTGTTTTCTCTGGAGTCAGAGATG	97068
Query	127890	TGGGCCAAATGTAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGTGTGCCTACCTCTCTGAAGGTTTAGCT	127949
Sbjct	97067	TGGGCCAAATGTAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGTGTGCCTACCTCTCTGAAGGTTTAGCT	97008
Query	127950	CTCCCTTCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTTCGGTCCCTTCAGGTTCC	128009
Sbjct	97007	CTCCCTTCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTTCGGTCCCTTCAGGTTCC	96948
Query	128010	GGCCGTGTCTCAGAAGCAGCTGATTTCTGCTCCTGTGCCCTTATCCAAGGGAACCCAGA	128069
Sbjct	96947	GGCCGTGTCTCAGAAGCAGCTGATTTCTGCTCCTGTGCCCTTATCCAAGGGAACCCAGA	96888
Query	128070	GACAGTATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTTGGTGGT	128129
Sbjct	96887	GACAGTATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGCAGTGTTGGTGGT	96828
Query	128130	CTCTTCTGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCACCTGTCTCCACAGTGAGCTCTCTCTCCCA	128189
Sbjct	96827	CTCTTCTGCTCTGCAGTCTCAGGAGTGCCACCTGTCTCCACAGTGAGCTCTCTCTCCCA	96768
Query	128190	TGGGAGCAGTGAGCTCCATGGAGGCAGGGAACACAAGATTGGGAATCCCGCTAAAAACCG	128249
Sbjct	96767	TGGGAGCAGTGAGCTCCATGGAGGCAGGGAACACAAGATTGGGAATCCCGCTAAAAACCG	96708
Query	128250	GAAGTCAACAATAGCtattctctattttttctttttatatatttttattggttatttaattg	128309
Sbjct	96707	GAAGTCAACAATAGCTATTCTTATTTTCTTTTTATATATTTTATTGGTTATTTAATTG	96648
Query	128310	tttacatttttGAATATCATCTCCTTTCCAGTTTCCTGTCCATAAAACCCCATGACATCC	128369
Sbjct	96647	TTTACATTTTGAATATCATCTCCTTTCCAGTTTCCTGTCCATAAAACCCCATGACATCC	96588
Query	128370	CTTCTCCCTTTTCTTCTATGAGGGTGTTCCTTGCCTACCCACCTACCCCTTCCCACCTC	128429
Sbjct	96587	CTTCTCCCTTTTCTTCTATGAGGGTGTTCCTTGCCTACCCACCTACCCCTTCCCACCTC	96528
Query	128430	TCTGCCCTGACATTACCTACACTAGGGATCTAGCTTTGGCGGGACCAAGTGCTTCTCCT	128489
Sbjct	96527	TCTGCCCTGACATTACCTACACTAGGGATCTAGCTTTGGCGGGACCAAGTGCTTCTCCT	96468
Query	128490	CCCATTGGTGCCCAACAAGGCCATCCTCTGCCACATATGCATCTGGAGCCCTGGGTTCAGT	128549
Sbjct	96467	CCCATTGGTGCCCAACAAGGCCATCCTCTGCCACATATGCATCTGGAGCCCTGGGTTCAGT	96408
Query	128550	CCATGTATATAGTCTTTGTATGGTGGTTTGTAGTCCCTGGGAACCTCTGGTTGGTTGGTATTG	128609

Sbjct	96407	CCATGTATATAGTCTTTGTATGGTGGTTTAGTCCCTGGGAACCTGGTTGGTTGGTATTG	96348
Query	128610	TTGTTCTTATGGGGTTGTAAGCCCCCTCAGCTCCTCAATTCTTTCTCTGATTTCCTCAA	128669
Sbjct	96347	TTGTTCTTATGGGGTTGTAAGCCCCCTCAGCTCCTCAATTCTTTCTCTGATTTCCTCAA	96288
Query	128670	CAGGGACCTTATTCTCAGTTGAGTGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTTGTCATG	128729
Sbjct	96287	CAGGGACCTTATTCTCAGTTGAGTGGTTTGCTGCTAGCATTACCTCTGTATTTGTCATG	96228
Query	128730	TTCTGGCACAGCCTCTCAGGAGACAGCTATATCATGTTCCCTGTCAGCATACACTTCTTGG	128789
Sbjct	96227	TTCTGGCACAGCCTCTCAGGAGACAGCTATATCATGTTCCCTGTCAGCATACACTTCTTGG	96168
Query	128790	CATCAGCAATATTGTCTAGTTTCGGTGGCTATGTATATATACCGGCTATATCCCTAGGTG	128849
Sbjct	96167	CATCAGCAATATTGTCTAGTTTCGGTGGCTATGTATATATACCGGCTATATCCCTAGGTG	96108
Query	128850	GGGCAGGCTATAGATAGCCTTTCCTTCAGTTTTTTGCTATTTTTTCACATCTCTGATTGAT	128909
Sbjct	96107	GGGCAGGCTATAGATAGCCTTTCCTTCAGTTTTTTGCTATTTTTTCACATCTCTGATTGAT	96048
Query	128910	AATTATTTTTGATTTCTGTTCATGCCCTGAGTGATAGGTTAATTCCCAGGTAAATGGAG	128969
Sbjct	96047	AATTATTTTTGATTTCTGTTCATGCCCTGAGTGATAGGTTAATTCCCAGGTAAATGGAG	95988
Query	128970	AGCATCTCCAAAAGTATTCCTTTCTAGTATAGTTATAGTTACCATAACAGGGCATATCT	129029
Sbjct	95987	AGCATCTCCAAAAGTATTCCTTTCTAGTATAGTTATAGTTACCATAACAGGGCATATCT	95928
Query	129030	CTCCTCATCATTTCTTTCAACTGTAACATTTGATTCCAACAAATGATTCACATAATAGATT	129089
Sbjct	95927	CTCCTCATCATTTCTTTCAACTGTAACATTTGATTCCAACAAATGATTCACATAATAGATT	95868
Query	129090	TCAAATAGAAAATTTGTGAAAAAGCACATGAAGTATGTGAAGTTCTACTTAGCTAATTAA	129149
Sbjct	95867	TCAAATAGAAAATTTGTGAAAAAGCACATGAAGTATGTGAAGTTCTACTTAGCTAATTAA	95808
Query	129150	CATCAAGTGTGTATGGCCAACACACATTTCTGGACAGGCAAATGGCAATGTTTCTTTCCT	129209
Sbjct	95807	CATCAAGTGTGTATGGCCAACACACATTTCTGGACAGGCAAATGGCAATGTTTCTTTCCT	95748
Query	129210	CCTATCTAGTCTCATAGGATACATACCTCCTGCTATCCCAGGGTTAAAAAATATGGTTAT	129269
Sbjct	95747	CCTATCTAGTCTCATAGGATACATACCTCCTGCTATCCCAGGGTTAAAAAATATGGTTAT	95688
Query	129270	CATTACCTGCTATTTCAATGGATCATGAGCATGGAACACAGTTGTATTCCATGCACATTG	129329
Sbjct	95687	CATTACCTGCTATTTCAATGGATCATGAGCATGGAACACAGTTGTATTCCATGCACATTG	95628
Query	129330	ACAGAGTTCATAGATTTCCACAATCTTAAAGTGAAGAAAAGCAGCCTCTTACCATGATACT	129389
Sbjct	95627	ACAGAGTTCATAGATTTCCACAATCTTAAAGTGAAGAAAAGCAGCCTCTTACCATGATACT	95568
Query	129390	TTCTCTCAAAACACCTGTCATACAAAAGTTCACAAAAGTTGTGAACTCAGGCATCAACTC	129449
Sbjct	95567	TTCTCTCAAAACACCTGTCATACAAAAGTTCACAAAAGTTGTGAACTCAGGCATCAACTC	95508
Query	129450	TATCCAGATGCCCAGGAAGAACATCTTCAAAAATAAATAAATTCGCCTCTGAGAATCAGC	129509
Sbjct	95507	TATCCAGATGCCCAGGAAGAACATCTTCAAAAATAAATAAATTCGCCTCTGAGAATCAGC	95448
Query	129510	AGATGCCAAGCATTCCTGGTGGGAAAATATTGGTTCATTCACTAAGAGATACCTACTTAA	129569
Sbjct	95447	AGATGCCAAGCATTCCTGGTGGGAAAATATTGGTTCATTCACTAAGAGATACCTACTTAA	95388
Query	129570	TCTCTTAAGCATTCCCTTCCTGTTTGGTTTTCTATGGTTTCTTATAGAGGAGTCTAACAT	129629
Sbjct	95387	TCTCTTAAGCATTCCCTTCCTGTTTGGTTTTCTATGGTTTCTTATAGAGGAGTCTAACAT	95328
Query	129630	TGTTACATAGTTTTGTCCTATATAACCACATACTTGGTAAGGTTCTCACTATGAATCAGA	129689
Sbjct	95327	TGTTACATAGTTTTGTCCTATATAACCACATACTTGGTAAGGTTCTCACTATGAATCAGA	95268
Query	129690	GATTCATTTGGTTTCCCTTAAATAACAGGCTCTATCTGGAAGAACATGTCACCTTCTGCT	129749
Sbjct	95267	GATTCATTTGGTTTCCCTTAAATAACAGGCTCTATCTGGAAGAACATGTCACCTTCTGCT	95208
Query	129750	GTCACATCAAGATGTATGTAGTCTGTCCACCATTACAAAAGATGTTATTAGTCTCCACCC	129809
Sbjct	95207	GTCACATCAAGATGTATGTAGTCTGTCCACCATTACAAAAGATGTTATTAGTCTCCACCC	95148
Query	129810	CTTATATCAATAAAACTTGACAACATTTTGTTGACAGATGAATTGGAGTAGTATATCTTG	129869
Sbjct	95147	CTTATATCAATAAAACTTGACAACATTTTGTTGACAGATGAATTGGAGTAGTATATCTTG	95088
Query	129870	CAGCCTCTTAAATAATCTTTCAGTTTAGCTTCCTTTATTTTGCACCTGAATTCTTGAC	129929
Sbjct	95087	CAGCCTCTTAAATAATCTTTCAGTTTAGCTTCCTTTATTTTGCACCTGAATTCTTGAC	95028

Query	129930	TCTATCTCTTTGAAGAATTATGAGAATTTCTCACAAATTTCTGTTTTTTCTATACAAAGT	129989
Sbjct	95027	TCTATCTCTTTGAAGAATTATGAGAATTTCTCACAAATTTCTGTTTTTTCTATACAAAGT	94968
Query	129990	CACTACCTTTGCCTGTGAGTTGAACAGGAGAAGGAGCTAGAGGGAGACCAGAGATGGAAG	130049
Sbjct	94967	CACTACCTTTGCCTGTGAGTTGAACAGGAGAAGGAGCTAGAGGGAGACCAGAGATGGAAG	94908
Query	130050	CAAGAAATGGTaaaaaaaaaCTTTAAATATTTGATAAATCTAAGAAAAGATCCTAAGAA	130109
Sbjct	94907	CAAGAAATGGTAAAAAAAAAACTTTAAATATTTGATAAATCTAAGAAAAGATCCTAAGAA	94848
Query	130110	TTGTGCCAGCCATGATGATAAATACCTCTGTTACAAGCAGTTGGGGGTGAGGGTTAGGTA	130169
Sbjct	94847	TTGTGCCAGCCATGATGATAAATACCTCTGTTACAAGCAGTTGGGGGTGAGGGTTAGGTA	94788
Query	130170	GATCTTTGTGACTTTGAGGCTAGCCATGTAGAAAAAGTGCATTGGGGATTGGGGATTTA	130229
Sbjct	94787	GATCTTTGTGACTTTGAGGCTAGCCATGTAGAAAAAGTGCATTGGGGATTGGGGATTTA	94728
Query	130230	GCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGTAAGCGCAAGGCCCTGGATTTCGGTTCCTAGCTCTG	130289
Sbjct	94727	GCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGTAAGCGCAAGGCCCTGGATTTCGGTTCCTAGCTCTG	94668
Query	130290	GaaaaaaaaagaagaaaaaaaaaTGCATTTAGCAAGTCTTAGTGCAACCAAGGGTAGTCAGTA	130349
Sbjct	94667	GAAAAAAAAAGAAAGAAAAAAAAATGCATTTAGCAAGTCTTAGTGCAACCAAGGGTAGTCAGTA	94608
Query	130350	AGCACTTTTATTGataataacaaaagtaaaatacaaaataaaaaccaaacaaaaaaTGGTT	130409
Sbjct	94607	AGCACTTTTATTGATAATAACAAAAGTAAAATACAAAATAAAACCAAACAAAAAATGGTT	94548
Query	130410	TCTGAGAATTTGCTTCACTCTACTCATTGAGCCTCTGGATGGTGCCCTGGACATTGTGT	130469
Sbjct	94547	TCTGAGAATTTGCTTCACTCTACTCATTGAGCCTCTGGATGGTGCCCTGGACATTGTGT	94488
Query	130470	ATGAACTATAAGTTACAGGAAGTCAATGGAGCTGAATGGAACCTAATGTTACCCAACCCA	130529
Sbjct	94487	ATGAACTATAAGTTACAGGAAGTCAATGGAGCTGAATGGAACCTAATGTTACCCAACCCA	94428
Query	130530	TGCAAAACAGGATAACACTAAGGAAAGCAGTTGTCATGTTTTCTCACTGGGGAGATGGAC	130589
Sbjct	94427	TGCAAAACAGGATAACACTAAGGAAAGCAGTTGTCATGTTTTCTCACTGGGGAGATGGAC	94368
Query	130590	TACAAGAGGCCAGAGAAGTGTACATAAAGAGTAATGTATGAACTATAATTAGAAAGGAA	130649
Sbjct	94367	TACAAGAGGCCAGAGAAGTGTACATAAAGAGTAATGTATGAACTATAATTAGAAAGGAA	94308
Query	130650	AGGTGATTTTCAGGCATAAAGATGATACTATTATTTCTTCCAAACAAGAACCTTCTGGGA	130709
Sbjct	94307	AGGTGATTTTCAGGCATAAAGATGATACTATTATTTCTTCCAAACAAGAACCTTCTGGGA	94248
Query	130710	CTGAATTTGCCTTGTGGTCTTGTTTCATACAACAATAAAATGAAAGTTTAATATCTGACTA	130769
Sbjct	94247	CTGAATTTGCCTTGTGGTCTTGTTTCATACAACAATAAAATGAAAGTTTAATATCTGACTA	94188
Query	130770	CATCCTGTTTTAGAAATATGACTTTTGTAAAGATTGATGATTGGGTTTTAGAAGGCGTCA	130829
Sbjct	94187	CATCCTGTTTTAGAAATATGACTTTTGTAAAGATTGATGATTGGGTTTTAGAAGGCGTCA	94128
Query	130830	CTCTTGCTGTGTTTAGGTCTAAGAACTCATATTTAATCACTTAGACCAAGTGAAGGGAAT	130889
Sbjct	94127	CTCTTGCTGTGTTTAGGTCTAAGAACTCATATTTAATCACTTAGACCAAGTGAAGGGAAT	94068
Query	130890	GGAGTAATGGCAAAGTCACTCAGGATGAAATCTTTCTACACTTTGTAAAACTTGACAGT	130949
Sbjct	94067	GGAGTAATGGCAAAGTCACTCAGGATGAAATCTTTCTACACTTTGTAAAACTTGACAGT	94008
Query	130950	ATAGGAATCATAGGAGCAACATAGGTAACCCAAAGGAGTGAGGCTGCAAAAAAGAAGCTA	131009
Sbjct	94007	ATAGGAATCATAGGAGCAACATAGGTAACCCAAAGGAGTGAGGCTGCAAAAAAGAAGCTA	93948
Query	131010	GAATTACTTTCCAAGTACTAACATGAAAGTACACAATGATTGGCATTTAGCATAAAATT	131069
Sbjct	93947	GAATTACTTTCCAAGTACTAACATGAAAGTACACAATGATTGGCATTTAGCATAAAATT	93888
Query	131070	CCTGGATTTTTGTCCCatatatatatatatatatatatatatatatatatatatatat	131129
Sbjct	93887	CCTGGATTTTTGTCCCATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT	93828
Query	131130	atatatatatatatatatTGCAGCATTCCTTCACAAATAAACTTTGGGtttttttttcttt	131189
Sbjct	93827	ATATATATATATATATTGCAGCATTCCTTCACAAATAAACTTTGGGTTTTTTTCTTT	93768
Query	131190	ttttttttttttttttttttttCGGAGCTGGGGACCAAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGG	131249
Sbjct	93767	TTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACCAAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGG	93708
Query	131250	CAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCAACAATAAACTTTAATACATATTG	131309

Sbjct	93707	CAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCAACAATAAACTTTAATACATATTG	93648
Query	131310	GGTGTTACATATCGTAGGGCATGAGTTCTATGCCAAACTTTTACAATAAATATGAACACT	131369
Sbjct	93647	GGTGTTACATATCGTAGGGCATGAGTTCTATGCCAAACTTTTACAATAAATATGAACACT	93588
Query	131370	TACCAAGCTACTAAGGAAAAGTGAGATTAGACAATAGTTAGGAATGTTAAGAAAAAGATT	131429
Sbjct	93587	TACCAAGCTACTAAGGAAAAGTGAGATTAGACAATAGTTAGGAATGTTAAGAAAAAGATT	93528
Query	131430	CTAGGTTTTCTGTAAAAAGTGACTGATCTTAGTGGATTTGAGTTGAAGACCCAAACATAA	131489
Sbjct	93527	CTAGGTTTTCTGTAAAAAGTGACTGATCTTAGTGGATTTGAGTTGAAGACCCAAACATAA	93468
Query	131490	AGCCACGTATACACAGACACCTGACTTTTCATAAAGAATCTAGAAAAACAACTAGAAAA	131549
Sbjct	93467	AGCCACGTATACACAGACACCTGACTTTTCATAAAGAATCTAGAAAAACAACTAGAAAA	93408
Query	131550	AATATAGCTATATTTGGATTTTTTACATGTAGCAATCTGGTTTAACCTGTTTATCCTGAA	131609
Sbjct	93407	AATATAGCTATATTTGGATTTTTTACATGTAGCAATCTGGTTTAACCTGTTTATCCTGAA	93348
Query	131610	AAAAC TCCAAATGACTCAGATTTTAAAGTTATATCAGATATACTGAGCCTATTAGAAGAGA	131669
Sbjct	93347	AAAAC TCCAAATGACTCAGATTTTAAAGTTATATCAGATATACTGAGCCTATTAGAAGAGA	93288
Query	131670	AAGTAGAGAACAGCTTTGAAGTTATTAGCACAGGAAAAGACTTCCTGAAGAGAATACCAT	131729
Sbjct	93287	AAGTAGAGAACAGCTTTGAAGTTATTAGCACAGGAAAAGACTTCCTGAAGAGAATACCAT	93228
Query	131730	TAACAGATGGACTAAGATTCTGAATTTGTGTTCTTTAACAATAATTGGGAGTTCATGAA	131789
Sbjct	93227	TAACAGATGGACTAAGATTCTGAATTTGTGTTCTTTAACAATAATTGGGAGTTCATGAA	93168
Query	131790	ACTAAATGCTTCAGCATTTGTTTGGACATCATCTGGACAAGGCAGCAGTCTACAGAATG	131849
Sbjct	93167	ACTAAATGCTTCAGCATTTGTTTGGACATCATCTGGACAAGGCAGCAGTCTACAGAATG	93108
Query	131850	GGAAAAGATTTTAATCAACTACATATATGTAGATGATTAATATCTAAAATAACTGACAGA	131909
Sbjct	93107	GGAAAAGATTTTAATCAACTACATATATGTAGATGATTAATATCTAAAATAACTGACAGA	93048
Query	131910	TGTCTGCTATCCAAAATATATAAAGAACTCGAGAAACTAAATATCAAAAAATCAAAACCC	131969
Sbjct	93047	TGTCTGCTATCCAAAATATATAAAGAACTCGAGAAACTAAATATCAAAAAATCAAAACCC	92988
Query	131970	AATTTAATAATTGGTTACAGATCTAAATAGAGAATCTCAACAGAGAAAACCCAAATGACT	132029
Sbjct	92987	AATTTAATAATTGGTTACAGATCTAAATAGAGAATCTCAACAGAGAAAACCCAAATGACT	92928
Query	132030	GACAAACACTTTAAAAGAAATGTCAACACCCTGAGTCATCCCCAAAATACAAGTTGAAACT	132089
Sbjct	92927	GACAAACACTTTAAAAGAAATGTCAACACCCTGAGTCATCCCCAAAATACAAGTTGAAACT	92868
Query	132090	AGTTTGAGATTTCAATTTTACACAGTTCAGAATCTCTAAGATAAGTAACAGAAGTAACATC	132149
Sbjct	92867	AGTTTGAGATTTCAATTTTACACAGTTCAGAATCTCTAAGATAAGTAACAGAAGTAACATC	92808
Query	132150	TCCTATGGTAAAGATGTGGGACAAGGAGAACACTCTTCTATTTCTGATGGGAGTACAAAC	132209
Sbjct	92807	TCCTATGGTAAAGATGTGGGACAAGGAGAACACTCTTCTATTTCTGATGGGAGTACAAAC	92748
Query	132210	TTGTACAGCCACTCTGGAATCAATTTGGTGGTTTCTGAGGAAGTCAGGAACTAATCTAC	132269
Sbjct	92747	TTGTACAGCCACTCTGGAATCAATTTGGTGGTTTCTGAGGAAGTCAGGAACTAATCTAC	92688
Query	132270	CTTTAGCTCTAGCTCAACTATGCTCATCACAGCTTTATTTCATAATAGAACTGGAAACAG	132329
Sbjct	92687	CTTTAGCTCTAGCTCAACTATGCTCATCACAGCTTTATTTCATAATAGAACTGGAAACAG	92628
Query	132330	CCTAGATGCCCCCTCAACTGAAGAATAGATAAAGAAAAATGTAGTTCATTTACACAATGGAA	132389
Sbjct	92627	CCTAGATGCCCCCTCAACTGAAGAATAGATAAAGAAAAATGTAGTTCATTTACACAATGGAA	92568
Query	132390	TGCTACTTAGCTATTAAATACAAGGACATCATGAAC TTTTCAGGAAAATTGTTTGAAACT	132449
Sbjct	92567	TGCTACTTAGCTATTAAATACAAGGACATCATGAAC TTTTCAGGAAAATTGTTTGAAACT	92508
Query	132450	AGAATATATCATTCTGAGTGAGGTAAC TTAGACCCAAAATGACATGCATGGTATGTACTC	132509
Sbjct	92507	AGAATATATCATTCTGAGTGAGGTAAC TTAGACCCAAAATGACATGCATGGTATGTACTC	92448
Query	132510	ATGGATAATGTGGATATTAGCTATTAAGTCTGTTGTGGTAAGATTAAATAAGGCTTCTTT	132569
Sbjct	92447	ATGGATAATGTGGATATTAGCTATTAAGTCTGTTGTGGTAAGATTAAATAAGGCTTCTTT	92388
Query	132570	TATCTCATATTATGTCTGGCACCATAGTACCTCATGGCATCTGTTGGGTGATTTTCATCTC	132629
Sbjct	92387	TATCTCATATTATGTCTGGCACCATAGTACCTCATGGCATCTGTTGGGTGATTTTCATCTC	92328

Query	132630	AGTCAGTAAAGCATCTTTACCTGCTCTGCTCCATTCCATATCACACTGCTGATGGCTACCC	132689
Sbjct	92327	AGTCAGTAAAGCATCTTTACCTGCTCTGCTCCATTCCATATCACACTGCTGATGGCTACCC	92268
Query	132690	TCTACGCCTGGCAACAATTTCTCTACCCATCTAGTTCTCAAGGCAGGTTGCCACCATGCC	132749
Sbjct	92267	TCTACGCCTGGCAACAATTTCTCTACCCATCTAGTTCTCAAGGCAGGTTGCCACCATGCC	92208
Query	132750	AAATATACACATCCCAATTTGTGGTGGCCCAGTGTTCCAGCCACCACACACTCTGTTG	132809
Sbjct	92207	AAATATACACATCCCAATTTGTGGTGGCCCAGTGTTCCAGCCACCACACACTCTGTTG	92148
Query	132810	AACTCAAATCGCCATTTGAAAGAACACACAACACAGTAACCTCTGATCCAGATGATAAGA	132869
Sbjct	92147	AACTCAAATCGCCATTTGAAAGAACACACAACACAGTAACCTCTGATCCAGATGATAAGA	92088
Query	132870	TATAATTGCCTACCTAAACATACAAAGTCTTATACACATCCATCCCTTAAGAATATTCAT	132929
Sbjct	92087	TATAATTGCCTACCTAAACATACAAAGTCTTATACACATCCATCCCTTAAGAATATTCAT	92028
Query	132930	AACAGCCTGTAAATGTGCAGAAAGGAATCTTAACATCTGCCACCATGTTCTCCAGCTGC	132989
Sbjct	92027	AACAGCCTGTAAATGTGCAGAAAGGAATCTTAACATCTGCCACCATGTTCTCCAGCTGC	91968
Query	132990	TCTCACTTCTCAATGGCTCCAGTCTCCTCCTCTTTCTAAAATTTTTCTCCTGCCATTT	133049
Sbjct	91967	TCTCACTTCTCAATGGCTCCAGTCTCCTCCTCTTTCTAAAATTTTTCTCCTGCCATTT	91908
Query	133050	TTCATTCTTGTTCCAATGACAGGCCTTGTTCTATCTTGTGCCTGCCTTCATCTGCATAATG	133109
Sbjct	91907	TTCATTCTTGTTCCAATGACAGGCCTTGTTCTATCTTGTGCCTGCCTTCATCTGCATAATG	91848
Query	133110	ACATCATCTTACATAAGTCAATGATAACTAATCTAAAATTCATGGAAACACTGAGATTGG	133169
Sbjct	91847	ACATCATCTTACATAAGTCAATGATAACTAATCTAAAATTCATGGAAACACTGAGATTGG	91788
Query	133170	TTATATAATAGGGGACTGGAGGAGACAGATGTCATTAGGAAAAGAAATAAAATATTTAA	133229
Sbjct	91787	TTATATAATAGGGGACTGGAGGAGACAGATGTCATTAGGAAAAGAAATAAAATATTTAA	91728
Query	133230	AAATAAGTAAAGTGGGGACTTAATTTGGAGGATCAAGTTGAGAGGATGAGGGAGGGAACA	133289
Sbjct	91727	AAATAAGTAAAGTGGGGACTTAATTTGGAGGATCAAGTTGAGAGGATGAGGGAGGGAACA	91668
Query	133290	CTGGGAAAGACAGCTAAAATTAAGGGCCACTTGAGGGGCAGTATAGAAACCTAATACAGT	133349
Sbjct	91667	CTGGGAAAGACAGCTAAAATTAAGGGCCACTTGAGGGGCAGTATAGAAACCTAATACAGT	91608
Query	133350	AGAATATGGAATATGAAGGTGATCTGAGTGAAACTTCCTAAAAAAttctctctctctct	133409
Sbjct	91607	AGAATATGGAATATGAAGGTGATCTGAGTGAAACTTCCTAAAAAATtCTCTCTCTCTCT	91548
Query	133410	ctctctcacacacacacacacacacacacacacacacacacacTTTTATGAAATCACCAAAT	133469
Sbjct	91547	CTCTCTCACACACACACACACACACACACACACACACTTTTTATGAAATCACCAAAT	91488
Query	133470	AATGAGAGAAACAGAGTACTTCTAACTGGTCATCTCTTGTAACAAATAAAATGCCTTCA	133529
Sbjct	91487	AATGAGAGAAACAGAGTACTTCTAACTGGTCATCTCTTGTAACAAATAAAATGCCTTCA	91428
Query	133530	TAACTGAGGTTGGGTTCATCTAATTCAGTTATTGCCAAAGGGGACCCATGGGAATCCT	133589
Sbjct	91427	TAACTGAGGTTGGGTTCATCTAATTCAGTTATTGCCAAAGGGGACCCATGGGAATCCT	91368
Query	133590	CAAATAAACTGGGCTTTTGCCAAGACTACAGGCTGCTCTCCATAAGCTGACAGCAAGACC	133649
Sbjct	91367	CAAATAAACTGGGCTTTTGCCAAGACTACAGGCTGCTCTCCATAAGCTGACAGCAAGACC	91308
Query	133650	TCATAGCTGAAGACAAACACCTACACCCTCACTGAATATGCAGAAGCTGACCTGGTGCC	133709
Sbjct	91307	TCATAGCTGAAGACAAACACCTACACCCTCACTGAATATGCAGAAGCTGACCTGGTGCC	91248
Query	133710	AAAATAAAGCCTTTACCACTATATTCTAGTattttttttaaatatttatattttaTGTAT	133769
Sbjct	91247	AAAATAAAGCCTTTACCACTATATTCTAGTATTTTTTTAAATTTTATTATTTTATGTAT	91188
Query	133770	GTGAGTACACTGTCACTGTTTTCCAGACGTCCACAAGAAGAGGGCATCAGATCCCATTAC	133829
Sbjct	91187	GTGAGTACACTGTCACTGTTTTCCAGACGTCCACAAGAAGAGGGCATCAGATCCCATTAC	91128
Query	133830	AGACAGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGATTGAAGCTCAGGAACCTCGGAAGACCA	133889
Sbjct	91127	AGACAGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGATTGAAGCTCAGGAACCTCGGAAGACCA	91068
Query	133890	GTCAGTGCTCTCAATCTCTGAGTCATCTCTCCAGACATATTCTAGTATTTTTATTACAGG	133949
Sbjct	91067	GTCAGTGCTCTCAATCTCTGAGTCATCTCTCCAGACATATTCTAGTATTTTTATTACAGG	91008
Query	133950	AATGTAGTAATAATTTATTAATAAATCCCAGCACAGGTTGCTTCCCATCTTGACATTTTC	134009

Sbjct	91007	AATGTAGTAATAATTTATTAATAAATCCCAGCACAGGTTGCTTCCCATCTTGACATTTTC	90948
Query	134010	TTCCTGAATGAAACACACATACACATAGCCTTATATTTGAATATGCCTTAAACAGCAC	134069
Sbjct	90947	TTCCTGAATGAAACACACATACACATAGCCTTATATTTGAATATGCCTTAAACAGCAC	90888
Query	134070	AATAGCTGGGTGACTATAAAGCATCTATGCTGCTAGACTCTCCCTCTTGCCAATAATTCC	134129
Sbjct	90887	AATAGCTGGGTGACTATAAAGCATCTATGCTGCTAGACTCTCCCTCTTGCCAATAATTCC	90828
Query	134130	AAGTTAGTACTTACTAATTTCTATGTTCCATCTTGGCTGCTCTTAACTCCAATTAGTCAG	134189
Sbjct	90827	AAGTTAGTACTTACTAATTTCTATGTTCCATCTTGGCTGCTCTTAACTCCAATTAGTCAG	90768
Query	134190	CTGTCTGGGCCATGTTTTCTTGAGCCAAGCATAATCAAAACACCACATTCCACTCCCTGC	134249
Sbjct	90767	CTGTCTGGGCCATGTTTTCTTGAGCCAAGCATAATCAAAACACCACATTCCACTCCCTGC	90708
Query	134250	CTCATAGGCTTGTC AAGACACATGAATCTATGGGGTTATACCAAGCCATTCAACAATAA	134309
Sbjct	90707	CTCATAGGCTTGTC AAGACACATGAATCTATGGGGTTATACCAAGCCATTCAACAATAA	90648
Query	134310	AAAATTTAGTTCAACTTTCAAAGTCCCCACAATCTCTAACAATCTCAACAATGTTAAAAG	134369
Sbjct	90647	AAAATTTAGTTCAACTTTCAAAGTCCCCACAATCTCTAACAATCTCAACAATGTTAAAAG	90588
Query	134370	TTCAAAGTTTTTCTGAGATCCATCCAATCACTTCACTGTAATCCCCAAAGCAAAACAGGA	134429
Sbjct	90587	TTCAAAGTTTTTCTGAGATCCATCCAATCACTTCACTGTAATCCCCAAAGCAAAACAGGA	90528
Query	134430	AACCACCTGGGCAAAC TCAAAACTCTGCATCTTCGTGTCTGATGTCAAAGTGGTCTTCAA	134489
Sbjct	90527	AACCACCTGGGCAAAC TCAAAACTCTGCATCTTCGTGTCTGATGTCAAAGTGGTCTTCAA	90468
Query	134490	GTCTCCAGCTCCTTTTTTCATCTATGTTGATTACAAAAGACGTCTTCTATTAGTTTGAC	134549
Sbjct	90467	GTCTCCAGCTCCTTTTTTCATCTATGTTGATTACAAAAGACGTCTTCTATTAGTTTGAC	90408
Query	134550	TCCATGCTAGCAGCTTTCCTTGGCAGAAATCCCACACCTCTGACATCTTTACCATCTTGG	134609
Sbjct	90407	TCCATGCTAGCAGCTTTCCTTGGCAGAAATCCCACACCTCTGACATCTTTACCATCTTGG	90348
Query	134610	GATCTCCAAGTCAACTTCAACTTCCTAGCTTCTTGTCTAATGTGTGGGATCCACACATG	134669
Sbjct	90347	GATCTCCAAGTCAACTTCAACTTCCTAGCTTCTTGTCTAATGTGTGGGATCCACACATG	90288
Query	134670	ATCTTCTGAACAACTCCAAAGGGCTGGCATCACTTCTCCAGCTCTGCTGTCTATACCATT	134729
Sbjct	90287	ATCTTCTGAACAACTCCAAAGGGCTGGCATCACTTCTCCAGCTCTGCTGTCTATACCATT	90228
Query	134730	CTAAGCTATGGTTGACTCCACTCCATTGGTGCTGTATTCTTGGTGATCATTGATAGTAC	134789
Sbjct	90227	CTAAGCTATGGTTGACTCCACTCCATTGGTGCTGTATTCTTGGTGATCATTGATAGTAC	90168
Query	134790	TGGCAACTGCTGAAAGACCCCCGAAGGAGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGC	134849
Sbjct	90167	TGGCAACTGCTGAAAGACCCCCGAAGGAGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGC	90108
Query	134850	ACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGCAATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCG	134909
Sbjct	90107	ACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGCAATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCG	90048
Query	134910	AGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAG	134969
Sbjct	90047	AGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAG	89988
Query	134970	TAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCACAGAGCTTATAAAGGaaaaaaCCACAAA	135029
Sbjct	89987	TAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCACAGAGCTTATAAAGGAAAAAAACCACAAA	89928
Query	135030	CCaggggggatcaggagggagggaggaggggaATTCCAAAACCATAGACTGCCTATACAG	135089
Sbjct	89927	CCAGGGGGGATCAGGAGGGAGGGAGGAGGGGAATTCCAAAACCATAGACTGCCTATACAG	89868
Query	135090	TTAGGTCATATGCTAGTCAATGTGTAACACTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTG	135149
Sbjct	89867	TTAGGTCATATGCTAGTCAATGTGTAACACTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTG	89808
Query	135150	TGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCCATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGG	135209
Sbjct	89807	TGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGGGCCATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGG	89748
Query	135210	TCATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATGCAAGAATATTCCGGGAACCATTTGTACAGC	135269
Sbjct	89747	TCATTGTGGCTGTTCCAGGAAACTTTTCATGCAAGAATATTCCGGGAACCATTTGTACAGC	89688
Query	135270	AAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTCTTTTTGAGTAGCTAG	135329
Sbjct	89687	AAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTCTTTTTGAGTAGCTAG	89628

Query	135330	ACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATTTTAAATCCTTCAT	135389
Sbjct	89627	ACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATTTTAAATCCTTCAT	89568
Query	135390	TCCCCACTTCTTCTTTTTCATCGGCTCTAATCTTAGAGCCATTGTTTCATCCCATTGTAAC	135449
Sbjct	89567	TCCCCACTTCTTCTTTTTCATCGGCTCTAATCTTAGAGCCATTGTTTCATCCCATTGTAAC	89508
Query	135450	TCTTGGTACTGTTGTGCGCAGGACCAGTACCTGAACAGCACTCACTCTTTCTTTTATAAAT	135509
Sbjct	89507	TCTTGGTACTGTTGTGCGCAGGACCAGTACCTGAACAGCACTCACTCTTTCTTTTATAAAT	89448
Query	135510	GTCACCAGCCTATTGAATATACATGGCCCGAAAGTAAGTAGAAGCATGAGGATTATAATG	135569
Sbjct	89447	GTCACCAGCCTATTGAATATACATGGCCCGAAAGTAAGTAGAAGCATGAGGATTATAATG	89388
Query	135570	GGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTAACCATGGGGACTTATTAAACCAACTTTCA	135629
Sbjct	89387	GGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTAACCATGGGGACTTATTAAACCAACTTTCA	89328
Query	135630	AACCATCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTTTCCGTATATCTAAGCGTTCTCTAAGTTTA	135689
Sbjct	89327	AACCATCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTTTCCGTATATCTAAGCGTTCTCTAAGTTTA	89268
Query	135690	GCCATCGAATCCTTGATTACTCCAGAATGATCAACATAAAAAACAACATTCTCTTTTAGA	135749
Sbjct	89267	GCCATCGAATCCTTGATTACTCCAGAATGATCAACATAAAAAACAACATTCTCTTTTAGA	89208
Query	135750	GCAGCACAGAGTCTCTCTTCCCTTGAGGAATAATAAATCTAGTCCCTTCTGTTCTGTAGT	135809
Sbjct	89207	GCAGCACAGAGTCTCTCTTCCCTTGAGGAATAATAAATCTAGTCCCTTCTGTTCTGTAGT	89148
Query	135810	ACCACTTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTTCTAGTTTAGTTATAGATTGTTCTATGGAT	135869
Sbjct	89147	ACCACTTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTTCTAGTTTAGTTATAGATTGTTCTATGGAT	89088
Query	135870	CTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCCGAATTCTTCATAATATTGGGGGCTCTGAATTAAT	135929
Sbjct	89087	CTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCCGAATTCTTCATAATATTGGGGGCTCTGAATTAAT	89028
Query	135930	GCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTATCCCAGTCCCATGAGTACTGCAAAGGTC	135989
Sbjct	89027	GCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTATCCCAGTCCCATGAGTACTGCAAAGGTC	88968
Query	135990	AAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTCGGTGATCAAACCATCTACAAAAGAGCCA	136049
Sbjct	88967	AAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTCGGTGATCAAACCATCTACAAAAGAGCCA	88908
Query	136050	TCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTTGAACCAAATACAGTAATCTTTGGAAGTA	136109
Sbjct	88907	TCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTTGAACCAAATACAGTAATCTTTGGAAGTA	88848
Query	136110	TTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGAGACCAGTGTTGCAGGCCCATACTGTGTCT	136169
Sbjct	88847	TTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGAGACCAGTGTTGCAGGCCCATACTGTGTCT	88788
Query	136170	AggggggggTACTAGATACTGATTACCTTCCGTAGGCTGGACGGTTTGCATTTGATTACAA	136229
Sbjct	88787	AGGGGGGGTACTAGATACTGATTACCTTCCGTAGGCTGGACGGTTTGCATTTGATTACAA	88728
Query	136230	AGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTAAACAAAGTCCACTTCCTGAGACTGCTGTT	136289
Sbjct	88727	AGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTAAACAAAGTCCACTTCCTGAGACTGCTGTT	88668
Query	136290	AGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGCATTGAGAGGAGTCTGTTGTTTTGTTGTAA	136349
Sbjct	88667	AGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGCATTGAGAGGAGTCTGTTGTTTTGTTGTAA	88608
Query	136350	CCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATGGGGGGCTAGAGGCATAGCACAACCAACAA	136409
Sbjct	88607	CCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATGGGGGGCTAGAGGCATAGCACAACCAACAA	88548
Query	136410	GACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTACAGACCAGGAATGCCCCCTGTATTAGGCTA	136469
Sbjct	88547	GACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTACAGACCAGGAATGCCCCCTGTATTAGGCTA	88488
Query	136470	AACAGACGATTTTCAGTGTCCGGGGGTATGGGAGTATTTGAAGTGAGGGGAGGTTCTTTA	136529
Sbjct	88487	AACAGACGATTTTCAGTGTCCGGGGGTATGGGAGTATTTGAAGTGAGGGGAGGTTCTTTA	88428
Query	136530	GCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTGGGGGGCTACTGAGGCTTAAGCGAACCATG	136589
Sbjct	88427	GCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTGGGGGGCTACTGAGGCTTAAGCGAACCATG	88368
Query	136590	ACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCATTAAAAACTACCCCCATCTCATGCCCTC	136649
Sbjct	88367	ACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCATTAAAAACTACCCCCATCTCATGCCCTC	88308
Query	136650	ATCCATGTTTTGGGTATCATAATTTTTACCAGTGTCTGTAAATTGATCCGAATTCTATCT	136709

Sbjct	88307	ATCCATGTTTGGGTATCATAATTTTTTACCAGTGTCTGTAAATTTGATCCGAATTCATCT	88248
Query	136710	AAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTATATGGTTCCATTATGACATACCTCCCTGGC	136769
Sbjct	88247	AAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTATATGGTTCCATTATGACATACCTCCCTGGC	88188
Query	136770	CCAGAGTTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGTCATGAGTATATTTCGCTGTCCCATTTCCAA	136829
Sbjct	88187	CCAGAGTTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGTCATGAGTATATTTCGCTGTCCCATTTCCAA	88128
Query	136830	TCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATTTAGCACAAATAATGTGAGGCTGGCCCCCA	136889
Sbjct	88127	TCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATTTAGCACAAATAATGTGAGGCTGGCCCCCA	88068
Query	136890	CATATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGCAGTAAAACCCATAGCTTCTTATTTGATTA	136949
Sbjct	88067	CATATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGCAGTAAAACCCATAGCTTCTTATTTGATTA	88008
Query	136950	GGGGGAATGGAAGTGGGGATAATCTGTTTGAGGCAGAAAGCTAGGTCAGGCCACCATGTC	137009
Sbjct	88007	GGGGGAATGGAAGTGGGGATAATCTGTTTGAGGCAGAAAGCTAGGTCAGGCCACCATGTC	87948
Query	137010	CCTGGCGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATAAAACCTGATCCAGAGCAGGACCAAGAACC	137069
Sbjct	87947	CCTGGCGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATAAAACCTGATCCAGAGCAGGACCAAGAACC	87888
Query	137070	TGCCAGGTTAGAAATTAAGGCTGATGTGGGTTGTAATTTGGTAGGTAAACCTGACCTGAG	137129
Sbjct	87887	TGCCAGGTTAGAAATTAAGGCTGATGTGGGTTGTAATTTGGTAGGTAAACCTGACCTGAG	87828
Query	137130	TGAGGAGCAGCCTTAACCTGAATCATCTGGTGGGTGCTCACGGTCAGGCCTGGTGGTCTTG	137189
Sbjct	87827	TGAGGAGCAGCCTTAACCTGAATCATCTGGTGGGTGCTCACGGTCAGGCCTGGTGGTCTTG	87768
Query	137190	GCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTCGGTTTGCATCAGCAGTAGCAGCGACAGCA	137249
Sbjct	87767	GCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTCGGTTTGCATCAGCAGTAGCAGCGACAGCA	87708
Query	137250	GTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAGTCTGGATGATTTCCGGTTTCGCTGGCGTT	137309
Sbjct	87707	GTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAGTCTGGATGATTTCCGGTTTCGCTGGCGTT	87648
Query	137310	GGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAGGTTTCTAGCTGGAGGATTGCGAGCTCCT	137369
Sbjct	87647	GGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAGGTTTCTAGCTGGAGGATTGCGAGCTCCT	87588
Query	137370	ATGTTTCCTGGCCATATTCTGCATCTTGGCTCTTCACTTCTGCAGCACAGGCGAAGCTT	137429
Sbjct	87587	ATGTTTCCTGGCCATATTCTGCATCTTGGCTCTTCACTTCTGCAGCACAGGCGAAGCTT	87528
Query	137430	AAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAGTTGTTGTCTTCATTTTGGCTGGGTGTCTT	137489
Sbjct	87527	AAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAGTTGTTGTCTTCATTTTGGCTGGGTGTCTT	87468
Query	137490	CTTGACGTGGGAAGCGTGTATCCAAGCAGCGATCCCATCCACCTTTACTGCCGTGGGGGT	137549
Sbjct	87467	CTTGACGTGGGAAGCGTGTATCCAAGCAGCGATCCCATCCACCTTTACTGCCGTGGGGGT	87408
Query	137550	GGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCACCGAGGCTCCAAGGTGCCAGCTCGATGTCCG	137609
Sbjct	87407	GGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCACCGAGGCTCCAAGGTGCCAGCTCGATGTCCG	87348
Query	137610	TCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAACCTGTGGGGCACCTCTGAAGTTCCCGGTGC	137669
Sbjct	87347	TCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAACCTGTGGGGCACCTCTGAAGTTCCCGGTGC	87288
Query	137670	GTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCCAGATCTGTGTTCTGATGACTTCCAGAGCCTTTAGATG	137729
Sbjct	87287	GTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCCAGATCTGTGTTCTGATGACTTCCAGAGCCTTTAGATG	87228
Query	137730	AGTAAACAAAGCAGAGGATGAGGAAGAGTCGGCACTGGGATCCAATATCCCACTGGACTC	137789
Sbjct	87227	AGTAAACAAAGCAGAGGATGAGGAAGAGTCGGCACTGGGATCCAATATCCCACTGGACTC	87168
Query	137790	AGTCAAGGGGGCGGTCCCCCATGGAGAATCTCATAAGGAGTGAGGCCGAAACGTCCGGG	137849
Sbjct	87167	AGTCAAGGGGGCGGTCCCCCATGGAGAATCTCATAAGGAGTGAGGCCGAAACGTCCGGG	87108
Query	137850	TGTGTTTTGGACCCTAAGAAGCGCAAAGGGAAGGAGAGTCACCCAGTCTTTACCACCGGT	137909
Sbjct	87107	TGTGTTTTGGACCCTAAGAAGCGCAAAGGGAAGGAGAGTCACCCAGTCTTTACCACCGGT	87048
Query	137910	CTCAATGGCTAATTTAGTTAGGGTCTCTTTTAGAGTTCTATTCAATCTTTCTACCTGTCC	137969
Sbjct	87047	CTCAATGGCTAATTTAGTTAGGGTCTCTTTTAGAGTTCTATTCAATCTTTCTACCTGTCC	86988
Query	137970	TGAACTCTGGGGTCTATATGCACAATGTAATTTCCAATCTGTCCCCAGTTGCGAGGCCAA	138029
Sbjct	86987	TGAACTCTGGGGTCTATATGCACAATGTAATTTCCAATCTGTCCCCAGTTGCGAGGCCAA	86928



Query	138030	TCCCTGACTTACCTGGGCAACAAAAGCTGGCCCATTATCCGAGCCGATTACCTTAGGTAC	138089
Sbjct	86927	TCCCTGACTTACCTGGGCAACAAAAGCTGGCCCATTATCCGAGCCGATTACCTTAGGTAC	86868
Query	138090	CCCAAACCGGGGTAAGATTCTTCAAGAATCTTCTTGGCCACCACCTGAGCAGTTTCGGA	138149
Sbjct	86867	CCCAAACCGGGGTAAGATTCTTCAAGAATCTTCTTGGCCACCACCTGAGCAGTTTCGGA	86808
Query	138150	TTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAAAAGGTATCAACAAAGACTAATAGATATTT	138209
Sbjct	86807	TTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAAAAGGTATCAACAAAGACTAATAGATATTT	86748
Query	138210	ATTACCATATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTAAAATCCACTTCCCAGTGGACTCCTGGTCG	138269
Sbjct	86747	ATTACCATATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTAAAATCCACTTCCCAGTGGACTCCTGGTCG	86688
Query	138270	GTCTCCTCGTCTTCTTTTTCCAGGTTCTTGATAGGGCTTAGCGGCGTTAGTAAGTGTACA	138329
Sbjct	86687	GTCTCCTCGTCTTCTTTTTCCAGGTTCTTGATAGGGCTTAGCGGCGTTAGTAAGTGTACA	86628
Query	138330	GGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATTGTTGAATTCAAATTTAACACATGGTATTT	138389
Sbjct	86627	GGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATTGTTGAATTCAAATTTAACACATGGTATTT	86568
Query	138390	AGAAGCTTTTGACAAGTTGTTTTAGTTTATCTGCCCTAAGTGAGTCAACTGGTGCAGTCT	138449
Sbjct	86567	AGAAGCTTTTGACAAGTTGTTTTAGTTTATCTGCCCTAAGTGAGTCAACTGGTGCAGTCT	86508
Query	138450	CTGAACATAACTTATTCTTCTTGTGTTGGCAGGATCACTCGCCCATCCATAGTCCGCGC	138509
Sbjct	86507	CTGAACATAACTTATTCTTCTTGTGTTGGCAGGATCACTCGCCCATCCATAGTCCGCGC	86448
Query	138510	TACCCCATCAAAGCTGAATTCTTGAGCTTGTTTTCTGTAAACCATATTTTTTAATATTTT	138569
Sbjct	86447	TACCCCATCAAAGCTGAATTCTTGAGCTTGTTTTCTGTAAACCATATTTTTTAATATTTT	86388
Query	138570	AAAATCATTGGCTGAATAAATGTAGTTAGAGTCATCAGTAACTGGAGTTTTTACTGGAGT	138629
Sbjct	86387	AAAATCATTGGCTGAATAAATGTAGTTAGAGTCATCAGTAACTGGAGTTTTTACTGGAGT	86328
Query	138630	CTGACTCTTTTCTGCTAATATTGTTACCTGCTGGGCCACCTGTTTTGCCACGAGGTCCGC	138689
Sbjct	86327	CTGACTCTTTTCTGCTAATATTGTTACCTGCTGGGCCACCTGTTTTGCCACGAGGTCCGC	86268
Query	138690	CATTTGGTTCCCTTTTGTATAGGATCTTCTCCTTTTGGTGACCTGGACAGTGAATAAT	138749
Sbjct	86267	CATTTGGTTCCCTTTTGTATAGGATCTTCTCCTTTTGGTGACCTGGACAGTGAATAAT	86208
Query	138750	GGCCACCTTCTTTGGCAAATGTACTGCCTCTAAAAGGGCTAAAATCTCTTCTTTGTTTTT	138809
Sbjct	86207	GGCCACCTTCTTTGGCAAATGTACTGCCTCTAAAAGGGCTAAAATCTCTTCTTTGTTTTT	86148
Query	138810	GATGTCTCTTCCCGCCGAAGTGAGTAGCCCCCTTTGCTTGTAGATGGCTCCATGTATATG	138869
Sbjct	86147	GATGTCTCTTCCCGCCGAAGTGAGTAGCCCCCTTTGCTTGTAGATGGCTCCATGTATATG	86088
Query	138870	GGCTGTAGCAAAGGCATACCGGCTGTCCGTATAAATGTTAATGGCCTTACCTTCTGCCAA	138929
Sbjct	86087	GGCTGTAGCAAAGGCATACCGGCTGTCCGTATAAATGTTAATGGCCTTACCTTCTGCCAA	86028
Query	138930	TCGCAAGGCCTGAGTCAAAGCCACGAGTTCCGGCTTTTGGAGCTGAAGTTCCTTCTGGAAG	138989
Sbjct	86027	TCGCAAGGCCTGAGTCAAAGCCACGAGTTCCGGCTTTTGGAGCTGAAGTTCCTTCTGGAAG	85968
Query	138990	ACTACTTGCCCAGATTACCTGTTTTCCATCTACCACTGCCGCTCCCCTCTCCTTTTTCC	139049
Sbjct	85967	ACTACTTGCCCAGATTACCTGTTTTCCATCTACCACTGCCGCTCCCCTCTCCTTTTTCC	85908
Query	139050	TTCCACCACAAAACCTGCTGCCATCTGTATACCAAGCAGGCACACCTGGCCATGGTCGATC	139109
Sbjct	85907	TTCCACCACAAAACCTGCTGCCATCTGTATACCAAGCAGGCACACCTGGCCATGGTCGATC	85848
Query	139110	AGTCAGGTCCTTTCTTGTTCGGTTTTCTCCGCCAAGATATCGACACATTGATGTATTGG	139169
Sbjct	85847	AGTCAGGTCCTTTCTTGTTCGGTTTTCTCCGCCAAGATATCGACACATTGATGTATTGG	85788
Query	139170	GGTGGAGTTATGCATCTCAGGGAGAAGAGTAGCAGGATTAAGAATGGCAGGTGGGGCGAA	139229
Sbjct	85787	GGTGGAGTTATGCATCTCAGGGAGAAGAGTAGCAGGATTAAGAATGGCAGGTGGGGCGAA	85728
Query	139230	AGTCACTCGTTCATTACAGTAACAGGCTCTGATAGTGGGTCATCCGGGCGTTAGTCATCCA	139289
Sbjct	85727	AGTCACTCGTTCATTACAGTAACAGGCTCTGATAGTGGGTCATCCGGGCGTTAGTCATCCA	85668
Query	139290	CCGGTCCGGGGGCTGCCGCACGATACTCTCCAGAGCATGGGGAGCAATGATAGTCACATG	139349
Sbjct	85667	CCGGTCCGGGGGCTGCCGCACGATACTCTCCAGAGCATGGGGAGCAATGATAGTCACATG	85608
Query	139350	CTGACCTAGGGTGAGCTTGTCTCAGCATCTTTAACAAGTAAGGCCACGGCAGCAATGGCTTT	139409

Sbjct	85607	CTGACCTAGGGTGAGCTTGTGTCAGCATCTTTAACAAAGTAAGGCCACGGCAGCAATGGCTTT	85548
Query	139410	TAGGCAGGAGGGCCATCCGCTGGCGACCGGGTCTAACCTTTTTGACAAGTAGGCTACCGG	139469
Sbjct	85547	TAGGCAGGAGGGCCATCCGCTGGCGACCGGGTCTAACCTTTTTGACAAGTAGGCTACCGG	85488
Query	139470	GCGTTTCCAGGGCCCCAGAGCCTGAGTTAAGACCCCGCGGGCTACTCCAGCCCGTTCATC	139529
Sbjct	85487	GCGTTTCCAGGGCCCCAGAGCCTGAGTTAAGACCCCGCGGGCTACTCCAGCCCGTTCATC	85428
Query	139530	AACATATAAGGTGAAAGGCTTAGTCAAATCTGGCAAGGCCAGAGCAGGGGCTGCCAGTAG	139589
Sbjct	85427	AACATATAAGGTGAAAGGCTTAGTCAAATCTGGCAAGGCCAGAGCAGGGGCTGCCAGTAG	85368
Query	139590	TGCAGCTTTTATGTCTCAAAGGCTCTTTGGTGCTCCTCGGTCCAGGTGAATGGGACCTT	139649
Sbjct	85367	TGCAGCTTTTATGTCTCAAAGGCTCTTTGGTGCTCCTCGGTCCAGGTGAATGGGACCTT	85308
Query	139650	TTCTTTTGTAAGAGGGTACAAAGGAGCTGCCAGTGTTGCGAACCCCGGTATCCAGAGTCT	139709
Sbjct	85307	TTCTTTTGTAAGAGGGTACAAAGGAGCTGCCAGTGTTGCGAACCCCGGTATCCAGAGTCT	85248
Query	139710	ACAAAAGCCCGCGTCCCCAGAAACTCACGTACTTGTGCGGAGTGGTGGGGGTCGGGAT	139769
Sbjct	85247	ACAAAAGCCCGCGTCCCCAGAAACTCACGTACTTGTGCGGAGTGGTGGGGGTCGGGAT	85188
Query	139770	CTGCATCACAGTTTTCTTTTCGAGCTTCGGTGAGCCACCGCTTTCCTTCTCTGAGAGTGTA	139829
Sbjct	85187	CTGCATCACAGTTTTCTTTTCGAGCTTCGGTGAGCCACCGCTTTCCTTCTCTGAGAGTGTA	85128
Query	139830	TCCTAGGTAGGTCACCTCAGTGCGACACAGCTGAGCTTTTTTAGCAGACACCCGGTACCC	139889
Sbjct	85127	TCCTAGGTAGGTCACCTCAGTGCGACACAGCTGAGCTTTTTTAGCAGACACCCGGTACCC	85068
Query	139890	CAACTCACCCAATTCAATTTAGGAGCCTTTTGGTCCCTCACGACACAGTTCCTGGGTTGA	139949
Sbjct	85067	CAACTCACCCAATTCAATTTAGGAGCCTTTTGGTCCCTCACGACACAGTTCCTGGGTTGA	85008
Query	139950	AGCAGCAAGCAGTAGGTCGTCTACGTACTGCAAGAGAGAAATCTGGGGGTTTTGTGCCCT	140009
Sbjct	85007	AGCAGCAAGCAGTAGGTCGTCTACGTACTGCAAGAGAGAAATCTGGGGGTTTTGTGCCCT	84948
Query	140010	GAAAGGCGCAAGGTCTCGATGGAGCGCCTCATTAAAGAGAGTAGGGGAATTTTGAACCC	140069
Sbjct	84947	GAAAGGCGCAAGGTCTCGATGGAGCGCCTCATTAAAGAGAGTAGGGGAATTTTGAACCC	84888
Query	140070	TTGGGGCAGCCATGTCCAGGTCAGCTGGCCAGTGTGTCTCCTTCTGGATCTCTCCACTC	140129
Sbjct	84887	TTGGGGCAGCCATGTCCAGGTCAGCTGGCCAGTGTGTCTCCTTCTGGATCTCTCCACTC	84828
Query	140130	AAAAGCAAATAGTGGCTGGCTGTTGGGATGCAACCGAAGGCAGAAAAAGGCATCCTTTAA	140189
Sbjct	84827	AAAAGCAAATAGTGGCTGGCTGTTGGGATGCAACCGAAGGCAGAAAAAGGCATCCTTTAA	84768
Query	140190	GTCTAAGACAGTGTACCAAGTCCGCTCTGGTGGTAGGGAACCTAGTAAATTGTAAGGATT	140249
Sbjct	84767	GTCTAAGACAGTGTACCAAGTCCGCTCTGGTGGTAGGGAACCTAGTAAATTGTAAGGATT	84708
Query	140250	TGGAACCGTAGGGTGGATGTCCTGCACCCTTTTGTTAACTTCTCTTAAATCTTGACTGG	140309
Sbjct	84707	TGGAACCGTAGGGTGGATGTCCTGCACCCTTTTGTTAACTTCTCTTAAATCTTGACTGG	84648
Query	140310	TCGATAATCGTTAGTCCCAGGCTTGCGCACAGGCAGGAGAGGAGTGTTCCAAGGGGATTG	140369
Sbjct	84647	TCGATAATCGTTAGTCCCAGGCTTGCGCACAGGCAGGAGAGGAGTGTTCCAAGGGGATTG	84588
Query	140370	GAAAGGCAC TAGAATCCCTAGTTGTAGCAGTCTCTGAATATGTGGCCGGATGCCTTCTTT	140429
Sbjct	84587	GAAAGGCAC TAGAATCCCTAGTTGTAGCAGTCTCTGAATATGTGGCCGGATGCCTTCTTT	84528
Query	140430	AGCTTCCCTACTCATAGGGTATTGTTTGACTGAGACTGGAGAGGCATCGGCTTTTAATTC	140489
Sbjct	84527	AGCTTCCCTACTCATAGGGTATTGTTTGACTGAGACTGGAGAGGCATCGGCTTTTAATTC	84468
Query	140490	TACTACTACTGGCGGTACTTGCTTGCGTAACCCCATCCCTGTCTGCTCCGCCCAGACTTC	140549
Sbjct	84467	TACTACTACTGGCGGTACTTGCTTGCGTAACCCCATCCCTGTCTGCTCCGCCCAGACTTC	84408
Query	140550	GGAAAAAGCAGACAGCCACTCGGGGGCTAGTAACTGTTTCGGGATTCTGCTCATGGAGGCG	140609
Sbjct	84407	GGAAAAAGCAGACAGCCACTCGGGGGCTAGTAACTGTTTCGGGATTCTGCTCATGGAGGCG	84348
Query	140610	GTATTCTTCTTCTAAACTTAAAACCAACATGCAACAGGGGCCTCTTCCCAGGTTACTTT	140669
Sbjct	84347	GTATTCTTCTTCTAAACTTAAAACCAACATGCAACAGGGGCCTCTTCCCAGGTTACTTT	84288
Query	140670	TGGCCCTTTTGAGGTGAACTGTACTTGAGCCTTAAGTTTGGTTAATAAGTCTCTTCCCAG	140729
Sbjct	84287	TGGCCCTTTTGAGGTGAACTGTACTTGAGCCTTAAGTTTGGTTAATAAGTCTCTTCCCAG	84228

Query	140730	TAGGGGCATGGGGCATT	CAGGAATCACAAGAAAAG	AATGAGTCACTTGGCTTTTCCCTAT	140789
Sbjct	84227	TAGGGGCATGGGGCATT	CAGGAATCACAAGAAAAG	AATGAGTCACTTGGCTTTTCCCTAT	84168
Query	140790	ATCTAAGACTCGTTT	AGTGGTCCAGGGGTAAAGTT	ACTACCACTGGCTCCCATTACCAT	140849
Sbjct	84167	ATCTAAGACTCGTTT	AGTGGTCCAGGGGTAAAGTT	ACTACCACTGGCTCCCATTACCAT	84108
Query	140850	AGTCCTCTTTTGCCCCA	ATTGTCCCAGTGGCTTGGTCAAA	ACTGAATGTTCTGCTCCTGT	140909
Sbjct	84107	AGTCCTCTTTTGCCCCA	ATTGTCCCAGTGGCTTGGTCAAA	ACTGAATGTTCTGCTCCTGT	84048
Query	140910	GTCTACCAAGAAATCA	ACAGGAGTCCCCTCCACAGAA	AGATTACCCTAGGCTCGGGGAG	140969
Sbjct	84047	GTCTACCAAGAAATCA	ACAGGAGTCCCCTCCACAGAA	AGATTACCCTAGGCTCGGGGAG	83988
Query	140970	GGGAGTCGAGCCCCG	ACTTCCCTAGTTCTCTTCAA	AGGCCAGTACCTTGGGTCCCTCTTG	141029
Sbjct	83987	GGGAGTCGAGCCCCG	ACTTCCCTAGTTCTCTTCAA	AGGCCAGTACCTTGGGTCCCTCTTG	83928
Query	141030	TTTCTTTTTTAGGAC	AGTTTCTGGCCCAATGTCCTTTTT	CTTTGCAGTATGCACATTGATC	141089
Sbjct	83927	TTTCTTTTTTAGGAC	AGTTTCTGGCCCAATGTCCTTTTT	CTTTGCAGTATGCACATTGATC	83868
Query	141090	ATTTTCGAGCTGCAG	TCTTTTCTCCCGAGGTCTTCTTG	CTCCGTTGCCCAGGTACCC	141149
Sbjct	83867	ATTTTCGAGCTGCAG	TCTTTTCTCCCGAGGTCTTCTTG	CTCCGTTGCCCAGGTACCC	83808
Query	141150	TGACTGTCCCTTCTC	TATCCTTTTGTACCTACTACTG	CGGCCAAAATCTTAGTTAAGTT	141209
Sbjct	83807	TGACTGTCCCTTCTC	TATCCTTTTGTACCTACTACTG	CGGCCAAAATCTTAGTTAAGTT	83748
Query	141210	CCTCTCCTGCCGGCG	ATCACGCCGGttctctctctctc	ctctctgctctcttctttctctctc	141269
Sbjct	83747	CCTCTCCTGCCGGCG	ATCACGCCGGTCTCTCTCTCTC	TCTGCTCTTTCTTTTCTCTCTC	83688
Query	141270	tcgtttctcttctctc	tgtttccctcttatgatacacctt	ctctctgcttcttttACTAGATC	141329
Sbjct	83687	TCGTTTCTCTTCTCT	GTTTCCCTCTTATGATACACCTT	CTCTGCTTCTTTTACTAGATC	83628
Query	141330	TCGCAAAGTGTAGTC	TCTGGAGCCCTCTAACCTCTG	CAGCTTTCTCTTAATGTCTGAGGC	141389
Sbjct	83627	TCGCAAAGTGTAGTC	TCTGGAGCCCTCTAACCTCTG	CAGCTTTCTCTTAATGTCTGAGGC	83568
Query	141390	AGACTGCCCAATGAA	AGCCATGGCTACAGCCGCTTG	CTGTCCCTCCGAGGAGGGGTCAA	141449
Sbjct	83567	AGACTGCCCAATGAA	AGCCATGGCTACAGCCGCTTG	CTGTCCCTCCGAGGAGGGGTCAA	83508
Query	141450	CGGTGTATATCTCT	TATAGCCTCCATCAGTCGCTCT	AAGAAAACAGAGGGCGGCTCTGC	141509
Sbjct	83507	CGGTGTATATCTCT	TATAGCCTCCATCAGTCGCTCT	AAGAAAACAGAGGGCGGCTCTGC	83448
Query	141510	TGGTCCCTGAAGAA	CTTCTTTACCTTAGCCAAATT	AGTGGGTGCGCGAGCGGCCCTTT	141569
Sbjct	83447	TGGTCCCTGAAGAA	CTTCTTTACCTTAGCCAAATT	AGTGGGTGCGCGAGCGGCCCTTT	83388
Query	141570	CCGCCACTAGAGTCC	GCGGTATACTGTGAGACGCTCC	CTACCTTCCGCAGTGTTGAAGT	141629
Sbjct	83387	CCGCCACTAGAGTCC	GCGGTATACTGTGAGACGCTCC	CTACCTTCCGCAGTGTTGAAGT	83328
Query	141630	CCCAGGCTGGGCGGG	TCAAGGGGAAGTTTCATCTATA	AAGATTGGGGAGATTAGTGGGGG	141689
Sbjct	83327	CCCAGGCTGGGCGGG	TCAAGGGGAAGTTTCATCTATA	AAGATTGGGGAGATTAGTGGGGG	83268
Query	141690	TCCCATCTGGTCCG	GGGACATTCTTTCTGGCTTCCA	ACAGGATCCTCTCCTTCTCCTCTG	141749
Sbjct	83267	TCCCATCTGGTCCG	GGGACATTCTTTCTGGCTTCCA	ACAGGATCCTCTCCTTCTCCTCTG	83208
Query	141750	TGGTGAAGAGGGCT	GCAGGAGTTGCTGGCAATCATCC	CAAGTGGGCTGATGGGAAAACA	141809
Sbjct	83207	TGGTGAAGAGGGCT	GCAGGAGTTGCTGGCAATCATCC	CAAGTGGGCTGATGGGAAAACA	83148
Query	141810	TAAGGGACTCAAGA	AGCCAGTCAAGCCGAGGGATTTT	CTGAAAAAGAAGGGTGATTAG	141869
Sbjct	83147	TAAGGGACTCAAGA	AGCCAGTCAAGCCGAGGGATTTT	CTGAAAAAGAAGGGTGATTAG	83088
Query	141870	TTTTCCAGTTGTAT	AGATCAGCTGAAGAGAAAGGCC	AGTACTGCAAAGGGACAAGTTCAT	141929
Sbjct	83087	TTTTCCAGTTGTAT	AGATCAGCTGAAGAGAAAGGCC	AGTACTGCAAAGGGACAAGTTCAT	83028
Query	141930	CGGGGCCTGGCGGG	GGGCCACCAACATAGGCACGGA	GGGCAACAGTGAAATCCC	141989
Sbjct	83027	CGGGGCCTGGCGGG	GGGCCACCAACATAGGCACGGA	GGGCAACAGTGAAATCCC	82968
Query	141990	CTTCTGGGCTGCGG	CCTCTCCGGCTCCGTGTCCCCG	CCGCAGGcccccccACCCCGTCCC	142049
Sbjct	82967	CTTCTGGGCTGCGG	CCTCTCCGGCTCCGTGTCCCCG	CCGCAGGCCCCCCCACCCCGTCCC	82908
Query	142050	TCTCGGCAGGTGCC	GGGGCCGGGGGTGCAGATGGT	CGCGCAGAGGATAAGGGGGAGGCT	142109

Sbjct	82907	TCTCGGCAGGTGCCGGGGCCGGGGTGCAGATGGTCGCGGCAGAGGATAAGGGGGAGGCT	82848
Query	142110	GTGGCTCCGTCCACAAAGGGTCTCTCGATCTCAGGGTAGATCTTTGGAGGTTCCGAAGGGT	142169
Sbjct	82847	GTGGCTCCGTCCACAAAGGGTCTCTCGATCTCAGGGTAGATCTTTGGAGGTTCCGAAGGGT	82788
Query	142170	CTGCCGACAGTTGGGTCTGCTTAGGTTTAGCTGCCGCAACTGCCACTGTCACTCCAGACC	142229
Sbjct	82787	CTGCCGACAGTTGGGTCTGCTTAGGTTTAGCTGCCGCAACTGCCACTGTCACTCCAGACC	82728
Query	142230	CCGTGATCCAGGGCTTAACCCAAGGTGGGGGATCCTGGACCAGGTCCTGCCAGACGATGA	142289
Sbjct	82727	CCGTGATCCAGGGCTTAACCCAAGGTGGGGGATCCTGGACCAGGTCCTGCCAGACGATGA	82668
Query	142290	TATAGGGGATCTGGTCGGGATGTCTCTACTTCTGAAAGACAATGCGCTTAACAGCGA	142349
Sbjct	82667	TATAGGGGATCTGGTCGGGATGTCTCTACTTCTGAAAGACAATGCGCTTAACAGCGA	82608
Query	142350	GAACAAGAGACAGGTTAAAGGCTCCCTCTGGTGGCCATCCTACCTTAAAGGTTGGCCATT	142409
Sbjct	82607	GAACAAGAGACAGGTTAAAGGCTCCCTCTGGTGGCCATCCTACCTTAAAGGTTGGCCATT	82548
Query	142410	CGGATGAACAAAAGTCTGCCAGGGTCCCTTCTTAACGTCTACTGAAAAATTTGTGAGCTC	142469
Sbjct	82547	CGGATGAACAAAAGTCTGCCAGGGTCCCTTCTTAACGTCTACTGAAAAATTTGTGAGCTC	82488
Query	142470	TAGTCCTTACTTCAGTCCAGTGATCCAGAGTCAAAGTCAAAGGAGTCGTTACTTTTCTGTC	142529
Sbjct	82487	TAGTCCTTACTTCAGTCCAGTGATCCAGAGTCAAAGTCAAAGGAGTCGTTACTTTTCTGTC	82428
Query	142530	CCATGTTGAGCTCGaacaacacacaccacacacacgagcacaacacaaaagagaaaaaagaa	142589
Sbjct	82427	CCATGTTGAGCTCGACAACACACACCACACACACGAGCACAAACAAAAGAGAAAAAGAA	82368
Query	142590	aacaaaacCGACGTCGACTTCGTGTGCGACCAGATGCACTGAAACTGATCGGCAGGTTGCA	142649
Sbjct	82367	AACAAAACCGACGTCGACTTCGTGTGCGACCAGATGCACTGAAACTGATCGGCAGGTTGCA	82308
Query	142650	GACCTTGCCTAACAAACCGGTCGTCAAGGAGTAAAGTCTCCTCTGGACCTATCAGATGGG	142709
Sbjct	82307	GACCTTGCCTAACAAACCGGTCGTCAAGGAGTAAAGTCTCCTCTGGACCTATCAGATGGG	82248
Query	142710	GTTCAACAGGCGTCCCTGGTCCCCCTTGTGTCTCCTGGGACGTCTCCCAGGGCGAACG	142769
Sbjct	82247	GTTCAACAGGCGTCCCTGGTCCCCCTTGTGTCTCCTGGGACGTCTCCCAGGGCGAACG	82188
Query	142770	GACGGTGGGTACCTGGACACGTCTATCCCTATCCACCCCGCTCTCCTTCTGGAGCGCGG	142829
Sbjct	82187	GACGGTGGGTACCTGGACACGTCTATCCCTATCCACCCCGCTCTCCTTCTGGAGCGCGG	82128
Query	142830	TCTCACTGAGCGTCCGCAAAACCGAAACAGCGATCGCACCAGATTCCCAGACAGAACATA	142889
Sbjct	82127	TCTCACTGAGCGTCCGCAAAACCGAAACAGCGATCGCACCAGATTCCCAGACAGAACATA	82068
Query	142890	GACACGGACACAGACACAGCGCTGAGATAAAACAGAGAATCTTACCTCCAAGTGGGTCTA	142949
Sbjct	82067	GACACGGACACAGACACAGCGCTGAGATAAAACAGAGAATCTTACCTCCAAGTGGGTCTA	82008
Query	142950	GGACCCCTGGGTGGTTCGCGCAGATCCCGGACGAGCCCCCAAATGAAAGACCCCGAAGGG	143009
Sbjct	82007	GGACCCCTGGGTGGTTCGCGCAGATCCCGGACGAGCCCCCAAATGAAAGACCCCGAAGGG	81948
Query	143010	AGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGC	143069
Sbjct	81947	AGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGC	81888
Query	143070	TGCAATCACAGGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATG	143129
Sbjct	81887	TGCAATCACAGGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATG	81828
Query	143130	CTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTT	143189
Sbjct	81827	CTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTT	81768
Query	143190	TCACAGAGCTTATAAAGGaaaaaaaCCACAAACCaggggggatcaggagggagggaggag	143249
Sbjct	81767	TCACAGAGCTTATAAAGGAAAAAAACCACAAACCAGGGGGGATCAGGAGGGAGGGAGGAG	81708
Query	143250	gggaATTCCAAAACCATAGACTGCCCATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACA	143309
Sbjct	81707	GGGAATTCCAAAACCATAGACTGCCCATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACA	81648
Query	143310	CTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGG	143369
Sbjct	81647	CTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAGG	81588
Query	143370	GCCATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGGTCAATTGTGGCTGTTCCAGGAACTTTTC	143429
Sbjct	81587	GCCATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGGTCAATTGTGGCTGTTCCAGGAACTTTTC	81528

Query	143430	ATGCAAGAATATTCCGGGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTC	143489
Sbjct	81527	ATGCAAGAATATTCCGGGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTC	81468
Query	143490	ACAGACTCTACTTCTTCTTTTGGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTCTTTTGGGTAGCTA	143549
Sbjct	81467	ACAGACTCTACTTCTTCTTTTGGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTCTTTTGGGTAGCTA	81408
Query	143550	GGCGGCTTTTTATTAAATTTTAAATCCTTCACTGCAATATACTAGGATCTTCCACAGCAA	143609
Sbjct	81407	GGCGGCTTTTTATTAAATTTTAAATCCTTCACTGCAATATACTAGGATCTTCCACAGCAA	81348
Query	143610	CTAGACCTCACCCATAGCCTCTCATAGGCTTTCTTCATGGTCCTAAGCCTTAACTCTTTG	143669
Sbjct	81347	CTAGACCTCACCCATAGCCTCTCATAGGCTTTCTTCATGGTCCTAAGCCTTAACTCTTTG	81288
Query	143670	CATGACCCCTTCAATCCTGGGACATCAACGGCAACTCAGGCTGCACCTTCACCAATGGAC	143729
Sbjct	81287	CATGACCCCTTCAATCCTGGGACATCAACGGCAACTCAGGCTGCACCTTCACCAATGGAC	81228
Query	143730	TTCCTTGGCCTCTCACAGACTCTTTCATGTCTTCAAACCAGACCACCTGGGTGACTCTT	143789
Sbjct	81227	TTCCTTGGCCTCTCACAGACTCTTTCATGTCTTCAAACCAGACCACCTGGGTGACTCTT	81168
Query	143790	ACACATTACTTAGTCCAGTGGCAGCATGAGGTATAAATATGGCTATTTCTGAAACACAGC	143849
Sbjct	81167	ACACATTACTTAGTCCAGTGGCAGCATGAGGTATAAATATGGCTATTTCTGAAACACAGC	81108
Query	143850	TTCTTTGTGTTCTCAGAAACATTTCCCAGAAGACTTCAACTCAGTGATTCTGGTCTCTTC	143909
Sbjct	81107	TTCTTTGTGTTCTCAGAAACATTTCCCAGAAGACTTCAACTCAGTGATTCTGGTCTCTTC	81048
Query	143910	TTCATCACTGTTTCATTTCTTAGCTTCAGATCATCATTACTTGCTCAGTAGTCTCTTCTCT	143969
Sbjct	81047	TTCATCACTGTTTCATTTCTTAGCTTCAGATCATCATTACTTGCTCAGTAGTCTCTTCTCT	80988
Query	143970	TCTTGACTCTAAAGCCAGAGCCAGGTGACCAAATTCTGCTGAGTTCTACTGCTTGCTGGA	144029
Sbjct	80987	TCTTGACTCTAAAGCCAGAGCCAGGTGACCAAATTCTGCTGAGTTCTACTGCTTGCTGGA	80928
Query	144030	GCTGGAAAATGGCACCCCTTACCTATTACAATATCACCAGCCTTTTGTTTTTCAACCCTT	144089
Sbjct	80927	GCTGGAAAATGGCACCCCTTACCTATTACAATATCACCAGCCTTTTGTTTTTCAACCCTT	80868
Query	144090	TCACTGTCTAAGCTTGGCTATCCTAGAACTTGCTCTGTAGATTGACCTTAAACTCAGAGA	144149
Sbjct	80867	TCACTGTCTAAGCTTGGCTATCCTAGAACTTGCTCTGTAGATTGACCTTAAACTCAGAGA	80808
Query	144150	TATGCATGGCTCTCTCTCCTAGTTACTGGGATCAAAGGCATGTGCCACCATGACCTTTTC	144209
Sbjct	80807	TATGCATGGCTCTCTCTCCTAGTTACTGGGATCAAAGGCATGTGCCACCATGACCTTTTC	80748
Query	144210	TCTGCTTGGAACCTTGCTTTATATCAGGCTGACTTTGAACTCAAAAATATGCTTGCCTCTG	144269
Sbjct	80747	TCTGCTTGGAACCTTGCTTTATATCAGGCTGACTTTGAACTCAAAAATATGCTTGCCTCTG	80688
Query	144270	TCTCCTGAGATTAAAGATGTACCACCATGTTTGAACCTAAGCTTAGCTGGATGGGATCTG	144329
Sbjct	80687	TCTCCTGAGATTAAAGATGTACCACCATGTTTGAACCTAAGCTTAGCTGGATGGGATCTG	80628
Query	144330	GCTCCAAAGTTACTACTCCCTCTATCTGTTTACCTCCATTTCACTTCTTGGTGCCCTTTT	144389
Sbjct	80627	GCTCCAAAGTTACTACTCCCTCTATCTGTTTACCTCCATTTCACTTCTTGGTGCCCTTTT	80568
Query	144390	ATTATTTAAGCCACACATTTTCTACTTTCTTTCTAAGCTTGCTACACTTCATCATAACAC	144449
Sbjct	80567	ATTATTTAAGCCACACATTTTCTACTTTCTTTCTAAGCTTGCTACACTTCATCATAACAC	80508
Query	144450	CTTTCATGAGACTAAAAACACAGCACAAAGTCTAAACTGGATAGTTTGGAGACCTTCTTT	144509
Sbjct	80507	CTTTCATGAGACTAAAAACACAGCACAAAGTCTAAACTGGATAGTTTGGAGACCTTCTTT	80448
Query	144510	GTAATTAATATAAATCTCTATACCTTAGCCTCAGGCAGACTGTTTGGACAAAGGCAAGAA	144569
Sbjct	80447	GTAATTAATATAAATCTCTATACCTTAGCCTCAGGCAGACTGTTTGGACAAAGGCAAGAA	80388
Query	144570	GCAGCAACATTCTTTACCAAAAATACAACAAGAACACTTAGTCTCTCCACCAGATACTAAA	144629
Sbjct	80387	GCAGCAACATTCTTTACCAAAAATACAACAAGAACACTTAGTCTCTCTCCACCAGATACTAAA	80328
Query	144630	ATTCTTCTCCTCTAACGCCAAGCCTTCACAGTTCAAATCACCTTTAGCAACAAAGTCTTG	144689
Sbjct	80327	ATTCTTCTCCTCTAACGCCAAGCCTTCACAGTTCAAATCACCTTTAGCAACAAAGTCTTG	80268
Query	144690	CATATTCCTGCTGGGATAGCCCATTAAGCCTTACTTAAAGCATTCCACTGCTTTCAAAT	144749
Sbjct	80267	CATATTCCTGCTGGGATAGCCCATTAAGCCTTACTTAAAGCATTCCACTGCTTTCAAAT	80208
Query	144750	TCAAAGTCCTTAAACCCTCATTCTTCCAAACAAAGCCTGGTCAGACCTATCACAGCAATA	144809

Sbjct	80207	TCAAAGTCCTTAAACCCTCATCTCTCCAAACAAAGCCTGGTCAGACCTATCACAGCAATA	80148
Query	144810	TCCTAGTCTCTGGTACCAACTTCTTTCTGTCTTAGGGTTTTACTGCAACACCAAGACCAA	144869
Sbjct	80147	TCCTAGTCTCTGGTACCAACTTCTTTCTGTCTTAGGGTTTTACTGCAACACCAAGACCAA	80088
Query	144870	GGCAACTCtttttaatttttaattttctttattattactttttttttACATTCCAGTCATT	144929
Sbjct	80087	GGCAACTCTTTTAATTTTAAATTTTCTTTATTATTACTTTTTTTTTTACATTCCAGTCATT	80028
Query	144930	GAccctctcccaattccccctccaacagttcctcatctcattcctcctcctccctgtctc	144989
Sbjct	80027	GACCTCTCCCAATTCCCCCTCCAACAGTTCCTCATCTCATTCCTCCTCCCTGTCTC	79968
Query	144990	cAAGAGGATGCCCCCTGTCCAAGTCTCCCTCCCCTGAGCTCCCAGCAAGGCCTTCCCAGTC	145049
Sbjct	79967	CAAGAGGATGCCCCCTGTCCAAGTCTCCCTCCCCTGAGCTCCCAGCAAGGCCTTCCCAGTC	79908
Query	145050	CCTGAGGCCTCAAGCCTCTCTAGAGTTAGGCATGTCTTCTCCCACTGAGGCCAGACCAAG	145109
Sbjct	79907	CCTGAGGCCTCAAGCCTCTCTAGAGTTAGGCATGTCTTCTCCCACTGAGGCCAGACCAAG	79848
Query	145110	CAGTCCTTTCTTATATATATGTATTGAGTGCTTCAGACTATGCTGCTTGGTTCTTGGTTC	145169
Sbjct	79847	CAGTCCTTTCTTATATATATGTATTGAGTGCTTCAGACTATGCTGCTTGGTTCTTGGTTC	79788
Query	145170	AGTGTTTGAGAGATATCAGGGGTCCAGGTTAGTTGAGACTAACTAACTAGTCTTCTTCCT	145229
Sbjct	79787	AGTGTTTGAGAGATATCAGGGGTCCAGGTTAGTTGAGACTAACTAACTAGTCTTCTTCCT	79728
Query	145230	CCTCAGCTTCTTCTAGCCTTTCCCTAATTCAACCACAGGGGTCCCCAACTTCAGTTGGGT	145289
Sbjct	79727	CCTCAGCTTCTTCTAGCCTTTCCCTAATTCAACCACAGGGGTCCCCAACTTCAGTTGGGT	79668
Query	145290	ATAAGTATCTGCTTCTGTCTCAGTCAGCTGCTTGTGGTACTGTGAGAGGAAAATCATGG	145349
Sbjct	79667	ATAAGTATCTGCTTCTGTCTCAGTCAGCTGCTTGTGGTACTGTGAGAGGAAAATCATGG	79608
Query	145350	ACTTTAAAACTGCATGGAGACAGGCAGGTAGACCAATAGAAGAGAATTAAAGACTCAAAA	145409
Sbjct	79607	ACTTTAAAACTGCATGGAGACAGGCAGGTAGACCAATAGAAGAGAATTAAAGACTCAAAA	79548
Query	145410	ATGAACCCATACACCTCAGGTCACCTTGATCTTTGACAAAGGAGCTAAAGCCATCCAGTGG	145469
Sbjct	79547	ATGAACCCATACACCTCAGGTCACCTTGATCTTTGACAAAGGAGCTAAAGCCATCCAGTGG	79488
Query	145470	GAAAAAGAGAGCAATTTCAACAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGAAAAATGCAAATTGAT	145529
Sbjct	79487	GAAAAAGAGAGCAATTTCAACAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGAAAAATGCAAATTGAT	79428
Query	145530	CCATTCTTATCACCATGTACAAAGTTTAAAGTCTAAGAGGATCAAGGACCTCCACATCAAA	145589
Sbjct	79427	CCATTCTTATCACCATGTACAAAGTTTAAAGTCTAAGAGGATCAAGGACCTCCACATCAAA	79368
Query	145590	CCAGAATACACTCAAACCTCATAGAAGAAAAAGTGGGGAAGAGCATCAAACACATGGGCAC	145649
Sbjct	79367	CCAGAATACACTCAAACCTCATAGAAGAAAAAGTGGGGAAGAGCATCAAACACATGGGCAC	79308
Query	145650	TGAGGAATATTTCTGaaaaaaaCACCAATGGCTTATGCTCTAAAATCAAGAATTGACAA	145709
Sbjct	79307	TGAGGAATATTTCTGAAAAAACACCAATGGCTTATGCTCTAAAATCAAGAATTGACAA	79248
Query	145710	ATGGGATCTCATAAAACCTGCAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAA	145769
Sbjct	79247	ATGGGATCTCATAAAACCTGCAAAGCTTCTGTAAGGCAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAA	79188
Query	145770	ATGGCAACCAAAAGATTAGAAAAATATCTTTACCAATCCTATATCCAATAGAGAGATAAT	145829
Sbjct	79187	ATGGCAACCAAAAGATTAGAAAAATATCTTTACCAATCCTATATCCAATAGAGAGATAAT	79128
Query	145830	ATCTAATATATATGAATAACTCAAGATGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATTAA	145889
Sbjct	79127	ATCTAATATATATGAATAACTCAAGATGTTAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCCTATTAA	79068
Query	145890	AAATGGGGTACAGACCTAAGCAAAGAATTCTCAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCT	145949
Sbjct	79067	AAATGGGGTACAGACCTAAGCAAAGAATTCTCAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCT	79008
Query	145950	AAAGAAATGTTCAACATCTTTAGTCATCAGGGAAATGCAAGTCAAAACAACCCTGAGATT	146009
Sbjct	79007	AAAGAAATGTTCAACATCTTTAGTCATCAGGGAAATGCAAGTCAAAACAACCCTGAGATT	78948
Query	146010	CCACCTCACACCAGTCAGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCATGAAAACAGATGCTGTCAAG	146069
Sbjct	78947	CCACCTCACACCAGTCAGAATGGCTAAGATCAAAAACCTCATGAAAACAGATGCTGTCAAG	78888
Query	146070	GATGTGGAGAAAGAAGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGAATTGCAAACCTGATACTGTGAG	146129
Sbjct	78887	GATGTGGAGAAAGAAGAACACTCCTCCATTGTTGGTGGAATTGCAAACCTGATACTGTGAG	78828

Query	146130	GTCCTTCTGGGACCTCTTGAATGAGACTCATGGACAGGTGATCGATGCAAAAGCAAAAGG	146189
Sbjct	78827	GTCCTTCTGGGACCTCTTGAATGAGACTCATGGACAGGTGATCGATGCAAAAGCAAAAGG	78768
Query	146190	AGTCTCTTATTGATCCAACATGTGCTGGGGATACATCCCTTTAGAGAGAGATGACCCCCC	146249
Sbjct	78767	AGTCTCTTATTGATCCAACATGTGCTGGGGATACATCCCTTTAGAGAGAGATGACCCCCC	78708
Query	146250	AGTAGTCTCTAATAGGGAGttataatatatatatttatattatattatatatttatatatat	146309
Sbjct	78707	AGTAGTCTCTAATAGGGAGTTATAATATATATTTTATATTATATTATATATTATATATAT	78648
Query	146310	agctgtatgtagtatatactatcacatatgatatgatataGGCAGCTTTCTTTCttttttt	146369
Sbjct	78647	AGCTGTATGTAGTATATACTATCACATATGATATGATATAGGCAGCTTTCTTTCCTTTTTT	78588
Query	146370	tttttATTAACCTGAGTATTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCTTTCCAGTTTT	146429
Sbjct	78587	TTTTTATTAACCTGAGTATTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCTTTCCAGTTTT	78528
Query	146430	CGGGCAAACATAcccctaataccctccccctccccctcttttatggctggttccccctccccat	146489
Sbjct	78527	CGGGCAAACATAACCCCTAATCCCTCCCCCTCCCCCTCTTTATGGCTGTTCCCTCCTCCCAT	78468
Query	146490	cctccccccattgcccgcctccccccATAGTCTAGTTCAGTGGGGTTCAGTCTTAGCAG	146549
Sbjct	78467	CCTCCCCCATTGCCGCCCTCCCCCATAGTCTAGTTCAGTGGGGTTCAGTCTTAGCAG	78408
Query	146550	GACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGGATCTTACTAGGATATTCAATGCTACCTATGAGGT	146609
Sbjct	78407	GACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGGATCTTACTAGGATATTCAATGCTACCTATGAGGT	78348
Query	146610	CAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCT	146669
Sbjct	78347	CAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCT	78288
Query	146670	GGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTT	146729
Sbjct	78287	GGTTGCTTGGCATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTTCTT	78228
Query	146730	TCTCTGATTCCTTCAACGGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCGC	146789
Sbjct	78227	TCTCTGATTCCTTCAACGGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCGC	78168
Query	146790	TTCTGTGTTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTC	146849
Sbjct	78167	TTCTGTGTTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTC	78108
Query	146850	GGCCTGCACCTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCC	146909
Sbjct	78107	GGCCTGCACCTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCC	78048
Query	146910	ACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTC	146969
Sbjct	78047	ACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTC	77988
Query	146970	CCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTT	147029
Sbjct	77987	CCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTT	77928
Query	147030	TGATCATCCTTCTTGAGTTTCATGTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGC	147089
Sbjct	77927	TGATCATCCTTCTTGAGTTTCATGTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGC	77868
Query	147090	TAATAGCCACTTATCAATGAGTTATAGGCAGCTTTCTAACAATAGGGGCAGAATTTGAAT	147149
Sbjct	77867	TAATAGCCACTTATCAATGAGTTATAGGCAGCTTTCTAACAATAGGGGCAGAATTTGAAT	77808
Query	147150	AATGGTAACCTAGGCAGGGTACTGTTGGTGGGGCAAAGGGACCTCCAAACTGACTTGTGGT	147209
Sbjct	77807	AATGGTAACCTAGGCAGGGTACTGTTGGTGGGGCAAAGGGACCTCCAAACTGACTTGTGGT	77748
Query	147210	CAGTGGACCTCTGTGACTTTCCGAGGGATTGGATTGGGAGTCAAAGGGGCTTTGTTCAA	147269
Sbjct	77747	CAGTGGACCTCTGTGACTTTCCGAGGGATTGGATTGGGAGTCAAAGGGGCTTTGTTCAA	77688
Query	147270	CAGTTTAGCTTGTAGCTGTTCCAGGAACTAAACTAGCTGTACTCCTCCTGGAAGGAAAGG	147329
Sbjct	77687	CAGTTTAGCTTGTAGCTGTTCCAGGAACTAAACTAGCTGTACTCCTCCTGGAAGGAAAGG	77628
Query	147330	GTCTTTCTCTGTTTGGATGTTTGTGTGAGAATTTTCTCACTGGCCTCAGATTAATCCTAA	147389
Sbjct	77627	GTCTTTCTCTGTTTGGATGTTTGTGTGAGAATTTTCTCACTGGCCTCAGATTAATCCTAA	77568
Query	147390	CTCTGGCTTTTTTCAGTACAACCACTCTGGAAGTCAGTCTGGCAGTTCCTCAGAAAATTGG	147449
Sbjct	77567	CTCTGGCTTTTTTCAGTACAACCACTCTGGAAGTCAGTCTGGCAGTTCCTCAGAAAATTGG	77508
Query	147450	ACATAGTGCTATCTCAGGACCCAGCTATACCACCTCTGGGCATATACCCAAAAGATGCTC	147509

Sbjct	77507	ACATAGTGCTATCTCAGGACCCAGCTATACCCTCTGGGCATATACCCAAAAGATGCTC	77448
Query	147510	CAACATACAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCA	147569
Sbjct	77447	CAACATACAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATTTATAATAGCCA	77388
Query	147570	GAAGCTAGAAAGATTCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACA	147629
Sbjct	77387	GAAGCTAGAAAGATTCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTGGTACA	77328
Query	147630	TCTACACAATGAAATACTACTCAGCTGTCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTAGGCA	147689
Sbjct	77327	TCTACACAATGAAATACTACTCAGCTGTCAAAAACAATGACTTCATGAAATTCTTAGGCA	77268
Query	147690	AATGGATGGCACTAGAAAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAGACACACTTGGTATGCA	147749
Sbjct	77267	AATGGATGGCACTAGAAAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAGACACACTTGGTATGCA	77208
Query	147750	TTCATTGATAAGTGGATATTAGCCCCAAAAGCTTGGATTACCCAAGATATAATCTACAGAC	147809
Sbjct	77207	TTCATTGATAAGTGGATATTAGCCCCAAAAGCTTGGATTACCCAAGATATAATCTACAGAC	77148
Query	147810	CACATGAAGCTCAAGAAGAAGAAAGACCAAATTGTGGATGTATCTATCTTTCTTGGGGTG	147869
Sbjct	77147	CACATGAAGCTCAAGAAGAAGAAAGACCAAATTGTGGATGTATCTATCTTTCTTGGGGTG	77088
Query	147870	GGAGGC AAAATATTCACAGGAGGAAATAAAGGACAAAGAGTGGAGCAGAGACTGAAAGAA	147929
Sbjct	77087	GGAGGC AAAATATTCACAGGAGGAAATAAAGGACAAAGAGTGGAGCAGAGACTGAAAGAA	77028
Query	147930	AGGGCTCACAAAAGTTGGGCTCTCTTGATCTCATTGTAAATTCCTTATTGCATCAATAAA	147989
Sbjct	77027	AGGGCTCACAAAAGTTGGGCTCTCTTGATCTCATTGTAAATTCCTTATTGCATCAATAAA	76968
Query	147990	GCTCTTTGCTTATTAGTTTTaaaaaaaaaTCTGTGTTACACCCACATATTAAATGTAATT	148049
Sbjct	76967	GCTCTTTGCTTATTAGTTTTAAAAAAAAAATCTGTGTTACACCCACATATTAAATGTAATT	76908
Query	148050	TGTAATTAAATGTTACTCTTTCCACACAGTAAATGCATTATATAACAGCAAACCTAGACT	148109
Sbjct	76907	TGTAATTAAATGTTACTCTTTCCACACAGTAAATGCATTATATAACAGCAAACCTAGACT	76848
Query	148110	GGTGAAGTCATTTTTCTGTGCTACTTGTGGTGGCTTGCATGAAAATGGTCCTCATATC	148169
Sbjct	76847	GGTGAAGTCATTTTTCTGTGCTACTTGTGGTGGCTTGCATGAAAATGGTCCTCATATC	76788
Query	148170	CTGATGTGAGTGGTACTATCAAGAGTTATGGCCTTGTGGAGTTGGTGTAGTCTTAGAGG	148229
Sbjct	76787	CTGATGTGAGTGGTACTATCAAGAGTTATGGCCTTGTGGAGTTGGTGTAGTCTTAGAGG	76728
Query	148230	AAATGTGTCACCAGGGATTGGGCTTTGGTGTTTAAAAAGCTTAAGACAGTCCCAGTGGCT	148289
Sbjct	76727	AAATGTGTCACCAGGGATTGGGCTTTGGTGTTTAAAAAGCTTAAGACAGTCCCAGTGGCT	76668
Query	148290	CATGCTCTCTTTCTTGTGTTTGACTTTCAGCTCCTTCTCCAGCATCAAGTCTGCTTGTGT	148349
Sbjct	76667	CATGCTCTCTTTCTTGTGTTTGACTTTCAGCTCCTTCTCCAGCATCAAGTCTGCTTGTGT	76608
Query	148350	GTTGCCATGCTTCCTGTCAAGATGATAATAGACTAAATCTCTGAGCCTATTAGCCAGCTC	148409
Sbjct	76607	GTTGCCATGCTTCCTGTCAAGATGATAATAGACTAAATCTCTGAGCCTATTAGCCAGCTC	76548
Query	148410	CACTTAATGTGTATGTAAAGTATTCCTCTGGCTGGAATACAGACATGCCCTTAGTATATA	148469
Sbjct	76547	CACTTAATGTGTATGTAAAGTATTCCTCTGGCTGGAATACAGACATGCCCTTAGTATATA	76488
Query	148470	CTTTTAGTCCAAAACAGTGAAGGTAAAGTTAGTTTGTAGAAGGAAGTACCCATGTTTGAA	148529
Sbjct	76487	CTTTTAGTCCAAAACAGTGAAGGTAAAGTTAGTTTGTAGAAGGAAGTACCCATGTTTGAA	76428
Query	148530	AAAAGTGATGTCTAATTGAGTAGCATATCAGTGAAAGATTTGACAGAATAGGCTATACCT	148589
Sbjct	76427	AAAAGTGATGTCTAATTGAGTAGCATATCAGTGAAAGATTTGACAGAATAGGCTATACCT	76368
Query	148590	AACTCTTAAGAGAGCAGAAAATGATGTACTTAAAGACAGCAATGTGGGTG GGGGATT	148649
Sbjct	76367	AACTCTTAAGAGAGCAGAAAATGATGTACTTAAAGACAGCAATGTGGGTG GGGGATT	76308
Query	148650	AGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCC	148709
Sbjct	76307	AGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCC	76248
Query	148710	GaaaaaaaaaaaaagagagagagagagagCAATGCAAATTGAGAAAAGAGAAAGGAGGCAG	148769
Sbjct	76247	GAAAAAAAAAAAAAGAGAGAGAGAGAGAGCAATGCAAATTGAGAAAAGAGAAAGGAGGCAG	76188
Query	148770	TTTTACCAGGAGAGTTTTTACAGAAACAAGCTAGATGAAGGCAAAAGAGAATGAGCCAGAG	148829
Sbjct	76187	TTTTACCAGGAGAGTTTTTACAGAAACAAGCTAGATGAAGGCAAAAGAGAATGAGCCAGAG	76128



Query	148830	AATGAGAAGGGTCCAGAAGATTAGGACAGATTATCAAAGTAAAAAGACAAGCAGAGCAAT	148889
Sbjct	76127	AATGAGAAGGGTCCAGAAGATTAGGACAGATTATCAAAGTAAAAAGACAAGCAGAGCAAT	76068
Query	148890	TCAAGAGAGGGCTCAGAAAAAGAAGACAGAATGAATAAACTCAGCTTGCAGAGGAGTTTCA	148949
Sbjct	76067	TCAAGAGAGGGCTCAGAAAAAGAAGACAGAATGAATAAACTCAGCTTGCAGAGGAGTTTCA	76008
Query	148950	GCCAGAACAACCTCAGTTGAACCAGCCAGCCAGAGTTCAGAAAAAGCTACAGAGGCTGACT	149009
Sbjct	76007	GCCAGAACAACCTCAGTTGAACCAGCCAGCCAGAGTTCAGAAAAAGCTACAGAGGCTGACT	75948
Query	149010	TTATTTCAGCAGTAAAAGTCTTAGAGTCTGAAAAAGCTAAAAGTTTCCAACATGAGGCTTA	149069
Sbjct	75947	TTATTTCAGCAGTAAAAGTCTTAGAGTCTGAAAAAGCTAAAAGTTTCCAACATGAGGCTTA	75888
Query	149070	GGTACTGGATTTCAGGCAACAAGAGAAAAACAATCATTTAGGTGAATAAAAGTTACTTTTA	149129
Sbjct	75887	GGTACTGGATTTCAGGCAACAAGAGAAAAACAATCATTTAGGTGAATAAAAGTTACTTTTA	75828
Query	149130	CAGTTTGCAGTTAAAACATGTAAGATTATGTTTGTTTGTCTGTGTTAAATCCTTGCAAC	149189
Sbjct	75827	CAGTTTGCAGTTAAAACATGTAAGATTATGTTTGTTTGTCTGTGTTAAATCCTTGCAAC	75768
Query	149190	TTCAAGTTTCTAATTGTAATTAATAAATAAGTTCCTGTTTCTTAGATGTGATGTAAAGTAC	149249
Sbjct	75767	TTCAAGTTTCTAATTGTAATTAATAAATAAGTTCCTGTTTCTTAGATGTGATGTAAAGTAC	75708
Query	149250	AACACATGGTTTTTCGATCTACTCTAAATTTTTTAGTCTGTTTCCCTGTATATACTTACCC	149309
Sbjct	75707	AACACATGGTTTTTCGATCTACTCTAAATTTTTTAGTCTGTTTCCCTGTATATACTTACCC	75648
Query	149310	TTGTACCTGCCTTTTAATTGTGTCTTTCTAACAATAGATAATAGCCAACCCGTGTCTACCC	149369
Sbjct	75647	TTGTACCTGCCTTTTAATTGTGTCTTTCTAACAATAGATAATAGCCAACCCGTGTCTACCC	75588
Query	149370	CTAAACATTGTCTCTCCTATAAAAGGGACTTCAAGAATCTGGCAGGAGCTGATCTCTAAA	149429
Sbjct	75587	CTAAACATTGTCTCTCCTATAAAAGGGACTTCAAGAATCTGGCAGGAGCTGATCTCTAAA	75528
Query	149430	ATACTGACTTAGGAAGAGACAGCCAGACTGTTCACTTCCAAGTACACTGCAAAATATAGC	149489
Sbjct	75527	ATACTGACTTAGGAAGAGACAGCCAGACTGTTCACTTCCAAGTACACTGCAAAATATAGC	75468
Query	149490	TACTTCAACTGGCCAAAAATGGATTAAAGTCTAGTTTGTTTGTGTTTGCATATTCTCAGGTT	149549
Sbjct	75467	TACTTCAACTGGCCAAAAATGGATTAAAGTCTAGTTTGTTTGTGTTTGCATATTCTCAGGTT	75408
Query	149550	TAATGTTTTAGGGAATGAACTGGAGTGACCAAGGTTGTGCAACTAAACTGTCCCTGGTTT	149609
Sbjct	75407	TAATGTTTTAGGGAATGAACTGGAGTGACCAAGGTTGTGCAACTAAACTGTCCCTGGTTT	75348
Query	149610	CCTTACTTTCCCTACTTTTATTTCATTGAAAACAGTGTGAATCCATGGATTGGTATGAAAA	149669
Sbjct	75347	CCTTACTTTCCCTACTTTTATTTCATTGAAAACAGTGTGAATCCATGGATTGGTATGAAAA	75288
Query	149670	TGGTTTGAGAAATCTCTAAAAATGAATGTTAATTTTATTTTGAATAGAGATTGGAGTACT	149729
Sbjct	75287	TGGTTTGAGAAATCTCTAAAAATGAATGTTAATTTTATTTTGAATAGAGATTGGAGTACT	75228
Query	149730	GGAGGCTTTCCTTGTGGGATTTTGATGTCAAGaaaaaaCCAAGAGTCCTGACTTTCCAT	149789
Sbjct	75227	GGAGGCTTTCCTTGTGGGATTTTGATGTCAAGAAAAAAACCAAGAGTCCTGACTTTCCAT	75168
Query	149790	AACAATTTGGTCAGGACTCCTGGATGACACATGAAATGGGTCAAGAGCTTATTATCCTTG	149849
Sbjct	75167	AACAATTTGGTCAGGACTCCTGGATGACACATGAAATGGGTCAAGAGCTTATTATCCTTG	75108
Query	149850	ATTCTAAAAGCAAGGTAGATGTAGTACTAGTTATCCCTAGATGTGATGAATCTCATTCTA	149909
Sbjct	75107	ATTCTAAAAGCAAGGTAGATGTAGTACTAGTTATCCCTAGATGTGATGAATCTCATTCTA	75048
Query	149910	GTCTCAAAGTCACAGAGATCTACTTGCCTCTGCTTCTTGAGTGCCAGGAGTGTGTCAC	149969
Sbjct	75047	GTCTCAAAGTCACAGAGATCTACTTGCCTCTGCTTCTTGAGTGCCAGGAGTGTGTCAC	74988
Query	149970	TACAACCTCATTTAACTCCCTCTTCTATGTTTCAGTGAATGCTTGCTCAGCATTTCACAC	150029
Sbjct	74987	TACAACCTCATTTAACTCCCTCTTCTATGTTTCAGTGAATGCTTGCTCAGCATTTCACAC	74928
Query	150030	AGCTATTTATTTCACTCACTTTTTTCATGGTTCTCAACATAGATTTGACTCACAGAATCT	150089
Sbjct	74927	AGCTATTTATTTCACTCACTTTTTTCATGGTTCTCAACATAGATTTGACTCACAGAATCT	74868
Query	150090	GAGACTTAAGATTTGATGCTGAAAGTTGACATAAGAGAAATGATTCTGAAACTCCTCATT	150149
Sbjct	74867	GAGACTTAAGATTTGATGCTGAAAGTTGACATAAGAGAAATGATTCTGAAACTCCTCATT	74808
Query	150150	TGGGTGAATTTTATTATAGGTGACTTAATTTGAATACTTGTTTCCGCCCATGTTTGCCAT	150209

Sbjct	74807	TGGGTGAATTTTATTATAGGTGACTTAATTTGAATACTTGTTTCCGCCCATGTTTGCCAT	74748
Query	150210	AATATTCTTTACAGTACTACCAGTCATCATCAAGAGACTTGACAATTGTTGACTTTTCATT	150269
Sbjct	74747	AATATTCTTTACAGTACTACCAGTCATCATCAAGAGACTTGACAATTGTTGACTTTTCATT	74688
Query	150270	AAAAGTTTGGTGACAGCGTTGCCAGAACATATTGCAGAGCATTTTCATGCCCAATATCCttt	150329
Sbjct	74687	AAAAGTTTGGTGACAGCGTTGCCAGAACATATTGCAGAGCATTTTCATGCCCAATATCCTT	74628
Query	150330	tttttttCTTTTCACTCCATCCATCCTCAGTAGTAAAGTAGCATTAGTAAGCATACAGCCC	150389
Sbjct	74627	TTTTTCTTTTCACTCCATCCATCCTCAGTAGTAAAGTAGCATTAGTAAGCATACAGCCC	74568
Query	150390	TGTCACCATAGATGTCATCAGGATATGCTTTATCAACTAGTTTCATATTATGTCCCATAC	150449
Sbjct	74567	TGTCACCATAGATGTCATCAGGATATGCTTTATCAACTAGTTTCATATTATGTCCCATAC	74508
Query	150450	TATGAAATCTGTGAGTCAAATGTACATTTGTATCTATTGTTCTATAAGCTGTGTACCTTC	150509
Sbjct	74507	TATGAAATCTGTGAGTCAAATGTACATTTGTATCTATTGTTCTATAAGCTGTGTACCTTC	74448
Query	150510	ATGTACCTCCAAAATGGCCTTGACCTCTTCAAAATAACAATGTGAAACTTTACTAGCATG	150569
Sbjct	74447	ATGTACCTCCAAAATGGCCTTGACCTCTTCAAAATAACAATGTGAAACTTTACTAGCATG	74388
Query	150570	AGCCATATAAGAAGAATAAGAATTAATAATTTTTTCATCAGGAAATGCCCAAACATATATACA	150629
Sbjct	74387	AGCCATATAAGAAGAATAAGAATTAATAATTTTTTCATCAGGAAATGCCCAAACATATATACA	74328
Query	150630	TATTCATGACACTATAATGATAATATCTTAATACCTAAATATGCCCATCTTTTTGaaaaa	150689
Sbjct	74327	TATTCATGACACTATAATGATAATATCTTAATACCTAAATATGCCCATCTTTTTGAAAAA	74268
Query	150690	aaTCACTGAAATAGTAAGTAATGAACACCCATGGGTTGTATCAATGATTGAAGAGTTAAG	150749
Sbjct	74267	AATCACTGAAATAGTAAGTAATGAACACCCATGGGTTGTATCAATGATTGAAGAGTTAAG	74208
Query	150750	TCTACAAACACACTTGCCCTGCTATAATATACGTAAAGACTAAAATTGATTATTATCAAT	150809
Sbjct	74207	TCTACAAACACACTTGCCCTGCTATAATATACGTAAAGACTAAAATTGATTATTATCAAT	74148
Query	150810	TTCTTTGTTTCATTTTCAGAAATATATTTCAATTTCCAATCAAGAAAACAAGCAAGTCCTT	150869
Sbjct	74147	TTCTTTGTTTCATTTTCAGAAATATATTTCAATTTCCAATCAAGAAAACAAGCAAGTCCTT	74088
Query	150870	TATCCTTCTAAGCCATTAACATTTTTCTTGATTGACAGAAAAAGGGTACGTGTGGGAACG	150929
Sbjct	74087	TATCCTTCTAAGCCATTAACATTTTTCTTGATTGACAGAAAAAGGGTACGTGTGGGAACG	74028
Query	150930	ATCATCCATCCTAATCTTGCTTTTATGGGTTCAAAGTGATAGCAATTGAAGGAAGAGCAGC	150989
Sbjct	74027	ATCATCCATCCTAATCTTGCTTTTATGGGTTCAAAGTGATAGCAATTGAAGGAAGAGCAGC	73968
Query	150990	AATTATTGAACTTCTATACCCAACCTTAAGCAACGTTCCCTCCCACCTTGACCTTAAGACAC	151049
Sbjct	73967	AATTATTGAACTTCTATACCCAACCTTAAGCAACGTTCCCTCCCACCTTGACCTTAAGACAC	73908
Query	151050	TCACTCACTATTCCCTTTGTGGATTATGTCTATAGTTCGTTTCCTTGATACATAGACTGTG	151109
Sbjct	73907	TCACTCACTATTCCCTTTGTGGATTATGTCTATAGTTCGTTTCCTTGATACATAGACTGTG	73848
Query	151110	ATTTTGGGCTCCCAGTTAATGTGTGTCAGGCATTGAAGAATGTCTGTGGAACAAAATAACT	151169
Sbjct	73847	ATTTTGGGCTCCCAGTTAATGTGTGTCAGGCATTGAAGAATGTCTGTGGAACAAAATAACT	73788
Query	151170	TAATAAAAATAATCCTTTAGTGCCAGAATTAGTTCTCCGTTCTATTTTCATAAGTATTGTT	151229
Sbjct	73787	TAATAAAAATAATCCTTTAGTGCCAGAATTAGTTCTCCGTTCTATTTTCATAAGTATTGTT	73728
Query	151230	GTTTTTTCTGTAGCTGTGAGAGAAGCCTATTCTGCTCCTATTTTATTAAATAATATACCA	151289
Sbjct	73727	GTTTTTTCTGTAGCTGTGAGAGAAGCCTATTCTGCTCCTATTTTATTAAATAATATACCA	73668
Query	151290	TTCAACGACTCCTTCACCTTGTTATAATCCTCAAAGCTTAACTTCCAATGGAATCATT	151349
Sbjct	73667	TTCAACGACTCCTTCACCTTGTTATAATCCTCAAAGCTTAACTTCCAATGGAATCATT	73608
Query	151350	TTGCTTATAGTTCTGTGCATGACTTGAGAGATGATTCACTTAACTTTGCCAACTGAGT	151409
Sbjct	73607	TTGCTTATAGTTCTGTGCATGACTTGAGAGATGATTCACTTAACTTTGCCAACTGAGT	73548
Query	151410	AATACATTAGTTTATATGAATCCTGCTTAGGGAGAGGATTTTCTCTCTTTTCTTGGTAGA	151469
Sbjct	73547	AATACATTAGTTTATATGAATCCTGCTTAGGGAGAGGATTTTCTCTCTTTTCTTGGTAGA	73488
Query	151470	AAGGTGTGCAAGAAGCAGACCTAATGACCAAATGACATCATCAACAGCTGCATGCTTTAC	151529
Sbjct	73487	AAGGTGTGCAAGAAGCAGACCTAATGACCAAATGACATCATCAACAGCTGCATGCTTTAC	73428

Query	151530	AAGGACAGCCATTTCAGTAGATCACATATGTGTTTCATCTGACCAATGAGTAAAAGTATATC	151589
Sbjct	73427	AAGGACAGCCATTTCAGTAGATCACATATGTGTTTCATCTGACCAATGAGTAAAAGTATATC	73368
Query	151590	AGTAATAGTAAACTACAATGGCACTCCCAAGTATTGCGCAACCTGTATGTTTCAGGGAGA	151649
Sbjct	73367	AGTAATAGTAAACTACAATGGCACTCCCAAGTATTGCGCAACCTGTATGTTTCAGGGAGA	73308
Query	151650	AATGACATTGGGGAATGGGTTATGTTGGTGTGTTGGATTTCTCCGTTCTACTCACTCTCT	151709
Sbjct	73307	AATGACATTGGGGAATGGGTTATGTTGGTGTGTTGGATTTCTCCGTTCTACTCACTCTCT	73248
Query	151710	GAAAGAAGTCGTGACCTCTTCAGGGTCACAGGCAGAAGCTTAAGGACACCTGGAGAAGTG	151769
Sbjct	73247	GAAAGAAGTCGTGACCTCTTCAGGGTCACAGGCAGAAGCTTAAGGACACCTGGAGAAGTG	73188
Query	151770	GTACAGGACCAGAACCAGGGACTAGGTGAGGGTTGTGCTTGTGATCACCAGACTGGTTA	151829
Sbjct	73187	GTACAGGACCAGAACCAGGGACTAGGTGAGGGTTGTGCTTGTGATCACCAGACTGGTTA	73128
Query	151830	GAGGTGGGCAAGATTACCTATGTACTTCTTAATGTAAGACAGTTTGAATCCTGTCTCCTG	151889
Sbjct	73127	GAGGTGGGCAAGATTACCTATGTACTTCTTAATGTAAGACAGTTTGAATCCTGTCTCCTG	73068
Query	151890	CTGACGTCACAGAAGCTCACCCGGTCCCGATAGCAACAGAATCTGCTATGAAGGGCTGCT	151949
Sbjct	73067	CTGACGTCACAGAAGCTCACCCGGTCCCGATAGCAACAGAATCTGCTATGAAGGGCTGCT	73008
Query	151950	GGAAAAACTCAGAGGCTGGTTGGCCATTCCGAAGATCATCAGGTAGCATTTGAAGGGGCC	152009
Sbjct	73007	GGAAAAACTCAGAGGCTGGTTGGCCATTCCGAAGATCATCAGGTAGCATTTGAAGGGGCC	72948
Query	152010	TGCTGTCTTGTGGCTCAGGCATCCTTGATAGGCTGAGCATATGGAGAATTCTGAGGAGG	152069
Sbjct	72947	TGCTGTCTTGTGGCTCAGGCATCCTTGATAGGCTGAGCATATGGAGAATTCTGAGGAGG	72888
Query	152070	AGAGTGTGGGCGTGGCTCCCCAGGAATTCCGGGAAGTGGTACTCCTGGAAAGCAGCCTTC	152129
Sbjct	72887	AGAGTGTGGGCGTGGCTCCCCAGGAATTCCGGGAAGTGGTACTCCTGGAAAGCAGCCTTC	72828
Query	152130	TGGAGGGAGAGCCCTCAGTACAGGCACCAGAGCAGAGCCCAGGTGCTCCTGCTGGGGACA	152189
Sbjct	72827	TGGAGGGAGAGCCCTCAGTACAGGCACCAGAGCAGAGCCCAGGTGCTCCTGCTGGGGACA	72768
Query	152190	ACCAGATGGTGAAGCCTCTGGTAATATGTGGTCTGTGGAAGATTGGGTACCCCTTGCA	152249
Sbjct	72767	ACCAGATGGTGAAGCCTCTGGTAATATGTGGTCTGTGGAAGATTGGGTACCCCTTGCA	72708
Query	152250	AGGTGCTACATCACCCTGACACGTGTGAAGAGGGTGACGAGGCTACTATGGCGGAGTTGA	152309
Sbjct	72707	AGGTGCTACATCACCCTGACACGTGTGAAGAGGGTGACGAGGCTACTATGGCGGAGTTGA	72648
Query	152310	AAGTCACAGAGGTGGTAGATGTCAAGAATGAGGGTGAAGAGGTAAAGGATCAGAAACAGG	152369
Sbjct	72647	AAGTCACAGAGGTGGTAGATGTCAAGAATGAGGGTGAAGAGGTAAAGGATCAGAAACAGG	72588
Query	152370	AAGGTGAACAAGATCAGCAGCCTGAGCTGGAAGAAAGAACCCAGAGCAAGCCTGTGATTCTA	152429
Sbjct	72587	AAGGTGAACAAGATCAGCAGCCTGAGCTGGAAGAAAGAACCCAGAGCAAGCCTGTGATTCTA	72528
Query	152430	AAGATCAGCAAGGGATACAAAGGCTTCCACTGTCAGGTGGCGGGCCTGCAGAACGCAGAT	152489
Sbjct	72527	AAGATCAGCAAGGGATACAAAGGCTTCCACTGTCAGGTGGCGGGCCTGCAGAACGCAGAT	72468
Query	152490	CTAAAATGGAGGAGCTGGAACCTCTTCAACTGGAGCTCAGCTTTGTGAATGCCCGCTGTA	152549
Sbjct	72467	CTAAAATGGAGGAGCTGGAACCTCTTCAACTGGAGCTCAGCTTTGTGAATGCCCGCTGTA	72408
Query	152550	GCGGAGCTTTTGCCCGGATTAAAGCAAAAGTGGCCAAAATGCGCAGACCTCACTTTGATC	152609
Sbjct	72407	GCGGAGCTTTTGCCCGGATTAAAGCAAAAGTGGCCAAAATGCGCAGACCTCACTTTGATC	72348
Query	152610	GCAGAAAGACCATAATCCAGGGCATTCCAGGCTTCTGGGCTAAAGCTGTATCCTTAAGTG	152669
Sbjct	72347	GCAGAAAGACCATAATCCAGGGCATTCCAGGCTTCTGGGCTAAAGCTGTATCCTTAAGTG	72288
Query	152670	TACTCTCTGGACTTGGCAACAAAGACAGCCAAGTGGTTTGGAGAAACTAGCTGATTAAGG	152729
Sbjct	72287	TACTCTCTGGACTTGGCAACAAAGACAGCCAAGTGGTTTGGAGAAACTAGCTGATTAAGG	72228
Query	152730	AGAACTGCAGGGTGGTTTGGGGAAGGAGTTACGAAGTTTAGACAATAGAAACGAATCTCA	152789
Sbjct	72227	AGAACTGCAGGGTGGTTTGGGGAAGGAGTTACGAAGTTTAGACAATAGAAACGAATCTCA	72168
Query	152790	TAGCGCTGTGTACAAAATATAAGTGGGGTCCTTGAGCAGCAGATCCTCAAGCAATTGTTG	152849
Sbjct	72167	TAGCGCTGTGTACAAAATATAAGTGGGGTCCTTGAGCAGCAGATCCTCAAGCAATTGTTG	72108
Query	152850	CCTAGGTAGGGGATGTGGTGAACCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTTCCGCAGGATACA	152909

Sbjct	72107	CCTAGGTAGGGGATGTGGTGAACCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTTCCGCAGGATACA	72048
Query	152910	AAGAATCAGATTCAAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACT	152969
Sbjct	72047	AAGAATCAGATTCAAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGTTATGCCAACT	71988
Query	152970	GCATGCAAGACACTCATGAGCATCTTTCTATGATCAGGAAAGATGACTTTGGCCAGGGAC	153029
Sbjct	71987	GCATGCAAGACACTCATGAGCATCTTTCTATGATCAGGAAAGATGACTTTGGCCAGGGAC	71928
Query	153030	ACCAATCACTACTGAGAGTACCCTGTCTATGGGATATTTACAGAAACATCATTTTACAGAA	153089
Sbjct	71927	ACCAATCACTACTGAGAGTACCCTGTCTATGGGATATTTACAGAAACATCATTTTACAGAA	71868
Query	153090	AGTCGATTATTTGTCCACCCTTTTGTGTCAGGTAAACAATGTGGTCCCCTTTAGCACCAGCC	153149
Sbjct	71867	AGTCGATTATTTGTCCACCCTTTTGTGTCAGGTAAACAATGTGGTCCCCTTTAGCACCAGCC	71808
Query	153150	CCTAATTGATACTGCCACGTTCAAGACCTCAGTTCCGTGATAATTCAGAAGGTTTAGGTT	153209
Sbjct	71807	CCTAATTGATACTGCCACGTTCAAGACCTCAGTTCCGTGATAATTCAGAAGGTTTAGGTT	71748
Query	153210	TAGCATTTAGATGCATATTTACTGAAAAAATATTCTATGAGTTTGTAGGCAATCAATTAA	153269
Sbjct	71747	TAGCATTTAGATGCATATTTACTGAAAAAATATTCTATGAGTTTGTAGGCAATCAATTAA	71688
Query	153270	TTTGAGTCTGCCAGGCACTGTCAATCCCTTTCCTCTACTATCATCTTCCTATTGATATAA	153329
Sbjct	71687	TTTGAGTCTGCCAGGCACTGTCAATCCCTTTCCTCTACTATCATCTTCCTATTGATATAA	71628
Query	153330	AAGCTGCTTACATGTGAAATGTGTGCCAGTGTGAAAAGTGTATGGGCTCACATACACACT	153389
Sbjct	71627	AAGCTGCTTACATGTGAAATGTGTGCCAGTGTGAAAAGTGTATGGGCTCACATACACACT	71568
Query	153390	CCTTGCACAAGATCAGGAAGGCAGATACAGCCCATGTTTTTGTGAGCCTTTGTGCATACA	153449
Sbjct	71567	CCTTGCACAAGATCAGGAAGGCAGATACAGCCCATGTTTTTGTGAGCCTTTGTGCATACA	71508
Query	153450	CTGGCCTTTAGTAGCTTAGGAATATTAGATCAACAGCCACTTTGTCATCCAGCTAGCTTG	153509
Sbjct	71507	CTGGCCTTTAGTAGCTTAGGAATATTAGATCAACAGCCACTTTGTCATCCAGCTAGCTTG	71448
Query	153510	TTTCTTCTGTGCATACAAGTTTCTGCTTCTACTGACTTTCTCTGACTACCCATTATCC	153569
Sbjct	71447	TTTCTTCTGTGCATACAAGTTTCTGCTTCTACTGACTTTCTCTGACTACCCATTATCC	71388
Query	153570	TCCATAGCATCAGTAAATTCCCAAAGAGTGTAATTTCTTCTCCTACAAAGGTTTCAGATT	153629
Sbjct	71387	TCCATAGCATCAGTAAATTCCCAAAGAGTGTAATTTCTTCTCCTACAAAGGTTTCAGATT	71328
Query	153630	TTACAGAACAGATGACTTAGAACATCTTAGTCATCTTATAGGAAGGGACATAGGACAAA	153689
Sbjct	71327	TTACAGAACAGATGACTTAGAACATCTTAGTCATCTTATAGGAAGGGACATAGGACAAA	71268
Query	153690	GAAGGAAAGACCTCATGGCCATGTGTCTATGTTGGCTCCTGCTCCAAGGACCACTCTCAT	153749
Sbjct	71267	GAAGGAAAGACCTCATGGCCATGTGTCTATGTTGGCTCCTGCTCCAAGGACCACTCTCAT	71208
Query	153750	TACACTGTGGCCCATTTGCTTCCAGCTCCACTTTTAAATAGTATAGCACAGTTCCTTGACC	153809
Sbjct	71207	TACACTGTGGCCCATTTGCTTCCAGCTCCACTTTTAAATAGTATAGCACAGTTCCTTGACC	71148
Query	153810	AGAGGCAGATGATGAACCATCCCCAGATGTCTCCATCATCAGCAACCAAGATGAAGACT	153869
Sbjct	71147	AGAGGCAGATGATGAACCATCCCCAGATGTCTCCATCATCAGCAACCAAGATGAAGACT	71088
Query	153870	TACTGAGCTACATGTTGAGCTTGGAGGTCAGTTGGAATTGTGTCTGGGCAGAGAATAAAT	153929
Sbjct	71087	TACTGAGCTACATGTTGAGCTTGGAGGTCAGTTGGAATTGTGTCTGGGCAGAGAATAAAT	71028
Query	153930	GGTGTGTTGGGGAAAAACAAATGTGAACAAGTATTGCATCCCATTATTGTGTGAGGGTTCT	153989
Sbjct	71027	GGTGTGTTGGGGAAAAACAAATGTGAACAAGTATTGCATCCCATTATTGTGTGAGGGTTCT	70968
Query	153990	CATAACACACCTAAAGATTTCCCATTTATTTCTTCCACATCTTGACAGGTGGAGGAGTAC	154049
Sbjct	70967	CATAACACACCTAAAGATTTCCCATTTATTTCTTCCACATCTTGACAGGTGGAGGAGTAC	70908
Query	154050	AATCCTGGGTTGAGGATGTGCAGGATGATGTTTTTCTTTAGTGAAAACCCATACTTCCGG	154109
Sbjct	70907	AATCCTGGGTTGAGGATGTGCAGGATGATGTTTTTCTTTAGTGAAAACCCATACTTCCGG	70848
Query	154110	AATGACATTGTCACTAAGGATTATCAACTCAGCATCATTGGTACATATGGTCATAGGTTT	154169
Sbjct	70847	AATGACATTGTCACTAAGGATTATCAACTCAGCATCATTGGTACATATGGTCATAGGTTT	70788
Query	154170	TCAGGTGTTGCCTGGGTAGGGGATGTGGTAAACCCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTCCC	154229
Sbjct	70787	TCAGGTGTTGCCTGGGTAGGGGATGTGGTAAACCCTGTGCTATTCCATAATCCTTTTCCC	70728

Query	154230	GCAGGATACAAAGAGTCAGATTTCGAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGT	154289
Sbjct	70727	GCAGGATACAAAGAGTCAGATTTCGAGTACAATAGAGTGGATTGGACAGGCTGAGCATGGT	70668
Query	154290	TATGCCAACTGCATGCAAGACACTACCAGACTCACTTTCTTCAACTGGCTGTGTGCACAC	154349
Sbjct	70667	TATGCCAACTGCATGCAAGACACTACCAGACTCACTTTCTTCAACTGGCTGTGTGCACAC	70608
Query	154350	AAATTCCCTGGCTCCAACAGGATTGCTGAGGTTGGCTTTCTCTGACCATTCAATTATCTTC	154409
Sbjct	70607	AAATTCCCTGGCTCCAACAGGATTGCTGAGGTTGGCTTTCTCTGACCATTCAATTATCTTC	70548
Query	154410	TAGGGCCTGGGTGGATTACTCCTGGGAATGGGATTTTTATCTTCTGCCCTCCTTCCAATC	154469
Sbjct	70547	TAGGGCCTGGGTGGATTACTCCTGGGAATGGGATTTTTATCTTCTGCCCTCCTTCCAATC	70488
Query	154470	ACAGATAATCATGGATGACTTGTGGCCAAATCCTCTTTACTACTACCCTAAGGAAGACCA	154529
Sbjct	70487	ACAGATAATCATGGATGACTTGTGGCCAAATCCTCTTTACTACTACCCTAAGGAAGACCA	70428
Query	154530	CTCATGAAGAGAGAATTAGGACTGTGCCAGGTGAATAGACAGGTATACTCTGAAATGGTG	154589
Sbjct	70427	CTCATGAAGAGAGAATTAGGACTGTGCCAGGTGAATAGACAGGTATACTCTGAAATGGTG	70368
Query	154590	TTTATCTGGGGCCTCAGTGAAGAATGAGACATGGCCAGGAACATTTACATGTGAGAGAAA	154649
Sbjct	70367	TTTATCTGGGGCCTCAGTGAAGAATGAGACATGGCCAGGAACATTTACATGTGAGAGAAA	70308
Query	154650	GTTGTATTAGTAGACTTTACATACCTCTAGAGGTGATAATTGTACCCCCCACTCTGTGGT	154709
Sbjct	70307	GTTGTATTAGTAGACTTTACATACCTCTAGAGGTGATAATTGTACCCCCCACTCTGTGGT	70248
Query	154710	GGATTAAATACATTCAATTCCTGTTGAGAATCCTAGATCAGAATGGTTCACCCAGGTTCTT	154769
Sbjct	70247	GGATTAAATACATTCAATTCCTGTTGAGAATCCTAGATCAGAATGGTTCACCCAGGTTCTT	70188
Query	154770	GCCTTCAACTACACGATTTTCCATCTCAAATCAGCATGGTTCTCTGTGTGATCCTCTTTG	154829
Sbjct	70187	GCCTTCAACTACACGATTTTCCATCTCAAATCAGCATGGTTCTCTGTGTGATCCTCTTTG	70128
Query	154830	ATATCCTCCCACCTGTTCTCTAGGAGTTTCTACTAATCCAGGCCTAGAGAACCTGTTTAA	154889
Sbjct	70127	ATATCCTCCCACCTGTTCTCTAGGAGTTTCTACTAATCCAGGCCTAGAGAACCTGTTTAA	70068
Query	154890	ATAAATACCTTGGATATACAGGGAGAGAATATGAGGTAGTCAGGAAAAAAGAAGGCATCA	154949
Sbjct	70067	ATAAATACCTTGGATATACAGGGAGAGAATATGAGGTAGTCAGGAAAAAAGAAGGCATCA	70008
Query	154950	TAAAAAGAAAACCTTTTAAAGGACCTAGGGCCACTTCCACATGTCCCAGTGTGTGTTC	155009
Sbjct	70007	TAAAAAGAAAACCTTTTAAAGGACCTAGGGCCACTTCCACATGTCCCAGTGTGTGTTC	69948
Query	155010	ATATGTAGATGCATATCTCGTCTGTGAGTATAGATGTCTGAACCCAGGTGCTGTAGAATT	155069
Sbjct	69947	ATATGTAGATGCATATCTCGTCTGTGAGTATAGATGTCTGAACCCAGGTGCTGTAGAATT	69888
Query	155070	TTGAGAATCACCAGAGCTAGGGCAACATCCACAAAGAACTGGGAAGTATTTAGGAAGCAA	155129
Sbjct	69887	TTGAGAATCACCAGAGCTAGGGCAACATCCACAAAGAACTGGGAAGTATTTAGGAAGCAA	69828
Query	155130	AGATGGTGAATATTCACCTTGATTCTCA <del>tttttt</del> CTACAGGATAAAAAGCAGAGCATTT	155189
Sbjct	69827	AGATGGTGAATATTCACCTTGATTCTCA <del>TTTTTT</del> CTACAGGATAAAAAGCAGAGCATTT	69768
Query	155190	CTGACTGTAGACCATTAATGAAGATGCTCATCGTGAAACTGGAATTGACTGAGATAAAT	155249
Sbjct	69767	CTGACTGTAGACCATTAATGAAGATGCTCATCGTGAAACTGGAATTGACTGAGATAAAT	69708
Query	155250	ACTGGCAAAGGTCATCTAGCTTCCTGTTGATTATTTGTGGAGTGTGGATAATCACAGAAG	155309
Sbjct	69707	ACTGGCAAAGGTCATCTAGCTTCCTGTTGATTATTTGTGGAGTGTGGATAATCACAGAAG	69648
Query	155310	TAATATCCAAGCCCCTGGAGCTAAATTCTCTTCAGCCAGAGTCTCTGACCAGACTAAGGA	155369
Sbjct	69647	TAATATCCAAGCCCCTGGAGCTAAATTCTCTTCAGCCAGAGTCTCTGACCAGACTAAGGA	69588
Query	155370	CTTGGAGGATAAGGGTTGAACAGGAGATGGATACATTGAATTGCCACATTCCCTCACAAA	155429
Sbjct	69587	CTTGGAGGATAAGGGTTGAACAGGAGATGGATACATTGAATTGCCACATTCCCTCACAAA	69528
Query	155430	CATGGGGCCTGTTTCCACTGCTTGGTACTAAGTAACAGAGATCCCTAAGGCCTGCTTAGA	155489
Sbjct	69527	CATGGGGCCTGTTTCCACTGCTTGGTACTAAGTAACAGAGATCCCTAAGGCCTGCTTAGA	69468
Query	155490	TACTGTTGAACAGTAGTCCATTCCTTATCATTCGTTTACCCAGTGAATTCCTTGCCCAT	155549
Sbjct	69467	TACTGTTGAACAGTAGTCCATTCCTTATCATTCGTTTACCCAGTGAATTCCTTGCCCAT	69408
Query	155550	TGTGTTGGCCTAGCTTTACCTGCATCCAGTTGAACATCAAGTTGTTGGTAAAAATAGGAAC	155609

Sbjct	69407	TGTGTTGGCCTAGCTTTACCTGCATCCAGTTGAACATCAAGTTGTTGGTAAAAATAGGAAC	69348
Query	155610	ACAGATAAAATGTATTTTATAAGGGTAACCCCTTCACATTGGTCATTTCCCCAGTGCTAT	155669
Sbjct	69347	ACAGATAAAATGTATTTTATAAGGGTAACCCCTTCACATTGGTCATTTCCCCAGTGCTAT	69288
Query	155670	AAGAATTGCATTAAATGATTTCTTAACTCCCAGATAAAGAGAGTTTAGGGCTTGCATCT	155729
Sbjct	69287	AAGAATTGCATTAAATGATTTCTTAACTCCCAGATAAAGAGAGTTTAGGGCTTGCATCT	69228
Query	155730	CAGCCAGTACAAGGTGACAGTGCCCTAACCATAGGAGTATTAGTACAAATCCATTTTGTC	155789
Sbjct	69227	CAGCCAGTACAAGGTGACAGTGCCCTAACCATAGGAGTATTAGTACAAATCCATTTTGTC	69168
Query	155790	TGAGGTAATTGCCATGTAATGTCACCACTGGCAAGATGGGTACCTACTCCTTCCCCCAA	155849
Sbjct	69167	TGAGGTAATTGCCATGTAATGTCACCACTGGCAAGATGGGTACCTACTCCTTCCCCCAA	69108
Query	155850	TCTCTTTAATACAGGTCCTTCTGTGTTAATTCCATCTGAGATCGTCATGCTGCAGATG	155909
Sbjct	69107	TCTCTTTAATACAGGTCCTTCTGTGTTAATTCCATCTGAGATCGTCATGCTGCAGATG	69048
Query	155910	TGTGGAGAGACACATCAGGGCCCAAAACCTAGCTTTGCCTTGGGGGAAGTATTGAAGGAG	155969
Sbjct	69047	TGTGGAGAGACACATCAGGGCCCAAAACCTAGCTTTGCCTTGGGGGAAGTATTGAAGGAG	68988
Query	155970	AGATCTTTCTAGAAAGTTGCAGAAGGTCTTTCTAGAAGCACCTTCCGCCAGTGAGTGGGT	156029
Sbjct	68987	AGATCTTTCTAGAAAGTTGCAGAAGGTCTTTCTAGAAGCACCTTCCGCCAGTGAGTGGGT	68928
Query	156030	TTGTTTTCCAACAAGCTTCAGCTCCAGTGGGTGGATATTACATTGGGTGTCCACATGTC	156089
Sbjct	68927	TTGTTTTCCAACAAGCTTCAGCTCCAGTGGGTGGATATTACATTGGGTGTCCACATGTC	68868
Query	156090	CCTCAATGTTTTTGTGTACGATGTCCCATCCACTAAACAGAGATGCTGTCTCCAGTATTT	156149
Sbjct	68867	CCTCAATGTTTTTGTGTACGATGTCCCATCCACTAAACAGAGATGCTGTCTCCAGTATTT	68808
Query	156150	ACAATAACGTCCAGCAACCTCCACCTCATACCTCAGCTGGAATTTGAGTAGGACTTGAT	156209
Sbjct	68807	ACAATAACGTCCAGCAACCTCCACCTCATACCTCAGCTGGAATTTGAGTAGGACTTGAT	68748
Query	156210	ATGAGCAGTGACACTTCAGTTTTTCATACTAAAGACTGTTACAGTGGAAGATAATTCCCT	156269
Sbjct	68747	ATGAGCAGTGACACTTCAGTTTTTCATACTAAAGACTGTTACAGTGGAAGATAATTCCCT	68688
Query	156270	TTCCCCAGTTCTTAGGAGCATGAGGTGTCAGGAGGTGTTTTTAAACATCTGGCCCGGAGA	156329
Sbjct	68687	TTCCCCAGTTCTTAGGAGCATGAGGTGTCAGGAGGTGTTTTTAAACATCTGGCCCGGAGA	68628
Query	156330	AGAGATAGTCTTTATGTAGGAAGGATGGGGATAGTGTCCTTTCTTAAATACTGTTTTCAC	156389
Sbjct	68627	AGAGATAGTCTTTATGTAGGAAGGATGGGGATAGTGTCCTTTCTTAAATACTGTTTTCAC	68568
Query	156390	ATCCTCCCACACAGGAAGGAAAAATGTTTTATCCAGCTCTTTGCTTCTCCAAAGCAGGA	156449
Sbjct	68567	ATCCTCCCACACAGGAAGGAAAAATGTTTTATCCAGCTCTTTGCTTCTCCAAAGCAGGA	68508
Query	156450	TGATGATCTCTGCATTCTTACCCAGGGGACTCACTTACCATAGAACTCCCTTGCAAATAT	156509
Sbjct	68507	TGATGATCTCTGCATTCTTACCCAGGGGACTCACTTACCATAGAACTCCCTTGCAAATAT	68448
Query	156510	GGAATTATAGAGGAACATGAACAGAGAATGATGGCCACCTGAATCTCCCTGTCTCGGTG	156569
Sbjct	68447	GGAATTATAGAGGAACATGAACAGAGAATGATGGCCACCTGAATCTCCCTGTCTCGGTG	68388
Query	156570	AGGTTATAAAAGAGATCTATTTATAGTCTAAACACTAAAAATTACTAGTGATCAAATACA	156629
Sbjct	68387	AGGTTATAAAAGAGATCTATTTATAGTCTAAACACTAAAAATTACTAGTGATCAAATACA	68328
Query	156630	CTCCCAGTAGACTTTTCCAGATTGCAGCATGTATTCAACCTTGATAAATTGTAAATGA	156689
Sbjct	68327	CTCCCAGTAGACTTTTCCAGATTGCAGCATGTATTCAACCTTGATAAATTGTAAATGA	68268
Query	156690	AGCATTATATGACCTATACACATCAACTGAGTCGAGAAATCCCACGTTTGATCTTTACT	156749
Sbjct	68267	AGCATTATATGACCTATACACATCAACTGAGTCGAGAAATCCCACGTTTGATCTTTACT	68208
Query	156750	AGTGTCTACTAGCTTAGTTTCCATAACAATCTTTAATATGATGCACACTAGGTTCTTAAT	156809
Sbjct	68207	AGTGTCTACTAGCTTAGTTTCCATAACAATCTTTAATATGATGCACACTAGGTTCTTAAT	68148
Query	156810	TCAAAAATAAATGCAACATTTTGGTAGAAATTTAAAAATCACTGTGATTTTGATCCAAGa	156869
Sbjct	68147	TCAAAAATAAATGCAACATTTTGGTAGAAATTTAAAAATCACTGTGATTTTGATCCAAGA	68088
Query	156870	aaaacaaaaaaaTTCCAGAAGAGATGCACATACTGTTCATAAGTTTGGTTTGGTAGGC	156929
Sbjct	68087	AAAACAAAAAATTCAGAAGAGATGCACATACTGTTCATAAGTTTGGTTTGGTAGGC	68028

Query	156930	ACATTTATTGAATTCTACAAAGCTTTTAATTTCTTATTTCTGCTTGAACCTCTTAAATTC	156989
Sbjct	68027	ACATTTATTGAATTCTACAAAGCTTTTAATTTCTTATTTCTGCTTGAACCTCTTAAATTC	67968
Query	156990	AGTAAAGAGTTGTTTCAGTTTTCACAAATATGTACACCTTCTGATTTTTTGTGTTGTTGA	157049
Sbjct	67967	AGTAAAGAGTTGTTTCAGTTTTCACAAATATGTACACCTTCTGATTTTTTGTGTTGTTGA	67908
Query	157050	AGTCCACCTTTATTCCAAGGTGATCTGATAAAACACAGGTGTTATTTGGTTTTCTTGTAT	157109
Sbjct	67907	AGTCCACCTTTATTCCAAGGTGATCTGATAAAACACAGGTGTTATTTGGTTTTCTTGTAT	67848
Query	157110	CTGCTGAGGCTTATTTTGTGACTGAGAATATGGTCAATTTTGAAAAAGGTACCATGAGTT	157169
Sbjct	67847	CTGCTGAGGCTTATTTTGTGACTGAGAATATGGTCAATTTTGAAAAAGGTACCATGAGTT	67788
Query	157170	GCTGAAAAGAAGGTATACCCTTTTGTGTTTGGCTGAAATGTTCTATAGATGCTGTTAAG	157229
Sbjct	67787	GCTGAAAAGAAGGTATACCCTTTTGTGTTTGGCTGAAATGTTCTATAGATGCTGTTAAG	67728
Query	157230	TCCATTTTGAATCATAACCTCTGCACTTTTATTATTTCTCTGTTTCAGTTTCTGTCTGAAT	157289
Sbjct	67727	TCCATTTTGAATCATAACCTCTGCACTTTTATTATTTCTCTGTTTCAGTTTCTGTCTGAAT	67668
Query	157290	GACCTATCAATTTTGTGAGAGTAGTGTGATGGAGTTTCTCACTATTAATGTATCAGGTC	157349
Sbjct	67667	GACCTATCAATTTTGTGAGAGTAGTGTGATGGAGTTTCTCACTATTAATGTATCAGGTC	67608
Query	157350	AACATGTAATTTAAACTTTATTTGGGtttttttttACAAGTGTGGGTATCCTTGCATTTG	157409
Sbjct	67607	AACATGTAATTTAAACTTTATTTGGGTTTTTTTTTACAAGTGTGGGTATCCTTGCATTTG	67548
Query	157410	GGGCACAGATGTTTCAGAATGGAGATGTCATGTTGGTGGAATTTTCCTTTAATGAATATGA	157469
Sbjct	67547	GGGCACAGATGTTTCAGAATGGAGATGTCATGTTGGTGGAATTTTCCTTTAATGAATATGA	67488
Query	157470	AGTATCATTCCCCATCACTTTTCACTAATTTTCGGTTAAAAGACTATTTTATTAGACATTA	157529
Sbjct	67487	AGTATCATTCCCCATCACTTTTCACTAATTTTCGGTTAAAAGACTATTTTATTAGACATTA	67428
Query	157530	GAATGGCTACTACAGCTTGGGGTTTTggggggggggTAatttgtttgtttgttttgtttt	157589
Sbjct	67427	GAATGGCTACTACAGCTTGGGGTTTTGGGGGGGGGTATTTGTTGTTTGTTTTGTTTT	67368
Query	157590	tttgATCCATTTGCTAGGAAAATCTTTTGTAGCCCTATATCCTGAGGTGATATCTGTCTT	157649
Sbjct	67367	TTTGATCCATTTGCTAGGAAAATCTTTTGTAGCCCTATATCCTGAGGTGATATCTGTCTT	67308
Query	157650	TGTTGCTGAGGTCTAATTTTGTGTTACAGAAGAATGATGGATTATTTAATGTGTTTCATC	157709
Sbjct	67307	TGTTGCTGAGGTCTAATTTTGTGTTACAGAAGAATGATGGATTATTTAATGTGTTTCATC	67248
Query	157710	CTCTGTTATCCTTTTGATTTGGGCAATGGAGTCAACTTATGTTTAGACGTTGGTTCTAATA	157769
Sbjct	67247	CTCTGTTATCCTTTTGATTTGGGCAATGGAGTCAACTTATGTTTAGACGTTGGTTCTAATA	67188
Query	157770	ACTGGTGATAGTTTCTGTTATTTTGATGTTGGTGGTGTTAgtgtgtgtgtgtgagagaga	157829
Sbjct	67187	ACTGGTGATAGTTTCTGTTATTTTGATGTTGGTGGTGTTAGTGTGTGTGTGTGAGAGAGA	67128
Query	157830	gagagagacagagacagagacacagagacagaaagagagagacagagagacagacagaga	157889
Sbjct	67127	GAGAGAGACAGAGACAGAGACACAGAGACAGAAAGAGAGAGACAGAGAGACAGACAGAGA	67068
Query	157890	cagagagacagagggacagagagagagagggcagatagagGGATTCAAGTTCCTTTTAATT	157949
Sbjct	67067	CAGAGAGACAGAGGGACAGAGAGAGAGAGGCAGATAGAGGGATTCAAGTTCCTTTTAATT	67008
Query	157950	TTAGTTTTGCTGGTATGTAATTATTAATTTCTTGTGTTTTCTTGGATATAGTTAGCCTCT	158009
Sbjct	67007	TTAGTTTTGCTGGTATGTAATTATTAATTTCTTGTGTTTTCTTGGATATAGTTAGCCTCT	66948
Query	158010	GTCTATGTCTATCTACTGTCCTTCTCCTATCCTCTGTAGGGCAGGATTAGTGAAAGATA	158069
Sbjct	66947	GTCTATGTCTATCTACTGTCCTTCTCCTATCCTCTGTAGGGCAGGATTAGTGAAAGATA	66888
Query	158070	TTGATTAAATTTGATTTTATCATGGAATATCAGGATTTACCATCACCATATATAGTGAT	158129
Sbjct	66887	TTGATTAAATTTGATTTTATCATGGAATATCAGGATTTACCATCACCATATATAGTGAT	66828
Query	158130	TGAAAGTTTTGCTGGTATATCAGTCTTGGCTGACATCCATAGTCTTGTAGTGTGTCAG	158189
Sbjct	66827	TGAAAGTTTTGCTGGTATATCAGTCTTGGCTGACATCCATAGTCTTGTAGTGTGTCAG	66768
Query	158190	ACATTTTCTAGGTCCTTATGGTGTTTAGAGTCTCTGTTGAGAAGTTGTGTATATTTTA	158249
Sbjct	66767	ACATTTTCTAGGTCCTTATGGTGTTTAGAGTCTCTGTTGAGAAGTTGTGTATATTTTA	66708
Query	158250	AGACATGTTACTTGGTCTTTTCCCTTTAAGCTTTTAATTTTCTTTGTTCTATACATTTAA	158309

Sbjct	66707	AGACATGTTACTTGGTCTTTTCCCTTTAAGCTTTTAAATTTCTTTGTTCTATACATTTAA	66648
Query	158310	TGGTTTGATTATTATGTGGCAGGAGGATTTTCTTTCTGGTGCACTCTATTGATGTTCT	158369
Sbjct	66647	TGGTTTGATTATTATGTGGCAGGAGGATTTTCTTTCTGGTGCACTCTATTGATGTTCT	66588
Query	158370	ATAAGCTTCCTGTACATTTATAACCATCTCTTTCTTAAGGTAGTAAATTTTCCTCTGTG	158429
Sbjct	66587	ATAAGCTTCCTGTACATTTATAACCATCTCTTTCTTAAGGTAGTAAATTTTCCTCTGTG	66528
Query	158430	ATTTTGTTAAAGATGTTTTCTGGGCCTTTGAGCTGGAAATTTTCTTCTACTCCTATTATT	158489
Sbjct	66527	ATTTTGTTAAAGATGTTTTCTGGGCCTTTGAGCTGGAAATTTTCTTCTACTCCTATTATT	66468
Query	158490	CTTAGTTTTTCATCTTTTACAGTGTCCCAAATTTTCAGAATTTTGTGCCAGTAACTTTT	158549
Sbjct	66467	CTTAGTTTTTCATCTTTTACAGTGTCCCAAATTTTCAGAATTTTGTGCCAGTAACTTTT	66408
Query	158550	TAGATTTAAACATTTTATTTGACTGATGTTATCAATGTCTTCTGTTGATCTTCTACACTT	158609
Sbjct	66407	TAGATTTAAACATTTTATTTGACTGATGTTATCAATGTCTTCTGTTGATCTTCTACACTT	66348
Query	158610	CAGATTCTCTCCTCCATCTCTTATAGTCGGTGATGCCTGCATCTCTTGTTCTGTCTCT	158669
Sbjct	66347	CAGATTCTCTCCTCCATCTCTTATAGTCGGTGATGCCTGCATCTCTTGTTCTGTCTCT	66288
Query	158670	GCCATAGGTTTTCCATCTCCAGGATTTCCCTCAGTTTGTGTTTTCGTTATTGCTTCTATTT	158729
Sbjct	66287	GCCATAGGTTTTCCATCTCCAGGATTTCCCTCAGTTTGTGTTTTCGTTATTGCTTCTATTT	66228
Query	158730	CTATTTTCAGGTCTTGAGAAGttttatttcattttcttcacctttttgattgtattttctt	158789
Sbjct	66227	CTATTTTCAGGTCTTGAGAAGTTTATTCATTTTCTTCACCTTTTGATTGTATTTTCTT	66168
Query	158790	gtactttattttatatttgtttggtttagtcttttaAGGGTTTCTACCTGTTTAAATTGTATTC	158849
Sbjct	66167	GTACTTATTTATATTTGTTTGTTTAGTCTTTAAGGGTTTCTACCTGTTTAAATTGTATTC	66108
Query	158850	TCCTATATTTCTGTAAGAAACTTATTTCCCTCTTTAAAGGTCTCTGATTGTCTTCATAAAA	158909
Sbjct	66107	TCCTATATTTCTGTAAGAAACTTATTTCCCTCTTTAAAGGTCTCTGATTGTCTTCATAAAA	66048
Query	158910	TTAAATTTAAGGTCATCTTCTTCCACTTCCCGTGCAATTAGAATCTTCAGTGTTTGCTGTA	158969
Sbjct	66047	TTAAATTTAAGGTCATCTTCTTCCACTTCCCGTGCAATTAGAATCTTCAGTGTTTGCTGTA	65988
Query	158970	ATAGGATAGCTGGGTTTTGATGGTGTCAATATTGCTCTGACCTATGTTGATTGTGTTCTTT	159029
Sbjct	65987	ATAGGATAGCTGGGTTTTGATGGTGTCAATATTGCTCTGACCTATGTTGATTGTGTTCTTT	65928
Query	159030	TGTTGGTCTTTTATTCATTTGTTGTGCCCTAGAGTTGGCAGCCCTGGTAAACCCTCAAGGCA	159089
Sbjct	65927	TGTTGGTCTTTTATTCATTTGTTGTGCCCTAGAGTTGGCAGCCCTGGTAAACCCTCAAGGCA	65868
Query	159090	GCAGGCTTCTGTGGCTGCAGATAGAGCTGGTTCTCTGGTTGGGAGCAGTCTTCAAAGGAT	159149
Sbjct	65867	GCAGGCTTCTGTGGCTGCAGATAGAGCTGGTTCTCTGGTTGGGAGCAGTCTTCAAAGGAT	65808
Query	159150	GCAGGCAGAATTGTAGCCTGAGAAAATAGGGTGCTGATTCTGGATTGCAGGTATAGACCA	159209
Sbjct	65807	GCAGGCAGAATTGTAGCCTGAGAAAATAGGGTGCTGATTCTGGATTGCAGGTATAGACCA	65748
Query	159210	GAAGACAGAATGACAGAAGGACAGGGAAGACCTCATAGTTGCTAGACTCAGAAGGCAGGG	159269
Sbjct	65747	GAAGACAGAATGACAGAAGGACAGGGAAGACCTCATAGTTGCTAGACTCAGAAGGCAGGG	65688
Query	159270	GTTGGAGTTGGAGTTGGGTTGTGCCAGGTGGTTGCAGTCCTCCAAGGAAGCAGTTGAACT	159329
Sbjct	65687	GTTGGAGTTGGAGTTGGGTTGTGCCAGGTGGTTGCAGTCCTCCAAGGAAGCAGTTGAACT	65628
Query	159330	GGTAGCCTACTTATCAAAGGTGTCTGCAGGTCTCCACGGACACAGGTGGAGAGTGTAATG	159389
Sbjct	65627	GGTAGCCTACTTATCAAAGGTGTCTGCAGGTCTCCACGGACACAGGTGGAGAGTGTAATG	65568
Query	159390	AAGATCTGGGATTGCAGGTGTGGACTAGAAGATGCTTTGCAGAGGGCATAGACTGttttt	159449
Sbjct	65567	AAGATCTGGGATTGCAGGTGTGGACTAGAAGATGCTTTGCAGAGGGCATAGACTGTTTTT	65508
Query	159450	ttttCCTTCGAAGGGAAGGTTGTAAGAATGGATGGTAGATACAAAAGGACAGGAAGATGA	159509
Sbjct	65507	TTTTCTTCGAAGGGAAGGTTGTAAGAATGGATGGTAGATACAAAAGGACAGGAAGATGA	65448
Query	159510	GTGGTGGTATTGGGGTACATGGTGTAATAATTCACAAAGAAGtttttttttcatctttatt	159569
Sbjct	65447	GTGGTGGTATTGGGGTACATGGTGTAATAATTCACAAAGAAGTTTTTTTTTCATCTTTATT	65388
Query	159570	aacttgggcattttctttctttttcttttttttttATTAACCTGACTAATTCTTATTAC	159629
Sbjct	65387	AACCTGGGCATTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTATTAACCTGACTAATTCTTATTAC	65328



Query	159630	ATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCGGTTTCCAGGCCAATA	tccccctcaccctccccct	159689
Sbjct	65327	ATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCGGTTTCCAGGCCAATATCCCCCTCACCCCTCCCCCT		65268
Query	159690	cacgttctctataggtcttccactccccatcctcccccc	ATTGCCGCCCTCTCCCCATAGT	159749
Sbjct	65267	CACGTTCTCTATAGGCTTCCACTCCCCATCCTCCCCCATTTGCCGCCCTCTCCCCATAGT		65208
Query	159750	CTAGTTCACTGGGGATTCACTCTTGGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCT		159809
Sbjct	65207	CTAGTTCACTGGGGATTCACTCTTGGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGCTCT		65148
Query	159810	TACTAGGCTATTCAATTGCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCT		159869
Sbjct	65147	TACTAGGCTATTCAATTGCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCT		65088
Query	159870	TTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGT		159929
Sbjct	65087	TTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGT		65028
Query	159930	CTCGAGCCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCTTTCTCTGACTCCTTCAACGGGGGTCCCATT		159989
Sbjct	65027	CTCGAGCCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCTTTCTCTGACTCCTTCAACGGGGGTCCCATT		64968
Query	159990	TCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCT		160049
Sbjct	64967	TCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCT		64908
Query	160050	CTTAGGAGCGATCTACATCCATTTCTGTGTCAGCCTGCACTTCCACAAAGAAGTTTTTTAA		160109
Sbjct	64907	CTTAGGAGCGATCTACATCCATTTCTGTGTCAGCCTGCACTTCCACAAAGAAGTTTTTTAA		64848
Query	160110	AAAGAATTTTCAAATAGGTTACAGATCTGAACAGAA	atttttttatgtaatttacat	160169
Sbjct	64847	AAAGAATTTTCAAATAGGTTACAGATCTGAACAGAA	TTTTTTATGTAATTTACATTTT	64788
Query	160170	atttacttggtggtgttttttaatatcttttcttttttattggatttcttaaaattgtta		160229
Sbjct	64787	ATTTACTTGTGTGTTTTTTAATATTTCTTTTCTTTTATTGGATTCTTAAAATTGTTA		64728
Query	160230	tattagatatatttcttttactttttc	AAATGTTATTCCCTTTCTGTATTCTGTCCATAG	160289
Sbjct	64727	TATTAGATATAATTCTTTACTTTTCAAATGTTATTCCCTTTCTGTATTCTGTCCATAG		64668
Query	160290	cccctaaccctccctcacacgggtattttccccccacactcccccttactgccccaccc		160349
Sbjct	64667	CCCCTAACCCCTCCCTCACACGGTTATTTCCCCCACACCTCCCCCTTACTGCCCCACCC		64608
Query	160350	catattccctGC	ACTGGGGGTCCAAAGTGCACTGCCAGGACCAAAGGCTTCCCCTTCCA	160409
Sbjct	64607	CATATTCCCCTGC	ACTGGGGGTCCAAAGTGCACTGCCAGGACCAAAGGCTTCCCCTTCCA	64548
Query	160410	CTGGTGCCCAACAAGGCTATTCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTAAGTCCAT		160469
Sbjct	64547	CTGGTGCCCAACAAGGCTATTCTCTGCTACATATGCAGTTGGAGCCCTGGGTAAGTCCAT		64488
Query	160470	GTATAGTCTTTTGGTAATGTTTTAGTCCCTGGAAGCTCTGTTTGGTTGGCATTGTTGTTT		160529
Sbjct	64487	GTATAGTCTTTTGGTAATGTTTTAGTCCCTGGAAGCTCTGTTTGGTTGGCATTGTTGTTT		64428
Query	160530	TTATGGGGTTGCAAGCCCCCTTCAGCTCTTGCAATCTTTCCTGTAATCCCCCAATGGGA		160589
Sbjct	64427	TTATGGGGTTGCAAGCCCCCTTCAGCTCTTGCAATCTTTCCTGTAATCCCCCAATGGGA		64368
Query	160590	ATCCTGTTCTCAGTTCAATGATTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTGGACATGCTCTG		160649
Sbjct	64367	ATCCTGTTCTCAGTTCAATGATTGCTGCTAGCATTGACCTCTGTATTGGACATGCTCTG		64308
Query	160650	AATGTGTCTCTCAGGAGAGATCTATATCCGGTCCCTTTCAGCATGCACTTTT	TAGCTTCA	160709
Sbjct	64307	AATGTGTCTCTCAGGAGAGATCTATATCCGGTCCCTTTCAGCATGCACTTTT	TAGCTTCA	64248
Query	160710	TCAATCTTATCTACTTTTGGTGGCTGTATATATGTGGGCCACATGTGGGGTAGGCTCTGA		160769
Sbjct	64247	TCAATCTTATCTACTTTTGGTGGCTGTATATATGTGGGCCACATGTGGGGTAGGCTCTGA		64188
Query	160770	ATGGGTGTTCCCTTGAGTCACTGCTCTAAACTTTCTTTCCATATCCCCTCCTGTGGATATT		160829
Sbjct	64187	ATGGGTGTTCCCTTGAGTCACTGCTCTAAACTTTCTTTCCATATCCCCTCCTGTGGATATT		64128
Query	160830	TTTCCCCTTTAAAGAAGGAGCAGGAGCATT	CGTATTTTGGTCATCCTTCTTCTTGAATT	160889
Sbjct	64127	TTTCCCCTTTAAAGAAGGAGCAGGAGCATT	CGTATTTTGGTCATCCTTCTTCTTGAATT	64068
Query	160890	TCCTGTGGTCTGTGGATTGCATCTTGGGTAACTCGAGCTTATTGGCTAATATTCAC	TTAT	160949
Sbjct	64067	TCCTGTGGTCTGTGGATTGCATCTTGGGTAACTCGAGCTTATTGGCTAATATTCAC	TTAT	64008
Query	160950	CAATGAGTGCATATCAAGTGTGTTTTCTGGGATTGAGTTACCTCACTCAGGATGATAGTT		161009

Sbjct	64007	CAATGAGTGCATATCAAGTGTGTTTTCTGGGATTGAGTTACCTCACTCAGGATGATAGTT	63948
Query	161010	TTTAGTTCATTCCATTTGCCTATGAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGATGTACTA	161069
Sbjct	63947	TTTAGTTCATTCCATTTGCCTATGAATTTTCATGAAGTCATTGTTTTTGATAGATGTACTA	63888
Query	161070	CATCTTTTTTAATCCATTCTCTGTTGAAGGGCACCTAGGATCTTTCCAGCTTCTGGCTAT	161129
Sbjct	63887	CATCTTTTTTAATCCATTCTCTGTTGAAGGGCACCTAGGATCTTTCCAGCTTCTGGCTAT	63828
Query	161130	TATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATGTGTCCTTGTTATATGTTGGGGCATC	161189
Sbjct	63827	TATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATGTGTCCTTGTTATATGTTGGGGCATC	63768
Query	161190	TTTTGGGTATATGCCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTT	161249
Sbjct	63767	TTTTGGGTATATGCCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTT	63708
Query	161250	TCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATTCCACCTACA	161309
Sbjct	63707	TCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATTCCACCTACA	63648
Query	161310	ATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCTCATCCTTGCCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTT	161369
Sbjct	63647	ATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCTCATCCTTGCCAGCATTTGCTGTACCTGAGTTTTT	63588
Query	161370	GATTTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTT	161429
Sbjct	63587	GATTTTAGCCATTCTGACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTT	63528
Query	161430	CCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGATTTTTGGCCATTTGATAATCCTC	161489
Sbjct	63527	CCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGATTTTTGGCCATTTGATAATCCTC	63468
Query	161490	AGCTGAGAATGTTTTGTTTAGCTCTGAATCCCA <del>tttttttttttgggttctttttttt</del> CAG	161549
Sbjct	63467	AGCTGAGAATGTTTTGTTTAGCTCTGAATCCCATTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTCAG	63408
Query	161550	AGCTGGGGACCAAACCCAGGGCCTTGCCTTCCTAGGAAAGTCTCTACCACTGAGCTAA	161609
Sbjct	63407	AGCTGGGGACCAAACCCAGGGCCTTGCCTTCCTAGGAAAGTCTCTACCACTGAGCTAA	63348
Query	161610	ATCCCCAGCCCCCTGAATCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTAGAGTCTAACTT	161669
Sbjct	63347	ATCCCCAGCCCCCTGAATCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTAGAGTCTAACTT	63288
Query	161670	CTTGAGTTTTTTGTATATTTTGGCTATTTTCCCTCTATCAGATATAGGATTGGTAAAGAT	161729
Sbjct	63287	CTTGAGTTTTTTGTATATTTTGGCTATTTTCCCTCTATCAGATATAGGATTGGTAAAGAT	63228
Query	161730	CTTTTCCCAATCTGATGTTTTCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAA	161789
Sbjct	63227	CTTTTCCCAATCTGATGTTTTCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAA	63168
Query	161790	GCTTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTATCAATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGG	161849
Sbjct	63167	GCTTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTATCAATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGG	63108
Query	161850	TGTTTTGTTTCAGGAACTTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTCGAGACTCTTCCCCGCTTTTTT	161909
Sbjct	63107	TGTTTTGTTTCAGGAACTTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTTCGAGACTCTTCCCCGCTTTTTT	63048
Query	161910	TTCTAATAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTCGACTTAAG	161969
Sbjct	63047	TTCTAATAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTCGACTTAAG	62988
Query	161970	CTTTGTACAGGGAGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTT	162029
Sbjct	62987	CTTTGTACAGGGAGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGCTGACCTCCAGTT	62928
Query	162030	AAACCAGCACCATTGTGTTGAAAATGCTATCCCTTTTCCATTGGATGGTTTTAGCTCCTTT	162089
Sbjct	62927	AAACCAGCACCATTGTGTTGAAAATGCTATCCCTTTTCCATTGGATGGTTTTAGCTCCTTT	62868
Query	162090	GTCGAAGATCAAGTGACCATAGGTGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTGTTCCACTGGTC	162149
Sbjct	62867	GTCGAAGATCAAGTGACCATAGGTGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTGTTCCACTGGTC	62808
Query	162150	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACAATGCAATTTTTTATCACTACTGCTCTGTAATACT	162209
Sbjct	62807	TATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACAATGCAATTTTTTATCACTACTGCTCTGTAATACT	62748
Query	162210	GTTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCACCCGATTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGC	162269
Sbjct	62747	GTTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCACCCGATTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGC	62688
Query	162270	TATCCTGGGTTTTTGTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTCTATCTCTATAAAG	162329
Sbjct	62687	TATCCTGGGTTTTTGTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGCTCTTCTATCTCTATAAAG	62628

Query	162330	AATTGAGTAGGAATTTTGGATCGGGATTGTATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGCAAAATG	162389
Sbjct	62627	AATTGAGTAGGAATTTTGGATCGGGATTGTATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGCAAAATG	62568
Query	162390	GCCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCCATCTACCT	162449
Sbjct	62567	GCCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCCATCTACCT	62508
Query	162450	CAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTCAAGTTCTTGTTCATGCAAATCTTTCGCTAGCTTGGTTA	162509
Sbjct	62507	CAATTTCTTTCTTCAGAGTCTTCAAGTTCTTGTTCATGCAAATCTTTCGCTAGCTTGGTTA	62448
Query	162510	AAGTTTCACCAACATATTTTATATTACTTGGGGCTATTGTGAAGAGTGTCAATTTCCCTAA	162569
Sbjct	62447	AAGTTTCACCAACATATTTTATATTACTTGGGGCTATTGTGAAGAGTGTCAATTTCCCTAA	62388
Query	162570	TTTCTTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGTGTAGAGGAAGGCTATTGCTTTGTTGAGTTAA	162629
Sbjct	62387	TTTCTTTCTCAGTCTGTTTATCCTTTGTGTAGAGGAAGGCTATTGCTTTGTTGAGTTAA	62328
Query	162630	TTTTTTACCCTGACAGTTGGCTGAAGTTGTTTATCAGGTAAAATAGTTCTCTGGTGGAAC	162689
Sbjct	62327	TTTTTTACCCTGACAGTTGGCTGAAGTTGTTTATCAGGTAAAATAGTTCTCTGGTGGAAC	62268
Query	162690	TTTTGGGGTCACTTAAGTACACTATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTTGATTTCTT	162749
Sbjct	62267	TTTTGGGGTCACTTAAGTACACTATCATATCATCTGCAAATAGTGATATTTTGATTTCTT	62208
Query	162750	CCTTTCCAATTTATATCCCTTTGACCTCCTTTCACTCTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTT	162809
Sbjct	62207	CCTTTCCAATTTATATCCCTTTGACCTCCTTTCACTCTCTGATTGCTCTGGCTAGGACTT	62148
Query	162810	CGAATACTATATTGAAAAAATAAGAAGAGAGGGGGCAGCCTTGCTCTAGTCCCTGATTTCA	162869
Sbjct	62147	CGAATACTATATTGAAAAAATAAGAAGAGAGGGGGCAGCCTTGCTCTAGTCCCTGATTTCA	62088
Query	162870	GTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCTATTTTGTTTGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATA	162929
Sbjct	62087	GTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCTATTTTGTTTGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATA	62028
Query	162930	TTTACTATGTTTAGATATGGGACTTGAATTCCTGATCCTTATAGGACTTTTATCATGAAG	162989
Sbjct	62027	TTTACTATGTTTAGATATGGGACTTGAATTCCTGATCCTTATAGGACTTTTATCATGAAG	61968
Query	162990	GGTTATTGAATTTTATCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTTA	163049
Sbjct	61967	GGTTATTGAATTTTATCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTTA	61908
Query	163050	TCTTTGAGTTTGTTTATATAGTGATTATATTGATGGATTTTGTATATTAAACCATCCC	163109
Sbjct	61907	TCTTTGAGTTTGTTTATATAGTGATTATATTGATGGATTTTGTATATTAAACCATCCC	61848
Query	163110	TGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATCATTTTGATATGTCTTGAA	163169
Sbjct	61847	TGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGATGGATGATCATTTTGATATGTCTTGAA	61788
Query	163170	TTTCGGTTTGCAAGATTTTTATTGAGTATTTTGCATCAATATTCATAAGGGAAATTGGTC	163229
Sbjct	61787	TTTCGGTTTGCAAGATTTTTATTGAGTATTTTGCATCAATATTCATAAGGGAAATTGGTC	61728
Query	163230	TGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTT	163289
Sbjct	61727	TGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTT	61668
Query	163290	CATAGAAGGAATTCAGCTGTGCTCCATCTGTTTCTATTTTGTGGAATAGTTTGGTCAGTA	163349
Sbjct	61667	CATAGAAGGAATTCAGCTGTGCTCCATCTGTTTCTATTTTGTGGAATAGTTTGGTCAGTA	61608
Query	163350	CTGGTATGAGCTCTTCTATGAAGGTCTGATAGAATCCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTG	163409
Sbjct	61607	CTGGTATGAGCTCTTCTATGAAGGTCTGATAGAATCCTGCACTAAACCCGCTCTGGACCTG	61548
Query	163410	GGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATCACTGCCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGT	163469
Sbjct	61547	GGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATCACTGCCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGT	61488
Query	163470	TGTTTAAATGGTTTATCTGTTCTGATTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAAT	163529
Sbjct	61487	TGTTTAAATGGTTTATCTGTTCTGATTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAAT	61428
Query	163530	TGTCCATTTCTGTCAGATTTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGA	163589
Sbjct	61427	TGTCCATTTCTGTCAGATTTTCAAGTTTGTGTTGAATATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGA	61368
Query	163590	TGATTTTTTAATCCCTCTGAATCTGTAGTCATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTT	163649
Sbjct	61367	TGATTTTTTAATCCCTCTGAATCTGTAGTCATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTT	61308
Query	163650	AATTTGGACACACTCTCTGTGTCCTCTCCTTAGTCTGGCTAAAGCTTTATCTATCTTGTT	163709

Sbjct	61307	AATTTGGACACACTCTCTGTGTCCTCTCCTTAGTCTGGCTAAAGCTTTATCTATCTTGTT	61248
Query	163710	GATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTGTTC	163769
Sbjct	61247	GATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTGTTC	61188
Query	163770	TACTTGGTTGATGTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGT	163829
Sbjct	61187	TACTTGGTTGATGTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGT	61128
Query	163830	ATTTCGcttttttttGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCT	163889
Sbjct	61127	ATTTCGCTTTTTTTTGTTCAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCT	61068
Query	163890	TTCTGTTCCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCAT	163949
Sbjct	61067	TTCTGTTCCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCAT	61008
Query	163950	TGTGTCCCATAGTTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTTAAGAAGTCTTTA	164009
Sbjct	61007	TGTGTCCCATAGTTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTTAAGAAGTCTTTA	60948
Query	164010	ATTTCCTTCTCTTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGATAGTGTATAAATTTGGTTTTGTC	164069
Sbjct	60947	ATTTCCTTCTCTTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGATAGTGTATAAATTTGGTTTTGTC	60888
Query	164070	GTGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAGTTGAGATTGGGTGCAGGGAGCTGTTTG	164129
Sbjct	60887	GTGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAGTTGAGATTGGGTGCAGGGAGCTGTTTG	60828
Query	164130	GCTGGTTCAGTTTGGTCCTGGGTGCAGACCAGAACTGCAGGTACTGGCAGCTGTCAGCAG	164189
Sbjct	60827	GCTGGTTCAGTTTGGTCCTGGGTGCAGACCAGAACTGCAGGTACTGGCAGCTGTCAGCAG	60768
Query	164190	TTCTGGCAGCTGTCATTTCTATATCACTGTGTCCAGAGACACTGTGCAGTTTCCTCTTG	164249
Sbjct	60767	TTCTGGCAGCTGTCATTTCTATATCACTGTGTCCAGAGACACTGTGCAGTTTCCTCTTG	60708
Query	164250	GACCAGAGATGTGGGCAGAGGTGTGCAAAGGTGGCAGTCTGTCAGGTGACCTCAGGATTT	164309
Sbjct	60707	GACCAGAGATGTGGGCAGAGGTGTGCAAAGGTGGCAGTCTGTCAGGTGACCTCAGGATTT	60648
Query	164310	CTGCACTCCTGGGTGGTCAGCTTTCTCTCCCCAGGctttttttaattaatcatttttatt	164369
Sbjct	60647	CTGCACTCCTGGGTGGTCAGCTTTCTCTCCCCAGGTTTTTTTAATTAATCATTTTTATT	60588
Query	164370	tattttacattttcaaagtacaggactgttttgtttttttttttATTAACCTGAGTATTTCT	164429
Sbjct	60587	TATTTACATTTCAAATGACAGGACTGTTTTGTTTTTTTTTTTATTAACCTGAGTATTTCT	60528
Query	164430	TATTTACATTTTCGAGTGTTATTCCCGGTTTCCGGGCAAACAccccctccccctccccctt	164489
Sbjct	60527	TATTTACATTTTCGAGTGTTATTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCCTCCCCCTCCCCCT	60468
Query	164490	ctttatgggtgttccccctccccacccatccccattgcccgcctccccccaCCAGTCTAG	164549
Sbjct	60467	CTTTATGGGTGTTCCCCTCCCCACCCATCCCCATTGCCGCCCTCCCCCACCAGTCTAG	60408
Query	164550	TTCACTGGGGTTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCAAGTGGTCTTTACT	164609
Sbjct	60407	TTCACTGGGGTTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCAAGTGGTCTTTACT	60348
Query	164610	AGGATATTCACTGCTACCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAG	164669
Sbjct	60347	AGGATATTCACTGCTACCTATGAGGTGAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAG	60288
Query	164670	GTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCG	164729
Sbjct	60287	GTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCG	60228
Query	164730	AGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCTCTTCAACGGGGTCTATTCTCAG	164789
Sbjct	60227	AGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCTCTTCAACGGGGTCTATTCTCAG	60168
Query	164790	TTCACTGGTTTGTCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCA	164849
Sbjct	60167	TTCACTGGTTTGTCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCA	60108
Query	164850	GGAGCGATCTACATCCGACTCCTGTCGGTCTGCACGTCTTTGCTTCATCCATCTTGCTTA	164909
Sbjct	60107	GGAGCGATCTACATCCGACTCCTGTCGGTCTGCACGTCTTTGCTTCATCCATCTTGCTTA	60048
Query	164910	ATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTC	164969
Sbjct	60047	ATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCTTTC	59988
Query	164970	AGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTT	165029
Sbjct	59987	AGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCTTTT	59928

Query	165030	AAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGC	165089
Sbjct	59927	AAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCATCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGC	59868
Query	165090	ATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTA	165149
Sbjct	59867	ATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTA	59808
Query	165150	TGTCCTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAACATTTGC	165209
Sbjct	59807	TGTCCTTTCTGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAACATTTGC	59748
Query	165210	CTATGAATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGT	165269
Sbjct	59747	CTATGAATTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGT	59688
Query	165270	GCCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGG	165329
Sbjct	59687	GCCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGG	59628
Query	165330	CTATTATGAATAAGGCTGTGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGGGG	165389
Sbjct	59627	CTATTATGAATAAGGCTGTGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGGGG	59568
Query	165390	CATCTTTTGGGTATATGCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCCAATTTTC	165449
Sbjct	59567	CATCTTTTGGGTATATGCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCCAATTTTC	59508
Query	165450	TGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAAT	165509
Sbjct	59507	TGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAAT	59448
Query	165510	GGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCGCATCCTCACCAGCATTTGCTGTCACCTGAGTTTTTGA	165569
Sbjct	59447	GGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCGCATCCTCACCAGCATTTGCTGTCACCTGAGTTTTTGA	59388
Query	165570	TCTTAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCC	165629
Sbjct	59387	TCTTAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCC	59328
Query	165630	TTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCGGCATTCTCAG	165689
Sbjct	59327	TTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCGGCATTCTCAG	59268
Query	165690	CTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGC	165749
Sbjct	59267	CTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTCTCCCTGC	59208
Query	165750	GGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGAT	165809
Sbjct	59207	GGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGAT	59148
Query	165810	TGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACAACAGTGTACTTTG	165869
Sbjct	59147	TGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACAACAGTGTACTTTG	59088
Query	165870	CCTTACAGAGGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCCATTCTTGATCTTAGAGCGT	165929
Sbjct	59087	CCTTACAGAGGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCCATTCTTGATCTTAGAGCGT	59028
Query	165930	AAGCCATTGGTGTTTTGTTTAGGAAATTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCC	165989
Sbjct	59027	AAGCCATTGGTGTTTTGTTTAGGAAATTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCC	58968
Query	165990	CTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTAGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACT	166049
Sbjct	58967	CTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTAGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACT	58908
Query	166050	TGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGACAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTG	166109
Sbjct	58907	TGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGACAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTG	58848
Query	166110	ACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTTGATGGTTT	166169
Sbjct	58847	ACCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTTGATGGTTT	58788
Query	166170	TGGCTCCTTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAA	166229
Sbjct	58787	TGGCTCCTTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAA	58728
Query	166230	TTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTA	166289
Sbjct	58727	TTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTA	58668
Query	166290	TTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCTCTGAAGTCCTTTTATTGT	166349
Sbjct	58667	TTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCTCTGAAGTCCTTTTATTGT	58608
Query	166350	TGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTCT	166409

Sbjct	58607	TGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTTC	58548
Query	166410	TGTCTAACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGA	166469
Sbjct	58547	TGTCTAACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGA	58488
Query	166470	TCGCTTTTGGTAGAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGA	166529
Sbjct	58487	TCGCTTTTGGTAGAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGA	58428
Query	166530	GATCTTTCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTCTTCAGAGTCTTGAAGTTCTTAT	166589
Sbjct	58427	GATCTTTCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTCTTCAGAGTCTTGAAGTTCTTAT	58368
Query	166590	TGTACAGATCTTTCAC TTGCTTGGTTAAAGTCACAACGAGGTACTTTATATTATTGGGT	166649
Sbjct	58367	TGTACAGATCTTTCAC TTGCTTGGTTAAAGTCACAACGAGGTACTTTATATTATTGGGT	58308
Query	166650	CTATTATGAAGGGTGTCTGTTTCCCTAATTTCTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGA	166709
Sbjct	58307	CTATTATGAAGGGTGTCTGTTTCCCTAATTTCTTCTCAGCTTGTTTCTCTTTTGTGTAGA	58248
Query	166710	GGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAAGGACTGTTAAttttttAAAAA	166769
Sbjct	58247	GGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAAGGACTGTTATTTTAAAAA	58188
Query	166770	ATGATAATTGTCTCTGAAAATTTTGGCTACGTGAGGTATTATCAgttttttgtttgttt	166829
Sbjct	58187	ATGATAATTGTCTCTGAAAATTTTGGCTACGTGAGGTATTATCAGTTTTTTGTTTGT	58128
Query	166830	gtttgttttgttttgttttgttttcctttctttgttggttttgAACAAAGAAACAGTTAAG	166889
Sbjct	58127	GTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTCTTTCTTTGTTGTTTTGAACAAGAAACAGTTAAG	58068
Query	166890	GTAACAGATTCTGGTTATCCGCATAATATTTTAGGATAACACATAATAGGCATCCAAGTG	166949
Sbjct	58067	GTAACAGATTCTGGTTATCCGCATAATATTTTAGGATAACACATAATAGGCATCCAAGTG	58008
Query	166950	GGAGCAAGTCCAAGCTGGACTCGATAAATCCTATTTGGAATCCATTCTGTGACTGTCATA	167009
Sbjct	58007	GGAGCAAGTCCAAGCTGGACTCGATAAATCCTATTTGGAATCCATTCTGTGACTGTCATA	57948
Query	167010	AATTTGCAAAC TGAAAGCaaaaaaagaaaaaaTAATTGGCTTCACAGCTGGGTCATGGCT	167069
Sbjct	57947	AATTTGCAAAC TGAAAGCAAAAAAGAAAAATAATTGGCTTCACAGCTGGGTCATGGCT	57888
Query	167070	AGAGTGAGGACAATCTGCTTCCACAGGTGCTCAGGAGGGGAGCATGTCTGCAACTTGAGC	167129
Sbjct	57887	AGAGTGAGGACAATCTGCTTCCACAGGTGCTCAGGAGGGGAGCATGTCTGCAACTTGAGC	57828
Query	167130	CAAGAAATTGAACATGGCCACCAAATCATGCTCCTTCTGCGACCAACAGATTTCCTGCTAT	167189
Sbjct	57827	CAAGAAATTGAACATGGCCACCAAATCATGCTCCTTCTGCGACCAACAGATTTCCTGCTAT	57768
Query	167190	GTGTAAATCATGTCCCTGTGGTTATATATTTATTAGCAGTACAAAATGCAAAGCATTTCAG	167249
Sbjct	57767	GTGTAAATCATGTCCCTGTGGTTATATATTTATTAGCAGTACAAAATGCAAAGCATTTCAG	57708
Query	167250	AGAAATCACCACCATCTACAGAAAACAAGCATGAGGCCAAGAGGAGGTGAACAGAGAGAG	167309
Sbjct	57707	AGAAATCACCACCATCTACAGAAAACAAGCATGAGGCCAAGAGGAGGTGAACAGAGAGAG	57648
Query	167310	TTAGGTGAGAGAAGATAAAATTTCTATAGTAAATAAAGATTTAGAAAACAGAAAGAGATCTC	167369
Sbjct	57647	TTAGGTGAGAGAAGATAAAATTTCTATAGTAAATAAAGATTTAGAAAACAGAAAGAGATCTC	57588
Query	167370	AAAGTAACAGTCATTTCAGATCATATCAGATGAGgaagaagacctaaaagttcatctgcc	167429
Sbjct	57587	AAAGTAACAGTCATTTCAGATCATATCAGATGAGGAAGAAGACCTAAAAGTTCATCTGCCA	57528
Query	167430	aaaaacacaaggaagaaagagaaaaaacaggaaaaggaaaTTGACATCTATGCTAACCTCT	167489
Sbjct	57527	AAAAACACAAGGAAGAAAGAGAAAAACAGGAAAAGGAAATTGACATCTATGCTAACCTCT	57468
Query	167490	CTGATGAGAAGGCTTCATGTTTTTCAGATGCCTTGGCAAAAGTAAATAGAAAAATTATCAA	167549
Sbjct	57467	CTGATGAGAAGGCTTCATGTTTTTCAGATGCCTTGGCAAAAGTAAATAGAAAAATTATCAA	57408
Query	167550	GCAAAGACTTATTCTCTGATATTTGTCTTCAAATCTGTGCGCACTTTCTTCAGGATTAC	167609
Sbjct	57407	GCAAAGACTTATTCTCTGATATTTGTCTTCAAATCTGTGCGCACTTTCTTCAGGATTAC	57348
Query	167610	ATCAGCAAATGCTCAGACAGTCGTGGACTCAGACTGTAGAGTGAGGGCCATTGATTGCTT	167669
Sbjct	57347	ATCAGCAAATGCTCAGACAGTCGTGGACTCAGACTGTAGAGTGAGGGCCATTGATTGCTT	57288
Query	167670	TTCTCTGTTTTCTAGTCTGTTGCCACACTTTGGGAGCCAAGCCACGCGTTTAGACTTTAC	167729
Sbjct	57287	TTCTCTGTTTTCTAGTCTGTTGCCACACTTTGGGAGCCAAGCCACGCGTTTAGACTTTAC	57228

Query	167730	TGGGATTTTCCTGTTTACCAAGGATTATTATCAGCGTTGTGTGTTGGGATTTACTAAATTT	167789
Sbjct	57227	TGGGATTTTCCTGTTTACCAAGGATTATTATCAGCGTTGTGTGTTGGGATTTACTAAATTT	57168
Query	167790	ATTTATATAAAACAAACAAACCTACCCCAAAATCCCTAGTAAC TAGATATATATTTATAGA	167849
Sbjct	57167	ATTTATATAAAACAAACAAACCTACCCCAAAATCCCTAGTAAC TAGATATATATTTATAGA	57108
Query	167850	TGGAGGTGGGGTGGGATAGGAGTGTTGTGGAAGTATACAGGTGACATACTTGGTAGTTTT	167909
Sbjct	57107	TGGAGGTGGGGTGGGATAGGAGTGTTGTGGAAGTATACAGGTGACATACTTGGTAGTTTT	57048
Query	167910	CAGGTCTGCACCAGAGATGCAGTGTCTAAAGTCCTGTCATGAGAGTGACTTTTAAATGTA	167969
Sbjct	57047	CAGGTCTGCACCAGAGATGCAGTGTCTAAAGTCCTGTCATGAGAGTGACTTTTAAATGTA	56988
Query	167970	TGTATTTTCAGGCTTTCACCATTAAACAGATACATATATACATTAAAAGCCCATTGACCTTT	168029
Sbjct	56987	TGTATTTTCAGGCTTTCACCATTAAACAGATACATATATACATTAAAAGCCCATTGACCTTT	56928
Query	168030	AATATGTTGGTAATTGATATTTTATTGAATGGAGAATTACAAATATAGATTATAAATTGT	168089
Sbjct	56927	AATATGTTGGTAATTGATATTTTATTGAATGGAGAATTACAAATATAGATTATAAATTGT	56868
Query	168090	CTTTAATTGACCATTATCTTGGATGCCATTTTAAATGTTTTAAGATAGTAGTTATATTTTC	168149
Sbjct	56867	CTTTAATTGACCATTATCTTGGATGCCATTTTAAATGTTTTAAGATAGTAGTTATATTTTC	56808
Query	168150	AGAAACTTTCTAGAAAGTTTGGAAATTTAAGCGCTATATGAAGAAAAGCATTTAAGGCTG	168209
Sbjct	56807	AGAAACTTTCTAGAAAGTTTGGAAATTTAAGCGCTATATGAAGAAAAGCATTTAAGGCTG	56748
Query	168210	AATCATATTTTCAGATATAAGCACCTTGTTTTCTTGAATGTTTACTTACTGGTTTTaaaaa	168269
Sbjct	56747	AATCATATTTTCAGATATAAGCACCTTGTTTTCTTGAATGTTTACTTACTGGTTTTAAAAA	56688
Query	168270	aaaCTTTTCTGTATCAAGATGGTGCCTGTTAACCTAAACACAGATATATTTATTATATA	168329
Sbjct	56687	AAACTTTTCTGTATCAAGATGGTGCCTGTTAACCTAAACACAGATATATTTATTATATA	56628
Query	168330	AATTGCAAAATATTTCTTAACTACTTGTGAACAATGATGTTTTGTCTGAATAAATGCTCA	168389
Sbjct	56627	AATTGCAAAATATTTCTTAACTACTTGTGAACAATGATGTTTTGTCTGAATAAATGCTCA	56568
Query	168390	TTTATACATAATTCTTGTAATTATTTTAACTGTTACCTCATCCTGGGAAAAATAAACCTT	168449
Sbjct	56567	TTTATACATAATTCTTGTAATTATTTTAACTGTTACCTCATCCTGGGAAAAATAAACCTT	56508
Query	168450	AATATTGAAAATGAATAGATTTaaaaaaaaGTAAGAATTGCTGGTCAATATTTATCTGAA	168509
Sbjct	56507	AATATTGAAAATGAATAGATTTAAAAAAAAAGTAAGAATTGCTGGTCAATATTTATCTGAA	56448
Query	168510	TCTTAGACTAGCTGGTATGGTGTATTTTTCTGTTTTGAAGTCTGGAAAATGTGGATAGCT	168569
Sbjct	56447	TCTTAGACTAGCTGGTATGGTGTATTTTTCTGTTTTGAAGTCTGGAAAATGTGGATAGCT	56388
Query	168570	GTTAGGATAGACCAGACATGGTTATTAACCCAATATTTGGGTAGAAAAGATGTTATCTTG	168629
Sbjct	56387	GTTAGGATAGACCAGACATGGTTATTAACCCAATATTTGGGTAGAAAAGATGTTATCTTG	56328
Query	168630	TCGTCCTTGTTTGGGAACAGTTGGGTATATGAAAGAGGGTGATCATTTGTGTTTATCTTGT	168689
Sbjct	56327	TCGTCCTTGTTTGGGAACAGTTGGGTATATGAAAGAGGGTGATCATTTGTGTTTATCTTGT	56268
Query	168690	CTCCTGTGACTGCATGAACATTCTTTATTGTTACTACTTCAATACTGTTTTCTATGTTTT	168749
Sbjct	56267	CTCCTGTGACTGCATGAACATTCTTTATTGTTACTACTTCAATACTGTTTTCTATGTTTT	56208
Query	168750	GTGGCATAAAATTTGTGGCAGTGGTGGGAGCAAGCAGGGAAGACAGTAAGGAAGTTACTGC	168809
Sbjct	56207	GTGGCATAAAATTTGTGGCAGTGGTGGGAGCAAGCAGGGAAGACAGTAAGGAAGTTACTGC	56148
Query	168810	ATTTGCAACATTTCATGTTCCCTTATCAGCAAGTCTCTCAGTTCCTCCTGCATCATCTTAT	168869
Sbjct	56147	ATTTGCAACATTTCATGTTCCCTTATCAGCAAGTCTCTCAGTTCCTCCTGCATCATCTTAT	56088
Query	168870	GCACCTACACTGGTCTCTAGCTTTTACTACTCTCATATTTCTAGAGTTGGGCAATGCTGG	168929
Sbjct	56087	GCACCTACACTGGTCTCTAGCTTTTACTACTCTCATATTTCTAGAGTTGGGCAATGCTGG	56028
Query	168930	TATATCATCATGCTGCCCTATAGGCACATTATAACCCCTTGACTCTGAGAAGTCTTGTG	168989
Sbjct	56027	TATATCATCATGCTGCCCTATAGGCACATTATAACCCCTTGACTCTGAGAAGTCTTGTG	55968
Query	168990	CACTCCTTCCTCACCAGGACCTAGAATCCACTATACATAACTGCTACTACCATAACTGCA	169049
Sbjct	55967	CACTCCTTCCTCACCAGGACCTAGAATCCACTATACATAACTGCTACTACCATAACTGCA	55908
Query	169050	GCCACTGCTACTGGCTATGACCTCAGCTGTTGCTTGCAATCTGCTACTCCCTTTTAGCCA	169109

Sbjct	55907	GCCACTGCTACTGGCTATGACCTCAGCTGTTGCTTGAATCTGCTACTCCCTTTTAGCCA	55848
Query	169110	GGGCACAGAATTCTCATCTCTAAGTCTTCTTTTACTCTACTTTCTCTGGTCCCTCTCC	169169
Sbjct	55847	GGGCACAGAATTCTCATCTCTAAGTCTTCTTTTACTCTACTTTCTCTGGTCCCTCTCC	55788
Query	169170	ATTGTTATTGGAATCAATTTTATAGGGATTATCATCTTTTGGTATGGATACTACTAAG	169229
Sbjct	55787	ATTGTTATTGGAATCAATTTTATAGGGATTATCATCTTTTGGTATGGATACTACTAAG	55728
Query	169230	TATCATGTATTATTTTACGCTGCTCTACTTTATTAAGGCTAACTCTAGGGTTAGGTTAT	169289
Sbjct	55727	TATCATGTATTATTTTACGCTGCTCTACTTTATTAAGGCTAACTCTAGGGTTAGGTTAT	55668
Query	169290	GGCCACCTGACCTACAACAGAAAGAAAAACAAAACAAAGCAACCCCACTGAAAACCAAC	169349
Sbjct	55667	GGCCACCTGACCTACAACAGAAAGAAAAACAAAACAAAGCAACCCCACTGAAAACCAAC	55608
Query	169350	TAACTAGTGTACTATTCCCACTGGAGAGTATTGTCACTCATCTCATATTCTATTTGGTTT	169409
Sbjct	55607	TAACTAGTGTACTATTCCCACTGGAGAGTATTGTCACTCATCTCATATTCTATTTGGTTT	55548
Query	169410	TATTTACCTTTCTAAGACATTTGCCAAAGCATATACTTTATCTTGATATTTATATTAAAT	169469
Sbjct	55547	TATTTACCTTTCTAAGACATTTGCCAAAGCATATACTTTATCTTGATATTTATATTAAAT	55488
Query	169470	TTTTATGTAAGTTTATTTGATATGGTTAAAAATCTGTAAAATCTGCAACAAAGGTTAGCT	169529
Sbjct	55487	TTTTATGTAAGTTTATTTGATATGGTTAAAAATCTGTAAAATCTGCAACAAAGGTTAGCT	55428
Query	169530	TAAAACTTACAACAAAAAAGATGATAATTTAAAATATATACATGGGTAATCATAATTTACT	169589
Sbjct	55427	TAAAACTTACAACAAAAAAGATGATAATTTAAAATATATACATGGGTAATCATAATTTACT	55368
Query	169590	ATAGCCTGTTGAATATATAAATTTGGGTTCAACTCttttttttttataatctcagtttca	169649
Sbjct	55367	ATAGCCTGTTGAATATATAAATTTGGGTTCAACTCTTTTTTTTTTTATAATCTCAGTTTCA	55308
Query	169650	ttttctttttcttttttttttttATTAACCTTGAGTATTTCTTATTTACATTTTCGAGTGTTA	169709
Sbjct	55307	TTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTATTAACCTTGAGTATTTCTTATTTACATTTTCGAGTGTTA	55248
Query	169710	TTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGAAAACAccccctccccctcccccttctctatgggtgttc	169769
Sbjct	55247	TTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGAAAACATCCCCCTCCCCCTCCCCCTTCTCTATGGGTGTTC	55188
Query	169770	ccctcccaaccctccccccattgcccgcctccccccAACAATCTAGTTCACTGGGGGTT	169829
Sbjct	55187	CCCTCCCAACCCTCCCCCCATTGCCGCCCTCCCCCAACAATCTAGTTCACTGGGGGTT	55128
Query	169830	CAGCCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTG	169889
Sbjct	55127	CAGCCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTG	55068
Query	169890	CTACCTATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGT	169949
Sbjct	55067	CTACCTATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGT	55008
Query	169950	CCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCCTTCAAGC	170009
Sbjct	55007	CCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCCTTCAAGC	54948
Query	170010	TCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTTCCTTCAATGGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGC	170069
Sbjct	54947	TCTTCCAGTCCTTTCTCTGATTTCCTTCAATGGGGGTCTTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGC	54888
Query	170070	TGCTGGCATTTCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGACCTACA	170129
Sbjct	54887	TGCTGGCATTTCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGACCTACA	54828
Query	170130	TCCGGCTCCTGTCAGCCTGCACCTTCTTTGCTTCATCCATATTGTCTAATTGGGTGGCTGT	170189
Sbjct	54827	TCCGGCTCCTGTCAGCCTGCACCTTCTTTGCTTCATCCATATTGTCTAATTGGGTGGCTGT	54768
Query	170190	ATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTA	170249
Sbjct	54767	ATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTA	54708
Query	170250	ATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGTGATTCTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAGTGA	170309
Sbjct	54707	ATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGTGATTCTTGTTCCTTTTAAAGAAGGAGTGA	54648
Query	170310	AGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATT	170369
Sbjct	54647	AGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATT	54588
Query	170370	CAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGA	170429
Sbjct	54587	CAAGCATTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGA	54528



Query	170430	TTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTACGAATTTTCAT	170489
Sbjct	54527	TTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTGCCTACGAATTTTCAT	54468
Query	170490	AAAGTCGTTGTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTATAGATGTACCACATTTTCTG	170549
Sbjct	54467	AAAGTCGTTGTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTATAGATGTACCACATTTTCTG	54408
Query	170550	TATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAA	170609
Sbjct	54407	TATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAA	54348
Query	170610	GGCTGCGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTA	170669
Sbjct	54347	GGCTGCGATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTA	54288
Query	170670	TATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAG	170729
Sbjct	54287	TATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAG	54228
Query	170730	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAG	170789
Sbjct	54227	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAG	54168
Query	170790	GAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTT	170849
Sbjct	54167	GAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTT	54108
Query	170850	AGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTATTTTGATTTGCATTTCCCTTAT	170909
Sbjct	54107	AGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTATTTTGATTTGCATTTCCCTTAT	54048
Query	170910	GACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGTGTTTTCTCAGCCATTTCGGCATTCCCTCAGCTGC	170969
Sbjct	54047	GACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGTGTTTTCTCAGCCATTTCGGCATTCCCTCAGCTGC	53988
Query	170970	GAATTCCTTTGTTTAGCTCTGAACCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGACTCCCTGCGGTCT	171029
Sbjct	53987	GAATTCCTTTGTTTAGCTCTGAACCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGACTCCCTGCGGTCT	53928
Query	171030	AAC TTCCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTA	171089
Sbjct	53927	AAC TTCCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTA	53868
Query	171090	AAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTA	171149
Sbjct	53867	AAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACCACAGTGTCTTTGCCTTA	53808
Query	171150	CAGAAGCTTTTGAGTTTTATGAGATCCCATTTGTGCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCC	171209
Sbjct	53807	CAGAAGCTTTTGAGTTTTATGAGATCCCATTTGTGCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCC	53748
Query	171210	ATTGGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCAGATGCTTCCCTAGT	171269
Sbjct	53747	ATTGGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCAGATGCTTCCCTAGT	53688
Query	171270	TTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGAC	171329
Sbjct	53687	TTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGAC	53628
Query	171330	TTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTC	171389
Sbjct	53627	TTAAGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTC	53568
Query	171390	CAGTTGAACCAGCACCATTGCTGAAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCT	171449
Sbjct	53567	CAGTTGAACCAGCACCATTGCTGAAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCT	53508
Query	171450	CCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTA	171509
Sbjct	53507	CCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTA	53448
Query	171510	TTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCT	171569
Sbjct	53447	TTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCT	53388
Query	171570	CTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATAGTTGAGG	171629
Sbjct	53387	CTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATAGTTGAGG	53328
Query	171630	ATAGCTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTTGTATTCCAGATGAATTGCAAATTGTTCTGTCT	171689
Sbjct	53327	ATAGCTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTTGTATTCCAGATGAATTGCAAATTGTTCTGTCT	53268
Query	171690	AACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCT	171749
Sbjct	53267	AACTCTTTGAAGAAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCT	53208
Query	171750	TTTGGTAAAAATGGCCATTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCT	171809

Sbjct	53207	TTTGGTAAAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCT	53148
Query	171810	TTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTAC	171869
Sbjct	53147	TTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTAC	53088
Query	171870	AGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAAGTTAAACCGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATT	171929
Sbjct	53087	AGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAAGTTAAACCGAGGTACTTTATATTATTTGGGTCTATT	53028
Query	171930	ATGATGGGTGTCGTTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAG	171989
Sbjct	53027	ATGATGGGTGTCGTTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAG	52968
Query	171990	GCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGC	172049
Sbjct	52967	GCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGC	52908
Query	172050	TTTAGCAGTTCTCTGGTGGAACCTTTTGGGATCACTTAAATAAACTATCATGTCATCTGCA	172109
Sbjct	52907	TTTAGCAGTTCTCTGGTGGAACCTTTTGGGATCACTTAAATAAACTATCATGTCATCTGCA	52848
Query	172110	AATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTTGT	172169
Sbjct	52847	AATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTTGT	52788
Query	172170	CTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAG	172229
Sbjct	52787	CTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAG	52728
Query	172230	CCTTGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATG	172289
Sbjct	52727	CCTTGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAATG	52668
Query	172290	TTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCT	172349
Sbjct	52667	TTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCT	52608
Query	172350	ATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTTTCAAATGCTTTCTCAGCA	172409
Sbjct	52607	ATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTTTCAAATGCTTTCTCAGCA	52548
Query	172410	TCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCACGTTG	172469
Sbjct	52547	TCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAGTTTGTTTATATAATGGATCACGTTG	52488
Query	172470	ATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGG	172529
Sbjct	52487	ATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGG	52428
Query	172530	TGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGATTCCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTT	172589
Sbjct	52427	TGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGATTCCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTT	52368
Query	172590	GCGTCGATATTCTAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGT	172649
Sbjct	52367	GCGTCGATATTCTAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGT	52308
Query	172650	GGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCGTAGAAGGTATTCTGTAGTGCTCCATCTGTT	172709
Sbjct	52307	GGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCGTAGAAGGTATTCTGTAGTGCTCCATCTGTT	52248
Query	172710	TCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAG	172769
Sbjct	52247	TCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAG	52188
Query	172770	AATCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACT	172829
Sbjct	52187	AATCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACT	52128
Query	172830	GCTTCTATTTCCCTAGGAGTTATGAGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAAC	172889
Sbjct	52127	GCTTCTATTTCCCTAGGAGTTATGAGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAAC	52068
Query	172890	TTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATGTCCATTTCCTGAAGATTTTCAAATTTTGTT	172949
Sbjct	52067	TTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATGTCCATTTCCTGAAGATTTTCAAATTTTGTT	52008
Query	172950	GAATATAGGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTTGAATTCCTCTGAATCTGTAGTT	173009
Sbjct	52007	GAATATAGGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTTGAATTCCTCTGAATCTGTAGTT	51948
Query	173010	ATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGTCTCTCGTT	173069
Sbjct	51947	ATGTCTCCCTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGTCTCTCGTT	51888
Query	173070	AGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTG	173129
Sbjct	51887	AGTCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTG	51828

Query	173130	TTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTGTCTACTTGGTTGATTTCAGCTCTAAGTTTGATT	173189
Sbjct	51827	TTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTGTCTACTTGGTTGATTTCAGCTCTAAGTTTGATT	51768
Query	173190	ATTTCTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTGTCTAGAGCTTTTAGG	173249
Sbjct	51767	ATTTCTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTGTCTAGAGCTTTTAGG	51708
Query	173250	TGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCT	173309
Sbjct	51707	TGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCT	51648
Query	173310	ATGAGTTTTCTCTTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCT	173369
Sbjct	51647	ATGAGTTTTCTCTTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCT	51588
Query	173370	TCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGG	173429
Sbjct	51587	TCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGG	51528
Query	173430	TTATCATTGAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGTATTCTTCCCTTATTG	173489
Sbjct	51527	TTATCATTGAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGTATTCTTCCCTTATTG	51468
Query	173490	TTATTGAAGACCAGTTTTTAGGCCGTGGTAGTCTGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATC	173549
Sbjct	51467	TTATTGAAGACCAGTTTTTAGGCCGTGGTAGTCTGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATC	51408
Query	173550	TTTCTGTACCCGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAAGTA	173609
Sbjct	51407	TTTCTGTACCCGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAAGTA	51348
Query	173610	CCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATA	173669
Sbjct	51347	CCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATA	51288
Query	173670	TCCGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCGACATCACTGTTTAATTC	173729
Sbjct	51287	TCCGTTAAGTCCATTTGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCGACATCACTGTTTAATTC	51228
Query	173730	TGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCCACTATTATTGTG	173789
Sbjct	51227	TGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTGAAATCTCCCACTATTATTGTG	51168
Query	173790	TGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTT	173849
Sbjct	51167	TGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACGTATGTAGGTGCCCTT	51108
Query	173850	GTATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTTGATTTTTCTTTGATG	173909
Sbjct	51107	GTATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTTGATTTTTCTTTGATG	51048
Query	173910	AATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAAATTGATTTTATTT	173969
Sbjct	51047	AATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAAATTGATTTTATTT	50988
Query	173970	GATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACCTGCTTGGAAGTTGTTTTCT	174029
Sbjct	50987	GATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACCTGCTTGGAAGTTGTTTTCT	50928
Query	174030	CAGCGTTTCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAG	174089
Sbjct	50927	CAGCGTTTCACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAG	50868
Query	174090	CAGAATGCAGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAG	174149
Sbjct	50867	CAGAATGCAGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAG	50808
Query	174150	TTGAGGCCATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTC	174209
Sbjct	50807	TTGAGGCCATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTC	50748
Query	174210	ATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTTGTTGCCAAGACG	174269
Sbjct	50747	ATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTTGTTGCCAAGACG	50688
Query	174270	ATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTTA	174329
Sbjct	50687	ATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTTA	50628
Query	174330	TTATCCTTTGTAGTGCTGGGTTTGTAGAAAGAGATTGTGTAAATTTGGTTTGTGCATGGA	174389
Sbjct	50627	TTATCCTTTGTAGTGCTGGGTTTGTAGAAAGAGATTGTGTAAATTTGGTTTGTGCATGGA	50568
Query	174390	ATATCTTGGTTTCTCCATCAATGTAAATTGATAGTTTTGCTGGATACAGTAACCTGGGCT	174449
Sbjct	50567	ATATCTTGGTTTCTCCATCAATGTAAATTGATAGTTTTGCTGGATACAGTAACCTGGGCT	50508
Query	174450	GGCATTGTGTCTCTGAGGGTCTGTATGACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAG	174509

Sbjct	50507	GGCATTTGTGTTCTCTGAGGGTCTGTATGACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAG	50448
Query	174510	TTTCTGGCGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCATTTATATGTTACTTGACCTT	174569
Sbjct	50447	TTTCTGGCGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCATTTATATGTTACTTGACCTT	50388
Query	174570	TTTCCCTTACTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTA	174629
Sbjct	50387	TTTCCCTTACTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTA	50328
Query	174630	TGTGACGGGAGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTACTGTAAGCTTCTTGTA	174689
Sbjct	50327	TGTGACGGGAGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTACTGTAAGCTTCTTGTA	50268
Query	174690	TGCCTATGGGTATCTCTtttttttAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGA	174749
Sbjct	50267	TGCCTATGGGTATCTCTTTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGA	50208
Query	174750	TATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGT	174809
Sbjct	50207	TATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGT	50148
Query	174810	TTGATCTTCTCATTGAGTCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACT	174869
Sbjct	50147	TTGATCTTCTCATTGAGTCTGGATTTCCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCACT	50088
Query	174870	TTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTC	174929
Sbjct	50087	TTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAAATTC	50028
Query	174930	TCTCTTCCATCTCTTGTATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCT	174989
Sbjct	50027	TCTCTTCCATCTCTTGTATTTTGTGGTGAAGCTCGTATCTACAGCTCCTTGCTCTTCT	49968
Query	174990	TTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTGTGTCTTTCTTGATTGCTTCTATTCCAT	175049
Sbjct	49967	TTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCTTGTGTCTTTCTTGATTGCTTCTATTCCAT	49908
Query	175050	TTTTAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTATTTTCCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGT	175109
Sbjct	49907	TTTTAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTATTTTCCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGTGT	49848
Query	175110	CTCCTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCCTGGAATCTTTTAGGGATT	175169
Sbjct	49847	CTCCTCTCTATGGGCTTCTACTTGTTTATTTATGTTTTCCTGGAATCTTTTAGGGATT	49788
Query	175170	TTGCCATTCTCTCTGTAGGGTTCTACTTGTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTCTT	175229
Sbjct	49787	TTGCCATTCTCTCTGTAGGGTTCTACTTGTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTCTTCTT	49728
Query	175230	GAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTTTGGTGT	175289
Sbjct	49727	GAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTTTGGTGT	49668
Query	175290	GTTTGGATATTCCATGTTTGCTTTGGTTGGAAAATTGGGCTCCGATGATGCCATGTAGTC	175349
Sbjct	49667	GTTTGGATATTCCATGTTTGCTTTGGTTGGAAAATTGGGCTCCGATGATGCCATGTAGTC	49608
Query	175350	TTGGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCACCTTTCCTCACCATCAGATTATTTCTAGTGTTAC	175409
Sbjct	49607	TTGGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCACCTTTCCTCACCATCAGATTATTTCTAGTGTTAC	49548
Query	175410	TTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGGGTGC	175469
Sbjct	49547	TTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAGGGGTGC	49488
Query	175470	TGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTTTCG	175529
Sbjct	49487	TGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTTTCG	49428
Query	175530	GGCATGTAGTTTTTCTATCTACAGGTCTTCAGCTGTTTCTGTGGGCCTGTGTCTTGAGA	175589
Sbjct	49427	GGCATGTAGTTTTTCTATCTACAGGTCTTCAGCTGTTTCTGTGGGCCTGTGTCTTGAGA	49368
Query	175590	TCACCAGGCAGGTTGCTTGACAGCAGAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCCGAGGCTCAAG	175649
Sbjct	49367	TCACCAGGCAGGTTGCTTGACAGCAGAAAAGTTGGTCTTACCTGTGGTCCCGAGGCTCAAG	49308
Query	175650	TTTGCTGGTGAGGTGTTTGCTTAGGAGCACTCAGTGGGGGCAGCCACCAGGAAGATCTGTG	175709
Sbjct	49307	TTTGCTGGTGAGGTGTTTGCTTAGGAGCACTCAGTGGGGGCAGCCACCAGGAAGATCTGTG	49248
Query	175710	CTGCCCTTTCCGGGAGCTTTCGTGCACCAGGGTCCAGATGGCGTTTGGTGTTTTCTCTG	175769
Sbjct	49247	CTGCCCTTTCCGGGAGCTTTCGTGCACCAGGGTCCAGATGGCGTTTGGTGTTTTCTCTG	49188
Query	175770	GAATCAGTAATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTTTGGTTTCCAGGCGTGTCTGCCTCTCT	175829
Sbjct	49187	GAATCAGTAATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTTTGGTTTCCAGGCGTGTCTGCCTCTCT	49128

Query	175830	GAAGGTTTGGCTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTCGGTC	175889
Sbjct	49127	GAAGGTTTGGCTCTCCCTCCCACGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCTGGTCGGTC	49068
Query	175890	CCTTCAGGTTTCAGGCGGTGTCTCAGACGCAGTGGTCTCTGCCGCTCCTGGGCCCTCCTCTA	175949
Sbjct	49067	CCTTCAGGTTTCAGGCGGTGTCTCAGACGCAGTGGTCTCTGCCGCTCCTGGGCCCTCCTCTA	49008
Query	175950	TGGGAACTGAGAGGTTGTATATAGTTTCCTTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGC	176009
Sbjct	49007	TGGGAACTGAGAGGTTGTATATAGTTTCCTTTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGGGC	48948
Query	176010	AGTGTTGGTGGTCTCTTCCGCTCTACAGCCTCAGGAGTGCCACCTGTCCAGGCGGTGAG	176069
Sbjct	48947	AGTGTTGGTGGTCTCTTCCGCTCTACAGCCTCAGGAGTGCCACCTGTCCAGGCGGTGAG	48888
Query	176070	GTCTCTCTCCCACGGGGTTTGGGAGCAGTGAGCTGCTGCGGGCAGGGATCTGCCGTTTG	176129
Sbjct	48887	GTCTCTCTCCCACGGGGTTTGGGAGCAGTGAGCTGCTGCGGGCAGGGATCTGCCGTTTG	48828
Query	176130	GGTGGATTCAACTCTTATTGTCAAGAATCACAGTTGGTTTTAAATAACATTTACCGTCTT	176189
Sbjct	48827	GGTGGATTCAACTCTTATTGTCAAGAATCACAGTTGGTTTTAAATAACATTTACCGTCTT	48768
Query	176190	GATTAAGATGACCATGTGATATAAACATCAAAAGAGATGGTTCCAAGATATTTTGAATA	176249
Sbjct	48767	GATTAAGATGACCATGTGATATAAACATCAAAAGAGATGGTTCCAAGATATTTTGAATA	48708
Query	176250	GGGTAGATTTCATATTTTGAATATGAGATTCTTGTCTCTGACAATGAAAATAACAGGCAAG	176309
Sbjct	48707	GGGTAGATTTCATATTTTGAATATGAGATTCTTGTCTCTGACAATGAAAATAACAGGCAAG	48648
Query	176310	GACAAAAGTCATATAAACAAAGTTTTACGTAAAATAAGATTTAAAAATAACATGTGTTTGA	176369
Sbjct	48647	GACAAAAGTCATATAAACAAAGTTTTACGTAAAATAAGATTTAAAAATAACATGTGTTTGA	48588
Query	176370	TAAATATGATATTAAGCTTAATCTACATGCATTTTATATAGAGGATCAAAACTATAAAAGT	176429
Sbjct	48587	TAAATATGATATTAAGCTTAATCTACATGCATTTTATATAGAGGATCAAAACTATAAAAGT	48528
Query	176430	AAATACAAATATGGAAACATAAACAAATTCTCTGCTTTAACTTTGTAttttttttttGTTA	176489
Sbjct	48527	AAATACAAATATGGAAACATAAACAAATTCTCTGCTTTAACTTTGTATTTTTTTTTTGTTA	48468
Query	176490	GGGTTTCTATTGTTTCAATGAAACACGATAACCAAAGCAAGTTGAGGAGGAAGGGGTTT	176549
Sbjct	48467	GGGTTTCTATTGTTTCAATGAAACACGATAACCAAAGCAAGTTGAGGAGGAAGGGGTTT	48408
Query	176550	ATTTGACTTAAACTTCCATACCATTGTTTCATCACCAAAGAATTCAGGAGAGGTATTCAA	176609
Sbjct	48407	ATTTGACTTAAACTTCCATACCATTGTTTCATCACCAAAGAATTCAGGAGAGGTATTCAA	48348
Query	176610	ACAGGACAGAAACATGTAGAGAGGAGCTGATAGAGAGGCCTCAGACTGGTTCTGCTCACT	176669
Sbjct	48347	ACAGGACAGAAACATGTAGAGAGGAGCTGATAGAGAGGCCTCAGACTGGTTCTGCTCACT	48288
Query	176670	GATTTACTTCTCATTGCTTATTCAGCCTGGTTTCTTATAAGACCCAGACCAGGAACAGAG	176729
Sbjct	48287	GATTTACTTCTCATTGCTTATTCAGCCTGGTTTCTTATAAGACCCAGACCAGGAACAGAG	48228
Query	176730	CTATTCACAATGGGATGGGGCTTCCCCATCAATCACTGATAAAGCAAATGCCCTTTTGG	176789
Sbjct	48227	CTATTCACAATGGGATGGGGCTTCCCCATCAATCACTGATAAAGCAAATGCCCTTTTGG	48168
Query	176790	CTTGATTATAGTCAGATTTTATGAAGGATTTTCTTAGTTGGGGCTTCTTCTCTCAAATG	176849
Sbjct	48167	CTTGATTATAGTCAGATTTTATGAAGGATTTTCTTAGTTGGGGCTTCTTCTCTCAAATG	48108
Query	176850	TCTTTAATTTGTTTCAAGTTAACACAAAATTATCCAGTATAGATATGAAACCCAAGCAAT	176909
Sbjct	48107	TCTTTAATTTGTTTCAAGTTAACACAAAATTATCCAGTATAGATATGAAACCCAAGCAAT	48048
Query	176910	CAGATAAAAAGGAAAAACAACACTAAAAAGGCAATGATAATTAGAGATGTAAATAAAAGG	176969
Sbjct	48047	CAGATAAAAAGGAAAAACAACACTAAAAAGGCAATGATAATTAGAGATGTAAATAAAAGG	47988
Query	176970	TAATAGATTTTATTCTCTATTAAGGCACCAGAAGTGAAGTTTGTGTTGCTACATTTGCA	177029
Sbjct	47987	TAATAGATTTTATTCTCTATTAAGGCACCAGAAGTGAAGTTTGTGTTGCTACATTTGCA	47928
Query	177030	ATTATTTGTTCTTGTaaaaaaaaaGGCTAAATAGGTCTTCTGAATGTCAGCTTTATCTCA	177089
Sbjct	47927	ATTATTTGTTCTTGTAAAAAAAAAAGGCTAAATAGGTCTTCTGAATGTCAGCTTTATCTCA	47868
Query	177090	GAATTATGTCACAGACTGATTCACTGATCTAAAATGTTGTCCTTGAATGTCTTCACATTC	177149
Sbjct	47867	GAATTATGTCACAGACTGATTCACTGATCTAAAATGTTGTCCTTGAATGTCTTCACATTC	47808
Query	177150	CAAAGTCTACAAAAGTCATTAGTTTTAAGTTTGTAGGGATTTTCTAATAATTTTGCTAAT	177209

Sbjct	47807	CAAAGTCTACAAAAGTCATTAGTTTTAAGTTTGTAGGGATTTTCTAATAATTTTGCTAAT	47748
Query	177210	TCTAATTTTCACTTTATATAGAGGGCTATGGCCAAATACATACTAGAGTTAATAAAATAT	177269
Sbjct	47747	TCTAATTTTCACTTTATATAGAGGGCTATGGCCAAATACATACTAGAGTTAATAAAATAT	47688
Query	177270	ACCAGAACCCAGaaaaaaCCTATTTAAAGGTCAAGGCAGGAAATAGTTCAGAAACAG	177329
Sbjct	47687	ACCAGAACCCAGAAAAAACCTATTTAAAGGTCAAGGCAGGAAATAGTTCAGAAACAG	47628
Query	177330	AATAAAGCAATAGAGAAGATAAAGGAAACCATCTCTTTGGAGAAATCAGTCCAGGTCACC	177389
Sbjct	47627	AATAAAGCAATAGAGAAGATAAAGGAAACCATCTCTTTGGAGAAATCAGTCCAGGTCACC	47568
Query	177390	TTCTGACTTAAAACTGCCAGTCTCTGGCCAACCTAGCAGCCACTATCCAGAACTAGCATT	177449
Sbjct	47567	TTCTGACTTAAAACTGCCAGTCTCTGGCCAACCTAGCAGCCACTATCCAGAACTAGCATT	47508
Query	177450	CCCAATTGGGTCTTCTATTGAAAACATGACTTTGAAAAATACCAGCAGATAAGTCATTAG	177509
Sbjct	47507	CCCAATTGGGTCTTCTATTGAAAACATGACTTTGAAAAATACCAGCAGATAAGTCATTAG	47448
Query	177510	ATATGATCTAGTCAGGATTTTGGATAGCAAAAATCTGTGTTAATCTAGATAAAGAATAAC	177569
Sbjct	47447	ATATGATCTAGTCAGGATTTTGGATAGCAAAAATCTGTGTTAATCTAGATAAAGAATAAC	47388
Query	177570	AGAAGCTAGAGAAACAGTTGCACAATCTAGGATGATAAAGGAAAAAAGACAAGCTAAGAA	177629
Sbjct	47387	AGAAGCTAGAGAAACAGTTGCACAATCTAGGATGATAAAGGAAAAAAGACAAGCTAAGAA	47328
Query	177630	TGTGGAAAGAGAGAAGAAAAAAGTGAAGATTCTCGAGCCATCAGAACTAGGATATTCCTA	177689
Sbjct	47327	TGTGGAAAGAGAGAAGAAAAAAGTGAAGATTCTCGAGCCATCAGAACTAGGATATTCCTA	47268
Query	177690	TCTTATGATGCAGCTAGACAATAGCCTAGTCTGACAAAGAGCCCTAAGGTCTATTTCAGGC	177749
Sbjct	47267	TCTTATGATGCAGCTAGACAATAGCCTAGTCTGACAAAGAGCCCTAAGGTCTATTTCAGGC	47208
Query	177750	TAACAGAAACTGACTTGAAAAATACATGTCTTATACCCTCCTGGGCATATACCCAAATGA	177809
Sbjct	47207	TAACAGAAACTGACTTGAAAAATACATGTCTTATACCCTCCTGGGCATATACCCAAATGA	47148
Query	177810	TGCCCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATATTCATAGCAGCCTTATTTATAAT	177869
Sbjct	47147	TGCCCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATATTCATAGCAGCCTTATTTATAAT	47088
Query	177870	AGCCAGAAGCTGGAAGAACCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTG	177929
Sbjct	47087	AGCCAGAAGCTGGAAGAACCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGATACAGAAAATGTG	47028
Query	177930	GTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAACGAGTTTATGAAATTCAT	177989
Sbjct	47027	GTACATCTACACAATGGAATATTACTCAGCTATCAAAAACAACGAGTTTATGAAATTCAT	46968
Query	177990	AGGCAAATGGATGGAAGTGGAAAATATCATCCTGAGTAAGGTAACCCAATCACAGAAAAT	178049
Sbjct	46967	AGGCAAATGGATGGAAGTGGAAAATATCATCCTGAGTAAGGTAACCCAATCACAGAAAAT	46908
Query	178050	ACATGTCTAGCCTCTTTATCTTTGCTAACTTTAACTTTTAATTATTTGGATAAACTGGGT	178109
Sbjct	46907	ACATGTCTAGCCTCTTTATCTTTGCTAACTTTAACTTTTAATTATTTGGATAAACTGGGT	46848
Query	178110	AAAAACAATAAATATGAATTTTATAACAGTATGCTATAAAAAACAATAAATACAATTCTCA	178169
Sbjct	46847	AAAAACAATAAATATGAATTTTATAACAGTATGCTATAAAAAACAATAAATACAATTCTCA	46788
Query	178170	GTCTCTCTATGATCTCCATTATATACTAACCCTGAGTGAACTGTGCCAAGCTTTGACTA	178229
Sbjct	46787	GTCTCTCTATGATCTCCATTATATACTAACCCTGAGTGAACTGTGCCAAGCTTTGACTA	46728
Query	178230	CTGCCAGGACCTTATTGAACTGTAAACACTGTAAAATTGACTGCCCTTTTGGCAAAG	178289
Sbjct	46727	CTGCCAGGACCTTATTGAACTGTAAACACTGTAAAATTGACTGCCCTTTTGGCAAAG	46668
Query	178290	AAGTATATAATATAAATTGCTCACCCTATCAGAAAGTCTCTTGGATCTTCTGAATCTAGC	178349
Sbjct	46667	AAGTATATAATATAAATTGCTCACCCTATCAGAAAGTCTCTTGGATCTTCTGAATCTAGC	46608
Query	178350	TGGTAAAGGCTATTGTTACCGAGTGTGGTAGGAGAAGA	178409
Sbjct	46607	TGGTAAAGGCTATTGTTACCGAGTGTGGTAGGAGAAGATTTTTTTTTTTTTTTTGGATTT	46548
Query	178410	AGCCTCTCCAACATGGAGATGTTTTTTCAGTTGCCTAGAAGCACAAATGTGCCGTTGCTTT	178469
Sbjct	46547	AGCCTCTCCAACATGGAGATGTTTTTTCAGTTGCCTAGAAGCACAAATGTGCCGTTGCTTT	46488
Query	178470	ACACAGATGAGAAGTCTGAAGCTGGCACGATGGCTCAGCAGGTAAGAGTGCTTGCTGTCC	178529
Sbjct	46487	ACACAGATGAGAAGTCTGAAGCTGGCACGATGGCTCAGCAGGTAAGAGTGCTTGCTGTCC	46428

Query	178530	AGCCTGAGGGCCTGAATTAGGCTCGCAGGACCCCCATGGTAGAAGGAAAGAATTGACTCT	178589
Sbjct	46427	AGCCTGAGGGCCTGAATTAGGCTCGCAGGACCCCCATGGTAGAAGGAAAGAATTGACTCT	46368
Query	178590	CACAAGTTCTAATCTAGTCTCCATGTGTGTGAGGTATGCAGGTGCACATGCTTGTGCACA	178649
Sbjct	46367	CACAAGTTCTAATCTAGTCTCCATGTGTGTGAGGTATGCAGGTGCACATGCTTGTGCACA	46308
Query	178650	GACACATACATACACAATAAATAAATTTTAAAGTAAttttttttATTAAC TTGAGTATTT	178709
Sbjct	46307	GACACATACATACACAATAAATAAATTTTAAAGTAATTTTTTTTATTAAC TTGAGTATTT	46248
Query	178710	ATTATTTACATTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACA tccccctaatc	178769
Sbjct	46247	ATTATTTACATTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCCTAATC	46188
Query	178770	cctccccctcccccttccttatgggtgttccccctccccatcctccccccattgccaccctc	178829
Sbjct	46187	CCTCCCCCTCCCTTTCCTTATGGGTGTTCCTCCCATCCTCCCCCATTCGCCACCCTC	46128
Query	178830	cccccaTAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCA	178889
Sbjct	46127	CCCCCATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCA	46068
Query	178890	CTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCCAGGTCCAGGTCCAGTCCA	178949
Sbjct	46067	CTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCCAGGTCCAGGTCCAGTCCA	46008
Query	178950	TGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGCCATTGTTGTA	179009
Sbjct	46007	TGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGCCATTGTTGTA	45948
Query	179010	CATATGGGGTCTCGAGCATCAAGCTCTTCCAGTCTTTCTCTGATCCCTTCAACGGGGGT	179069
Sbjct	45947	CATATGGGGTCTCGAGCATCAAGCTCTTCCAGTCTTTCTCTGATCCCTTCAACGGGGGT	45888
Query	179070	CCTGTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGC	179129
Sbjct	45887	CCTGTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGC	45828
Query	179130	TGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTCCGTCTGCACTTCTTTGCTTCATC	179189
Sbjct	45827	TGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTCCGTCTGCACTTCTTTGCTTCATC	45768
Query	179190	CATCTTGTCTAATTGGATGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATG	179249
Sbjct	45767	CATCTTGTCTAATTGGATGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATG	45708
Query	179250	GGTGTTCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTT	179309
Sbjct	45707	GGTGTTCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTT	45648
Query	179310	GTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCAT	179369
Sbjct	45647	GTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCAT	45588
Query	179370	TTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTG	179429
Sbjct	45587	TTGTTCTAGGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTG	45528
Query	179430	CATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTAGCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTC	179489
Sbjct	45527	CATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTAGCTCACTCAGGATGATGTTTTCCAGTTC	45468
Query	179490	CAACCATTTCCTACAAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCAT	179549
Sbjct	45467	CAACCATTTCCTACAAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCAT	45408
Query	179550	TGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTGGTAGGAGAAGATTTAATGATGTTTCGTT	179609
Sbjct	45407	TGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTGGTAGGAGAAGATTTAATGATGTTTCGTT	45348
Query	179610	ACAGAGGCTGAAGACAAATGCTGCTTAACCCCTccccccccATCATCAGAATGAATGTAC	179669
Sbjct	45347	ACAGAGGCTGAAGACAAATGCTGCTTAACCCCTCCCCCCCATCATCAGAATGAATGTAC	45288
Query	179670	AGAGAGGAGCCTAGGGTAACTATTCAAGGTAGTAAAGTAGCATGCAAGTAGTTTCTATATC	179729
Sbjct	45287	AGAGAGGAGCCTAGGGTAACTATTCAAGGTAGTAAAGTAGCATGCAAGTAGTTTCTATATC	45228
Query	179730	TTAATTGATACACAAACCATTGGTTTATACTTCCTGTTTTAATTTAGCCTTCTCAGATC	179789
Sbjct	45227	TTAATTGATACACAAACCATTGGTTTATACTTCCTGTTTTAATTTAGCCTTCTCAGATC	45168
Query	179790	TTTGATGATAATGATGGTATTATCAGTTTAAACAGCAGCTGGGTAAATCCATTTCATACAT	179849
Sbjct	45167	TTTGATGATAATGATGGTATTATCAGTTTAAACAGCAGCTGGGTAAATCCATTTCATACAT	45108
Query	179850	AAAAATTACTCCTTGCTTTTATAGAGATATTAGGTCCTCTGGTGAAAAAGAAAAATTCAGAC	179909

Sbjct	45107	AAAAATTACTCCTTGCTTTTATAGAGATATTAGGTCTTCTGGTGAAAAAGAAAATTCAGAC	45048
Query	179910	AGGTTTTCCCTGTTGACAGGCTTCTTATCAAAATAATAAATAGGTTTTAATGCAGCTTCT	179969
Sbjct	45047	AGGTTTTCCCTGTTGACAGGCTTCTTATCAAAATAATAAATAGGTTTTAATGCAGCTTCT	44988
Query	179970	GACTCTGTCTTTATTTAAAGGAACCTTGCTTTATAAAGACTGTTGTCAGTAGACAAACACT	180029
Sbjct	44987	GACTCTGTCTTTATTTAAAGGAACCTTGCTTTATAAAGACTGTTGTCAGTAGACAAACACT	44928
Query	180030	TATATCTCATGATTACAGACATTAATCAAATTATATGAGTGTGCTGGCTAGTTTTAGGTC	180089
Sbjct	44927	TATATCTCATGATTACAGACATTAATCAAATTATATGAGTGTGCTGGCTAGTTTTAGGTC	44868
Query	180090	AACTTAACACAAGCTAGAATTATCTGAAAAATAGAAACTTCAACTGAGAAAATGGTTCTA	180149
Sbjct	44867	AACTTAACACAAGCTAGAATTATCTGAAAAATAGAAACTTCAACTGAGAAAATGGTTCTA	44808
Query	180150	AAACCTGGCTGTAAGGCATATTCTTAACTAATAATTGATGAGTTAAGGACCAAACCATTA	180209
Sbjct	44807	AAACCTGGCTGTAAGGCATATTCTTAACTAATAATTGATGAGTTAAGGACCAAACCATTA	44748
Query	180210	TGAATGGTGTGAGTCTAGTGGTCTGGATTCTATAAAAAGCAAGCTGAGCAAAGGATGG	180269
Sbjct	44747	TGAATGGTGTGAGTCTAGTGGTCTGGATTCTATAAAAAGCAAGCTGAGCAAAGGATGG	44688
Query	180270	AGAACAAGGCAGTAAGTAGCACTCCCTATGGCCTCCATATCAGCTTCAGCCTCCAGGTT	180329
Sbjct	44687	AGAACAAGGCAGTAAGTAGCACTCCCTATGGCCTCCATATCAGCTTCAGCCTCCAGGTT	44628
Query	180330	CCTATTCTGTTTAAAGTTTTTGTCTGACTTCCCTCAATGATGAGCTGTTAACCTGGAAG	180389
Sbjct	44627	CCTATTCTGTTTAAAGTTTTTGTCTGACTTCCCTCAATGATGAGCTGTTAACCTGGAAG	44568
Query	180390	TTGAAAATAAACCTTTCCCCCATGTTTCTTTGGCCATGGTGTTCATAACAGCTACATG	180449
Sbjct	44567	TTGAAAATAAACCTTTCCCCCATGTTTCTTTGGCCATGGTGTTCATAACAGCTACATG	44508
Query	180450	TCTCCCACTAGCGCAAAGTATCTAAAGAAACAATTTAAAAGAACATCTGTCTCCAATCTA	180509
Sbjct	44507	TCTCCCACTAGCGCAAAGTATCTAAAGAAACAATTTAAAAGAACATCTGTCTCCAATCTA	44448
Query	180510	CATAACTAACTCCTTGGACAGAGGAAAGAATATTTATGCTTCTAACCTAAAGTCATTTTT	180569
Sbjct	44447	CATAACTAACTCCTTGGACAGAGGAAAGAATATTTATGCTTCTAACCTAAAGTCATTTTT	44388
Query	180570	GGGGGTCCCCAGACTTTGCAATTGCTCATAGATGTGTCTGTTCTACTTGTCTACAGTACC	180629
Sbjct	44387	GGGGGTCCCCAGACTTTGCAATTGCTCATAGATGTGTCTGTTCTACTTGTCTACAGTACC	44328
Query	180630	TCTTAACTGCATTTCTACAACCTGGATTTAGTACAGATTATGTCCTCTGTAAGTTAGAAC	180689
Sbjct	44327	TCTTAACTGCATTTCTACAACCTGGATTTAGTACAGATTATGTCCTCTGTAAGTTAGAAC	44268
Query	180690	AAATTATGTAACTTCAAGTCATGACTTGAACACCTGTCAGAGTTTAAAAATACTCCT	180749
Sbjct	44267	AAATTATGTAACTTCAAGTCATGACTTGAACACCTGTCAGAGTTTAAAAATACTCCT	44208
Query	180750	GTTATGTCAATTAACAGCTTAAGTTTCCCTGTCTATTGCCTATTCTCTGAAGGGAAAGCTC	180809
Sbjct	44207	GTTATGTCAATTAACAGCTTAAGTTTCCCTGTCTATTGCCTATTCTCTGAAGGGAAAGCTC	44148
Query	180810	CAAATGTAAGACTTTTTAAGTTCCTTAACTTTTTACCTTCTCTCTACTCTGTAACCTAT	180869
Sbjct	44147	CAAATGTAAGACTTTTTAAGTTCCTTAACTTTTTACCTTCTCTCTACTCTGTAACCTAT	44088
Query	180870	TCCAAAGATTTCCACTCAGCTGATTGACATCATTCAGAATCTGCTACAGACACAACTG	180929
Sbjct	44087	TCCAAAGATTTCCACTCAGCTGATTGACATCATTCAGAATCTGCTACAGACACAACTG	44028
Query	180930	CTCCAAAATTGTCACCAACCATTGGACTTGGTCAAACTGATATAAACTAGACTAGCCAAC	180989
Sbjct	44027	CTCCAAAATTGTCACCAACCATTGGACTTGGTCAAACTGATATAAACTAGACTAGCCAAC	43968
Query	180990	TTGTCCCATCAAGCTGTATCAGCAAAATAGATACTCCTAATGGAATTTCTCTATCAGCTTA	181049
Sbjct	43967	TTGTCCCATCAAGCTGTATCAGCAAAATAGATACTCCTAATGGAATTTCTCTATCAGCTTA	43908
Query	181050	AGCTCCTGCTTTTGGCGAGCATTCTAGACTGCTCCAGCGTTTCCAGCACTTCACTAGCCC	181109
Sbjct	43907	AGCTCCTGCTTTTGGCGAGCATTCTAGACTGCTCCAGCGTTTCCAGCACTTCACTAGCCC	43848
Query	181110	CAGATGGTCTGGAGAACCTAGGTAGTGAATCAGTTATGTTTTGCCCTCCCATCTTTTGA	181169
Sbjct	43847	CAGATGGTCTGGAGAACCTAGGTAGTGAATCAGTTATGTTTTGCCCTCCCATCTTTTGA	43788
Query	181170	CAAGCATTTTCAGTCTTCTGGACCCTGAAACAATGATATCCTAATTTTCAGTTGAGAAGCA	181229
Sbjct	43787	CAAGCATTTTCAGTCTTCTGGACCCTGAAACAATGATATCCTAATTTTCAGTTGAGAAGCA	43728



Query	181230	GTTACAGAAGATAATATATCATACCTTATCTTCCACAAGACTGGAATTTTGGGCCAAGTG	181289
Sbjct	43727	GTTACAGAAGATAATATATCATACCTTATCTTCCACAAGACTGGAATTTTGGGCCAAGTG	43668
Query	181290	AATCTAGCTCTTCTATGCCTGAGAAAATTGCTCCATTTTCTTTCTGTCAAAAGAGACAAA	181349
Sbjct	43667	AATCTAGCTCTTCTATGCCTGAGAAAATTGCTCCATTTTCTTTCTGTCAAAAGAGACAAA	43608
Query	181350	TAGCTACCTGTGTGCCTGTTGGCATGTAGGCCTATGTAGACCTCCAGGTATCTTCAGTAT	181409
Sbjct	43607	TAGCTACCTGTGTGCCTGTTGGCATGTAGGCCTATGTAGACCTCCAGGTATCTTCAGTAT	43548
Query	181410	CACAAACACCTGTTAAAAATCAAAGATTGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCT	181469
Sbjct	43547	CACAAACACCTGTTAAAAATCAAAGATTGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCT	43488
Query	181470	TGCCTAGCAAGCGCAAGGCTCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCcaaaacaaacaaacaaacaaa	181529
Sbjct	43487	TGCCTAGCAAGCGCAAGGCTCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCCAAACAAACAAACAAACAAA	43428
Query	181530	caaacaaaagaaaagaaaaatcaaagatttacaaatgctgcaaaaagGGACTIONACTGAGAT	181589
Sbjct	43427	CAAACAAAAGAAAAGAAAAATCAAAGATTTACAAATGCTGCAAAAAGGGACTACTGAGAT	43368
Query	181590	TGGAGGCCATGTGCCAAACACTGACATCCTTAAAATTAAATTTCCCAGATGGAACACATT	181649
Sbjct	43367	TGGAGGCCATGTGCCAAACACTGACATCCTTAAAATTAAATTTCCCAGATGGAACACATT	43308
Query	181650	CTCCTTGAACCAATACAATGGACTACTAAATATTAGGTCTGTCTGAAACATTAACATATA	181709
Sbjct	43307	CTCCTTGAACCAATACAATGGACTACTAAATATTAGGTCTGTCTGAAACATTAACATATA	43248
Query	181710	TCTTAACAAGAAATCAATAATTTAATTCAGATGACCAAAACACAGTAGGGAATGTAATGGT	181769
Sbjct	43247	TCTTAACAAGAAATCAATAATTTAATTCAGATGACCAAAACACAGTAGGGAATGTAATGGT	43188
Query	181770	TAGAAACTAGATCATTTTAAAGTGAATTTCAAAGTACGTTACTGTGTAAAAGAGAAAAACC	181829
Sbjct	43187	TAGAAACTAGATCATTTTAAAGTGAATTTCAAAGTACGTTACTGTGTAAAAGAGAAAAACC	43128
Query	181830	TAGGAATCAGCAGGAACCTATTCTTAGCTAAGGATTGTTAATCATAGTATGTCTAGACCA	181889
Sbjct	43127	TAGGAATCAGCAGGAACCTATTCTTAGCTAAGGATTGTTAATCATAGTATGTCTAGACCA	43068
Query	181890	TGATTCTAAAGTCAGACCCATCATCAGTTGAGTCTTGAGAGCAATCTAGAACACTCATCT	181949
Sbjct	43067	TGATTCTAAAGTCAGACCCATCATCAGTTGAGTCTTGAGAGCAATCTAGAACACTCATCT	43008
Query	181950	TGAGTCCCTTCTTATGTAGTTGTTATTCAAATATTAACCATATGCTCATTTCCTCCTG	182009
Sbjct	43007	TGAGTCCCTTCTTATGTAGTTGTTATTCAAATATTAACCATATGCTCATTTCCTCCTG	42948
Query	182010	TTATCTCACTTAACCACTGaatatatataaattttaatatgattattttcattatttttatt	182069
Sbjct	42947	TTATCTCACTTAACCACTGAATATATATAATTTTAATATGATTATTTTCATTATTTTATT	42888
Query	182070	atattttaaatgtaactatataatacacatatattagtttatatagaatatattttaataaat	182129
Sbjct	42887	ATATTTTAATGTAACATATATAATACACATATTAGTTTATATAGAATATATTTTAATAAAT	42828
Query	182130	aatatatatttattttaCACAGTCATTGAACAAGCAAGCAGTGGTTAAGTAAGATGGCAGAA	182189
Sbjct	42827	AATATATTTATTACACAGTCATTGAACAAGCAAGCAGTGGTTAAGTAAGATGGCAGAA	42768
Query	182190	atgtatgtgtatatatatatgtatatatactatatataaaaaataaattatgtatgtaatatat	182249
Sbjct	42767	ATGTATGTGTATATATATGTATATACCTATATATTAAAAATAAATTATGTATGTAATATAT	42708
Query	182250	gCCTTTTAGAAGCAGAAGAAAACCTCAGAACCCATTGGTATGGTGGTGCTTAAGAATAGGGC	182309
Sbjct	42707	GCCTTTTAGAAGCAGAAGAAAACCTCAGAACCCATTGGTATGGTGGTGCTTAAGAATAGGGC	42648
Query	182310	AATACCTTCCTGTTCTGCCCCTCCATTTGTAGTTGCAGCACAAAGACAGGGAGCGAGGGAT	182369
Sbjct	42647	AATACCTTCCTGTTCTGCCCCTCCATTTGTAGTTGCAGCACAAAGACAGGGAGCGAGGGAT	42588
Query	182370	CTAGGCAGTACAGTTGCGAAAGGAAATAGTGCAGCGGCggggggggggggggggggcgggg	182429
Sbjct	42587	CTAGGCAGTACAGTTGCGAAAGGAAATAGTGCAGCGGCggggggggggggggggggcgggg	42528
Query	182430	ggcaggaaggggggcggtggcggtggcaggggttaggtgggtggggcggtggAGAGAGAACGTA	182489
Sbjct	42527	GGCAGGAAGGGGGCGTGGCGTGGCAGGGGTTAGGTGGGTGGGGCGTGGAGAGAGAACGTA	42468
Query	182490	AAGACCGTGAGCCAAACGGCCGTTTTTCATTTTTCGGCGTTCCTTGGCCGCCATTCTCTCA	182549
Sbjct	42467	AAGACCGTGAGCCAAACGGCCGTTTTTCATTTTTCGGCGTTCCTTGGCCGCCATTCTCTCA	42408
Query	182550	GCTTCTGGGCAGCGGTTACTCAATTTCCGATGTTCTGGTTCGATGGTGAGTTTAAAGTG	182609

Sbjct	42407	GCTTTCTGGGCAGCGGTTACTCAATTTCCGATGTTCTGGTTCGGATGGTGAGTTTAAGTG	42348
Query	182610	TTAACGGTTGGTTGTCTGTCCACACTGTGAGAGTGGGACTGCTTTTTGTTAGCTACTAAC	182669
Sbjct	42347	TTAACGGTTGGTTGTCTGTCCACACTGTGAGAGTGGGACTGCTTTTTGTTAGCTACTAAC	42288
Query	182670	GTCCCTCTTCCTTCCTTCCTCAGCTAGAGCCGGGTCCAGTACTTTGGGATAGGTTGGTC	182729
Sbjct	42287	GTCCCTCTTCCTTCCTTCCTCAGCTAGAGCCGGGTCCAGTACTTTGGGATAGGTTGGTC	42228
Query	182730	TGCATCACTTGTCAATTCGCCACTCCTCTACACTGGTCTGGTGAGTTCTGGATGGGGT	182789
Sbjct	42227	TGCATCACTTGTCAATTCGCCACTCCTCTACACTGGTCTGGTGAGTTCTGGATGGGGT	42168
Query	182790	CACAGCCTTGAGTCTCGTGTGAACTCACTCTGTGCGGTTTCTGGCCTGCTTTACTAGTAT	182849
Sbjct	42167	CACAGCCTTGAGTCTCGTGTGAACTCACTCTGTGCGGTTTCTGGCCTGCTTTACTAGTAT	42108
Query	182850	AGTACATAAGTTGGCAATCTCTGCTAGGCCTCTTAATTGTGTAGGCTGGAGAAGGCCGCA	182909
Sbjct	42107	AGTACATAAGTTGGCAATCTCTGCTAGGCCTCTTAATTGTGTAGGCTGGAGAAGGCCGCA	42048
Query	182910	GTTAGGCCGCGAACAGCTCCACAGCCACAACCGCTGTGCTTACGGACAGGGGTTGGGCAA	182969
Sbjct	42047	GTTAGGCCGCGAACAGCTCCACAGCCACAACCGCTGTGCTTACGGACAGGGGTTGGGCAA	41988
Query	182970	GAGAAGTCCGGTAGAGGCAGAGAGGTCCTTCTTCCTCAGTTATGGTGCGGGAGTGAGGCC	183029
Sbjct	41987	GAGAAGTCCGGTAGAGGCAGAGAGGTCCTTCTTCCTCAGTTATGGTGCGGGAGTGAGGCC	41928
Query	183030	TGGTGAAGGCTGCCAGTAAAGGCTACAGCCCCGCATGCCCACTAAAGGAGAGGGTGTGAA	183089
Sbjct	41927	TGGTGAAGGCTGCCAGTAAAGGCTACAGCCCCGCATGCCCACTAAAGGAGAGGGTGTGAA	41868
Query	183090	ATCCGTGGTCGTGAGGCAAGATGGCGGCTGTTTGGCGCCTGTTACCAGAGATGATTGAGA	183149
Sbjct	41867	ATCCGTGGTCGTGAGGCAAGATGGCGGCTGTTTGGCGCCTGTTACCAGAGATGATTGAGA	41808
Query	183150	GTTGAAGGGAAAGGGAGCCACCACCGTTTTTAATGTTGGATTAGGAGGGAAAGTCCCTCT	183209
Sbjct	41807	GTTGAAGGGAAAGGGAGCCACCACCGTTTTTAATGTTGGATTAGGAGGGAAAGTCCCTCT	41748
Query	183210	GTAGGCCGTGAGTAGATGAAGTAGAGCTTACTGTAACAAGTGATACTGTACAGCGGTGTA	183269
Sbjct	41747	GTAGGCCGTGAGTAGATGAAGTAGAGCTTACTGTAACAAGTGATACTGTACAGCGGTGTA	41688
Query	183270	CATCAGGTACACCGAATTGATTTGTTAACTGTGCCAGTTTACAGCAGTACCTATCTTAC	183329
Sbjct	41687	CATCAGGTACACCGAATTGATTTGTTAACTGTGCCAGTTTACAGCAGTACCTATCTTAC	41628
Query	183330	TGGTTCACTCTGTTTACCTGGAGTATGTGGCTACTAACATTAAGCACAACCTTTATAGA	183389
Sbjct	41627	TGGTTCACTCTGTTTACCTGGAGTATGTGGCTACTAACATTAAGCACAACCTTTATAGA	41568
Query	183390	AAGAAAGTTGCTGGTTCAGTTCTGTAAACAGAAAGTGCAACCTCAAATAGGAAGCTCGAG	183449
Sbjct	41567	AAGAAAGTTGCTGGTTCAGTTCTGTAAACAGAAAGTGCAACCTCAAATAGGAAGCTCGAG	41508
Query	183450	ATGGGGGAGAGTAAAACTCAGTTTTTCCAATTTATTGAAAACATTTTCAATAGGTCTGTTT	183509
Sbjct	41507	ATGGGGGAGAGTAAAACTCAGTTTTTCCAATTTATTGAAAACATTTTCAATAGGTCTGTTT	41448
Query	183510	AAAGTCTTACTGTTTTGACGAAGTCTTTGGGAAAAAGATGTATTTTAAGAATTTAAAGTA	183569
Sbjct	41447	AAAGTCTTACTGTTTTGACGAAGTCTTTGGGAAAAAGATGTATTTTAAGAATTTAAAGTA	41388
Query	183570	ATGCATATATATGTGGTTTAATGTTAGATTGTTTATTTTCAATTTGAAAAGTCTTAACTTTA	183629
Sbjct	41387	ATGCATATATATGTGGTTTAATGTTAGATTGTTTATTTTCAATTTGAAAAGTCTTAACTTTA	41328
Query	183630	CTCAAAGCACTTTTTTCTTTTACATACTTACGTATTTTGCTGGAAAATCGGAATCCTGTG	183689
Sbjct	41327	CTCAAAGCACTTTTTTCTTTTACATACTTACGTATTTTGCTGGAAAATCGGAATCCTGTG	41268
Query	183690	TTTGTTCACTATGAAAAAAGATTGAGCATGTATCTGTCTTCTGAAAGTTCTGTGCTGAAA	183749
Sbjct	41267	TTTGTTCACTATGAAAAAAGATTGAGCATGTATCTGTCTTCTGAAAGTTCTGTGCTGAAA	41208
Query	183750	TTTCACCGGAAAAGAAATCTTCCATCAAGGAAATGGTTCTGAAATAGGAAGGCCTTTTCA	183809
Sbjct	41207	TTTCACCGGAAAAGAAATCTTCCATCAAGGAAATGGTTCTGAAATAGGAAGGCCTTTTCA	41148
Query	183810	TAAGGTTACTAAAGGATGGGAAAGGTTTTGCTAAGTAGACAGAGGAGTAGAGGAAATAAT	183869
Sbjct	41147	TAAGGTTACTAAAGGATGGGAAAGGTTTTGCTAAGTAGACAGAGGAGTAGAGGAAATAAT	41088
Query	183870	TTAACAGACAGAAATCTCTTCTGAGAACAAATCTAGTTTGTCTAGAGTTGATTTATAGGT	183929
Sbjct	41087	TTAACAGACAGAAATCTCTTCTGAGAACAAATCTAGTTTGTCTAGAGTTGATTTATAGGT	41028

Query	183930	AGAAGTACTGTATACATTTAGACCAAAAGACCTATAGTTATGAAAGATGTCACAAGATTT	183989
Sbjct	41027	AGAAGTACTGTATACATTTAGACCAAAAGACCTATAGTTATGAAAGATGTCACAAGATTT	40968
Query	183990	GTTTGATATTACATAGTCCTGGCTAAAACAGTTCTGGATCTATTGCAGGTGTGATAAA	184049
Sbjct	40967	GTTTGATATTACATAGTCCTGGCTAAAACAGTTCTGGATCTATTGCAGGTGTGATAAA	40908
Query	184050	GTTGAGTGATAATGGGAGCTAGATAGTGATAATGCTATTACTGGAAAatttttttttttGC	184109
Sbjct	40907	GTTGAGTGATAATGGGAGCTAGATAGTGATAATGCTATTACTGGAAAATTTTTTTTTTGC	40848
Query	184110	TAAGAATATTGCTTTTTAAGTGGTAATCTCTTCTAGAGGATAACTGTGTTCTTTAAAGTA	184169
Sbjct	40847	TAAGAATATTGCTTTTTAAGTGGTAATCTCTTCTAGAGGATAACTGTGTTCTTTAAAGTA	40788
Query	184170	GCATAAGTAATTATCATTGAATTAGTAAATTTATCATTGTCAAAACTACAGGGATAATTT	184229
Sbjct	40787	GCATAAGTAATTATCATTGAATTAGTAAATTTATCATTGTCAAAACTACAGGGATAATTT	40728
Query	184230	GAAAAGTTTCTTTAATTGTTCAGAAATAAGTTAATAAAAAACAATAAGTTTCACTGTACCT	184289
Sbjct	40727	GAAAAGTTTCTTTAATTGTTCAGAAATAAGTTAATAAAAAACAATAAGTTTCACTGTACCT	40668
Query	184290	TAAAGTCTTCTAATCATATAATCTTTTATTACTTCTCACTTAACTTTTAGAGCTCATG	184349
Sbjct	40667	TAAAGTCTTCTAATCATATAATCTTTTATTACTTCTCACTTAACTTTTAGAGCTCATG	40608
Query	184350	CTTTAATTTAAGGATGACCTAGGTGTCACAAAGTTTCAAAAATAATGTGAATGAGTGCTT	184409
Sbjct	40607	CTTTAATTTAAGGATGACCTAGGTGTCACAAAGTTTCAAAAATAATGTGAATGAGTGCTT	40548
Query	184410	ATTTACAGTTTTGTGATTTTAAAAAAGTTTTTTGTTTTCTTAGGTTGCAAAGTTAAAGT	184469
Sbjct	40547	ATTTACAGTTTTGTGATTTTAAAAAAGTTTTTTGTTTTCTTAGGTTGCAAAGTTAAAGT	40488
Query	184470	AGTGATACTTCATGAGCTATTCAAGTAAACAAAAATCTTAAGTCATTTAGACCATGGTT	184529
Sbjct	40487	AGTGATACTTCATGAGCTATTCAAGTAAACAAAAATCTTAAGTCATTTAGACCATGGTT	40428
Query	184530	TAGAAGAGGGCATTGCAAAAGGCAGACTAGAAGCAAGTTAAAAATGTGTTATTTGTTGGC	184589
Sbjct	40427	TAGAAGAGGGCATTGCAAAAGGCAGACTAGAAGCAAGTTAAAAATGTGTTATTTGTTGGC	40368
Query	184590	ACTTGTTAATTTATTCTGTTTGTTGACTGTAGAAGTAGTTTCTTGATATCTTGGCAGCTG	184649
Sbjct	40367	ACTTGTTAATTTATTCTGTTTGTTGACTGTAGAAGTAGTTTCTTGATATCTTGGCAGCTG	40308
Query	184650	AAGAAATTTAACTGAAAAATTACATGTTGCACAGTACAGAAGCAAAAGGTGTTCCAGTA	184709
Sbjct	40307	AAGAAATTTAACTGAAAAATTACATGTTGCACAGTACAGAAGCAAAAGGTGTTCCAGTA	40248
Query	184710	CAGCCATTGTGAATATGCAAGATTAAGATAAAATTAGAAGCATACTTTTTATGTCAGGTA	184769
Sbjct	40247	CAGCCATTGTGAATATGCAAGATTAAGATAAAATTAGAAGCATACTTTTTATGTCAGGTA	40188
Query	184770	AGAATATGCTTTAAAGATTTCTACAAAAATGCTTACATGTTTATTTTAACTGTTTTTGT	184829
Sbjct	40187	AGAATATGCTTTAAAGATTTCTACAAAAATGCTTACATGTTTATTTTAACTGTTTTTGT	40128
Query	184830	TCAAGTTATAAattttttACCAGGTTCAGAGAGCTTATTAATTGGGAGAAATTAATAGAT	184889
Sbjct	40127	TCAAGTTATAAATTTTTTACCAGGTTCAGAGAGCTTATTAATTGGGAGAAATTAATAGAT	40068
Query	184890	TAGTTCATTAGACATTGATCTTACTAATTTGACAAATCATGGTGATTtgtatgtatgtgt	184949
Sbjct	40067	TAGTTCATTAGACATTGATCTTACTAATTTGACAAATCATGGTGATTtgtatgtatgtgt	40008
Query	184950	atatgcagggtgcatatgtgtatggaaacatgtaaatgggtctgtatgtatgGAGAGGTAGA	185009
Sbjct	40007	ATATGCAGGTGCATATGTGTATGGAACATGTAAATGGTCTGTATGTATGGAGAGGTAGA	39948
Query	185010	ATATAACTCAGATGTTGTTTCATAGGTGCTTATCTATCTTGCTTTTTGAGACAGACTCTC	185069
Sbjct	39947	ATATAACTCAGATGTTGTTTCATAGGTGCTTATCTATCTTGCTTTTTGAGACAGACTCTC	39888
Query	185070	AAAATCTCTCCAAGTAGGCCAGACTAGCTAATTTAAGCCCCACCTTTCCAGATCTGGGAT	185129
Sbjct	39887	AAAATCTCTCCAAGTAGGCCAGACTAGCTAATTTAAGCCCCACCTTTCCAGATCTGGGAT	39828
Query	185130	CACAAGTGTGTGCCACATAACCTGTTATTTTTTATGGTAGATCTAGGACTCAAACCTCAGG	185189
Sbjct	39827	CACAAGTGTGTGCCACATAACCTGTTATTTTTTATGGTAGATCTAGGACTCAAACCTCAGG	39768
Query	185190	CAAACACTTACAGATTTATGGATTGAGATCCCTCAAGGTGCTGTTTTTCACTGTTTATTT	185249
Sbjct	39767	CAAACACTTACAGATTTATGGATTGAGATCCCTCAAGGTGCTGTTTTTCACTGTTTATTT	39708
Query	185250	AATTAAAATCCTTATTTTGAAAAGCAGAATTTGGGGTTAGTTTCAAAAATGAGGGGAAAA	185309

Sbjct	39707	AATTAATAACCTTATTGTTTGAAAAGCAGAATTGGGGTTAGTTTCAAAAATGAGGGGAAAAA	39648
Query	185310	AGGGGAAATTTCCATACAATCTAGTAATTAGTTGTTAGTATAGTTCAATAGATTAAACA	185369
Sbjct	39647	AGGGGAAATTTCCATACAATCTAGTAATTAGTTGTTAGTATAGTTCAATAGATTAAACA	39588
Query	185370	GCATCTAAATTA tttctctacttat ttccttttctctttttttttttCGGAGCTGGGAC	185429
Sbjct	39587	GCATCTAAATTATTTTCTTACTTATTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGCTGGGAC	39528
Query	185430	CAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCAGTGAAGCTAAATCCCCAACCC	185489
Sbjct	39527	CAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCAGTGAAGCTAAATCCCCAACCC	39468
Query	185490	CTTCTTACTTATTTTTGATCCAGCTTAAAAATGTCCTTCAGCCACAAGGCCCTGGGTTCGG	185549
Sbjct	39467	CTTCTTACTTATTTTTGATCCAGCTTAAAAATGTCCTTCAGCCACAAGGCCCTGGGTTCGG	39408
Query	185550	TCCCCAGCTCCG gaaaaaaaaa TGTCCTTCAGCATTATGTAGTTGAATTGCATATAGGGCA	185609
Sbjct	39407	TCCCCAGCTCCGAAAAAAAAAATGTCTTCAGCATTATGTAGTTGAATTGCATATAGGGCA	39348
Query	185610	GAAAAAGGAGATAACCCTAAGCCCCCTGTTTTTCATTAGAAGGCTACATATATTGTATATG	185669
Sbjct	39347	GAAAAAGGAGATAACCCTAAGCCCCCTGTTTTTCATTAGAAGGCTACATATATTGTATATG	39288
Query	185670	ATTAGCAAATATTTTAAGATTGACTAATTAATTTTACTTGAGAGCCATTCAAGTTGTATT	185729
Sbjct	39287	ATTAGCAAATATTTTAAGATTGACTAATTAATTTTACTTGAGAGCCATTCAAGTTGTATT	39228
Query	185730	TAATTCTTTCCTGGTCTCCAAGGTTAAATAAGTAAATAAGAAACTAACAATTATTGACC	185789
Sbjct	39227	TAATTCTTTCCTGGTCTCCAAGGTTAAATAAGTAAATAAGAAACTAACAATTATTGACC	39168
Query	185790	TTCTTAGTTGTTTATATTTG t tttggatt ttt ttt ttt CAATATAGTGTGTTGCTGGCTCCA	185849
Sbjct	39167	TTCTTAGTTGTTTATATTTGTTTTTGATTTTTTTTTTCAATATAGTGTGTTGCTGGCTCCA	39108
Query	185850	ACACATGTAAATCATCCTGGTCTCAAAGTTGAGGCTTTTCCTGCATGTGATATGCTAAAG	185909
Sbjct	39107	ACACATGTAAATCATCCTGGTCTCAAAGTTGAGGCTTTTCCTGCATGTGATATGCTAAAG	39048
Query	185910	TATTTTTAATAAGCATTTTGCTTTTCTCTACAACCTTTAACTGCCAGGACTTATATGAA	185969
Sbjct	39047	TATTTTTAATAAGCATTTTGCTTTTCTCTACAACCTTTAACTGCCAGGACTTATATGAA	38988
Query	185970	CATTTACACAGTATAAAATAAATCAATAGAAAATACTGTGTAGGATTTAAACGAGAGTA	186029
Sbjct	38987	CATTTACACAGTATAAAATAAATCAATAGAAAATACTGTGTAGGATTTAAACGAGAGTA	38928
Query	186030	AAAAGTATTATATAGTTGAAATGTAAAAGAAGATCGATTTTTGTTCTTTGTGAATTTACT	186089
Sbjct	38927	AAAAGTATTATATAGTTGAAATGTAAAAGAAGATCGATTTTTGTTCTTTGTGAATTTACT	38868
Query	186090	ATTTACTATTTACTATTTAATATCTTTAACTGAAAATTGAGTTGATACTATCTTAGGTGA	186149
Sbjct	38867	ATTTACTATTTACTATTTAATATCTTTAACTGAAAATTGAGTTGATACTATCTTAGGTGA	38808
Query	186150	AAATTAAGAGAATATGCATATTTTAATACAGATTGTCCCACATAAAAAATAAAGCACACC	186209
Sbjct	38807	AAATTAAGAGAATATGCATATTTTAATACAGATTGTCCCACATAAAAAATAAAGCACACC	38748
Query	186210	TG t tttttct ttttt AAGATAATTATATACATTCTACTTCCTCTTTCTCTTCAAACCT	186269
Sbjct	38747	TGTTTTTTCTTTTTAAGATAATTATATACATTCTACTTCCTCTTTCTCTTCAAACCT	38688
Query	186270	TTCACATTTACCCCATGTTATCCTTCAAATTAAGTTTTCATTTTTATTACTTGTGCATGT	186329
Sbjct	38687	TTCACATTTACCCCATGTTATCCTTCAAATTAAGTTTTCATTTTTATTACTTGTGCATGT	38628
Query	186330	CTTTGGTCTCTGTGTGTGTGTCTGTATGAATATAAAACCAGAAAAGTTTGTTTAATGTTA	186389
Sbjct	38627	CTTTGGTCTCTGTGTGTGTGTCTGTATGAATATAAAACCAGAAAAGTTTGTTTAATGTTA	38568
Query	186390	CTTGTATATAGGTATTCAGGGCTGACTATTTGTCACTGGACTACTAATTTCTCTTTGCTG	186449
Sbjct	38567	CTTGTATATAGGTATTCAGGGCTGACTATTTGTCACTGGACTACTAATTTCTCTTTGCTG	38508
Query	186450	GAGAAGACCTAACCTAATCTTAGCTTTTGTCTATTGCCTGTAGTTATTTGGGTTTGGTTT	186509
Sbjct	38507	GAGAAGACCTAACCTAATCTTAGCTTTTGTCTATTGCCTGTAGTTATTTGGGTTTGGTTT	38448
Query	186510	TGACCTCCTGGCCTTATACCCAGACACTTTGGTATGTCCATTGGTGGCATCCTAGTTTAG	186569
Sbjct	38447	TGACCTCCTGGCCTTATACCCAGACACTTTGGTATGTCCATTGGTGGCATCCTAGTTTAG	38388
Query	186570	CTCATAATTGGGCAGTCATGTTGGTGATACATTATGGGTGTAGCTCTGATATTACTAGAA	186629
Sbjct	38387	CTCATAATTGGGCAGTCATGTTGGTGATACATTATGGGTGTAGCTCTGATATTACTAGAA	38328

Query	186630	GGCATAGTTTCTGAGCAAACCTCTGATCCTCTAGCCCTTAGGCTCTTTTCCACAATATTTCT	186689
Sbjct	38327	GGCATAGTTTCTGAGCAAACCTCTGATCCTCTAGCCCTTAGGCTCTTTTCCACAATATTTCT	38268
Query	186690	CAAAACAGGTGTGGAAGTGTTTTGAAGATGTATCATGACTGCATTTTGATTGGTTCTGGT	186749
Sbjct	38267	CAAAACAGGTGTGGAAGTGTTTTGAAGATGTATCATGACTGCATTTTGATTGGTTCTGGT	38208
Query	186750	TTTCTGTAGTAATATCCTTCTGTTGTAAAATGAATTCCTTTTGATGACAGGTAAAGGCTA	186809
Sbjct	38207	TTTCTGTAGTAATATCCTTCTGTTGTAAAATGAATTCCTTTTGATGACAGGTAAAGGCTA	38148
Query	186810	Aattttatctatgttatttttttattagatatattttattttacatttcaaagtgtattttccttt	186869
Sbjct	38147	AATTTATCTATGTTATTTTTTATTAGATATTTTATTTACATTTCAAATGTTATTTCTCTTT	38088
Query	186870	CTCAGAATCCTGTGCATAAGCCCCCTTCCCCTCCCCTTCTTTTATAACAGTGTTCCCATT	186929
Sbjct	38087	CTCAGAATCCTGTGCATAAGCCCCCTTCCCCTCCCCTTCTTTTATAACAGTGTTCCCATT	38028
Query	186930	CCCATCCACCACCTTCAAACCTCCCCCTACATTTCTTTTCACTTGGGGGTTC AACCTTGG	186989
Sbjct	38027	CCCATCCACCACCTTCAAACCTCCCCCTACATTTCTTTTCACTTGGGGGTTC AACCTTGG	37968
Query	186990	CAGGACTAAGGGCTGCTTCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGGTATTCTCTGTACATATGC	187049
Sbjct	37967	CAGGACTAAGGGCTGCTTCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGGTATTCTCTGTACATATGC	37908
Query	187050	AGTTTGAGCCATGGGTCAATCCATGGATAGTCTTTGGGTAGTGATTTAGTCCCTGGAAGC	187109
Sbjct	37907	AGTTTGAGCCATGGGTCAATCCATGGATAGTCTTTGGGTAGTGATTTAGTCCCTGGAAGC	37848
Query	187110	TCTGCTTGGTTGGCATAGTTGTTCTTATGGGTTGCAAGCTCCTTTACCTCTTTCAGTCCT	187169
Sbjct	37847	TCTGCTTGGTTGGCATAGTTGTTCTTATGGGTTGCAAGCTCCTTTACCTCTTTCAGTCCT	37788
Query	187170	TCCACTAATTTCCCTGCAGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGTTTGCTGCTAGCATTGA	187229
Sbjct	37787	TCCACTAATTTCCCTGCAGGGGGTCCTATTCTCAGTTCAGTGTTTGCTGCTAGCATTGA	37728
Query	187230	CCTCTGTATTTGGCATGCTCTGGATGTGTCTCTCAGGGGAGATCTATATCTGGTTCTTGT	187289
Sbjct	37727	CCTCTGTATTTGGCATGCTCTGGATGTGTCTCTCAGGGGAGATCTATATCTGGTTCTTGT	37668
Query	187290	CAGCATGAACTTCGTAGCTTCATCCATCTTATCTAATTTTAGTAGCTGTATATATATGGG	187349
Sbjct	37667	CAGCATGAACTTCGTAGCTTCATCCATCTTATCTAATTTTAGTAGCTGTATATATATGGG	37608
Query	187350	CGCCATGTGGAACAGGCTCTGAATGGCCATTCTTAAGTCACTGCTCTAAATTTTGCTTC	187409
Sbjct	37607	CGCCATGTGGAACAGGCTCTGAATGGCCATTCTTAAGTCACTGCTCTAAATTTTGCTTC	37548
Query	187410	AATATCCCCCTCTTATGGATGTTTTTGTTCCTCTTTTAAGAACTGAAGACTCTGCACTTT	187469
Sbjct	37547	AATATCCCCCTCTTATGGATGTTTTTGTTCCTCTTTTAAGAACTGAAGACTCTGCACTTT	37488
Query	187470	GATCATCCTGCTTCTTGAGTTTCATGTGGTTTGTGGATTGTATCTTGGGTAATTCGAGCA	187529
Sbjct	37487	GATCATCCTGCTTCTTGAGTTTCATGTGGTTTGTGGATTGTATCTTGGGTAATTCGAGCA	37428
Query	187530	TTTGGGCTAATATCCACTTATCAGTGAGTACATAACCAACTGTGTTTTTCTGAGTTTGGGT	187589
Sbjct	37427	TTTGGGCTAATATCCACTTATCAGTGAGTACATAACCAACTGTGTTTTTCTGAGTTTGGGT	37368
Query	187590	TACCTCGCTCAGGATGATATTTTCCAATTCAGTCCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTC	187649
Sbjct	37367	TACCTCGCTCAGGATGATATTTTCCAATTCAGTCCATTTGCCTATGAATTTCATAAAGTC	37308
Query	187650	ATTGTTTTTGTAGCTGAGTAATATTCCACTGTGTATCCATTCTCTGTTGAGGGGCATC	187709
Sbjct	37307	ATTGTTTTTGTAGCTGAGTAATATTCCACTGTGTATCCATTCTCTGTTGAGGGGCATC	37248
Query	187710	TGGGTTCTTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATG	187769
Sbjct	37247	TGGGTTCTTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATG	37188
Query	187770	TGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGGT	187829
Sbjct	37187	TGTCTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGGT	37128
Query	187830	CCTCAGGTAGTGCAATGTCAAGTTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTT	187889
Sbjct	37127	CCTCAGGTAGTGCAATGTCAAGTTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTT	37068
Query	187890	GTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCACC	187949
Sbjct	37067	GTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCACC	37008
Query	187950	AGCATCTGCTGTCACTGAGTTTTTGTATCTTGCCCGTTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATC	188009

Sbjct	37007	AGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTTGATCTTGGCCGTTCCTACTGGTGTGAGGTGAAATC	36948
Query	188010	TCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTCTTTAGGT	188069
Sbjct	36947	TCAGGGTTGTTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTCTTTAGGT	36888
Query	188070	GTTTCTCAGCCATTTGATATTCTCTCAGCAGTACATTTTTCTTAAGAACTGAGCCATTCTT	188129
Sbjct	36887	GTTTCTCAGCCATTTGATATTCTCTCAGCAGTACATTTTTCTTAAGAACTGAGCCATTCTT	36828
Query	188130	TTCCTGCACCAAATATTAACATTCTAGTCCAGAACTTTTTATTGAAAGCATTGGATAGC	188189
Sbjct	36827	TTCCTGCACCAAATATTAACATTCTAGTCCAGAACTTTTTATTGAAAGCATTGGATAGC	36768
Query	188190	ATAAAACATA ttttttctCAAAAATGAATAAAATCAATATTTGTTTTAAAGGGTTATT	188249
Sbjct	36767	ATAAAACATATTTTTTCTCAAAAATGAATAAAATCAATATTTGTTTTAAAGGGTTATT	36708
Query	188250	ATTTTATTTTGTGTGCACATATGTCTTATTATGGGCATTTTCACATGTGTGAGGGTGCTC	188309
Sbjct	36707	ATTTTATTTTGTGTGCACATATGTCTTATTATGGGCATTTTCACATGTGTGAGGGTGCTC	36648
Query	188310	AAGGAACCTATGAGTGGATGCTAGATGTTCTGAAGCAGATATCTGTAACAGATAACCATG	188369
Sbjct	36647	AAGGAACCTATGAGTGGATGCTAGATGTTCTGAAGCAGATATCTGTAACAGATAACCATG	36588
Query	188370	AACCACCATTCTGACATAGTTTCTGGGCACCAAACCTGGAATCCTTTGAAAGTACAGTAC	188429
Sbjct	36587	AACCACCATTCTGACATAGTTTCTGGGCACCAAACCTGGAATCCTTTGAAAGTACAGTAC	36528
Query	188430	ATGCTCTTAAGCACCAAGCTGTCACTCCATCTCCAAACATACAGTTTTAAAAATCAAAAT	188489
Sbjct	36527	ATGCTCTTAAGCACCAAGCTGTCACTCCATCTCCAAACATACAGTTTTAAAAATCAAAAT	36468
Query	188490	ATATTGTTTACATGATTGTAGTATCTGGAAAACTTAGATTCTGGAGGTTAAAAAGtatt	188549
Sbjct	36467	ATATTGTTTACATGATTGTAGTATCTGGAAAACTTAGATTCTGGAGGTTAAAAAGTATT	36408
Query	188550	tttattttattttatttttttttattattat CTTGAGTATTTCTTATATACATTTCAAGTGT	188609
Sbjct	36407	TTTATTTATTTATTTTTTTTTTATTATTATCTTGAGTATTTCTTATATACATTTCAAGTGT	36348
Query	188610	TATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGACAGACATCAccctccccctcccccttccttggtgggtg	188669
Sbjct	36347	TATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGACAGACATCACCTCCCCCTCCCCTTCCTTGTGGGTG	36288
Query	188670	ttccccctcccaaacctccccccattgccaccctccccGCATAGTCTAGTTCACTGGGGGT	188729
Sbjct	36287	TTCCCCCTCCCAAACCTCCCCCATTGCCACCCTCCCCGCATAGTCTAGTTCACTGGGGGT	36228
Query	188730	TCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGCTATTCAAT	188789
Sbjct	36227	TCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGCTATTCAAT	36168
Query	188790	GCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAG	188849
Sbjct	36167	GCTACCTATGAGGTTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAG	36108
Query	188850	TCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGGGCACCTTCAAG	188909
Sbjct	36107	TCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGACATTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGGGCACCTTCAAG	36048
Query	188910	CTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCTTCAACGGGGGACCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTG	188969
Sbjct	36047	CTCTTCCAGTTCTTTCTCTGATTCTTCAACGGGGGACCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTG	35988
Query	188970	CTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTAC	189029
Sbjct	35987	CTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTAC	35928
Query	189030	ATCCGGCTCCTGTGCGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTG	189089
Sbjct	35927	ATCCGGCTCCTGTGCGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTG	35868
Query	189090	TATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTTCCTTCAGTCTCTGTTTT	189149
Sbjct	35867	TATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTTCCTTCAGTCTCTGTTTT	35808
Query	189150	AATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCTCATTTAAAGAAGGAGTG	189209
Sbjct	35807	AATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTCTCATTTAAAGAAGGAGTG	35748
Query	189210	AAGCATTACATTTTGTATCATCCGTTAAAAAGTATTTTTAGAAAGGCTTTTACCATTTTC	189269
Sbjct	35747	AAGCATTACATTTTGTATCATCCGTTAAAAAGTATTTTTAGAAAGGCTTTTACCATTTTC	35688
Query	189270	AACATATGTAACCAAGGAAAGTTCTATTAAAAACTAAGGCATGGTTAGTTGCTATGGAAA	189329
Sbjct	35687	AACATATGTAACCAAGGAAAGTTCTATTAAAAACTAAGGCATGGTTAGTTGCTATGGAAA	35628

Query	189330	CTCAGAAGAAAGAAAATTTTTACTAGCAGTTTTTTATTGTTTGCATAGAGAAGGAAAAAAC	189389
Sbjct	35627	CTCAGAAGAAAGAAAATTTTTACTAGCAGTTTTTTATTGTTTGCATAGAGAAGGAAAAAAC	35568
Query	189390	ATATTGGGGGATGGGAATTGATCCCATATGATAATATAGACTTTTTATTAGaaaaaaaaa	189449
Sbjct	35567	ATATTGGGGGATGGGAATTGATCCCATATGATAATATAGACTTTTTATTAGAAAAAAAAAA	35508
Query	189450	aaGAACCAAGTATAGAATTGTGAATTTAGAGAGACACTGtattttcaatttttctaaaagat	189509
Sbjct	35507	AAGAACCAAGTATAGAATTGTGAATTTAGAGAGACACTGTATTTCAATTTTCTAAAAGAT	35448
Query	189510	ttttattatttttaattatctttttattgaaaaggatttttaCAGAAGTGCATATGTCAGCA	189569
Sbjct	35447	TTTTATTATTTTAATTATCTTTTATTGAAAAGGATTTTACAGAAGTGCATATGTCAGCA	35388
Query	189570	GAATCCAGAGGTAGAATCAGATTCCTTAGAGCTGAAATTAATAGGCAGTTTTTCATACTAG	189629
Sbjct	35387	GAATCCAGAGGTAGAATCAGATTCCTTAGAGCTGAAATTAATAGGCAGTTTTTCATACTAG	35328
Query	189630	GAACTGAAGTCAGGTCCTTTGCAAAAGCAATATGTATTCTTATTACTGAGCCTTTTTCAA	189689
Sbjct	35327	GAACTGAAGTCAGGTCCTTTGCAAAAGCAATATGTATTCTTATTACTGAGCCTTTTTCAA	35268
Query	189690	TTTCACCTTATTTATTTTGACATTTATTTGTATTAGTATGTTCCACACAAACCCATGTGTTG	189749
Sbjct	35267	TTTCACCTTATTTATTTTGACATTTATTTGTATTAGTATGTTCCACACAAACCCATGTGTTG	35208
Query	189750	CATATGAGTATGTATATACCATTGTAAATACACATGTAAAAGTCAAAGATTAACATACAG	189809
Sbjct	35207	CATATGAGTATGTATATACCATTGTAAATACACATGTAAAAGTCAAAGATTAACATACAG	35148
Query	189810	GAGTCAATTCTTTTATCATGTAGTTCCTGGGATCAAAGTTCATACTTGGAATCATAATAA	189869
Sbjct	35147	GAGTCAATTCTTTTATCATGTAGTTCCTGGGATCAAAGTTCATACTTGGAATCATAATAA	35088
Query	189870	GTACCTTAGAAATCTTGGTGATCCCtttttatttcttttttggcacctgcaatttttctt	189929
Sbjct	35087	GTACCTTAGAAATCTTGGTGATCCCtttttatttcttttttggcacctgcaatttttctt	35028
Query	189930	ttttctttttCTCTGAAGAGTAAAAGTAAACAAAGAACAGTTATTTGAACTATGGTGAAT	189989
Sbjct	35027	TTTTCTTTTTCTCTGAAGAGTAAAAGTAAACAAAGAACAGTTATTTGAACTATGGTGAAT	34968
Query	189990	GACTTGAGGATACATCTCAGAATACAAGATACAGTCTGAGGCTGAATTAAGTTAAACatt	190049
Sbjct	34967	GACTTGAGGATACATCTCAGAATACAAGATACAGTCTGAGGCTGAATTAAGTTAAACATT	34908
Query	190050	ttaaatggaaatttttttattattttcatttaaatattttcattattttaaattttgtttt	190109
Sbjct	34907	TTAAATGGAAATTTTTTTATTATTTTCATTAAATATTTTCATTATTTAAATTTTGTTTT	34848
Query	190110	agaaaattcactcggttttaCATGTATTTTACATTATATTGTATATGGAATTTATAAGATA	190169
Sbjct	34847	AGAAAATTCACTCGTTTTACATGTATTTTACATTATATTGTATATGGAATTTATAAGATA	34788
Query	190170	CAGGGTGAAATAAGTATAATGGAGAATATTATTAGATTCCCCTAAAATAAGAAGTATAA	190229
Sbjct	34787	CAGGGTGAAATAAGTATAATGGAGAATATTATTAGATTCCCCTAAAATAAGAAGTATAA	34728
Query	190230	AGTATAATAGATAAGACCTTATGAGAAAGTACAAGGTATAGTCATGAGGCATTAGAAAGG	190289
Sbjct	34727	AGTATAATAGATAAGACCTTATGAGAAAGTACAAGGTATAGTCATGAGGCATTAGAAAGG	34668
Query	190290	TGAAGATAGCCCAGTCTCTTAGGTTTTAGAAGGCAGGATGAATGAGAAAAAGTATGTGAA	190349
Sbjct	34667	TGAAGATAGCCCAGTCTCTTAGGTTTTAGAAGGCAGGATGAATGAGAAAAAGTATGTGAA	34608
Query	190350	TAAATCTGAATTGTATTGTTGAAATATTAAGAATCTGGCTCTAAAGCTGGATGCTTGTA	190409
Sbjct	34607	TAAATCTGAATTGTATTGTTGAAATATTAAGAATCTGGCTCTAAAGCTGGATGCTTGTA	34548
Query	190410	GTGTATGCCTTTAATCCCAGCACTCATGAGACAGAGGCAGATGTAGCTCTTGAGTTCAAG	190469
Sbjct	34547	GTGTATGCCTTTAATCCCAGCACTCATGAGACAGAGGCAGATGTAGCTCTTGAGTTCAAG	34488
Query	190470	CCCAGCCTATTCTTCCAGGACAGTCAGGGCTCCACAGAGAAATCCTGTCTTAAAAGGGAA	190529
Sbjct	34487	CCCAGCCTATTCTTCCAGGACAGTCAGGGCTCCACAGAGAAATCCTGTCTTAAAAGGGAA	34428
Query	190530	AAAAGTTGAAAAGGCTCTAAGTAAGTTAGGGCCAAAAACAAGCAAGATAACAAACAGCAT	190589
Sbjct	34427	AAAAGTTGAAAAGGCTCTAAGTAAGTTAGGGCCAAAAACAAGCAAGATAACAAACAGCAT	34368
Query	190590	TTGATATTTTAAAAATTAGTCCTATTTTTAAACCAAGGTCTTATGAGAGGACTGGTAGTT	190649
Sbjct	34367	TTGATATTTTAAAAATTAGTCCTATTTTTAAACCAAGGTCTTATGAGAGGACTGGTAGTT	34308
Query	190650	CAGACAAAAAATTATCTGGCTTTTAGTTTGAAACAGGAATTTGAACTGCGATGCAATTTA	190709

Sbjct	34307	CAGACAAAAAATTATCTGGCTTTTAGTTTGAAACAGGAATTTGAACTGCGATGCAATTTA	34248
Query	190710	TTTGGTAAAGTACCTACTTAGCATCCATAAGGCCCTGGGAATAATGACTTATGCCCCGAAA	190769
Sbjct	34247	TTTGGTAAAGTACCTACTTAGCATCCATAAGGCCCTGGGAATAATGACTTATGCCCCGAAA	34188
Query	190770	ATTTCCTGCACCACAGAGTTCATTATCAGAGGATAAGAAGATCAAGGTAATTGGTCACCAC	190829
Sbjct	34187	ATTTCCTGCACCACAGAGTTCATTATCAGAGGATAAGAAGATCAAGGTAATTGGTCACCAC	34128
Query	190830	AAAATAAGATAGCCTTAGATTTATAAAACACTGTCTCAGAAAACCAAACAACAACGCA	190889
Sbjct	34127	AAAATAAGATAGCCTTAGATTTATAAAACACTGTCTCAGAAAACCAAACAACAACGCA	34068
Query	190890	CCTGAATCTAATGTACTATAAAAAGTTTTTATAAGATGTATGACTCATTTTATAAATGCC	190949
Sbjct	34067	CCTGAATCTAATGTACTATAAAAAGTTTTTATAAGATGTATGACTCATTTTATAAATGCC	34008
Query	190950	CTTGACAACCTATCCTGGTGATGTGAGTTGTACTAATATGTTTGAAAAGTGAGAATCACTTT	191009
Sbjct	34007	CTTGACAACCTATCCTGGTGATGTGAGTTGTACTAATATGTTTGAAAAGTGAGAATCACTTT	33948
Query	191010	TTACAAGTTGTCTCTGACCTGAACACTAATACTTTGGTACTTATGCCTATATAAGACAT	191069
Sbjct	33947	TTACAAGTTGTCTCTGACCTGAACACTAATACTTTGGTACTTATGCCTATATAAGACAT	33888
Query	191070	ACAAAAGTAAAAATTTTAAGGTAAATATTGGGTAAATGTAAGAAGGTTAATAATGTATTT	191129
Sbjct	33887	ACAAAAGTAAAAATTTTAAGGTAAATATTGGGTAAATGTAAGAAGGTTAATAATGTATTT	33828
Query	191130	GTAGAAAAAGTAGACATCTTCAATGTTATATTAAACAGAAATATAAAAAATTGTATTTAA	191189
Sbjct	33827	GTAGAAAAAGTAGACATCTTCAATGTTATATTAAACAGAAATATAAAAAATTGTATTTAA	33768
Query	191190	TTTTGTCTATGTAAACTGGCTATTTCTCACGATAGTCTAAACCAAATTTAGAAAATTACT	191249
Sbjct	33767	TTTTGTCTATGTAAACTGGCTATTTCTCACGATAGTCTAAACCAAATTTAGAAAATTACT	33708
Query	191250	TCAAGCATTAAAGTGACACTTATGTAATAGGTACAAAAGACTTTATTGTCTTTTTTGT	191309
Sbjct	33707	TCAAGCATTAAAGTGACACTTATGTAATAGGTACAAAAGACTTTATTGTCTTTTTTGT	33648
Query	191310	TTCAGACATGAATTATACTTATTATATCTGGTATCAGTTCATTATGGTCCATATAGTTA	191369
Sbjct	33647	TTCAGACATGAATTATACTTATTATATCTGGTATCAGTTCATTATGGTCCATATAGTTA	33588
Query	191370	AAGCAAAAGCAGAGACTCTTACAAATATACTTTTTTCGGTAATTAGAAGGTCAATTAGGAT	191429
Sbjct	33587	AAGCAAAAGCAGAGACTCTTACAAATATACTTTTTTCGGTAATTAGAAGGTCAATTAGGAT	33528
Query	191430	GGACCGTTTTGTGTACATATCTTAATTAGGAATTTTCGTTTTACCATTTTATAATGTGAAAT	191489
Sbjct	33527	GGACCGTTTTGTGTACATATCTTAATTAGGAATTTTCGTTTTACCATTTTATAATGTGAAAT	33468
Query	191490	TTATAATTGAATTTATAATTTAGCAAGACTAAAACTATTGTAAATTTATAGATGTAATA	191549
Sbjct	33467	TTATAATTGAATTTATAATTTAGCAAGACTAAAACTATTGTAAATTTATAGATGTAATA	33408
Query	191550	AAATTTTGCCAAAATTTACTAGGAATATACAAAATAGGTATAAGATTGAGTTGCCATTGG	191609
Sbjct	33407	AAATTTTGCCAAAATTTACTAGGAATATACAAAATAGGTATAAGATTGAGTTGCCATTGG	33348
Query	191610	TAGACAAGAGGAACTTTCTCTAAGAGATGTTTCTGTATATTATTTTGaaaaaatgtaat	191669
Sbjct	33347	TAGACAAGAGGAACTTTCTCTAAGAGATGTTTCTGTATATTATTTTGAAAAAATGTAAT	33288
Query	191670	atttgtttctatgtaaaatttgaatttttcttaagattaaaaataaaaaaaaaaCTTAGGAC	191729
Sbjct	33287	ATTTGTTTCTATGTAAATTTGAATTTTCTTAAGATTAAATAAAAAAAACCTTAGGAC	33228
Query	191730	TTACTTCCTGGAATGTTTAAAAATAGCAAAATCATAAAGAGTACTTTGATTTAGTTTCACT	191789
Sbjct	33227	TTACTTCCTGGAATGTTTAAAAATAGCAAAATCATAAAGAGTACTTTGATTTAGTTTCACT	33168
Query	191790	TCTAATTATAGTGTTTTCTTATGTATTCCTTTTTTATTGCAGTTGATGGGTATTGAAAAT	191849
Sbjct	33167	TCTAATTATAGTGTTTTCTTATGTATTCCTTTTTTATTGCAGTTGATGGGTATTGAAAAT	33108
Query	191850	GAGTGCTTCAGATATGTAAACATGATGACATTTTAAATATGTAATATAGAAGAAATCAATA	191909
Sbjct	33107	GAGTGCTTCAGATATGTAAACATGATGACATTTTAAATATGTAATATAGAAGAAATCAATA	33048
Query	191910	TTTGATATTTATTCCCTGGTTTAGGAGCTGACTTAGTCAGAACTGAAAGCCATGGATGAA	191969
Sbjct	33047	TTTGATATTTATTCCCTGGTTTAGGAGCTGACTTAGTCAGAACTGAAAGCCATGGATGAA	32988
Query	191970	GAAGAAATTGAATTGACTCCACAGGAAGAAAACCTATTGTTTGATGGAATAGGTATAATA	192029
Sbjct	32987	GAAGAAATTGAATTGACTCCACAGGAAGAAAACCTATTGTTTGATGGAATAGGTATAATA	32928



Query	192030	TTTCTTGAGTATTCTGATTCTTAAATTAGATTTAGAATTATTTCAACAAAATTTGTTGTC	192089
Sbjct	32927	TTTCTTGAGTATTCTGATTCTTAAATTAGATTTAGAATTATTTCAACAAAATTTGTTGTC	32868
Query	192090	AGATTTTATTTTATATCATTTTCGTACAAAATTCCCTTAGTATTGGCCGAACCTTTATTGGT	192149
Sbjct	32867	AGATTTTATTTTATATCATTTTCGTACAAAATTCCCTTAGTATTGGCCGAACCTTTATTGGT	32808
Query	192150	AACTCTGTCAGTTATACTATCAGTATTCAAGTCTTACTGCTAGTTTCAGttatTTTTtat	192209
Sbjct	32807	AACTCTGTCAGTTATACTATCAGTATTCAAGTCTTACTGCTAGTTTCAGTTATTTTTTAT	32748
Query	192210	ttatTTtatTTtatTTTTtaCAAATTATGTGTTCATATGCATGAATATGCCATGGCACCTGTG	192269
Sbjct	32747	TTATTTATTTATTTTTTACAAATTATGTGTTCATATGCATGAATATGCCATGGCACCTGTG	32688
Query	192270	GTGAGTAAAGAAGCAGGATTGCTTGCTTTACTAGATGTGTCTCAGGAATCCCAGATAATA	192329
Sbjct	32687	GTGAGTAAAGAAGCAGGATTGCTTGCTTTACTAGATGTGTCTCAGGAATCCCAGATAATA	32628
Query	192330	AAGCTTGGTAGCAGATGCTTTTCTCTGCTAAATCATCCAACGGTTTCAGTTTCACTTATT	192389
Sbjct	32627	AAGCTTGGTAGCAGATGCTTTTCTCTGCTAAATCATCCAACGGTTTCAGTTTCACTTATT	32568
Query	192390	CTGATATGTACAAGTTATGCAACTAAATACTACTAGTTCTGATTGGGGTATTTTACAGA	192449
Sbjct	32567	CTGATATGTACAAGTTATGCAACTAAATACTACTAGTTCTGATTGGGGTATTTTACAGA	32508
Query	192450	CATAAGCCCCCTATCCCATCTCCCTTCCATTCTTTTATAAGGGTGTTCCAATTCTAACCC	192509
Sbjct	32507	CATAAGCCCCCTATCCCATCTCCCTTCCATTCTTTTATAAGGGTGTTCCAATTCTAACCC	32448
Query	192510	CTCCCCCAGTCCCAACATTTTCTTATACTACGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCAAGGACT	192569
Sbjct	32447	CTCCCCCAGTCCCAACATTTTCTTATACTACGAGGTCCAACCTTGGCAGGACCAAGGACT	32388
Query	192570	TCTCCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGCTATTCACTGCTACATATGCAGCTGGAGCCCTGG	192629
Sbjct	32387	TCTCCTTCCATTGGTGCCCAACAAGGCTATTCACTGCTACATATGCAGCTGGAGCCCTGG	32328
Query	192630	GTCTGTTTCATATGTAGTCTTTGAGTAGTGGTTAAGTCCCTGGAAGCTGTGGTTGATTTGC	192689
Sbjct	32327	GTCTGTTTCATATGTAGTCTTTGAGTAGTGGTTAAGTCCCTGGAAGCTGTGGTTGATTTGC	32268
Query	192690	ATTGTAGTTTTTATGGGGTTGCAGGTCCCTTCCGCTGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAATT	192749
Sbjct	32267	ATTGTAGTTTTTATGGGGTTGCAGGTCCCTTCCGCTGCTCCTTCAATCCTTTCTCTAATT	32208
Query	192750	CCTCCAACTCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTCAGCTAGCATTCTCCTCTCTATTTGAAATG	192809
Sbjct	32207	CCTCCAACTCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTCAGCTAGCATTCTCCTCTCTATTTGAAATG	32148
Query	192810	ATCTGGCTGTGTCTTCTTGGCTTTCTCAATCCTATCTAGTTTTTGGTGACTgtatatatat	192869
Sbjct	32147	ATCTGGCTGTGTCTTCTTGGCTTTCTCAATCCTATCTAGTTTTTGGTGACTGTATATATAT	32088
Query	192870	atatatatatatatatatatatatatatatatatgggctgtatatatgtatatatgaata	192929
Sbjct	32087	ATATATATATATATATATATATATATATATATATATATGGGCTGTATATATGTATATATGAATA	32028
Query	192930	tatgTGGGGCAAGCTCTGAATGACAGGTACTTCAGTCTCTGCTCCAAACTCTccccccga	192989
Sbjct	32027	TATGTGGGGCAAGCTCTGAATGACAGGTACTTCAGTCTCTGCTCCAAACTCTCCCCCGA	31968
Query	192990	ccccgcccccAGAGCTGTGGACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTAC	193049
Sbjct	31967	CCCCGCCCCAGAGCTGTGGACCAAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCAAGCGCTCTAC	31908
Query	193050	CACTGAGCTAAATCCTCAACCCCCAAACTTTGCTCCATATCCACTCCTATGAATATTTTT	193109
Sbjct	31907	CACTGAGCTAAATCCTCAACCCCCAAACTTTGCTCCATATCCACTCCTATGAATATTTTT	31848
Query	193110	GTTCCCCCTTTTAGAAAGGAGTGACACTTTGATTTCACTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGT	193169
Sbjct	31847	GTTCCCCCTTTTAGAAAGGAGTGACACTTTGATTTCACTTCTTCTTGAGCTTCATGTGGT	31788
Query	193170	CTGTGGATTGTATGTTGGGTAATTCAAACCTTTTGGGCTAATATTTACTTATCAGTGAATG	193229
Sbjct	31787	CTGTGGATTGTATGTTGGGTAATTCAAACCTTTTGGGCTAATATTTACTTATCAGTGAATG	31728
Query	193230	GGTACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTTGGGATACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAATT	193289
Sbjct	31727	GGTACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTTGGGATACCTCACTCAGGATGATATTTTCCAATT	31668
Query	193290	CCGACCATTTCGCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCA	193349
Sbjct	31667	CCGACCATTTCGCTATGAATTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCA	31608
Query	193350	TTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTT	193409

Sbjct	31607	TTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTTCCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTT	31548
Query	193410	TCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGT	193469
Sbjct	31547	TCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTTTGT	31488
Query	193470	TATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTA	193529
Sbjct	31487	TATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCCTCAGGTA	31428
Query	193530	GTGCAATATCCACTTTTCTGAGGAGCCTACAGAATGATTACCAGAGAAGTTGTATAAGTT	193589
Sbjct	31427	GTGCAATATCCACTTTTCTGAGGAGCCTACAGAATGATTACCAGAGAAGTTGTATAAGTT	31368
Query	193590	TGCAATAAATCAAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCATGTTTTGCCAGCATCTGTC	193649
Sbjct	31367	TGCAATAAATCAAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCATGTTTTGCCAGCATCTGTC	31308
Query	193650	GTTACCTGAGATTTTGATCTTAGCCGTTCTGACTGGTATGAGGTGGGATCTCAGGGTTGT	193709
Sbjct	31307	GTTACCTGAGATTTTGATCTTAGCCGTTCTGACTGGTATGAGGTGGGATCTCAGGGTTGT	31248
Query	193710	TTTGATTGCAATTTCTCTGGTGACCAAGGATGTTTAATATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGC	193769
Sbjct	31247	TTTGATTGCAATTTCTCTGGTGACCAAGGATGTTTAATATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGC	31188
Query	193770	CATTCTATATTCCTCATCTGTGAATTTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTAATAGGG	193829
Sbjct	31187	CATTCTATATTCCTCATCTGTGAATTTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTAATAGGG	31128
Query	193830	TTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGTATATTTTGATATTAGCCCT	193889
Sbjct	31127	TTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCTTTGTATATTTTGATATTAGCCCT	31068
Query	193890	CTATCCAATGTAGGACTGGTAAAGATCTTTTCTTAATCTATTGGTTGCCATTTTGTCTTA	193949
Sbjct	31067	CTATCCAATGTAGGACTGGTAAAGATCTTTTCTTAATCTATTGGTTGCCATTTTGTCTTA	31008
Query	193950	TTGATAGTGTCTTTGCCCTTACAGAAGCCTTGCAAGTTTATGAGGTCCCATTGTCAATT	194009
Sbjct	31007	TTGATAGTGTCTTTGCCCTTACAGAAGCCTTGCAAGTTTATGAGGTCCCATTGTCAATT	30948
Query	194010	TCTTGATCTTGATCTTAGTGTTGGTtttttttCCCAGGAAATTTTCTCAGTGTCCATGTGTT	194069
Sbjct	30947	TCTTGATCTTGATCTTAGTGTTGGTTTTTTTTCCCAGGAAATTTTCTCAGTGTCCATGTGTT	30888
Query	194070	CAAGGCTCTTCCCCACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGT	194129
Sbjct	30887	CAAGGCTCTTCCCCACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGT	30828
Query	194130	CCTTGATCTGCTTGGAATTGAGCTTTGAACTGGGAGATAAGAATGGATGGATTTGCTTTC	194189
Sbjct	30827	CCTTGATCTGCTTGGAATTGAGCTTTGAACTGGGAGATAAGAATGGATGGATTTGCTTTC	30768
Query	194190	TTCTACAGGCTGACCTCCAGTTGAACCCGCACCATTAGTTAAATGCTGTCTTTTTTCCAT	194249
Sbjct	30767	TTCTACAGGCTGACCTCCAGTTGAACCCGCACCATTAGTTAAATGCTGTCTTTTTTCCAT	30708
Query	194250	TGGATGGCTTCAGCAACTTTGTCAAAGATCAAGTGACCTTAAGTGTGTGGGTTTCATCTCT	194309
Sbjct	30707	TGGATGGCTTCAGCAACTTTGTCAAAGATCAAGTGACCTTAAGTGTGTGGGTTTCATCTCT	30648
Query	194310	GGGTCTTTAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATACAGTT	194369
Sbjct	30647	GGGTCTTTAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATACAGTT	30588
Query	194370	TTTGTCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTAAGATCAGGGATAGTGATTCCACAGAAGTT	194429
Sbjct	30587	TTTGTCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTAAGATCAGGGATAGTGATTCCACAGAAGTT	30528
Query	194430	CTGTTATTGTTGAGGATAAATTTCCCTATCCCAGGTTTATTGTTACTCCCAATGAATTTG	194489
Sbjct	30527	CTGTTATTGTTGAGGATAAATTTCCCTATCCCAGGTTTATTGTTACTCCCAATGAATTTG	30468
Query	194490	CAAATTGCTCTTTCTTACTCTATGAAGAATTGGATTAGTATTTTGATGGGGATTGCATCG	194549
Sbjct	30467	CAAATTGCTCTTTCTTACTCTATGAAGAATTGGATTAGTATTTTGATGGGGATTGCATCG	30408
Query	194550	AATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAATGACCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCAT	194609
Sbjct	30407	AATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAATGACCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCAT	30348
Query	194610	GAGCATGGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCCTCAATTTCCCTTCTTCAGAGACTTG	194669
Sbjct	30347	GAGCATGGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCCTCAATTTCCCTTCTTCAGAGACTTG	30288
Query	194670	AAGTTCTTGTGACAGAGATCTTTTACTTGCTTCATTACAGTGACACCAAGGTATTTTATG	194729
Sbjct	30287	AAGTTCTTGTGACAGAGATCTTTTACTTGCTTCATTACAGTGACACCAAGGTATTTTATG	30228

Query	194730	TTACTTGAGACTATTGTGAAGGGTGT	194789
Sbjct	30227	TTACTTGAGACTATTGTGAAGGGTGT	30168
Query	194790	TTTGAGTAGAGGAAGGCTAATGATTTGTTT	194849
Sbjct	30167	TTTGAGTAGAGGAAGGCTAATGATTTGTTT	30108
Query	194850	AAGTTGTTTATCAGACTTAGTAGTTC	194909
Sbjct	30107	AAGTTGTTTATCAGACTTAGTAGTTC	30048
Query	194910	TCATATTTGCAAAATTTTGATCTCTTCCATT	194969
Sbjct	30047	TCATATTTGCAAAATTTTGATCTCTTCCATT	29988
Query	194970	TTGTCCAGTTGCTCTGGCTAGGACTCTGAGT	195029
Sbjct	29987	TTGTCCAGTTGCTCTGGCTAGGACTCTGAGT	29928
Query	195030	GGCAGGATCGTTTAGTCCCTGATTTTAATGGG	195089
Sbjct	29927	GGCAGGATCGTTTAGTCCCTGATTTTAATGGG	29868
Query	195090	TGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATAGTGCT	195149
Sbjct	29867	TGATGTTAGCTACTGGTTTGCTGTATAGTGCT	29808
Query	195150	TTCTGTTCCTTTTCAGGACTTTTATCACAAAAGG	195209
Sbjct	29807	TTCTGTTCCTTTTCAGGACTTTTATCACAAAAGG	29748
Query	195210	CAGCATCTATTGAAATCATGTGGt	195269
Sbjct	29747	CAGCATCTATTGAAATCATGTGGTTTTTTTCTTT	29688
Query	195270	TTGATGGATTTCCATAAACTGAACCATCCCTGCAT	195329
Sbjct	29687	TTGATGGATTTCCATAAACTGAACCATCCCTGCAT	29628
Query	195330	TGATGGATGATGGTTTTGATGTGTCCTTGGA	195389
Sbjct	29627	TGATGGATGATGGTTTTGATGTGTCCTTGGA	29568
Query	195390	TTCCCTAAGAGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTT	195449
Sbjct	29567	TTCCCTAAGAGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTT	29508
Query	195450	ATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCGG	195509
Sbjct	29507	ATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCGG	29448
Query	195510	TGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCTT	195569
Sbjct	29447	TGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGTCTT	29388
Query	195570	CTAAACCCTGGGCTATTTTGGTTGGGATACTTTT	195629
Sbjct	29387	CTAAACCCTGGGCTATTTTGGTTGGGATACTTTT	29328
Query	195630	TTATAGGATTGTTTAGATGGTTTATCTGTTCTG	195689
Sbjct	29327	TTATAGGATTGTTTAGATGGTTTATCTGTTCTG	29268
Query	195690	TTAGCAAATTATCCATTTCTCCAGGTTTTGCAG	195749
Sbjct	29267	TTAGCAAATTATCCATTTCTCCAGGTTTTGCAG	29208
Query	195750	GTAAGATTTGATGATTGTTTGAATTTCTCAGTT	195809
Sbjct	29207	GTAAGATTTGATGATTGTTTGAATTTCTCAGTT	29148
Query	195810	TCTGATTTTGTAATTTGGATACACTCTTTGTGCC	195869
Sbjct	29147	TCTGATTTTGTAATTTGGATACACTCTTTGTGCC	29088
Query	195870	TCTATCTTGTTGATTATCTCACAGAACCAACTTT	195929
Sbjct	29087	TCTATCTTGTTGATTATCTCACAGAACCAACTTT	29028
Query	195930	CTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTTCAGCTCTG	195989
Sbjct	29027	CTTTTTGTTTCTACTTGGTTGATTTTCAGCTCTG	28968
Query	195990	TCCTGGGTGTATTTGCTt	196049
Sbjct	28967	TCCTGGGTGTATTTGCTTTTTTTTTTGTCTAGAG	28908
Query	196050	TATGCTTCTTTTTTGAGGCACTCAGAGCTATGAG	196109

Sbjct	28907	TATGCTTCTTTTTGGAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTG	28848
Query	196110	TTTCGCATAAGTTTGGGTTTGTGTACCTCATTTTAATTAAATCTAAGAAGTCTTTAAT	196169
Sbjct	28847	TTTCGCATAAGTTTGGGTTTGTGTACCTCATTTTAATTAAATCTAAGAAGTCTTTAAT	28788
Query	196170	TTCTTTATTTCTTCCCAGTCAAGTTATCATTGGATAGTTTTCATTGAAGAGCATTCTTCA	196229
Sbjct	28787	TTCTTTATTTCTTCCCAGTCAAGTTATCATTGGATAGTTTTCATTGAAGAGCATTCTTCA	28728
Query	196230	GCTTCCATGTGTATGTGGGCGTTTTGTCATTTTCTTATTATTGAAGTCCAGCCTTTTACA	196289
Sbjct	28727	GCTTCCATGTGTATGTGGGCGTTTTGTCATTTTCTTATTATTGAAGTCCAGCCTTTTACA	28668
Query	196290	TAGTGATTTTCATAGGATGCATGGGATTATTTCAATTTATTGTATCTGTTAAGGCCTGTTT	196349
Sbjct	28667	TAGTGATTTTCATAGGATGCATGGGATTATTTCAATTTATTGTATCTGTTAAGGCCTGTTT	28608
Query	196350	TGTGACTGACTATATGGTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGCAGAGAAGAAGGTAT	196409
Sbjct	28607	TGTGACTGACTATATGGTCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGTGCAGAGAAGAAGGTAT	28548
Query	196410	ATCCTTTTGTTTTAGGATGAAATGTCCTATAAAATAAATATCTGTAAATCTATTTGGTTC	196469
Sbjct	28547	ATCCTTTTGTTTTAGGATGAAATGTCCTATAAAATAAATATCTGTAAATCTATTTGGTTC	28488
Query	196470	ATAAACTTGTTGTTTCTCTATGTCTTTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGA	196529
Sbjct	28487	ATAAACTTGTTGTTTCTCTATGTCTTTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGA	28428
Query	196530	TGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTT	196589
Sbjct	28427	TGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTGAGCTT	28368
Query	196590	TAGTAAGGTTTCTTTTATGAATGTAGGTGCTTTTGCATCTGGAGCATAGATATTTAGGAT	196649
Sbjct	28367	TAGTAAGGTTTCTTTTATGAATGTAGGTGCTTTTGCATCTGGAGCATAGATATTTAGGAT	28308
Query	196650	TCAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTACATTT	196709
Sbjct	28307	TCAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTACATTT	28248
Query	196710	TTTGATAAAATTTGGTTGAAAGTTGATTTTATTTCGATATTAGAATAGTGACTCCAGCTTG	196769
Sbjct	28247	TTTGATAAAATTTGGTTGAAAGTTGATTTTATTTCGATATTAGAATAGTGACTCCAGCTTG	28188
Query	196770	TTTCTTCAGACCATTGCTTGGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTTACTCTGAGCTACTGTCT	196829
Sbjct	28187	TTTCTTCAGACCATTGCTTGGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTTACTCTGAGCTACTGTCT	28128
Query	196830	GTCTTTGTCTCTGAGATGTATTTCTGAGATGTATGCAACAGAATGCTGGGTTCTGTTTC	196889
Sbjct	28127	GTCTTTGTCTCTGAGATGTATTTCTGAGATGTATGCAACAGAATGCTGGGTTCTGTTTC	28068
Query	196890	CATATCCAGTCTttttattttttgtctttttATTGGGGAGTTGAGTCCATTGATGTTGAGA	196949
Sbjct	28067	CATATCCAGTCTTTTATTTTGTCTTTTATTGGGGAGTTGAGTCCATTGATGTTGAGA	28008
Query	196950	GATACTAAGGAATAGTGATTGTTGTTTCCTGTTATTTTTGTATTTAGAGGTGGAATTATG	197009
Sbjct	28007	GATACTAAGGAATAGTGATTGTTGTTTCCTGTTATTTTTGTATTTAGAGGTGGAATTATG	27948
Query	197010	TTTGTGTGTCTCTCTTCTTTTGGTTTTTATTTCAAGGATATTACTTTCTTGCTTTGTCAAG	197069
Sbjct	27947	TTTGTGTGTCTCTCTTCTTTTGGTTTTTATTTCAAGGATATTACTTTCTTGCTTTGTCAAG	27888
Query	197070	GGTATAGTTTTCTCCTTGTTAGAGTTTCCATCTTTTATCTTTATATTGCTGTATT	197129
Sbjct	27887	GGTATAGTTTTCTCCTTGTTAGAGTTTCCATCTTTTATCTTTATATTGCTGTATT	27828
Query	197130	TGTAGAAAGATATTGTTTAAATTTGGTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTAT	197189
Sbjct	27827	TGTAGAAAGATATTGTTTAAATTTGGTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTAT	27768
Query	197190	GTTAATTGAGAGTTTGTCTATATATAGTAGCCTGGGTTGGCATTTGTGTTTTCTTTGACT	197249
Sbjct	27767	GTTAATTGAGAGTTTGTCTATATATAGTAGCCTGGGTTGGCATTTGTGTTTTCTTTGACT	27708
Query	197250	TCTCCCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAGAAATCTTATAGGTTTGCC	197309
Sbjct	27707	TCTCCCCAGGATCTTCTGGCTTTTCATAGTCTCTGGTGAGAGAAATCTTATAGGTTTGCC	27648
Query	197310	TTTACATGTTTACATGACCTTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCtttttttGTTTTGTGC	197369
Sbjct	27647	TTTACATGTTTACATGACCTTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTTTTGTTTTGTGC	27588
Query	197370	ATTTGGTGTTTTGACTATTACCTGACAGGAGGAATTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTTGG	197429
Sbjct	27587	ATTTGGTGTTTTGACTATTACCTGACAGGAGGAATTTCTCTTCTGGTCCAATCTATTTGG	27528

Query	197430	AGTTCTGTAGGCTTCTTGTATGTTTATAGTCATGTCCTTC	ttttttttttttcttttttct	197489
Sbjct	27527	AGTTCTGTAGGCTTCTTGTATGTTTATAGTCATGTCCTTCT	TTTTTTTTTTTCTTTTTTCT	27468
Query	197490	ttttctttttttCCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTACTAGGCAAGCGCT		197549
Sbjct	27467	TTTTCTTTTTTCCGGAGCTGGGGACCGAACCCAGGGCCTTGCGCTTACTAGGCAAGCGCT		27408
Query	197550	CTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCTAGTCATGTTCTTCTTGAGGTTCTTGTTCAAGAT		197609
Sbjct	27407	CTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCTAGTCATGTTCTTCTTGAGGTTCTTGTTCAAGAT		27348
Query	197610	ATTTACTGGACCTTTAAGTTGAGGAATCTTCACTCTCTTCTATACTATTATTATTAAGT		197669
Sbjct	27347	ATTTACTGGACCTTTAAGTTGAGGAATCTTCACTCTCTTCTATACTATTATTATTAAGT		27288
Query	197670	TTGATCTTCTCATTGTGTCTTGCATTTCTGGATGTTTTGGGCTAGGAGCTTTTTGTGTT		197729
Sbjct	27287	TTGATCTTCTCATTGTGTCTTGCATTTCTGGATGTTTTGGGCTAGGAGCTTTTTGTGTT		27228
Query	197730	TTACATTATCTTTCATGGTTTTGTTGATGTTTTCTATAGTATCTTCTGCCCTGAGATTC		197789
Sbjct	27227	TTACATTATCTTTCATGGTTTTGTTGATGTTTTCTATAGTATCTTCTGCCCTGAGATTC		27168
Query	197790	TCTCTTCTATCTCTTGTATTCCTTTGGTGATGCTTGCTTCTCTGACTCCTGATCTCTTTC		197849
Sbjct	27167	TCTCTTCTATCTCTTGTATTCCTTTGGTGATGCTTGCTTCTCTGACTCCTGATCTCTTTC		27108
Query	197850	CTAGGTTTTCCATTTCCAGAGTTGTCTCCTTTTGTGCTTCTTTATTGTTTCTATTTCCA		197909
Sbjct	27107	CTAGGTTTTCCATTTCCAGAGTTGTCTCCTTTTGTGCTTCTTTATTGTTTCTATTTCCA		27048
Query	197910	TTTTTAAATCCTGGATGGTTTTGTTCAATTCTTCTCCTGTGTTTTTCTGTAATTCTTTA		197969
Sbjct	27047	TTTTTAAATCCTGGATGGTTTTGTTCAATTCTTCTCCTGTGTTTTTCTGTAATTCTTTA		26988
Query	197970	AGGGA	ttttttttttACCTTCTTGTTTACCTGTGTTCTCCTGAATTTATTTAAAGGACTT	198029
Sbjct	26987	AGGGATTTTTTTTTTACCTTCTTGTTTACCTGTGTTCTCCTGAATTTATTTAAAGGACTT		26928
Query	198030	ATTTATGTTCTCCTTAAATCCTCTATCATCATCATAAGATGTGA	tttttttttAAGTCCAA	198089
Sbjct	26927	ATTTATGTTCTCCTTAAATCCTCTATCATCATCATAAGATGTGATTTTTTTTAAGTCCAA		26868
Query	198090	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATCCAGTATTTGCTTTGGTAGGAGATGCCAAGTA		198149
Sbjct	26867	ATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGGATATCCAGTATTTGCTTTGGTAGGAGATGCCAAGTA		26808
Query	198150	GTCTTGTTTTCTGTTGCTTAGTTTCTTTCCCATCAGGTTGTCCCTGGTGTAGCTTGTC		198209
Sbjct	26807	GTCTTGTTTTCTGTTGCTTAGTTTCTTTCCCATCAGGTTGTCCCTGGTGTAGCTTGTC		26748
Query	198210	CTGCTGTTTCTGACAGTGGCCTGTGTGTCAGCACTCCTG	ttttcttttctttttttttt	198269
Sbjct	26747	CTGCTGTTTCTGACAGTGGCCTGTGTGTCAGCACTCCTGTTTTCTTTTCTTTTTTTTTTT		26688
Query	198270	tAATTAACCTTGAGCATTTCCTATATACATTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCGGTTCCGG		198329
Sbjct	26687	TAATTAACCTTGAGCATTTCCTATATACATTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCGGTTCCGG		26628
Query	198330	GCAAACA	tcccccttccccctccccctaccttatgggtgttccccctcccaaccctcccccc	198389
Sbjct	26627	GCAAACATCCCTTCCCCCTCCCTACCTTATGGGTGTTCCCTCCCAACCTCCCCC		26568
Query	198390	attg	cgcctccccccATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGG	198449
Sbjct	26567	ATTGCCGCCCTCCCCCATAGTCTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGG		26508
Query	198450	CTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGATATTCAATTGCTACCTATGGGGACAGAGTCC		198509
Sbjct	26507	CTTCCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGGATATTCAATTGCTACCTATGGGGACAGAGTCC		26448
Query	198510	AGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGCTT		198569
Sbjct	26447	AGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGCTT		26388
Query	198570	GGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTCTCTGAT		198629
Sbjct	26387	GGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTCTCTGAT		26328
Query	198630	TCCTTCAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTAT		198689
Sbjct	26327	TCCTTCAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTAT		26268
Query	198690	TTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCAGCTCCTGTGCGTCTGCA		198749
Sbjct	26267	TTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCAGCTCCTGTGCGTCTGCA		26208
Query	198750	CTTCTTTGCTTCATCCATCTTAGACCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATCTGGGAACAGAGAGC		198809

Sbjct	26207	CTTCTTTGCTTCATCCATCTTAGACCTGTTTTCTTTTCAGCCAGATCTGGGAACAGAGAGC	26148
Query	198810	TGCTCCTGGGTTTGTGTGACCTGAAACCTCCAGACAGGTTGCTTGGTGCAGAAAAGTTGG	198869
Sbjct	26147	TGCTCCTGGGTTTGTGTGACCTGAAACCTCCAGACAGGTTGCTTGGTGCAGAAAAGTTGG	26088
Query	198870	TTTTACTTCTGCTCTCCGGTGTGTAGGCACTCCTGTCAACTGGCTTTCAACTCTTGGTAT	198929
Sbjct	26087	TTTTACTTCTGCTCTCCGGTGTGTAGGCACTCCTGTCAACTGGCTTTCAACTCTTGGTAT	26028
Query	198930	AAGCAGAAACATGAAGGGTCTGCCCCTGATTCCCCAGAGGGCACAGAGGGTACTAGGTG	198989
Sbjct	26027	AAGCAGAAACATGAAGGGTCTGCCCCTGATTCCCCAGAGGGCACAGAGGGTACTAGGTG	25968
Query	198990	CTTTCCTCTTTGGTCAGGAATATGGGCAGAGAGTACTCTTCTCTGAGTTTTCAGGACTGT	199049
Sbjct	25967	CTTTCCTCTTTGGTCAGGAATATGGGCAGAGAGTACTCTTCTCTGAGTTTTCAGGACTGT	25908
Query	199050	TTCTTTTTTCAGAAGGTCCACCTCTCTCCCCACAGAATTTTGGTGCAGGGAGCTGTGGAA	199109
Sbjct	25907	TTCTTTTTTCAGAAGGTCCACCTCTCTCCCCACAGAATTTTGGTGCAGGGAGCTGTGGAA	25848
Query	199110	CTGCTTCAGTTCCTATTTA ttttttttATTTATTTACTCCAGATATTATTCCCATCCTGGT	199169
Sbjct	25847	CTGCTTCAGTTCCTATTTATTTTTTTATTTATTTACTCCAGATATTATTCCCATCCTGGT	25788
Query	199170	CCATCCCCCAACCCCTCACTGTTCCACATCCCATAACTCCTCCCCTACCCTCCTCAAAC	199229
Sbjct	25787	CCATCCCCCAACCCCTCACTGTTCCACATCCCATAACTCCTCCCCTACCCTCCTCAAAC	25728
Query	199230	CCTGTCTTCTCAACCCATCTCCACAAGGATGTCCCCACCCTACCCACCCCATTAGATCTC	199289
Sbjct	25727	CCTGTCTTCTCAACCCATCTCCACAAGGATGTCCCCACCCTACCCACCCCATTAGATCTC	25668
Query	199290	TAAACTTGCTGGGTCTCCAGTCTCTTGAGGGTTACGTGCATCTTCTCTGACTGAACCCA	199349
Sbjct	25667	TAAACTTGCTGGGTCTCCAGTCTCTTGAGGGTTACGTGCATCTTCTCTGACTGAACCCA	25608
Query	199350	GATCTGGGAATCCTCTGCTGAATATGTGTTGGTTGGCCTCCTCACAGCTGGTGTATGCTG	199409
Sbjct	25607	GATCTGGGAATCCTCTGCTGAATATGTGTTGGTTGGCCTCCTCACAGCTGGTGTATGCTG	25548
Query	199410	CCTGGTTGGTGATCCAGTGCTAAAAGATCTTAGGGGTCCAGGTTAATTGAGACTGCTGG	199469
Sbjct	25547	CCTGGTTGGTGATCCAGTGCTAAAAGATCTTAGGGGTCCAGGTTAATTGAGACTGCTGG	25488
Query	199470	TCCTCCTACATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCCAGCTTTTCCCTAATTCAACCAGA	199529
Sbjct	25487	TCCTCCTACATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCCAGCTTTTCCCTAATTCAACCAGA	25428
Query	199530	GGGGTCAGCAGTTCTGTCTATTGGTTGGGTGCACATATGTGCATCTGACTCTTTCAGCTG	199589
Sbjct	25427	GGGGTCAGCAGTTCTGTCTATTGGTTGGGTGCACATATGTGCATCTGACTCTTTCAGCTG	25368
Query	199590	CATGCCAGGTATTTTCAGAGGCCAGTTAGGATAGGTCCCATTTCGTGTGGGCCCCATAGCC	199649
Sbjct	25367	CATGCCAGGTATTTTCAGAGGCCAGTTAGGATAGGTCCCATTTCGTGTGGGCCCCATAGCC	25308
Query	199650	TCAGTAAGTATCAGGCCTTGAGGCCTCCCCCTGAGCTGGATCCCACCTTTGGGCCTGTCAC	199709
Sbjct	25307	TCAGTAAGTATCAGGCCTTGAGGCCTCCCCCTGAGCTGGATCCCACCTTTGGGCCTGTCAC	25248
Query	199710	TGGACCTTCTTTTCCTCAGGCTTTTGTACATTTTTGTCCCTGCAGTTCTTTTCAGACAAGA	199769
Sbjct	25247	TGGACCTTCTTTTCCTCAGGCTTTTGTACATTTTTGTCCCTGCAGTTCTTTTCAGACAAGA	25188
Query	199770	ATTATGGCTCAGAGCTTTGGCCGTGGGATAGCTATGCCATCCCTCACTTGATGCCCTGTC	199829
Sbjct	25187	ATTATGGCTCAGAGCTTTGGCCGTGGGATAGCTATGCCATCCCTCACTTGATGCCCTGTC	25128
Query	199830	TTTCTGCTGGAAGTAGACCTATGAGTTCCCTGTCCCCGCTGTAGGGCATGGGTCCAACCC	199889
Sbjct	25127	TTTCTGCTGGAAGTAGACCTATGAGTTCCCTGTCCCCGCTGTAGGGCATGGGTCCAACCC	25068
Query	199890	TTTTGAGTCCTGACAGTCTCTCACTTTCAGGTTTTTAGTACATTCTAAGAGGGTCCACC	199949
Sbjct	25067	TTTTGAGTCCTGACAGTCTCTCACTTTCAGGTTTTTAGTACATTCTAAGAGGGTCCACC	25008
Query	199950	CATCCTCTTTTCATCCCAAGGTCACCCATATTTCCATACTTTCTGTTGGCCCTAAGGCCTTT	200009
Sbjct	25007	CATCCTCTTTTCATCCCAAGGTCACCCATATTTCCATACTTTCTGTTGGCCCTAAGGCCTTT	24948
Query	200010	TCCTCCACTCAATACTAGATCATGTTTaccctctctcccaaccctcaccctcttctttcc	200069
Sbjct	24947	TCCTCCACTCAATACTAGATCATGTTTACCTCTCTCCCAACCCTCACCCTTTCTTTCC	24888
Query	200070	cctgtcctgccctcccaaccccttggtggttgctttcttctccctccccAAGTGGGATTG	200129
Sbjct	24887	CCTGTCTGCCCTCCCAACCCCTTGTTGGTTGCTTCTTCTCCCTCCCCAAGTGGGATTG	24828

Query	200130	AAGAGTCCTCATTGGGCCCTTCAGCTTGTTACACCTTTTACATTTATTTTGGCTTATA	200189
Sbjct	24827	AAGAGTCCTCATTGGGCCCTTCAGCTTGTTACACCTTTTACATTTATTTTGGCTTATA	24768
Query	200190	TCCACTTATTAGTGAGAATATAACATGCATTTCCTTAGGGTCTAAGTTAGTTCACCTCAG	200249
Sbjct	24767	TCCACTTATTAGTGAGAATATAACATGCATTTCCTTAGGGTCTAAGTTAGTTCACCTCAG	24708
Query	200250	GATGCCATTTTATGTTCTAGCCATTTGCCTGCAAAAATCAGGATGTCTCATTCCTTAATA	200309
Sbjct	24707	GATGCCATTTTATGTTCTAGCCATTTGCCTGCAAAAATCAGGATGTCTCATTCCTTAATA	24648
Query	200310	GCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAAATGAACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAA	200369
Sbjct	24647	GCTGAGTAGTATTCCATTGTGTAAATGAACCACATTTTCTGTATCCATCCCTCTGTTGAA	24588
Query	200370	GGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTA	200429
Sbjct	24587	GGGCATCTGGGTTCCTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTA	24528
Query	200430	GAGCATGTGTCtttttttttATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAAGAGGT	200489
Sbjct	24527	GAGCATGTGTCTTTTTTTTTATATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAAGAGGT	24468
Query	200490	ATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTC	200549
Sbjct	24467	ATAGCTGGATCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTC	24408
Query	200550	CAGAATGGTTTTACCAGTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTCTCCA	200609
Sbjct	24407	CAGAATGGTTTTACCAGTCTGCAATCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTCTCCA	24348
Query	200610	CATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCCCTGGTGTG	200669
Sbjct	24347	CATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCATTCTCCCTGGTGTG	24288
Query	200670	AGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTATGACTAAAGATGTTGAACAT	200729
Sbjct	24287	AGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTATGACTAAAGATGTTGAACAT	24228
Query	200730	TTCTTTAGGTGCTTGTCAGCCATTGGCATTCCCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTAGCTCT	200789
Sbjct	24227	TTCTTTAGGTGCTTGTCAGCCATTGGCATTCCCTCAGCTGAAAATTCTTTGTTTAGCTCT	24168
Query	200790	GAACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCCTTGC	200849
Sbjct	24167	GAACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAACTTCTTGGGTTCCTTGC	24108
Query	200850	ATATTTTGGATATTAGCTTTCTATCTGATATAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTG	200909
Sbjct	24107	ATATTTTGGATATTAGCTTTCTATCTGATATAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTG	24048
Query	200910	TTGGTTGCCGCTTTGTCTTAACAACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTGCAGTTTTAT	200969
Sbjct	24047	TTGGTTGCCGCTTTGTCTTAACAACAGTGTCCTTTGCCTTACAGAAGCTTGCAGTTTTAT	23988
Query	200970	GAGATCCCATTTGTCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGtttttttttCAGG	201029
Sbjct	23987	GAGATCCCATTTGTCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTTTTTTTCAGG	23928
Query	201030	AACTTTCTCTAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCTAGTTTTTCTTCTATTAGATTG	201089
Sbjct	23927	AACTTTCTCTAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCTAGTTTTTCTTCTATTAGATTG	23868
Query	201090	AGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGT	201149
Sbjct	23867	AGTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGT	23808
Query	201150	GATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCAT	201209
Sbjct	23807	GATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCAT	23748
Query	201210	TTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAG	201269
Sbjct	23747	TTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAG	23688
Query	201270	TGCCCATAGATGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGT	201329
Sbjct	23687	TGCCCATAGATGTGTGGGTTCAATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGT	23628
Query	201330	CTGTCTCTGTAACAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGT	201389
Sbjct	23627	CTGTCTCTGTAACAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGT	23568
Query	201390	TCAGGGATAGTGATTCCACCTGAAGTCCTTTTATTATAGTTGAGGATACCTTTATCTATC	201449
Sbjct	23567	TCAGGGATAGTGATTCCACCTGAAGTCCTTTTATTATAGTTGAGGATACCTTTATCTATC	23508
Query	201450	CTGAGTTTGTGTATTCCAGATGAATTTCAAATTTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATT	201509

Sbjct	23507	CTGAGTTTGTGTATTCCAGATGAATTTCAAATTTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATT	23448
Query	201510	GGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGCTTATGTCTTTTTATAGGTGAG	201569
Sbjct	23447	GGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGCTTATGTCTTTTTATAGGTGAG	23388
Query	201570	TTGAGTTCATTAATATTGAGAGATATTATAGAGAGATGACTGTTGGTTCCTGTTATGTTT	201629
Sbjct	23387	TTGAGTTCATTAATATTGAGAGATATTATAGAGAGATGACTGTTGGTTCCTGTTATGTTT	23328
Query	201630	TTGTACATAGTTATGTGCTTGTGGTTTTCTCCTTTTGGCTTTGTGGGAGATGTTTAATA	201689
Sbjct	23327	TTGTACATAGTTATGTGCTTGTGGTTTTCTCCTTTTGGCTTTGTGGGAGATGTTTAATA	23268
Query	201690	TCTTGTCTTTTCTTTGGTAGAGGTATCTTCCTTAGATTGGAGTTTTCCTTCTAGGATCCA	201749
Sbjct	23267	TCTTGTCTTTTCTTTGGTAGAGGTATCTTCCTTAGATTGGAGTTTTCCTTCTAGGATCCA	23208
Query	201750	CTGTAGTGCTGATTGGTTGAAAGATACTGTTTCAA ttttttttCCTGGAATATTTTGGTTT	201809
Sbjct	23207	CTGTAGTGCTGATTGGTTGAAAGATACTGTTTCAATTTTTTCTGGAATATTTTGGTTT	23148
Query	201810	CTCCATCTATGCTAATTGAGAGTTTTTCTGGGTTTAGTATCCTTGGGTGGCATTGTGT	201869
Sbjct	23147	CTCCATCTATGCTAATTGAGAGTTTTTCTGGGTTTAGTATCCTTGGGTGGCATTGTGT	23088
Query	201870	CTCTTAGGGTCTGCATGACGTCTGACCAGGCTCTTCTGACTTTCATAGTCTCTGTTGAGA	201929
Sbjct	23087	CTCTTAGGGTCTGCATGACGTCTGACCAGGCTCTTCTGACTTTCATAGTCTCTGTTGAGA	23028
Query	201930	AGTCTGGTGTGATTTAGTCCTTTTCCCTTGCAACTTTTAAATATTCTTTCTTTGTTCTGT	201989
Sbjct	23027	AGTCTGGTGTGATTTAGTCCTTTTCCCTTGCAACTTTTAAATATTCTTTCTTTGTTCTGT	22968
Query	201990	GCATTCAGTATTTTGAGTATTATGTGATGAGAGCATTTTCTTTTCTGGTCCCATTTATTT	202049
Sbjct	22967	GCATTCAGTATTTTGAGTATTATGTGATGAGAGCATTTTCTTTTCTGGTCCCATTTATTT	22908
Query	202050	AGTGTCTGTAGGCTTTTTGTACCTTTATGGCCATCTCTTCTTTAGGTAGGGAAATTTT	202109
Sbjct	22907	AGTGTCTGTAGGCTTTTTGTACCTTTATGGCCATCTCTTCTTTAGGTAGGGAAATTTT	22848
Query	202110	TCTTCTATGCTTTTGTTGAAAACGTTTTCAAGTCCTTTGAGCTAGGAATCTTCATTCTCC	202169
Sbjct	22847	TCTTCTATGCTTTTGTTGAAAACGTTTTCAAGTCCTTTGAGCTAGGAATCTTCATTCTCC	22788
Query	202170	TCTATTCTAATTATTCTTAGATTTGGTCTTTTCAATGTGTCCTGAATTTCTCGGATGTTT	202229
Sbjct	22787	TCTATTCTAATTATTCTTAGATTTGGTCTTTTCAATGTGTCCTGAATTTCTCGGATGTTT	22728
Query	202230	TGAGTTATATTTTGAATTTTCTTTGACCATTTTGTGAGTCTCTTCTATAGTTATCTTCTA	202289
Sbjct	22727	TGAGTTATATTTTGAATTTTCTTTGACCATTTTGTGAGTCTCTTCTATAGTTATCTTCTA	22668
Query	202290	CACCTAAGATTCTTTCTTCTATCTCTTGATTCCGTGGGTGATTCTTACATCTTTAATTC	202349
Sbjct	22667	CACCTAAGATTCTTTCTTCTATCTCTTGATTCCGTGGGTGATTCTTACATCTTTAATTC	22608
Query	202350	CTAACCTCTTTCCTAGGTTTTCCATTTCCAGGTTTGCCTCCATTTCTGTTTTCTTTATTG	202409
Sbjct	22607	CTAACCTCTTTCCTAGGTTTTCCATTTCCAGGTTTGCCTCCATTTCTGTTTTCTTTATTG	22548
Query	202410	TTTCTATGTCCACTTTTAGGTCTTGGACTGCTTTATGAAATTCCTTTATCTGTTTGATTG	202469
Sbjct	22547	TTTCTATGTCCACTTTTAGGTCTTGGACTGCTTTATGAAATTCCTTTATCTGTTTGATTG	22488
Query	202470	TGTATTTCTTTATGTCTATAAGGCACTTATTTGTTTCCTCTGTAAAGGCTTCTACCTATT	202529
Sbjct	22487	TGTATTTCTTTATGTCTATAAGGCACTTATTTGTTTCCTCTGTAAAGGCTTCTACCTATT	22428
Query	202530	TACCTGTACTTCTTCCACTGAGTTATATATATCTTCCTTAAATGATTCTATTTTCTTCAT	202589
Sbjct	22427	TACCTGTACTTCTTCCACTGAGTTATATATATCTTCCTTAAATGATTCTATTTTCTTCAT	22368
Query	202590	GAGTTAGAAGTTTAGGTCATCTTCCTGATTTTCAGGTGTGTTGGTATATTGCGGGTTTGC	202649
Sbjct	22367	GAGTTAGAAGTTTAGGTCATCTTCCTGATTTTCAGGTGTGTTGGTATATTGCGGGTTTGC	22308
Query	202650	TGTGGTGAGAGAACTGGGTTCTTAGGACACCCATGTGTATTGGCTTCTGTTGCTTATGGT	202709
Sbjct	22307	TGTGGTGAGAGAACTGGGTTCTTAGGACACCCATGTGTATTGGCTTCTGTTGCTTATGGT	22248
Query	202710	CTTGTGCTTGCCTTTCTATCTGGTTATCCCTAGTGCTTGCTGGTCTGAGTGACTATGTCT	202769
Sbjct	22247	CTTGTGCTTGCCTTTCTATCTGGTTATCCCTAGTGCTTGCTGGTCTGAGTGACTATGTCT	22188
Query	202770	GGAGTCTTCCTCTCTTGTCTCTGTGTTGTAACAGGTCCCCTGGTTGGCCTGTGGCCCTGG	202829
Sbjct	22187	GGAGTCTTCCTCTCTTGTCTCTGTGTTGTAACAGGTCCCCTGGTTGGCCTGTGGCCCTGG	22128



Query	202830	CTGTAGCAAACCTCCTTTGGGGCCTTCCAATTGGAGGGTGTTTCAGAGGGGCAGAGAGGTT	202889
Sbjct	22127	CTGTAGCAAACCTCCTTTGGGGCCTTCCAATTGGAGGGTGTTTCAGAGGGGCAGAGAGGTT	22068
Query	202890	GCTGATTTCCTTGCTGCAGTACATCTCCTGGGAGGCCTTCATACTTCTGGGTCTTCAGAGG	202949
Sbjct	22067	GCTGATTTCCTTGCTGCAGTACATCTCCTGGGAGGCCTTCATACTTCTGGGTCTTCAGAGG	22008
Query	202950	AGCAGTCAATCTGTTCTGTGTGAAGTTGTTATCTGAGGGGTTGAATGGACTGTGATTTC	203009
Sbjct	22007	AGCAGTCAATCTGTTCTGTGTGAAGTTGTTATCTGAGGGGTTGAATGGACTGTGATTTC	21948
Query	203010	GTTTCCTTCTGTGTAGCTACAATTCAAGGAGGCTTTCAGTCTTTTCAATCAGTTGCCCTG	203069
Sbjct	21947	GTTTCCTTCTGTGTAGCTACAATTCAAGGAGGCTTTCAGTCTTTTCAATCAGTTGCCCTG	21888
Query	203070	CATGCCATAGTGCCCTGGGAGGTCTTCCAAGTGTGTCAATTGCTCAGTTGCCCTGTGTA	203129
Sbjct	21887	CATGCCATAGTGCCCTGGGAGGTCTTCCAAGTGTGTCAATTGCTCAGTTGCCCTGTGTA	21828
Query	203130	CAGAGAAACTCCTGGAATTCTTCAAGCTGTGGTTTTCTAGGAGCAGTAGATCTCCTGGGA	203189
Sbjct	21827	CAGAGAAACTCCTGGAATTCTTCAAGCTGTGGTTTTCTAGGAGCAGTAGATCTCCTGGGA	21768
Query	203190	TGTCTCAGGATGTGGTACCAATTTGTGTTTCAGTGATTCTTCTGGCATTCTTCAGAATGCC	203249
Sbjct	21767	TGTCTCAGGATGTGGTACCAATTTGTGTTTCAGTGATTCTTCTGGCATTCTTCAGAATGCC	21708
Query	203250	AAATGTTCTGAGTCCAGTGGATACTCAAATACTGAGTGTAGGGGATCCTCTGGTATGCCT	203309
Sbjct	21707	AAATGTTCTGAGTCCAGTGGATACTCAAATACTGAGTGTAGGGGATCCTCTGGTATGCCT	21648
Query	203310	CGGGATATATAGCTTTTTGGGGAGCAGAGTAACAAGCATTCTGTCCCATCCAAAAGGACT	203369
Sbjct	21647	CGGGATATATAGCTTTTTGGGGAGCAGAGTAACAAGCATTCTGTCCCATCCAAAAGGACT	21588
Query	203370	AGTTGGAAGGGGATTGGTATTTGGTAGGTGGGAGGTTTGGGGAGATGGTGGATCCCTAAG	203429
Sbjct	21587	AGTTGGAAGGGGATTGGTATTTGGTAGGTGGGAGGTTTGGGGAGATGGTGGATCCCTAAG	21528
Query	203430	TCCACTGGCCCTCAGCTGCTGCTGTGGGACTTTGGTGAGGAAGGGTTTTTACCAAATGCT	203489
Sbjct	21527	TCCACTGGCCCTCAGCTGCTGCTGTGGGACTTTGGTGAGGAAGGGTTTTTACCAAATGCT	21468
Query	203490	GAGTGCTGTGGATTCAATTGGTATGTCTCAGGATATAGCTTCTTCTGGGGAGAGGAAAAAC	203549
Sbjct	21467	GAGTGCTGTGGATTCAATTGGTATGTCTCAGGATATAGCTTCTTCTGGGGAGAGGAAAAAC	21408
Query	203550	ATTGGATGTCAATTCCTCAGGAACCATCCTCCTTATTTTTTCAAGATAGAGTTTTTCCCTG	203609
Sbjct	21407	ATTGGATGTCAATTCCTCAGGAACCATCCTCCTTATTTTTTCAAGATAGAGTTTTTCCCTG	21348
Query	203610	AGCCTGAGGCCCATTTATTTAGCTAGACTAATTAGCCATTGAGTCAAGAAATCCTCCTTC	203669
Sbjct	21347	AGCCTGAGGCCCATTTATTTAGCTAGACTAATTAGCCATTGAGTCAAGAAATCCTCCTTC	21288
Query	203670	CTATATCTTCTCAGTAGAGTGGTCCATACACACAGGTATGGTCTACCACACACAGTAT	203729
Sbjct	21287	CTATATCTTCTCAGTAGAGTGGTCCATACACACAGGTATGGTCTACCACACACAGTAT	21228
Query	203730	CTTATTTTATTCTtattataaaatatcttaagggtttgaaatgtaaataaattaaccaataaa	203789
Sbjct	21227	CTTATTTTATTCTTATTAAAAATATCTTAAGGTTTGAAATGTAAATAAAATTAACCAATAAA	21168
Query	203790	ataaaaaaattaatatatatataaaatatataataaaatTGCAATCATCGTTTCCCCTCAT	203849
Sbjct	21167	ATAAAAAATTAATATATATATAAATATATATAATAAAATTGCAATCATCGTTTCCCCTCAT	21108
Query	203850	TTGTATTCTCTCCATTCTCTAAGTTCATGACCTCTTCTCCCTCTTTGGAAAACAGATA	203909
Sbjct	21107	TTGTATTCTCTCCATTCTCTAAGTTCATGACCTCTTCTCCCTCTTTGGAAAACAGATA	21048
Query	203910	GGCAAACAAGCCCCCTCTGTCAACCAACAACCAGGTTATTTAAAAGAGAATGGAGAAGA	203969
Sbjct	21047	GGCAAACAAGCCCCCTCTGTCAACCAACAACCAGGTTATTTAAAAGAGAATGGAGAAGA	20988
Query	203970	AACATACACACTCGGAGACACAATTACTCAAACTTATTAGAGCATAAAATTGGAAATCA	204029
Sbjct	20987	AACATACACACTCGGAGACACAATTACTCAAACTTATTAGAGCATAAAATTGGAAATCA	20928
Query	204030	TGATATACAAGCAAAAGTCCAGTAAGaaaaaaGTACCCAAAGTAATTTGAAACAAAA	204089
Sbjct	20927	TGATATACAAGCAAAAGTCCAGTAAGAAAAAAAAAAGTACCCAAAGTAATTTGAAACAAAA	20868
Query	204090	ATTTTATAGATATACCACATACAGCATTTTATATTGGGGCTAGAGATCAAATGAAGGTCT	204149
Sbjct	20867	ATTTTATAGATATACCACATACAGCATTTTATATTGGGGCTAGAGATCAAATGAAGGTCT	20808
Query	204150	TAATGTTTACAACAAGCACTTACTGAGTGAGCTATTTCTTAACCTATTCTTTCATGTAA	204209

Sbjct	20807	TAATGTTTACAACAAGCACTTACTGAGTGAGCTATTTCCTTAACCTATTCTTTTCATGTAA	20748
Query	204210	TACCAAATTATTATGTTTCTGATTTCTGCAtttttttAAATTAGCTGTGGAAAGTTGTA	204269
Sbjct	20747	TACCAAATTATTATGTTTCTGATTTCTGCATTTTTTTTAAATTAGCTGTGGAAAGTTGTA	20688
Query	204270	CTTTGGGGTTTCATCTTGTGAGGCTGAACATACCCATTCCATCCAGGCTAACCCATTTAAA	204329
Sbjct	20687	CTTTGGGGTTTCATCTTGTGAGGCTGAACATACCCATTCCATCCAGGCTAACCCATTTAAA	20628
Query	204330	TTCATAATATTGAAATTTTCATTGAAAATCTTCATGCAGGATAAGCTGTTGCTTCTCATAA	204389
Sbjct	20627	TTCATAATATTGAAATTTTCATTGAAAATCTTCATGCAGGATAAGCTGTTGCTTCTCATAA	20568
Query	204390	TCACAAGCTGTAGTGATTTTTATATTGTGGACATATTTGCATCATGGAATGGAATATGTT	204449
Sbjct	20567	TCACAAGCTGTAGTGATTTTTATATTGTGGACATATTTGCATCATGGAATGGAATATGTT	20508
Query	204450	GGATGATGTAGATAGTAGAAGAGGTTTACTTACCATACTAAATTTCTTCATTTCAGTGGC	204509
Sbjct	20507	GGATGATGTAGATAGTAGAAGAGGTTTACTTACCATACTAAATTTCTTCATTTCAGTGGC	20448
Query	204510	AACAAATAGCTCAGTGCTTACTTCATTATGGATGTATAGTAACAAAATCTTTTTAACAGT	204569
Sbjct	20447	AACAAATAGCTCAGTGCTTACTTCATTATGGATGTATAGTAACAAAATCTTTTTAACAGT	20388
Query	204570	CTTCATTCTCCTACCCTTGCATTACGCAATTTAGATATTTTCAAAGTCCTTTTGTGTTTA	204629
Sbjct	20387	CTTCATTCTCCTACCCTTGCATTACGCAATTTAGATATTTTCAAAGTCCTTTTGTGTTTA	20328
Query	204630	TCCCATATTACTTTTTCAACCTTCTAATTCATATCACCCCTATAAAAAGAGTTAGCATCAG	204689
Sbjct	20327	TCCCATATTACTTTTTCAACCTTCTAATTCATATCACCCCTATAAAAAGAGTTAGCATCAG	20268
Query	204690	GAATATAGTCCCCAAACTGCATATGGAAAATTACTTATGAAGTTCTAGCAAAGGGATTTC	204749
Sbjct	20267	GAATATAGTCCCCAAACTGCATATGGAAAATTACTTATGAAGTTCTAGCAAAGGGATTTC	20208
Query	204750	AGATTACTACTTTTGTTACATTTTCAATATTATGAAATGCTTTGTGAGAAATATGTAAGA	204809
Sbjct	20207	AGATTACTACTTTTGTTACATTTTCAATATTATGAAATGCTTTGTGAGAAATATGTAAGA	20148
Query	204810	ATTCTGTGGATAAGGtaaatttgtaataattttctaaattttaattttatcaatttttct	204869
Sbjct	20147	ATTCTGTGGATAAGGTAAATTTGTAATAATTTTCTAAATTTAATTTTATCAATTTTTCT	20088
Query	204870	tattttctatgatggtttcttaatttatttatagttcttttGATTACATTTTGGTGGTTTT	204929
Sbjct	20087	TATTTTCTATGATGTTTCTTAATTTATTATAGTTCTTTGATTACATTTTGGTGGTTTT	20028
Query	204930	AGTTTATGATAGCTAATGTAAAGTTATGATTAATTCTTTAAAGTACATGAAAACATAATA	204989
Sbjct	20027	AGTTTATGATAGCTAATGTAAAGTTATGATTAATTCTTTAAAGTACATGAAAACATAATA	19968
Query	204990	AATACTACAAAATGGAGATAGATTCTTTGAAAAAACTCAGAACTGTTAATTGCTttttt	205049
Sbjct	19967	AATACTACAAAATGGAGATAGATTCTTTGAAAAAACTCAGAACTGTTAATTGCTTTTT	19908
Query	205050	tttttttACCATAAGTAATCTTAGAACTTGGGCTAAGTAATTGGAGGGCATTGAGTAGA	205109
Sbjct	19907	TTTTTTTACCATAAGTAATCTTAGAACTTGGGCTAAGTAATTGGAGGGCATTGAGTAGA	19848
Query	205110	GATGACTAATACTTAAGCTATTTCTCTATAATAGGGCCCATGTTTTCTTTACCATCATAA	205169
Sbjct	19847	GATGACTAATACTTAAGCTATTTCTCTATAATAGGGCCCATGTTTTCTTTACCATCATAA	19788
Query	205170	TAATAAAAAATTCTCTTTACAGTTTTTCAGGATGCCTTTCATACATTCCCATTGACAT	205229
Sbjct	19787	TAATAAAAAATTCTCTTTACAGTTTTTCAGGATGCCTTTCATACATTCCCATTGACAT	19728
Query	205230	CATCACACTCCTATGACATGCATGGCAGGTATTATTATCCTCATTGAAAGAGGAGACAAA	205289
Sbjct	19727	CATCACACTCCTATGACATGCATGGCAGGTATTATTATCCTCATTGAAAGAGGAGACAAA	19668
Query	205290	TTCAGAGGTTTAAATGGCTTGCTAAGGTCACAACTTAAGGGTACAACCTGATCTTTAAA	205349
Sbjct	19667	TTCAGAGGTTTAAATGGCTTGCTAAGGTCACAACTTAAGGGTACAACCTGATCTTTAAA	19608
Query	205350	CTTGAGTTGCTTTAGGCTATCTATAATATGAATGATATTTAATGTAACCCAAGCCACACA	205409
Sbjct	19607	CTTGAGTTGCTTTAGGCTATCTATAATATGAATGATATTTAATGTAACCCAAGCCACACA	19548
Query	205410	TTTACTTTTTTATGTATATTAGAATTGTTACAATACATAATTTTTATATTACATTTTCTTG	205469
Sbjct	19547	TTTACTTTTTTATGTATATTAGAATTGTTACAATACATAATTTTTATATTACATTTTCTTG	19488
Query	205470	TTTTATACATCTTTTCTCCATATCTGAGTTACATTTCAATATATGACTTTTTTCACATCTG	205529
Sbjct	19487	TTTTATACATCTTTTCTCCATATCTGAGTTACATTTCAATATATGACTTTTTTCACATCTG	19428

Query	205530	A t t t t t t t t t C T T A A T T A T T T T A T T T A T A T A C A T T C C A A A T G T C C C C T C C C A G T A C C C C A T C	205589
Sbjct	19427	A T T T T T T T T C T T A A T T A T T T T A T T T A T A T A C A T T C C A A A T G T C C C C T C C C A G T A C C C C A T C	19368
Query	205590	C C A G A A G T C T T C A C A T C A T T T G C C T T C C C T T T G C C T C T G A G A G G G T A C T C C C C A T G C T G C	205649
Sbjct	19367	C C A G A A G T C T T C A C A T C A T T T G C C T T C C C T T T G C C T C T G A G A G G G T A C T C C C C A T G C T G C	19308
Query	205650	C C C A T C C A T A T A C C C C T T T C C C C C A G G C A T C A A G T T T G T A T A G G G T T A A G C A C A T C C T C T	205709
Sbjct	19307	C C C A T C C A T A T A C C C C T T T C C C C C A G G C A T C A A G T T T G T A T A G G G T T A A G C A C A T C C T C T	19248
Query	205710	C C C A C T G A G G C C A G A C A A G G C A G T C T G C T G C T A C A T A T G A G C C C C T G T A T G C T C C T T G A T	205769
Sbjct	19247	C C C A C T G A G G C C A G A C A A G G C A G T C T G C T G C T A C A T A T G A G C C C C T G T A T G C T C C T T G A T	19188
Query	205770	G G T G G G T T A G T C T C T G G G A G C C G T G A G G G A T C C A G G G C C T T C C T A C A G G G T T G G G A A C C G	205829
Sbjct	19187	G G T G G G T T A G T C T C T G G G A G C C G T G A G G G A T C C A G G G C C T T C C T A C A G G G T T G G G A A C C G	19128
Query	205830	T T C A G T T C A T T T A G T C T T T T T C C T A A T T C T T C C A T A G G G G C C C T G A C C T C A A T C C A A T G	205889
Sbjct	19127	T T C A G T T C A T T T A G T C T T T T T C C T A A T T C T T C C A T A G G G G C C C T G A C C T C A A T C C A A T G	19068
Query	205890	G T A G G C T G T A A G T A T C T G T A T C T G T T T C A G T C A G C A C C T T A G A G C C T C T C A G A G G A C A C C	205949
Sbjct	19067	G T A G G C T G T A A G T A T C T G T A T C T G T T T C A G T C A G C A C C T T A G A G C C T C T C A G A G G A C A C C	19008
Query	205950	G C T G C T A G A C T C C T G T G T T C A A G C A C G C A G A A C A T G A G T A A T A A G T G T C A G G G T T T T G T	206009
Sbjct	19007	G C T G C T A G A C T C C T G T G T T C A A G C A C G C A G A A C A T G A G T A A T A A G T G T C A G G G T T T T G T	18948
Query	206010	A C C T G C C C A T A G G A T G G A T C C C A A G T T G G G C C C A G T C A C T G G A A G T C C T A T C C T T T A G T C	206069
Sbjct	18947	A C C T G C C C A T A G G A T G G A T C C C A A G T T G G G C C C A G T C A C T G G A A G T C C T A T C C T T T A G T C	18888
Query	206070	T C T T C T C C C T T T C T G T C C C T G C A T T T C C T T T A G A A A T G T T T A G G A A C A A T T C T G G G T C A A	206129
Sbjct	18887	T C T T C T C C C T T T C T G T C C C T G C A T T T C C T T T A G A A A T G T T T A G G A A C A A T T C T G G G T C A A	18828
Query	206130	A A A A T T T G A A G G T G G G T G G G T G A C C C A G G C C T C A G C T G G G G C C A T G T C T G T G C T G G A T	206189
Sbjct	18827	A A A A T T T G A A G G T G G G T G G G T G A C C C A G G C C T C A G C T G G G G C C A T G T C T G T G C T G G A T	18768
Query	206190	G T G G T T T C T T C A G G T T C C A T C t t t t t t t c t t t t t t C T G G T C T A T T T G T C T G G T G T T C T A T A G	206249
Sbjct	18767	G T G G T T T C T T C A G G T T C C A T C T T T T T T C T T T T T C T G G T C T A T T T G T C T G G T G T T C T A T A G	18708
Query	206250	G C T T C T T G T A A G T A T T A T A A C C A T T T C T T T T A G A T T A A T G A A G T T T T C T T C T A C G A T T T T	206309
Sbjct	18707	G C T T C T T G T A A G T A T T A T A A C C A T T T C T T T T A G A T T A A T G A A G T T T T C T T C T A C G A T T T T	18648
Query	206310	G T T G A C G A T G T A T C C G G C C C T T A G A A T T A G G A A T C C T C A T T C T C C T C T A T T C C T A T T A C T	206369
Sbjct	18647	G T T G A C G A T G T A T C C G G C C C T T A G A A T T A G G A A T C C T C A T T C T C C T C T A T T C C T A T T A C T	18588
Query	206370	C T G T T C T T T T T A T T T T G T C C C A A A T T T C T T G A A T G T T T T C A G T T A G G A A T G T G A C A G A C A	206429
Sbjct	18587	C T G T T C T T T T T A T T T T G T C C C A A A T T T C T T G A A T G T T T T C A G T T A G G A A T G T G A C A G A C A	18528
Query	206430	C T T C T T T G A C C G A T A T T G T C A A T A T T T T C T A T G G T A T T T T T A T T C C T G G G A G T C T C T C T	206489
Sbjct	18527	C T T C T T T G A C C G A T A T T G T C A A T A T T T T C T A T G G T A T T T T T A T T C C T G G G A G T C T C T C T	18468
Query	206490	T C C T T C T C T T G A A T T C T G T T G G T G A T G C T T G C A T C T G T A G C T C C T A A A T A A A C T C T T C A C	206549
Sbjct	18467	T C C T T C T C T T G A A T T C T G T T G G T G A T G C T T G C A T C T G T A G C T C C T A A A T A A A C T C T T C A C	18408
Query	206550	T A A A T T T T C C A T C T C C A G G G T T T C C T C C A T T T G T A A T T T C C T T A T T G T T T A T A T T T C C A T	206609
Sbjct	18407	T A A A T T T T C C A T C T C C A G G G T T T C C T C C A T T T G T A A T T T C C T T A T T G T T T A T A T T T C C A T	18348
Query	206610	T G T T T T G G G T C T T G G A C A T T T T G T T C A A T T C C T T C A C C T G T T T G A T T T T A T T T T C C T G T	206669
Sbjct	18347	T G T T T T G G G T C T T G G A C A T T T T G T T C A A T T C C T T C A C C T G T T T G A T T T T A T T T T C C T G T	18288
Query	206670	A T G C C T T T A A A G A T T T T G T T T C T T C T T A A G A G T T T C T C C C C A T T T G C C T A T G C T T T C C T	206729
Sbjct	18287	A T G C C T T T A A A G A T T T T G T T T C T T C T T A A G A G T T T C T C C C C A T T T G C C T A T G C T T T C C T	18228
Query	206730	A T A T T T C T T T A A G A G A T T A T T T A T A T T T A T C C T T A A A G G T C T C T G T C A T C T T C A T G A C A	206789
Sbjct	18227	A T A T T T C T T T A A G A G A T T A T T T A T A T T T A T C C T T A A A G G T C T C T G T C A T C T T C A T G A C A	18168
Query	206790	T G G G A T T T T A G A T C T A A A T C T T G C T C T T C A G G A G T G T T A G G A T A A C C A C A G C T T G C T G T G	206849
Sbjct	18167	T G G G A T T T T A G A T C T A A A T C T T G C T C T T C A G G A G T G T T A G G A T A A C C A C A G C T T G C T G T G	18108
Query	206850	G T A G G A G A A C T G G G T T C T C A T T G T G C C A A A T T T C A T T G G C T T C G T T G T T T A T A T T C T T G	206909

Sbjct	18107	GTAGGAGAACTGGGTTCTCATGTGCCAAATTTTCATTGGCTTCTGTTGTTTATATTCTTG	18048
Query	206910	CTTTTGCCTTTTGCCATCTGGTTTTCTCTGGTGTTAACTGGTGCCCTGGACTGGAGCAGA	206969
Sbjct	18047	CTTTTGCCTTTTGCCATCTGGTTTTCTCTGGTGTTAACTGGTGCCCTGGACTGGAGCAGA	17988
Query	206970	CCTCTTTGGAAGTAGATATGGCTGTGAGAGCTGGATTAGAGCTGACCTCCTAGGAGACAG	207029
Sbjct	17987	CCTCTTTGGAAGTAGATATGGCTGTGAGAGCTGGATTAGAGCTGACCTCCTAGGAGACAG	17928
Query	207030	GCAGTACTGGCTCTGGTTATGATAGACCTTTTATGTCCCTAGTAAGGGCAGACTTCCTGA	207089
Sbjct	17927	GCAGTACTGGCTCTGGTTATGATAGACCTTTTATGTCCCTAGTAAGGGCAGACTTCCTGA	17868
Query	207090	GAGACAAGCAGGTTTTTGGGGTTAGGAGGTGGGCAGGCATGTCACTCTGCCACAGGTGTAG	207149
Sbjct	17867	GAGACAAGCAGGTTTTTGGGGTTAGGAGGTGGGCAGGCATGTCACTCTGCCACAGGTGTAG	17808
Query	207150	TGCCACAGGGCTGGGAGGAGGCTCAGGCAGAGCAGAATAGCTCCCATATCTACTATGCCT	207209
Sbjct	17807	TGCCACAGGGCTGGGAGGAGGCTCAGGCAGAGCAGAATAGCTCCCATATCTACTATGCCT	17748
Query	207210	CATGGAGGGGTCCCAGCTGGGATGGGTATTTGTGTGTGAATCTCAACTGTGTCCCTGATT	207269
Sbjct	17747	CATGGAGGGGTCCCAGCTGGGATGGGTATTTGTGTGTGAATCTCAACTGTGTCCCTGATT	17688
Query	207270	AGAGCATACCTCTTGAGAGACAGGCATGCAGTGAGCTTGGGAGGGAGGAGTAGGGGGTCA	207329
Sbjct	17687	AGAGCATACCTCTTGAGAGACAGGCATGCAGTGAGCTTGGGAGGGAGGAGTAGGGGGTCA	17628
Query	207330	GGCATGTCTATCTACCCCTGGTCCCAATTTATGACTTTTAATCTGAATAAAATTTGCTGA	207389
Sbjct	17627	GGCATGTCTATCTACCCCTGGTCCCAATTTATGACTTTTAATCTGAATAAAATTTGCTGA	17568
Query	207390	ATATCATATGATTGGCCAGTTTGGTGATACTACTTAAGTCATTTTATCTCAATGAATTTT	207449
Sbjct	17567	ATATCATATGATTGGCCAGTTTGGTGATACTACTTAAGTCATTTTATCTCAATGAATTTT	17508
Query	207450	CAGTGATTACCCCTTTTTACTTTTCAC TTCATAACTGTACACTCAAATTAGATTGGTATTT	207509
Sbjct	17507	CAGTGATTACCCCTTTTTACTTTTCAC TTCATAACTGTACACTCAAATTAGATTGGTATTT	17448
Query	207510	AATAATCTGAGAAGTTTCTGTGAGATTGGAAAATTGGGTC TTGAAACAAAGAGCTGAAG	207569
Sbjct	17447	AATAATCTGAGAAGTTTCTGTGAGATTGGAAAATTGGGTC TTGAAACAAAGAGCTGAAG	17388
Query	207570	GGGAACTACTTACTTGGTATTATTAGTCTAGGTCCCAC TTTTGCTGTCTTAACATCAAA	207629
Sbjct	17387	GGGAACTACTTACTTGGTATTATTAGTCTAGGTCCCAC TTTTGCTGTCTTAACATCAAA	17328
Query	207630	TTCTTAAAGCTGAAGTTTCATTCATTTTACTATCCAAACAGATACCTTTTTTCAGCCAGT	207689
Sbjct	17327	TTCTTAAAGCTGAAGTTTCATTCATTTTACTATCCAAACAGATACCTTTTTTCAGCCAGT	17268
Query	207690	TGTC TTTTGTCTTAATTGTGTACCTTTCCCTGTGTACTTTTCA TTTATACCTTGAGTATT	207749
Sbjct	17267	TGTC TTTTGTCTTAATTGTGTACCTTTCCCTGTGTACTTTTCA TTTATACCTTGAGTATT	17208
Query	207750	TATTTTAGTTTCAATAAGGATGA ttttttttAATTGCCAGCTATCACTGACTAGGATATA	207809
Sbjct	17207	TATTTTAGTTTCAATAAGGATGATTTTTTTAATTGCCAGCTATCACTGACTAGGATATA	17148
Query	207810	AGTAAGTTACTGCACAAGAACAAGTTAGAGTAAACAATG ttttttttACTGAATATTT	207869
Sbjct	17147	AGTAAGTTACTGCACAAGAACAAGTTAGAGTAAACAATG TTTTTTTTACTGAATATTT	17088
Query	207870	TTTATTTAAATTACATTTCAAATGTAATTCCTTTTCTGGTTTCCCAGACATAAGGCCCC	207929
Sbjct	17087	TTTATTTAAATTACATTTCAAATGTAATTCCTTTTCTGGTTTCCCAGACATAAGGCCCC	17028
Query	207930	TATCCCAATCTCCCTTCTTCTATAAGGGCATTCCTCCTCCCATCCCCC CACATTTCCC	207989
Sbjct	17027	TATCCCAATCTCCCTTCTTCTATAAGGGCATTCCTCCTCCCATCCCCC CACATTTCCC	16968
Query	207990	TTCACTGGGGGAGGGGTT CAGCCTTGGCAGGATCAAGGGCTTCTCCTCCCTCTGGTGCCC	208049
Sbjct	16967	TTCACTGGGGGAGGGGTT CAGCCTTGGCAGGATCAAGGGCTTCTCCTCCCTCTGGTGCCC	16908
Query	208050	AAAAGACCATCCTATGCTACACATGCAGCTGAAGCCATGAATCAGTCCATGTATAGTCTT	208109
Sbjct	16907	AAAAGACCATCCTATGCTACACATGCAGCTGAAGCCATGAATCAGTCCATGTATAGTCTT	16848
Query	208110	TGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGGTTGGCATGTGTGTT CATATGGGGTT	208169
Sbjct	16847	TGGGTAGTGGTTTAGTCCCTGTGAGCTCTGGTTGGTTGGCATGTGTGTT CATATGGGGTT	16788
Query	208170	GCAGGCCCTTCAGGTCTTTCAATCCATTCTCTAATTCCTCTAATGAGGGTCCTGTTCTC	208229
Sbjct	16787	GCAGGCCCTTCAGGTCTTTCAATCCATTCTCTAATTCCTCTAATGAGGGTCCTGTTCTC	16728

Query	208230	ACCTCAATGGTTTGCTGCTAGCATTCGCCTCTGTATTTGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCT	208289
Sbjct	16727	ACCTCAATGGTTTGCTGCTAGCATTCGCCTCTGTATTTGTCATGCTCTGGCAGAGCCTCT	16668
Query	208290	AAGGAGAAGCTATATCAGGCTCCTGTGAGCATGCACCTTCTTGGCTTCATCAATCTTATCT	208349
Sbjct	16667	AAGGAGAAGCTATATCAGGCTCCTGTGAGCATGCACCTTCTTGGCTTCATCAATCTTATCT	16608
Query	208350	AGTTTTGGTAGCTGTGTATATATGGGCTGTATATCCAGATGGGGCAGGCCCTGGATGGCC	208409
Sbjct	16607	AGTTTTGGTAGCTGTGTATATATGGGCTGTATATCCAGATGGGGCAGGCCCTGGATGGCC	16548
Query	208410	ATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCCCTCCTAAGAATATTTTTGAAA	208469
Sbjct	16547	ATTCCTTCAGTCTCTGCTCCAAACTTTGCCTCCATATCCCTCCTAAGAATATTTTTGAAA	16488
Query	208470	ACAATGTTTCCTAAAAATGATAAAATATGGTAAAGGGAAATGAAACATGAGAAATGTTGTGG	208529
Sbjct	16487	ACAATGTTTCCTAAAAATGATAAAATATGGTAAAGGGAAATGAAACATGAGAAATGTTGTGG	16428
Query	208530	tttcttttttttttttattaacttgagtatcttttttttttaattttattttattttttt	208589
Sbjct	16427	TTTCTTTTTTTTTTTTATTAACCTGAGTATTTCTTTTTTTTTTAATTTTATTTTATTTTTTT	16368
Query	208590	tttATTATTAACCTTGAGTATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCAGTTT	208649
Sbjct	16367	TTTATTATTAACCTTGAGTATTTCTTATATACATTTTCGAGTGTTATTCCCTTTCCCAGTTT	16308
Query	208650	CCGGGCAAACATccccctccccctccccctttcttatcggtgttccccctccccaccctcc	208709
Sbjct	16307	CCGGGCAAACATCCCCCTCCCCCTCCCCTTTCTTATCGGTGTTCCCCTCCCCACCCTCC	16248
Query	208710	ccccattgccaccctcccccccaACAATCACGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGAC	208769
Sbjct	16247	CCCCATTGCCACCCTCCCCCCCAACAATCACGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGAC	16188
Query	208770	CCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCA	208829
Sbjct	16187	CCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCA	16128
Query	208830	GAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGG	208889
Sbjct	16127	GAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGG	16068
Query	208890	TTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTC	208949
Sbjct	16067	TTGCTTGGCATTGTTGTACATATGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCCAGTCCTTTC	16008
Query	208950	TCTGATTCCTTCAACTGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGTTTGCTGCTGGCATTGCGCT	209009
Sbjct	16007	TCTGATTCCTTCAACTGGGGTCTATTCTCAGTTCAGTGTTTGCTGCTGGCATTGCGCT	15948
Query	209010	CTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTCAG	209069
Sbjct	15947	CTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTCAG	15888
Query	209070	TCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	209129
Sbjct	15887	TCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	15828
Query	209130	ATGTGGGGCAGACTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTC	209189
Sbjct	15827	ATGTGGGGCAGACTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCTC	15768
Query	209190	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTG	209249
Sbjct	15767	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCTTTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTG	15708
Query	209250	ATCATCCGCTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGACATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGCTA	209309
Sbjct	15707	ATCATCCGCTCTTGAGTTTCATTTGTTCTAGACATCTAGGGTAATTCACGCATTTGGGCTA	15648
Query	209310	ATAGCCACTTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACT	209369
Sbjct	15647	ATAGCCACTTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACT	15588
Query	209370	CAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTTCATAAACTCGTTGTTTTT	209429
Sbjct	15587	CAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTGCCTACGAATTTCATAAACTCGTTGTTTTT	15528
Query	209430	GATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGT	209489
Sbjct	15527	GATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGT	15468
Query	209490	TGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCAATGAACAT	209549
Sbjct	15467	TGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCAATGAACAT	15408
Query	209550	AGTGGAGCACGTGTCTTTGTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGG	209609

Sbjct	15407	AGTGGAGCACGTGCTCTTTGTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAGGAGAGG	15348
Query	209610	TATAGCTGGGTCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTT	209669
Sbjct	15347	TATAGCTGGGTCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGATCCTCCAGACTGATTT	15288
Query	209670	CCAGAATGGTTGTACCAGTTTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTCTTTCTCC	209729
Sbjct	15287	CCAGAATGGTTGTACCAGTTTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCTCTCTTTCTCC	15228
Query	209730	ACATCGTAAATTGCATTGCTTTGCTTGTTTTAAGATTTTCACCTAAGATTTTATTTAAGA	209789
Sbjct	15227	ACATCGTAAATTGCATTGCTTTGCTTGTTTTAAGATTTTCACCTAAGATTTTATTTAAGA	15168
Query	209790	TTTTAACACAATAAGAAGTATATGTTTTGATACATTGAAATTTCTTTCTAAATATTTTTT	209849
Sbjct	15167	TTTTAACACAATAAGAAGTATATGTTTTGATACATTGAAATTTCTTTCTAAATATTTTTT	15108
Query	209850	CTTCTATGACTATCCCAAAGCTAAGGTTTTTAAATTTTCATTAGTTACTTTTTGATACATA	209909
Sbjct	15107	CTTCTATGACTATCCCAAAGCTAAGGTTTTTAAATTTTCATTAGTTACTTTTTGATACATA	15048
Query	209910	CCCTAAAAGTGGATATTCATtatatatatataGGTGATAAttttttttAAATAGAAATTT	209969
Sbjct	15047	CCCTAAAAGTGGATATTCATTATATATATATAGGTGATAATTTTTTTTAAATAGAAATTT	14988
Query	209970	CAAAACATTTACTTTTATTTGAGATACATGTACTTACCTGGAAATTCttttttaattttaat	210029
Sbjct	14987	CAAAACATTTACTTTTATTTGAGATACATGTACTTACCTGGAAATTCCTTTTAATTTTAAT	14928
Query	210030	ttttAAGGAGCTGATGCAGTACACATGGATGGTGACCAGATTATTGTGGAAGTTCAAGAA	210089
Sbjct	14927	TTTTAAGGAGCTGATGCAGTACACATGGATGGTGACCAGATTATTGTGGAAGTTCAAGAA	14868
Query	210090	ACTGtttttttATCTAATTCAGATGTAAGTGTGCATAATTTTGTTCCTGATGATCCAGAC	210149
Sbjct	14867	ACTGTTTTTTTATCTAATTCAGATGTAAGTGTGCATAATTTTGTTCCTGATGATCCAGAC	14808
Query	210150	TCAGTTATAATTCAAGATGTTATTGAAAATGTTCTTATTGAAGATGTTCACTGCTCAAAT	210209
Sbjct	14807	TCAGTTATAATTCAAGATGTTATTGAAAATGTTCTTATTGAAGATGTTCACTGCTCAAAT	14748
Query	210210	ATTTTAGAGGAAACAGATATATCTGACAATGTCATTATTCCTGAGCAAGTGCTTGATTTA	210269
Sbjct	14747	ATTTTAGAGGAAACAGATATATCTGACAATGTCATTATTCCTGAGCAAGTGCTTGATTTA	14688
Query	210270	GATACAGCTGAAGAAGTGTCTTTAGCACAGTTTCCAATTCCAGACATTTTAGCTTCTAGT	210329
Sbjct	14687	GATACAGCTGAAGAAGTGTCTTTAGCACAGTTTCCAATTCCAGACATTTTAGCTTCTAGT	14628
Query	210330	ATTACATCAACCTCATTAAGTATGCCTGAACATATCTTGATGAGTGAAGCTATACATGTG	210389
Sbjct	14627	ATTACATCAACCTCATTAAGTATGCCTGAACATATCTTGATGAGTGAAGCTATACATGTG	14568
Query	210390	TCTGATGTAGGACACATTGAACAAGTGATTGATGATAGTCTAGTAGAAACAGAAGTCATT	210449
Sbjct	14567	TCTGATGTAGGACACATTGAACAAGTGATTGATGATAGTCTAGTAGAAACAGAAGTCATT	14508
Query	210450	ACTGATCCTCTGACAGCCGACATTTCAGAAATACTGGTAACAGATTGTGCTTCTGAAGCA	210509
Sbjct	14507	ACTGATCCTCTGACAGCCGACATTTCAGAAATACTGGTAACAGATTGTGCTTCTGAAGCA	14448
Query	210510	GTCTTAGATTCCAGTGGAATGCCTCTGGAGCAGCAAGATGATACCAAAGTCAACCGTGAC	210569
Sbjct	14447	GTCTTAGATTCCAGTGGAATGCCTCTGGAGCAGCAAGATGATACCAAAGTCAACCGTGAC	14388
Query	210570	GATTATCTTATGATTTCTTGTAAGTCTGAGCCACATGGCTATCAAAAGTAtgttttggt	210629
Sbjct	14387	GATTATCTTATGATTTCTTGTAAGTCTGAGCCACATGGCTATCAAAAGTATGTTTTGTT	14328
Query	210630	tttggtgttttggttttggtttCAGACAGGGTCTCATGCTGAACTTGAGTGTGTGCCACAAT	210689
Sbjct	14327	TTTGTTGTTTTGTTTTGTTTCAGACAGGGTCTCATGCTGAACTTGAGTGTGTGCCACAAT	14268
Query	210690	GCCTGAATTATCAAGGCAtttttggttttggttttggtttgtATGTGGATATACTTAA	210749
Sbjct	14267	GCCTGAATTATCAAGGCATTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTATGTGGATATACTTAA	14208
Query	210750	TTGTTGCTATATGTATATTCAGGTTTACAAGCATAGTTGAATGTGGAAGTCAGAAATTAG	210809
Sbjct	14207	TTGTTGCTATATGTATATTCAGGTTTACAAGCATAGTTGAATGTGGAAGTCAGAAATTAG	14148
Query	210810	CATAGCTTTGATCATTCTACCTTTATTTTCTGAGACCAAGATCTCTCAGTATACCTAAGG	210869
Sbjct	14147	CATAGCTTTGATCATTCTACCTTTATTTTCTGAGACCAAGATCTCTCAGTATACCTAAGG	14088
Query	210870	TTAGCAATTCTACTAGACTTTATTGCCACTTTTTATTGCCATTGCCAATAAACTTCAATA	210929
Sbjct	14087	TTAGCAATTCTACTAGACTTTATTGCCACTTTTTATTGCCATTGCCAATAAACTTCAATA	14028

Query	210930	ATTCACCTGTCTGACAGCACTCAGGATGTGAAAAAGGGGGATCATGATTTTCTGAAATCT	210989
Sbjct	14027	ATTCACCTGTCTGACAGCACTCAGGATGTGAAAAAGGGGGATCATGATTTTCTGAAATCT	13968
Query	210990	AGCGATGGTTACATAGTAACACCCAATTTCAAAACAGTAAAAACAACCTCttttttttAT	211049
Sbjct	13967	AGCGATGGTTACATAGTAACACCCAATTTCAAAACAGTAAAAACAACCTCTTTTTTTTAT	13908
Query	211050	TTTGACCAGTAAAATAATGTCTTTACATTTGTTCCCTGTGAACATCTTAAAAttttatgg	211109
Sbjct	13907	TTTGACCAGTAAAATAATGTCTTTACATTTGTTCCCTGTGAACATCTTAAAAATTTATGG	13848
Query	211110	gtttattttgttctgttttgtttttaataaatttttaggtttgggatattacttttCCA	211169
Sbjct	13847	GTTTATTTTGTCTGTGTTTTGTTTTAATAAAATTTGTAGGTTTGGGATATTACTTTTCCA	13788
Query	211170	TCTTCATCTTATTTCTTTTTTGTCTTCTGGCATGCAGGCATTTTTTAAAAATATAAACTA	211229
Sbjct	13787	TCTTCATCTTATTTCTTTTTTGTCTTCTGGCATGCAGGCATTTTTTAAAAATATAAACTA	13728
Query	211230	TAGTATTTTCATAAGTCATTTTCATGCATGTAGCTGTCACTTAGAATCACTTTATTCTCATA	211289
Sbjct	13727	TAGTATTTTCATAAGTCATTTTCATGCATGTAGCTGTCACTTAGAATCACTTTATTCTCATA	13668
Query	211290	TTGTTACATATGAGGCCATTTTCATTTCGTATTATTGTTTTCTGCCaaaaaaaTATGGCTA	211349
Sbjct	13667	TTGTTACATATGAGGCCATTTTCATTTCGTATTATTGTTTTCTGCCAAAAAAATATGGCTA	13608
Query	211350	ATAATGTGTTGCTAATGTGGTGACAAAATACTATGACCAGAAGCAAGCAGGAAAGGAAAT	211409
Sbjct	13607	ATAATGTGTTGCTAATGTGGTGACAAAATACTATGACCAGAAGCAAGCAGGAAAGGAAAT	13548
Query	211410	GATTTATTTGGCTTAGACTTCAGAACACTTTTTTAATCACTGAAAGAAATCAGGACAGGA	211469
Sbjct	13547	GATTTATTTGGCTTAGACTTCAGAACACTTTTTTAATCACTGAAAGAAATCAGGACAGGA	13488
Query	211470	ACTCAAACACTCTGGAGGCAGAAGCTGATATAGAGGCAGTAGAGGGGTGCTGCTTGCTGG	211529
Sbjct	13487	ACTCAAACACTCTGGAGGCAGAAGCTGATATAGAGGCAGTAGAGGGGTGCTGCTTGCTGG	13428
Query	211530	CTTTAAATATTTATCTTATATATATGAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGACACACCAGAAG	211589
Sbjct	13427	CTTTAAATATTTATCTTATATATATGAGTACACTGTAGCTGTCTTCAGACACACCAGAAG	13368
Query	211590	AGGGCATCAGATCCCATTCAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAGTCCAAC	211649
Sbjct	13367	AGGGCATCAGATCCCATTCAGATGGTTGTGAGCCACCATGTGGTTGCTGGGAGTCCAAC	13308
Query	211650	TCAGAACCTCTGGAAGAGCCGTCAAGTGTCTAACCCTGAGCCATCTCTCCAGCTCCTCG	211709
Sbjct	13307	TCAGAACCTCTGGAAGAGCCGTCAAGTGTCTAACCCTGAGCCATCTCTCCAGCTCCTCG	13248
Query	211710	ACTTTTCTTATAGGACCCAGGACTACCAGCTCAGGGTTGGCCTCATTACAAATGAGCTGG	211769
Sbjct	13247	ACTTTTCTTATAGGACCCAGGACTACCAGCTCAGGGTTGGCCTCATTACAAATGAGCTGG	13188
Query	211770	GCCTTCTCATGTCTGCCTACAGGTGTAACCTACAATCTGATCTTGTGGAGACATTTTCTTA	211829
Sbjct	13187	GCCTTCTCATGTCTGCCTACAGGTGTAACCTACAATCTGATCTTGTGGAGACATTTTCTTA	13128
Query	211830	AAAGGTTACGCTTTTGAGATGATTTTCAGTTTGTGCTGGCATAAAACTATCCTGCATAAT	211889
Sbjct	13127	AAAGGTTACGCTTTTGAGATGATTTTCAGTTTGTGCTGGCATAAAACTATCCTGCATAAT	13068
Query	211890	AGTAAAACAAAAATTTTAGTAATCAAATAGGTATATGAATCTGGTTTCTGTGTTTACAAA	211949
Sbjct	13067	AGTAAAACAAAAATTTTAGTAATCAAATAGGTATATGAATCTGGTTTCTGTGTTTACAAA	13008
Query	211950	AATGAAGGCAGGCATTGGGAAATTGATAAGATTTACAGGCTAATAGAATGATCACTAGG	212009
Sbjct	13007	AATGAAGGCAGGCATTGGGAAATTGATAAGATTTACAGGCTAATAGAATGATCACTAGG	12948
Query	212010	TGTTTTATTGTTGTAGATATTACAAATTTTATTTCAAATAACATTTATGCATTTTTATT	212069
Sbjct	12947	TGTTTTATTGTTGTAGATATTACAAATTTTATTTCAAATAACATTTATGCATTTTTATT	12888
Query	212070	TATATGAAAATAAAATAGGGCATATTGTATTTCTTTCATTAGTTAAAGTGATTCAATTATA	212129
Sbjct	12887	TATATGAAAATAAAATAGGGCATATTGTATTTCTTTCATTAGTTAAAGTGATTCAATTATA	12828
Query	212130	AGCATGTGGTTATTTTCATTTTAAAGTTTTTTAAAATAATAAGATAACATCTCAGCAAAGT	212189
Sbjct	12827	AGCATGTGGTTATTTTCATTTTAAAGTTTTTTAAAATAATAAGATAACATCTCAGCAAAGT	12768
Query	212190	TTCTTTTCATTGTTTCAGCAAAGTCAAAAGTAGAACTAGATATAGAGTACTTATCTAGCA	212249
Sbjct	12767	TTCTTTTCATTGTTTCAGCAAAGTCAAAAGTAGAACTAGATATAGAGTACTTATCTAGCA	12708
Query	212250	AGCACAAAGGCCTGGATTCTATTATCAGCACTGCAGGTTTTTTGCTCTGTTTTTAAAGAAC	212309

Sbjct	12707	AGCACAAAGGCCCTGGATTCTATTATCAGCACTGCAGGTTTTTTGCTCTGTTTTTAAAGAAC	12648
Query	212310	TTTATAATTTTTTAAATTATTAGTATATATGGATAGGTGTTTTGCCTGCATAAATGTCTG	212369
Sbjct	12647	TTTATAATTTTTTAAATTATTAGTATATATGGATAGGTGTTTTGCCTGCATAAATGTCTG	12588
Query	212370	TGTACTGTATACTCTGGTGCCCAAGGAGGCCAGAAGTGTGTGGTCAAATCTTCATATTTT	212429
Sbjct	12587	TGTACTGTATACTCTGGTGCCCAAGGAGGCCAGAAGTGTGTGGTCAAATCTTCATATTTT	12528
Query	212430	CTTTCACATGTAAatacatatatatgtgttggtgtgtgtatatacatatatgtgtgttatatg	212489
Sbjct	12527	CTTTCACATGTAAATACATATATATGTGTGTGTGTATACATATATGTGTGTTATATG	12468
Query	212490	gtatattatatataagctatacaacatatTTTTgtctctgtatatatgtgtataccaaata	212549
Sbjct	12467	GTATATTATATATAAGCTATACAACATATTTTGTCTCTGTATATATGTGTATACCAAATA	12408
Query	212550	taccaaatacacatacatgcatacacatacataaaatacacacacacatatagTGTTTG	212609
Sbjct	12407	TACCAAATATACATACATGCATACATACATAAAATACACACACACATATAGTGTTTG	12348
Query	212610	AAACTGAACACAAAGAAGAAAAACAGTGTCTTAAATGGGAAATTAGAGAAAGAAGTTT	212669
Sbjct	12347	AAACTGAACACAAAGAAGAAAAACAGTGTCTTAAATGGGAAATTAGAGAAAGAAGTTT	12288
Query	212670	TAAGAGGATGAGGTGATAGGTGATTTGGAAGGAGAAAAATAGCTAGGAAGAAATGGGAGC	212729
Sbjct	12287	TAAGAGGATGAGGTGATAGGTGATTTGGAAGGAGAAAAATAGCTAGGAAGAAATGGGAGC	12228
Query	212730	AGCAGGAGGATAGAAAAGTGAAGGTATGAAGGTTTTTGAGAGAGATAACTTAATGTTTAGGA	212789
Sbjct	12227	AGCAGGAGGATAGAAAAGTGAAGGTATGAAGGTTTTTGAGAGAGATAACTTAATGTTTAGGA	12168
Query	212790	ATACTTGTTTTTCACAGAATACATAAGTTCAGTTCTCACATGGTGACTCACAAACCACCTAG	212849
Sbjct	12167	ATACTTGTTTTTCACAGAATACATAAGTTCAGTTCTCACATGGTGACTCACAAACCACCTAG	12108
Query	212850	TTCTGCTTAGGGGTTTCAGTACCCTCTTCTGATATCTGGCAGGTATACATCTACCTGGTG	212909
Sbjct	12107	TTCTGCTTAGGGGTTTCAGTACCCTCTTCTGATATCTGGCAGGTATACATCTACCTGGTG	12048
Query	212910	CAAATGTATTCTATACCCATAAAATTAGTCTTTTAAATTTTAAAGGAGGTGGAGGTATGAA	212969
Sbjct	12047	CAAATGTATTCTATACCCATAAAATTAGTCTTTTAAATTTTAAAGGAGGTGGAGGTATGAA	11988
Query	212970	AGGAAAAGACAAAAGGTACATATGAAATGCCACATTAAACTCATTTAGTGATATTTTTTAA	213029
Sbjct	11987	AGGAAAAGACAAAAGGTACATATGAAATGCCACATTAAACTCATTTAGTGATATTTTTTAA	11928
Query	213030	CTAAAACATAAAAAAGCAGTTAAGTGGCAAAATATCCATGTTGATAAGAGAGATAGTTTT	213089
Sbjct	11927	CTAAAACATAAAAAAGCAGTTAAGTGGCAAAATATCCATGTTGATAAGAGAGATAGTTTT	11868
Query	213090	AGAATTCACGTGAAGCAGTACTGAATGTCACTTTATATTTGCCTTTTAAATGTTCACTTTT	213149
Sbjct	11867	AGAATTCACGTGAAGCAGTACTGAATGTCACTTTATATTTGCCTTTTAAATGTTCACTTTT	11808
Query	213150	GAAATAACTACATTTATTGATATGAAATAATTCTAATTAGATAAATGAACTTTCAGAACT	213209
Sbjct	11807	GAAATAACTACATTTATTGATATGAAATAATTCTAATTAGATAAATGAACTTTCAGAACT	11748
Query	213210	TTTAGTTGTTTCGGAGATTTCAAATCTTTGTCTCTGAATATAAACCACTTAAAATATGGT	213269
Sbjct	11747	TTTAGTTGTTTCGGAGATTTCAAATCTTTGTCTCTGAATATAAACCACTTAAAATATGGT	11688
Query	213270	TTAAAATATGGCTTAAAAAGCATTTAAACTTTTTAATATACTTTTCCTTAAGTATTTTTT	213329
Sbjct	11687	TTAAAATATGGCTTAAAAAGCATTTAAACTTTTTAATATACTTTTCCTTAAGTATTTTTT	11628
Query	213330	GTGCTGAACTTAACACATTGTCTATTGTCTTTCCATTGTTACTTTTCTAATAATCATACT	213389
Sbjct	11627	GTGCTGAACTTAACACATTGTCTATTGTCTTTCCATTGTTACTTTTCTAATAATCATACT	11568
Query	213390	TTGAttttttttAAAGATGTCATTTGTTTATTTATAGAGAGTCATCTCCAGGGTAGTCTC	213449
Sbjct	11567	TTGATTTTTTTTAAAGATGTCATTTGTTTATTTATAGAGAGTCATCTCCAGGGTAGTCTC	11508
Query	213450	AAACTCATTTTGTAGCAATTATTCTCTCTTTTGCCTCAACTGGCCAGTGTGGCATTGCA	213509
Sbjct	11507	AAACTCATTTTGTAGCAATTATTCTCTCTTTTGCCTCAACTGGCCAGTGTGGCATTGCA	11448
Query	213510	GATAATAGAATTCATTAGCAAAATTAAAGCAGTGGTAAGGATGAAACCCTAGACTTTGTT	213569
Sbjct	11447	GATAATAGAATTCATTAGCAAAATTAAAGCAGTGGTAAGGATGAAACCCTAGACTTTGTT	11388
Query	213570	CATGTTAGGCAAGCACTCTTCCAAGACACATTTCTAAACTAAAATTTTCATAGAAATACA	213629
Sbjct	11387	CATGTTAGGCAAGCACTCTTCCAAGACACATTTCTAAACTAAAATTTTCATAGAAATACA	11328



Query	213630	TGTGATTAAATTATATTCAAAGATAAATAATAGGTAGAGCCaaaaaaaaTTACTTTAAAGA	213689
Sbjct	11327	TGTGATTAAATTATATTCAAAGATAAATAATAGGTAGAGCCAAAAAAAAATTACTTTAAAGA	11268
Query	213690	GTTCTGTTGACTGACTTTTTACCATGTTGGTATTTTTATTTATAGATGAGTAAATGAGAA	213749
Sbjct	11267	GTTCTGTTGACTGACTTTTTACCATGTTGGTATTTTTATTTATAGATGAGTAAATGAGAA	11208
Query	213750	AATATGCTCATTTATTACTCTTCATGTTTTGGAGGTATATAACAGTTTAGATTGTTCTAA	213809
Sbjct	11207	AATATGCTCATTTATTACTCTTCATGTTTTGGAGGTATATAACAGTTTAGATTGTTCTAA	11148
Query	213810	ATCATTFFFFFFCTGTACTTATTTTTGTAAGTTAATTACACGTGGCTACATAGTATAGTGAT	213869
Sbjct	11147	ATCATTFFFFFFCTGTACTTATTTTTGTAAGTTAATTACACGTGGCTACATAGTATAGTGAT	11088
Query	213870	ACTACTATGTATAAGCTCCTGaatttaattaaattaaattaaattaatttaaattCCAGTAG	213929
Sbjct	11087	ACTACTATGTATAAGCTCCTGAATTAATTAATAATTAATAATTAATAATTAATAATCCAGTAG	11028
Query	213930	AGTCCTGAAAATAGGAAAAAGCGTTTTGCTTCTAGTATTTTCCAGAAATCATCCAATTTT	213989
Sbjct	11027	AGTCCTGAAAATAGGAAAAAGCGTTTTGCTTCTAGTATTTTCCAGAAATCATCCAATTTT	10968
Query	213990	ATTTGTACATTTTCAAGTATATTTCTAAGAAGAACTTCTTTTTAAAGATAAATTTACTT	214049
Sbjct	10967	ATTTGTACATTTTCAAGTATATTTCTAAGAAGAACTTCTTTTTAAAGATAAATTTACTT	10908
Query	214050	TATTATTTTCAGTATTTTGCCTTCTTTCAAAgtggtgctgtggtggtgctgtgctgtgctgt	214109
Sbjct	10907	TATTATTTTCAGTATTTTGCCTTCTTTCAAAGTGTGTCTGTGTGTGTGTCTGTGTGTCTGT	10848
Query	214110	gtgtATACATAACATAGTGTGCAGTGCCCATGGAACTAGAAGAAGGCATCCCCTGGAATG	214169
Sbjct	10847	GTGTATACATAACATAGTGTGCAGTGCCCATGGAACTAGAAGAAGGCATCCCCTGGAATG	10788
Query	214170	AAAATAGTGGTGTTGTGAGTGTTTCCCTATGTGGATATTGGGAATCTTGGTCCTGTGCA	214229
Sbjct	10787	AAAATAGTGGTGTTGTGAGTGTTTCCCTATGTGGATATTGGGAATCTTGGTCCTGTGCA	10728
Query	214230	AGAATAGCAAGTGTTTTTAGCCAGATCTCTAGACCCAGGTAAAAAGGAATTTTCTTTGGA	214289
Sbjct	10727	AGAATAGCAAGTGTTTTTAGCCAGATCTCTAGACCCAGGTAAAAAGGAATTTTCTTTGGA	10668
Query	214290	AATTTACCTAACAGTTTGTGTATAGTATGTAAGTGAGAAGAGGGGAAAAGATGATAGAGGA	214349
Sbjct	10667	AATTTACCTAACAGTTTGTGTATAGTATGTAAGTGAGAAGAGGGGAAAAGATGATAGAGGA	10608
Query	214350	GAATTCAACTTTTAGAAATCACTTCTCTCTGTTATTGGTTCTAAGAAGCAAACCTTAAGG	214409
Sbjct	10607	GAATTCAACTTTTAGAAATCACTTCTCTCTGTTATTGGTTCTAAGAAGCAAACCTTAAGG	10548
Query	214410	TGTCAGACCCTAAGCCATCCAGCCAGTCCCTCTTCATTTCTATTTaaaaaaaagaaaaa	214469
Sbjct	10547	TGTCAGACCCTAAGCCATCCAGCCAGTCCCTCTTCATTTCTATTTAAAAAAAAGAAAAA	10488
Query	214470	GGAAGCCATATTTTATTTTATATCTACTATAAAGATTTATAATACATTTCTTATTTAGT	214529
Sbjct	10487	GGAAGCCATATTTTATTTTATATCTACTATAAAGATTTATAATACATTTCTTATTTAGT	10428
Query	214530	GGATGATGCTGGCAAAACAGAGAATGAAGGTTTCATCTGAAGTTACCACGAATGCAGAGTC	214589
Sbjct	10427	GGATGATGCTGGCAAAACAGAGAATGAAGGTTTCATCTGAAGTTACCACGAATGCAGAGTC	10368
Query	214590	AGAAAGTGATCCTTATAAATTAATGAAACATCTCCTGAAGTTATCAAGGTGTACATTTT	214649
Sbjct	10367	AGAAAGTGATCCTTATAAATTAATGAAACATCTCCTGAAGTTATCAAGGTGTACATTTT	10308
Query	214650	TAAAGCTGACCTGAAGAGGATGATGTAGGTAAGGAAGAAAACattttaatttatatgtgt	214709
Sbjct	10307	TAAAGCTGACCTGAAGAGGATGATGTAGGTAAGGAAGAAAACATTTAATTTATATGTGT	10248
Query	214710	gttataacaatttacactattttatatatttttataaataaaattttataaatgtgtataaat	214769
Sbjct	10247	GTTATAACAATTTACACTATTTATATTTTTTATAAATAAAATTTATAAATGTGTATAAAT	10188
Query	214770	atttatattattttctatatattattaatGTGATTGTTTTCTTTGGGGTGGAGGGTTGTGTGT	214829
Sbjct	10187	ATTTATATTATTTTCTATATTATTAATGTGATTGTTTTCTTTGGGGTGGAGGGTTGTGTGT	10128
Query	214830	TTTTGAGGCAGGGTCTCCCATGTAGACTTGGCTGACCTGGAACACCTAATGTATACGA	214889
Sbjct	10127	TTTTGAGGCAGGGTCTCCCATGTAGACTTGGCTGACCTGGAACACCTAATGTATACGA	10068
Query	214890	ACCAGGTAGGATTCAAACGCCAGTAATATGCTTGCCTCTGCCTCCTGAGTATTGGAATT	214949
Sbjct	10067	ACCAGGTAGGATTCAAACGCCAGTAATATGCTTGCCTCTGCCTCCTGAGTATTGGAATT	10008
Query	214950	AGAGCATGTGCCACCAGGCCCTGATATTACTTAGATTTTTCAAAGCTGTTTAGGTTGGAA	215009

Sbjct	10007	AGAGCATGTGCCACCAGGCCCTGATATTACTTAGATTTTTCAAAGCTGTTTAGGTGGAA	9948
Query	215010	ATTTTGAAAGCCTCTTTGAAGATAACTTTAATATATTTGTAATATAATCTGCAGATACTA	215069
Sbjct	9947	ATTTTGAAAGCCTCTTTGAAGATAACTTTAATATATTTGTAATATAATCTGCAGATACTA	9888
Query	215070	TAAAAAGGAAACCTAGTAAATTAAATAAACCAAATTCCAAATTAATTTTTATAGTTTATT	215129
Sbjct	9887	TAAAAAGGAAACCTAGTAAATTAAATAAACCAAATTCCAAATTAATTTTTATAGTTTATT	9828
Query	215130	TTCTTTTAGGAGAAACTGTAGACATTGTGGAGAGTAAGACTGACAATGGCAATGAAGCTG	215189
Sbjct	9827	TTCTTTTAGGAGAAACTGTAGACATTGTGGAGAGTAAGACTGACAATGGCAATGAAGCTG	9768
Query	215190	AAGTCATTGATCAGAGTAGCAGCATTTATGTTCCAGAGACAATGTTTATATGCCAGTCA	215249
Sbjct	9767	AAGTCATTGATCAGAGTAGCAGCATTTATGTTCCAGAGACAATGTTTATATGCCAGTCA	9708
Query	215250	GTGATTCTCAGAAGGAAGAAGATACTAGTAAGTAGATGGCTTATTTGAATGGAGATG	215309
Sbjct	9707	GTGATTCTCAGAAGGAAGAAGATACTAGTAAGTAGATGGCTTATTTGAATGGAGATG	9648
Query	215310	ATTTTGTTTTCTATAAACTATAATTCTTTTCAAGCAAGCAGTACTATGACAGCTCTGTGTA	215369
Sbjct	9647	ATTTTGTTTTCTATAAACTATAATTCTTTTCAAGCAAGCAGTACTATGACAGCTCTGTGTA	9588
Query	215370	GGGATTATTATGCTACCACATAAAAAAGGATATCAGTATTCTTTTTTCAAGAAAGGATGT	215429
Sbjct	9587	GGGATTATTATGCTACCACATAAAAAAGGATATCAGTATTCTTTTTTCAAGAAAGGATGT	9528
Query	215430	GTATTTAACTTTCTGTTTGAATTCTAAAattttgtcattaagtttactttttatagttgg	215489
Sbjct	9527	GTATTTAACTTTCTGTTTGAATTCTAAAATTTTGTCAATTAAGTTTACTTTTATAGTTGG	9468
Query	215490	ttatttttatttattttacgtttCAAATGTTATCCCCCTTGCTGGTTTCACCTCTGCGACCC	215549
Sbjct	9467	TTATTTTATTTATTTACGTTTCAAATGTTATCCCCCTTGCTGGTTTCACCTCTGCGACCC	9408
Query	215550	CATCACATCACCCCTCATGCCCTACTTCTATTAGGGAAGCTCTCCCAACCACTAACCCACT	215609
Sbjct	9407	CATCACATCACCCCTCATGCCCTACTTCTATTAGGGAAGCTCTCCCAACCACTAACCCACT	9348
Query	215610	TACACACTCCAGCCTCAGTGCCCTAGCAACCCCTACACTAGGGCATTGAGCTTCCACAGG	215669
Sbjct	9347	TACACACTCCAGCCTCAGTGCCCTAGCAACCCCTACACTAGGGCATTGAGCTTCCACAGG	9288
Query	215670	ACCAAGGGCCTCCCCTCCCATTGATACTAGGTAAGGCTATCCTCTGCTACATATGCAGTT	215729
Sbjct	9287	ACCAAGGGCCTCCCCTCCCATTGATACTAGGTAAGGCTATCCTCTGCTACATATGCAGTT	9228
Query	215730	GGAGCCATGGGTTGCTCCATGTGTACTCTTTGGTTGGTGGTTTAGTCCCTGGGAGGCCTG	215789
Sbjct	9227	GGAGCCATGGGTTGCTCCATGTGTACTCTTTGGTTGGTGGTTTAGTCCCTGGGAGGCCTG	9168
Query	215790	GTTGGTTGATATTGTTGTTCTTCTGTGCAGTTGCAAACCCCTTCAACTCTTTTATTCCT	215849
Sbjct	9167	GTTGGTTGATATTGTTGTTCTTCTGTGCAGTTGCAAACCCCTTCAACTCTTTTATTCCT	9108
Query	215850	TCCCCTAACTCCCTCAGTGGGGTCCCAGTGCTCAGTCTGATGGTTGGCTGTGAGCATCTG	215909
Sbjct	9107	TCCCCTAACTCCCTCAGTGGGGTCCCAGTGCTCAGTCTGATGGTTGGCTGTGAGCATCTG	9048
Query	215910	ACAAAGCCTCTCAGGGGACAGCTAAACCAGGCTTCTGGCAGCAAGAGCTTCTTGACATCA	215969
Sbjct	9047	ACAAAGCCTCTCAGGGGACAGCTAAACCAGGCTTCTGGCAGCAAGAGCTTCTTGACATCA	8988
Query	215970	GCAATTCTGTCTAAGTTTGGTGTCTGTAGATAGGATACCCCTAGGTGGGGCAGTCTCTGG	216029
Sbjct	8987	GCAATTCTGTCTAAGTTTGGTGTCTGTAGATAGGATACCCCTAGGTGGGGCAGTCTCTGG	8928
Query	216030	ATGGCCTTTTCCTTAGATCTCTGTTTCACTCTTTGTCCCTCGCATTTCTTTAGACAGGAACA	216089
Sbjct	8927	ATGGCCTTTTCCTTAGATCTCTGTTTCACTCTTTGTCCCTCGCATTTCTTTAGACAGGAACA	8868
Query	216090	ATTATGAGTTAAATATTTAAGATGAGTGGGTTACCCATACCTCAACCAGTGACCATGCC	216149
Sbjct	8867	ATTATGAGTTAAATATTTAAGATGAGTGGGTTACCCATACCTCAACCAGTGACCATGCC	8808
Query	216150	TTTACAGGTCCTTTCTCCCCTTTGTTGGGTATTTCAACTATGGTTATCCCCATTGGGTAC	216209
Sbjct	8807	TTTACAGGTCCTTTCTCCCCTTTGTTGGGTATTTCAACTATGGTTATCCCCATTGGGTAC	8748
Query	216210	TAGAAACATCTTGGGTCCCTGCCATCTGGGACTTTCTAGGAGCTACTCCCAGTTCTCCCT	216269
Sbjct	8747	TAGAAACATCTTGGGTCCCTGCCATCTGGGACTTTCTAGGAGCTACTCCCAGTTCTCCCT	8688
Query	216270	CCCTAATGATACATACCTCCTTTCAAATTCGACCTCTGTGGttctccccatctcctt	216329
Sbjct	8687	CCCTAATGATACATACCTCCTTTCAAATTCGACCTCTGTGGTCTCCCCATCTCCTT	8628

Query	216330	ccttttctgaaactggccctcttttccctcccttttcctgtctccttcccAGATCCCTCTTT	216389
Sbjct	8627	CCTTTTCTGAACTGGCCCTCTTTCCCTCCCTTTCTGTCTCCTTCCCAGATCCCTCTTT	8568
Query	216390	GCCTCTGCTTCTCTGGGGATTATTTTCTTCCCCCTTCTGAGTTAGGACTGCAGCATCCACA	216449
Sbjct	8567	GCCTCTGCTTCTCTGGGGATTATTTTCTTCCCCCTTCTGAGTTAGGACTGCAGCATCCACA	8508
Query	216450	CATTGGTGTGATCTTTCTTCTCTGGTTTCATATGGTCTGTGAGTTGAATCATGGGTATTC	216509
Sbjct	8507	CATTGGTGTGATCTTTCTTCTCTGGTTTCATATGGTCTGTGAGTTGAATCATGGGTATTC	8448
Query	216510	TGTGCTTCTTTTGTCTTTATATTCACCTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTCTTTTA	216569
Sbjct	8447	TGTGCTTCTTTTGTCTTTATATTCACCTATCAGTGAGTGCATACCATGTGTGTTCTTTTA	8388
Query	216570	TGACTAGATTACCTCATTACAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTCGCTACGAATT	216629
Sbjct	8387	TGACTAGATTACCTCATTACAGGATGATATTTTCCAGTTCCATCCATTTCGCTACGAATT	8328
Query	216630	CATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTT	216689
Sbjct	8327	CATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTT	8268
Query	216690	CTATATCCATTCTCTGTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAA	216749
Sbjct	8267	CTATATCCATTCTCTGTTGAAGGACATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAA	8208
Query	216750	TAAGGCTGCGATGAACATAGTGGAGCACGTGCTTTGTTATATGTTGGGACATCTTTTGG	216809
Sbjct	8207	TAAGGCTGCGATGAACATAGTGGAGCACGTGCTTTGTTATATGTTGGGACATCTTTTGG	8148
Query	216810	GTATATGCCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAG	216869
Sbjct	8147	GTATATGCCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAG	8088
Query	216870	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAG	216929
Sbjct	8087	GAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAG	8028
Query	216930	GAGTGTTCTCTTTCTCTACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCATCTGAGTTTTTGATCTT	216989
Sbjct	8027	GAGTGTTCTCTTTCTCTACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCATCTGAGTTTTTGATCTT	7968
Query	216990	AGCTGTTCTGTCTGGTATAAGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTGATGAC	217049
Sbjct	7967	AGCTGTTCTGTCTGGTATAAGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTGATGAC	7908
Query	217050	TAAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTTCGATAATCCTTAGCTGAGAA	217109
Sbjct	7907	TAAGGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGCTTCTCAGCCATTTCGATAATCCTTAGCTGAGAA	7848
Query	217110	CGTTTTGTTTAGTTCTGTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAAC	217169
Sbjct	7847	CGTTTTGTTTAGTTCTGTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGCTCTCTGGAGTCTAAC	7788
Query	217170	TTCTTGAGTTCTTTGTATATATTAGATATTAGCCCTGTATTGGATATAGGTTGGTAAAAA	217229
Sbjct	7787	TTCTTGAGTTCTTTGTATATATTAGATATTAGCCCTGTATTGGATATAGGTTGGTAAAAA	7728
Query	217230	TCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAATGTCCTTTGCTTTATAGA	217289
Sbjct	7727	TCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCATTTTGTCTATTGACAATGTCCTTTGCTTTATAGA	7668
Query	217290	AGCTTTTCAATTTTATGAGGTCCTATTTGTCAATTGTTGATCTTAAAGCATAAGCCATTA	217349
Sbjct	7667	AGCTTTTCAATTTTATGAGGTCCTATTTGTCAATTGTTGATCTTAAAGCATAAGCCATTA	7608
Query	217350	GTGTTTTGTTTCAGAAAAATTTCCCTTGTCCTATATAGTCAAGGCTCTTCCCCACTTTCT	217409
Sbjct	7607	GTGTTTTGTTTCAGAAAAATTTCCCTTGTCCTATATAGTCAAGGCTCTTCCCCACTTTCT	7548
Query	217410	CTTCTGTTAGTTTCAGTGTATCCGCTTTTATGGGGACGTACTTTATCCACTTGGACTTGA	217469
Sbjct	7547	CTTCTGTTAGTTTCAGTGTATCCGCTTTTATGGGGACGTACTTTATCCACTTGGACTTGA	7488
Query	217470	GCTTTGTATTAAGAATGGATCGATCTGCATTTTTTATACATGCTCACCCCCAATTGAACCA	217529
Sbjct	7487	GCTTTGTATTAAGAATGGATCGATCTGCATTTTTTATACATGCTCACCCCCAATTGAACCA	7428
Query	217530	GCACCATTGTTGAAACTGCTGGGGtttttttttCCCCACTGGAAGGTTGTGGCTCCTTTGT	217589
Sbjct	7427	GCACCATTGTTGAAACTGCTGGGGTTTTTTTTCCCCACTGGAAGGTTGTGGCTCCTTTGT	7368
Query	217590	CAAAGATCAGGTGACCATAGGTCTGTGCATTTTATTCTGAATCTTCAATTCTATTCCATT	217649
Sbjct	7367	CAAAGATCAGGTGACCATAGGTCTGTGCATTTTATTCTGAATCTTCAATTCTATTCCATT	7308
Query	217650	GTCTTCTCTGTCTGTCTGTATACTAGGGCCCTACtttttttttttttttAAATCACTATTG	217709

Sbjct	7307	GTTCTTCCTGCTGTCTGTATACTAGGGCCCTACTTTTTTTTTTTTTTAAATCACTATTG	7248
Query	217710	GTCTGTAGAACAGCTTAGCTTGAAATCAGGGATGGTCATTCCCTGGAAATTCTCTTATTG	217769
Sbjct	7247	GTCTGTAGAACAGCTTAGCTTGAAATCAGGGATGGTCATTCCCTGGAAATTCTCTTATTG	7188
Query	217770	TTGAGGATAGGtttttttGCCTTTCAGATGAATTTGAAAATTGCTCTTTCTATCTCTGT	217829
Sbjct	7187	TTGAGGATAGGTTTTTTTGCCTTTCAGATGAATTTGAAAATTGCTCTTTCTATCTCTGT	7128
Query	217830	GAAGAATTGAGGAGGAATTTTGATGGGGATTGCATTTAATCTATAGATTGCTTTTGGCAA	217889
Sbjct	7127	GAAGAATTGAGGAGGAATTTTGATGGGGATTGCATTTAATCTATAGATTGCTTTTGGCAA	7068
Query	217890	AATGGCCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCTTGGGAGATCTTTTTATCT	217949
Sbjct	7067	AATGGCCATCTTTACTATATTAATCCTGCCAATCCATGAGCTTGGGAGATCTTTTTATCT	7008
Query	217950	TCTAAGGTCTTCTTGGAATTCtttttttAGACACTTAATGTTTTGTGGTGTTTAAATTG	218009
Sbjct	7007	TCTAAGGTCTTCTTGGAATTCTTTTTTTAGACACTTAATGTTTTGTGGTGTTTAAATTG	6948
Query	218010	TTTTAAACAATaaaaaaaaCCAAATAGAAATCAAGACATGATGCCATACACATACTCCTA	218069
Sbjct	6947	TTTTAAACAATAAAAAAAAACCAAATAGAAATCAAGACATGATGCCATACACATACTCCTA	6888
Query	218070	GCACCTTGCAAGGCTGAAATAGGGGAATTGTGAGTGGCAAATTGAATTTTCAGAGTAGCCTG	218129
Sbjct	6887	GCACCTTGCAAGGCTGAAATAGGGGAATTGTGAGTGGCAAATTGAATTTTCAGAGTAGCCTG	6828
Query	218130	GTATTATTAAGTAGGATTTTTCTCTTGaaaaatcaaataaaaaataaattattaaaaataa	218189
Sbjct	6827	GTATTATTAAGTAGGATTTTTCTCTTGAAAAATCAAATAAAAATAAATTATTAAAAATAA	6768
Query	218190	aaGATAGAAAGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTGGAGCGCTTGCCTAGCAACTGCAAGGC	218249
Sbjct	6767	AAGATAGAAAGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTGGAGCGCTTGCCTAGCAACTGCAAGGC	6708
Query	218250	CCTGGGTTTGGTTCCCAGGTCCGGaaaaaaaaaaaaGGTAGAATGTACTCCATTTTCATT	218309
Sbjct	6707	CCTGGGTTTGGTTCCCAGGTCCGGAAAAAAAAAAAAAGGTAGAATGTACTCCATTTTCATT	6648
Query	218310	GAATATTTTTTCATTGAATACTATAATTTTTATGGAAGTAAATTTACTTTTTGCTGAGATT	218369
Sbjct	6647	GAATATTTTTTCATTGAATACTATAATTTTTATGGAAGTAAATTTACTTTTTGCTGAGATT	6588
Query	218370	ATAGTAAACAAAAAGGATAATTTGTGTATAGATGTGGCTGAAATAACAAATGTTTTATAT	218429
Sbjct	6587	ATAGTAAACAAAAAGGATAATTTGTGTATAGATGTGGCTGAAATAACAAATGTTTTATAT	6528
Query	218430	AGAAGTAATTGTAGGAGATGAAGATGCTGGTGACACAGCTGCAGATACTTCTGAGCATGA	218489
Sbjct	6527	AGAAGTAATTGTAGGAGATGAAGATGCTGGTGACACAGCTGCAGATACTTCTGAGCATGA	6468
Query	218490	ACAACAGATGGATGACAGTGAAATAAAAGCAGCTTTCCTGCCTATTGCATGGGCAGCAGC	218549
Sbjct	6467	ACAACAGATGGATGACAGTGAAATAAAAGCAGCTTTCCTGCCTATTGCATGGGCAGCAGC	6408
Query	218550	TTATGGTAAGTAATGGCTTGAACATTTAATACTTAATATTTAGTTATTATTATTGAGTT	218609
Sbjct	6407	TTATGGTAAGTAATGGCTTGAACATTTAATACTTAATATTTAGTTATTATTATTGAGTT	6348
Query	218610	ATAGTGTAACATGAATGTGAGGATGGATATGAATGTGGATGCACATATGCACTCATGTATG	218669
Sbjct	6347	ATAGTGTAACATGAATGTGAGGATGGATATGAATGTGGATGCACATATGCACTCATGTATG	6288
Query	218670	TAGAGACAGTTGTGTGGCATTAGTCTTGGGGAGATGCTAAGACATGTCTAGTTATTCCAG	218729
Sbjct	6287	TAGAGACAGTTGTGTGGCATTAGTCTTGGGGAGATGCTAAGACATGTCTAGTTATTCCAG	6228
Query	218730	ATAGGGAAACAAATGACAAAAACCAAAGTTCAACTTGGTGAGCCCTTGAGTTTATTGAAG	218789
Sbjct	6227	ATAGGGAAACAAATGACAAAAACCAAAGTTCAACTTGGTGAGCCCTTGAGTTTATTGAAG	6168
Query	218790	TTATTTTTTAAGAATCTGGGGTTACTTACAAGAACAGAAATGATCCAAAGACAGCTAGCTG	218849
Sbjct	6167	TTATTTTTTAAGAATCTGGGGTTACTTACAAGAACAGAAATGATCCAAAGACAGCTAGCTG	6108
Query	218850	CATTGCTAGAACCTAACCAAACATGGCAAATGAAGATATTACTGTGTAAACATTTGGACA	218909
Sbjct	6107	CATTGCTAGAACCTAACCAAACATGGCAAATGAAGATATTACTGTGTAAACATTTGGACA	6048
Query	218910	AGTTGAAGATTGTTTTAGGCAGTTCAGGTAGTGTTTCTTAGTTCTAGGTAGCAAGCCGTT	218969
Sbjct	6047	AGTTGAAGATTGTTTTAGGCAGTTCAGGTAGTGTTTCTTAGTTCTAGGTAGCAAGCCGTT	5988
Query	218970	CTGAACCTTCTTCAAGGCCTCTTAGCTTGTCTGACAGTTCTTTTATACCTTTCCTACTGCTT	219029
Sbjct	5987	CTGAACCTTCTTCAAGGCCTCTTAGCTTGTCTGACAGTTCTTTTATACCTTTCCTACTGCTT	5928

Query	219030	ACTTAAATATGTTTAAGGAGAAGGGGATAATCAGTTTCTGCAACTTCCTGAAGCTTTTGC	219089
Sbjct	5927	ACTTAAATATGTTTAAGGAGAAGGGGATAATCAGTTTCTGCAACTTCCTGAAGCTTTTGC	5868
Query	219090	TTTGTGTACTTCCTGAGCTTCACAAGCTTCACCTCAGTAAACAAAGTTTTGCCTCTGTTT	219149
Sbjct	5867	TTTGTGTACTTCCTGAGCTTCACAAGCTTCACCTCAGTAAACAAAGTTTTGCCTCTGTTT	5808
Query	219150	AAAACATCCCATGTCTTAGCAAACCTCTCTAAGATAGAAACTGCTTCACAATGGAGACCA	219209
Sbjct	5807	AAAACATCCCATGTCTTAGCAAACCTCTCTAAGATAGAAACTGCTTCACAATGGAGACCA	5748
Query	219210	AAGGACATTCTTTTGTATTATTTCTCAGGAAACACAATCTACCTCATTTTTTCAGACGGT	219269
Sbjct	5747	AAGGACATTCTTTTGTATTATTTCTCAGGAAACACAATCTACCTCATTTTTTCAGACGGT	5688
Query	219270	GGTTTTTCTTTGGCCTGAAGCTCACTAGGCTAGCTGGCCAGGAATCTACCTGTCTTCCT	219329
Sbjct	5687	GGTTTTTCTTTGGCCTGAAGCTCACTAGGCTAGCTGGCCAGGAATCTACCTGTCTTCCT	5628
Query	219330	TTCCCAGTCCTAGGATTACAAAATGTACCTCTGCATTTCAGCCTTaaaaaaaaaGCAGCC	219389
Sbjct	5627	TTCCCAGTCCTAGGATTACAAAATGTACCTCTGCATTTCAGCCTTAAAAAAAAAAGCAGCC	5568
Query	219390	AAAAACTTGTTTCAGTTTCAAACCTCTAATCCTCATGCAAGCATTGTATCTACTAAGTAAG	219449
Sbjct	5567	AAAAACTTGTTTCAGTTTCAAACCTCTAATCCTCATGCAAGCATTGTATCTACTAAGTAAG	5508
Query	219450	CTGTCTTTCCAGACTCTTGGGTTTATTTACTAAGAAATGGCTTCTGATATCTTAATATTT	219509
Sbjct	5507	CTGTCTTTCCAGACTCTTGGGTTTATTTACTAAGAAATGGCTTCTGATATCTTAATATTT	5448
Query	219510	TACAAATACATTATTTTTTAAATACAGTAAGTGAATACAAAATAGGGAACCTAGAATATA	219569
Sbjct	5447	TACAAATACATTATTTTTTAAATACAGTAAGTGAATACAAAATAGGGAACCTAGAATATA	5388
Query	219570	TAGTTCAAATTTTTCTTTAATTTTAATTAATTAATAATCATACATAGTCTCTACCTGGAGT	219629
Sbjct	5387	TAGTTCAAATTTTTCTTTAATTTTAATTAATTAATAATCATACATAGTCTCTACCTGGAGT	5328
Query	219630	TTGCTTTCTTTTGTGTTAGCTTATAACTTTACAGTTTGGCAAACCTGCCAAAATATGTTA	219689
Sbjct	5327	TTGCTTTCTTTTGTGTTAGCTTATAACTTTACAGTTTGGCAAACCTGCCAAAATATGTTA	5268
Query	219690	GGTATTTTTTCCCATAGTTTTCAACTAAATGTGTTTTTAATTCCACTTCCTAAAAAAGAA	219749
Sbjct	5267	GGTATTTTTTCCCATAGTTTTCAACTAAATGTGTTTTTAATTCCACTTCCTAAAAAAGAA	5208
Query	219750	ATTTTGGACATTATCAATTGGATCTGTCTTTTCATTGTTGTGGTAATTAATAAATAATTC	219809
Sbjct	5207	ATTTTGGACATTATCAATTGGATCTGTCTTTTCATTGTTGTGGTAATTAATAAATAATTC	5148
Query	219810	CTAACATCTTGTAAATACTGTATCATGTTTTTTATGTACCTTGTTAGATAATAATTCTGAT	219869
Sbjct	5147	CTAACATCTTGTAAATACTGTATCATGTTTTTTATGTACCTTGTTAGATAATAATTCTGAT	5088
Query	219870	GAAATTGAAGAGCAGAATGTCACTGCAAGTGCTGTCTTGCAACCAAATGAGTCTGGTGGC	219929
Sbjct	5087	GAAATTGAAGAGCAGAATGTCACTGCAAGTGCTGTCTTGCAACCAAATGAGTCTGGTGGC	5028
Query	219930	CTTGACAGAGTACATaaacaaaaagcaaaaaagaaaaaaGACCTGAATCCAAACAGTAC	219989
Sbjct	5027	CTTGACAGAGTACATAAACAAAAGCAAAAAGAAAAAAGACCTGAATCCAAACAGTAC	4968
Query	219990	CAAACAGGTAAGGAAGAAATAATCCCATTGTGTAGAGTCTTCTAAAATTATATGAGGAAA	220049
Sbjct	4967	CAAACAGGTAAGGAAGAAATAATCCCATTGTGTAGAGTCTTCTAAAATTATATGAGGAAA	4908
Query	220050	CACTGGTTACCATTCGTAAGGGTATAATGAAGgttttttggtttgggggttttgctttggt	220109
Sbjct	4907	CACTGGTTACCATTCGTAAGGGTATAATGAAGGTTTTTTGGTTTGGGGTTTTGCTTTGTT	4848
Query	220110	ttgtttttgttttgttttCACTGCTCAACTTGAGGTAGCTATTGTGCATCTGAATTTGAA	220169
Sbjct	4847	TTGTTTTTTGTTTTGTTTTCACTGCTCAACTTGAGGTAGCTATTGTGCATCTGAATTTGAA	4788
Query	220170	AATACAAGTTTGCATTTACTGATAGTCATGAATAGCTTGCTTTGGTaaaaaaaTAATAGA	220229
Sbjct	4787	AATACAAGTTTGCATTTACTGATAGTCATGAATAGCTTGCTTTGGTAAAAAATAATAGA	4728
Query	220230	CTGTAGATTAAACATTAAAGAAAAATAACTCTGATGTTTTTTAAAGCCAGAAATGTGTT	220289
Sbjct	4727	CTGTAGATTAAACATTAAAGAAAAATAACTCTGATGTTTTTTAAAGCCAGAAATGTGTT	4668
Query	220290	ATCCTTTTTTAAATGGCATCTCACATTTTAGCCAAGACTAACCTCAAACATTGGCAGTCC	220349
Sbjct	4667	ATCCTTTTTTAAATGGCATCTCACATTTTAGCCAAGACTAACCTCAAACATTGGCAGTCC	4608
Query	220350	AACTTCCTCAAAGAGCTCTCATACTTTATTAGTTTGCTTAATGTGAAACTAAAACATTCT	220409

Sbjct	4607	AACTTCCTCAAAGAGCTCTCATACTTTATTAGTTTGCTTAATGTGAAACTAAAACATTCT	4548
Query	220410	TTTCTTTCTTTGTTCTACTATTTCTATGTTTTGAAGACAAATTCCTCTATTCAGGTAA	220469
Sbjct	4547	TTTCTTTCTTTGTTCTACTATTTCTATGTTTTGAAGACAAATTCCTCTATTCAGGTAA	4488
Query	220470	GCTGGCAATGAATTTGTGATCCCCAGCCTCTCTCCCCTCAATACTTGCACCTCTGGGCCT	220529
Sbjct	4487	GCTGGCAATGAATTTGTGATCCCCAGCCTCTCTCCCCTCAATACTTGCACCTCTGGGCCT	4428
Query	220530	TTACTACCACCATAGTATTTAAACAGGCATATCTTAAGAGGAGAGCAGTTTAATTGTTAA	220589
Sbjct	4427	TTACTACCACCATAGTATTTAAACAGGCATATCTTAAGAGGAGAGCAGTTTAATTGTTAA	4368
Query	220590	CAAAATGTGTCTCTTCTCTGAATTGATTTTGAGATGTGTATTTAGGGAGTTTATAGCTGT	220649
Sbjct	4367	CAAAATGTGTCTCTTCTCTGAATTGATTTTGAGATGTGTATTTAGGGAGTTTATAGCTGT	4308
Query	220650	TTGTATTATGTTTTTATAAGCACTGTTGAAGAATGCCGAAGATTACTGAAAGTTCAGGTT	220709
Sbjct	4307	TTGTATTATGTTTTTATAAGCACTGTTGAAGAATGCCGAAGATTACTGAAAGTTCAGGTT	4248
Query	220710	ATAGTGAACCTAACTAAATATTTAGCTTTACTTGCAAATTATTTTCTACAGGTCTCTAAT	220769
Sbjct	4247	ATAGTGAACCTAACTAAATATTTAGCTTTACTTGCAAATTATTTTCTACAGGTCTCTAAT	4188
Query	220770	TTGATAAAGCTTCGTAAAttttttttAATTGGAAGGGATGAAATTAACCCTGTCATAGTG	220829
Sbjct	4187	TTGATAAAGCTTCGTAAATTTTTTTAATTGGAAGGGATGAAATTAACCCTGTCATAGTG	4128
Query	220830	GGTCAGATTCTTTTCCTTATGTGTGCAATATGTATGTGAAAAGAATATCAGTGAAAAGAAT	220889
Sbjct	4127	GGTCAGATTCTTTTCCTTATGTGTGCAATATGTATGTGAAAAGAATATCAGTGAAAAGAAT	4068
Query	220890	GTTAAAAACTGATAAAGTTGAGCAAATGTATTTTAAAGTTAATGAAGATATAAAAAAGGA	220949
Sbjct	4067	GTTAAAAACTGATAAAGTTGAGCAAATGTATTTTAAAGTTAATGAAGATATAAAAAAGGA	4008
Query	220950	ATATAGTTTAATTATTTGCTTGTCTCTTTCCCCTTTTTTAGCAATAATTGTTGCTCCTGA	221009
Sbjct	4007	ATATAGTTTAATTATTTGCTTGTCTCTTTCCCCTTTTTTAGCAATAATTGTTGCTCCTGA	3948
Query	221010	TGGACAGACTTTAATAGTCTATCCTTGCAATGTTTTGTGGaaaaaaatttaagacccaaag	221069
Sbjct	3947	TGGACAGACTTTAATAGTCTATCCTTGCAATGTTTTGTGGAAAAAAATTTAAGACCAAAG	3888
Query	221070	ttttttgaaaagacacataaaaaaCCATCCTGAATATCTTGCTAAGAAGAAATACCACTG	221129
Sbjct	3887	TTTTTTGAAAAGACACATAAAAAACCATCCTGAATATCTTGCTAAGAAGAAATACCACTG	3828
Query	221130	TACTGACTGTGATTACAGTACCAACAAGAAGATAAGCTTGCATAATCACATGGAGAGCCA	221189
Sbjct	3827	TACTGACTGTGATTACAGTACCAACAAGAAGATAAGCTTGCATAATCACATGGAGAGCCA	3768
Query	221190	CAAGCTAACCATTAAGACAGAAAAGACAACAGAATGTGATGACTGTGGGAAGCATCTTTC	221249
Sbjct	3767	CAAGCTAACCATTAAGACAGAAAAGACAACAGAATGTGATGACTGTGGGAAGCATCTTTC	3708
Query	221250	TCATGCTGGGACTTTGTGTACTCACaaaaaagaaaaagaaaaGGTCAGCAAAACATATAA	221309
Sbjct	3707	TCATGCTGGGACTTTGTGTACTCACAAAAAAGAAAAAGAAAGGTCAGCAAAACATATAA	3648
Query	221310	GTGTAAGTTCTGTGACTATGAAACAGCTGAACAGACATCATTGAATCACCATCTTTTGGC	221369
Sbjct	3647	GTGTAAGTTCTGTGACTATGAAACAGCTGAACAGACATCATTGAATCACCATCTTTTGGC	3588
Query	221370	AGTCCACAGCAAGAAATATCCTCACGTTTGTGTAGAATGTGGCAAAGGTTTCCGTCACCC	221429
Sbjct	3587	AGTCCACAGCAAGAAATATCCTCACGTTTGTGTAGAATGTGGCAAAGGTTTCCGTCACCC	3528
Query	221430	ATCAGAGCTCAAAAAGCACATACGCGTTACACTGGAGAGAAGCCTTATCAATGTCAGTA	221489
Sbjct	3527	ATCAGAGCTCAAAAAGCACATACGCGTTACACTGGAGAGAAGCCTTATCAATGTCAGTA	3468
Query	221490	TTGTGAGTACAAATCTGCAGACTCTTCTAACTTGAAAACACATATAAAAACTAAGCATAG	221549
Sbjct	3467	TTGTGAGTACAAATCTGCAGACTCTTCTAACTTGAAAACACATATAAAAACTAAGCATAG	3408
Query	221550	TAAAGACATAACCACTGAAGTGTGGCATCTGTCTCATGACTTTTCTCAGACACCAAAGAGGC	221609
Sbjct	3407	TAAAGACATAACCACTGAAGTGTGGCATCTGTCTCATGACTTTTCTCAGACACCAAAGAGGC	3348
Query	221610	TCAGCAACATGCTCTTATACACCAAGAAAACAGAACACATCAGTGTTTCATATTGCAACCA	221669
Sbjct	3347	TCAGCAACATGCTCTTATACACCAAGAAAACAGAACACATCAGTGTTTCATATTGCAACCA	3288
Query	221670	TAAGAGTTCAAACCTCAAGTGATTTGAAGCGACACATAATTTCAAGTTCATACAAAGGACTA	221729
Sbjct	3287	TAAGAGTTCAAACCTCAAGTGATTTGAAGCGACACATAATTTCAAGTTCATACAAAGGACTA	3228

Query	221730	TCCTCATAAGTGTGATATGTGCAGCAAAGGGTTTCATAGGCCTTCAGAACTCAAGAAGCA	221789
Sbjct	3227	TCCTCATAAGTGTGATATGTGCAGCAAAGGGTTTCATAGGCCTTCAGAACTCAAGAAGCA	3168
Query	221790	TGTGGCTACCCATAAAAGTaaaaaaaTGACCAATGTAGACACTGTGACTTTAAGAGTCC	221849
Sbjct	3167	TGTGGCTACCCATAAAAGTAAAAAATGCACCAATGTAGACACTGTGACTTTAAGAGTCC	3108
Query	221850	AGATCCATTTCTGCTAAGTCGCCATATTCTCTCAGTTCACACAAAGAATGTTCCATTTAA	221909
Sbjct	3107	AGATCCATTTCTGCTAAGTCGCCATATTCTCTCAGTTCACACAAAGAATGTTCCATTTAA	3048
Query	221910	GTGTAAGAGATGTAAAAAGGGATTTCGACAACAATGTGAGCTTCAAAGCATATGAAGAC	221969
Sbjct	3047	GTGTAAGAGATGTAAAAAGGGATTTCGACAACAATGTGAGCTTCAAAGCATATGAAGAC	2988
Query	221970	CCACAGTGGCCGGAAAGTGTATCAGTGTGAGTACTGTGAATATAGCACCACAGATGCCTC	222029
Sbjct	2987	CCACAGTGGCCGGAAAGTGTATCAGTGTGAGTACTGTGAATATAGCACCACAGATGCCTC	2928
Query	222030	AGGCTTTAAGCGCCACGTTATCTCCATTTCATACGAAAGACTATCCTCACCGCTGTGAGTA	222089
Sbjct	2927	AGGCTTTAAGCGCCACGTTATCTCCATTTCATACGAAAGACTATCCTCACCGCTGTGAGTA	2868
Query	222090	CTGCAAGAAAGGATTCCGAAGACCCTCTGAAAAGAATCAGCACATAATGCGGCATCATAA	222149
Sbjct	2867	CTGCAAGAAAGGATTCCGAAGACCCTCTGAAAAGAATCAGCACATAATGCGGCATCATAA	2808
Query	222150	AGAAGTTGGCCTGCCCTAAGTGTACATCCTAACCTTAGAGGAATTAATTTTTAAATCAGT	222209
Sbjct	2807	AGAAGTTGGCCTGCCCTAAGTGTACATCCTAACCTTAGAGGAATTAATTTTTAAATCAGT	2748
Query	222210	CACTCTTCTTCACATCAAATATGAATTTGTTTCAGTGAATATAAAATGGTATTACTCCTAT	222269
Sbjct	2747	CACTCTTCTTCACATCAAATATGAATTTGTTTCAGTGAATATAAAATGGTATTACTCCTAT	2688
Query	222270	TTGACTTTGTTTTATTAAATAGGGTATTCTTCTATATATCCTGTACAGACTTATGAAGTG	222329
Sbjct	2687	TTGACTTTGTTTTATTAAATAGGGTATTCTTCTATATATCCTGTACAGACTTATGAAGTG	2628
Query	222330	ACAGAAACAAATTTTCTTTACCAACTTAATCCAATCTGTATTGAATTTTTAGTCTTAGA	222389
Sbjct	2627	ACAGAAACAAATTTTCTTTACCAACTTAATCCAATCTGTATTGAATTTTTAGTCTTAGA	2568
Query	222390	AGCCTAACTATCATACCTTACTTATCTTGGTGGTACTTTTCTAAGAAAAAATAATATAAC	222449
Sbjct	2567	AGCCTAACTATCATACCTTACTTATCTTGGTGGTACTTTTCTAAGAAAAAATAATATAAC	2508
Query	222450	ATGAAAAGTAACTTTGACACAAAATATGCATGTTAAAGATATTGCTAACATAAAAAGGAG	222509
Sbjct	2507	ATGAAAAGTAACTTTGACACAAAATATGCATGTTAAAGATATTGCTAACATAAAAAGGAG	2448
Query	222510	AGGTTTTCTGATATGCCATACTATGAGAATAAGGAAATAATTTCTTGACTTAATATCT	222569
Sbjct	2447	AGGTTTTCTGATATGCCATACTATGAGAATAAGGAAATAATTTCTTGACTTAATATCT	2388
Query	222570	TCAGATTTTCAACAGTACAACCTCTTATTTGAGTGTCTACCATGACTGATAAGATGTCGAC	222629
Sbjct	2387	TCAGATTTTCAACAGTACAACCTCTTATTTGAGTGTCTACCATGACTGATAAGATGTCGAC	2328
Query	222630	TAGgtttgggggttagttttcatttttgtttactcatcattttcatttggcttgttgtatt	222689
Sbjct	2327	TAGGTTTGGGGTTAGTTTTCATTTTTGTTTACTCATCATTTTCATTTGGCTTGTTGTATT	2268
Query	222690	taatttttCCTCCTATATAGCAGAATTTATAAAAAATCTTAAAGAAAAtttttgcttttc	222749
Sbjct	2267	TAATTTTTCTCCTATATAGCAGAATTTATAAAAAATCTTAAAGAAAATTTTGCCTTTTC	2208
Query	222750	cttgtttttgcaatgtttttagtttgccttacagttttgGTCCTATAAATAAGGACTACTG	222809
Sbjct	2207	CCTGTTTTGCAATGTTTTGTAGTTTGTCTTACAGTTTGGTCTATAAATAAGGACTACTG	2148
Query	222810	TAGATTAAGTTTTGCAGATTTGTAGAACTCTGTTGTGGCTTGAGAGTACTTTATAAGTT	222869
Sbjct	2147	TAGATTAAGTTTTGCAGATTTGTAGAACTCTGTTGTGGCTTGAGAGTACTTTATAAGTT	2088
Query	222870	TGACATTAAATTGCAATTTAAGTGCTAGGTATATATGTTTCTTCCTTAAACAACAAACC	222929
Sbjct	2087	TGACATTAAATTGCAATTTAAGTGCTAGGTATATATGTTTCTTCCTTAAACAACAAACC	2028
Query	222930	TTTAATGAAATTATTTAATTTACAATAACCTGAAAAACCCAGAGATATATGGTATCATT	222989
Sbjct	2027	TTTAATGAAATTATTTAATTTACAATAACCTGAAAAACCCAGAGATATATGGTATCATT	1968
Query	222990	GTATACTTGGTATTTCAGAAAACTAAAACCTCAGGTGGAGAATTAGAGGGAAAAATAAGGAG	223049
Sbjct	1967	GTATACTTGGTATTTCAGAAAACTAAAACCTCAGGTGGAGAATTAGAGGGAAAAATAAGGAG	1908
Query	223050	CTTAGTAAAAACAATGGTATATTCTCCTTAACCTTGGTAATTGAAAAGCAGAAGTTATAC	223109

Sbjct	1907	CTTAGTAAAAACAATGGTATATTCTCCTTAACCTTGGTAATTGAAAAGCAGAAGTTATAC	1848
Query	223110	CATTTTTATAGATAGAATATTTTAATACAGTTTAGCATTGTACTTGAATTTTCTGGAAG	223169
Sbjct	1847	CATTTTTATAGATAGAATATTTTAATACAGTTTAGCATTGTACTTGAATTTTCTGGAAG	1788
Query	223170	GAATTGATATACAGCTCTTTATTTTTCTTTAAATCTTGTCTTTAATGAAGAAGAAAGCAT	223229
Sbjct	1787	GAATTGATATACAGCTCTTTATTTTTCTTTAAATCTTGTCTTTAATGAAGAAGAAAGCAT	1728
Query	223230	GGAGGCAGTTATGACATCATTTTACAAACTTCATAACTTCTGTTAGAATATAGAATTGGC	223289
Sbjct	1727	GGAGGCAGTTATGACATCATTTTACAAACTTCATAACTTCTGTTAGAATATAGAATTGGC	1668
Query	223290	AATTTTAGGCAGTCTTTTTATTTTTCTTAGCTTGTTTTTCATTTGGTAACATATATATTGG	223349
Sbjct	1667	AATTTTAGGCAGTCTTTTTATTTTTCTTAGCTTGTTTTTCATTTGGTAACATATATATTGG	1608
Query	223350	TGTTCACTAGAAAATAGTAATTGGTTGTTTTAATTTTTGAGGTGTAACATTTTAAAGGCA	223409
Sbjct	1607	TGTTCACTAGAAAATAGTAATTGGTTGTTTTAATTTTTGAGGTGTAACATTTTAAAGGCA	1548
Query	223410	TTCATAGAAGACATAAAATGAATCCAGCTCATTGGATTTAACCATTAGAAATTTTGAAGA	223469
Sbjct	1547	TTCATAGAAGACATAAAATGAATCCAGCTCATTGGATTTAACCATTAGAAATTTTGAAGA	1488
Query	223470	AAATGTTTATTCTGTTCCTTTAATAATCCACTGGTATGTGGGAAGAAATAAAGCAGCACC	223529
Sbjct	1487	AAATGTTTATTCTGTTCCTTTAATAATCCACTGGTATGTGGGAAGAAATAAAGCAGCACC	1428
Query	223530	CTTTTCTCTATGGTACTTCATATTCTGCTTCTGCTGCTACtttttttttttGTCCCAGTGA	223589
Sbjct	1427	CTTTTCTCTATGGTACTTCATATTCTGCTTCTGCTGCTACTTTTTTTTTTGTCCCAGTGA	1368
Query	223590	TACTTATACTCAGATGTTATATTCATAGGATTAGAACTCTTAACTAATTGATGCTTGATG	223649
Sbjct	1367	TACTTATACTCAGATGTTATATTCATAGGATTAGAACTCTTAACTAATTGATGCTTGATG	1308
Query	223650	TTCTCTGAAATATGCTAGGTTTAAGTTCAGTACTAAAATATTTAGATACATAGGAACACA	223709
Sbjct	1307	TTCTCTGAAATATGCTAGGTTTAAGTTCAGTACTAAAATATTTAGATACATAGGAACACA	1248
Query	223710	GTTATTGCTAAGCAAAGGTCAGACTGGATTTTGAAACCTCCTCTATCTTCTAACACCTGT	223769
Sbjct	1247	GTTATTGCTAAGCAAAGGTCAGACTGGATTTTGAAACCTCCTCTATCTTCTAACACCTGT	1188
Query	223770	GTTTATCCTCTTTCAGAATTTAGTTGCTATTCTCTGTACTGTTCTGTAAAACTCTGTTCTT	223829
Sbjct	1187	GTTTATCCTCTTTCAGAATTTAGTTGCTATTCTCTGTACTGTTCTGTAAAACTCTGTTCTT	1128
Query	223830	TATATCTAAGAAACTGTTTCATTTTGCTTTTTCTGAAAGTAATATAAAAGTGATGCTTAG	223889
Sbjct	1127	TATATCTAAGAAACTGTTTCATTTTGCTTTTTCTGAAAGTAATATAAAAGTGATGCTTAG	1068
Query	223890	GTGaaaatcttaactataagaatttaaataaacttaaagtttatttaataaacacttaa	223949
Sbjct	1067	GTGAAAATCTTAACTATAAGAATTTAAATAAACTTAAAGTTTATTTAAATAAACACTTAA	1008
Query	223950	tttaataaacacttttaacttGTATTTTTCATACTCAGGAAATTAATTTATTTTTTAAATG	224009
Sbjct	1007	TTTAAATAACACTTTAAACTTGATTTTTCATACTCAGGAAATTAATTTATTTTTTAAATG	948
Query	224010	ATATGTAATAGACTTTTGAAAAGTAATAATTAAAAGTTTGGTAAAGTAAATGTGATATAT	224069
Sbjct	947	ATATGTAATAGACTTTTGAAAAGTAATAATTAAAAGTTTGGTAAAGTAAATGTGATATAT	888
Query	224070	TTACATAGAAATGAATCATACTTATATTATTTATATGACAGTAtttttttactttttAAA	224129
Sbjct	887	TTACATAGAAATGAATCATACTTATATTATTTATATGACAGTATTTTTTTACTTTTTAAA	828
Query	224130	TGATTTCCAAAGCTAGAAGACTTCTTCTAGCCAAAACCTTTATAAAAAATACAAAGTCTTA	224189
Sbjct	827	TGATTTCCAAAGCTAGAAGACTTCTTCTAGCCAAAACCTTTATAAAAAATACAAAGTCTTA	768
Query	224190	AAGTAAATGAATTTGAAATTTGAAATTACCTGTTAACATTCCATCTTACTTGTACACAT	224249
Sbjct	767	AAGTAAATGAATTTGAAATTTGAAATTACCTGTTAACATTCCATCTTACTTGTACACAT	708
Query	224250	TATGAAATACAACAAAATGCTTAAAAGAGATGATACTGTAAATGTGTACTTGAGAGTAAC	224309
Sbjct	707	TATGAAATACAACAAAATGCTTAAAAGAGATGATACTGTAAATGTGTACTTGAGAGTAAC	648
Query	224310	ATACAGAAATAAAATAAAATTATTTTCTGTTAATAAGTGTTTATTATATTTTCATACCAA	224369
Sbjct	647	ATACAGAAATAAAATAAAATTATTTTCTGTTAATAAGTGTTTATTATATTTTCATACCAA	588
Query	224370	GCAATAACAACACTTTTTGGGCCAAAAGTGCATcttttttttctttttcttttcttttct	224429
Sbjct	587	GCAATAACAACACTTTTTGGGCCAAAAGTGCATCTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCT	528



Loading alignment... for sequences gi|312032602 AlignDB=on Reading indexes 6-6

[Download GenBankGraphics](#)

Next Previous [Descriptions](#)

Sequence ID: [gb|AC242859.2|](#)Length: 99871Number of Matches: 417

### Map Viewer–aligned genomic context

Range 1: 1 to 99871 [GenBankGraphics](#) [Next Match](#) [Previous Match](#) [First Match](#)

## Alignment statistics for match #1

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	Frame
1.844e+05 bits(99871)	0.0()	99871/99871(100%)	0/99871(0%)	Plus/Plus	

### Features:

Query	558986	AGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAG	559045
Sbjct	1	AGCTTTGTACAGGGTGATAAGCATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGACCTCCAG	60
Query	559046	TTGAACCAGCACCATTGTGCTGAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCT	559105
Sbjct	61	TTGAACCAGCACCATTGTGCTGAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCT	120
Query	559106	AGGTCAAAAATCAAGTGCCCTTAGGTGTGTGGGTTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTAGTC	559165
Sbjct	121	AGGTCAAAAATCAAGTGCCCTTAGGTGTGTGGGTTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTAGTC	180
Query	559166	CATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACAAATAGCATGCAGTTTTTATCACTATTGTTCTG	559225
Sbjct	181	CATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACAAATAGCATGCAGTTTTTATCACTATTGTTCTG	240
Query	559226	TAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATA	559285
Sbjct	241	TAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATA	300
Query	559286	GTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAAC	559345
Sbjct	301	GTTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAAATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAAC	360
Query	559346	TCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGATTTTGATTGCATTGAATCTGTAGATTCAATTGC	559405
Sbjct	361	TCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGATTTTGATTGCATTGAATCTGTAGATTCAATTGC	420

Query	559406	TTTTGGTAAATGGACATTTTACTATATTAATCCTGCCGATCCATGAGCATGGGAGAtc	559465
Sbjct	421	TTTTGGTAAATGGACATTTTACTATATTAATCCTGCCGATCCATGAGCATGGGAGATC	480
Query	559466	tttccatcttctgaggtcttcttcaatttcttcttcagagtcttgaagtctctttttttt	559525
Sbjct	481	TTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTCTTTCTTCAGAGTCTTGAAGTTCTTTTTTTT	540
Query	559526	ttaagattttatttattttttGTATACAATTACACACACAGATCCCATTACAGATGGTTGT	559585
Sbjct	541	TTAAGATTTATTTATTTTTTGTATACAATTACACACACAGATCCCATTACAGATGGTTGT	600
Query	559586	GAGCCATCATGTGGTTGCTGGGATTTGAACTCAGGACCTCTGGAAGAACAGTCAGTGCTC	559645
Sbjct	601	GAGCCATCATGTGGTTGCTGGGATTTGAACTCAGGACCTCTGGAAGAACAGTCAGTGCTC	660
Query	559646	TTAACCGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCCCTTTGAAGTTCTTATTGAACAGATCTTTTACT	559705
Sbjct	661	TTAACCGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCCCTTTGAAGTTCTTATTGAACAGATCTTTTACT	720
Query	559706	TGGTTGGTTAAAGTCACACCAAGGTACTTTATATTATTTGGCACTATTATGAAGGGTGTC	559765
Sbjct	721	TGGTTGGTTAAAGTCACACCAAGGTACTTTATATTATTTGGCACTATTATGAAGGGTGTC	780
Query	559766	GTTTCCCTAATTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTGTGTAGAGAAAAGCTACTGATTTA	559825
Sbjct	781	GTTTCCCTAATTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTGTGTAGAGAAAAGCTACTGATTTA	840
Query	559826	TTTAAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCTGTAGTTCTCTGGTG	559885
Sbjct	841	TTTAAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTGCTGAAGTTGTTTATCTGTAGTTCTCTGGTG	900
Query	559886	GAACCTTTTGGGATCACTTAAATATACTATCATATCATCTGCCAATAGTGATATTTGACT	559945
Sbjct	901	GAACCTTTTGGGATCACTTAAATATACTATCATATCATCTGCCAATAGTGATATTTGACT	960
Query	559946	TCTTCTTTTCCAATCTGTATCCCCTTGATCTCCTTTTGTTTTCTGATTGTTCTGGCTAGA	560005
Sbjct	961	TCTTCTTTTCCAATCTGTATCCCCTTGATCTCCTTTTGTTTTCTGATTGTTCTGGCTAGA	1020
Query	560006	ACATCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGAGGCAAGCTACACCCTCGAAAA	560065
Sbjct	1021	ACATCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGAGGCAAGCTACACCCTCGAAAA	1080
Query	560066	AGCAAGAACTAATCGTCTTGACAACAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACC	560125
Sbjct	1081	AGCAAGAACTAATCGTCTTGACAACAAAACAAAGAGAAGAAAAGCACACAAACATAACC	1140
Query	560126	TCACATCCAAATATGAATATAACAGGAAGCAATAATCACCATTCCCTTAATATCTCTCAAC	560185
Sbjct	1141	TCACATCCAAATATGAATATAACAGGAAGCAATAATCACCATTCCCTTAATATCTCTCAAC	1200
Query	560186	ATCAATGGTCTCAACTCCCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAATGAG	560245
Sbjct	1201	ATCAATGGTCTCAACTCCCCAATAAAAAGACATAGATTAACAAACTGGATACGCAATGAG	1260
Query	560246	GACCCACATTCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCAGAGACAAAGACATACACTACCTC	560305
Sbjct	1261	GACCCACATTCTGCTGCCTACAGGAAACACACCTCAGAGACAAAGACATACACTACCTC	1320
Query	560306	AGTGAAAGGCTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGGAGCAAGCTGGAGTAGC	560365
Sbjct	1321	AGTGAAAGGCTGGAAAACAACTTTCCAAGCAAATGGTCGGAAGGAGCAAGCTGGAGTAGC	1380
Query	560366	CATTCTAATATCAAATAAAATCAATGCTCCAAATACCAGGGCACCTGCATACATAAAAAGA	560425
Sbjct	1381	CATTCTAATATCAAATAAAATCAATGCTCCAAATACCAGGGCACCTGCATACATAAAAAGA	1440
Query	560426	AACCTTACTAAAGCTCAAAGCACACATTGCACCTCACACAATAATAGTAGGAGATTTCAA	560485
Sbjct	1441	AACCTTACTAAAGCTCAAAGCACACATTGCACCTCACACAATAATAGTAGGAGATTTCAA	1500
Query	560486	CAGGCCACTCTCATCAATGGACAGGTCATGGAAACAGAAATTATCAGAGATGTCGACAGA	560545
Sbjct	1501	CAGGCCACTCTCATCAATGGACAGGTCATGGAAACAGAAATTATCAGAGATGTCGACAGA	1560
Query	560546	CTAAGAGAAGTCATGAACCTTCAAATGGACTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCT	560605
Sbjct	1561	CTAAGAGAAGTCATGAACCTTCAAATGGACTTAACAGATATTTATAGAACATTCTATCCT	1620
Query	560606	AAAGCAAAATGATATACATTTTTCTCAGTTCCTCATGGTACTTTCTCCAAAATTGACCAT	560665
Sbjct	1621	AAAGCAAAATGATATACATTTTTCTCAGTTCCTCATGGTACTTTCTCCAAAATTGACCAT	1680
Query	560666	ATAATTGGCCAAAAACACGGGCCTCAACAGACACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCCT	560725
Sbjct	1681	ATAATTGGCCAAAAACACGGGCCTCAACAGACACAGAAAGATAGAAATAATCCCATGCCT	1740
Query	560726	GCTATCAGACCACCACGGCCTAAAGCTGGTTTTCAATGACAATAAGGGAAGAACGCCAC	560785

Sbjct	1741	TCAGACCACCACGGCCTAAAGCTGGTTTTCAATGACAATAAGGGAAGAACGCCCCAC	1800
Query	560786	ATATCCATGGAAGCTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACTTTGTCAAGTTAAAAATAAA	560845
Sbjct	1801	ATATCCATGGAAGCTGAACAATGCTCTACTCAATGATAACTTTGTCAAGTTAAAAATAAA	1860
Query	560846	GGaaaaaaaTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCT	560905
Sbjct	1861	GGAAAAAAATTTAAAGACTTCTTAGAATTTAATGCCAAACTTATGGGACACAATGAAAGCT	1920
Query	560906	GTGCTAAGAGGAAAACTCATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGGAAAGAGCATAT	560965
Sbjct	1921	GTGCTAAGAGGAAAACTCATAGCTCTGAGTGCCTGCAGAAAGAAACAGGAAAGAGCATAT	1980
Query	560966	GTCACCAGCTTGACAGCACACCTCAAAGCTCTAGAATAAAAAGAAGCAAATACACCCAGG	561025
Sbjct	1981	GTCACCAGCTTGACAGCACACCTCAAAGCTCTAGAATAAAAAGAAGCAAATACACCCAGG	2040
Query	561026	AGGAGTAGAAGGCAGGAAATAATCAAACCTCAGAGCTGAAATCAACCAAGTAGAAACAAAA	561085
Sbjct	2041	AGGAGTAGAAGGCAGGAAATAATCAAACCTCAGAGCTGAAATCAACCAAGTAGAAACAAAA	2100
Query	561086	AGGGCTGTACAAAGAATCAACAGAACCAACAAGATAAATCAACAAGAAAATCAACAAGAT	561145
Sbjct	2101	AGGGCTGTACAAAGAATCAACAGAACCAACAAGATAAATCAACAAGAAAATCAACAAGAT	2160
Query	561146	AAATAAACTCTTAGCCAGACTAATAAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTAACAAAAT	561205
Sbjct	2161	AAATAAACTCTTAGCCAGACTAATAAGAGGACACAGAGAGTGTGTCCAAATTAACAAAAT	2220
Query	561206	CAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGATTCGGAGGAAATTCAAAAAATCATCAGATC	561265
Sbjct	2221	CAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGATTCGGAGGAAATTCAAAAAATCATCAGATC	2280
Query	561266	TTATATTA AAAACCTATATTCAACAAAACCTTGAAAATCTTCAGGAAATAGACAATTTCCCT	561325
Sbjct	2281	TTATATTA AAAACCTATATTCAACAAAACCTTGAAAATCTTCAGGAAATAGACAATTTCCCT	2340
Query	561326	AGACAGATACCAGGTATCGAAGTTAAATCAGGAACAGATAAACCAGTTAAACAACCCCAT	561385
Sbjct	2341	AGACAGATACCAGGTATCGAAGTTAAATCAGGAACAGATAAACCAGTTAAACAACCCCAT	2400
Query	561386	AACTCCTAAGGAAATAGAAGCAGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCAGGTCC	561445
Sbjct	2401	AACTCCTAAGGAAATAGAAGCAGTCATTAAAGGTCTCCCAACCAAAAAGAGCCAGGTCC	2460
Query	561446	AGACGGGTTTAGTGAGAATTCTATCAGACATTCATAGAAGGCCTCATACCAATATTATC	561505
Sbjct	2461	AGACGGGTTTAGTGAGAATTCTATCAGACATTCATAGAAGGCCTCATACCAATATTATC	2520
Query	561506	CAAAC TATTCCACAAAATTGAAACAGATGGAGCCCTACCGAATTCTTTCTACGAAGCCAC	561565
Sbjct	2521	CAAAC TATTCCACAAAATTGAAACAGATGGAGCCCTACCGAATTCTTTCTACGAAGCCAC	2580
Query	561566	AATTACTCTTATACCTAAACCACACAAAGACACAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAAT	561625
Sbjct	2581	AATTACTCTTATACCTAAACCACACAAAGACACAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAAT	2640
Query	561626	TTCCCTTATGAATATCGACGCAAAAATACTCAATAAAAATTCTGGCAAACCGAATCCTAGA	561685
Sbjct	2641	TTCCCTTATGAATATCGACGCAAAAATACTCAATAAAAATTCTGGCAAACCGAATCCTAGA	2700
Query	561686	GCACATCAAAACAATCATCCACCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATG	561745
Sbjct	2701	GCACATCAAAACAATCATCCACCATGATCAAGTAGGCTTCATCCCAGGCATGCAGGGATG	2760
Query	561746	GTTTAATATTTCGGAAAACCATCAACGTGATCCATTATATAAACAAACTGAAAGAACAGAA	561805
Sbjct	2761	GTTTAATATTTCGGAAAACCATCAACGTGATCCATTATATAAACAAACTGAAAGAACAGAA	2820
Query	561806	CCACATGATCATTTTCATTAGATGCTGAGAAAGCATTGACAAAAATCAACACCCCTTCAT	561865
Sbjct	2821	CCACATGATCATTTTCATTAGATGCTGAGAAAGCATTGACAAAAATCAACACCCCTTCAT	2880
Query	561866	GATAAATGTCCATTTCTAGTTTCAGGAATAGGCTCCCTCTTGTGGCTTAAGTCTTAGATT	561925
Sbjct	2881	GATAAATGTCCATTTCTAGTTTCAGGAATAGGCTCCCTCTTGTGGCTTAAGTCTTAGATT	2940
Query	561926	GGACCAATTATTGGTTGGTCCTTTTCCTTAATTGCTGCTCCATCTTTTATTCTGTTTCATC	561985
Sbjct	2941	GGACCAATTATTGGTTGGTCCTTTTCCTTAATTGCTGCTCCATCTTTTATTCTGTTTCATC	3000
Query	561986	TTATATTTTATGTTGACTTTAAATTCAAGTTAGAATATCTTACACAAAAAAGGCAAAGGCA	562045
Sbjct	3001	TTATATTTTATGTTGACTTTAAATTCAAGTTAGAATATCTTACACAAAAAAGGCAAAGGCA	3060
Query	562046	AATGAGACAAATAGTTTAAATTAACAATTA AAAAGAGTTCTTACTGGGCCATATAAACT	562105
Sbjct	3061	AATGAGACAAATAGTTTAAATTAACAATTA AAAAGAGTTCTTACTGGGCCATATAAACT	3120

Query	562106	TGTTTCATTTACATTATGATTTTTTAAAATAAATTATATTTTTGTGTTTGTAGAAAAAGAAAAAT	562165
Sbjct	3121	TGTTTCATTTACATTATGATTTTTTAAAATAAATTATATTTTTGTGTTTGTAGAAAAAGAAAAAT	3180
Query	562166	TATACTCAGAAGTCATACATACACCTCCTAAGCAACTACAAATTATGGGGTGCATTATAT	562225
Sbjct	3181	TATACTCAGAAGTCATACATACACCTCCTAAGCAACTACAAATTATGGGGTGCATTATAT	3240
Query	562226	TCTAAGAACATACTTATTTTTTCTTTGTAGATCTGGATCATTTTACCTTTCTTAGTCCAA	562285
Sbjct	3241	TCTAAGAACATACTTATTTTTTCTTTGTAGATCTGGATCATTTTACCTTTCTTAGTCCAA	3300
Query	562286	TCTTACTCCCTACCTATAAAGTAACTTTGTGACTCCACAGGAGTATGCTGCCAGTGGTTG	562345
Sbjct	3301	TCTTACTCCCTACCTATAAAGTAACTTTGTGACTCCACAGGAGTATGCTGCCAGTGGTTG	3360
Query	562346	GAATCTCAATGTGATGCCAGTTCGGATCAGTCTGTTCTCTGCCACATCAATGCAGACAT	562405
Sbjct	3361	GAATCTCAATGTGATGCCAGTTCGGATCAGTCTGTTCTCTGCCACATCAATGCAGACAT	3420
Query	562406	CTCAGGCATGAAAGTGCCTTGGTTATATGTGGGCATGGTGTTCAGCATTTTGTGGCA	562465
Sbjct	3421	CTCAGGCATGAAAGTGCCTTGGTTATATGTGGGCATGGTGTTCAGCATTTTGTGGCA	3480
Query	562466	TATTGAGGATCACTGGAGTTACTCCATTAACCTGCCTGGTGAGTAAGACACAATAT	562525
Sbjct	3481	TATTGAGGATCACTGGAGTTACTCCATTAACCTGCCTGGTGAGTAAGACACAATAT	3540
Query	562526	TTTGAATATATGAAGATACCTTCTATATACAATAATGCATCTAAACTTTGTATCTCTTCT	562585
Sbjct	3541	TTTGAATATATGAAGATACCTTCTATATACAATAATGCATCTAAACTTTGTATCTCTTCT	3600
Query	562586	CTCTGGCAGGGGTGAACCAAAGACCTGGTATGGAGTACCTTCTCTAGCAGCAGAACACTT	562645
Sbjct	3601	CTCTGGCAGGGGTGAACCAAAGACCTGGTATGGAGTACCTTCTCTAGCAGCAGAACACTT	3660
Query	562646	GGAGGATGTTATGAAGACACTTACACCCGAGTTGTTTGACAGCCAGCCTGACCTCCTACA	562705
Sbjct	3661	GGAGGATGTTATGAAGACACTTACACCCGAGTTGTTTGACAGCCAGCCTGACCTCCTACA	3720
Query	562706	CCAAC TTGTCACTTTGATGAATCCCAACACTCTCATGTCACATGGAGTGCCAGTGAGTAC	562765
Sbjct	3721	CCAAC TTGTCACTTTGATGAATCCCAACACTCTCATGTCACATGGAGTGCCAGTGAGTAC	3780
Query	562766	CTGGAATGAGGCTCGAGGGGAAAATGTTCC TTTTTCAGaacacacacacacacacacac	562825
Sbjct	3781	CTGGAATGAGGCTCGAGGGGAAAATGTTCC TTTTTCAGAACACACACACACACACACAC	3840
Query	562826	acacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacagaggaa ttgtcat tctgggtattgg	562885
Sbjct	3841	ACACACACACACACACACACACACACACACACACACAGAGGAATTGT CAT TCTGGGTATTGG	3900
Query	562886	CAGACCATCACATATGTAGCTTTCTTACAATGCTTCTTTCAAATAGAGAAATAAAAAAGA	562945
Sbjct	3901	CAGACCATCACATATGTAGCTTTCTTACAATGCTTCTTTCAAATAGAGAAATAAAAAAGA	3960
Query	562946	GAAATAGGATTGTGTAACAGCATAAACAATCTTAAAAACCTTGCTCTAGAGCCAGGCTTG	563005
Sbjct	3961	GAAATAGGATTGTGTAACAGCATAAACAATCTTAAAAACCTTGCTCTAGAGCCAGGCTTG	4020
Query	563006	TATTAACATTGCCGAGCATAAATTCtttttattattattatttttttat ttttta CACTCC	563065
Sbjct	4021	TATTAACATTGCCGAGCATAAATTC TTTTATTATTATTATTTTTTTATTTTACTCC	4080
Query	563066	AGTATTTATTCTCTCCCAGTCTACCCTCCAACCACTTTACATCCCATACATCCTTTCTG	563125
Sbjct	4081	AGTATTTATTCTCTCCCAGTCTACCCTCCAACCACTTTACATCCCATACATCCTTTCTG	4140
Query	563126	TCCCTCCTTTCTCTCCCACTCCC GAAGACCTCATCCCACTTCCATCCCCACAAGGATGT	563185
Sbjct	4141	TCCCTCCTTTCTCTCCCACTCCC GAAGACCTCATCCCACTTCCATCCCCACAAGGATGT	4200
Query	563186	CCCCACCCTACCCACCAGACCTCTAAACTTGCTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTTAG	563245
Sbjct	4201	CCCCACCCTACCCACCAGACCTCTAAACTTGCTGGGGCCTCCAGTCTCTTGAGGGTTAG	4260
Query	563246	GTGCCTCATCTTTGTCTGAACCCAGGCCCCACAAGTCCTCTGCTGTATACGTGTTGGAGAC	563305
Sbjct	4261	GTGCCTCATCTTTGTCTGAACCCAGGCCCCACAAGTCCTCTGCTGTATACGTGTTGGAGAC	4320
Query	563306	CTCATGAAAGCTGGTGTATGCTGCCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTAAGACATCACAGGGG	563365
Sbjct	4321	CTCATGAAAGCTGGTGTATGCTGCCTGGTTGGTGATCCAGTGTCTAAGACATCACAGGGG	4380
Query	563366	TCCAGGTTAATTGAGACTGCTGGTCCTCCTACATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCC	563425
Sbjct	4381	TCCAGGTTAATTGAGACTGCTGGTCCTCCTACATGGTGGCCCTCCTCCTCAGCTTCCTCC	4440
Query	563426	AGCTTTTCCCTAATT CAGCCAGAGGGGT CAGCAGCTTCTGTTTATTGGTTGGGTGCACAT	563485

Sbjct	4441	TTCCTTAATTCAGCCAGAGGGGTGAGCAGCTTCTGTTCAATTGGTTGGGTGCACAT	4500
Query	563486	ATCTGTATCTGACTCTTTTCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCATGGTAGGTC	563545
Sbjct	4501	ATCTGTATCTGACTCTTTTCAGCTGCTTGTGAGTACTTTGGAGAGCAGTCATGGTAGGTC	4560
Query	563546	TCTTTTGTGAATGCCCCATAGCTTCAGTAATGGTGTACAGTCTTGGGGCCTCCCCTTGA	563605
Sbjct	4561	TCTTTTGTGAATGCCCCATAGCTTCAGTAATGGTGTACAGTCTTGGGGCCTCCCCTTGA	4620
Query	563606	CGTGGATCCCACTTTGGGATCCTGTCACTGAACCTCCTTTCCCTCAGGCTCTTCTCCATT	563665
Sbjct	4621	CGTGGATCCCACTTTGGGATCCTGTCACTGAACCTCCTTTCCCTCAGGCTCTTCTCCATT	4680
Query	563666	TCCATCCCTGCATTTCTTTTCAGACAGGAAGTATTATGGGTCAGAACTTTGGCTGTGGGAT	563725
Sbjct	4681	TCCATCCCTGCATTTCTTTTCAGACAGGAAGTATTATGGGTCAGAACTTTGGCTGTGGGAT	4740
Query	563726	GGCAACCCCATCCCCTCACTTGATGACCCGTCTTTCTGATGGAGGTAGGTTCCAAAAGTT	563785
Sbjct	4741	GGCAACCCCATCCCCTCACTTGATGACCCGTCTTTCTGATGGAGGTAGGTTCCAAAAGTT	4800
Query	563786	CCCTCTCCCCACTGTACAATCTTTCATCTAGGATACACCCTTTGAGTTCTGAAAGTTTCT	563845
Sbjct	4801	CCCTCTCCCCACTGTACAATCTTTCATCTAGGATACACCCTTTGAGTTCTGAAAGTTTCT	4860
Query	563846	CACTTTCCCAGGTCTCTGATATATTCTAGAGGATCTTCCCAAACCTTCTTCTCCCAAGAT	563905
Sbjct	4861	CACTTTCCCAGGTCTCTGATATATTCTAGAGGATCTTCCCAAACCTTCTTCTCCCAAGAT	4920
Query	563906	TGCCTGTTTCCATTCTTTCTGCTGGCCCTCAGGGCCTCAGTTCTTATCCCCACATAATA	563965
Sbjct	4921	TGCCTGTTTCCATTCTTTCTGCTGGCCCTCAGGGCCTCAGTTCTTATCCCCACATAATA	4980
Query	563966	CCAAATCATGttcccgctctccccagccccattcccttcccactcctgtttctccctccc	564025
Sbjct	4981	CCAAATCATGTTCCCGTCTCCCCAGCCCCATTCCCTTCCACTCCTGTTTCTCCCTCCC	5040
Query	564026	tccttccctcccttggtggttgctttcgctctccctcccAAGTGGGATCAAGGCCTCCTCACT	564085
Sbjct	5041	TCCTTCTCTCCCTTGTGGTTGCTTTCGTCTCCCTCCCAAGTGGGATCAAGGCCTCCTCACT	5100
Query	564086	TGGGCCCTTCAAATTGTTGACTCTTTTGAGTTCTGTGGAATGTGTCTTGGGTATTCTGTA	564145
Sbjct	5101	TGGGCCCTTCAAATTGTTGACTCTTTTGAGTTCTGTGGAATGTGTCTTGGGTATTCTGTA	5160
Query	564146	CtttttttttCTGGCTAATATCCACTTATTAGTGAGAACATACTGTGCATGTCCTTTTTTG	564205
Sbjct	5161	CTTTTTTTTTCTGGCTAATATCCACTTATTAGTGAGAACATACTGTGCATGTCCTTTTTTG	5220
Query	564206	ATTGAGTTAGCTTACTTAGAATGATATTTTCTAGTTGCCTGCAAACTGAGGATATCCA	564265
Sbjct	5221	ATTGAGTTAGCTTACTTAGAATGATATTTTCTAGTTGCCTGCAAACTGAGGATATCCA	5280
Query	564266	TGTTCTTAATAGCCCATTTATAAATGAACCACATTTTCTGTAACCATTCTGTTGTGGGTC	564325
Sbjct	5281	TGTTCTTAATAGCCCATTTATAAATGAACCACATTTTCTGTAACCATTCTGTTGTGGGTC	5340
Query	564326	ACCTGGGTTGTTTCCAGCTTCTGCCTATCACAAACAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAAG	564385
Sbjct	5341	ACCTGGGTTGTTTCCAGCTTCTGCCTATCACAAACAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAAG	5400
Query	564386	ATGTGCCCTGTGTCATGGTCTGGCATCTTTGGTGTATATTCCCAAGAGTGGTATTTCTG	564445
Sbjct	5401	ATGTGCCCTGTGTCATGGTCTGGCATCTTTGGTGTATATTCCCAAGAGTGGTATTTCTG	5460
Query	564446	GGTCTATAGGTAGGTCTATTTTCAATTTTCTGGGGAAACTCTTAAAATGATTTCCAGAGT	564505
Sbjct	5461	GGTCTATAGGTAGGTCTATTTTCAATTTTCTGGGGAAACTCTTAAAATGATTTCCAGAGT	5520
Query	564506	GGTTGTACCAATTTGCAATGCTACCAGCAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCCT	564565
Sbjct	5521	GGTTGTACCAATTTGCAATGCTACCAGCAATGGAGGAGTGTTCCCTCTTTCTCCACATCCT	5580
Query	564566	CACTAACATGTGTTGTACGTGACATTCTGACTGCTGTGAAGTAAAATCTCAGGGTCATT	564625
Sbjct	5581	CACTAACATGTGTTGTACGTGACATTCTGACTGCTGTGAAGTAAAATCTCAGGGTCATT	5640
Query	564626	TGATTTGAATTTCCCTGAGAACTAAGGACTTTGAACATTTCTTTAAGTCTTTCTCAGGTA	564685
Sbjct	5641	TGATTTGAATTTCCCTGAGAACTAAGGACTTTGAACATTTCTTTAAGTCTTTCTCAGGTA	5700
Query	564686	TATAATATTCTTCTCTTTGTAACCTAAGTCTTCTACACCCAAGtttttttttCTCC	564745
Sbjct	5701	TATAATATTCTTCTCTTTGTAACCTAAGTCTTCTACACCCAAGTTTTTTTTTCTCC	5760
Query	564746	CTCTTTATTAAATTAGGTATTTCTTATTTACATTTCAATTGTTATTACCTTTCCAGTTT	564805
Sbjct	5761	CTCTTTATTAAATTAGGTATTTCTTATTTACATTTCAATTGTTATTACCTTTCCAGTTT	5820

Query	564806	CCAGGCCAACATccccctagccccctccccctcccccttcgatatgggtgttccccctcccca	564865
Sbjct	5821	CCAGGCCAACATCCCCCTAGCCCCCTCCCCTTCCCCCTCGATATGGGTGTTCCCCTCCCCA	5880
Query	564866	ctctccccccattaccaccctccccccaACAATCACGTTTACTGGTGGGTTCAGTCTTAG	564925
Sbjct	5881	CTCTCCCCCATTACCACCCTCCCCCAACAATCACGTTTACTGGTGGGTTCAGTCTTAG	5940
Query	564926	CAGGATAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTGACTTACTAGGCGATTCAATTGCTACCTATGAGG	564985
Sbjct	5941	CAGGATAGGGCTTCCCCCTTCCACTGGTGACTTACTAGGCGATTCAATTGCTACCTATGAGG	6000
Query	564986	TTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTTGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTC	565045
Sbjct	6001	TTGGAGCCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTTGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTC	6060
Query	565046	TGGTTGCTTGGCATTGTTGTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCT	565105
Sbjct	6061	TGGTTGCTTGGCATTGTTGTTCATATGGGGTCTCGAGCCCCCTCAAGCTCTTCCAGTTCT	6120
Query	565106	TTCTCTGATTCTACAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCG	565165
Sbjct	6121	TTCTCTGATTCTACAACGGGGGTCCCATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGGCATTTCG	6180
Query	565166	CCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCGACTCCTGT	565225
Sbjct	6181	CCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCGACTCCTGT	6240
Query	565226	CGGCCTGCACTTTCTTCATCCATCTTGTCTAGTTTGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	565285
Sbjct	6241	CGGCCTGCACTTTCTTCATCCATCTTGTCTAGTTTGGTGGCTGTATATGTATGGGCCAC	6300
Query	565286	ATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCTGTGTCTGTTTAAATCTTGCCTCTCTC	565345
Sbjct	6301	ATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCTGTGTCTGTTTAAATCTTGCCTCTCTC	6360
Query	565346	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTCATATTTTG	565405
Sbjct	6361	TTCCCTGCCAAGGGTATTCTTGTTCCCTTTTAAATAAGGAGTGAAGCATTCATATTTTG	6420
Query	565406	GTCATCCTTCTTGAGTTTCACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTG	565465
Sbjct	6421	GTCATCCTTCTTGAGTTTCACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCAAGCATTG	6480
Query	565466	ACGGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTACCTCACT	565525
Sbjct	6481	ACGGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTGTGTTTTTCTGTGATTGGGTACCTCACT	6540
Query	565526	CAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCGCTATGAATTTTATAAAGTCATTGTTTTT	565585
Sbjct	6541	CAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCGCTATGAATTTTATAAAGTCATTGTTTTT	6600
Query	565586	GATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCTCTGT	565645
Sbjct	6601	GATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTATATCCATTCTCTGT	6660
Query	565646	TGAAGGGCATCTGGGTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCTATGAACAT	565705
Sbjct	6661	TGAAGGGCATCTGGGTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGACTGCTATGAACAT	6720
Query	565706	AGTGGAGCACGTGTCTTTGTTATATGTTGGGGCATCTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGG	565765
Sbjct	6721	AGTGGAGCACGTGTCTTTGTTATATGTTGGGGCATCTTTGAGTATATGCCCAAGAGAGG	6780
Query	565766	TATAGCTGAGTCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATT	565825
Sbjct	6781	TATAGCTGAGTCCTCAGGTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATT	6840
Query	565826	CCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCC	565885
Sbjct	6841	CCAGAATGGTTGTACCAGTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCC	6900
Query	565886	ACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGT	565945
Sbjct	6901	ACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCTATTCTGACTGGTGT	6960
Query	565946	GAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTATGACTAAAGATGTTGAACA	566005
Sbjct	6961	GAGGTGGAATCTCAGGGTTGTTTTGATTGCAATTCCTTATGACTAAAGATGTTGAACA	7020
Query	566006	TTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCCGGCATTCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTC	566065
Sbjct	7021	TTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTCCGGCATTCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTC	7080
Query	566066	GGAACCCCATTTCTTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTT	566125
Sbjct	7081	GGAACCCCATTTCTTAATAGGGTCATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCGTGAGTTCTTT	7140
Query	566126	GTATATTTTGGATATGAGCCCTCTCTCTGTTGTAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATT	566185

Sbjct	7141	ATATTTTGGATATGAGCCCTCTCTCTGTTGTAGAATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATT	7200
Query	566186	TGTTGGTTGTCATTTTGTACTAAAACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGTAGTTTA	566245
Sbjct	7201	TGTTGGTTGTCATTTTGTACTAAAACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGTAGTTTA	7260
Query	566246	ATGAGAACCCATTTGTCGATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGCGTTTGTTCAGG	566305
Sbjct	7261	ATGAGAACCCATTTGTCGATTCTTAATCTTAGAGCATAAGCCATTGGCGTTTGTTCAGG	7320
Query	566306	AAGTTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACtttttttCTATTAGTTTGA	566365
Sbjct	7321	AAGTTTTCTCCAGTGCCCATGTGTTCAAGATGCTTCCCCACTTTTTTCTATTAGTTTGA	7380
Query	566366	GTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTG	566425
Sbjct	7381	GTGTATCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTG	7440
Query	566426	ATAAGCATGGATTGATCTGCATTCTTGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCATCATTTGCTGA	566485
Sbjct	7441	ATAAGCATGGATTGATCTGCATTCTTGCTGACCTCCAGTTGAACCAGCATCATTTGCTGA	7500
Query	566486	AAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTTGTCTCCTTTGTCAAAAATAATGTGACCAT	566545
Sbjct	7501	AAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTTGTCTCCTTTGTCAAAAATAATGTGACCAT	7560
Query	566546	AGGTGTAAGGGTTCATTTCTGGGTCAATTTTATTCAACTGGTCTCTGTGCCTGTCTTTGT	566605
Sbjct	7561	AGGTGTAAGGGTTCATTTCTGGGTCAATTTTATTCAACTGGTCTCTGTGCCTGTCTTTGT	7620
Query	566606	ACCAATACCAGTTTTTATCACTATTGTTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGAATACCGAT	566665
Sbjct	7621	ACCAATACCAGTTTTTATCACTATTGTTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGAATACCGAT	7680
Query	566666	TCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTATTTTCATATTCCAGATGAATTTGGAA	566725
Sbjct	7681	TCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGTTATTTTCATATTCCAGATGAATTTGGAA	7740
Query	566726	ATTGTTCTGCCCAACTCTCTGAAGAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGAAT	566785
Sbjct	7741	ATTGTTCTGCCCAACTCTCTGAAGAATTGGATTGGTATTTTCATGGGGATTGCATTGAAT	7800
Query	566786	CTATACATCGCTTTTGGTATAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTTCCAATTCATGAA	566845
Sbjct	7801	CTATACATCGCTTTTGGTATAATGGCCATTTTTACTATATTAATCCTTCCAATTCATGAA	7860
Query	566846	CATGGGAGAAATTTCCATTTTCTGAGCTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAG	566905
Sbjct	7861	CATGGGAGAAATTTCCATTTTCTGAGCTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGGCTTGAAG	7920
Query	566906	TTCTTATCATA CAGATCTTTCAC TTGCTTGGTTAAAGTCATACTGAGGTATTTTATATTA	566965
Sbjct	7921	TTCTTATCATA CAGATCTTTCAC TTGCTTGGTTAAAGTCATACTGAGGTATTTTATATTA	7980
Query	566966	TTTGGGACCATTATGAAGGGTGTCGTTTCCCTGTTTTCTTCTTGGTTTGGTTCTCTTTT	567025
Sbjct	7981	TTTGGGACCATTATGAAGGGTGTCGTTTCCCTGTTTTCTTCTTGGTTTGGTTCTCTTTT	8040
Query	567026	GTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTTCATTTTAAACCCAGCCACTTTGCTGAAG	567085
Sbjct	8041	GTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTTCATTTTAAACCCAGCCACTTTGCTGAAG	8100
Query	567086	GTGTTTATCAGGTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGAGTCACTTACATATACTATC	567145
Sbjct	8101	GTGTTTATCAGGTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGAGTCACTTACATATACTATC	8160
Query	567146	ATATCAAATATTGATATTTTGACTTCTTCCTTCCCAATCTGTATTCCTTTGATCTCCTTT	567205
Sbjct	8161	ATATCAAATATTGATATTTTGACTTCTTCCTTCCCAATCTGTATTCCTTTGATCTCCTTT	8220
Query	567206	TATTGTCTGATTGCTCTGACTAGGACTTCGAAAACATATTGAATAAGTAGGAAGAGAGT	567265
Sbjct	8221	TATTGTCTGATTGCTCTGACTAGGACTTCGAAAACATATTGAATAAGTAGGAAGAGAGT	8280
Query	567266	GGGCAGATTTTTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGT	567325
Sbjct	8281	GGGCAGATTTTTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGT	8340
Query	567326	TTAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGA	567385
Sbjct	8341	TTAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGA	8400
Query	567386	ATTCTACTCTTTCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCCAATGCTTTC	567445
Sbjct	8401	ATTCTACTCTTTCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCCAATGCTTTC	8460
Query	567446	TCAGCATCTAATGAAATGATCATGTAGTTTTTATCCTTCAGTTTGTTTATATAGTGGGTT	567505
Sbjct	8461	TCAGCATCTAATGAAATGATCATGTAGTTTTTATCCTTCAGTTTGTTTATATAGTGGGTT	8520

Query	567506	ATGTTGATGGTTTTCTGTATATTAAGCCATCCCTGCATGCCTGGAATGAAGCCTACTTGA	567565
Sbjct	8521	ATGTTGATGGTTTTCTGTATATTAAGCCATCCCTGCATGCCTGGAATGAAGCCTACTTGA	8580
Query	567566	TCATGATGGATGATTGTTTTAATGTGCTCTTGGATTCCGTTTGCAAGAATTTTATTGAGG	567625
Sbjct	8581	TCATGATGGATGATTGTTTTAATGTGCTCTTGGATTCCGTTTGCAAGAATTTTATTGAGG	8640
Query	567626	ATTTTTGCATCGATATCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTT	567685
Sbjct	8641	ATTTTTGCATCGATATCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGGGTCTT	8700
Query	567686	TGTGTGGTTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGTAGTGCTCCATCTGTTTCA	567745
Sbjct	8701	TGTGTGGTTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGTAGTGCTCCATCTGTTTCA	8760
Query	567746	ATATTGTGGAATAATTTAGTTAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAATGTCTGATAAAAT	567805
Sbjct	8761	ATATTGTGGAATAATTTAGTTAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAATGTCTGATAAAAT	8820
Query	567806	TCTGCACTGAACCCATCTGGACCAGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCT	567865
Sbjct	8821	TCTGCACTGAACCCATCTGGACCAGGGCTCTTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCT	8880
Query	567866	TCTATTTCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCTGATTTAACTTC	567925
Sbjct	8881	TCTATTTCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCTGATTTAACTTC	8940
Query	567926	GGTATCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCCAGCATATTTTCAAGTTTTGTTGAA	567985
Sbjct	8941	GGTATCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCCAGCATATTTTCAAGTTTTGTTGAA	9000
Query	567986	TATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGGTGATTTTTTGAATTCCTCTGATTCTGTAGATATG	568045
Sbjct	9001	TATAGGCTTTTGTAGTAGGATCTGGTGATTTTTTGAATTCCTCTGATTCTGTAGATATG	9060
Query	568046	TTTCCCTTTTCATTTCTGATCTTGTTAATTTGGACACATTCTCTGTGTCCTCTTATTAGT	568105
Sbjct	9061	TTTCCCTTTTCATTTCTGATCTTGTTAATTTGGACACATTCTCTGTGTCCTCTTATTAGT	9120
Query	568106	CTGGCTAAGAGTTTATTTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGTTCTGTTG	568165
Sbjct	9121	CTGGCTAAGAGTTTATTTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAGCTTTTGTTCTGTTG	9180
Query	568166	ATTCTTTGTATAGCCCTTTTGTCTTACTTGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATT	568225
Sbjct	9181	ATTCTTTGTATAGCCCTTTTGTCTTACTTGTTGATTTTCAGCTCTGAGTTTGATTATT	9240
Query	568226	TCCTGCCTTTAACTCCTCCTGAGTGATTTGCTTCTTTTTATTCTAGAGCTTTGAGGTGT	568285
Sbjct	9241	TCCTGCCTTTAACTCCTCCTGAGTGATTTGCTTCTTTTTATTCTAGAGCTTTGAGGTGT	9300
Query	568286	GCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATG	568345
Sbjct	9301	GCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGAGCTATG	9360
Query	568346	AGTTTTCTTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGCATTAAATTCTAAGAA	568405
Sbjct	9361	AGTTTTCTTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGGCATTAAATTCTAAGAA	9420
Query	568406	GTCTTTAA <del>ttttttt</del> CCTTTATTTTTAACTTGACAAAGTTATCATTGAGTAGAGCATTGT	568465
Sbjct	9421	GTCTTTAATTTTTTTCCTTTATTTTTAACTTGACAAAGTTATCATTGAGTAGAGCATTGT	9480
Query	568466	TCAGCTTCCATGGATATGTGGGCGTTCTCCCTTATTGTCATTGAAGACCAGCTTTAGGC	568525
Sbjct	9481	TCAGCTTCCATGGATATGTGGGCGTTCTCCCTTATTGTCATTGAAGACCAGCTTTAGGC	9540
Query	568526	CGTGGTGGTCTGATAGCAGGCATGGGCTTATTCTACCTTTTTGTGTCTGTTGAGGCCCG	568585
Sbjct	9541	CGTGGTGGTCTGATAGCAGGCATGGGCTTATTCTACCTTTTTGTGTCTGTTGAGGCCCG	9600
Query	568586	TGTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAGTACCATGAGGAACCTGAGAAAAAT	568645
Sbjct	9601	TGTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAAAGTACCATGAGGAACCTGAGAAAAAT	9660
Query	568646	GTATATCATTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTC	568705
Sbjct	9661	GTATATCATTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTC	9720
Query	568706	ATGACTTCTCTTAGTCTGTGACATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGACCTGTCCATT	568765
Sbjct	9721	ATGACTTCTCTTAGTCTGTGACATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGACCTGTCCATT	9780
Query	568766	GATGAGAGTGGCCTGTTGAAATCTCCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTG	568825
Sbjct	9781	GATGAGAGTGGCCTGTTGAAATCTCCTACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGCTTTG	9840
Query	568826	AGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTATGTATGCAGGTGCCCTGGTATTTGGAGCATAGATATTT	568885



Sbjct	9841	TTAGTAAGGTTTCTTTTATGTATGCAGGTGCCCTGGTATTGGAGCATAGATATTT	9900
Query	568886	AGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCCCTTCCTTA	568945
Sbjct	9901	AGGATTGAGAGTTCATCTTGGTGGATTTTTCCTTTGATGAATATGAAGTGTCCCTTCCTTA	9960
Query	568946	TCttttttgatgactttttatttgaaaattgattttttatttgaTATTAGAATGGCTACTCC	569005
Sbjct	9961	TCTTTTGGATGACTTTTATTTGAAAATGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCC	10020
Query	569006	AGCTTGCTTCTTCCGACCATTTGCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCACTGAGGTAGT	569065
Sbjct	10021	AGCTTGCTTCTTCCGACCATTTGCTTGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCACTGAGGTAGT	10080
Query	569066	GTATGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAGAATGCGGGGTCCTCATTGC	569125
Sbjct	10081	GTATGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCCTGTAGGCAGCAGAATGCGGGGTCCTCATTGC	10140
Query	569126	ATATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAG	569185
Sbjct	10141	ATATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAG	10200
Query	569186	ATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGT	569245
Sbjct	10201	ATATTAAGGAATGGTGATTATTGCTTCCTGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGT	10260
Query	569246	TTGTGTGCTTTTCTTCTCTTGTGTTTGTGTCAAGACAATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAG	569305
Sbjct	10261	TTGTGTGCTTTTCTTCTCTTGTGTTTGTGTCAAGACAATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAG	10320
Query	569306	GGTGTAGCTTGCCCTCCTTGTTGGGCTTTACCATTTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATT	569365
Sbjct	10321	GGTGTAGCTTGCCCTCCTTGTTGGGCTTTACCATTTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATT	10380
Query	569366	TGTAGGAAGATACTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTAT	569425
Sbjct	10381	TGTAGGAAGATACTGTGTAAATTTGGTTTTGTGCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTAT	10440
Query	569426	GTTAATTGAGAGTTTTCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTTCTCTTAGGGT	569485
Sbjct	10441	GTTAATTGAGAGTTTTCAGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTTCTCTTAGGGT	10500
Query	569486	CTGTATGACATCTATCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGT	569545
Sbjct	10501	CTGTATGACATCTATCCAGGATCTTCTGGCTTTCATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGT	10560
Query	569546	AATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACTTGACctttttcccttactgcttttaatat	569605
Sbjct	10561	AATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAATGTCACTTGACCTTTTTCCCTTACTGCTTTTAATAT	10620
Query	569606	tctttcttttgcttgggtttttggttttttgACTATTATGTGTGGGAGGAATTCCTTTTC	569665
Sbjct	10621	TCTTCTTTGTCTGTGTTTTGGTTTTTGACTATTATGTGTGGGAGGAATTCCTTTTC	10680
Query	569666	TGGTGCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGACTTCTTGTTTCATGGACATCTTCTTTAGGTTA	569725
Sbjct	10681	TGGTGCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGACTTCTTGTTTCATGGACATCTTCTTTAGGTTA	10740
Query	569726	GGGAAGtttttttttATAATTTGTTGAAAAATTTTACTGGCCCTGTAAAGTTCAGAGTCT	569785
Sbjct	10741	GGGAAGTTTTTTTTTATAATTTGTTGAAAAATTTTACTGGCCCTGTAAAGTTCAGAGTCT	10800
Query	569786	TTATTCTCTTCTATACCTATTTTCCTTATGTTTGGTTTTCTCATTATGTCCTAGATTTCT	569845
Sbjct	10801	TTATTCTCTTCTATACCTATTTTCCTTATGTTTGGTTTTCTCATTATGTCCTAGATTTCT	10860
Query	569846	TGGATATCTTGGGTCATGAGCTTTTTATATTTTCTTGACCGTTCTGTCATTGTTTTCTA	569905
Sbjct	10861	TGGATATCTTGGGTCATGAGCTTTTTATATTTTCTTGACCGTTCTGTCATTGTTTTCTA	10920
Query	569906	TGGGATTCTCTCTTCTATCTTGTATCTGTTGGTGCTTTTGTCTATGACTTCTGATAT	569965
Sbjct	10921	TGGGATTCTCTCTTCTATCTTGTATCTGTTGGTGCTTTTGTCTATGACTTCTGATAT	10980
Query	569966	CTTTCCTAGGTTTTCCATCTCCAGGGCTCTTCCCTTTGGActtttttttattggtttcta	570025
Sbjct	10981	CTTTCCTAGGTTTTCCATCTCCAGGGCTCTTCCCTTTGATTTTTTTTTATGTTTCTA	11040
Query	570026	tttttatttttAGATCCTGAATGGTTTTGTTCAATTCCTTCACCTCTTTGGTTGTGTTTT	570085
Sbjct	11041	TTTTTATTTTATAGATCCTGAATGGTTTTGTTCAATTCCTTCACCTCTTTGGTTGTGTTTT	11100
Query	570086	CCTGTCATTCTTTAATGGATTTTTGTGTTTCCTCTTTAAGGGCTTCTACTTGCTCACCTG	570145
Sbjct	11101	CCTGTCATTCTTTAATGGATTTTTGTGTTTCCTCTTTAAGGGCTTCTACTTGCTCACCTG	11160
Query	570146	TGTTGTTCTGTATTTCTTTAAGGGGGTTATTTATGACCTTCTTAAAGTCCTCTATCTCA	570205
Sbjct	11161	TGTTGTTCTGTATTTCTTTAAGGGGGTTATTTATGACCTTCTTAAAGTCCTCTATCTCA	11220

Query	570206	TCATGAGATGTAGTTTTAAATCCAAAACCTTGCTTTTCTGCTGTTTTTCAGATACCCAGTAT	570265
Sbjct	11221	TCATGAGATGTAGTTTTAAATCCAAAACCTTGCTTTTCTGCTGTTTTTCAGATACCCAGTAT	11280
Query	570266	TTGCTTTGGTGGGAGAACTGGGTTCTGATAATGTTGCTTGGGTTTTTGTGCCTGTCTTTT	570325
Sbjct	11281	TTGCTTTGGTGGGAGAACTGGGTTCTGATAATGTTGCTTGGGTTTTTGTGCCTGTCTTTT	11340
Query	570326	GCTGGTGGCTATCTCTGATGTTAGTTGTTCTTGCTGTCTCTGACTGAAACTTGCGTCTAC	570385
Sbjct	11341	GCTGGTGGCTATCTCTGATGTTAGTTGTTCTTGCTGTCTCTGACTGAAACTTGCGTCTAC	11400
Query	570386	TGTGGGCCAGTGAGCCTGTGATCTTAGGAGTAAGAGGGCTTCTTGGAGACCAGCTTTCTT	570445
Sbjct	11401	TGTGGGCCAGTGAGCCTGTGATCTTAGGAGTAAGAGGGCTTCTTGGAGACCAGCTTTCTT	11460
Query	570446	TAGGGTAGGTTTTGGGTCTGAAGAGCTGTGCAACAGCCCCATTTCTAGGTGTAAATGGAG	570505
Sbjct	11461	TAGGGTAGGTTTTGGGTCTGAAGAGCTGTGCAACAGCCCCATTTCTAGGTGTAAATGGAG	11520
Query	570506	CTA <b>t</b> ttttttt <b>t</b> CTCTATATATAAACTCTTAGTTTCCTTATTTGTGCAAAATGAACTTGGA	570565
Sbjct	11521	CTATTTTTTTTCTCTATATATAAACTCTTAGTTTCCTTATTTGTGCAAAATGAACTTGGA	11580
Query	570566	ACTTCTAATGTTGGAAC <b>T</b> CTAAAGTTGGAAC <b>T</b> CTAACTTAAATGTTATAGTCAAAC <b>T</b> T	570625
Sbjct	11581	ACTTCTAATGTTGGAAC <b>T</b> CTAAAGTTGGAAC <b>T</b> CTAACTTAAATGTTATAGTCAAAC <b>T</b> T	11640
Query	570626	TATCAATTTTCTAAT <b>T</b> CTATAGAGTAATATTTTATTATGTCTTTTTCTTTAACTTTATCA	570685
Sbjct	11641	TATCAATTTTCTAAT <b>T</b> CTATAGAGTAATATTTTATTATGTCTTTTTCTTTAACTTTATCA	11700
Query	570686	TTTAATGTATCAACCATTCCATCAGAACCTGTTGATCCTTGTTACTCTGACAGGTTTTA	570745
Sbjct	11701	TTTAATGTATCAACCATTCCATCAGAACCTGTTGATCCTTGTTACTCTGACAGGTTTTA	11760
Query	570746	TTTTTCTGATAGTACTAAAGTCGTCTGCCTTTATTTTATCATTAGTCTTATAAAGTACT	570805
Sbjct	11761	TTTTTCTGATAGTACTAAAGTCGTCTGCCTTTATTTTATCATTAGTCTTATAAAGTACT	11820
Query	570806	TGTGACTACTTTGTATTAAAGAATGCTAGTTATATTTAAATCTATG <b>t</b> ttt <b>g</b> gt <b>c</b> tttt <b>g</b>	570865
Sbjct	11821	TGTGACTACTTTGTATTAAAGAATGCTAGTTATATTTAAATCTATGTTTGGTCTTTTTG	11880
Query	570866	<b>t</b> cttttttttttttttttt <b>t</b> GAGAAAGTGATCCTACTAAGGAAAATATTGATAAATAAACAC	570925
Sbjct	11881	TC <b>T</b> TTTTTTTTTTTTTTT <b>T</b> GAGAAAGTGATCCTACTAAGGAAAATATTGATAAATAAACAC	11940
Query	570926	TGGATTAGGTATACAAGTATAACCACTCTCCTTCCACAAGAACACCAGCAAAAAGATTCT	570985
Sbjct	11941	TGGATTAGGTATACAAGTATAACCACTCTCCTTCCACAAGAACACCAGCAAAAAGATTCT	12000
Query	570986	TGATGAAGTCAGGCATTGTGACATATGTTTATGATTCTAACTTTCAGGACTCTAAAGAAC	571045
Sbjct	12001	TGATGAAGTCAGGCATTGTGACATATGTTTATGATTCTAACTTTCAGGACTCTAAAGAAC	12060
Query	571046	ACAATCTAAAGACACTATATCATATAc <b>aaaaattatgaagcaagaaatcccaaaaa</b> caa	571105
Sbjct	12061	ACAATCTAAAGACACTATATCATATACAAA <b>A</b> ATTATGAAGCAAGAAATCCCAAAAACAA	12120
Query	571106	<b>a</b> aaat <b>t</b> taaaat <b>t</b> taataaaat <b>t</b> at <b>t</b> taaaaaat <b>g</b> aaagac <b>a</b> aaa <b>CAGCAATTGTCTATAA</b>	571165
Sbjct	12121	AAAATTTAA <b>A</b> TTAATAAAAT <b>T</b> ATTTAAAAAAT <b>G</b> AAAGACAAACAGCAATTGTCTATAA	12180
Query	571166	GTGAAATATTCA <b>T</b> TCTAGTCAAGAACTTGTTTGAGTAAGAGGAATTAGCAACTGTCTTTG	571225
Sbjct	12181	GTGAAATATTCA <b>T</b> TCTAGTCAAGAACTTGTTTGAGTAAGAGGAATTAGCAACTGTCTTTG	12240
Query	571226	TAATAAGTTGGTCAAAGGAGCAAAGGTATAGAATAAACAAAAGTACCCAATACCTAGAAA	571285
Sbjct	12241	TAATAAGTTGGTCAAAGGAGCAAAGGTATAGAATAAACAAAAGTACCCAATACCTAGAAA	12300
Query	571286	ACTAAGGTTGCCATCAGTATAACAATACATATGGAAAAGGAGGGAGGGAGAGAGGATATT	571345
Sbjct	12301	ACTAAGGTTGCCATCAGTATAACAATACATATGGAAAAGGAGGGAGGGAGAGAGGATATT	12360
Query	571346	TTAGGAAATAATAAAAACAATTTTCTAAAAGTAAATATTCAAGAAGGACAAATACTGCAA	571405
Sbjct	12361	TTAGGAAATAATAAAAACAATTTTCTAAAAGTAAATATTCAAGAAGGACAAATACTGCAA	12420
Query	571406	GCTAGAAACAGCAGATGGTACTGTACAGATTTT <b>T</b> AGTCTATGAATTCACTGTCTACCTAG	571465
Sbjct	12421	GCTAGAAACAGCAGATGGTACTGTACAGATTTT <b>T</b> AGTCTATGAATTCACTGTCTACCTAG	12480
Query	571466	TTTTTAAAAACATATTCTTAAAGTAGGTGATTTATTATGGATAACTAACTTCTCTTGGTG	571525
Sbjct	12481	TTTTTAAAAACATATTCTTAAAGTAGGTGATTTATTATGGATAACTAACTTCTCTTGGTG	12540
Query	571526	TAAATTCAATAGTTAAT <b>T</b> CTATTAAATAATATCAGTACATCATTGCTTTTTGTGGATAC	571585

Sbjct	12541	TCAATAGTTAATTCTTATTAAATAATATCAGTACATCATTGCTTTTGTGGATAC	12600
Query	571586	ATAATACTGATATTTTGTTTACACATTCCTAAGTTGATGAACACTACTTAGCTGATTTACTT	571645
Sbjct	12601	ATAATACTGATATTTTGTTTACACATTCCTAAGTTGATGAACACTACTTAGCTGATTTACTT	12660
Query	571646	TTAGCTGTGGTGAAAGATTCTGCTGTCAACACTTGTTTACAAATATCTGTTCAAATCTTT	571705
Sbjct	12661	TTAGCTGTGGTGAAAGATTCTGCTGTCAACACTTGTTTACAAATATCTGTTCAAATCTTT	12720
Query	571706	GTTTTGAATTGTTTGTGTATACTCAGGTATTACTCCATAATCCATGCACATTTCTCTTG	571765
Sbjct	12721	GTTTTGAATTGTTTGTGTATACTCAGGTATTACTCCATAATCCATGCACATTTCTCTTG	12780
Query	571766	AGAAACCAATGTACTACAGCAGCTTCATGACCATTTACATTCCTGCTACATATGTATAT	571825
Sbjct	12781	AGAAACCAATGTACTACAGCAGCTTCATGACCATTTACATTCCTGCTACATATGTATAT	12840
Query	571826	ATCCTAATGTTTGCATATCCACATGACATTTGTTTTCTGCTTTGAATGATGACCAAGACT	571885
Sbjct	12841	ATCCTAATGTTTGCATATCCACATGACATTTGTTTTCTGCTTTGAATGATGACCAAGACT	12900
Query	571886	TGAGTTCTCTGTATTTTTTCCACAGTTGTGAAAAATTGACTTCATAATTTGACTTTTATT	571945
Sbjct	12901	TGAGTTCTCTGTATTTTTTCCACAGTTGTGAAAAATTGACTTCATAATTTGACTTTTATT	12960
Query	571946	TCACTAATATAAATATAATATTTCAGCAATATATTTCACTTGACAAAGCGTCTTCTCATT	572005
Sbjct	12961	TCACTAATATAAATATAATATTTCAGCAATATATTTCACTTGACAAAGCGTCTTCTCATT	13020
Query	572006	TGCTTGACAAACCTCATACAAATTTCTTTTCTTTTATATGTCTTACTGAGTTTGTGGA	572065
Sbjct	13021	TGCTTGACAAACCTCATACAAATTTCTTTTCTTTTATATGTCTTACTGAGTTTGTGGA	13080
Query	572066	TCTAGCAGTACAACAGATTCTTTTAAACAATATTTTGTTTAAATAAGTCTTATCATTTA	572125
Sbjct	13081	TCTAGCAGTACAACAGATTCTTTTAAACAATATTTTGTTTAAATAAGTCTTATCATTTA	13140
Query	572126	GGTCTTTTCAGATAATATCTGTTTTGAAAAATGGTTTAATTGTGGTTTTAAATTTGCTTTT	572185
Sbjct	13141	GGTCTTTTCAGATAATATCTGTTTTGAAAAATGGTTTAATTGTGGTTTTAAATTTGCTTTT	13200
Query	572186	GCTATTATCACCTGTATGAACAGAATGTGAAAGTCAGAGATATAAGAGCTTAGAATTTGA	572245
Sbjct	13201	GCTATTATCACCTGTATGAACAGAATGTGAAAGTCAGAGATATAAGAGCTTAGAATTTGA	13260
Query	572246	TCTCCTGgttttttggggggttttggttttggttttggttttgctaaaaatattttgATAC	572305
Sbjct	13261	TCTCCTGGTTTTTTGGGGGTTTTGTTTTGTTTTGGTTTTTGCTAAAAATATTTTTGATAC	13320
Query	572306	TGTATTATCTTTCCTTTGAATTCACATCATTTTGCTTTATAGATTCTTCTGTGTATATC	572365
Sbjct	13321	TGTATTATCTTTCCTTTGAATTCACATCATTTTGCTTTATAGATTCTTCTGTGTATATC	13380
Query	572366	ACATTTAGTCTTCACAGTTTCATTTTCTTTGTTCACTTATACATTTGAAGATAGTCTTTA	572425
Sbjct	13381	ACATTTAGTCTTCACAGTTTCATTTTCTTTGTTCACTTATACATTTGAAGATAGTCTTTA	13440
Query	572426	ATTCTAATCTTTTCTTTTTTGAATCCATAACAGAATTTGATTGTACTTATAAGTTTATA	572485
Sbjct	13441	ATTCTAATCTTTTCTTTTTTGAATCCATAACAGAATTTGATTGTACTTATAAGTTTATA	13500
Query	572486	TTCATCATTATTTCTAACATACATACTTCTGATTTCCCTTCTGTATTTCAGGTTGTTTCGT	572545
Sbjct	13501	TTCATCATTATTTCTAACATACATACTTCTGATTTCCCTTCTGTATTTCAGGTTGTTTCGT	13560
Query	572546	ACAAACCAGTGTGCAGGGGAATTTGTCATTACTTTCCCTCGTGCTTACCACAGTGGCTTT	572605
Sbjct	13561	ACAAACCAGTGTGCAGGGGAATTTGTCATTACTTTCCCTCGTGCTTACCACAGTGGCTTT	13620
Query	572606	AATCAAGGCTATAACTTTGCTGAGGCAGTTAACTTTTGCACTGCTGATTGGGTAAGTCTA	572665
Sbjct	13621	AATCAAGGCTATAACTTTGCTGAGGCAGTTAACTTTTGCACTGCTGATTGGGTAAGTCTA	13680
Query	572666	GGATGTGGTGGGCCTGCAGGTAGAACTATATAAAGAATATGAATAGAGGTTATTTTGGAG	572725
Sbjct	13681	GGATGTGGTGGGCCTGCAGGTAGAACTATATAAAGAATATGAATAGAGGTTATTTTGGAG	13740
Query	572726	AAACTATGCTTCATGGTTTCTAGGTAGCCATATAGAATCTCAAACACACTTACAGCTACC	572785
Sbjct	13741	AAACTATGCTTCATGGTTTCTAGGTAGCCATATAGAATCTCAAACACACTTACAGCTACC	13800
Query	572786	TGTTGGACGCCAGTGTATTGAACACTACCGCCGACTCCGGCGCTATTGTGTCTTTCCCA	572845
Sbjct	13801	TGTTGGACGCCAGTGTATTGAACACTACCGCCGACTCCGGCGCTATTGTGTCTTTCCCA	13860
Query	572846	TGAGGAGCTCATCTGCAAAATGGCTGCATTCCCAGAGAAGTTGGATCTAAATCTAGCAGT	572905
Sbjct	13861	TGAGGAGCTCATCTGCAAAATGGCTGCATTCCCAGAGAAGTTGGATCTAAATCTAGCAGT	13920

Query	572906	GGCAGTTCACAAGGAGATGTTCAATTATGGTACAGGAGGAGCGGCGCCTACGGAAGACCTT	572965
Sbjct	13921	GGCAGTTCACAAGGAGATGTTCAATTATGGTACAGGAGGAGCGGCGCCTACGGAAGACCTT	13980
Query	572966	GTTGGAGAAGGTGGGTGGTAGAAACCAGGGCTAAGGACTCATCAAGTATATACTATGTTA	573025
Sbjct	13981	GTTGGAGAAGGTGGGTGGTAGAAACCAGGGCTAAGGACTCATCAAGTATATACTATGTTA	14040
Query	573026	GAGACACAGACCAATATTAAGTAAGCACTTTATGTCTTCTCTTTAATTCATGCTATTGGA	573085
Sbjct	14041	GAGACACAGACCAATATTAAGTAAGCACTTTATGTCTTCTCTTTAATTCATGCTATTGGA	14100
Query	573086	AATGTAAGGGCAAAGATTGTATGTGTTTATGTGTTTTTCTTCCAATTTCTCTACAGCTAT	573145
Sbjct	14101	AATGTAAGGGCAAAGATTGTATGTGTTTATGTGTTTTTCTTCCAATTTCTCTACAGCTAT	14160
Query	573146	CCTTACAAGCTTAAGCCCACAGCAGGGCTCAATATTGGCTGTGGTGGGGTGTCCACATCA	573205
Sbjct	14161	CCTTACAAGCTTAAGCCCACAGCAGGGCTCAATATTGGCTGTGGTGGGGTGTCCACATCA	14220
Query	573206	CTGCTCCTAGTCTTTACAGTATATGTGGGTTGAACACCCCCAGGGCATCACGGAAGCTGA	573265
Sbjct	14221	CTGCTCCTAGTCTTTACAGTATATGTGGGTTGAACACCCCCAGGGCATCACGGAAGCTGA	14280
Query	573266	GCGAGAGGCCTTTGAGCTACTCCCAGATGATGAGCGTCAGTGCATCAAGTGTAAAGACCAC	573325
Sbjct	14281	GCGAGAGGCCTTTGAGCTACTCCCAGATGATGAGCGTCAGTGCATCAAGTGTAAAGACCAC	14340
Query	573326	GTGTTTCCTATCAGCCTTGGCCTGTTATGACTGTCCAGATGGTCTTGTCTGCCTTTCTCA	573385
Sbjct	14341	GTGTTTCCTATCAGCCTTGGCCTGTTATGACTGTCCAGATGGTCTTGTCTGCCTTTCTCA	14400
Query	573386	TATCAATGATCTGTGCAAATGCTCAAGGAGCCGACAGTACTTACGGTGAGTATGGGTCTT	573445
Sbjct	14401	TATCAATGATCTGTGCAAATGCTCAAGGAGCCGACAGTACTTACGGTGAGTATGGGTCTT	14460
Query	573446	ATATAAAAAAGATAGAGGAAATACAGATCTAGGCCCTATATTCTTATCCTGGTCTTCCTC	573505
Sbjct	14461	ATATAAAAAAGATAGAGGAAATACAGATCTAGGCCCTATATTCTTATCCTGGTCTTCCTC	14520
Query	573506	CAGGTACAGGTACACATTGGATGAACTGCCTGCTATGTTACAAAAGTTGAAGATTCGGGC	573565
Sbjct	14521	CAGGTACAGGTACACATTGGATGAACTGCCTGCTATGTTACAAAAGTTGAAGATTCGGGC	14580
Query	573566	CGAGTCATTTGACAACTGGGCCAACAAAGTACAAGCAGCCCTAGAGGTAGAGGACGGACG	573625
Sbjct	14581	CGAGTCATTTGACAACTGGGCCAACAAAGTACAAGCAGCCCTAGAGGTAGAGGACGGACG	14640
Query	573626	GAAACGGAGTGAGTAGTAGAAATTGAAGAACGTTTCGAGCTATGATCAattatttat	573685
Sbjct	14641	GAAACGGAGTGAGTAGTAGAAATTGAAGAACGTTTCGAGCTATGATCAATTATTTATTTAT	14700
Query	573686	tat	573745
Sbjct	14701	TATTTTTTACTTTCTTCACTATTCTAAAAAACTCCTATCTTCCCAAAACACTCTCTTGGA	14760
Query	573746	ACGTTGACTC	573805
Sbjct	14761	ACGTTGACTC	14820
Query	573806	TCATGATAGACAATTTCCTAATAATGACCTGCTTCAGCGATTGAAGAAATGTCTTACTGA	573865
Sbjct	14821	TCATGATAGACAATTTCCTAATAATGACCTGCTTCAGCGATTGAAGAAATGTCTTACTGA	14880
Query	573866	AGCAGAGGCTTGCAATTTCCCAAGTCCTAGAAGTAGTCAATAATTCAGAGGACAGGTATGT	573925
Sbjct	14881	AGCAGAGGCTTGCAATTTCCCAAGTCCTAGAAGTAGTCAATAATTCAGAGGACAGGTATGT	14940
Query	573926	TAGAAAACAAACAAAAATGAGTGGGGACTTAGTTTCAGCTGTAAAATGTTTAAACCAACAAG	573985
Sbjct	14941	TAGAAAACAAACAAAAATGAGTGGGGACTTAGTTTCAGCTGTAAAATGTTTAAACCAACAAG	15000
Query	573986	TGCTAGACCCTGGGATGTCATGAGCTTCAAGAATGAAAGAGAAAAACAGAAGCAGACAAA	574045
Sbjct	15001	TGCTAGACCCTGGGATGTCATGAGCTTCAAGAATGAAAGAGAAAAACAGAAGCAGACAAA	15060
Query	574046	AGTAGGTGACTATATGAAATTAAATAACAACAACAACaaaaaaTTGTGTAGGCTAAAAT	574105
Sbjct	15061	AGTAGGTGACTATATGAAATTAAATAACAACAACAACAACAAAAAATTTGTGTAGGCTAAAAT	15120
Query	574106	AGAATTCTTGACGAAAAACTTGTATGTCATATATGACCAGTTGGAATTCAAAACCTTACA	574165
Sbjct	15121	AGAATTCTTGACGAAAAACTTGTATGTCATATATGACCAGTTGGAATTCAAAACCTTACA	15180
Query	574166	TAGACTTCTCAGTTTAAAGTGGTTGTATCTCTGGACTAGGGAGATGACTCATCTTTTAGAA	574225
Sbjct	15181	TAGACTTCTCAGTTTAAAGTGGTTGTATCTCTGGACTAGGGAGATGACTCATCTTTTAGAA	15240
Query	574226	GGCTTCCTAGCTTGTTAGAAGTCTCATTCCTCCACTAAATAATTTGGCTTATAACTGCTTGTA	574285

Sbjct	15241	GGCTTCCTAGCTTGTTAGAAAGTCTCATTCCCACTAAATAATTGGCTTATAACTGCTTGTA	15300
Query	574286	TCTTCAGGTACAGGAGATAGGACATGCTATCAGTATTCCACAGACATACAAATGGCATAC	574345
Sbjct	15301	TCTTCAGGTACAGGAGATAGGACATGCTATCAGTATTCCACAGACATACAAATGGCATAC	15360
Query	574346	ACTGTCACACTCAGATTCCCATACAAGTTTCtttttttcccttttttttCTTTATTAACTTGA	574405
Sbjct	15361	ACTGTCACACTCAGATTCCCATACAAGTTTCTTTTTTTCCTTTTTTTTCTTTATTAACTTGA	15420
Query	574406	GTAAC TATTTCTTACTTACATTTTCGATTGTTATTCCCTTTTCCCAGTTTCCGGGCCAACAT	574465
Sbjct	15421	GTAAC TATTTCTTACTTACATTTTCGATTGTTATTCCCTTTTCCCAGTTTCCGGGCCAACAT	15480
Query	574466	ccccctaacccttcacctctccccctttgatatgggtgttccccctccccatcctccccATT	574525
Sbjct	15481	CCCCCTAACCCTTCCCTCTCCCTTTTGATATGGGTGTTCCCTCCCCATCCTCCCCATT	15540
Query	574526	ACCGCCCTGCCCTCAACAATCACATTCACTGGGGGTTCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCT	574585
Sbjct	15541	ACCGCCCTGCCCTCAACAATCACATTCACTGGGGGTTCAGTCTTAGCAGGACCCAGGGCT	15600
Query	574586	TCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCA TTGCTACGTATGCAGTTGGAGTCCAG	574645
Sbjct	15601	TCCCTTCCACTGGTGCTCTTACTAGGATATTCA TTGCTACGTATGCAGTTGGAGTCCAG	15660
Query	574646	GGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGG	574705
Sbjct	15661	GGTCAGTCCATGTATAGTCTTTGGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGG	15720
Query	574706	CATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCAAGCCACTTCCAGTCCCTTCTCTGATGCCTTCAACCG	574765
Sbjct	15721	CATTGTTGTTTCATATGGGGTCTCAAGCCACTTCCAGTCCCTTCTCTGATGCCTTCAACCG	15780
Query	574766	GGGTCCTGTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCCGCTGGCATTGCCTCTGTATTTGCTATATTC	574825
Sbjct	15781	GGGTCCTGTTCTCAGTTCAGTGGTTTGCCGCTGGCATTGCCTCTGTATTTGCTATATTC	15840
Query	574826	TGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCAGTTCCTGTCAGCCTGCACCTCTTTGCTT	574885
Sbjct	15841	TGGCTGTGTCTCTCAGGAGAGATCTACATCCAGTTCCTGTCAGCCTGCACCTCTTTGCTT	15900
Query	574886	CATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTG	574945
Sbjct	15901	CATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTG	15960
Query	574946	AATGGGTGTTCCCTTCTGTGTCTGTTTAAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTAT	575005
Sbjct	15961	AATGGGTGTTCCCTTCTGTGTCTGTTTAAATCTTTGCCTCTCTCTTCCCTGCCAAGGGTAT	16020
Query	575006	TCTTGTTCCCTTTTAAAGAAGGAAGAGCATTTCGCATTTTGTCATCCTTCTTGAGTTT	575065
Sbjct	16021	TCTTGTTCCCTTTTAAAGAAGGAAGAGCATTTCGCATTTTGTCATCCTTCTTGAGTTT	16080
Query	575066	CACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCGAGCATTGGGGCTAGTAGCCACTTATCAATGA	575125
Sbjct	16081	CACGTGTTCTGTGCATCTAGGGTAATTCGAGCATTGGGGCTAGTAGCCACTTATCAATGA	16140
Query	575126	GTGCATGTGTGtttttttGTGATTGGGTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCA	575185
Sbjct	16141	GTGCATGTGTGTTTTTTGTGATTGGGTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCA	16200
Query	575186	ACCATTTGCCTATGAGTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTG	575245
Sbjct	16201	ACCATTTGCCTATGAGTTTCATAAAGTCATTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTG	16260
Query	575246	TGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTATGTTGAAGGGTATCTGGGTTCTTTCC	575305
Sbjct	16261	TGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTATGTTGAAGGGTATCTGGGTTCTTTCC	16320
Query	575306	AGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGTATGTGTCTTTGTTAT	575365
Sbjct	16321	AGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGTATGTGTCTTTGTTAT	16380
Query	575366	ATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTT	575425
Sbjct	16381	ATGTTGGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTT	16440
Query	575426	CAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACTAGTCTGC	575485
Sbjct	16441	CAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTGTACTAGTCTGC	16500
Query	575486	AATCCCAGCAACAATGGAGGGGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATTTGCCGT	575545
Sbjct	16501	AATCCCAGCAACAATGGAGGGGTGTTCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATTTGCCGT	16560
Query	575546	TACCTGAGTTTTTGATCTGAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTT	575605
Sbjct	16561	TACCTGAGTTTTTGATCTGAGCCATTCTCACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTT	16620

Query	575606	TGATTTCGATTTCCCTTAGGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGCATTTCTCAGCCA	575665
Sbjct	16621	TGATTTCGATTTCCCTTAGGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGCATTTCTCAGCCA	16680
Query	575666	TTCAGCATTCCTCAGCTGTAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGT	575725
Sbjct	16681	TTCAGCATTCCTCAGCTGTAAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGT	16740
Query	575726	TATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTC	575785
Sbjct	16741	TATTTGTCTCCCTGCGGTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGCCCTC	16800
Query	575786	TATCAGTTGTAGAATTGATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCTGTTTTGTCTCTAA	575845
Sbjct	16801	TATCAGTTGTAGAATTGATAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCTGTTTTGTCTCTAA	16860
Query	575846	GCACAGTGTCTTTTGAGTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTGTCAATTC	575905
Sbjct	16861	GCACAGTGTCTTTTGAGTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTGTCAATTC	16920
Query	575906	TTAATCTTAGAGCATAAGCCATTTGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTCTCCAGTGCCCATGT	575965
Sbjct	16921	TTAATCTTAGAGCATAAGCCATTTGTGTTTTGTTTCAGGAAATTTTCTCCAGTGCCCATGT	16980
Query	575966	GTTTGAGATGCTTCCCCACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGA	576025
Sbjct	16981	GTTTGAGATGCTTCCCCACTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTATCTGGTTTGATGTGGA	17040
Query	576026	GGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATGAGCATGGATCGATCTGCA	576085
Sbjct	17041	GGTCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATGAGCATGGATCGATCTGCA	17100
Query	576086	TTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCAGTTGCTGAAAATGCTATCTTTTT	576145
Sbjct	17101	TTCTTCTACATGTTGACCTCCAGTTGAACCAGCACCAGTTGCTGAAAATGCTATCTTTTT	17160
Query	576146	TCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAATAATGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAT	576205
Sbjct	17161	TCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTCAAATAATGTGCCCATAGGTGTGTGGGTTCAT	17220
Query	576206	TTCTGGGTCTTCAGTTCTAGTCCATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGC	576265
Sbjct	17221	TTCTGGGTCTTCAGTTCTAGTCCATTGGTCTATGTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGC	17280
Query	576266	AGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGA	576325
Sbjct	17281	AGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCCTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGA	17340
Query	576326	AGTTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGtttttttGTTATTCTAAATGAA	576385
Sbjct	17341	AGTTCTTTTATTGTTGAGGATAGTTTTAGCTATCCTGGTTTTTTTGTATTCTAAATGAA	17400
Query	576386	TTTGCAAATTGTTCTGCCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTAGATGGGTATTGC	576445
Sbjct	17401	TTTGCAAATTGTTCTGCCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTAGATGGGTATTGC	17460
Query	576446	ATTGAATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTACCATATTAATCCTGCCAAT	576505
Sbjct	17461	ATTGAATCTGTAGATCGCTTTTGGTAAAATGGCCATTTTACCATATTAATCCTGCCAAT	17520
Query	576506	CCATGAGCATGGAAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGT	576565
Sbjct	17521	CCATGAGCATGGAAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCTTCAGAGT	17580
Query	576566	GTTGAAGTTCTTATTGTACTGATCTTTTACTTGCTTGGCTAAAGTCACACTGAGGTACTT	576625
Sbjct	17581	GTTGAAGTTCTTATTGTACTGATCTTTTACTTGCTTGGCTAAAGTCACACTGAGGTACTT	17640
Query	576626	TATATTATTTTGGTCTATTATGAAGGGTGTCGTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTT	576685
Sbjct	17641	TATATTATTTTGGTCTATTATGAAGGGTGTCGTTTCCCTAATTTCTTTCTCAGCTTGTTT	17700
Query	576686	CTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTT	576745
Sbjct	17701	CTCTTTTGTGTAGAGGAAGGCTACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTT	17760
Query	576746	GCTGAAGTTGTTTATTAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATA	576805
Sbjct	17761	GCTGAAGTTGTTTATTAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACTTTGGGATCACTTAAATA	17820
Query	576806	TATTATCATATCATCTGCAAAATAGTGATATTTTGACTTCGTCCTTTTCCAATCTGTATCTC	576865
Sbjct	17821	TATTATCATATCATCTGCAAAATAGTGATATTTTGACTTCGTCCTTTTCCAATCTGTATCTC	17880
Query	576866	CTTGATCTCCTTTTGTGTCTGACTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAA	576925
Sbjct	17881	CTTGATCTCCTTTTGTGTCTGACTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAA	17940
Query	576926	GTAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTT	576985

Sbjct	17941	GGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGTCTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTT	18000
Query	576986	CTCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCGACTGGTTTGCCGTATATGGCTTTTACTATGTTTAG	577045
Sbjct	18001	CTCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCGACTGGTTTGCCGTATATGGCTTTTACTATGTTTAG	18060
Query	577046	GTATGGGCCTTGAATTCCATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTT	577105
Sbjct	18061	GTATGGGCCTTGAATTCCATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTT	18120
Query	577106	GTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTT	577165
Sbjct	18121	GTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTTTGTTCTTTTCAGTTTGTT	18180
Query	577166	TATATAATGGATCATGTTGATAGTTTTCCATATATGAAACCATCCCTGCATGCCTGGGAT	577225
Sbjct	18181	TATATAATGGATCATGTTGATAGTTTTCCATATATGAAACCATCCCTGCATGCCTGGGAT	18240
Query	577226	GAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTCGATGTGCTCTTGGATTCAGTTTGCCAG	577285
Sbjct	18241	GAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTCGATGTGCTCTTGGATTCAGTTTGCCAG	18300
Query	577286	AATTTTCTTGAGTATTTTTGCACCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTT	577345
Sbjct	18301	AATTTTCTTGAGTATTTTTGCACCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTT	18360
Query	577346	CTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATT	577405
Sbjct	18361	CTTTGTTGGGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATT	18420
Query	577406	CAGCTGTGCTCCATCTGTTTCAATATTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGCC	577465
Sbjct	18421	CAGCTGTGCTCCATCTGTTTCAATATTGTGGAATAGTTTGGATAGTATTGGTATGAGGCC	18480
Query	577466	TTCTATGAATGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGT	577525
Sbjct	18481	TTCTATGAATGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGT	18540
Query	577526	TGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTAACTGGTT	577585
Sbjct	18541	TGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTCCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTAACTGGTT	18600
Query	577586	TATCTGTTCCCTGATTTAACTTCGGTACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCATTTCCAG	577645
Sbjct	18601	TATCTGTTCCCTGATTTAACTTCGGTACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGCCCATTTCCAG	18660
Query	577646	CATATTTTCAAGTTTGTGTAATATAGGCTTTTGTAGTAAGATCTGATGATTTTTGAAT	577705
Sbjct	18661	CATATTTTCAAGTTTGTGTAATATAGGCTTTTGTAGTAAGATCTGATGATTTTTGAAT	18720
Query	577706	TTCTCTGATTCTGTAGTTATGTCTTCCTTTTCATTTTGAATTTGTTAATTTGGACACA	577765
Sbjct	18721	TTCTCTGATTCTGTAGTTATGTCTTCCTTTTCATTTTGAATTTGTTAATTTGGACACA	18780
Query	577766	CTCTCTGTGTCTCTCGTTAGACTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAA	577825
Sbjct	18781	CTCTCTGTGTCTCTCGTTAGACTGGCTAATGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAA	18840
Query	577826	GAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGAT	577885
Sbjct	18841	GAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTGTATAGTCCTTTTGTCTTACTTGATTGAT	18900
Query	577886	TTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTGCTTCTTT	577945
Sbjct	18901	TTCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTGCTTCTTT	18960
Query	577946	TTGTTCTAGAGCTTTTAAGTGTGCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCATGTTTCTT	578005
Sbjct	18961	TTGTTCTAGAGCTTTTAAGTGTGCTGTCAAGCTGGTGACATATGCTCTTTCATGTTTCTT	19020
Query	578006	TCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAA	578065
Sbjct	19021	TCTGCAGGCACTCAGAGCTATGAGTTTTCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAA	19080
Query	578066	GTTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTCTTTAATTCCTTCTT	578125
Sbjct	19081	GTTTGGGTATGTTGTACCTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTCTTTAATTCCTTCTT	19140
Query	578126	TATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATTTAGTAGAGCATTGTTCAACTTCCACGTATATGT	578185
Sbjct	19141	TATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATTTAGTAGAGCATTGTTCAACTTCCACGTATATGT	19200
Query	578186	GAGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGGTCTGATAGCAG	578245
Sbjct	19201	GAGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGCTTTATCCCGTGGTGGTCTGATAGCAG	19260
Query	578246	GCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTATCTGTTGAGGACTGTTTCATGACCAATTATATG	578305
Sbjct	19261	GCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTATCTGTTGAGGACTGTTTCATGACCAATTATATG	19320

Query	578306	GTCAC TTTTGGAGAAAATACCATGAGGTAGTGAGAAGGTATATCCTTTTGT TTTAGGATA	578365
Sbjct	19321	GTCAC TTTTGGAGAAAATACCATGAGGTAGTGAGAAGGTATATCCTTTTGT TTTAGGATA	19380
Query	578366	GAATGTTCTATAAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTTTATTAGTCTGTCTAC	578425
Sbjct	19381	GAATGTTCTATAAAATATCTGTTAAGTCCATTTGGTTCATGACTTTTATTAGTCTGTCTAC	19440
Query	578426	ATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTAAAATC	578485
Sbjct	19441	ATCTCTGTTTAAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTAAAATC	19500
Query	578486	TCCAAC TATTATGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTGGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTAC	578545
Sbjct	19501	TCCAAC TATTATGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTGGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTAC	19560
Query	578546	GTATGTAGGTGCCCTGGTATTTGGAGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTG	578605
Sbjct	19561	GTATGTAGGTGCCCTGGTATTTGGAGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGGTG	19620
Query	578606	GATTTTTCTTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTATTTG	578665
Sbjct	19621	GATTTTTCTTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTATTTG	19680
Query	578666	AAAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTTCG	578725
Sbjct	19681	AAAATTGATTTTATTTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCCGACCATTTCG	19740
Query	578726	TTGGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCAGTGAGGTAGTGATGTCTTTGTCTCTCAGGTGTG	578785
Sbjct	19741	TTGGAAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCAGTGAGGTAGTGATGTCTTTGTCTCTCAGGTGTG	19800
Query	578786	TTTCCTGTAGGCAGCAGAAATGCGGGTCCTCATTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTC	578845
Sbjct	19801	TTTCCTGTAGGCAGCAGAAATGCGGGTCCTCATTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTC	19860
Query	578846	TTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGC	578905
Sbjct	19861	TTTTTATTGGGGAGTTGAGACCATTGATGTTGAGAGATATTAAGGAATGGTGATTATTGC	19920
Query	578906	TTCTGTATTATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTT	578965
Sbjct	19921	TTCTGTATTATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTTCTTCTCTTTGTT	19980
Query	578966	TTGTTGTCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCTCCTTGTTTG	579025
Sbjct	19981	TTGTTGTCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTAGCTTGCCTCCTTGTTTG	20040
Query	579026	GGCTTTACCATTTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATTTGTAGAAAGATACTGTGTAATTT	579085
Sbjct	20041	GGCTTTACCATTTTTTATCCTTTGTAGTGCTGGATTTGTAGAAAGATACTGTGTAATTT	20100
Query	579086	GGTTTTGT CATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTGCAGGATA	579145
Sbjct	20101	GGTTTTGT CATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTTAATTGAGAGTTTGCAGGATA	20160
Query	579146	CAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATGTCATCTGTCCAGGATCT	579205
Sbjct	20161	CAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATGTCATCTGTCCAGGATCT	20220
Query	579206	TCTGGCTTT CATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAA	579265
Sbjct	20221	TCTGGCTTT CATAGTCTCTGGTGAGAAGTCTGGTGTAATTCTGATAGGTCTGCCTTTGAA	20280
Query	579266	TGTCAC TTGACCTTTTTCCCTTACTGGTTTAAGGATTTGTGTGTTT GACTATTATGTGA	579325
Sbjct	20281	TGTCAC TTGACCTTTTTCCCTTACTGGTTTAAGGATTTGTGTGTTT GACTATTATGTGA	20340
Query	579326	TGGGAGGATTTCTTTTTTGGTCCAATCTATTTGAAGTCTGTAGGTTTCTTGTGTGCTT	579385
Sbjct	20341	TGGGAGGATTTCTTTTTTGGTCCAATCTATTTGAAGTCTGTAGGTTTCTTGTGTGCTT	20400
Query	579386	ATGGGCATCTCTTTATTTAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTTGTGTAAGGTATTT	579445
Sbjct	20401	ATGGGCATCTCTTTATTTAGGTTAGGGAAGTTTTCTTCTATGATTTTGTGTAAGGTATTT	20460
Query	579446	ACTGGTCCTTTGAGCTCGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCGTTAGGTTTGAT	579505
Sbjct	20461	ACTGGTCCTTTGAGCTCGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCGTTAGGTTTGAT	20520
Query	579506	ATTCCCTTTGAGTTCTGGATTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTATGTTTTACATTAT	579565
Sbjct	20521	ATTCCCTTTGAGTTCTGGATTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTATGTTTTACATTAT	20580
Query	579566	CTTTGACAGTTGTATTGATGATTTCTATGAAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTAT	579625
Sbjct	20581	CTTTGACAGTTGTATTGATGATTTCTATGAAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTCTAT	20640
Query	579626	CTCTTGATTTCTGTTGGTGAGGCTTGTGTCTACAGCTCCTTGCTCTTCCCTTGGTTTTTC	579685



Sbjct	20641	CTCTTGTAATTCTGTTGGTGAGGCTTGTGTCTACAGCTCCTTGTCCTTCCTTTGGTTTTC	20700
Query	579686	TGTATCCAGGGTTGTTTCCCTGTGTTCTTTCTTCATTGCTTCTATTTCCATTTTAAATTC	579745
Sbjct	20701	TGTATCCAGGGTTGTTTCCCTGTGTTCTTTCTTCATTGCTTCTATTTCCATTTTAAATTC	20760
Query	579746	CTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTCGGAATTCCTTCAGGGATTTTTGTGATTCTCTCT	579805
Sbjct	20761	CTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTCGGAATTCCTTCAGGGATTTTTGTGATTCTCTCT	20820
Query	579806	GTAGGCATCTACTTGTTTTATTAATGTTTTCTGTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTC	579865
Sbjct	20821	GTAGGCATCTACTTGTTTTATTAATGTTTTCTGTGTTTCTCTAAGGGAGTTCTTCATGTC	20880
Query	579866	TTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTAAATCTAGATCTTGCTGTTC	579925
Sbjct	20881	TTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTAAATCTAGATCTTGCTGTTC	20940
Query	579926	TGGTGTGTTTGGATATTCAAGTGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCAT	579985
Sbjct	20941	TGGTGTGTTTGGATATTCAAGTGTTTGCTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCAATGATGCCAT	21000
Query	579986	GTAGCCTTGGTTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCATCATCAGATTATCTCT	580045
Sbjct	21001	GTAGCCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCATCATCAGATTATCTCT	21060
Query	580046	GGCATTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCTATAAGCCTGTGTGTC	580105
Sbjct	21061	GGCATTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCTATAAGCCTGTGTGTC	21120
Query	580106	AGGAGTGCTGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTC	580165
Sbjct	21121	AGGAGTGCTGTAGACCTGTTTTCTGTTTTCTTTTCAGCCAGTTATGGGGACAGAGTGTC	21180
Query	580166	TGCTTTTCGGGTGTGTAGTTTTTCTATCTACAGGTCGTGAGCTGTTCTGTGGGCCTGTG	580225
Sbjct	21181	TGCTTTTCGGGTGTGTAGTTTTTCTATCTACAGGTCGTGAGCTGTTCTGTGGGCCTGTG	21240
Query	580226	TCTTGAGTTTACCAGGCAGGTCACCTTGAGCAGGAAGGTTTGTCTTAACCTGTGGTCCTG	580285
Sbjct	21241	TCTTGAGTTTACCAGGCAGGTCACCTTGAGCAGGAAGGTTTGTCTTAACCTGTGGTCCTG	21300
Query	580286	AGGCTCAGGTTTGCTTGTGGGGTGTGCTTATGAGCTGTCCATGAGGGCAGCAGCCAGGA	580345
Sbjct	21301	AGGCTCAGGTTTGCTTGTGGGGTGTGCTTATGAGCTGTCCATGAGGGCAGCAGCCAGGA	21360
Query	580346	GGACCTGCGCCGCCCTTTTCGGGAGCCCTGGTGCACCAGGGACCCAGATGGTGTTAGGTGT	580405
Sbjct	21361	GGACCTGCGCCGCCCTTTTCGGGAGCCCTGGTGCACCAGGGACCCAGATGGTGTTAGGTGT	21420
Query	580406	TTTCCTCTGGCGTCAGAGATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTCTGGCTTCCCAGGCGTGTC	580465
Sbjct	21421	TTTCCTCTGGCGTCAGAGATGTGTGCAGAGTGCAGTCTCTTCTGGCTTCCCAGGCGTGTC	21480
Query	580466	TGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTTTCTCCGATGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCC	580525
Sbjct	21481	TGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTTTCTCCGATGGGATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCC	21540
Query	580526	GGTCAGTCCCTTCAGGTTCTGGAGGTGTCTGGGGCACAGGGACCTGCAGCTCCAGTGACC	580585
Sbjct	21541	GGTCAGTCCCTTCAGGTTCTGGAGGTGTCTGGGGCACAGGGACCTGCAGCTCCAGTGACC	21600
Query	580586	CTATCTACCGGTTCCCAAAGGCCATATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGTGCACG	580645
Sbjct	21601	CTATCTACCGGTTCCCAAAGGCCATATACAGTTTCCTCTTGGGCCAGGGATGTGTGCACG	21660
Query	580646	AGGGTGGGCAGTATTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGGGCCACCCCAATA	580705
Sbjct	21661	AGGGTGGGCAGTATTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGTCTCAGGAGGGCCACCCCAATA	21720
Query	580706	CAAGTTTTTAAGAAGAAGAACTCAATATTGGGCAAATATAATGAGAATTACAACATAATA	580765
Sbjct	21721	CAAGTTTTTAAGAAGAAGAACTCAATATTGGGCAAATATAATGAGAATTACAACATAATA	21780
Query	580766	GAACAACATGTAGTATGAACTAGGAATTTTTTAACTGGACATTTTCGAATATACTTTACA	580825
Sbjct	21781	GAACAACATGTAGTATGAACTAGGAATTTTTTAACTGGACATTTTCGAATATACTTTACA	21840
Query	580826	ACTTATTATGCATTACTATGAAAGATGCCCTTCATGTTAGCAAATCTTACAAAATTGTGA	580885
Sbjct	21841	ACTTATTATGCATTACTATGAAAGATGCCCTTCATGTTAGCAAATCTTACAAAATTGTGA	21900
Query	580886	ATATCAGAATTCtcttttttttttttttttttttttgggtctcttttttttCGGAGCTGGGGACCG	580945
Sbjct	21901	ATATCAGAATTCtcttttttttttttttttttttttgggtctcttttttttCGGAGCTGGGGACCG	21960
Query	580946	AACCCAGGGCCTTGCGCTTCTCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCC	581005
Sbjct	21961	AACCCAGGGCCTTGCGCTTCTCTAGGTAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCCCC	22020

Query	581006	CAGAATTCTTTATACAGTTAAGTTTTGCCTATATCTTTAGATaaaaaaaaaTCTTTACTTG	581065
Sbjct	22021	CAGAATTCTTTATACAGTTAAGTTTTGCCTATATCTTTAGATAAAAAAAAAATCTTTACTTG	22080
Query	581066	TGTATGTATAAGTGAGGAAGTACAGGACGTACATACAGGCTAGAAGACAACCTGACTCATT	581125
Sbjct	22081	TGTATGTATAAGTGAGGAAGTACAGGACGTACATACAGGCTAGAAGACAACCTGACTCATT	22140
Query	581126	CCTTAGGCAGTAACTATGTTACATTTTTGTGTTGTTTTGAATAAAAAGATACGTTGTCTTG	581185
Sbjct	22141	CCTTAGGCAGTAACTATGTTACATTTTTGTGTTGTTTTGAATAAAAAGATACGTTGTCTTG	22200
Query	581186	GAAGTCAGTAATTTTCTAAGTAGACTAGACTTATTGGCCACCAGACTCCAGGGATTAATA	581245
Sbjct	22201	GAAGTCAGTAATTTTCTAAGTAGACTAGACTTATTGGCCACCAGACTCCAGGGATTAATA	22260
Query	581246	TGTTTTTATCTGGGATAATTAGCATGTATCACCAGTCCTAGCTTTaaaaaaaaaCTCTTT	581305
Sbjct	22261	TGTTTTTATCTGGGATAATTAGCATGTATCACCAGTCCTAGCTTTAAAAAAAAAACTCTTT	22320
Query	581306	ACCAGCTTTCTACATGTACCAAATGAAATTTGGGCCATTTAACCCCATTTATATTCTCTC	581365
Sbjct	22321	ACCAGCTTTCTACATGTACCAAATGAAATTTGGGCCATTTAACCCCATTTATATTCTCTC	22380
Query	581366	CTTCTCCAAACTGACATCGTCCCAACAAATTCTCTCCAACACTACTTTGTTTTTAGTGTGTG	581425
Sbjct	22381	CTTCTCCAAACTGACATCGTCCCAACAAATTCTCTCCAACACTACTTTGTTTTTAGTGTGTG	22440
Query	581426	ACCCATTTAATTCAATTATAAATTGCTTGTGTAAGTGTAGTTTTATTAACACGATATCAC	581485
Sbjct	22441	ACCCATTTAATTCAATTATAAATTGCTTGTGTAAGTGTAGTTTTATTAACACGATATCAC	22500
Query	581486	TTAAGAGATACACACCTATCCCATCAAGTACTTAACCCACTTCAGCCCTTCAGTGAAGAT	581545
Sbjct	22501	TTAAGAGATACACACCTATCCCATCAAGTACTTAACCCACTTCAGCCCTTCAGTGAAGAT	22560
Query	581546	GAGGGTCATTTGAATTCCTCTTGCATGTATAATGAAATTAAGATGGTGCTCAGACTCTA	581605
Sbjct	22561	GAGGGTCATTTGAATTCCTCTTGCATGTATAATGAAATTAAGATGGTGCTCAGACTCTA	22620
Query	581606	AATTTTTTCATTAATAATATGATTACCTCATGGGAGTACCTTTTCCAGGATCATGCTCCCT	581665
Sbjct	22621	AATTTTTTCATTAATAATATGATTACCTCATGGGAGTACCTTTTCCAGGATCATGCTCCCT	22680
Query	581666	CCCCTATCTCTACCCCTTTTTTCTTTTGAGCAGATGGACTCCCATTCCCCCTGAGTATCCT	581725
Sbjct	22681	CCCCTATCTCTACCCCTTTTTTCTTTTGAGCAGATGGACTCCCATTCCCCCTGAGTATCCT	22740
Query	581726	TCACCCTGGTCTATCAAGTCTCTGCAGAATTAGGTGCATCCTCTCCAACAGAGGTCAGAC	581785
Sbjct	22741	TCACCCTGGTCTATCAAGTCTCTGCAGAATTAGGTGCATCCTCTCCAACAGAGGTCAGAC	22800
Query	581786	AAGGCAGCACTGTTAGACTGAGCAGATACTACAGTTAGACTACAGCTTTAAGGAATAGCC	581845
Sbjct	22801	AAGGCAGCACTGTTAGACTGAGCAGATACTACAGTTAGACTACAGCTTTAAGGAATAGCC	22860
Query	581846	TCCACTTCAGTTGTTGGGAAACTCACTTGAGACCCAACACATCACCTAAAATGTGTGTA	581905
Sbjct	22861	TCCACTTCAGTTGTTGGGAAACTCACTTGAGACCCAACACATCACCTAAAATGTGTGTA	22920
Query	581906	TGTGTTGGGTGGGAGGTGGGGAGGTGGGAGAGAGGGGTGATCTGCATTGACAATTGTAA	581965
Sbjct	22921	TGTGTTGGGTGGGAGGTGGGGAGGTGGGAGAGAGGGGTGATCTGCATTGACAATTGTAA	22980
Query	581966	TCTTTCAGAATTCCTTTATATTTAACTTGACTCTTTTCTACTTTCTGTAACCATTCCTTA	582025
Sbjct	22981	TCTTTCAGAATTCCTTTATATTTAACTTGACTCTTTTCTACTTTCTGTAACCATTCCTTA	23040
Query	582026	TTCCttatttaaataatatttttaataatattttaatgataatatctcatgggggaggttttttat	582085
Sbjct	23041	TTCCTTATTAAATATTTTTTAATATTTTAATGATAATATCTCATGGGGAGGTTTTTTAT	23100
Query	582086	tttttGTCTGTGATGTTGTGTAAGGTTTTTGTACATGGACAGCATCTTTCTCAGAATTGG	582145
Sbjct	23101	TTTTTGTCTGTGATGTTGTGTAAGGTTTTTGTACATGGACAGCATCTTTCTCAGAATTGG	23160
Query	582146	AAAACGATTTTACTAAAAATAATCTTTGCTATAGTATTTCTCCTTTTTATGTCCAatat	582205
Sbjct	23161	AAAACGATTTTACTAAAAATAATCTTTGCTATAGTATTTCTCCTTTTTATGTCCAATAT	23220
Query	582206	acatacatagtcatatatacatgcatatatgtggtgtatatgtgtgtttgtattatTTTT	582265
Sbjct	23221	ACATACATAGTCATATATACATGCATATATGTGGTGTATATGTGTGTTGTATTATTTTT	23280
Query	582266	tCAGTAAGGCAGTGGCAGGTTTACTAAATAACCTTTTTTCTACAGGTTAGAAACACCAC	582325
Sbjct	23281	TCAGTAAGGCAGTGGCAGGTTTACTAAATAACCTTTTTTCTACAGGTTAGAAACACCAC	23340
Query	582326	AACTCACCTGACTGAACTACAGATCTCTCTCAACAGATGTGCACTCTGCCGTGTACCA	582385

Sbjct	23341	CACTGACTGAACACAGATTCTTCTCAAACAGATGTGCACTCTGCCGTGTACCA	23400
Query	582386	TACATCAGATTGATGAAGTTAAGGTGAAGAGCAGCCAAGGATAGTGAAATTTTGTTAAC	582445
Sbjct	23401	TACATCAGATTGATGAAGTTAAGGTGAAGAGCAGCCAAGGATAGTGAAATTTTGTTAAC	23460
Query	582446	AGGAGATACATGAGAGGCATCCTAAGTAATAAGGAGTCATAAGAGCCTGATTGTTCTAAA	582505
Sbjct	23461	AGGAGATACATGAGAGGCATCCTAAGTAATAAGGAGTCATAAGAGCCTGATTGTTCTAAA	23520
Query	582506	GAACAACACTCCTCtttttgtttttgggggggttgctttgtttgttttggcctgggtttat	582565
Sbjct	23521	GAACAACACTCCTCTTTTTGTTTTGGGGGGTTGCTTTGTTTTGTTTTGGCCTGGTTTAT	23580
Query	582566	tttACTTACACTCAGCAAGCATTTACTGAAAGAAGGAATTGAGCTTGAATACAGAGGGTC	582625
Sbjct	23581	TTTACTTACACTCAGCAAGCATTTACTGAAAGAAGGAATTGAGCTTGAATACAGAGGGTC	23640
Query	582626	AGTATTAGTCAGGGTTCCTTAAAGGAATTTAAAAATAAGCTCTCTAAAAGATGTACTGGG	582685
Sbjct	23641	AGTATTAGTCAGGGTTCCTTAAAGGAATTTAAAAATAAGCTCTCTAAAAGATGTACTGGG	23700
Query	582686	ATAGCTTACAAGCTGTGTGGTATGTCGATTAGCAGTTGTAGAAAGGCCAAGAACTAGCAG	582745
Sbjct	23701	ATAGCTTACAAGCTGTGTGGTATGTCGATTAGCAGTTGTAGAAAGGCCAAGAACTAGCAG	23760
Query	582746	TTAAAGAACCCTTATAAAAGCAGGTTTATTCTTATCATTGAAGGAGACTGAAGTCTCATA	582805
Sbjct	23761	TTAAAGAACCCTTATAAAAGCAGGTTTATTCTTATCATTGAAGGAGACTGAAGTCTCATA	23820
Query	582806	CGTTCCTTATACTTTTAGTTTTACACTATAAAAAAGATATTCTCTAAGTAAACATTACAT	582865
Sbjct	23821	CGTTCCTTATACTTTTAGTTTTACACTATAAAAAAGATATTCTCTAAGTAAACATTACAT	23880
Query	582866	TAAAGATACTAAGCAGGTATTTAAACTGCCTACACATCGAAAGCTAGAAAATACTAGAAA	582925
Sbjct	23881	TAAAGATACTAAGCAGGTATTTAAACTGCCTACACATCGAAAGCTAGAAAATACTAGAAA	23940
Query	582926	AATAATAATACTAGAAAAATGAAGCTTCCTtttttttctttttCAGTTTCAAGAGCGTTTT	582985
Sbjct	23941	AATAATAATACTAGAAAAATGAAGCTTCCTTTTTTTCTTTTTCAGTTTCAAGAGCGTTTT	24000
Query	582986	CTCAGTGATAGGATTGTATTAAATTGTTTCAGAAAATTAAATTTAAATCTAGATTATTAA	583045
Sbjct	24001	CTCAGTGATAGGATTGTATTAAATTGTTTCAGAAAATTAAATTTAAATCTAGATTATTAA	24060
Query	583046	AGAGAACATGGAATATTCTGACAAAGTATTTTATAATAAATGGAACATAGGGAAAAAAGA	583105
Sbjct	24061	AGAGAACATGGAATATTCTGACAAAGTATTTTATAATAAATGGAACATAGGGAAAAAAGA	24120
Query	583106	TTGAGGATAAAATTAATAAAAAATCTATTTAAAGGATTATATAAATAGATTATTAGACAGAT	583165
Sbjct	24121	TTGAGGATAAAATTAATAAAAAATCTATTTAAAGGATTATATAAATAGATTATTAGACAGAT	24180
Query	583166	TACTTGATTATTTAGATACTAAAAATCTTCATTTTTATTCTAAAATTTTGCAGGATGTTT	583225
Sbjct	24181	TACTTGATTATTTAGATACTAAAAATCTTCATTTTTATTCTAAAATTTTGCAGGATGTTT	24240
Query	583226	TGCAGCAGGTGGAGACATATCAAATTGAGACCCGTGAGGCTCTAACTTCACTGCCTTATA	583285
Sbjct	24241	TGCAGCAGGTGGAGACATATCAAATTGAGACCCGTGAGGCTCTAACTTCACTGCCTTATA	24300
Query	583286	GTTTAGAAATACTTCAGTCCCTGATGGAAAAGGGACAGCAGCTTCGTGTGGAAGTTCCTG	583345
Sbjct	24301	GTTTAGAAATACTTCAGTCCCTGATGGAAAAGGGACAGCAGCTTCGTGTGGAAGTTCCTG	24360
Query	583346	AAGCTCATCAACTTGAAGAGCTGTTGGAGCAGGCACAATGGCTAGATCAAGTGAAGCAGG	583405
Sbjct	24361	AAGCTCATCAACTTGAAGAGCTGTTGGAGCAGGCACAATGGCTAGATCAAGTGAAGCAGG	24420
Query	583406	CCCTGGCTCCCTCAGGCCAGAAACACTCTCTGGTCATCATGAAGAACTTTTGGTTATGG	583465
Sbjct	24421	CCCTGGCTCCCTCAGGCCAGAAACACTCTCTGGTCATCATGAAGAACTTTTGGTTATGG	24480
Query	583466	GTACCAAGTTAGCCTCCAGCCCTTCTGTGAACAAAGCTCGAGCAGAGCTACAAGAACTGC	583525
Sbjct	24481	GTACCAAGTTAGCCTCCAGCCCTTCTGTGAACAAAGCTCGAGCAGAGCTACAAGAACTGC	24540
Query	583526	TTACTATTGCAGAGCGTTGGGAGGAAAAGGCCCTTTTCTGCTTAGACGCTAGGTAAAAAA	583585
Sbjct	24541	TTACTATTGCAGAGCGTTGGGAGGAAAAGGCCCTTTTCTGCTTAGACGCTAGGTAAAAAA	24600
Query	583586	TAACTTCTTGCCATTTGTATTCTCCTTCAGGCCTTTATTAAGGCTGTTTCAGAGTATAAT	583645
Sbjct	24601	TAACTTCTTGCCATTTGTATTCTCCTTCAGGCCTTTATTAAGGCTGTTTCAGAGTATAAT	24660
Query	583646	TTTCATTAGATGTTTTAGGCATCCAGGATAGTACCTAAGCATCCTAGGTTAACCTAGTCC	583705
Sbjct	24661	TTTCATTAGATGTTTTAGGCATCCAGGATAGTACCTAAGCATCCTAGGTTAACCTAGTCC	24720

Query	583706	TGTGTATGTAAATGTCATGCCAACCTTTAAGA	583765
Sbjct	24721	TGTGTATGTAAATGTCATGCCAACCTTTAAGAT	24780
Query	583766	TATGTGCTGCCGAAGCAAGCACATTAATTA	583825
Sbjct	24781	TATGTGCTGCCGAAGCAAGCACATTAATTA	24840
Query	583826	AGGAGATCTTTCTAGCACTCTGTACTTTT	583885
Sbjct	24841	AGGAGATCTTTCTAGCACTCTGTACTTTT	24900
Query	583886	TCCCTCTCT	583945
Sbjct	24901	TCCCTCTCT	24960
Query	583946	aaaaataataaaaaataaaacatacacacaaaaca	584005
Sbjct	24961	AAAAATAATAAAATAAAACATACACACAAAACAT	25020
Query	584006	AATATTTCTTCTCACAGTGCATGTCAATTACAGT	584065
Sbjct	25021	AATATTTCTTCTCACAGTGCATGTCAATTACAGT	25080
Query	584066	CGTGTCAACTTACCCTCTCAGGGATTTTGTCTCATTTAACT	584125
Sbjct	25081	CGTGTCAACTTACCCTCTCAGGGATTTTGTCTCATTTAACT	25140
Query	584126	ACTGTCAAGGTCTATGGGTTACATGTGTACCAGTCCAGAAGACACTTTTCTGAAGCT	584185
Sbjct	25141	ACTGTCAAGGTCTATGGGTTACATGTGTACCAGTCCAGAAGACACTTTTCTGAAGCT	25200
Query	584186	ATCCTCTATCTCTGGCTCTTACATATGATCCTTCTTGCTGCAAAGATTGCTGCTTAAGC	584245
Sbjct	25201	ATCCTCTATCTCTGGCTCTTACATATGATCCTTCTTGCTGCAAAGATTGCTGCTTAAGC	25260
Query	584246	AGAGGGATTTGATGAAATAATCTCATTTTAATCTGAGTGCTAGGTCCAAAAGTTCTCATT	584305
Sbjct	25261	AGAGGGATTTGATGAAATAATCTCATTTTAATCTGAGTGCTAGGTCCAAAAGTTCTCATT	25320
Query	584306	CTCTGCATAGTTCACCTTGTAAGTCTATGTTAACTCTCATCTACTACAAGAAGGTTTCTG	584365
Sbjct	25321	CTCTGCATAGTTCACCTTGTAAGTCTATGTTAACTCTCATCTACTACAAGAAGGTTTCTG	25380
Query	584366	ATGAAAATTGAACAGTGCTCTGATTTGTACTTATAGCAGAATGTCATTGCTATGTTTCCTT	584425
Sbjct	25381	ATGAAAATTGAACAGTGCTCTGATTTGTACTTATAGCAGAATGTCATTGCTATGTTTCCTT	25440
Query	584426	TGTCATCATAATAGTCTTGTCCCTCATAGTGCCCTAACAAAGCATCTTATGCCACTAAGTG	584485
Sbjct	25441	TGTCATCATAATAGTCTTGTCCCTCATAGTGCCCTAACAAAGCATCTTATGCCACTAAGTG	25500
Query	584486	AAACCTCTAGTCCCAGAAATAAGTTATATTTTCTTGAGTTAGTGGCCCAAGGAGTCCTGT	584545
Sbjct	25501	AAACCTCTAGTCCCAGAAATAAGTTATATTTTCTTGAGTTAGTGGCCCAAGGAGTCCTGT	25560
Query	584546	GGATCCCCAACCCCCAAGTCACAAGCTTTAGCCTAAACTATTGGTTTCTCTTCGTCACCT	584605
Sbjct	25561	GGATCCCCAACCCCCAAGTCACAAGCTTTAGCCTAAACTATTGGTTTCTCTTCGTCACCT	25620
Query	584606	TGCTAAACATACGCGATTACATAATTCAACAGAAAGAAATTGATCTGGTTTCTAACTAGA	584665
Sbjct	25621	TGCTAAACATACGCGATTACATAATTCAACAGAAAGAAATTGATCTGGTTTCTAACTAGA	25680
Query	584666	AGCTTTACCCCCCTACTGATTACATTTGAGTACCATCACAGTAATTGAGGAAAAATAGCAA	584725
Sbjct	25681	AGCTTTACCCCCCTACTGATTACATTTGAGTACCATCACAGTAATTGAGGAAAAATAGCAA	25740
Query	584726	TATCACCCAGATGCAAACCTGAGTGCAAGATATTGGTGCAATAGTGGCGTTAATGTTATG	584785
Sbjct	25741	TATCACCCAGATGCAAACCTGAGTGCAAGATATTGGTGCAATAGTGGCGTTAATGTTATG	25800
Query	584786	ACACCACTTTTTTGCTTGTATTTATAGCCATTCTTGAGACCCATATATAACATATCTAAT	584845
Sbjct	25801	ACACCACTTTTTTGCTTGTATTTATAGCCATTCTTGAGACCCATATATAACATATCTAAT	25860
Query	584846	AGCCAAGGACCTGAAAGTCATAGGCCTGGGGAAATCTTTTAGTACTTTTAAGGAAAAATC	584905
Sbjct	25861	AGCCAAGGACCTGAAAGTCATAGGCCTGGGGAAATCTTTTAGTACTTTTAAGGAAAAATC	25920
Query	584906	ATAAGTGTATTTTTTGACTGAGTTTGTCTCAGATTATCAACATGATTTTTGCAATATAT	584965
Sbjct	25921	ATAAGTGTATTTTTTGACTGAGTTTGTCTCAGATTATCAACATGATTTTTGCAATATAT	25980
Query	584966	AGGTGATCACTATATCCTTACTAAGACATTATTATCACTCACTTTATGAAAAAATGTAT	585025
Sbjct	25981	AGGTGATCACTATATCCTTACTAAGACATTATTATCACTCACTTTATGAAAAAATGTAT	26040
Query	585026	TGCTTATACTTTTAGCAAGAACTAGGACTATACACATGCAACTATAATATTAAATACAA	585085

Sbjct	26041	TTATACTTTT TAGCAAGAACTAGGACTATACACATGCAACTATAATATTAAATACAA	26100
Query	585086	ATTTCTTTTTTCCCAAATATTTTTAGCCAAAAGCATTCTCCAGCCACTTTGGAAGTTATAA	585145
Sbjct	26101	ATTTCTTTTTTCCCAAATATTTTTAGCCAAAAGCATTCTCCAGCCACTTTGGAAGTTATAA	26160
Query	585146	TACGTGAGGCAGAAAACATCCCTGTCTACTTGCCTAACATCCAGTCTCTCAAGGAAGCTC	585205
Sbjct	26161	TACGTGAGGCAGAAAACATCCCTGTCTACTTGCCTAACATCCAGTCTCTCAAGGAAGCTC	26220
Query	585206	TGACTAAGGCACAGGCTTGGATTGCTGATGTGAATGAGATTCAAGTGAGGATCATGATtt	585265
Sbjct	26221	TGACTAAGGCACAGGCTTGGATTGCTGATGTGAATGAGATTCAAGTGAGGATCATGATTT	26280
Query	585266	cttctctcttctccttctcttctccttctccatctcttttcttctcttAgattgatttgattg	585325
Sbjct	26281	CTTCTTCTTCTCCTTCTCTTCCTTCTCCATCTCTTTCTTCTTCTTAGATTGATTTGATTG	26340
Query	585326	attgattgattgattgattgattgattgattATGCAGTGCTCTGCCTGTATGCATACCTG	585385
Sbjct	26341	ATTGATTGATTGATTGATTGATTGATTGATTATGCAGTGCTCTGCCTGTATGCATACCTG	26400
Query	585386	CAGGCCAGAAGCGGGCCTTAGATCCCAATACAGATAGTTGTGAGCGACCATGTGGTTGCT	585445
Sbjct	26401	CAGGCCAGAAGCGGGCCTTAGATCCCAATACAGATAGTTGTGAGCGACCATGTGGTTGCT	26460
Query	585446	GGGGATTGAACTCAGGACCTCTGGAAAAACAGCCAGTGCTCTTAACCACTGAGCCTCCAG	585505
Sbjct	26461	GGGGATTGAACTCAGGACCTCTGGAAAAACAGCCAGTGCTCTTAACCACTGAGCCTCCAG	26520
Query	585506	AGGATCACATATTTAACTTTGCTACCCAGACCTGCAAGATGAAGAGAGACATTCTACTAT	585565
Sbjct	26521	AGGATCACATATTTAACTTTGCTACCCAGACCTGCAAGATGAAGAGAGACATTCTACTAT	26580
Query	585566	TTCAGTTTTTTTATAGAATTAGGGTTGTGGGAAGAATTGAAGAAGGAAAGTTAGCTAAGTT	585625
Sbjct	26581	TTCAGTTTTTTTATAGAATTAGGGTTGTGGGAAGAATTGAAGAAGGAAAGTTAGCTAAGTT	26640
Query	585626	AAGGTTATCAGGATAAAAAACAAGGAGGAGACAATGATTTGTGTCCAAACTTACAAAGAGT	585685
Sbjct	26641	AAGGTTATCAGGATAAAAAACAAGGAGGAGACAATGATTTGTGTCCAAACTTACAAAGAGT	26700
Query	585686	TAGTCAAAACAAGAGTAAAGAAACAAGTGACTAAAATCAGCCTTTTCTATTTTGATTCTG	585745
Sbjct	26701	TAGTCAAAACAAGAGTAAAGAAACAAGTGACTAAAATCAGCCTTTTCTATTTTGATTCTG	26760
Query	585746	AGCCAGGAAAAGGAAGAATTTTATGAGAAATTTTTCCTTTTTAAAAAATAAGTCTGGGGG	585805
Sbjct	26761	AGCCAGGAAAAGGAAGAATTTTATGAGAAATTTTTCCTTTTTAAAAAATAAGTCTGGGGG	26820
Query	585806	CTGGGGATTTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACTTAGGAAGCGCAAGGCCCTAGGTTCCGT	585865
Sbjct	26821	CTGGGGATTTTAGCTCAGTGGTAGAGCACTTACTTAGGAAGCGCAAGGCCCTAGGTTCCGT	26880
Query	585866	CCCCAGCTCCGaaaaaaaagaacccaaaaaaaaaaaaaaaaaaGTCTGTATTTTCATCTGCACT	585925
Sbjct	26881	CCCCAGCTCCGAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCTGTATTTTCATCTGCACT	26940
Query	585926	ATGATTATACAGTATGATATATAACAAATATATCAACAAATCTAGGGGGTTGGGGATTTA	585985
Sbjct	26941	ATGATTATACAGTATGATATATAACAAATATATCAACAAATCTAGGGGGTTGGGGATTTA	27000
Query	585986	GCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCCGTCCCCAGCTCCG	586045
Sbjct	27001	GCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAAGCACAAAGGCCCTGGGTTCCGTCCCCAGCTCCG	27060
Query	586046	GGAGGaaaaaaaaaaaaTCTAAACATAATACGTGGCACAATTGAATTGTACCTTCCACAGA	586105
Sbjct	27061	GGAGGAAAAAAAAAAAAATCTAAACATAATACGTGGCACAATTGAATTGTACCTTCCACAGA	27120
Query	586106	ATGGTGATCACTACCCCTGTTTGGATGATTTGGAGGGGCTTGTAGCTGTGGGTCGGGATT	586165
Sbjct	27121	ATGGTGATCACTACCCCTGTTTGGATGATTTGGAGGGGCTTGTAGCTGTGGGTCGGGATT	27180
Query	586166	TACCTGTGGAGCTAGAGGAACTAAAACAGCTGGAGAATCAGGTACTGACAGCACATTCCCT	586225
Sbjct	27181	TACCTGTGGAGCTAGAGGAACTAAAACAGCTGGAGAATCAGGTACTGACAGCACATTCCCT	27240
Query	586226	GGAAAAGAGAAAGCTTCTAAGACTTTTCTCAAGAAGAATTCTTGCTACACACTGTTGGAGG	586285
Sbjct	27241	GGAAAAGAGAAAGCTTCTAAGACTTTTCTCAAGAAGAATTCTTGCTACACACTGTTGGAGG	27300
Query	586286	TAAGATCTGATTCCCTTTTACCACAGCATTTTCTGTGCCTGACCCTGGTTGTTGAGAAGTG	586345
Sbjct	27301	TAAGATCTGATTCCCTTTTACCACAGCATTTTCTGTGCCTGACCCTGGTTGTTGAGAAGTG	27360
Query	586346	CATAAGTGAACGTGAATTTTTGGGACATTTCAGGGAGATGAAGGGTAGTAATCCCCCTTT	586405
Sbjct	27361	CATAAGTGAACGTGAATTTTTGGGACATTTCAGGGAGATGAAGGGTAGTAATCCCCCTTT	27420

Query	586406	CTTCTATCTTCTAATAGGTTCTCTGCCCATGTGCAGATGCTGGTTCTGTCAGCACCAAGC	586465
Sbjct	27421	CTTCTATCTTCTAATAGGTTCTCTGCCCATGTGCAGATGCTGGTTCTGTCAGCACCAAGC	27480
Query	586466	GCAGTCGGTGGATTGAAAAGGAGATGGGGTTATACAAATATGACACAGAATTGCTGGGGC	586525
Sbjct	27481	GCAGTCGGTGGATTGAAAAGGAGATGGGGTTATACAAATATGACACAGAATTGCTGGGGC	27540
Query	586526	TTTCTGCACAGGATCTCAGGGACCCAGGTTCTGTGGTAAGCAGCTTATGTGTATGTCCCT	586585
Sbjct	27541	TTTCTGCACAGGATCTCAGGGACCCAGGTTCTGTGGTAAGCAGCTTATGTGTATGTCCCT	27600
Query	586586	GAAAAGAAGGTAGCCTAGAAATATATTGGTTGGTTCCCATAGCAGACCATTACGCACT	586645
Sbjct	27601	GAAAAGAAGGTAGCCTAGAAATATATTGGTTGGTTCCCATAGCAGACCATTACGCACT	27660
Query	586646	GAGCCTATTACTTTAATTGGGAGAAGGTTAAAAGAACTGAGTAGTCTAAGAAGAGGATGG	586705
Sbjct	27661	GAGCCTATTACTTTAATTGGGAGAAGGTTAAAAGAACTGAGTAGTCTAAGAAGAGGATGG	27720
Query	586706	GATGCTCAACAGCTTTTCTCTGTCTGGGTTCAATAGATCATGGCCTTTAAGGAAGGGGA	586765
Sbjct	27721	GATGCTCAACAGCTTTTCTCTGTCTGGGTTCAATAGATCATGGCCTTTAAGGAAGGGGA	27780
Query	586766	AGAGAAAGAAAAAGAAGGTATCTTGCACTTGCGTCACATCAACTCAACTAAGCCCAGTCC	586825
Sbjct	27781	AGAGAAAGAAAAAGAAGGTATCTTGCACTTGCGTCACATCAACTCAACTAAGCCCAGTCC	27840
Query	586826	AATGTCCTCATCAATCAATGCCTCTGCAACCTCCATCTGTATATGTGGGCAGGTCCGTGC	586885
Sbjct	27841	AATGTCCTCATCAATCAATGCCTCTGCAACCTCCATCTGTATATGTGGGCAGGTCCGTGC	27900
Query	586886	AGGAGTAGAAGCTCTGCGGTGTGATCTCTGTCATGACTGGTTCCATGGACAATGTGTGAC	586945
Sbjct	27901	AGGAGTAGAAGCTCTGCGGTGTGATCTCTGTCATGACTGGTTCCATGGACAATGTGTGAC	27960
Query	586946	TGTACCCACCTACTCAGTCTCTTAAGGGCTAGTCATACCTCATCTCAACTGCTAGCTTG	587005
Sbjct	27961	TGTACCCACCTACTCAGTCTCTTAAGGGCTAGTCATACCTCATCTCAACTGCTAGCTTG	28020
Query	587006	GTGGGAATGGGACACCAAATTCCTGTGCCCACTGTGTATGCGATCAAGGCGTCCACGACT	587065
Sbjct	28021	GTGGGAATGGGACACCAAATTCCTGTGCCCACTGTGTATGCGATCAAGGCGTCCACGACT	28080
Query	587066	GGAGACCATATTGTCAATTGCTGGTAGGACTACAGAGACTGTCTGTAAGGCTGCCTGAGGG	587125
Sbjct	28081	GGAGACCATATTGTCAATTGCTGGTAGGACTACAGAGACTGTCTGTAAGGCTGCCTGAGGG	28140
Query	587126	TGAGGCCCTACAATGCCTCACAGAGAGAGCCATTGGTTGGCAGGGCCGTGCCAGACAGGC	587185
Sbjct	28141	TGAGGCCCTACAATGCCTCACAGAGAGAGCCATTGGTTGGCAGGGCCGTGCCAGACAGGC	28200
Query	587186	TCTAGCTTCTGAGAATGTGACTGCTTTGTTGAAACAGCTAGCAAAATCCCGCCAACAACT	587245
Sbjct	28201	TCTAGCTTCTGAGAATGTGACTGCTTTGTTGAAACAGCTAGCAAAATCCCGCCAACAACT	28260
Query	587246	ACAGGATGAATTGAGACATGAGAAGCCGCCTACATCTCATTAGGTCTTCCCTCTGAGTG	587305
Sbjct	28261	ACAGGATGAATTGAGACATGAGAAGCCGCCTACATCTCATTAGGTCTTCCCTCTGAGTG	28320
Query	587306	TCTCACAGAGGATAGTGACAAGGATATCCTTAAGGTAAGCTGTTCTGTCTAGACTCCTT	587365
Sbjct	28321	TCTCACAGAGGATAGTGACAAGGATATCCTTAAGGTAAGCTGTTCTGTCTAGACTCCTT	28380
Query	587366	TCACCTTCAAATTTCTATATTCTAAATTGTTAAGACCATCCTTAAGAAGCTGCTGTTATC	587425
Sbjct	28381	TCACCTTCAAATTTCTATATTCTAAATTGTTAAGACCATCCTTAAGAAGCTGCTGTTATC	28440
Query	587426	AATGTTCTTTATCAGTGTGAGTCCCTCTCCCCTGTCTGCATCATTCTAGATTACTGGTA	587485
Sbjct	28441	AATGTTCTTTATCAGTGTGAGTCCCTCTCCCCTGTCTGCATCATTCTAGATTACTGGTA	28500
Query	587486	CTTGCAGCACTATAAAATATTAGCAGTTCCCAACCTTTGAGTCATGAGCCCACAGAGGTTG	587545
Sbjct	28501	CTTGCAGCACTATAAAATATTAGCAGTTCCCAACCTTTGAGTCATGAGCCCACAGAGGTTG	28560
Query	587546	AATATCAGATATCCTCAATATAATATATTTACATTACAATTCCTAGTAGCAAAATTATAT	587605
Sbjct	28561	AATATCAGATATCCTCAATATAATATATTTACATTACAATTCCTAGTAGCAAAATTATAT	28620
Query	587606	TTATAAGTATCAATGAAAGAGTCAAAGCATTTGGAAGGTTGAGAATCACTATTCTATGTG	587665
Sbjct	28621	TTATAAGTATCAATGAAAGAGTCAAAGCATTTGGAAGGTTGAGAATCACTATTCTATGTG	28680
Query	587666	CTCTGAGTAAAAGTTTTCATTTACAGAGGATATAAAGAGCTTAAttttttttCCAATTTGA	587725
Sbjct	28681	CTCTGAGTAAAAGTTTTCATTTACAGAGGATATAAAGAGCTTAATTTTTTTTTCCAATTTGA	28740
Query	587726	TTAAAATAATCAGTTTCTGCTCTTCTCTCAGGAAGAGGAGGAGTTGGTACTAAATGAAG	587785

Sbjct	28741	AATAATCAGTTCCTGCTCTTCTCTCAGGAAGAGGAGGAGTTGGTACTAAATGAAG	28800
Query	587786	ACATGCTGAAAAATTCTGAGAAGATTGTTCCAAAGGAAAGTTCATGTGAAAGAGGTATAT	587845
Sbjct	28801	ACATGCTGAAAAATTCTGAGAAGATTGTTCCAAAGGAAAGTTCATGTGAAAGAGGTATAT	28860
Query	587846	CTTGGTGTTTGTAGGCTAATGAATAAAATACCACCAAAATGACTTACTGCGTCTTTAGCTC	587905
Sbjct	28861	CTTGGTGTTTGTAGGCTAATGAATAAAATACCACCAAAATGACTTACTGCGTCTTTAGCTC	28920
Query	587906	TTTTGTAGTAAGGAGAATTAGACCAAAGTCATATTTTAAAAGAGCTGTCCTCAAACCTTC	587965
Sbjct	28921	TTTTGTAGTAAGGAGAATTAGACCAAAGTCATATTTTAAAAGAGCTGTCCTCAAACCTTC	28980
Query	587966	CAGGTGAGGAACTGTTGCCCTTCGCTATTATCCCAATTAAGTGGTCTGTACTGGAAGTGC	588025
Sbjct	28981	CAGGTGAGGAACTGTTGCCCTTCGCTATTATCCCAATTAAGTGGTCTGTACTGGAAGTGC	29040
Query	588026	CTGAAGCCACCCGGGCCCCACTAGAGGAGCTTATGATGGAAGGAGATTTACTTGAAGTTA	588085
Sbjct	29041	CTGAAGCCACCCGGGCCCCACTAGAGGAGCTTATGATGGAAGGAGATTTACTTGAAGTTA	29100
Query	588086	CCCTAGATGAGAACCACAGCATTTGGCAGCTGCTGCAGGCTGGACAGAATCCTAATCTAG	588145
Sbjct	29101	CCCTAGATGAGAACCACAGCATTTGGCAGCTGCTGCAGGCTGGACAGAATCCTAATCTAG	29160
Query	588146	AGCGGATTTCATACACTTCTAGAGGTGAGATGTATTATGGATAGTCCTTGGTATCAGTACA	588205
Sbjct	29161	AGCGGATTTCATACACTTCTAGAGGTGAGATGTATTATGGATAGTCCTTGGTATCAGTACA	29220
Query	588206	AACATAATACTTGACATGAACCACATACACCTTATTCTTCCTTGTCTGTGTATTGTAGCT	588265
Sbjct	29221	AACATAATACTTGACATGAACCACATACACCTTATTCTTCCTTGTCTGTGTATTGTAGCT	29280
Query	588266	TGAGAAGCCTGAGGACCCAAAGAATTGGTCAGAGGAACAAACACCAGAGAGGCGGCAGCG	588325
Sbjct	29281	TGAGAAGCCTGAGGACCCAAAGAATTGGTCAGAGGAACAAACACCAGAGAGGCGGCAGCG	29340
Query	588326	GCGAAGGCAAAAGGTCTGTTCTGAGTAGAAAGGGTGAGGATCTTACTCAAAAAGAGCTAGC	588385
Sbjct	29341	GCGAAGGCAAAAGGTCTGTTCTGAGTAGAAAGGGTGAGGATCTTACTCAAAAAGAGCTAGC	29400
Query	588386	ATCAAAAAGAGCTAGGAGTTCAAGGATTAAGCCTAAGGGAAAACAGTTTCAAGAGCCAAT	588445
Sbjct	29401	ATCAAAAAGAGCTAGGAGTTCAAGGATTAAGCCTAAGGGAAAACAGTTTCAAGAGCCAAT	29460
Query	588446	ACACGGGGATAATGTGCTCTTGTCACACCATACAGAACATACAAACATCTTAAAAGGGAA	588505
Sbjct	29461	ACACGGGGATAATGTGCTCTTGTCACACCATACAGAACATACAAACATCTTAAAAGGGAA	29520
Query	588506	CATGAACAGTGTACAAGGGAAGGATCCAAGCCCTTCATCTACTTTTCCTTCCTTACCACC	588565
Sbjct	29521	CATGAACAGTGTACAAGGGAAGGATCCAAGCCCTTCATCTACTTTTCCTTCCTTACCACC	29580
Query	588566	TTTGCTACATCTCTCTTATTTTCATCAGCAAAAATTACAACAATAGTATGTGATTAtttt	588625
Sbjct	29581	TTTGCTACATCTCTCTTATTTTCATCAGCAAAAATTACAACAATAGTATGTGATTATTTT	29640
Query	588626	tttccttgcttagtcttttccttccttaagcctttctcctttctctctccctttttctttc	588685
Sbjct	29641	TTTCCTTGCTTAGTCTTTCCTTCCTTAAGCCTTTCTCCTTCTCTCCTTTTCTTTCT	29700
Query	588686	cttcctcctccttttctcctttggttggtccctagcttccctccatttttACTCTATTCTCTG	588745
Sbjct	29701	CTTCCTCCTCCTTTCTCCTTTGTGTCCCTAGCTTCCCTCCATTTTACTCTATTCTCTG	29760
Query	588746	CCCTTAATTCCCTCAGATTCCCACAAAATATTTATTCCTTACCTACAGCTTGACTACAAA	588805
Sbjct	29761	CCCTTAATTCCCTCAGATTCCCACAAAATATTTATTCCTTACCTACAGCTTGACTACAAA	29820
Query	588806	TTATTTTATCCTTACTCCTAATACATGTTTATGCCTTCGTTCTTAAGAACTATTCCATT	588865
Sbjct	29821	TTATTTTATCCTTACTCCTAATACATGTTTATGCCTTCGTTCTTAAGAACTATTCCATT	29880
Query	588866	ACATGTTTCCCAAAATTTTATCAACAATATTTCTGGAATTACTGTAGATAAAGTGATGTT	588925
Sbjct	29881	ACATGTTTCCCAAAATTTTATCAACAATATTTCTGGAATTACTGTAGATAAAGTGATGTT	29940
Query	588926	CTTGTTCTTAGTTACCTCTATTCTAATCTGGAGAAGCAAAAATAAAATTTGAGAATGCTA	588985
Sbjct	29941	CTTGTTCTTAGTTACCTCTATTCTAATCTGGAGAAGCAAAAATAAAATTTGAGAATGCTA	30000
Query	588986	AAGTTTATTAATCTTTATTTTAAATCCTTCATCATCCTCTGTGTAATTCCACATCGTGT	589045
Sbjct	30001	AAGTTTATTAATCTTTATTTTAAATCCTTCATCATCCTCTGTGTAATTCCACATCGTGT	30060
Query	589046	ACTTATTAATAACAAGTGttttttattttatatttttattccattttcttacctttttctct	589105
Sbjct	30061	ACTTATTAATAACAAGTGTTTTTTATTTTATATTTTATTCCATTCTTACCTTTTCTCT	30120

Query	589106	ttGGTTCACATTCTaaaaaaaTAGTATTTTGTAAATCTTAAGGAAAAAGAATACAGGAA	589165
Sbjct	30121	TTGGTTCACATTCTAAAAAAATAGTATTTTGTAAATCTTAAGGAAAAAGAATACAGGAA	30180
Query	589166	TGCAAACTTACCATAgttggtttatttttaattttggttcttttgttggttgcttttgttg	589225
Sbjct	30181	TGCAAACTTACCATAGTTGTTTATTTTAAATTTTCTTTTGTGTTGGCTTTTGTTG	30240
Query	589226	ttgtCATTaaaaaaaTAAATAAAACATTTGCTTGGGACTGCATCTGACTTGTACTTCTTG	589285
Sbjct	30241	TTGTCATTAAAAAATAAATAAAACATTTGCTTGGGACTGCATCTGACTTGTACTTCTTG	30300
Query	589286	AACTATGGGAATAGAAAACCAAGGATGGAAATCATTGTGTGGGAATCAACAAATTTGTT	589345
Sbjct	30301	AACTATGGGAATAGAAAACCAAGGATGGAAATCATTGTGTGGGAATCAACAAATTTGTT	30360
Query	589346	TCTGGTCTTAATACTTGTCTGTATCTGGATTCTGGGTCTCTTTGTTTCTTGATACATGT	589405
Sbjct	30361	TCTGGTCTTAATACTTGTCTGTATCTGGATTCTGGGTCTCTTTGTTTCTTGATACATGT	30420
Query	589406	TGTCTAGGTAATGTCTTCATAGCTGTAATGTCCTAGCAAGTGTCAAATAAGATGACTCTT	589465
Sbjct	30421	TGTCTAGGTAATGTCTTCATAGCTGTAATGTCCTAGCAAGTGTCAAATAAGATGACTCTT	30480
Query	589466	CTTACTTTCTCCTTTAGACATTGTTTTAGTGAACCTATAATTTTCTTATGTACTTCCTT	589525
Sbjct	30481	CTTACTTTCTCCTTTAGACATTGTTTTAGTGAACCTATAATTTTCTTATGTACTTCCTT	30540
Query	589526	TTGCATCTTAAATTTTATAACTTCAACTTCATTTTACTCCCTCATGTGTACTTCTCGTTC	589585
Sbjct	30541	TTGCATCTTAAATTTTATAACTTCAACTTCATTTTACTCCCTCATGTGTACTTCTCGTTC	30600
Query	589586	TTATTCAATTCAATGGTTGTTATACTTTATTGTACAAGGTGTAAGTAAGTCAAGAGCATA	589645
Sbjct	30601	TTATTCAATTCAATGGTTGTTATACTTTATTGTACAAGGTGTAAGTAAGTCAAGAGCATA	30660
Query	589646	TAATACCAACTCAGACACTATTTTACTTAATTTCTTTCAATTATCAAACATCAAatttttt	589705
Sbjct	30661	TAATACCAACTCAGACACTATTTTACTTAATTTCTTTCAATTATCAAACATCAATTTTTT	30720
Query	589706	tCCTAGCTTACCAATACTAGTTGTCTTGTTTCATACTTAATCCGTTGTTTTTCTACAGTCA	589765
Sbjct	30721	TCCTAGCTTACCAATACTAGTTGTCTTGTTTCATACTTAATCCGTTGTTTTTCTACAGTCA	30780
Query	589766	GTCTATCATGAAGTTCAAGTTTATTACTAAAAAATAATTATGGTCCCTTACCACAGTTTT	589825
Sbjct	30781	GTCTATCATGAAGTTCAAGTTTATTACTAAAAAATAATTATGGTCCCTTACCACAGTTTT	30840
Query	589826	AAGGGGtttttttttAATACAATAGTGTTTAATTAATTTATTTATTTTCAAGTAATAAGCT	589885
Sbjct	30841	AAGGGGTTTTTTTAAATACAATAGTGTTTAATTAATTTATTTATTTTCAAGTAATAAGCT	30900
Query	589886	TCTTTATATCATTTTACCCAAATTTAGTTTTTGTAAATCTTCCCTCAACTATTTCTCTCT	589945
Sbjct	30901	TCTTTATATCATTTTACCCAAATTTAGTTTTTGTAAATCTTCCCTCAACTATTTCTCTCT	30960
Query	589946	CTCATATCTTTGTGTCCTCATCCTTGATTAGCCCTTACTATTTAGAGGCTGGAGAGATGG	590005
Sbjct	30961	CTCATATCTTTGTGTCCTCATCCTTGATTAGCCCTTACTATTTAGAGGCTGGAGAGATGG	31020
Query	590006	CTCAGTGGTTAAGAGCACTGATTGCTCCTCCAGAGGTCTGATTTTAATTTCCAGCAACC	590065
Sbjct	31021	CTCAGTGGTTAAGAGCACTGATTGCTCCTCCAGAGGTCTGATTTTAATTTCCAGCAACC	31080
Query	590066	ACATGGTGGCTCACAACCATCTGTAACCTCAGTTCCAGAGAATCTGATGCCCTCTTACAG	590125
Sbjct	31081	ACATGGTGGCTCACAACCATCTGTAACCTCAGTTCCAGAGAATCTGATGCCCTCTTACAG	31140
Query	590126	GCATATATGCAGGCAAAACACCAATGCATATGAAATAAAAATAAATTATTTTTTAAAAAC	590185
Sbjct	31141	GCATATATGCAGGCAAAACACCAATGCATATGAAATAAAAATAAATTATTTTTTAAAAAC	31200
Query	590186	CGTATTATTCTCCATTCCCTTTTATGGTGCATTATATATTGTTAATACCCCTATCTTCT	590245
Sbjct	31201	CGTATTATTCTCCATTCCCTTTTATGGTGCATTATATATTGTTAATACCCCTATCTTCT	31260
Query	590246	ATTTTCTAGCCTGTTTTTCTTTTACAGGGCTCCTTCTAATTTTGAACCTCTATAGTAC	590305
Sbjct	31261	ATTTTCTAGCCTGTTTTTCTTTTACAGGGCTCCTTCTAATTTTGAACCTCTATAGTAC	31320
Query	590306	CCAAAGCTAACCATAACAATTATAAGCATCTGGAGCTTGGATATCCCTATGAGTGAGACTA	590365
Sbjct	31321	CCAAAGCTAACCATAACAATTATAAGCATCTGGAGCTTGGATATCCCTATGAGTGAGACTA	31380
Query	590366	AGCAGTATTTTGTGTGGCTCTAGCTTAATTCACTCAGTATAGTTTTTCTATGTTCTACCC	590425
Sbjct	31381	AGCAGTATTTTGTGTGGCTCTAGCTTAATTCACTCAGTATAGTTTTTCTATGTTCTACCC	31440
Query	590426	TTTTCCATAAAATAAGTTGATTTTCATCTTAATTTATAACTGAAATGAGTTCCACTGTGTA	590485



Sbjct	31441	TCATAAAATAAGTTGATTTTCATCTTAATTTATAACTGAAATGAGTTCCACTGTGTA	31500
Query	590486	TATGTAGTATAATATCAAACCTATAGGCTAATTGGATTTTCTAGCTATTATGAATGAATA	590545
Sbjct	31501	TATGTAGTATAATATCAAACCTATAGGCTAATTGGATTTTCTAGCTATTATGAATGAATA	31560
Query	590546	TACCTGAAATTAATATAAGCAAATATCTCTGTAGTAAGATATGGAAAATCATCTCATTCA	590605
Sbjct	31561	TACCTGAAATTAATATAAGCAAATATCTCTGTAGTAAGATATGGAAAATCATCTCATTCA	31620
Query	590606	CAGTTTCCACAAAATAAATCAATTCATGTTTATTTTTCAAGAAATTCAACCAAGGAAGTG	590665
Sbjct	31621	CAGTTTCCACAAAATAAATCAATTCATGTTTATTTTTCAAGAAATTCAACCAAGGAAGTG	31680
Query	590666	GaaaaaaaaTAACCTGTATGCCAGAACTTTTCCTTAATGGTCAAGAGAGAAATTAAGAA	590725
Sbjct	31681	GAAAAAAAAATAACCTGTATGCCAGAACTTTTCCTTAATGGTCAAGAGAGAAATTAAGAA	31740
Query	590726	CACGATAAGAAATGCATGCTGACAGGAGCCTGATATAGCTGTCTCCTGAGAGTTTCTGCC	590785
Sbjct	31741	CACGATAAGAAATGCATGCTGACAGGAGCCTGATATAGCTGTCTCCTGAGAGTTTCTGCC	31800
Query	590786	AGAGCATGACAAATACAGAGGCTGATGCTCACAGCCAACCATTGCACTGAGCTTGGGGTC	590845
Sbjct	31801	AGAGCATGACAAATACAGAGGCTGATGCTCACAGCCAACCATTGCACTGAGCTTGGGGTC	31860
Query	590846	CCCAATGGAGGAGTTAGAGAAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAAAAACAACAGT	590905
Sbjct	31861	CCCAATGGAGGAGTTAGAGAAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAAAAACAACAGT	31920
Query	590906	ATCAACCAACGGACCCCCGAGGGACTAAACCACATCCCAAGAATACACAGGGATGGACT	590965
Sbjct	31921	ATCAACCAACGGACCCCCGAGGGACTAAACCACATCCCAAGAATACACAGGGATGGACT	31980
Query	590966	CATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGGATGGCCTTGCAGGCATCAATGGGAGGAGAAA	591025
Sbjct	31981	CATGGCTCCAGCTGCATATGTAGCAGAGGATGGCCTTGCAGGCATCAATGGGAGGAGAAA	32040
Query	591026	CCCTTGGTCCTGTGAAGGCTCAGTACCCAGTGTAAGGGATGCTAGGAAGGGGAAGTGGG	591085
Sbjct	32041	CCCTTGGTCCTGTGAAGGCTCAGTACCCAGTGTAAGGGATGCTAGGAAGGGGAAGTGGG	32100
Query	591086	AGAGCATCCTCATAGAGGCTGGGGGAGGGGAATTGGATAGGGGGGTTTCCAAACAAGAAA	591145
Sbjct	32101	AGAGCATCCTCATAGAGGCTGGGGGAGGGGAATTGGATAGGGGGGTTTCCAAACAAGAAA	32160
Query	591146	CCCAGAAAGGGGTAAACATTTgaaatgtaaataaagaaaaatatcccaataaagaagaaa	591205
Sbjct	32161	CCCAGAAAGGGGTAAACATTTGAAATGTAAATAAAGAAAATATCCCAATAAAGAAGAAA	32220
Query	591206	aaaaaaGAACACTACAAGATAGGTGCTATGCTCATGAATTTAATTAAGCAAGCAGTATTG	591265
Sbjct	32221	AAAAAAGAACACTACAAGATAGGTGCTATGCTCATGAATTTAATTAAGCAAGCAGTATTG	32280
Query	591266	TAAAAATAACTGCCTTGCCCAAAGTAATCTATAGATTTATTGTAGTACCTCTTAATTCCC	591325
Sbjct	32281	TAAAAATAACTGCCTTGCCCAAAGTAATCTATAGATTTATTGTAGTACCTCTTAATTCCC	32340
Query	591326	AGTGACATTCatTTTTataaaaattagaaaaataatcTTTTTTTTaaagattaaattaaaaa	591385
Sbjct	32341	AGTGACATTCATTTTATAAAATTAGAAAAATAATCTTTTTTTAAAGATTAAATTAAAAA	32400
Query	591386	attatTTTTaatTTTTtaaaaaattaagtataaatgatttagttacaaaaatCCCAAGGGG	591445
Sbjct	32401	ATTATTTTAAATTTTTTAAAAAATTAAGTATAAATGATTTAGTTACAAAAATCCCAAGGGG	32460
Query	591446	AAAGGATAAGGTAAGAGATACCACCATACATGATTGTAAAGTATTTCAAAAACATAGTAC	591505
Sbjct	32461	AAAGGATAAGGTAAGAGATACCACCATACATGATTGTAAAGTATTTCAAAAACATAGTAC	32520
Query	591506	CAAACTGGCACACTACAGGTACAAACACAGACATGAATATCCATGGAACAAAACAGGAT	591565
Sbjct	32521	CAAACTGGCACACTACAGGTACAAACACAGACATGAATATCCATGGAACAAAACAGGAT	32580
Query	591566	ATCAAGTCATAATCCCACAAAGCTACAACACTTGGTTTTTTTACAGAGGCCAAAAATACA	591625
Sbjct	32581	ATCAAGTCATAATCCCACAAAGCTACAACACTTGGTTTTTTTACAGAGGCCAAAAATACA	32640
Query	591626	TATTTTTGGAGAAAAGGCAGCCTCTTTAATAAAAACTTTTGGGAAAACGAATATTCACA	591685
Sbjct	32641	TATTTTTGGAGAAAAGGCAGCCTCTTTAATAAAAACTTTTGGGAAAACGAATATTCACA	32700
Query	591686	CAGTATTTTGTACATAGTAGAAGAAtttttttATTTTAATTGGCATAGGAGTTAATTAT	591745
Sbjct	32701	CAGTATTTTGTACATAGTAGAAGAATTTTTTTATTTTAATTGGCATAGGAGTTAATTAT	32760
Query	591746	CGTAAGGTTACATAATAATTGATATAAACACATGAAGTCATTTTTCAAAAATTACTTTCT	591805
Sbjct	32761	CGTAAGGTTACATAATAATTGATATAAACACATGAAGTCATTTTTCAAAAATTACTTTCT	32820

Query	591806	TTGTATCAGTAAGTATGAAAGAAGGCCCTGGTTCTCAAAACAGATCCACAGGGTGTTAG	591865
Sbjct	32821	TTGTATCAGTAAGTATGAAAGAAGGCCCTGGTTCTCAAAACAGATCCACAGGGTGTTAG	32880
Query	591866	TGGGAACATATGATGTGGCAGAAGATTTGAGAAATCTCTTTAACAATCTATAATGTGGTAA	591925
Sbjct	32881	TGGGAACATATGATGTGGCAGAAGATTTGAGAAATCTCTTTAACAATCTATAATGTGGTAA	32940
Query	591926	CTGTAAATTATATACTATTATATATTATTAATGTAGTAAGGAAGCAGCCAAAATCAGAAA	591985
Sbjct	32941	CTGTAAATTATATACTATTATATATTATTAATGTAGTAAGGAAGCAGCCAAAATCAGAAA	33000
Query	591986	CATTTTTATATGCTTCATCCACTAGTTGTTTTTAATTAATTCTGCTGAAGGAATGAGTT	592045
Sbjct	33001	CATTTTTATATGCTTCATCCACTAGTTGTTTTTAATTAATTCTGCTGAAGGAATGAGTT	33060
Query	592046	CTGGCCCTGTACAAACCATGCAAAATTGGAATATAAAGTTTTTCGTAATAATCTTGTGCTT	592105
Sbjct	33061	CTGGCCCTGTACAAACCATGCAAAATTGGAATATAAAGTTTTTCGTAATAATCTTGTGCTT	33120
Query	592106	CATTAGTCATATTAGTCATTGCTGGAGCAACAAAGGTGTTCAACAAAAGAATTTAAAGAA	592165
Sbjct	33121	CATTAGTCATATTAGTCATTGCTGGAGCAACAAAGGTGTTCAACAAAAGAATTTAAAGAA	33180
Query	592166	CAGAGGTTTGGGACCACATTTTACTTGACAGCTCTTAAGGTTTCAACAACTTTAACCTGT	592225
Sbjct	33181	CAGAGGTTTGGGACCACATTTTACTTGACAGCTCTTAAGGTTTCAACAACTTTAACCTGT	33240
Query	592226	CGTTGACACCTTTTTCATTTGAGGTCGTAGAATATTCAGTTTGCAGCAGTGATTAAGGAA	592285
Sbjct	33241	CGTTGACACCTTTTTCATTTGAGGTCGTAGAATATTCAGTTTGCAGCAGTGATTAAGGAA	33300
Query	592286	AGCTTGAAATCCCCACAGGTCCTCCTTTAATTATCCTAATAACTTCttttaatttttaatt	592345
Sbjct	33301	AGCTTGAAATCCCCACAGGTCCTCCTTTAATTATCCTAATAACTTCCTTTAATTTTAAATT	33360
Query	592346	ttttGAGACAAAATGTCATCTAAGAATACACATTTTTTCAGGTATGATTCTTCAAATTTT	592405
Sbjct	33361	TTTTGAGACAAAATGTCATCTAAGAATACACATTTTTTCAGGTATGATTCTTCAAATTTT	33420
Query	592406	ACTAGTTTCCATATAATTCTAAACAGCTTCCATGTTTGTTAAGTACTATGACAATGACAC	592465
Sbjct	33421	ACTAGTTTCCATATAATTCTAAACAGCTTCCATGTTTGTTAAGTACTATGACAATGACAC	33480
Query	592466	TACACTCTGAATATTAATTTATGTTATTTTCATACTTAGACTTTTTAAAATTGGATATTT	592525
Sbjct	33481	TACACTCTGAATATTAATTTATGTTATTTTCATACTTAGACTTTTTAAAATTGGATATTT	33540
Query	592526	TATTTACATTTCAAATGTCATCCTCTTTCTGGTTTCCCCTACACAAACCCTCATCCCAT	592585
Sbjct	33541	TATTTACATTTCAAATGTCATCCTCTTTCTGGTTTCCCCTACACAAACCCTCATCCCAT	33600
Query	592586	TCCTTTCTACCTGATTCTATGTGAATGTTCTCCCGCCACCCATACATACCTGTCTGACT	592645
Sbjct	33601	TCCTTTCTACCTGATTCTATGTGAATGTTCTCCCGCCACCCATACATACCTGTCTGACT	33660
Query	592646	GTCCTGGCATCCCGTACATTGGTGCATCAAGCCTTCTACAGGACCAAGGACCTCTCCTGC	592705
Sbjct	33661	GTCCTGGCATCCCGTACATTGGTGCATCAAGCCTTCTACAGGACCAAGGACCTCTCCTGC	33720
Query	592706	CACTGATGCCAGATAAGGCCATCCTCTACTATAGGTGCAGGTAGAGCAATGGGTCCCTTC	592765
Sbjct	33721	CACTGATGCCAGATAAGGCCATCCTCTACTATAGGTGCAGGTAGAGCAATGGGTCCCTTC	33780
Query	592766	ATGTGTACCATTGCGTTAATGACTTAGTCCCTGGGAGCTCTGGGGCATCTGGTTGGTTGA	592825
Sbjct	33781	ATGTGTACCATTGCGTTAATGACTTAGTCCCTGGGAGCTCTGGGGCATCTGGTTGGTTGA	33840
Query	592826	TGTTGATCTTCCAATAAAGTTGTAAACCCCTTCAGCTTCTTCAGTCCTTCCCCTAACAGG	592885
Sbjct	33841	TGTTGATCTTCCAATAAAGTTGTAAACCCCTTCAGCTTCTTCAGTCCTTCCCCTAACAGG	33900
Query	592886	GTCCCCATGCTCAGTGTGATGGTTGGATGCAAGCATCCGCATCTGTATTTGTCATGCTCT	592945
Sbjct	33901	GTCCCCATGCTCAGTGTGATGGTTGGATGCAAGCATCCGCATCTGTATTTGTCATGCTCT	33960
Query	592946	GGCAGAGCCTCTCAGACATACATATCAGGCTCTTGTTAGCAAGCATTTCTTGGCATCAGA	593005
Sbjct	33961	GGCAGAGCCTCTCAGACATACATATCAGGCTCTTGTTAGCAAGCATTTCTTGGCATCAGA	34020
Query	593006	AATACTGTCTGGGTTTGGTGTCTATGTATGTCTGCATATGGGATATATTTCTGGCTGACC	593065
Sbjct	34021	AATACTGTCTGGGTTTGGTGTCTATGTATGTCTGCATATGGGATATATTTCTGGCTGACC	34080
Query	593066	ATTCCCTTCAGTCTCTGTTCCACTCTGTCTCTATATTTCCCTCCTATGAATATTTTGTTC	593125
Sbjct	34081	ATTCCCTTCAGTCTCTGTTCCACTCTGTCTCTATATTTCCCTCCTATGAATATTTTGTTC	34140
Query	593126	CTCTTCTAAGAAGGACTGAAGCATGTACACATTTGGTCATCCTTCTTGAGGTTACAGTGG	593185

Sbjct	34141	CTCTTCTAAGAAGGACTGAAGCATGTACACATTTGGTCATCCTTCTTGAGGTTACAGTGG	34200
Query	593186	TCTGTGGATTGTATCATTTGGGTAATCCAAGCTTTTGGGCTAATATCCACTTATCAGTGAG	593245
Sbjct	34201	TCTGTGGATTGTATCATTTGGGTAATCCAAGCTTTTGGGCTAATATCCACTTATCAGTGAG	34260
Query	593246	TGAATACCATGGGTGTTATTTCGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCTAAT	593305
Sbjct	34261	TGAATACCATGGGTGTTATTTCGTGATTGGGTTACCTCACTCAGGATGATATTTTCTAAT	34320
Query	593306	TCCATCCATTTGTCTATGAATTTTCATGAAGTCATTGGTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCA	593365
Sbjct	34321	TCCATCCATTTGTCTATGAATTTTCATGAAGTCATTGGTTTGATAGCTGAGTAGTATTCCA	34380
Query	593366	TTGTGAGTTGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGCACATCTTTAGAGCTT	593425
Sbjct	34381	TTGTGAGTTGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGCACATCTTTAGAGCTT	34440
Query	593426	CTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATGTGTCTGTGTTATATGTT	593485
Sbjct	34441	CTGGCTATTATAAATAAGGCTGCTATGAACATAGTGGAGCATGTGTCTGTGTTATATGTT	34500
Query	593486	GGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGTGGTATAGCTGGGTCCTCCGGTAGTACAATA	593545
Sbjct	34501	GGGGCATCTTTTGGGTATATGCCCAAGAGTGGTATAGCTGGGTCCTCCGGTAGTACAATA	34560
Query	593546	TCCAGTTTTCCAAGGAACCTCCAGAGTGATTAACAGAGTGGTTGTAAC TAGCTTGCAATC	593605
Sbjct	34561	TCCAGTTTTCCAAGGAACCTCCAGAGTGATTAACAGAGTGGTTGTAAC TAGCTTGCAATC	34620
Query	593606	CCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTCACC	593665
Sbjct	34621	CCACCAACAATGGAGGAGTGTTCCTCTTTCTCCACATCCTCACCAGCATCTGCTGTCACC	34680
Query	593666	TGAGTTTTTAATCACCATTCTGACTGGTGTGATGTGGAATCTCAGGATTGTTTTGATTTG	593725
Sbjct	34681	TGAGTTTTTAATCACCATTCTGACTGGTGTGATGTGGAATCTCAGGATTGTTTTGATTTG	34740
Query	593726	CATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTTCGGCA	593785
Sbjct	34741	CATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATTTCGGCA	34800
Query	593786	TTCTCTCAGCTGTGACTTCTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGC	593845
Sbjct	34801	TTCTCTCAGCTGTGACTTCTTTGTTTAGCTCTGTACCCCATTTTTAATAGGGTTATTTGGC	34860
Query	593846	TCTCTGGAGTCTAACTTCTTGAGTGCTTTGTATATTTTGATATTACCTCTCTATCTGTT	593905
Sbjct	34861	TCTCTGGAGTCTAACTTCTTGAGTGCTTTGTATATTTTGATATTACCTCTCTATCTGTT	34920
Query	593906	GTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTGTGCCAAATGACAGTT	593965
Sbjct	34921	GTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTGTGCCAAATGACAGTT	34980
Query	593966	GCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTTGTCCATTCTTGACCTT	594025
Sbjct	34981	GCCTTTGCCTTACAGAAGCTTTGCAGTTTTATGAGGTCCCATTTGTCCATTCTTGACCTT	35040
Query	594026	AGAGCATAATATAAGCCATCGGTGTTTTGTTCAGGAAAATTTTCCTAGTGCCCATGTGTT	594085
Sbjct	35041	AGAGCATAATATAAGCCATCGGTGTTTTGTTCAGGAAAATTTTCCTAGTGCCCATGTGTT	35100
Query	594086	CGAGATGCTTCCCCACTTTTTCTTCTACTAGTTTGAGTGTATCTGGTCTGTTTAGATGGT	594145
Sbjct	35101	CGAGATGCTTCCCCACTTTTTCTTCTACTAGTTTGAGTGTATCTGGTCTGTTTAGATGGT	35160
Query	594146	TTATCTGATCCTGTTCTAATTCTGGTCCCTGGTATCTATCTCAAAAATTATCCATTTTCT	594205
Sbjct	35161	TTATCTGATCCTGTTCTAATTCTGGTCCCTGGTATCTATCTCAAAAATTATCCATTTTCT	35220
Query	594206	CCAGAGTTTCCAGTTTTTTGAGAGTATAGGCTTTTGTAGTATGATCAGATAA <b>tttttttAA</b>	594265
Sbjct	35221	CCAGAGTTTCCAGTTTTTTGAGAGTATAGGCTTTTGTAGTATGATCAGATAATTTTTTTAA	35280
Query	594266	TTTCCTCTGTTGTTCTGCCTCCCTTTTCATTTCTGATTGTCTTAAATTGTGAAGCACCCA	594325
Sbjct	35281	TTTCCTCTGTTGTTCTGCCTCCCTTTTCATTTCTGATTGTCTTAAATTGTGAAGCACCCA	35340
Query	594326	CCTCGACTAGCAAGGAAGATGCAACACTGTTGGATTCTTCTCAACAGCCTTTATTGCAGG	594385
Sbjct	35341	CCTCGACTAGCAAGGAAGATGCAACACTGTTGGATTCTTCTCAACAGCCTTTATTGCAGG	35400
Query	594386	AACACCTCATTTCTGATTTGGGGGGCCCGGGGAACAAAGGCACTCGCCTTAAATAGGAA	594445
Sbjct	35401	AACACCTCATTTCTGATTTGGGGGGCCCGGGGAACAAAGGCACTCGCCTTAAATAGGAA	35460
Query	594446	ACAGACAGTGGCTGTAAACTTGTCTCTGGGGATTGGTGGAGTGAGAGATACCTTATTAA	594505
Sbjct	35461	ACAGACAGTGGCTGTAAACTTGTCTCTGGGGATTGGTGGAGTGAGAGATACCTTATTAA	35520

Query	594506	CATACTTATCACCCCTGGCCTTGTAATGCCAAAAGAAGGCCGAAGACACGGCTATAATGG	594565
Sbjct	35521	CATACTTATCACCCCTGGCCTTGTAATGCCAAAAGAAGGCCGAAGACACGGCTATAATGG	35580
Query	594566	TTGTAATACCACAAATGACCACTAGATGTCAGCGCCATCTTTAGCTGCTCCCAACAAATT	594625
Sbjct	35581	TTGTAATACCACAAATGACCACTAGATGTCAGCGCCATCTTTAGCTGCTCCCAACAAATT	35640
Query	594626	TGGGTATTGTCTCTGTGGTTAGTTTGGCTAAGGTTTTATCTATTTTGTGATTTTCTCAA	594685
Sbjct	35641	TGGGTATTGTCTCTGTGGTTAGTTTGGCTAAGGTTTTATCTATTTTGTGATTTTCTCAA	35700
Query	594686	AGAACAAGCTCCTGTTTTTTGCTGATTCTTTGTATAGTCCCTTTTGTTCATTGTTGGTTG	594745
Sbjct	35701	AGAACAAGCTCCTGTTTTTTGCTGATTCTTTGTATAGTCCCTTTTGTTCATTGTTGGTTG	35760
Query	594746	ATTTTCAGCCCTGAGTTTGATTATTTCTTGCCCTCTACTTCTCTTGGGTGTGtttattttt	594805
Sbjct	35761	ATTTTCAGCCCTGAGTTTGATTATTTCTTGCCCTCTACTTCTCTTGGGTGTGTTATTTTTT	35820
Query	594806	tgtttttacttttAGGTGTGCTATTACACTGCTATTGTGATGCCTGTTTCTTATTAGAGGT	594865
Sbjct	35821	TGTTTTACTTTTAGGTGTGCTATTACACTGCTATTGTGATGCCTGTTTCTTATTAGAGGT	35880
Query	594866	ATTACAATTCTTGTGTATGTTGTACTTTCATTTTCATTAAAATATAAAAAGTATCTAATT	594925
Sbjct	35881	ATTACAATTCTTGTGTATGTTGTACTTTCATTTTCATTAAAATATAAAAAGTATCTAATT	35940
Query	594926	TCTTTCCTTATTTCTTCCCTACCAAGTTATCATTGAGTAGAGAGTTGTTTCAGCTTTCGT	594985
Sbjct	35941	TCTTTCCTTATTTCTTCCCTACCAAGTTATCATTGAGTAGAGAGTTGTTTCAGCTTTCGT	36000
Query	594986	GTGGGCTTTTCTGTTGTTTTTCTTGTTATTGAAGACTAGTCTTAGTTCATGGCGATCTGAT	595045
Sbjct	36001	GTGGGCTTTTCTGTTGTTTTTCTTGTTATTGAAGACTAGTCTTAGTTCATGGCGATCTGAT	36060
Query	595046	AGAATACATGGGATTATTTTCAGTTTTCTTTTATCTGTTGAGACCTGTTTTATGACTGTTA	595105
Sbjct	36061	AGAATACATGGGATTATTTTCAGTTTTCTTTTATCTGTTGAGACCTGTTTTATGACTGTTA	36120
Query	595106	TATGGTCAATTTTGGGAGACGGTACCATGAAGTGCTGAGTAGAAGATATATTCTTTTGTTT	595165
Sbjct	36121	TATGGTCAATTTTGGGAGACGGTACCATGAAGTGCTGAGTAGAAGATATATTCTTTTGTTT	36180
Query	595166	TAGCATGAAATCTTCTATAGATGTCTGTTAAATCCATGTGATTCATAACTTCTGTAAGTT	595225
Sbjct	36181	TAGCATGAAATCTTCTATAGATGTCTGTTAAATCCATGTGATTCATAACTTCTGTAAGTT	36240
Query	595226	TCACTGTGTCTCCATTTAGTTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGTGGTGT	595285
Sbjct	36241	TCACTGTGTCTCCATTTAGTTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGTGGTGT	36300
Query	595286	TGAAATCTCCTACTACTATTATGTGTGTGCAATGTATGCTTTGAGCTTTAGTAAAGTTT	595345
Sbjct	36301	TGAAATCTCCTACTACTATTATGTGTGTGCAATGTATGCTTTGAGCTTTAGTAAAGTTT	36360
Query	595346	CTTTTTTGAATGTGGGTCCCTTTGAATTTGGGGCATGATATTCAAATTTGAGAGTTCATC	595405
Sbjct	36361	CTTTTTTGAATGTGGGTCCCTTTGAATTTGGGGCATGATATTCAAATTTGAGAGTTCATC	36420
Query	595406	TTGGTAGAatttttttttCTTTTGATGACTATAAAGTGTCTTCCCTCATCTTTTTTGATAA	595465
Sbjct	36421	TTGGTAGATTTTTTTTTCTTTTGATGACTATAAAGTGTCTTCCCTCATCTTTTTTGATAA	36480
Query	595466	CTTTTGGGTTCAAAGTAGATTTTATTTCGATATTACAATGGCTACTCCAGCTTGTTAAATGT	595525
Sbjct	36481	CTTTTGGGTTCAAAGTAGATTTTATTTCGATATTACAATGGCTACTCCAGCTTGTTAAATGT	36540
Query	595526	GACACTGTTTTTTAGCCATTTACTCTGAGGTTCTGTCTTTGTCACTGAGGTGTGTTTCCT	595585
Sbjct	36541	GACACTGTTTTTTAGCCATTTACTCTGAGGTTCTGTCTTTGTCACTGAGGTGTGTTTCCT	36600
Query	595586	GTATGCAGCAAAATGTTGGGTTCTCTTTATGTATCCAGTCTGTTAGTCTATGTCCTTTTA	595645
Sbjct	36601	GTATGCAGCAAAATGTTGGGTTCTCTTTATGTATCCAGTCTGTTAGTCTATGTCCTTTTA	36660
Query	595646	TTGGAGAATTGAGTTCATTGATGTTAAGAAATATCAGGGAAGTGAattgttggttcctg	595705
Sbjct	36661	TTGGAGAATTGAGTTCATTGATGTTAAGAAATATCAGGGAAGTGAATTGTTGTTTCCTG	36720
Query	595706	ttatttttgttgtagaggtgggattatgtttgtgtgtttctctttttttttAGTTTTCC	595765
Sbjct	36721	TTATTTTTGTGTGTAGAGGTGGGATTATGTTTGTGTGTTTCTCTTTTTTTTAGTTTTCC	36780
Query	595766	TGCAAGGAGATTACTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTGTTTCCCTCCTTGCTTTGAAGTT	595825
Sbjct	36781	TGCAAGGAGATTACTTTCTTGCTTTTTCTAGGGTGTGTTTCCCTCCTTGCTTTGAAGTT	36840
Query	595826	TTCCATATATTATCTTTTTGTAGGGCTGGAATTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTT	595885

Sbjct	36841	CATATATTATCTTTTGTAGGGCTGGAATTGTAGAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTT	36900
Query	595886	TGTCTTGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTAACTGAGAGTTTTGCTGGATACAGTA	595945
Sbjct	36901	TGTCTTGGAATATCTTGGTTTCTCCATCTATGTAACTGAGAGTTTTGCTGGATACAGTA	36960
Query	595946	ACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTACAACAGCTGCCCAGGATCTTTTGG	596005
Sbjct	36961	ACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTACAACAGCTGCCCAGGATCTTTTGG	37020
Query	596006	CTTTCATAGTCTCTTGTGAGAATTCTGGTGTAATTCTGATAGTCTGCCTTTGTATGTTA	596065
Sbjct	37021	CTTTCATAGTCTCTTGTGAGAATTCTGGTGTAATTCTGATAGTCTGCCTTTGTATGTTA	37080
Query	596066	CTTGACCTTTTTTCCATTACTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTGTTTTGTGCATTTGATGTTT	596125
Sbjct	37081	CTTGACCTTTTTTCCATTACTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTGTTTTGTGCATTTGATGTTT	37140
Query	596126	TGACTATTATGTGACGGGAGGAATTTCTTTGTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGG	596185
Sbjct	37141	TGACTATTATGTGACGGGAGGAATTTCTTTGTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGG	37200
Query	596186	CTTATTTTATGTTTATGGGCATCTCTTTCTTTAGGCTAGGTTCAATTTCCCTCTATAATTT	596245
Sbjct	37201	CTTATTTTATGTTTATGGGCATCTCTTTCTTTAGGCTAGGTTCAATTTCCCTCTATAATTT	37260
Query	596246	TGTTGAAGATATTTACTGGCCCTCTAAGCTGGGAATCTTCACCTCTCCTCTATGCCTATTA	596305
Sbjct	37261	TGTTGAAGATATTTACTGGCCCTCTAAGCTGGGAATCTTCACCTCTCCTCTATGCCTATTA	37320
Query	596306	TACTTAGTTTGGTCTTCTCATTGTGTCTTGGATTTCTGGATGGTTTGGGTTAGGAGTTT	596365
Sbjct	37321	TACTTAGTTTGGTCTTCTCATTGTGTCTTGGATTTCTGGATGGTTTGGGTTAGGAGTTT	37380
Query	596366	TTTCATTTTGCACTTTCTTTGTTGTGTTGATGTTTTCTATGGTATCTTCTGTCCTTGAGA	596425
Sbjct	37381	TTTCATTTTGCACTTTCTTTGTTGTGTTGATGTTTTCTATGGTATCTTCTGTCCTTGAGA	37440
Query	596426	GTTTCTCGTCTATCTCATGTATTCTGTTGGTGATGCTTACATCTCTGACTCCTGATCTCT	596485
Sbjct	37441	GTTTCTCGTCTATCTCATGTATTCTGTTGGTGATGCTTACATCTCTGACTCCTGATCTCT	37500
Query	596486	TCCCTAAGCTTTCTATCTCCAGGGTTGTGCTTTCTTTGTTTCTATTTCCATTTTATAGATT	596545
Sbjct	37501	TCCCTAAGCTTTCTATCTCCAGGGTTGTGCTTTCTTTGTTTCTATTTCCATTTTATAGATT	37560
Query	596546	CTTAATGGTTTTGTTCAAATTCCTTCACCTGTTTGATTGTGTTTTCCCTTTAAGGGATTTAT	596605
Sbjct	37561	CTTAATGGTTTTGTTCAAATTCCTTCACCTGTTTGATTGTGTTTTCCCTTTAAGGGATTTAT	37620
Query	596606	TTGTTTCCTATTTAAGGGCTTCTACCTGTTTACCTGTGTTGTCTGTTTTCTTTAAGGG	596665
Sbjct	37621	TTGTTTCCTATTTAAGGGCTTCTACCTGTTTACCTGTGTTGTCTGTTTTCTTTAAGGG	37680
Query	596666	AGTTATTTTATGTCCTACATAAAGTCCTCTATCAACATCATCACAAGATAGATTTAAATCA	596725
Sbjct	37681	AGTTATTTTATGTCCTACATAAAGTCCTCTATCAACATCATCACAAGATAGATTTAAATCA	37740
Query	596726	GAAACTTGCTTTTCTGGTGGTTTGTTCTGGATGGAGAACTGGGTTCTGATGTCATTTAGC	596785
Sbjct	37741	GAAACTTGCTTTTCTGGTGGTTTGTTCTGGATGGAGAACTGGGTTCTGATGTCATTTAGC	37800
Query	596786	TTTGGTTTTTGTGCTTAAGTTCTTGCCCTTGCCCTCTGCCATCTGGTTATCTGTGGTGT	596845
Sbjct	37801	TTTGGTTTTTGTGCTTAAGTTCTTGCCCTTGCCCTCTGCCATCTGGTTATCTGTGGTGT	37860
Query	596846	TAACTGTCTCTGACTGTGGTTTGTCCCTGTGAGCCTATGATCTTAGGTGTGTCAGCTCTT	596905
Sbjct	37861	TAACTGTCTCTGACTGTGGTTTGTCCCTGTGAGCCTATGATCTTAGGTGTGTCAGCTCTT	37920
Query	596906	CCTGTTTCAGATTTGGGTAAGGAGAACTGTAGCACAGGGTCAGCTCCAGGATGTATATGCA	596965
Sbjct	37921	CCTGTTTCAGATTTGGGTAAGGAGAACTGTAGCACAGGGTCAGCTCCAGGATGTATATGCA	37980
Query	596966	AACAGGAAGAATCCTGTCCCCGGCTGCTTTGTGGTTTCTGTGCATAAATTGACTCttttttt	597025
Sbjct	37981	AACAGGAAGAATCCTGTCCCCGGCTGCTTTGTGGTTTCTGTGCATAAATTGACTCTTTTTT	38040
Query	597026	tAGGATATTCTTTTTTAAGTATGAATTTTACTGAGATGGAACACAACTtttttccctcct	597085
Sbjct	38041	TAGGATATTCTTTTTTAAGTATGAATTTTACTGAGATGGAACACAACTTTTTCCCTCCT	38100
Query	597086	ttaatttttttttttcttttttccctggttctttttttcGGAGCTGGGGATCGAACCCAGGG	597145
Sbjct	38101	TTAATTTTTTTTTTCTTTTTTCTGGTTCTTTTTTTCGGAGCTGGGGATCGAACCCAGGG	38160
Query	597146	CCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAAcccccccTCCTTT	597205
Sbjct	38161	CCTTGCGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCAACCCCCCTCCTTT	38220

Query	597206	AATTTTTC AAGCTCTCCCAGGTATCCTCCCTTCAACTTTCTGACTGCCCTTCTCAAGTTG	597265
Sbjct	38221	AATTTTTC AAGCTCTCCCAGGTATCCTCCCTTCAACTTTCTGACTGCCCTTCTCAAGTTG	38280
Query	597266	ATAACCTCTTTTCTTTTATTTTGGTTTTTATACTTaaaaaaaaTTGAAC TTGCCTTTGA	597325
Sbjct	38281	ATAACCTCTTTTCTTTTATTTTGGTTTTTATACTTAAAAAAAAAATTGAAC TTGCCTTTGA	38340
Query	597326	GGGTACATGTAACAGTCAACTCTAGTTGCCTTGGATTTTCAATATAGATATATATTTTTTC	597385
Sbjct	38341	GGGTACATGTAACAGTCAACTCTAGTTGCCTTGGATTTTCAATATAGATATATATTTTTTC	38400
Query	597386	TTAAATTGTGCAATATTTCAGAAATTTTCATATATTTCAAGAGACTGGAGCTATTGCTGGAC	597445
Sbjct	38401	TTAAATTGTGCAATATTTCAGAAATTTTCATATATTTCAAGAGACTGGAGCTATTGCTGGAC	38460
Query	597446	ATTACAGGCAAAGTTAGTAATACACCTTGAAGCTAACCCTGTGTACTGAAACTGTTCA	597505
Sbjct	38461	ATTACAGGCAAAGTTAGTAATACACCTTGAAGCTAACCCTGTGTACTGAAACTGTTCA	38520
Query	597506	ACTTGCAATGTAATAACCAACTTTTCCTTGCTTTGGATTTTACATACAGTCAACTTTGGCA	597565
Sbjct	38521	ACTTGCAATGTAATAACCAACTTTTCCTTGCTTTGGATTTTACATACAGTCAACTTTGGCA	38580
Query	597566	ACCTAAACTAATAAATAGCCATAATATTAGATTATGGTCTCTACCATGCCTTACCTAGAG	597625
Sbjct	38581	ACCTAAACTAATAAATAGCCATAATATTAGATTATGGTCTCTACCATGCCTTACCTAGAG	38640
Query	597626	TAATGTTATTTTTGATAAAATAACAAGTGAGAAGTTGAAACAAAAC TCAACATTGGCC	597685
Sbjct	38641	TAATGTTATTTTTGATAAAATAACAAGTGAGAAGTTGAAACAAAAC TCAACATTGGCC	38700
Query	597686	ATATGGTTGAAAGCATTATATATATGCTGGGTGACAAACAATGAGATTATATATGTGGGTG	597745
Sbjct	38701	ATATGGTTGAAAGCATTATATATATGCTGGGTGACAAACAATGAGATTATATATGTGGGTG	38760
Query	597746	CCATTGGAGCCATTGACTTAGTCCATGAAAACCTTTGTTAGAAATGTCTGTAAAGCTGA	597805
Sbjct	38761	CCATTGGAGCCATTGACTTAGTCCATGAAAACCTTTGTTAGAAATGTCTGTAAAGCTGA	38820
Query	597806	AATCAACCAAGTAGAAACAAAAGGACTATACAAAGAATCAACAAAACCAAAGCTGGTT	597865
Sbjct	38821	AATCAACCAAGTAGAAACAAAAGGACTATACAAAGAATCAACAAAACCAAAGCTGGTT	38880
Query	597866	CTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAAACCTTAGCCACACTAACCAGAGGACAGAGAGT	597925
Sbjct	38881	CTTTGAGAAAATCAACAAGATAGATAAAACCTTAGCCACACTAACCAGAGGACAGAGAGT	38940
Query	597926	GTGTTCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGAATCAGAGAAAA	597985
Sbjct	38941	GTGTTCAAATTAACAAAATCAGAAATGAAAAGGGAGACATAACTACAGAATCAGAGAAAA	39000
Query	597986	TTCaAAAAaCCATCAGATCCTACTACAAACCAATACTATCCAAACTATTCCACAAAATT	598045
Sbjct	39001	TTCAAAAAAACCATCAGATCCTACTACAAACCAATACTATCCAAACTATTCCACAAAATT	39060
Query	598046	GAAACAGATGGAGCACTACTGAATTCCTTCTATGAAGCCACAATTGCTCTTATACCTAAA	598105
Sbjct	39061	GAAACAGATGGAGCACTACTGAATTCCTTCTATGAAGCCACAATTGCTCTTATACCTAAA	39120
Query	598106	CAACACAAAGACCCCAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTTATGAGTATTGAT	598165
Sbjct	39121	CAACACAAAGACCCCAACAAAGAAAGAGAACTTCAGACCAATTTCCCTTATGAGTATTGAT	39180
Query	598166	GCAAAAAATACTCAATAAACTTTTGGCAAAC TGAATCCAAGAGCACATCAAAACAATCATC	598225
Sbjct	39181	GCAAAAAATACTCAATAAACTTTTGGCAAAC TGAATCCAAGAGCACATCAAAACAATCATC	39240
Query	598226	CACCATGATCAAGTAGGTTTCAACCCAAGCATGCAGGGATGGTTTAAAATACGGAAAACC	598285
Sbjct	39241	CACCATGATCAAGTAGGTTTCAACCCAAGCATGCAGGGATGGTTTAAAATACGGAAAACC	39300
Query	598286	ATCATTATGAAGGGTGT CATATAAATAAACTGAAAGAACAAAACCACATGATCATTTCAT	598345
Sbjct	39301	ATCATTATGAAGGGTGT CATATAAATAAACTGAAAGAACAAAACCACATGATCATTTCAT	39360
Query	598346	TAGATGCTGAGAAAGCATTTGACAAAATTCAACACCCCTTCATGATAAAAGTCCTGGAAA	598405
Sbjct	39361	TAGATGCTGAGAAAGCATTTGACAAAATTCAACACCCCTTCATGATAAAAGTCCTGGAAA	39420
Query	598406	GAATAGGAACTCAAGGCCCATACCTAAACATAGTAAAAGCCATATACAACAAACCAGTTG	598465
Sbjct	39421	GAATAGGAACTCAAGGCCCATACCTAAACATAGTAAAAGCCATATACAACAAACCAGTTG	39480
Query	598466	CTAACATTAAACTAAATGGAGAGAAGCTTGAAGCAATCCCACTAAAATCAGGGACTAGAC	598525
Sbjct	39481	CTAACATTAAACTAAATGGAGAGAAGCTTGAAGCAATCCCACTAAAATCAGGGACTAGAC	39540
Query	598526	AAGGCTGCCCACTCTCTCCCTACTTATTC AATATAGTTCTTGAAGTTCTAGCCAGAGCAA	598585

Sbjct	39541	CTGCCACTCTCTCCCTACTTATTCAATATAGTTCTTGAAGTTCTAGCCAGAGCAA	39600
Query	598586	TTAGACAACAAAAGGAGGTCAAGAGGATACAGATCGGAAAAGAAGTCAAAATATCACTAG	598645
Sbjct	39601	TTAGACAACAAAAGGAGGTCAAGAGGATACAGATCGGAAAAGAAGTCAAAATATCACTAG	39660
Query	598646	TTGCAGATGATATGATGGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCCACCAGAGGACTACTAA	598705
Sbjct	39661	TTGCAGATGATATGATGGTATATTTAAGTGATCCCAAAAGTTCCACCAGAGGACTACTAA	39720
Query	598706	AGCTGATAAACAACTTCAGCAAATTGGCTGGGTATAAAATTAACTCAAATAAATCAGTAG	598765
Sbjct	39721	AGCTGATAAACAACTTCAGCAAATTGGCTGGGTATAAAATTAACTCAAATAAATCAGTAG	39780
Query	598766	CCTTCCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAACGACAACCTTCA	598825
Sbjct	39781	CCTTCCTCTACACAAAAGAGAAACAAGCCGAGAAAGAAATTAGGGAAACGACAACCTTCA	39840
Query	598826	TAATAGACCCAAATAATATAAAGTACCTCGGGGTGACTTTAACCAAGCAAGTAAAAGATC	598885
Sbjct	39841	TAATAGACCCAAATAATATAAAGTACCTCGGGGTGACTTTAACCAAGCAAGTAAAAGATC	39900
Query	598886	TGTATGATAAGAAGTTCAAGCCTCTCAAGAAAGAAATTGAAGAAGATCTCAGAAGATGGA	598945
Sbjct	39901	TGTATGATAAGAAGTTCAAGCCTCTCAAGAAAGAAATTGAAGAAGATCTCAGAAGATGGA	39960
Query	598946	AAGATCTCCCATGCTCATGGATTGGCAGGATTAATATAGTAAAAATGGCCATTTACACAA	599005
Sbjct	39961	AAGATCTCCCATGCTCATGGATTGGCAGGATTAATATAGTAAAAATGGCCATTTACACAA	40020
Query	599006	AAGCGATCTACAGATTCAATGCAATCCCATCAAAATACCAATCCAATTCTTCAAAGAGT	599065
Sbjct	40021	AAGCGATCTACAGATTCAATGCAATCCCATCAAAATACCAATCCAATTCTTCAAAGAGT	40080
Query	599066	TAGACAGAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCAGGATAGCTAAACTA	599125
Sbjct	40081	TAGACAGAACAATTTGCAAATTCATCTGGAATAACAAAAAACCAGGATAGCTAAACTA	40140
Query	599126	TCCTCAACTATAAAAGGACATCTGGGGGAATCACTATCCCTGAACTCAGGCAGTATTACA	599185
Sbjct	40141	TCCTCAACTATAAAAGGACATCTGGGGGAATCACTATCCCTGAACTCAGGCAGTATTACA	40200
Query	599186	GAGCAATAGTGATAAAAACTGCAAGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAGTGGA	599245
Sbjct	40201	GAGCAATAGTGATAAAAACTGCAAGGTATTGGTACAGAGACAGACAGATAGACCAGTGGA	40260
Query	599246	ATAGAATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGGCACTTGATTTTTGACAAAG	599305
Sbjct	40261	ATAGAATTGAAGACCCAGAAATGAACCCACACACCTATGGGCACTTGATTTTTGACAAAG	40320
Query	599306	GAGTCAAAACCATCCAATGAAAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAACT	599365
Sbjct	40321	GAGTCAAAACCATCCAATGAAAAAAGATAGCATTTTCAGCAAATGGTGCTGGTTCAACT	40380
Query	599366	GGAGGTCAGCATGTAGAAGAATGCAAATTGATCCATTCTTATCACCCCTGTACAAAGCTTA	599425
Sbjct	40381	GGAGGTCAGCATGTAGAAGAATGCAAATTGATCCATTCTTATCACCCCTGTACAAAGCTTA	40440
Query	599426	AGTCCAAGTGATCAAGGACCTCCACATCAAACCAGATACACTCAAACCTAATAGAAGAAA	599485
Sbjct	40441	AGTCCAAGTGATCAAGGACCTCCACATCAAACCAGATACACTCAAACCTAATAGAAGAAA	40500
Query	599486	AAGTGGGGAAGCATCTCGAACACATCGGCACTGGAGAAAATTTTCATGAACAAAACACCAA	599545
Sbjct	40501	AAGTGGGGAAGCATCTCGAACACATCGGCACTGGAGAAAATTTTCATGAACAAAACACCAA	40560
Query	599546	TGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAATGGGATCTCATAAAACGGCAAAGCTTCT	599605
Sbjct	40561	TGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCGACAAATGGGATCTCATAAAACGGCAAAGCTTCT	40620
Query	599606	GTAAGGTAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAAACGGCAACCAACAGATTGGGAAAGATCTT	599665
Sbjct	40621	GTAAGGTAAAGGACACTGTGGTTAGGACAAAACGGCAACCAACAGATTGGGAAAGATCTT	40680
Query	599666	CACCAATCCTACAACAGATAGAGGCCTTATATCCAAAATATACAAAGAACTCAAGAAGTT	599725
Sbjct	40681	CACCAATCCTACAACAGATAGAGGCCTTATATCCAAAATATACAAAGAACTCAAGAAGTT	40740
Query	599726	AGACCGCAGGGAGACAAATAACCCCTATTAAAAAATGGGGTTCAGAGCTAAACAAAGAATT	599785
Sbjct	40741	AGACCGCAGGGAGACAAATAACCCCTATTAAAAAATGGGGTTCAGAGCTAAACAAAGAATT	40800
Query	599786	CACAGCTGAGGAATGCGAAATGACTGAGAAACACCTAAAGAAATGTCCAACATCCTTAGT	599845
Sbjct	40801	CACAGCTGAGGAATGCGAAATGACTGAGAAACACCTAAAGAAATGTCCAACATCCTTAGT	40860
Query	599846	CATTAGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACCTCATACCAGTCAGAATGGT	599905
Sbjct	40861	CATTAGGGAAATGCAAATCAAAACAACCCTGAGATTCTACCTCATACCAGTCAGAATGGT	40920

Query	599906	GATTAAAAA	CTCAGGTGACAGCAGATGTTGTCTGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCT	599965
Sbjct	40921	GATTAAAAA	CTCAGGTGACAGCAGATGTTGTCTGAGGATGTGGAGAAAGAGGAACACTCCT	40980
Query	599966	CCATTGTTGGTGGGATTACAGAGTGGTACAACCATTCTGGAATCAGTCTGGAGGTTCCCT		600025
Sbjct	40981	CCATTGTTGGTGGGATTACAGAGTGGTACAACCATTCTGGAATCAGTCTGGAGGTTCCCT		41040
Query	600026	CAGAAAAATTGGGCATTGAACTACCTGAGGACCCAGCTATACTCTCTTGGGCATATACTC		600085
Sbjct	41041	CAGAAAAATTGGGCATTGAACTACCTGAGGACCCAGCTATACTCTCTTGGGCATATACTC		41100
Query	600086	AAAAGGTGCCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATT		600145
Sbjct	41101	AAAAGGTGCCCAACATATAACAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGCCTTATT		41160
Query	600146	TATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGATGGCCTTCAACAGAGGAATGGATCCAGAA		600205
Sbjct	41161	TATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCAGATGGCCTTCAACAGAGGAATGGATCCAGAA		41220
Query	600206	AAGGTGGTACATCTACACAATGGAATATTATTTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTATGAA		600265
Sbjct	41221	AAGGTGGTACATCTACACAATGGAATATTATTTCAGCTATCAAAAACAATGACTTTATGAA		41280
Query	600266	ATTCGTAGGCAAATGGTTGGAAGTGGAAAAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAATCACA		600325
Sbjct	41281	ATTCGTAGGCAAATGGTTGGAAGTGGAAAAATATCATCCTGAGTGAGGTAACCCAATCACA		41340
Query	600326	GAAAGACATACATGGTATGTACTCATTGATAAGTGACTATTAGCCCAAATGCTTGAATTA		600385
Sbjct	41341	GAAAGACATACATGGTATGTACTCATTGATAAGTGACTATTAGCCCAAATGCTTGAATTA		41400
Query	600386	CCCTAGATGCCTACAACACATGCAACTCAAGACGGATGATCAAAATGGGAATGCTTCACT		600445
Sbjct	41401	CCCTAGATGCCTACAACACATGCAACTCAAGACGGATGATCAAAATGGGAATGCTTCACT		41460
Query	600446	CCTTCTTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCTTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAA		600505
Sbjct	41461	CCTTCTTTTAAAAGGGGAACAAGAATACCTTTGGCAGGGAAGAGAGAGGCAAAGATTAAAA		41520
Query	600506	CAGACACAGAAGGAACACCCATTTCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGC		600565
Sbjct	41521	CAGACACAGAAGGAACACCCATTTCAGAGCCTGCCCCACATGTGGCCCATACATATACAGC		41580
Query	600566	CACCCAATTAAACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGGCCGACAGGAGTCGGATGTAG		600625
Sbjct	41581	CACCCAATTAAACAAGATGGATGAAGCAAAGAAGTGCAGGCCGACAGGAGTCGGATGTAG		41640
Query	600626	ATCTCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAATACAGAGGCGAATGCCAGCAGCAAA		600685
Sbjct	41641	ATCTCTCCTGAGAGACACAGCCAGAATACAGCAAATACAGAGGCGAATGCCAGCAGCAAA		41700
Query	600686	CCACTGAACTGAGAATGGGACCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAAGGACTGAAAGAGCTTG		600745
Sbjct	41701	CCACTGAACTGAGAATGGGACCCCCGTTGAAGGAATCAGAGAAAGGACTGAAAGAGCTTG		41760
Query	600746	AAGGGGCTCGAGACCCCAAAAGTACAACAATGCCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAA		600805
Sbjct	41761	AAGGGGCTCGAGACCCCAAAAGTACAACAATGCCAAGCAACCAGAGCTTCCAGGGACTAA		41820
Query	600806	GCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATG		600865
Sbjct	41821	GCCACTACCTAAAGACTATACATGGACTGACCCTGGACTCTGACCTCATAGGTAGCAATG		41880
Query	600866	AATATCCTAGTAAGAGCACCAAGTGAAGGGGAAGCCCTGGGTCTTGCTAAGACTGAACCC		600925
Sbjct	41881	AATATCCTAGTAAGAGCACCAAGTGAAGGGGAAGCCCTGGGTCTTGCTAAGACTGAACCC		41940
Query	600926	CCAGTGAACGTGATTGGTGGGGGGAGGACGGTAAT	ggggggagaatggcgagggggaacacc	600985
Sbjct	41941	CCAGTGAACGTGATTGGTGGGGGGAGGACGGTAATGGGGGAGAATGGCGAGGGGAACACC		42000
Query	600986	catatagaaggggaggggaaagggggttagggggga	TGTTGACCCAGAAACCGGGAAGGGGaa	601045
Sbjct	42001	CATATAGAAGGGGAGGGAAAGGGGTTAGGGGGATGTTGACCCAGAAACCGGGAAGGGGAA		42060
Query	601046	taagaatcaaaatctaataagaaataactcaatttaataaagattaaaaataaaataaaa		601105
Sbjct	42061	TAAGAATCAAAATCTAAATAAGAAATACTCAATTTAATAAAGATTAAAAATAAAATAAAA		42120
Query	601106	taggccttattacaaaaacttgcaagtaaataaaaaatattttatatcaaaaataaaaaaaa		601165
Sbjct	42121	TAGGCCTTATTACAAAAACTTGCAAGTAAATAAAAAATATTTTATATCAAAATAAAAAAAA		42180
Query	601166	gaaaagaaaa	TATCATTCTGAGTGACCCAGACTCAAAGGATAAAGTACAGGATGCCCAT	601225
Sbjct	42181	GAAAAGAAAATATCATTCTGAGTGACCCAGACTCAAAGGATAAAGTACAGGATGCCCAT		42240
Query	601226	GCTACACTCCACAGACCCAAAGTAGCTAAACAAAAGGAAGTTGCTAGAGAAACTGCTTGG		601285



Sbjct	42241	CACTCCACAGACCCAAAGTAGCTAAACAAAAGGAAGTTGCTAGAGAAACTGCTTGG	42300
Query	601286	GTCTCCTTTTAGAAGGGGGAATAAAATAGTCATAAGAGGTGCAGGGAGGGAGTGAAC	601345
Sbjct	42301	GTCTCCTTTTAGAAGGGGGAATAAAATAGTCATAAGAGGTGCAGGGAGGGAGTGAAC	42360
Query	601346	TGGGAGATGGGATGGGGAACGGAACAGCTTGGGGTAGGGGATAAGATGTAGGGAGGGCTG	601405
Sbjct	42361	TGGGAGATGGGATGGGGAACGGAACAGCTTGGGGTAGGGGATAAGATGTAGGGAGGGCTG	42420
Query	601406	GGGAGAATGAATGGAAACAATGAGGGATAAGCATCTCCAGGATGTTCCAGAGACCTGGGG	601465
Sbjct	42421	GGGAGAATGAATGGAAACAATGAGGGATAAGCATCTCCAGGATGTTCCAGAGACCTGGGG	42480
Query	601466	TTGGGGAGACTCCAGGGAGCCTATGCACATTACTCTGGCTGAGACCCCTAGCAATGTGGA	601525
Sbjct	42481	TTGGGGAGACTCCAGGGAGCCTATGCACATTACTCTGGCTGAGACCCCTAGCAATGTGGA	42540
Query	601526	ACATACAGGGCATATGGAACCTGAAGTGGACTCCCTCTGTAGCCAGGCTGGAGTCCCAGT	601585
Sbjct	42541	ACATACAGGGCATATGGAACCTGAAGTGGACTCCCTCTGTAGCCAGGCTGGAGTCCCAGT	42600
Query	601586	GAAGGGATAAGGACACTAACCCTACTCACAAAACCTCAGACCCAAACTTGGTCCTGCCTAT	601645
Sbjct	42601	GAAGGGATAAGGACACTAACCCTACTCACAAAACCTCAGACCCAAACTTGGTCCTGCCTAT	42660
Query	601646	AAGAAATGCAGGAACAAAGATGGTGGCCAACCAATAACAGGCCCAACTTGAGATCCATCC	601705
Sbjct	42661	AAGAAATGCAGGAACAAAGATGGTGGCCAACCAATAACAGGCCCAACTTGAGATCCATCC	42720
Query	601706	CATAGGCCGACATAGATCCCTGACACAATAAATAATATTCCATTATGCTTGAAGCCTCAC	601765
Sbjct	42721	CATAGGCCGACATAGATCCCTGACACAATAAATAATATTCCATTATGCTTGAAGCCTCAC	42780
Query	601766	ATAATTGTCTCTGAGAGGCTCCACACAGCAGGTGGCCAAAACAGATGCAGAGATGCACA	601825
Sbjct	42781	ATAATTGTCTCTGAGAGGCTCCACACAGCAGGTGGCCAAAACAGATGCAGAGATGCACA	42840
Query	601826	GCCAAACATTAGACAGAGCTCAGGGAGTCGCAGGAACGATTGAGGGACCCAAAGGGAAAA	601885
Sbjct	42841	GCCAAACATTAGACAGAGCTCAGGGAGTCGCAGGAACGATTGAGGGACCCAAAGGGAAAA	42900
Query	601886	GAGACACCACAAAAAGATCAACAGAGTCAGCTATACTGGGCACCTGGGCACTGCCAGAGA	601945
Sbjct	42901	GAGACACCACAAAAAGATCAACAGAGTCAGCTATACTGGGCACCTGGGCACTGCCAGAGA	42960
Query	601946	CTAAACCCCCAACCAAAGTGTTGGACATAGGCCTCTTACTCATATATAGCAGATGTATAG	602005
Sbjct	42961	CTAAACCCCCAACCAAAGTGTTGGACATAGGCCTCTTACTCATATATAGCAGATGTATAG	43020
Query	602006	CTTGATCTTCATGTGGGTCGTCTGGTGATCGTAGCAGGGCTCTCTCTGATTCTGTTGTGG	602065
Sbjct	43021	CTTGATCTTCATGTGGGTCGTCTGGTGATCGTAGCAGGGCTCTCTCTGATTCTGTTGTGG	43080
Query	602066	ACCTTTAGATCCTTTTCCAATAGCCGGGTTGCCTTGTTTGGCCTCAGTGGCAGAGGATGA	602125
Sbjct	43081	ACCTTTAGATCCTTTTCCAATAGCCGGGTTGCCTTGTTTGGCCTCAGTGGCAGAGGATGA	43140
Query	602126	ACTTAGTCCCCTGTGACTTGCTCTACCAGGGTAGATGGGTACCCATGGGTGGGGGTGGG	602185
Sbjct	43141	ACTTAGTCCCCTGTGACTTGCTCTACCAGGGTAGATGGGTACCCATGGGTGGGGGTGGG	43200
Query	602186	GCTCCCTCTTCTGAGTACAAAAGGAGGAGGGGGTATAAGGGTGGGTCTGGAAGGAGAGG	602245
Sbjct	43201	GCTCCCTCTTCTGAGTACAAAAGGAGGAGGGGGTATAAGGGTGGGTCTGGAAGGAGAGG	43260
Query	602246	AAGATGAGGACTGCAATCAGGCTGTAAAGTGAATAATAAATTAATCGAGAGGTCTGGCTC	602305
Sbjct	43261	AAGATGAGGACTGCAATCAGGCTGTAAAGTGAATAATAAATTAATCGAGAGGTCTGGCTC	43320
Query	602306	CCGCTCTCACAGCCATTGCAGTACATCGAGCTCCATAGAGACAGCGCCGGGGCAAGCGAG	602365
Sbjct	43321	CCGCTCTCACAGCCATTGCAGTACATCGAGCTCCATAGAGACAGCGCCGGGGCAAGCGAG	43380
Query	602366	AGCCGGACGGGCACTGGGCGACTCTGTGCCTCGCGGAGGAAAATCAACTAAACATGGGCA	602425
Sbjct	43381	AGCCGGACGGGCACTGGGCGACTCTGTGCCTCGCGGAGGAAAATCAACTAAACATGGGCA	43440
Query	602426	AAGGAGATCCTAAGAAGCCGAGAGGCAAAATGTCCTCATATGCATTCTTTGTGCAAACCT	602485
Sbjct	43441	AAGGAGATCCTAAGAAGCCGAGAGGCAAAATGTCCTCATATGCATTCTTTGTGCAAACCT	43500
Query	602486	GCCGGGAGGAGCACAGAAGAAGCACCCGGATGCTTCTGTCAACTTCTCAGAGTTCTCCA	602545
Sbjct	43501	GCCGGGAGGAGCACAGAAGAAGCACCCGGATGCTTCTGTCAACTTCTCAGAGTTCTCCA	43560
Query	602546	AGAAGTGCTCAGAGAGGTGGAAGACCATGTCTGCTAAAGAAAAGGGGAAATTTGAAGATA	602605
Sbjct	43561	AGAAGTGCTCAGAGAGGTGGAAGACCATGTCTGCTAAAGAAAAGGGGAAATTTGAAGATA	43620

Query	602606	TGGCAAAGGCTGACAAGGCTCGCTATGAAAGAGAAATGAAAACCTACAccccccACCAA	602665
Sbjct	43621	TGGCAAAGGCTGACAAGGCTCGCTATGAAAGAGAAATGAAAACCTACACCCCCCACC	43680
Query	602666	AGGGGAGACCAAAAAGAGTTCAAGGACCCCAATGCCCCAAGAGGCCTCCTTCGGTCTTC	602725
Sbjct	43681	AGGGGAGACCAAAAAGAGTTCAAGGACCCCAATGCCCCAAGAGGCCTCCTTCGGTCTTC	43740
Query	602726	TTCTTGTTCTGTTCTGAGTACCGCCCAAAAATCAAAGGCGAGCATCCTGGCTTATCCATT	602785
Sbjct	43741	TTCTTGTTCTGTTCTGAGTACCGCCCAAAAATCAAAGGCGAGCATCCTGGCTTATCCATT	43800
Query	602786	GGCGATGTTGCGAAGAACTAGGAGAGATGTGGAACAACACTGCCGCGGACGACAAGCAG	602845
Sbjct	43801	GGCGATGTTGCGAAGAACTAGGAGAGATGTGGAACAACACTGCCGCGGACGACAAGCAG	43860
Query	602846	TCCTATGAAAAGAAGGCCGCCAAGCTGAAGGAGAAGTATGAGAAGGATATCGCTGCCTAC	602905
Sbjct	43861	TCCTATGAAAAGAAGGCCGCCAAGCTGAAGGAGAAGTATGAGAAGGATATCGCTGCCTAC	43920
Query	602906	AGAGCTAAAGGAAAACCTGATGCAGCGAAAAAGGGGGTGGTCaaggctgagaagagcaag	602965
Sbjct	43921	AGAGCTAAAGGAAAACCTGATGCAGCGAAAAAGGGGGTGGTCAAGGCTGAGAAGAGCAAG	43980
Query	602966	aaaaagaaggaagaggaagaccacgaggaggatgaagaggatgaggaagaggaggaagaa	603025
Sbjct	43981	AAAAAGAAGGAAGAGGAAGACCACGAGGAGGATGAAGAGGATGAGGAAGAGGAGGAAGAA	44040
Query	603026	gaggaagacgaagatgaagaggaagacgatgatgatgaaTAACTTGGTTCTAGCGCAGtt	603085
Sbjct	44041	GAGGAAGACGAAGATGAAGAGGAAGACGATGATGATGAATAACTTGGTTCTAGCGCAGTT	44100
Query	603086	tttttttCCTATCTATAAAGCATTTAACCCCCCTGTACACAACCTCACTCCTTTTAAAGaa	603145
Sbjct	44101	TTTTTTTCTTATCTATAAAGCATTTAACCCCCCTGTACACAACCTCACTCCTTTTAAAGAA	44160
Query	603146	aaaaaaTTGAAATGTAAGGCTGTGTAAGATTTGTTTTTAAACTGTACAGCTTcttttttt	603205
Sbjct	44161	AAAAAATTGAAATGTAAGGCTGTGTAAGATTTGTTTTTAAACTGTACAGCTTCTTTTTTT	44220
Query	603206	GTATAGTTAACACATTACCGAATGTGTCTTTAGCTAGCCCTGTCCTGGTGGTATTTTCAA	603265
Sbjct	44221	GTATAGTTAACACATTACCGAATGTGTCTTTAGCTAGCCCTGTCCTGGTGGTATTTTCAA	44280
Query	603266	TAGCCACTAACCTTGCCTGGTACAGTCTGGGGGTGTAAATTGGCATGGAAATTAAAGCA	603325
Sbjct	44281	TAGCCACTAACCTTGCCTGGTACAGTCTGGGGGTGTAAATTGGCATGGAAATTAAAGCA	44340
Query	603326	GGTTCTTGTTGGTGCACAGCACAAATTAGTTATATATGGAGACAGTAGtttggttttttgg	603385
Sbjct	44341	GGTTCTTGTTGGTGCACAGCACAAATTAGTTATATATGGAGACAGTAGTTTGGTTTTTGG	44400
Query	603386	tttctttcttttttttttggttttttggtttttggtttttggtttttcttttgggtt	603445
Sbjct	44401	TTTCTTTCTTTTTTTTTTGGTTTTTGTTTTTGTTTTTGTTTTTGTTTTTCTTTTGGTT	44460
Query	603446	ttcttttttttttCCATCTTCAGTTGTCTCTGATGCAGCTTATACGAAGATAATTGTTAT	603505
Sbjct	44461	TTCTTTTTTTTTTCCATCTTCAGTTGTCTCTGATGCAGCTTATACGAAGATAATTGTTAT	44520
Query	603506	TCTGTAACTGAATACCACTCTGTAATTGCAaaaaaaTGGCAGCTGTTTTGTTGACATTC	603565
Sbjct	44521	TCTGTAACTGAATACCACTCTGTAATTGCAAAAAAATGGCAGCTGTTTTGTTGACATTC	44580
Query	603566	TGAATGCTTCTAAGtaaatacattttttattaaaaataaataaattaattaatcgagaa	603625
Sbjct	44581	TGAATGCTTCTAAGTAAATACATTTTTTATTAAAAAATAAATAAATTAATTAATCGAGAA	44640
Query	603626	aaaaatCATAGACACATGACACAATTACATGACATTAGGGACACCCAGTTTGAAAGAAT	603685
Sbjct	44641	AAAAATCATAGACACATGACACAATTACATGACATTAGGGACACCCAGTTTGAAAGAAT	44700
Query	603686	ACCCTTCTttaataaaatctttttaaaaaatagaaattttctaatttttttGAAAAGATGT	603745
Sbjct	44701	ACCCTTCTTTAATAAATCTTTTTAAAAAATAGAAATTTTCTAATTTTTTTGAAAAGATGT	44760
Query	603746	CAGAACGGCTTAGTAACAATAAAGTCTCAGAACGTTGTCCTGTAGAGTTTAGGTTCT	603805
Sbjct	44761	CAGAACGGCTTAGTAACAATAAAGTCTCAGAACGTTGTCCTGTAGAGTTTAGGTTCT	44820
Query	603806	TGTAATGCCAAAAATTAACCCATAAGTCTCACTTGCCAGGAACTGGTTTTCTTCCTGGA	603865
Sbjct	44821	TGTAATGCCAAAAATTAACCCATAAGTCTCACTTGCCAGGAACTGGTTTTCTTCCTGGA	44880
Query	603866	ATGCTGGGCACTGTAGTTCTTGAGTAATAACAAGTCACCTGGGAAAGTGCAATGGTCTGC	603925
Sbjct	44881	ATGCTGGGCACTGTAGTTCTTGAGTAATAACAAGTCACCTGGGAAAGTGCAATGGTCTGC	44940
Query	603926	ATGGTTGTCCTTATGAACCTCTGCAACACATGGCCCCAGGCCATTCTCAGCTTCAAAATT	603985

Sbjct	44941	TTGTCCTTATGAACCTCTGCAACACATGGCCCCAGGCCATTCTCAGCTTCAAAATT	45000
Query	603986	CTGGAGAGTAGTCCTTATCAAAATCCACGTCTTGGTCAGTATTCATACTAAATAAAGCC	604045
Sbjct	45001	CTGGAGAGTAGTCCTTATCAAAATCCACGTCTTGGTCAGTATTCATACTAAATAAAGCC	45060
Query	604046	TGGTCTAGAGATCTCTCAGAGAGTGGGCAGCATATACCAGCTAATATGAGGCCCTAGCAC	604105
Sbjct	45061	TGGTCTAGAGATCTCTCAGAGAGTGGGCAGCATATACCAGCTAATATGAGGCCCTAGCAC	45120
Query	604106	ATATACAGTGGAGGACTGCTTGGTCTGGCTTCAACGAGAGAAGATTCACCTGACCCTCAA	604165
Sbjct	45121	ATATACAGTGGAGGACTGCTTGGTCTGGCTTCAACGAGAGAAGATTCACCTGACCCTCAA	45180
Query	604166	GACACTTGGGGACCCAGTGAGTGGGGAGGCCTGCTGGGGTGTAGGTGGGAGGGTGGGAAC	604225
Sbjct	45181	GACACTTGGGGACCCAGTGAGTGGGGAGGCCTGCTGGGGTGTAGGTGGGAGGGTGGGAAC	45240
Query	604226	ATCCTCTTGGAGGAGGGAGAGAAGAGATATGGGATAGGGATCAGTCAGGGGTGAGACAAA	604285
Sbjct	45241	ATCCTCTTGGAGGAGGGAGAGAAGAGATATGGGATAGGGATCAGTCAGGGGTGAGACAAA	45300
Query	604286	GAGGGGGTTGAAGTCTGGACTataaaaaaggattacaggataaaaaataagtaaagtata	604345
Sbjct	45301	GAGGGGGTTGAAGTCTGGACTATAAAAAAGGATTACAGGATAAAAAATAAGTAAATGTATA	45360
Query	604346	aacaaacaaacaaacaaacaagcaaacaaaGCCCCGTTTAAATTGCCCCAAATGGTGGA	604405
Sbjct	45361	AACAAACAAACAAACAAACAAGCAAACAAAGCCCCGTTTAAATTGCCCCAAATGGTGGA	45420
Query	604406	GTTGGTTTTTCTCAGGCAAATCTCAGCCATAACATATGAAGTCCTGCAGTAAGATGATTA	604465
Sbjct	45421	GTTGGTTTTTCTCAGGCAAATCTCAGCCATAACATATGAAGTCCTGCAGTAAGATGATTA	45480
Query	604466	CATTTAAATTCATGCTTCATCCTGGGATAGCAGAGAAGTGAGCTATCAAGGGCCATGCA	604525
Sbjct	45481	CATTTAAATTCATGCTTCATCCTGGGATAGCAGAGAAGTGAGCTATCAAGGGCCATGCA	45540
Query	604526	CACATTGGGATGGTTGACCTAACCGTCCGAAGGTCAAGTTGACCCTGGACAATGCTTTTC	604585
Sbjct	45541	CACATTGGGATGGTTGACCTAACCGTCCGAAGGTCAAGTTGACCCTGGACAATGCTTTTC	45600
Query	604586	AGTTTTCTTTTAGATTCTGGAAGTGAAGGGCAACACTTGGACAAAACAGCAAGCTTTTTTA	604645
Sbjct	45601	AGTTTTCTTTTAGATTCTGGAAGTGAAGGGCAACACTTGGACAAAACAGCAAGCTTTTTTA	45660
Query	604646	TTCTGTTAGCTTCTGTTGGTTTTTGGATACTGGCTATGAGGTACCCCCAGGAAACCAGC	604705
Sbjct	45661	TTCTGTTAGCTTCTGTTGGTTTTTGGATACTGGCTATGAGGTACCCCCAGGAAACCAGC	45720
Query	604706	TCCAGCTGCAAGGGTTAGGTCCTCAGATGTGGAAGGAGCGTCATCGAGAGTGAGGACAC	604765
Sbjct	45721	TCCAGCTGCAAGGGTTAGGTCCTCAGATGTGGAAGGAGCGTCATCGAGAGTGAGGACAC	45780
Query	604766	TGACCACCTCTTGACCTTCAAGGAAATGACCCCCACACAAATGCCTCAAGCCATCTTTAT	604825
Sbjct	45781	TGACCACCTCTTGACCTTCAAGGAAATGACCCCCACACAAATGCCTCAAGCCATCTTTAT	45840
Query	604826	ACAATCACAATCCTGTTACCTGACAGTGACATCACTGGTTGTTTTATTAAAGAAATGA	604885
Sbjct	45841	ACAATCACAATCCTGTTACCTGACAGTGACATCACTGGTTGTTTTATTAAAGAAATGA	45900
Query	604886	TAACATCAGCACTATCAAGGCTTCATCACTACAAAAGCTCCCAATGATTTCTTTCTCTCC	604945
Sbjct	45901	TAACATCAGCACTATCAAGGCTTCATCACTACAAAAGCTCCCAATGATTTCTTTCTCTCC	45960
Query	604946	TTCCCCCTCCCTCTAGGTCAGTCACCTCCTAGCTTTATTTTGTACTACAAAGCACAAATT	605005
Sbjct	45961	TTCCCCCTCCCTCTAGGTCAGTCACCTCCTAGCTTTATTTTGTACTACAAAGCACAAATT	46020
Query	605006	CAGCAAGCTGAAATTAATGTCTAGTCACACATGTCTAGAGACATGAGCACATATACCT	605065
Sbjct	46021	CAGCAAGCTGAAATTAATGTCTAGTCACACATGTCTAGAGACATGAGCACATATACCT	46080
Query	605066	GATGGGGGAGGAGCTGATACTAAAATTTGGCTTCCTAACTGTTTCTTGATTATCTTAATT	605125
Sbjct	46081	GATGGGGGAGGAGCTGATACTAAAATTTGGCTTCCTAACTGTTTCTTGATTATCTTAATT	46140
Query	605126	AACACAGCAGAAGGAAATCATTTGGGCAATGGAGGAAAAGCGGGGTTTCCGAGTCCCAGG	605185
Sbjct	46141	AACACAGCAGAAGGAAATCATTTGGGCAATGGAGGAAAAGCGGGGTTTCCGAGTCCCAGG	46200
Query	605186	AGGAAGAGAAGGGAAGCAGAGAGGATTGGAGATTTGGACCAGGCTGTGGAGCAGATAGAA	605245
Sbjct	46201	AGGAAGAGAAGGGAAGCAGAGAGGATTGGAGATTTGGACCAGGCTGTGGAGCAGATAGAA	46260
Query	605246	AGTGTGAGATGTCTAGGTCTCTCAGGGAACCTATAGTATATAGCCTCCACCACCAGCAGA	605305
Sbjct	46261	AGTGTGAGATGTCTAGGTCTCTCAGGGAACCTATAGTATATAGCCTCCACCACCAGCAGA	46320

Query	605306	GAGGCCAAGGAGGATGAAAAAGGCTACTATTAAGATTAGGAAAGGAGAACCTGAAGAACG	605365
Sbjct	46321	GAGGCCAAGGAGGATGAAAAAGGCTACTATTAAGATTAGGAAAGGAGAACCTGAAGAACG	46380
Query	605366	GAACTCAAGTGAGCTGCAGCCCACAGAGAAGTAACCGAGATGAAGACAACCTCCGAGTTTG	605425
Sbjct	46381	GAACTCAAGTGAGCTGCAGCCCACAGAGAAGTAACCGAGATGAAGACAACCTCCGAGTTTG	46440
Query	605426	TCCTAGTGCAATAGAAACTCTGGGTTTACCTATGAGCAGTTCCAGGAGCTAAAAGACCAC	605485
Sbjct	46441	TCCTAGTGCAATAGAAACTCTGGGTTTACCTATGAGCAGTTCCAGGAGCTAAAAGACCAC	46500
Query	605486	TTCAAGAAAGACCACCTCCCCAAGGCAGAGACTCTGGAGGCCTTGGCTAATGCACTCAA	605545
Sbjct	46501	TTCAAGAAAGACCACCTCCCCAAGGCAGAGACTCTGGAGGCCTTGGCTAATGCACTCAA	46560
Query	605546	CTGACAAAGGGAGACATTAGGATTTGGTTCTTCCAGAAGAGGCATGAGATGATGCTCTAG	605605
Sbjct	46561	CTGACAAAGGGAGACATTAGGATTTGGTTCTTCCAGAAGAGGCATGAGATGATGCTCTAG	46620
Query	605606	CAGTTGTCTAAGGACCACACATTGAAGCTGAAGTCTATGTACAAGTCAAGGAACCCCAAG	605665
Sbjct	46621	CAGTTGTCTAAGGACCACACATTGAAGCTGAAGTCTATGTACAAGTCAAGGAACCCCAAG	46680
Query	605666	GGTTGGGGTGAAGAAGTATGTGTCAAATTCCTACAAAAGAATAAGTTTAAACAAACCTCT	605725
Sbjct	46681	GGTTGGGGTGAAGAAGTATGTGTCAAATTCCTACAAAAGAATAAGTTTAAACAAACCTCT	46740
Query	605726	TGTACAAGAATTGGGAAATATACAGTTACCAATCAACACTACGAGGGACCACCAGACAGG	605785
Sbjct	46741	TGTACAAGAATTGGGAAATATACAGTTACCAATCAACACTACGAGGGACCACCAGACAGG	46800
Query	605786	CAGAACCCCAAGAGTCCCTCTCAAAATGACCTTGACTTCCCGAAGCTCTGGAAGCCTTG	605845
Sbjct	46801	CAGAACCCCAAGAGTCCCTCTCAAAATGACCTTGACTTCCCGAAGCTCTGGAAGCCTTG	46860
Query	605846	AAAAGTCTCACACTGCCCTCTGGGTATCAAAGCAGAAATGGCATGTCATGGGATTCTCTGA	605905
Sbjct	46861	AAAAGTCTCACACTGCCCTCTGGGTATCAAAGCAGAAATGGCATGTCATGGGATTCTCTGA	46920
Query	605906	CTCCCTGGCTTCGGCTCTATTCTTAATGtttttttCAACTTCCTTGTTGGAAGGGGATT	605965
Sbjct	46921	CTCCCTGGCTTCGGCTCTATTCTTAATGTTTTTTTCAACTTCCTTGTTGGAAGGGGATT	46980
Query	605966	GTTGGGATTTATGTCTATAGAAAGTACATTAATAATTAAGCTTGCATTCTTAGAAACTaa	606025
Sbjct	46981	GTTGGGATTTATGTCTATAGAAAGTACATTAATAATTAAGCTTGCATTCTTAGAAACTAA	47040
Query	606026	aaaaaaaaaGGAAAAGAAATTCCTTGCCAGCCATTGAATTATGTGGTCAGTTTTTAAAT	606085
Sbjct	47041	AAAAAAAAAGGAAAAGAAATTCCTTGCCAGCCATTGAATTATGTGGTCAGTTTTTAAAT	47100
Query	606086	AATACAAGTCTCGGGTTGGGGATTTAACTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGCAAGCGGAA	606145
Sbjct	47101	AATACAAGTCTCGGGTTGGGGATTTAACTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGCAAGCGGAA	47160
Query	606146	GGCCCTGGGTTCCGTCCCCAACTCCGaaaaaaaagaaaaaagaaaaaaaTAATACAGGTC	606205
Sbjct	47161	GGCCCTGGGTTCCGTCCCCAACTCCGAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAATAATACAGGTC	47220
Query	606206	TCTAGTGTTTACCTTCCTCAGGGCTAAAGGTGACACAAGAAGAGAGTGTGCAGCCAGGGT	606265
Sbjct	47221	TCTAGTGTTTACCTTCCTCAGGGCTAAAGGTGACACAAGAAGAGAGTGTGCAGCCAGGGT	47280
Query	606266	GGTTAGCCAATAGCTCACAAACAGCAGCTCCAGCAATGTTGAGAAAGGTGGTTGTTGGC	606325
Sbjct	47281	GGTTAGCCAATAGCTCACAAACAGCAGCTCCAGCAATGTTGAGAAAGGTGGTTGTTGGC	47340
Query	606326	AGCTTGGCATAGCCAGCCTGAGGAACTGGGATAGCTGGTGACTGGCAGGGCTGAGTGAGA	606385
Sbjct	47341	AGCTTGGCATAGCCAGCCTGAGGAACTGGGATAGCTGGTGACTGGCAGGGCTGAGTGAGA	47400
Query	606386	TGGCAGAGGCCTGGTGTGCGCTGTTCTCGGAGCATAGCTGGAAGCTCAGGGAGAGCTCCC	606445
Sbjct	47401	TGGCAGAGGCCTGGTGTGCGCTGTTCTCGGAGCATAGCTGGAAGCTCAGGGAGAGCTCCC	47460
Query	606446	AAGGAAGCCCGTTTTACCCACCTGGTAGGGAGCACGGTAAAACAGTTATGTAAGACAAGA	606505
Sbjct	47461	AAGGAAGCCCGTTTTACCCACCTGGTAGGGAGCACGGTAAAACAGTTATGTAAGACAAGA	47520
Query	606506	GACAGATTAAACATGTGTGGGTATAAATCCAGCCATCAGTTAGCACCCCTTCAGTCCTAAC	606565
Sbjct	47521	GACAGATTAAACATGTGTGGGTATAAATCCAGCCATCAGTTAGCACCCCTTCAGTCCTAAC	47580
Query	606566	ACTTTTTAAATTGCAGACAGAGACTTGTTTCATTTCCAAGAACCATTTTTAAATCTCTATTG	606625
Sbjct	47581	ACTTTTTAAATTGCAGACAGAGACTTGTTTCATTTCCAAGAACCATTTTTAAATCTCTATTG	47640
Query	606626	ACCAGACATAGCTTCCCTATTTTCTAAGTCTCTGTTGAGTAGACATGGCTTCACAATTTT	606685

Sbjct	47641	GAGCATAGCTTCCCTATTTTCTAAGTCTCTGTTGAGTAGACATGGCTTCACAATTTT	47700
Query	606686	TACTGTCTGTTGATCAGACACAGCTTCCCTCAGAACCGTTATGCCAGCAGGACCCATTACT	606745
Sbjct	47701	TACTGTCTGTTGATCAGACACAGCTTCCCTCAGAACCGTTATGCCAGCAGGACCCATTACT	47760
Query	606746	CTCCACAACCTGGCACAGGCATAGTCAGTGTGATTGTAGCTGCTTCTCTAGGGACATGATT	606805
Sbjct	47761	CTCCACAACCTGGCACAGGCATAGTCAGTGTGATTGTAGCTGCTTCTCTAGGGACATGATT	47820
Query	606806	ACAAAATACCCAGGATTAATGGTCACATCTGGAGGTTTAATAAAGGTAGGGCGAGGAGAG	606865
Sbjct	47821	ACAAAATACCCAGGATTAATGGTCACATCTGGAGGTTTAATAAAGGTAGGGCGAGGAGAG	47880
Query	606866	CAGGGTTTTTGCCCTCGAAAAAATATTGAGAAAAACTTGGAATTATCAATAGGGCTTTTCA	606925
Sbjct	47881	CAGGGTTTTTGCCCTCGAAAAAATATTGAGAAAAACTTGGAATTATCAATAGGGCTTTTCA	47940
Query	606926	GCCTGTATGATCCCAGCCTTGCATGTGACCAACAAAGTAAAACTAAATATTGCTATGTGT	606985
Sbjct	47941	GCCTGTATGATCCCAGCCTTGCATGTGACCAACAAAGTAAAACTAAATATTGCTATGTGT	48000
Query	606986	ATAGAGCATGACAAAAGCAAGGAGAGCTTGTGGCACACAAAATCTAGGTAATAAACATAC	607045
Sbjct	48001	ATAGAGCATGACAAAAGCAAGGAGAGCTTGTGGCACACAAAATCTAGGTAATAAACATAC	48060
Query	607046	AGCCAACCTAATTTACTAGGTGCTCGCCAGGCAAGAAATACTTTCCTTGCCCTTGCCAGA	607105
Sbjct	48061	AGCCAACCTAATTTACTAGGTGCTCGCCAGGCAAGAAATACTTTCCTTGCCCTTGCCAGA	48120
Query	607106	GTAGAATCCAAAGAGTCTCCAGGGGACTTGCAACTGCCACTTTCCTTCAGTGAAGCACTT	607165
Sbjct	48121	GTAGAATCCAAAGAGTCTCCAGGGGACTTGCAACTGCCACTTTCCTTCAGTGAAGCACTT	48180
Query	607166	ATTTGCTGTTCCCTGCAGGTGCTGCATGACTACCAGCAGGTACCCCATGTGATGAATGGG	607225
Sbjct	48181	ATTTGCTGTTCCCTGCAGGTGCTGCATGACTACCAGCAGGTACCCCATGTGATGAATGGG	48240
Query	607226	AGAACCTGTCAGGGTTTGTACAACCTTTGGGCACAGGGAGGCATCTCACAGCCCATGGGG	607285
Sbjct	48241	AGAACCTGTCAGGGTTTGTACAACCTTTGGGCACAGGGAGGCATCTCACAGCCCATGGGG	48300
Query	607286	GTATTTCTGGTTATTTCTATTTTCAGGTAAACATGTTTGGAGTCCTGTGAACCCATTTTT	607345
Sbjct	48301	GTATTTCTGGTTATTTCTATTTTCAGGTAAACATGTTTGGAGTCCTGTGAACCCATTTTT	48360
Query	607346	TGTGCTCTAGGATAGGTCAGCAGAATTCCAAAGCCCAGAAACCACTGCAGGCATTCCATG	607405
Sbjct	48361	TGTGCTCTAGGATAGGTCAGCAGAATTCCAAAGCCCAGAAACCACTGCAGGCATTCCATG	48420
Query	607406	AATTTGGGAGGTAAAGCAGAGGCTTCGAATAGGCCAGCAGGGACTTGGGGAGCTGGGAAA	607465
Sbjct	48421	AATTTGGGAGGTAAAGCAGAGGCTTCGAATAGGCCAGCAGGGACTTGGGGAGCTGGGAAA	48480
Query	607466	GACTCAGCATAGCCCAACCTTTGATGGGTTCTTAGCATCTGGGTTGTAGAAGAAGGAATT	607525
Sbjct	48481	GACTCAGCATAGCCCAACCTTTGATGGGTTCTTAGCATCTGGGTTGTAGAAGAAGGAATT	48540
Query	607526	GCTAAATGATGTTGCTTTGTTTTGATTTTGCATCTTGTCTTGTGTCCATTTTGTGGCT	607585
Sbjct	48541	GCTAAATGATGTTGCTTTGTTTTGATTTTGCATCTTGTCTTGTGTCCATTTTGTGGCT	48600
Query	607586	CTGTATCATACTGTACACCCTTGGCACTGCCTGACAGATGCTGCCAACCTTCTACTTGT	607645
Sbjct	48601	CTGTATCATACTGTACACCCTTGGCACTGCCTGACAGATGCTGCCAACCTTCTACTTGT	48660
Query	607646	GCTGAGCTGGCAGTGAGACTCTCCCAACCCCAATGTGTGGATGACTTCTGTGTGTGTGAG	607705
Sbjct	48661	GCTGAGCTGGCAGTGAGACTCTCCCAACCCCAATGTGTGGATGACTTCTGTGTGTGTGAG	48720
Query	607706	TTTTGCTGTTTGTTTTATATGTATAAATGTATATAGCCCCTGCATGCTTATTTCTGACTG	607765
Sbjct	48721	TTTTGCTGTTTGTTTTATATGTATAAATGTATATAGCCCCTGCATGCTTATTTCTGACTG	48780
Query	607766	ATGTTGAACACATGAATAAATGCTGTTTATTTCTCCTGCCACTACTGGCTTAGGCTCAGA	607825
Sbjct	48781	ATGTTGAACACATGAATAAATGCTGTTTATTTCTCCTGCCACTACTGGCTTAGGCTCAGA	48840
Query	607826	ATTACCTGTGGACTTTTCTGGCCACTGGATCTAATGCAATAGGGATTACATGTTACTTG	607885
Sbjct	48841	ATTACCTGTGGACTTTTCTGGCCACTGGATCTAATGCAATAGGGATTACATGTTACTTG	48900
Query	607886	GGTGTGGATACTATTAAAGTTGTTTCATGCTGGTCTACTTTATTGCTGGCTCAGAAATTG	607945
Sbjct	48901	GGTGTGGATACTATTAAAGTTGTTTCATGCTGGTCTACTTTATTGCTGGCTCAGAAATTG	48960
Query	607946	GTTTACGAGTCACTCTTTTTCAGACTCAGGCATGTTTTTAAAGGCCACGGTCAAAAATA	608005
Sbjct	48961	GTTTACGAGTCACTCTTTTTCAGACTCAGGCATGTTTTTAAAGGCCACGGTCAAAAATA	49020

Query	608006	AAGAGATTATTGGATGTATCCAGCTCAAGCTGCTGGATATGATTAAAGAATCTGTAACATC	608065
Sbjct	49021	AAGAGATTATTGGATGTATCCAGCTCAAGCTGCTGGATATGATTAAAGAATCTGTAACATC	49080
Query	608066	TATAACAAAACGTAAACTTGTAACTCGGGGTTGGTATTTAAAGGTCTATGCTTAGATAAT	608125
Sbjct	49081	TATAACAAAACGTAAACTTGTAACTCGGGGTTGGTATTTAAAGGTCTATGCTTAGATAAT	49140
Query	608126	CTTAAACCGTATGGCAAGTTTCCATTCTGGATTACAAACATGTGTAGCTGGTCGACATC	608185
Sbjct	49141	CTTAAACCGTATGGCAAGTTTCCATTCTGGATTACAAACATGTGTAGCTGGTCGACATC	49200
Query	608186	TTGGCTATGGGATGAAGAAGTCATCTGAATTAAGGCAGCCATCTCTGCTATGGCTTAGA	608245
Sbjct	49201	TTGGCTATGGGATGAAGAAGTCATCTGAATTAAGGCAGCCATCTCTGCTATGGCTTAGA	49260
Query	608246	AAAAGCAAAAATCATATGGTTTCAGTTTGACTAAGAACATCTTGACTAAGGGCAACCACA	608305
Sbjct	49261	AAAAGCAAAAATCATATGGTTTCAGTTTGACTAAGAACATCTTGACTAAGGGCAACCACA	49320
Query	608306	GGTTTATAAAATGATAGGTTTTAAAGCAATGCTTGTTTAATGAGGTAGGTATCAAAGCCA	608365
Sbjct	49321	GGTTTATAAAATGATAGGTTTTAAAGCAATGCTTGTTTAATGAGGTAGGTATCAAAGCCA	49380
Query	608366	CAACACCATATGTTTCATGCACAAGAACATAACTGGCTGACAGTCAAACCTTGTAGTATAA	608425
Sbjct	49381	CAACACCATATGTTTCATGCACAAGAACATAACTGGCTGACAGTCAAACCTTGTAGTATAA	49440
Query	608426	AAATAACCCACTTGGTATTGATTTTAGAGGCATTAAATTGTTTACAATGTTAGAACTTAG	608485
Sbjct	49441	AAATAACCCACTTGGTATTGATTTTAGAGGCATTAAATTGTTTACAATGTTAGAACTTAG	49500
Query	608486	TTTGGCCTTCTAAAAATTCTGGTTGTGGTCTAGGTATTCACTCTTAAACAGttat	608545
Sbjct	49501	TTTGGCCTTCTAAAAATTCTGGTTGTGGTCTAGGTATTCACTCTTAAACAGTTATTTTAT	49560
Query	608546	taat	608605
Sbjct	49561	TAATTTTAAATCATTCTATTTTACTTTACTATTATTATTATTATTATTATTCATTGAAC	49620
Query	608606	taat	608665
Sbjct	49621	TAATTTTGATCTTGCAAAAACACAATTAAGAGATTTTAAACTTGTTTTTCAAAGCTTTG	49680
Query	608666	GAGGGACCTCCACCCACACGCATGGCAGATCAGTGTGTCTGCTCTCAACCCAGAGCCC	608725
Sbjct	49681	GAGGGACCTCCACCCACACGCATGGCAGATCAGTGTGTCTGCTCTCAACCCAGAGCCC	49740
Query	608726	TGCCTGTCTTGCAGGAGGGCTGCTCTAACCCAGGTCACACAGCTTCACCTACCTCTGAGG	608785
Sbjct	49741	TGCCTGTCTTGCAGGAGGGCTGCTCTAACCCAGGTCACACAGCTTCACCTACCTCTGAGG	49800
Query	608786	AGGCCTGTTCCAATCTGAGACACCCAGGCCAGGTAGACACCAGAGATAACTTAGATGGCAA	608845
Sbjct	49801	AGGCCTGTTCCAATCTGAGACACCCAGGCCAGGTAGACACCAGAGATAACTTAGATGGCAA	49860
Query	608846	AAGCCAAAAGCAAGAATATAAGTGACAGGAGCCAATGTAATTTGGCACCTTCTGAACTCA	608905
Sbjct	49861	AAGCCAAAAGCAAGAATATAAGTGACAGGAGCCAATGTAATTTGGCACCTTCTGAACTCA	49920
Query	608906	GTTCTCCTACCACAGCAAGCTGTGGTTATCCTAACACTCCTGAAGAGCAAGATTCTGACC	608965
Sbjct	49921	GTTCTCCTACCACAGCAAGCTGTGGTTATCCTAACACTCCTGAAGAGCAAGATTCTGACC	49980
Query	608966	TAAAAATCCCATCTCATGAAGATGACAGAGGGCCTTATGGGGGATATAAATAATTCCTTaa	609025
Sbjct	49981	TAAAAATCCCATCTCATGAAGATGACAGAGGGCCTTATGGGGGATATAAATAATTCCTTAA	50040
Query	609026	aaaaaTACAGGGAAACACAGGCAAACAGTTAGAATCCCaataaaggagaaataaataaata	609085
Sbjct	50041	AAAAATACAGGGAAACACAGGCAAACAGTTAGAATCCCATAAAGAGGAAATAAATAAATA	50100
Query	609086	aatacattaaagaaatatagaaaaatTACATGCAAACCGGTAAAGGAATTGAAGAAAATGG	609145
Sbjct	50101	AATACATTAAAGAAATATAGAAAATTACATGCAAACCGGTAAAGGAATTGAAGAAAATGG	50160
Query	609146	TCCATGACCTAAAAATGGAAATAGAAACAATAAGAAATCGCAAATGGAGTCAATCAACCC	609205
Sbjct	50161	TCCATGACCTAAAAATGGAAATAGAAACAATAAGAAATCGCAAATGGAGTCAATCAACCC	50220
Query	609206	TGGAGACGGGAAAAACCTAGGAAAGAAAACAAAACTACAGATGCAAGCATTACCAACAAA	609265
Sbjct	50221	TGGAGACGGGAAAAACCTAGGAAAGAAAACAAAACTACAGATGCAAGCATTACCAACAAA	50280
Query	609266	ATACGGACATGGAGAGAGAATGTCAGGCATAGGAGATACCATGAAAGATCAGTCAAAGAA	609325
Sbjct	50281	ATACGGACATGGAGAGAGAATGTCAGGCATAGGAGATACCATGAAAGATCAGTCAAAGAA	50340
Query	609326	AATGCAAAGTGATAAAATTCCTAACTCAAACATCCAGGAAATTTGGGACAGGTTGAAA	609385

Sbjct	50341	 AATGCAAAGTGTATAAAATTCCTAACTCAAACATCCAGGAAATTTGGGACAGGTTGAAA	50400
Query	609386	AGACCAAGCCTAAAAGTTACAGGAAAACCTGGGTGAAGATTCTAGTTCAAAGAGCCAGAA	609445
Sbjct	50401	AGACCAAGCCTAAAAGTTACAGGAAAACCTGGGTGAAGATTCTAGTTCAAAGAGCCAGAA	50460
Query	609446	AACATCTCCTCAACTAAGTTATAGAAGACAACCTCCCTAACCTAAAGAGAGAGATGCCCAT	609505
Sbjct	50461	AACATCTCCTCAACTAAGTTATAGAAGACAACCTCCCTAACCTAAAGAGAGAGATGCCCAT	50520
Query	609506	AACATACAAGAAGCAAACAGAACCCCAAATAGACTGGACCAGAAAAGAACTCCTTCCGT	609565
Sbjct	50521	AACATACAAGAAGCAAACAGAACCCCAAATAGACTGGACCAGAAAAGAACTCCTTCCGT	50580
Query	609566	CACATAATGGTCAAAACACCAAATGCATAAGACAAAGAATATTTAAAGCAGTAATGGAAA	609625
Sbjct	50581	CACATAATGGTCAAAACACCAAATGCATAAGACAAAGAATATTTAAAGCAGTAATGGAAA	50640
Query	609626	AAGGTCAAGTAACATATAAAGGCAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAGAGA	609685
Sbjct	50641	AAGGTCAAGTAACATATAAAGGCAGACCTATCAGAATCACACCAGACTTCTCGCCAGAGA	50700
Query	609686	CTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCC	609745
Sbjct	50701	CTATGAAAGCCAGAAGATCCTGGACAGATGTCATACAGACCCTAAGAGAACACAAATGCC	50760
Query	609746	AGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGATAT	609805
Sbjct	50761	AGCCCAGGTTACTGTATCCTGCAAACTCTCAATTAACATAGATGGAGAAACCAAGATAT	50820
Query	609806	TCCATGACAAAACCAAATTTAACAATATCTTTTTACCAAATTCAGCCTTACAGAAGCTTC	609865
Sbjct	50821	TCCATGACAAAACCAAATTTAACAATATCTTTTTACCAAATTCAGCCTTACAGAAGCTTC	50880
Query	609866	TAAAAGTAAAACCCCAACACAAGGAGGGTAAGTAACTACACCCAAGAAAACACAGGAAAT	609925
Sbjct	50881	TAAAAGTAAAACCCCAACACAAGGAGGGTAAGTAACTACACCCAAGAAAACACAGGAAAT	50940
Query	609926	CAATCATCTCACAAAACCCAGAGAGAATAGAATCAGACAGACATATAATACCACCTCCA	609985
Sbjct	50941	CAATCATCTCACAAAACCCAGAGAGAATAGAATCAGACAGACATATAATACCACCTCCA	51000
Query	609986	AAAACAAAATGACAGGAACTACCAAGAGTAGCTCTCATCATCAATGGACTCAATCCTCCA	610045
Sbjct	51001	AAAACAAAATGACAGGAACTACCAAGAGTAGCTCTCATCATCAATGGACTCAATCCTCCA	51060
Query	610046	ATAAAAAGACACAGGGTAACAAGACTGCACCTGTAAACAGGTTCCATCATTTCTGCTACAT	610105
Sbjct	51061	ATAAAAAGACACAGGGTAACAAGACTGCACCTGTAAACAGGTTCCATCATTTCTGCTACAT	51120
Query	610106	ACACGAAACTTGGTCAGCAAAACAGACAGTCACTGCCTCAGAGAAAAGGGCTGAATAACG	610165
Sbjct	51121	ACACGAAACTTGGTCAGCAAAACAGACAGTCACTGCCTCAGAGAAAAGGGCTGAATAACG	51180
Query	610166	ATCTCCAAGCAAAGGGTTCCAGAAACAAGCCTTTGTAGCCATTCTAATATCTAGTAAAA	610225
Sbjct	51181	ATCTCCAAGCAAAGGGTTCCAGAAACAAGCCTTTGTAGCCATTCTAATATCTAGTAAAA	51240
Query	610226	TAGACTGAACAAAAAGTAATCAAAGGAGATGGGGAAGGACACTTCATAATCATCAAAGGA	610285
Sbjct	51241	TAGACTGAACAAAAAGTAATCAAAGGAGATGGGGAAGGACACTTCATAATCATCAAAGGA	51300
Query	610286	AAAATCCACCAAATTGAACTCTCAATTCTGTACATCTATGCCCCAAATGCAAGGGCACTC	610345
Sbjct	51301	AAAATCCACCAAATTGAACTCTCAATTCTGTACATCTATGCCCCAAATGCAAGGGCACTC	51360
Query	610346	GAATTGGTAAAAGAAAATTTACTAAAGCTAAAAGCACCCGTTGACCCTCACATAATACTA	610405
Sbjct	51361	GAATTGGTAAAAGAAAATTTACTAAAGCTAAAAGCACCCGTTGACCCTCACATAATACTA	51420
Query	610406	GTGGAAGATTTCACACCCGACTGTCAACAGTGGTCATTGAACTGAACTAAACAGAGA	610465
Sbjct	51421	GTGGAAGATTTCACACCCGACTGTCAACAGTGGTCATTGAACTGAACTAAACAGAGA	51480
Query	610466	CAGGGTGTAATAACAGAAGTTACCAACCAAAGAGATTTATCAGATATCTACAGAATATG	610525
Sbjct	51481	CAGGGTGTAATAACAGAAGTTACCAACCAAAGAGATTTATCAGATATCTACAGAATATG	51540
Query	610526	TCACCCCAAAACAAGAGAATAAACCTTCCTCTCAGCCCCTCAGAGAACCTGGTCCAAAAT	610585
Sbjct	51541	TCACCCCAAAACAAGAGAATAAACCTTCCTCTCAGCCCCTCAGAGAACCTGGTCCAAAAT	51600
Query	610586	TGACCATGTAATTGGACACaaaaaaGCCTCAACAGACACAATACGATTAAAAATAATCTC	610645
Sbjct	51601	TGACCATGTAATTGGACACAAAAAAGCCTCAACAGACACAATACGATTAAAAATAATCTC	51660
Query	610646	TTGCATTCTATTAGACCACAATGAAAAACGGACTTCAACAACAACAGAAACAATGGAAA	610705
Sbjct	51661	TTGCATTCTATTAGACCACAATGAAAAACGGACTTCAACAACAACAGAAACAATGGAAA	51720

Query	610706	GCCACATtttttttttttgggttccttttttttCGGAGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTT	610765
Sbjct	51721	GCCACATTTTTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTTTCGGAGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTT	51780
Query	610766	GTGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATACCCAATCCCAAAGCCCAATTT	610825
Sbjct	51781	GTGCTTCCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATACCCAATCCCAAAGCCCAATTT	51840
Query	610826	TCATGGAGACTGAACAACCTTTCTACTCTATGATAACTTGGTTGGGGAAGAAATAAAGAAA	610885
Sbjct	51841	TCATGGAGACTGAACAACCTTTCTACTCTATGATAACTTGGTTGGGGAAGAAATAAAGAAA	51900
Query	610886	TTACAGACTTTCTAGAATTCAATGAAAGTACAGCATACCCAAACTTATGAGATACTATGA	610945
Sbjct	51901	TTACAGACTTTCTAGAATTCAATGAAAGTACAGCATACCCAAACTTATGAGATACTATGA	51960
Query	610946	AAGCAGTGATAAGAGGAACCCCTCACAGCACTAAATGCTTTCATAGAGAAATTGGAGAGAC	611005
Sbjct	51961	AAGCAGTGATAAGAGGAACCCCTCACAGCACTAAATGCTTTCATAGAGAAATTGGAGAGAC	52020
Query	611006	CATACACTGATGGTTTAAACAGCACATCTGAAATATCCAGAACTAAATGAAGCAATCACAT	611065
Sbjct	52021	CATACACTGATGGTTTAAACAGCACATCTGAAATATCCAGAACTAAATGAAGCAATCACAT	52080
Query	611066	CCGACAGGAGTACATGTCAGGAAACAGTCAAACCTCAGGGCTGAAACCAACCAGTTAGAAA	611125
Sbjct	52081	CCGACAGGAGTACATGTCAGGAAACAGTCAAACCTCAGGGCTGAAACCAACCAGTTAGAAA	52140
Query	611126	CAAAGAATGATACAAAGAATCAACAAAACCAATAGCTGAATCTTTGAGTCAAACAACAAG	611185
Sbjct	52141	CAAAGAATGATACAAAGAATCAACAAAACCAATAGCTGAATCTTTGAGTCAAACAACAAG	52200
Query	611186	AATCACACCCTTAGTGAACTAACTAAAAGGCAGAGACAGTATCCAAATTATCAAATCA	611245
Sbjct	52201	AATCACACCCTTAGTGAACTAACTAAAAGGCAGAGACAGTATCCAAATTATCAAATCA	52260
Query	611246	GAAATGAAAAGGGAGGAAGTTTaaaaaaaaGAGGTCTACTACAAAAGTCTATAATTGAC	611305
Sbjct	52261	GAAATGAAAAGGGAGGAAGTTTAAAAAAAAAGAGGTCTACTACAAAAGTCTATAATTGAC	52320
Query	611306	AAAACCTGGAAAGTTTAGATGATTTTCTAAACAGATACCCCCACATAACAAAGTTAAATTA	611365
Sbjct	52321	AAAACCTGGAAAGTTTAGATGATTTTCTAAACAGATACCCCCACATAACAAAGTTAAATTA	52380
Query	611366	AGATCTGGTAAAAAACCTGAACAGTCCCACAACCCCTAAGAAAATAGAAGCAGTTATTAA	611425
Sbjct	52381	AGATCTGGTAAAAAACCTGAACAGTCCCACAACCCCTAAGAAAATAGAAGCAGTTATTAA	52440
Query	611426	AAGCCTCCCATCCAATAAAAGGCCAGGGGCAGATGGTTTTAGTTTCTAGCAATTCTACCAGAC	611485
Sbjct	52441	AAGCCTCCCATCCAATAAAAGGCCAGGGGCAGATGGTTTTAGTTTCTAGCAATTCTACCAGAC	52500
Query	611486	ATTCAAAGAAGAGCAAACATCAACACTCCTCAAACCTGTGCCACAAAATAGAAAGAGAGGG	611545
Sbjct	52501	ATTCAAAGAAGAGCAAACATCAACACTCCTCAAACCTGTGCCACAAAATAGAAAGAGAGGG	52560
Query	611546	AACACTGCCTAATTCATTCTTTGAAGCCAGGATCACTTTGATACCTAAAGCACACAAAGA	611605
Sbjct	52561	AACACTGCCTAATTCATTCTTTGAAGCCAGGATCACTTTGATACCTAAAGCACACAAAGA	52620
Query	611606	CCCAACAAAAGGAACCTTCAAATGAATTTTACTTCTGAACGTCAGTGCAAAAACAATAAAT	611665
Sbjct	52621	CCCAACAAAAGGAACCTTCAAATGAATTTTACTTCTGAACGTCAGTGCAAAAACAATAAAT	52680
Query	611666	TCTTGCAAACCTGACTCTAAGAACACATGAAAAATGTCTTCACCAAAATCAAGTAGGCTTT	611725
Sbjct	52681	TCTTGCAAACCTGACTCTAAGAACACATGAAAAATGTCTTCACCAAAATCAAGTAGGCTTT	52740
Query	611726	ATTCCAGGAATGGAAGGATAGACTAATATAAGAACATTCATCAATGTGGTCCACTATGTA	611785
Sbjct	52741	ATTCCAGGAATGGAAGGATAGACTAATATAAGAACATTCATCAATGTGGTCCACTATGTA	52800
Query	611786	AAACACCTGAAAGaaaaaaaaTCATGATCATCTCATTAGATGATGAAAAAGCCCTTGACAA	611845
Sbjct	52801	AAACACCTGAAAGAAAAAAAAATCATGATCATCTCATTAGATGATGAAAAAGCCCTTGACAA	52860
Query	611846	AATCCAACACCCTTTTCATGTTCAAAATCTTGGAGAGATAACAAATTCAGAAAAGTAGCCT	611905
Sbjct	52861	AATCCAACACCCTTTTCATGTTCAAAATCTTGGAGAGATAACAAATTCAGAAAAGTAGCCT	52920
Query	611906	AAACAAAATAAAAGCAGTATACAGCCAGCCAAGAGTCAACATCAAGTTAAATGGAGAGAA	611965
Sbjct	52921	AAACAAAATAAAAGCAGTATACAGCCAGCCAAGAGTCAACATCAAGTTAAATGGAGAGAA	52980
Query	611966	ACTCGGACAATCCCACTAAAAATCTGGAACAAGACAAGTTTGCCCACTCTCTCCCTGTCTA	612025
Sbjct	52981	ACTCGGACAATCCCACTAAAAATCTGGAACAAGACAAGTTTGCCCACTCTCTCCCTGTCTA	53040
Query	612026	TTCAATACAGAATTTGGAATTCCACCTGGAGCTATTAGACAACCTAAGGGAGATCAAGGGG	612085



Sbjct	53041	TTCAATACAGAAATTTGGAATTCACCTGGAGCTATTAGACAACCTAAGGGAGATCAAGGGG	53100
Query	612086	ATACAAACTGGAAAGGTAGAAGTCAAGGTATCACTATACAGGGATGATACATAAGAGACC	612145
Sbjct	53101	ATACAAACTGGAAAGGTAGAAGTCAAGGTATCACTATACAGGGATGATACATAAGAGACC	53160
Query	612146	ACTAAATTCTACCAGAGAACTCCTACACCTGATTAACAACCTTCAACAAAATGAAGGAATA	612205
Sbjct	53161	ACTAAATTCTACCAGAGAACTCCTACACCTGATTAACAACCTTCAACAAAATGAAGGAATA	53220
Query	612206	TACAATTAACTCAAACAAATCAGGAGTCTTCTTTTCTAAGAGGCTGGAAAAGAAATAAGA	612265
Sbjct	53221	TACAATTAACTCAAACAAATCAGGAGTCTTCTTTTCTAAGAGGCTGGAAAAGAAATAAGA	53280
Query	612266	GAAACTGCAACCTTCACAATAGCCACAGTTAGTATAAAATATCTTGGTGTAACCTCTAACC	612325
Sbjct	53281	GAAACTGCAACCTTCACAATAGCCACAGTTAGTATAAAATATCTTGGTGTAACCTCTAACC	53340
Query	612326	AATCAAGTGACAAAACCTGTATGACAGAAAATTTAGTCTTTGAAGAAAGAAATCAAAAAAG	612385
Sbjct	53341	AATCAAGTGACAAAACCTGTATGACAGAAAATTTAGTCTTTGAAGAAAGAAATCAAAAAAG	53400
Query	612386	ACCTGAAAAGATGGAAAGCTCTCCCATGTCCATGGATTGCTTGGATTTACATAGTGAAAA	612445
Sbjct	53401	ACCTGAAAAGATGGAAAGCTCTCCCATGTCCATGGATTGCTTGGATTTACATAGTGAAAA	53460
Query	612446	TGGCCATCATCCCAAAGCAATCTACAGATTCAATGCAATACCCATGAAAATTCCATCAC	612505
Sbjct	53461	TGGCCATCATCCCAAAGCAATCTACAGATTCAATGCAATACCCATGAAAATTCCATCAC	53520
Query	612506	AATGTTCACTGGCATGGAGATAGCAATTCCGAACCTTCGTACCGAATAcaaaacaaaagca	612565
Sbjct	53521	AATGTTCACTGGCATGGAGATAGCAATTCCGAACCTTCGTACCGAATACAAAACAAAAGCA	53580
Query	612566	aaaacaaaagagccaaaaCCATTCTGAACAATAAAAGAATCATCATCCCTGCTCTCAAGCT	612625
Sbjct	53581	AAAACAAAGAGCCAAAACCATTCTGAACAATAAAAGAATCATCATCCCTGCTCTCAAGCT	53640
Query	612626	GTACTACAGAGAAATAGTGATAAAAACTGCATGGCATGGGTACAGAGACAGACAAGTTGA	612685
Sbjct	53641	GTACTACAGAGAAATAGTGATAAAAACTGCATGGCATGGGTACAGAGACAGACAAGTTGA	53700
Query	612686	TCAAGGGAATAAAATCAAAAACCTCAGAAATAATCCACGTACCTAAGGAAACTTGATCTTT	612745
Sbjct	53701	TCAAGGGAATAAAATCAAAAACCTCAGAAATAATCCACGTACCTAAGGAAACTTGATCTTT	53760
Query	612746	GACAAAGAACCAAAAGTGAAACAGTTGAGAAAAGAAAGCATCTTCACAAGTGGTGCTGGTC	612805
Sbjct	53761	GACAAAGAACCAAAAGTGAAACAGTTGAGAAAAGAAAGCATCTTCACAAGTGGTGCTGGTC	53820
Query	612806	TAGCTGTCACTCTGCACCTAGAAGAATGCAAAATGATCCGTATTTATCACCTTGCAGAAA	612865
Sbjct	53821	TAGCTGTCACTCTGCACCTAGAAGAATGCAAAATGATCCGTATTTATCACCTTGCAGAAA	53880
Query	612866	TTTCAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCAACATAAAAACCAGATACAATGAATTTAACCGA	612925
Sbjct	53881	TTTCAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCAACATAAAAACCAGATACAATGAATTTAACCGA	53940
Query	612926	AGAGAAAGTAGAAAATAGCCTCAAATGCATTGGCAGAGGGGATATTTTCTTCAACAGAAC	612985
Sbjct	53941	AGAGAAAGTAGAAAATAGCCTCAAATGCATTGGCAGAGGGGATATTTTCTTCAACAGAAC	54000
Query	612986	ATCACTGGCTCAGATTGTACAATCATCCATTGATAAATGAGACCTCTTGAAACTGGAAAG	613045
Sbjct	54001	ATCACTGGCTCAGATTGTACAATCATCCATTGATAAATGAGACCTCTTGAAACTGGAAAG	54060
Query	613046	CTTCTGTAAGGAAAAGGACCCTGTCAATAGGACAAAATGGCAACCTAAATATTGGGAAAA	613105
Sbjct	54061	CTTCTGTAAGGAAAAGGACCCTGTCAATAGGACAAAATGGCAACCTAAATATTGGGAAAA	54120
Query	613106	GATTTTTCTACTAACCCTACATCTGATAGAGCGCTAATATCCaaaaaaTATAAACAATCC	613165
Sbjct	54121	GATTTTTCTACTAACCCTACATCTGATAGAGCGCTAATATCCAAAAAATATAAACAATCC	54180
Query	613166	AAGAAGTTAGACTCCAACAAACCAACAATTTGATTAACAATTGGGGTACAGAGCTAAGC	613225
Sbjct	54181	AAGAAGTTAGACTCCAACAAACCAACAATTTGATTAACAATTGGGGTACAGAGCTAAGC	54240
Query	613226	AGAGAATTCTAAACAGAGGAATCTCAAATGGCTGACAATCACTTAAATGTTTCAGCAGCAA	613285
Sbjct	54241	AGAGAATTCTAAACAGAGGAATCTCAAATGGCTGACAATCACTTAAATGTTTCAGCAGCAA	54300
Query	613286	CAACCACTCTGGAAATCAGTCTGGCAGTTCCCCCAGAAAACCTGGAAATTGTTCTACCTGA	613345
Sbjct	54301	CAACCACTCTGGAAATCAGTCTGGCAGTTCCCCCAGAAAACCTGGAAATTGTTCTACCTGA	54360
Query	613346	AGATTTCAGCTATACAACCTCTGGGCATATGCCCAAAAGATGCTCCACAATACCACAAGGA	613405
Sbjct	54361	AGATTTCAGCTATACAACCTCTGGGCATATGCCCAAAAGATGCTCCACAATACCACAAGGA	54420

Query	613406	CACATGCTCCATTATGTTACAGCAGCCTTATTTCATAATACCCAGAAACTGGAAGCAAAT	613465
Sbjct	54421	CACATGCTCCATTATGTTACAGCAGCCTTATTTCATAATACCCAGAAACTGGAAGCAAAT	54480
Query	613466	CAGATTGTCCCTTGACTGAAAAATGGATATCAGCCAAAATGTACAGAAGACTCATGATAC	613525
Sbjct	54481	CAGATTGTCCCTTGACTGAAAAATGGATATCAGCCAAAATGTACAGAAGACTCATGATAC	54540
Query	613526	ATCCACAGTCTGAAGAGTTAAACAAGAAGGAACCCCAAGTGAGGGTGCTTCAATCTCA	613585
Sbjct	54541	ATCCACAGTCTGAAGAGTTAAACAAGAAGGAACCCCAAGTGAGGGTGCTTCAATCTCA	54600
Query	613586	CTTACAAGGGGGAACAAAATAATCATgggagggcagagggagggagggacctgagtggcag	613645
Sbjct	54601	CTTACAAGGGGGAACAAAATAATCATGGGAGGCAGAGGGAGGGAGGGACCTGAGTGGCAG	54660
Query	613646	aggggaggggagaaggggaaaagggagaaacaggatcagacattggggggaagacaggagaga	613705
Sbjct	54661	AGGGGAGGGAGAAGGGAAAAGGGAGAACAGGATCAGACATTGGGGGGAAGACAGGAGAGA	54720
Query	613706	gaagCCCAGAGGGCCAGGAGAATGAATAGAAACATGCTGTTCTCAGGGGTGGGTGATGGG	613765
Sbjct	54721	GAAGCCCAGAGGGCCAGGAGAATGAATAGAAACATGCTGTTCTCAGGGGTGGGTGATGGG	54780
Query	613766	AGTTGAGGCACTCGGGGAGAGGGGGGTATGCCATCATGGAAGGTGGTAACCCCTAGAAAG	613825
Sbjct	54781	AGTTGAGGCACTCGGGGAGAGGGGGGTATGCCATCATGGAAGGTGGTAACCCCTAGAAAG	54840
Query	613826	TCCTAGAGATCTGAGATGTGAGAGACCTTGGCCCAAATGCCACCAGTGAGGAGATGGGA	613885
Sbjct	54841	TCCTAGAGATCTGAGATGTGAGAGACCTTGGCCCAAATGCCACCAGTGAGGAGATGGGA	54900
Query	613886	CCGGAAGTGCTCACCTCTAGTAGTCAGACAGGGTCACCAGTGAGGGATGGGGACACCAA	613945
Sbjct	54901	CCGGAAGTGCTCACCTCTAGTAGTCAGACAGGGTCACCAGTGAGGGATGGGGACACCAA	54960
Query	613946	TCCACCTGCAGATTTTGACCCACAATTGTTCTGTGTAAAAGAAATGCAGAGACACAATG	614005
Sbjct	54961	TCCACCTGCAGATTTTGACCCACAATTGTTCTGTGTAAAAGAAATGCAGAGACACAATG	55020
Query	614006	GAACACACAGTGAAGGAAAGGCGATCCCATGACTGGTCCAATGTGGATCCATCCCATGAG	614065
Sbjct	55021	GAACACACAGTGAAGGAAAGGCGATCCCATGACTGGTCCAATGTGGATCCATCCCATGAG	55080
Query	614066	CAGGCACCAACTCTTACTGACACTGTTACTGATGCTCTGCTGTGCTCTCAGACAGGAGCC	614125
Sbjct	55081	CAGGCACCAACTCTTACTGACACTGTTACTGATGCTCTGCTGTGCTCTCAGACAGGAGCC	55140
Query	614126	TAGCAAGGCTGTCTTCTGAGAGGCTCTGCCAGCAGCTGACTGAGACAGATGCAGATCCTT	614185
Sbjct	55141	TAGCAAGGCTGTCTTCTGAGAGGCTCTGCCAGCAGCTGACTGAGACAGATGCAGATCCTT	55200
Query	614186	AAAGCCAACCACTCGACTGAGGTCGGTGGTGCAGTGTGGGAAAGTTAGGAGAAGAATTAA	614245
Sbjct	55201	AAAGCCAACCACTCGACTGAGGTCGGTGGTGCAGTGTGGGAAAGTTAGGAGAAGAATTAA	55260
Query	614246	AAGAAGTGAAGGGAAGGGCAACCTCAGAGGAAGAACAAACAGTACCAACTAACCTGGACCC	614305
Sbjct	55261	AAGAAGTGAAGGGAAGGGCAACCTCAGAGGAAGAACAAACAGTACCAACTAACCTGGACCC	55320
Query	614306	CTGGTAGCTCCCAAAGACTCAGTCACCAACCAAAGAGCGTACATGGGCTGGTTCAAGTGG	614365
Sbjct	55321	CTGGTAGCTCCCAAAGACTCAGTCACCAACCAAAGAGCGTACATGGGCTGGTTCAAGTGG	55380
Query	614366	ACCAACTGCCTTGTCTGTCCCCAGTGGCAGAGGACTCAGCTAATCCTGTCAAGACTCGAT	614425
Sbjct	55381	ACCAACTGCCTTGTCTGTCCCCAGTGGCAGAGGACTCAGCTAATCCTGTCAAGACTCGAT	55440
Query	614426	GCCCCAGGGAAGGGGGATGCCAGGGATGGGCGCACCATCTCAGAGGTGAAAGGATGGGG	614485
Sbjct	55441	GCCCCAGGGAAGGGGGATGCCAGGGATGGGCGCACCATCTCAGAGGTGAAAGGATGGGG	55500
Query	614486	AATGGGGTGAAGAGCTCTGGGACGGGAGACTGGGAGGAGGCAACATTTGGGTGtaaataa	614545
Sbjct	55501	AATGGGGTGAAGAGCTCTGGGACGGGAGACTGGGAGGAGGCAACATTTGGGTGTAAATAA	55560
Query	614546	agaaaataactaatttttaaaactgaaaaacaataaaagaagaagctaaaataTTTACCAA	614605
Sbjct	55561	AGAAAATAACTAATTTTAAAACTGAAAAACAATAAAAGAAGAAGCTAAAATATTTACCAA	55620
Query	614606	TGACCTGCTGGGGAAGGGTTTAGGGTTGATTAAAAATCATTAAAAGGGTTTAAATATGT	614665
Sbjct	55621	TGACCTGCTGGGGAAGGGTTTAGGGTTGATTAAAAATCATTAAAAGGGTTTAAATATGT	55680
Query	614666	CTCTCGTGACCTCAGGTCTATTACGCTAACAGAGATTGATTTAACAATATAAGTCTAGC	614725
Sbjct	55681	CTCTCGTGACCTCAGGTCTATTACGCTAACAGAGATTGATTTAACAATATAAGTCTAGC	55740
Query	614726	CTTGCTCTGCTGGCATTACTACGATATAGCTATGTTTTATACACTAACCCATGCAGGAAA	614785

Sbjct	55741	CTTGCTCTGCTGGCATTACTACGATATAGCTATGTTTATACACTAACCCATGCAGGAAA	55800
Query	614786	CTGTTATGTTCTACACTACATAAAGATTAAAAAATCCCCAGATTCTTTATGAATTATGT	614845
Sbjct	55801	CTGTTATGTTCTACACTACATAAAGATTAAAAAATCCCCAGATTCTTTATGAATTATGT	55860
Query	614846	TTATAAGTTAAAAACCTTATAGCTTCAATTTAAAAATAGTTATGTTAAATCTAAACCCAAG	614905
Sbjct	55861	TTATAAGTTAAAAACCTTATAGCTTCAATTTAAAAATAGTTATGTTAAATCTAAACCCAAG	55920
Query	614906	AGAGGTTTAAACGTAAAGTCCTAGTCTTACAAAAGCTATTAAGTTACTGTAGACGTTTAGC	614965
Sbjct	55921	AGAGGTTTAAACGTAAAGTCCTAGTCTTACAAAAGCTATTAAGTTACTGTAGACGTTTAGC	55980
Query	614966	GACAATTTAAAAATGCATGTTTCATAGTCACCTTATCAATGACCAAATTGTTGAATATGTT	615025
Sbjct	55981	GACAATTTAAAAATGCATGTTTCATAGTCACCTTATCAATGACCAAATTGTTGAATATGTT	56040
Query	615026	CAGATTGCAAacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacac	615085
Sbjct	56041	CAGATTGCAAACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACAC	56100
Query	615086	acacacacaAGGATCGCTTAACTGAGATATGCCATGGAGACCACAGGAACCTGGGATGAC	615145
Sbjct	56101	ACACACACAAGGATCGCTTAACTGAGATATGCCATGGAGACCACAGGAACCTGGGATGAC	56160
Query	615146	TGGTCTGGGTTATGAACACTATGGACGAActctctgtctctctctgtctctctgtctctctct	615205
Sbjct	56161	TGGTCTGGGTTATGAACACTATGGACGAATCTCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTGTCT	56220
Query	615206	gtctctctgtctctgtctctctctctctgtttctctctctgtctctctctgtctctctgtctct	615265
Sbjct	56221	GTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTCTGTTCTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCT	56280
Query	615266	ctctgtctctgtgtctctctgtctctgtctctctctctctcctctctctctctcctcctgtct	615325
Sbjct	56281	CTCTGTCTCTGTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTCTCTCCCTCTCTCTTCTCCTCCTGTCT	56340
Query	615326	cctcttggtttctcctttactttctctctcctctttctctctctttctctctccacacaccc	615385
Sbjct	56341	CCTCTGTTTCTCCTTTACTTTCTTCTTCTCTTTCTTTCTCTTTCTCTCCACACACCC	56400
Query	615386	ttctctcttttctctctctctctctcCTGACTCAGCATGGCAACTCCCCTGACCTCAGACCTT	615445
Sbjct	56401	TTTCTCTTTTCTCTTCTCTCTCCTGACTCAGCATGGCAACTCCCCTGACCTCAGACCTT	56460
Query	615446	GAGCTCAATGAATTCAACCCAAAGCAGCTTTCAGAATTATTCCTTTTAATATAATCTAA	615505
Sbjct	56461	GAGCTCAATGAATTCAACCCAAAGCAGCTTTCAGAATTATTCCTTTTAATATAATCTAA	56520
Query	615506	TTGGCTTGAACCTGGCTCATTTACCAGCAGAGAAATAAAGTATCAGTAATCTCTATTCAT	615565
Sbjct	56521	TTGGCTTGAACCTGGCTCATTTACCAGCAGAGAAATAAAGTATCAGTAATCTCTATTCAT	56580
Query	615566	GTCTCTGATAAATGATTAGATaaaaaaaTGTTCTAAGATATGTAGAGGTTTGAAGATAAG	615625
Sbjct	56581	GTCTCTGATAAATGATTAGATAAAAAAATGTTCTAAGATATGTAGAGGTTTGAAGATAAG	56640
Query	615626	TTCTGAGGGTCTCAAAAACATTAAAGgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	615685
Sbjct	56641	TTCTGAGGGTCTCAAAAACATTAAAGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	56700
Query	615686	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	615745
Sbjct	56701	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	56760
Query	615746	CTGTTATTGCCCTGGGATCTTGAAGATGCAAGATTTGCTGGAGTAAGACTGCCCACTACT	615805
Sbjct	56761	CTGTTATTGCCCTGGGATCTTGAAGATGCAAGATTTGCTGGAGTAAGACTGCCCACTACT	56820
Query	615806	GGGCTGGGGATTAGCTCAGTGGAAGAGCGCTTACCTAGGAAGCACAAGGCCCTGGGTTC	615865
Sbjct	56821	GGGCTGGGGATTAGCTCAGTGGAAGAGCGCTTACCTAGGAAGCACAAGGCCCTGGGTTC	56880
Query	615866	GGTCCCCAGCTCCGaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaGAACAAAGACTGCCCACTAC	615925
Sbjct	56881	GGTCCCCAGCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACAAAGACTGCCCACTAC	56940
Query	615926	TCAGTCACAAGCTCAGAATTCTGAGTTTCTTTAGTTGTCTCCTGACTTACAAATGGTTT	615985
Sbjct	56941	TCAGTCACAAGCTCAGAATTCTGAGTTTCTTTAGTTGTCTCCTGACTTACAAATGGTTT	57000
Query	615986	TCATTAGGCTAAAACATTTCTGTCCAACCTTTGTACCTAGCTCTCTGGACAAAACACCAA	616045
Sbjct	57001	TCATTAGGCTAAAACATTTCTGTCCAACCTTTGTACCTAGCTCTCTGGACAAAACACCAA	57060
Query	616046	ACCAAACCAAACATATCTTTTAATCTAAAGCTATCATTTTTTGCTAAGACTCAAAGGCATG	616105
Sbjct	57061	ACCAAACCAAACATATCTTTTAATCTAAAGCTATCATTTTTTGCTAAGACTCAAAGGCATG	57120

Query	616106	AGTCTGCTCTTGCTGTGCATACAGACACATATTAAGTGCtttttttAAATATGAATTTTAA	616165
Sbjct	57121	AGTCTGCTCTTGCTGTGCATACAGACACATATTAAGTGCtttttttAAATATGAATTTTAA	57180
Query	616166	TATGGTATGCTTATATATCTCCATCTGTGAGCTAAATTTTCATATAAACTTCAGGGAGTCA	616225
Sbjct	57181	TATGGTATGCTTATATATCTCCATCTGTGAGCTAAATTTTCATATAAACTTCAGGGAGTCA	57240
Query	616226	AAGAAATCTCAAGACCTTGATCTACCCGCCACATGTCATATGACTCTAGATAAGTACATC	616285
Sbjct	57241	AAGAAATCTCAAGACCTTGATCTACCCGCCACATGTCATATGACTCTAGATAAGTACATC	57300
Query	616286	CAAACTTTCTGCACATGTCTGTCCCTCAAAATGAGATTCCCCCTCTTTCTCCAGGAGATT	616345
Sbjct	57301	CAAACTTTCTGCACATGTCTGTCCCTCAAAATGAGATTCCCCCTCTTTCTCCAGGAGATT	57360
Query	616346	CCTTACCTTCTCCAATTACTAGGAAATTATACCTTGTGCCCTGGGAGTCTATGATATCT	616405
Sbjct	57361	CCTTACCTTCTCCAATTACTAGGAAATTATACCTTGTGCCCTGGGAGTCTATGATATCT	57420
Query	616406	CAGCAGATTCTCAAGTGGCTGGCAAACCTCCATCCAGGGATCACCAGAGGACTGCAAACCTG	616465
Sbjct	57421	CAGCAGATTCTCAAGTGGCTGGCAAACCTCCATCCAGGGATCACCAGAGGACTGCAAACCTG	57480
Query	616466	CTGAGCTCTGTCTGCACCTGCTGAAAGTAAACAGATCAGCTGTTGTGATTGTTTCCTAT	616525
Sbjct	57481	CTGAGCTCTGTCTGCACCTGCTGAAAGTAAACAGATCAGCTGTTGTGATTGTTTCCTAT	57540
Query	616526	CTCTTCGACTGGATCAGCTAATCAGCTAATCTTCAAATAAATGCTTACTTGTGAAGAACC	616585
Sbjct	57541	CTCTTCGACTGGATCAGCTAATCAGCTAATCTTCAAATAAATGCTTACTTGTGAAGAACC	57600
Query	616586	CTAGGGCCTTTGGCCAGCCTTACACCCACTGTCTCCGGGGCAAGACTAGGCCAAGTTCTA	616645
Sbjct	57601	CTAGGGCCTTTGGCCAGCCTTACACCCACTGTCTCCGGGGCAAGACTAGGCCAAGTTCTA	57660
Query	616646	TTCTCCACCCACAGGAACATTTTTGAGTAGAAAATTCTCAGACTGTACTGACTGATGCTT	616705
Sbjct	57661	TTCTCCACCCACAGGAACATTTTTGAGTAGAAAATTCTCAGACTGTACTGACTGATGCTT	57720
Query	616706	GATGGCTTTAAAGGTAAATATTCTTAGCCGATAAGCAGTAACCTTGCTGAGCTATTTAAA	616765
Sbjct	57721	GATGGCTTTAAAGGTAAATATTCTTAGCCGATAAGCAGTAACCTTGCTGAGCTATTTAAA	57780
Query	616766	GGGAGAAACCACAACCTGAGGGGGCAGGGATGGTGTGATTGGAAAGTGTGTAGAATAACA	616825
Sbjct	57781	GGGAGAAACCACAACCTGAGGGGGCAGGGATGGTGTGATTGGAAAGTGTGTAGAATAACA	57840
Query	616826	GTGAAAAATCACAAGGAAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTTTCGTAGGAGGAGCCATC	616885
Sbjct	57841	GTGAAAAATCACAAGGAAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTTTCGTAGGAGGAGCCATC	57900
Query	616886	TCCTGCTTCTCAGATTGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTTCCTAGGAGAAGTTGCTTCCT	616945
Sbjct	57901	TCCTGCTTCTCAGATTGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTTCCTAGGAGAAGTTGCTTCCT	57960
Query	616946	GCTTCTCAAGATTGTTCTCTAAGATTTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCTGTTGA	617005
Sbjct	57961	GCTTCTCAAGATTGTTCTCTAAGATTTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCTGTTGA	58020
Query	617006	GCTGGCCAATGTAATTACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATACAATT	617065
Sbjct	58021	GCTGGCCAATGTAATTACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATACAATT	58080
Query	617066	CTGGGGCCTGAAACATATCCTCCTGCAAGTTCCCATAAAAGGCATAAGAAGTCTTGTA	617125
Sbjct	58081	CTGGGGCCTGAAACATATCCTCCTGCAAGTTCCCATAAAAGGCATAAGAAGTCTTGTA	58140
Query	617126	ATAGCCATTTCGGAGTCACTTTCTAGTCACTCACCTTGAGGGACTAATTGAAGGTTGACCC	617185
Sbjct	58141	ATAGCCATTTCGGAGTCACTTTCTAGTCACTCACCTTGAGGGACTAATTGAAGGTTGACCC	58200
Query	617186	TGAAGTGATGAAAAATAAACCTCTTGCTTTTCCATTGATCTGCATCTCGGTGTCTCACTC	617245
Sbjct	58201	TGAAGTGATGAAAAATAAACCTCTTGCTTTTCCATTGATCTGCATCTCGGTGTCTCACTC	58260
Query	617246	GGGGTTATCTCGAAGTAAGTACCACTGAAAGAGGGTTGTGGGGTGGGAGGGTCGTCCTGA	617305
Sbjct	58261	GGGGTTATCTCGAAGTAAGTACCACTGAAAGAGGGTTGTGGGGTGGGAGGGTCGTCCTGA	58320
Query	617306	ATTTGGGTAGACACCCCTGCCCCATCCCTGGAGACCTATCAGAGTGCAAAAGGACAAAC	617365
Sbjct	58321	ATTTGGGTAGACACCCCTGCCCCATCCCTGGAGACCTATCAGAGTGCAAAAGGACAAAC	58380
Query	617366	TCAGCAACAGGCACCTACTGCTGTTTGTCTCTGGTCTTTTGCTTTCACTTTTGACTCCTG	617425
Sbjct	58381	TCAGCAACAGGCACCTACTGCTGTTTGTCTCTGGTCTTTTGCTTTCACTTTTGACTCCTG	58440
Query	617426	AGCATGGTGTGGCTGGAAAGCCTCTACCTGGTGTGGGTCAATTGCAGAGGGCAGATGT	617485

Sbjct	58441	AGCATGGTGTGGCTGGAAGCCTCTACCTGGTGTGGGTCAATTGCAGAGGGCAGATGT	58500
Query	617486	GGCTTAACTCTGTGACCTGGGGATTCTGGAGGACACTTCAGGCCCTGGAGGGAGTCAG	617545
Sbjct	58501	GGCTTAACTCTGTGACCTGGGGATTCTGGAGGACACTTCAGGCCCTGGAGGGAGTCAG	58560
Query	617546	GAGGACTCTGCACTATTGAAACTTGCTAAACTCCATACTGGTAGGATCCAAGGGAGTCGC	617605
Sbjct	58561	GAGGACTCTGCACTATTGAAACTTGCTAAACTCCATACTGGTAGGATCCAAGGGAGTCGC	58620
Query	617606	CAGGTTACCTGGTTTCTACACTCACAGCAGGGCCAAAgtgtttgtgtgttgtctttctct	617665
Sbjct	58621	CAGGTTACCTGGTTTCTACACTCACAGCAGGGCCAAAGTGTTTGTGTGTTGCTTTCTCT	58680
Query	617666	gtgtttgttggtgttagttatctcatthttgtgttcttgGACTTGAACTCACAATATTTTT	617725
Sbjct	58681	GTGTTTGTGTGGTGTTAGTTATCTCATTTTGTGTTCTTGACTTGAACTCACAATATTTTT	58740
Query	617726	GGACATGGGACAGACTGAATCTACCCCATTAACATCCTAGTTAACCCTGGAGGGAAGG	617785
Sbjct	58741	GGACATGGGACAGACTGAATCTACCCCATTAACATCCTAGTTAACCCTGGAGGGAAGG	58800
Query	617786	TAGGGAAAGAGGAGAAAACCTGTCACTAGCGAAAGACCCCGGAGTGATGACACCCTCAC	617845
Sbjct	58801	TAGGGAAAGAGGAGAAAACCTGTCACTAGCGAAAGACCCCGGAGTGATGACACCCTCAC	58860
Query	617846	TCAAGTCTTGGGATAACTCGACCCCATAGAAGCTCACACAAGACCATCCTTGTTGTAATC	617905
Sbjct	58861	TCAAGTCTTGGGATAACTCGACCCCATAGAAGCTCACACAAGACCATCCTTGTTGTAATC	58920
Query	617906	ACATGAGGTTTATGGATAGCAACCAGTGCCTGGGGTCGAGACTTGTATCCACGCAGGG	617965
Sbjct	58921	ACATGAGGTTTATGGATAGCAACCAGTGCCTGGGGTCGAGACTTGTATCCACGCAGGG	58980
Query	617966	GCAGTGGGGTTCGACCCCTAGAGGCTGGGAGAAGAGCTATTTAAAGGGAGAAACCACAAC	618025
Sbjct	58981	GCAGTGGGGTTCGACCCCTAGAGGCTGGGAGAAGAGCTATTTAAAGGGAGAAACCACAAC	59040
Query	618026	CCGAGGGGGCAGGGATGGTGTCAATTGAAAAGTGTGTAGAATAACAGTGAAAAATCACAAG	618085
Sbjct	59041	CCGAGGGGGCAGGGATGGTGTCAATTGAAAAGTGTGTAGAATAACAGTGAAAAATCACAAG	59100
Query	618086	GAAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTTTCGTAGGAGGAGCCATCTCCTGCTTCTCAGAT	618145
Sbjct	59101	GAAAAACTCTCTGTCTCCCAAGATTGTTTCGTAGGAGGAGCCATCTCCTGCTTCTCAGAT	59160
Query	618146	TGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTCCTAGGAGAAGTTGCTTCTGCTTCTCAAGATTGT	618205
Sbjct	59161	TGTTTAACTTCATGGTCTGCTCGTTCCTAGGAGAAGTTGCTTCTGCTTCTCAAGATTGT	59220
Query	618206	TCTCTAAGATTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCTGTTGAGCTGGCCAATGTAAT	618265
Sbjct	59221	TCTCTAAGATTATGGTCAGCTAGTTTCTGGGAGAAAGCTGTTGAGCTGGCCAATGTAAT	59280
Query	618266	TACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATACAATTCTGGGGCCTGAAACA	618325
Sbjct	59281	TACCCATTTTATAGCCCTAGGAGAGGCTTCTTGGAACATACAATTCTGGGGCCTGAAACA	59340
Query	618326	TATCCCTCCTGCAAGTTAAGCAGCCAGGCACTAATACTTACTACTGAATGCAGGACATAG	618385
Sbjct	59341	TATCCCTCCTGCAAGTTAAGCAGCCAGGCACTAATACTTACTACTGAATGCAGGACATAG	59400
Query	618386	GAGCGGTAAACCATCCAGTGGCTGACATCCGCCCTACTGTGCCTAACCCCTACACCCTGC	618445
Sbjct	59401	GAGCGGTAAACCATCCAGTGGCTGACATCCGCCCTACTGTGCCTAACCCCTACACCCTGC	59460
Query	618446	TGAGCTTTTAGCCACCGTCCAGAATTTGGTACCTAGTCTCAGACTTGAAAGAAGCTTTCT	618505
Sbjct	59461	TGAGCTTTTAGCCACCGTCCAGAATTTGGTACCTAGTCTCAGACTTGAAAGAAGCTTTCT	59520
Query	618506	TCTGCCTGCCTTTGGCACCCCGAAGTCAAGAATACTTAGCCTCTGAGTGGAAGACCCAG	618565
Sbjct	59521	TCTGCCTGCCTTTGGCACCCCGAAGTCAAGAATACTTAGCCTCTGAGTGGAAGACCCAG	59580
Query	618566	AGGATGGGACCACCACTCAGCTGACATGGGACTAGATTCTTTACCACTTGGGCTCAATCC	618625
Sbjct	59581	AGGATGGGACCACCACTCAGCTGACATGGGACTAGATTCTTTACCACTTGGGCTCAATCC	59640
Query	618626	AGCTACCTTACTGCCCCGATCCACCTCAAGCCACCACATCACAAATGTCAAGGAAAACCTG	618685
Sbjct	59641	AGCTACCTTACTGCCCCGATCCACCTCAAGCCACCACATCACAAATGTCAAGGAAAACCTG	59700
Query	618686	CAGAATCCCATGGGTGGAGAAAAGAACTCTCCCACTGACCCCTGCTTGAGACGAGGCTA	618745
Sbjct	59701	CAGAATCCCATGGGTGGAGAAAAGAACTCTCCCACTGACCCCTGCTTGAGACGAGGCTA	59760
Query	618746	CTTGGTTTAAAGGCAGGAAGCAGGCGACATTTGATTTTAATGTACTGAAGAGAGAGGTGT	618805
Sbjct	59761	CTTGGTTTAAAGGCAGGAAGCAGGCGACATTTGATTTTAATGTACTGAAGAGAGAGGTGT	59820

Query	618806	TTTGGTTTGTCTTCTTTGATTGGTTGTGGTTTATTTTTCCATTATTTAAAAATAGATC	618865
Sbjct	59821	TTTGGTTTGTCTTCTTTGATTGGTTGTGGTTTATTTTTCCATTATTTAAAAATAGATC	59880
Query	618866	TCTTTCTCACTTCATATATCCTGATTATGGTATCTCCTCCTTCTACACTTCCCAATACCT	618925
Sbjct	59881	TCTTTCTCACTTCATATATCCTGATTATGGTATCTCCTCCTTCTACACTTCCCAATACCT	59940
Query	618926	GCATCCATCAATTCTGCCCTTTTTGATCCCCTTCCTTTCTGTCTCTTGTGtaaaaaac	618985
Sbjct	59941	GCATCCATCAATTCTGCCCTTTTTGATCCCCTTCCTTTCTGTCTCTTGTGTAAAAAAC	60000
Query	618986	aggcttttaagtgtttaataataaattataacaaaaataaaacataactaaaaaaaaacaata	619045
Sbjct	60001	AGGCTTTTAATGTTTAATAATAAATTATAACAAAAATAAACATACTAAAAAAAACAATA	60060
Query	619046	acagaaagaaaaagaaacaaaaaGTAGGTACAAGAATCAGAGACCCACTCACAAATACCAT	619105
Sbjct	60061	ACAGAAAGAAAAAGAAACAAAAAGTAGGTACAAGAATCAGAGACCCACTCACAAATACCAT	60120
Query	619106	ACAAACAGTAAACTGAAACCCATAATATACACACAGAGGACCTGGTGAGACCTATGGAG	619165
Sbjct	60121	ACAAACAGTAAACTGAAACCCATAATATACACACAGAGGACCTGGTGAGACCTATGGAG	60180
Query	619166	GTCCTGTGCATCCAGCCTCAGTCTCTGTGAGTTCATATGAGCTTTGCTCAGTTAATTTAG	619225
Sbjct	60181	GTCCTGTGCATCCAGCCTCAGTCTCTGTGAGTTCATATGAGCTTTGCTCAGTTAATTTAG	60240
Query	619226	AGAGACTTGTCTTTTCTTTCTGTCTCCATTCCCTTTGGCTCTTACAATCTTTCCAGTTA	619285
Sbjct	60241	AGAGACTTGTCTTTTCTTTCTGTCTCCATTCCCTTTGGCTCTTACAATCTTTCCAGTTA	60300
Query	619286	CTCTTTCATGAGGTTCCCTGAGTCTTGACAGGAGGATTTGATGAAGAAATCCCACTTAGG	619345
Sbjct	60301	CTCTTTCATGAGGTTCCCTGAGTCTTGACAGGAGGATTTGATGAAGAAATCCCACTTAGG	60360
Query	619346	GCTGAGTGTACCAAAGCTTCTCCCTCCCCACGCCCTCTTTCTAccccccccccATTCTGT	619405
Sbjct	60361	GCTGAGTGTACCAAAGCTTCTCCCTCCCCACGCCCTCTTTCTACCCCCCCCCATTCTGT	60420
Query	619406	AttttttttCCCATCCGCTGCAGGAGGAAGCTTTGATGACTGAACAAAGCTGTATGAGTAC	619465
Sbjct	60421	ATTTTTTTTCCCATCCGCTGCAGGAGGAAGCTTTGATGACTGAACAAAGCTGTATGAGTAC	60480
Query	619466	AGCGAAATGCCCTTAACAGTAATTTGTTGGGATCTTTTAATTTTATTTTTCTATAGATTG	619525
Sbjct	60481	AGCGAAATGCCCTTAACAGTAATTTGTTGGGATCTTTTAATTTTATTTTTCTATAGATTG	60540
Query	619526	GTAGTATTTGCTTTTtaggtCACTGGGCTCTTTAGTCTCAACTTCTTGGCCACCCAAGCAG	619585
Sbjct	60541	GTAGTATTTGCTTTTtaggtCACTGGGCTCTTTAGTCTCAACTTCTTGGCCACCCAAGCAG	60600
Query	619586	TGTCAGATATAGGTCTGATGGAGGGAGCCGTAAGTCAAGTCAAATATTTACTAGTTAGCC	619645
Sbjct	60601	TGTCAGATATAGGTCTGATGGAGGGAGCCGTAAGTCAAGTCAAATATTTACTAGTTAGCC	60660
Query	619646	CTCAAATATGTGACATAGATACCATAGCATGTCTTGAGGTAGGATAGCATTATACATCA	619705
Sbjct	60661	CTCAAATATGTGACATAGATACCATAGCATGTCTTGAGGTAGGATAGCATTATACATCA	60720
Query	619706	AAAGATTTGTGGTTGGTACCTTCTGCTGGCCTTCAGGAACAAATAAGCACACATGAGTGA	619765
Sbjct	60721	AAAGATTTGTGGTTGGTACCTTCTGCTGGCCTTCAGGAACAAATAAGCACACATGAGTGA	60780
Query	619766	GTGAGCACAGTCTCAGCTACATGAGGCTCACAATACCGCTCTTCCCAGCACATAATTGAA	619825
Sbjct	60781	GTGAGCACAGTCTCAGCTACATGAGGCTCACAATACCGCTCTTCCCAGCACATAATTGAA	60840
Query	619826	CCACAGATGTGGAAATAGATGTAAACACTATTCATTAATGCTGAAACATCAAATCTTAA	619885
Sbjct	60841	CCACAGATGTGGAAATAGATGTAAACACTATTCATTAATGCTGAAACATCAAATCTTAA	60900
Query	619886	GTTTGCTTAATCATCGTAGGAGGCGGAGTCCGATGTCAGAAGACAGAATGAGCCAAGTGA	619945
Sbjct	60901	GTTTGCTTAATCATCGTAGGAGGCGGAGTCCGATGTCAGAAGACAGAATGAGCCAAGTGA	60960
Query	619946	AATAGTTCAGAGAATCATGGGACCCATCCGTAATCAACCAAATTTTTCAGTGAAATATGA	620005
Sbjct	60961	AATAGTTCAGAGAATCATGGGACCCATCCGTAATCAACCAAATTTTTCAGTGAAATATGA	61020
Query	620006	AGAGCAACGGTCCAGCAAAAGGGTAAGGAAGGAATCCCATGCACTTGAATCTAAAACACT	620065
Sbjct	61021	AGAGCAACGGTCCAGCAAAAGGGTAAGGAAGGAATCCCATGCACTTGAATCTAAAACACT	61080
Query	620066	GACCTTTCTACATCAGCTGCAAGAGCATTACAAGAGGCCAGGGTTAAAAATAGCTGTAAG	620125
Sbjct	61081	GACCTTTCTACATCAGCTGCAAGAGCATTACAAGAGGCCAGGGTTAAAAATAGCTGTAAG	61140
Query	620126	TTCCCCATATGTGTGTATGTACATGTACCTGTCCTTCAGTCCTTTTGTAAGCATCCATGA	620185

Sbjct	61141	TTCCCCATATGTGTGATGTACATGTACCTGTCCCTTCAGTCCCTTTGTAAGCATCCATGA	61200
Query	620186	TTCCAAGAAGAAATGATATCCAGACTCAAGTAGCATGTAAATGCAAGGAGTGTTTTATTCT	620245
Sbjct	61201	TTCCAAGAAGAAATGATATCCAGACTCAAGTAGCATGTAAATGCAAGGAGTGTTTTATTCT	61260
Query	620246	GTAGAAGTTCTGTCATGCTGGGGTCTCCCATATCAAGATAGATACCCGAGTGAGCTTGCA	620305
Sbjct	61261	GTAGAAGTTCTGTCATGCTGGGGTCTCCCATATCAAGATAGATACCCGAGTGAGCTTGCA	61320
Query	620306	GGTTTGATTTAAAGCACATTGGGGAATTCCCAGGTAGGTGACCTTATCCTGCTCTACCTC	620365
Sbjct	61321	GGTTTGATTTAAAGCACATTGGGGAATTCCCAGGTAGGTGACCTTATCCTGCTCTACCTC	61380
Query	620366	TTAGGGAATGTTATTGGAGCATGGAGCCTGGAATCTGTTGTTGAGTAATTGAGGGTAGG	620425
Sbjct	61381	TTAGGGAATGTTATTGGAGCATGGAGCCTGGAATCTGTTGTTGAGTAATTGAGGGTAGG	61440
Query	620426	TGGCCTGACCTTGTTATATCTCTCtttttttttttggttcttttttttttttttttCGGG	620485
Sbjct	61441	TGGCCTGACCTTGTTATATCTCTCTTTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTTTTTTTTTCGGG	61500
Query	620486	GCTGGCGACCGAACCCAGGGCCTTGGGATTCTTAGGCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAA	620545
Sbjct	61501	GCTGGCGACCGAACCCAGGGCCTTGGGATTCTTAGGCAAGTGCTCTACCACTGAGCTAAA	61560
Query	620546	TCCCCAAACCTTGTTCTATCTCTTAAGGACATTGAGAACTATTACCTGGGTGTGAAGGC	620605
Sbjct	61561	TCCCCAAACCTTGTTCTATCTCTTAAGGACATTGAGAACTATTACCTGGGTGTGAAGGC	61620
Query	620606	TGGATACTGCTGCTGAGCCATTGTCTTACTTTAGGCCAAGTGGTGGGGCAGTTTCTGAC	620665
Sbjct	61621	TGGATACTGCTGCTGAGCCATTGTCTTACTTTAGGCCAAGTGGTGGGGCAGTTTCTGAC	61680
Query	620666	TAGTTGCATGAAGCCTCAGTTTTTAGTCCTAATCTCTTGAACGCCAATTTGAGACCTGT	620725
Sbjct	61681	TAGTTGCATGAAGCCTCAGTTTTTAGTCCTAATCTCTTGAACGCCAATTTGAGACCTGT	61740
Query	620726	CATGGAGTCAGCCTGTCTCATCATTTTACCCTCAGTTTGGGCCATCTCCAATCCTTGAGA	620785
Sbjct	61741	CATGGAGTCAGCCTGTCTCATCATTTTACCCTCAGTTTGGGCCATCTCCAATCCTTGAGA	61800
Query	620786	GATTTTAATAAAACTGTTCTGAAACAAACCAAACCTAAAGCACTGATTATGCAGAGACAGT	620845
Sbjct	61801	GATTTTAATAAAACTGTTCTGAAACAAACCAAACCTAAAGCACTGATTATGCAGAGACAGT	61860
Query	620846	AAGTCAAAGCTAACATCAGTAGAATCTGGCATGGATTCTTTGACCACCCCTGAGCAGCCA	620905
Sbjct	61861	AAGTCAAAGCTAACATCAGTAGAATCTGGCATGGATTCTTTGACCACCCCTGAGCAGCCA	61920
Query	620906	ACATAGAAACATCATTCGTATCTAAGGCTGCACAGAGTCCTCCCTACTAGAGGAACAGC	620965
Sbjct	61921	ACATAGAAACATCATTCGTATCTAAGGCTGCACAGAGTCCTCCCTACTAGAGGAACAGC	61980
Query	620966	AAGTCTAGGCCTCTTCTGTTCTCTCAGACCACTTCTGTGAGGGATGCATTATTTTCATCTC	621025
Sbjct	61981	AAGTCTAGGCCTCTTCTGTTCTCTCAGACCACTTCTGTGAGGGATGCATTATTTTCATCTC	62040
Query	621026	CTATTTTCCTGTATCTATCTCTATCTGTAGGGCCTTGAAATTTTATCTAGGAGTATTAG	621085
Sbjct	62041	CTATTTTCCTGTATCTATCTCTATCTGTAGGGCCTTGAAATTTTATCTAGGAGTATTAG	62100
Query	621086	GGCTGAGGCACCTACAATAGCAGCTCCAGCCAGCCCTATAGGCCAAGGAGAGAACCTAGA	621145
Sbjct	62101	GGCTGAGGCACCTACAATAGCAGCTCCAGCCAGCCCTATAGGCCAAGGAGAGAACCTAGA	62160
Query	621146	AACACAACAGAAGTGACCTGATGTGTGGAGGTGCTAGCTGGCTGGAGACATCCTCCCCAG	621205
Sbjct	62161	AACACAACAGAAGTGACCTGATGTGTGGAGGTGCTAGCTGGCTGGAGACATCCTCCCCAG	62220
Query	621206	AGTAGTAAGTCATTCTGGGTACATGGTGTACTAGAACATAAAAAATCCTCAGTCATATTTA	621265
Sbjct	62221	AGTAGTAAGTCATTCTGGGTACATGGTGTACTAGAACATAAAAAATCCTCAGTCATATTTA	62280
Query	621266	TAGCCAGGCCATAAATGTATGTAGTAAGCCCTGAAGTACGCGTTACAGTGCAGTGGCAGA	621325
Sbjct	62281	TAGCCAGGCCATAAATGTATGTAGTAAGCCCTGAAGTACGCGTTACAGTGCAGTGGCAGA	62340
Query	621326	GGTGGGAATCAGTTGGGGATATCTTCTTTCCAATGCAGAGTCCCTGTCTGGTAACCAACG	621385
Sbjct	62341	GGTGGGAATCAGTTGGGGATATCTTCTTTCCAATGCAGAGTCCCTGTCTGGTAACCAACG	62400
Query	621386	GTTCTTTGTTAAGTCCAGGGAGAGAGGAGTTAAGAACCAGCAATCTGATCTGCCTTCTTG	621445
Sbjct	62401	GTTCTTTGTTAAGTCCAGGGAGAGAGGAGTTAAGAACCAGCAATCTGATCTGCCTTCTTG	62460
Query	621446	CCAGCCACTGTGAACCTTGATGACAAGGTTTGTAGCATCTCCATTGGGGGAATCCAGATAG	621505
Sbjct	62461	CCAGCCACTGTGAACCTTGATGACAAGGTTTGTAGCATCTCCATTGGGGGAATCCAGATAG	62520

Query	621506	TAATGGGGCTAGTGGCTGGTGCAGCAAAATGTAGGCAGCAAGCAAGCAGGATCACTGGAG	621565
Sbjct	62521	TAATGGGGCTAGTGGCTGGTGCAGCAAAATGTAGGCAGCAAGCAAGCAGGATCACTGGAG	62580
Query	621566	TACTGGAGTCACAGTTTCAGTATCAACAGGGTATGGAGTGACCTTCCATTGTTCTGTG	621625
Sbjct	62581	TACTGGAGTCACAGTTTCAGTATCAACAGGGTATGGAGTGACCTTCCATTGTTCTGTG	62640
Query	621626	CCTGGAAGTCTCCTGTGCTGGGACCTTGACTGCTGGATCGTCTCTCCTCATAGGGTTAAC	621685
Sbjct	62641	CCTGGAAGTCTCCTGTGCTGGGACCTTGACTGCTGGATCGTCTCTCCTCATAGGGTTAAC	62700
Query	621686	ATGAGAGTGATGTATCCACATTCTGATCCTGTCCACCTTATCAGCCCTATGTGTGGTCAG	621745
Sbjct	62701	ATGAGAGTGATGTATCCACATTCTGATCCTGTCCACCTTATCAGCCCTATGTGTGGTCAG	62760
Query	621746	GAACACGGTGTAAGGCCCTTTCCAGCAAGGTTCCAGAGTCTTGTGGTTATATCTGTTAAT	621805
Sbjct	62761	GAACACGGTGTAAGGCCCTTTCCAGCAAGGTTCCAGAGTCTTGTGGTTATATCTGTTAAT	62820
Query	621806	CCAGATTTGTACATGGTTCAAAGTAATGGGGGCTACGGAGAGGGACAAACTCATAAACC	621865
Sbjct	62821	CCAGATTTGTACATGGTTCAAAGTAATGGGGGCTACGGAGAGGGACAAACTCATAAACC	62880
Query	621866	TGGCTGATGGAAGGCCAGAGTTGCGTGTAGATCCTATGGAGGGCTCCCAAGGATTTTTAA	621925
Sbjct	62881	TGGCTGATGGAAGGCCAGAGTTGCGTGTAGATCCTATGGAGGGCTCCCAAGGATTTTTAA	62940
Query	621926	AACGTTTGTGGTCATATTCAGCTAAGATACCGACTGGAGGTAGTGCAGCATGGGAGGGG	621985
Sbjct	62941	AACGTTTGTGGTCATATTCAGCTAAGATACCGACTGGAGGTAGTGCAGCATGGGAGGGG	63000
Query	621986	GCCTCCCATATAGGATCTCAAAAAGCAGAGAAACCTAAAATATAGGCAGTGTTCTTAGCT	622045
Sbjct	63001	GCCTCCCATATAGGATCTCAAAAAGCAGAGAAACCTAAAATATAGGCAGTGTTCTTAGCT	63060
Query	622046	GTAATAAAGGCATAAAGTAGGAGAGATTCCCAGTCGCTGCCAGTTTCAGGTGTAGATTTG	622105
Sbjct	63061	GTAATAAAGGCATAAAGTAGGAGAGATTCCCAGTCGCTGCCAGTTTCAGGTGTAGATTTG	63120
Query	622106	ATAAAGGCCGCCCTTCAGGGTCCGATTTCATCCCTTCTACTTGCCCTGAACCATGGGGAAGG	622165
Sbjct	63121	ATAAAGGCCGCCCTTCAGGGTCCGATTTCATCCCTTCTACTTGCCCTGAACCATGGGGAAGG	63180
Query	622166	TATGCATAATATAATTTTCTATTGGTTCCCCAGAATCTCTACCTATGGTAGAGGTGGAGT	622225
Sbjct	63181	TATGCATAATATAATTTTCTATTGGTTCCCCAGAATCTCTACCTATGGTAGAGGTGGAGT	63240
Query	622226	TACCTAAGAGAGGAATGCTGGTTCATTGTCAGACCGAAGCAGGGTAGGCAAACCATATCT	622285
Sbjct	63241	TACCTAAGAGAGGAATGCTGGTTCATTGTCAGACCGAAGCAGGGTAGGCAAACCATATCT	63300
Query	622286	GGGTATGATGTCTCTCCAGAAGCtttttttCCCCTATTTTGGCAGTCTCCCTCTCTGTGG	622345
Sbjct	63301	GGGTATGATGTCTCTCCAGAAGCTTTTTTTCCCCTATTTTGGCAGTCTCCCTCTCTGTGG	63360
Query	622346	GGTAGGCTTCTACCCATCCTGAAAAGGTATCCATAACAATTAGCAAATACTTGTGTCCAT	622405
Sbjct	63361	GGTAGGCTTCTACCCATCCTGAAAAGGTATCCATAACAATTAGCAAATACTTGTGTCCAT	63420
Query	622406	AAGTTCCTGGTTTTATTCTGTAGTCTATTTCCCAATTAGCCCTGGCTGTTGACCCCTG	622465
Sbjct	63421	AAGTTCCTGGTTTTATTCTGTAGTCTATTTCCCAATTAGCCCTGGCTGTTGACCCCTG	63480
Query	622466	ATTCTGGTTCCTGTAGTCTGAGGAGTTCACAGCCTGGCAGATGGCTCAGTCTGAGATTAC	622525
Sbjct	63481	ATTCTGGTTCCTGTAGTCTGAGGAGTTCACAGCCTGGCAGATGGCTCAGTCTGAGATTAC	63540
Query	622526	CTGATCAACCACGTGTCTTAAGTCAAATATTTTGTACCTTGCCCCTCACAAAAATTACTT	622585
Sbjct	63541	CTGATCAACCACGTGTCTTAAGTCAAATATTTTGTACCTTGCCCCTCACAAAAATTACTT	63600
Query	622586	CAGTTTGCAGTGACCAACAGTGAAGTTTAATGGATCTGATGGATGACTGGCTTAGCAAAC	622645
Sbjct	63601	CAGTTTGCAGTGACCAACAGTGAAGTTTAATGGATCTGATGGATGACTGGCTTAGCAAAC	63660
Query	622646	TTCTTAGGTAGGATGGTACAGCCTTCAGAGGTCAGCAACTGTCAGTCTCTTCTGAAAAC	622705
Sbjct	63661	TTCTTAGGTAGGATGGTACAGCCTTCAGAGGTCAGCAACTGTCAGTCTCTTCTGAAAAC	63720
Query	622706	CCTTGGCATTTCACCTGATGTCGTTTGTCTTCAGTAGTATACTCAGGGATGGTTAGGAGT	622765
Sbjct	63721	CCTTGGCATTTCACCTGATGTCGTTTGTCTTCAGTAGTATACTCAGGGATGGTTAGGAGT	63780
Query	622766	GCACTGGGCAGCAAAGCTATCAGGAGTTGGCAGCTTGAGTAGCCTCCCTTTTGGCTTTAT	622825
Sbjct	63781	GCACTGGGCAGCAAAGCTATCAGGAGTTGGCAGCTTGAGTAGCCTCCCTTTTGGCTTTAT	63840
Query	622826	CAGCTAGCCTGTTCCTCAGACAATTTCTGATGTCCCTGTCTGATTGATGCCCAGGGCAA	622885



Sbjct	63841	T A G C T A G C C T G T T C C C T C A G A C A A T T T C T G A T G T C C C T G T C T G A T T G A T G C C C A G G G C A A	63900
Query	622886	T G A A C T A T A G C C A T T T T T G A G A G T G T T T T G A A T A A A G C A A G T A T T C C T T C C T T A T T T T T G A	622945
Sbjct	63901	T G A A C T A T A G C C A T T T T T G A G A G T G T T T T G A A T A A A G C A A G T A T T C C T T C C T T A T T T T T G A	63960
Query	622946	T G G T T T T T C C T T G G G C A G T T A T T A G T C C T A T C T G C T G T C A G T G T A A A T G T T G G C T A T G G C	623005
Sbjct	63961	T G G T T T T T C C T T G G G C A G T T A T T A G T C C T A T C T G C T G T C A G T G T A A A T G T T G G C T A T G G C	64020
Query	623006	T C T T T T T T G C C A G T T T T A A G G C C T G G G T A A G A G C C T T T T G C T C A G C T T T C T G A G C T G A A G T	623065
Sbjct	64021	T C T T T T T T G C C A G T T T T A A G G C C T G G G T A A G A G C C T T T T G C T C A G C T T T C T G A G C T G A A G T	64080
Query	623066	T C C C A G C A G C A A A T C A G T G G T C C A A A T A A C A G G T C C A A G T C C A C T A C C A C C C C C T G C G	623125
Sbjct	64081	T C C C A G C A G C A A A T C A G T G G T C C A A A T A A C A G G T C C A A G T C C A C T A C C A C C C C C T G C G	64140
Query	623126	T C C C T G A C T C C A T T C T G G A T G A A G C T G C T C C T A T C C C T G T G G T A C A T A C G T T C C C C A T C A	623185
Sbjct	64141	T C C C T G A C T C C A T T C T G G A T G A A G C T G C T C C T A T C C C T G T G G T A C A T A C G T T C C C C A T C A	64200
Query	623186	G C C T G A C A C T C T G G A T G T G C C C C A G A A C T A T A C A G A G A G C A A A C A T G C T G C A C A T C T G T G	623245
Sbjct	64201	G C C T G A C A C T C T G G A T G T G C C C C A G A A C T A T A C A G A G A G C A A A C A T G C T G C A C A T C T G T G	64260
Query	623246	G C T G G G T C A G A G A G G A G G A T G G C T G G G T T T A G G G C A G A A G A T G G G T T A T A T C T T A T G T G A	623305
Sbjct	64261	G C T G G G T C A G A G A G G A G G A T G G C T G G G T T T A G G G C A G A A G A T G G G T T A T A T C T T A T G T G A	64320
Query	623306	G G G G A C T C A A A A G T A G A G C C T G A A A G T G C A C C A A C T G G G G T T G G A C A G C C A C T G G C T G G G	623365
Sbjct	64321	G G G G A C T C A A A A G T A G A G C C T G A A A G T G C A C C A A C T G G G G T T G G A C A G C C A C T G G C T G G G	64380
Query	623366	T G G A T T C T T G A G G G T C C C C T C A G T A G C A T G G G G G A G G G G A G A T A G T G A T A A C A A G T C C C T	623425
Sbjct	64381	T G G A T T C T T G A G G G T C C C C T C A G T A G C A T G G G G G A G G G G A G A T A G T G A T A A C A A G T C C C T	64440
Query	623426	G A C C C A T G G T T A C G T T G C C A G C A T C T T T G A C T A G A A G G A C A G T G G C A G C T G T G G T C C A G A	623485
Sbjct	64441	G A C C C A T G G T T A C G T T G C C A G C A T C T T T G A C T A G A A G G A C A G T G G C A G C T G T G G T C C A G A	64500
Query	623486	A G C A G G C T G G C C A T T T T T T G G C C C A C C G G G T C C A G C T T C T T A G A T A A A T C A G A C T C A G G T C	623545
Sbjct	64501	A G C A G G C T G G C C A T T T T T T G G C C C A C C G G G T C C A G C T T C T T A G A T A A A T C A G A C T C A G G T C	64560
Query	623546	T T T T C T A T G A T C C C A A A G T T T G G G T G A G C A C C C C T T T G C T G T C C C C T C T C T C T G A T C C A	623605
Sbjct	64561	T T T T C T A T G A T C C C A A A G T T T G G G T G A G C A C C C C T T T G C T G T C C C C T C T C T C T G A T C C A	64620
Query	623606	C A T A C A G G T G A A A T G G T T T T G T G A C T C T C T A G A G G G C C A A T G C T G C C A T C T C C A G T A A G G	623665
Sbjct	64621	C A T A C A G G T G A A A T G G T T T T G T G A C T C T C T A G A G G G C C A A T G C T G C C A T C T C C A G T A A G G	64680
Query	623666	C T C T T C T T A G A G T C T T A A G A G C T A C A T T C C T C T T A A G G G T C C A T C T A C T T T G T T T T C T T G	623725
Sbjct	64681	C T C T T C T T A G A G T C T T A A G A G C T A C A T T C C T C T T A A G G G T C C A T C T A C T T T G T T T T C T T G	64740
Query	623726	G T C C T G G A A G A C C T C A T A A G G C T T T T G G C T A G C T C A A G A C C T T T G C A C C C A A A G T C T A C A A	623785
Sbjct	64741	G T C C T G G A A G A C C T C A T A A G G C T T T T G G C T A G C T C A A G A C C T T T G C A C C C A A A G T C T A C A A	64800
Query	623786	A A C C T G T G A G A T C C C A G A A A T T C C T G T A C T T G C T T T A G G G T T G T T G C A C C T G G G A T G C T G	623845
Sbjct	64801	A A C C T G T G A G A T C C C A G A A A T T C C T G T A C T T G C T T T A G G G T T G T T G C A C C T G G G A T G C T G	64860
Query	623846	A G G A T G G T T T G C T T C C A G G T G T C C A A C A G C A T G T T G G C T G G C C C C G T T G A C T A T G C A T C	623905
Sbjct	64861	A G G A T G G T T T G C T T C C A G G T G T C C A A C A G C A T G T T G G C T G G C C C C G T T G A C T A T G C A T C	64920
Query	623906	C C A G A T A G G G G A C C T C A A G A T G A C A A A G C T G G G C C T G C C T T C T T A G C A G A C A C T G G G C A G	623965
Sbjct	64921	C C A G A T A G G G G A C C T C A A G A T G A C A A A G C T G G G C C T G C C T T C T T A G C A G A C A C T G G G C A G	64980
Query	623966	C C A A G T T G T C T C A G T T C C T G T A G G A G T C T C A T G C G G C C T C C T G G C A T G T C T C C A A G C C G G	624025
Sbjct	64981	C C A A G T T G T C T C A G T T C C T G T A G G A G T C T C A T G C G G C C T C C T G G C A T G T C T C C A A G C C G G	65040
Query	624026	G A G C C C T G C A A T A C A C A C A G G A A C A C A G T T A T T T G G G G T G G G C C C A C A G G T G C T G A C C C	624085
Sbjct	65041	G A G C C C T G C A A T A C A C A C A G G A A C A C A G T T A T T T G G G G T G G G C C C A C A G G T G C T G A C C C	65100
Query	624086	A A G T A C T C A G G C A G T G C C T C C T C C A A G G T T A T A G G T T C A G A G A C C A G A T C T T T T A A A T C C	624145
Sbjct	65101	A A G T A C T C A G G C A G T G C C T C C T C C A A G G T T A T A G G T T C A G A G A C C A G A T C T T T T A A A T C C	65160
Query	624146	A G A C T C C A T T T T A G A G A A C C T G C C C T A A G T T T G A A C T C A G G T T C A A A C A G G C A T T A G T T T	624205
Sbjct	65161	A G A C T C C A T T T T A G A G A A C C T G C C C T A A G T T T G A A C T C A G G T T C A A A C A G G C A T T A G T T T	65220

Query	624206	CCAAGTTACGccccagccccacccccAACAAAACCTGGGCCTCTCTCCAGTCTCTAGGC	624265
Sbjct	65221	CCAAGTTACGCCCCAGCCCCACCCCCAACAAAACCTGGGCCTCTCTCCAGTCTCTAGGC	65280
Query	624266	TCACCCCAGTAAGATCTGCACTCCAGGTTACACCCCCAACAGACCAGTGGCTCCAGGTT	624325
Sbjct	65281	TCACCCCAGTAAGATCTGCACTCCAGGTTACACCCCCAACAGACCAGTGGCTCCAGGTT	65340
Query	624326	ATTACCCCAACAGATCTGCAGCCCCAGGTTACAAGCCCCAACTCCCTTCCCCATCTCCT	624385
Sbjct	65341	ATTACCCCAACAGATCTGCAGCCCCAGGTTACAAGCCCCAACTCCCTTCCCCATCTCCT	65400
Query	624386	CACCCCCACTGCCTAATGAGCACCAATGCAGAGAGAAATAGAAATTGAGTCTACAATTTG	624445
Sbjct	65401	CACCCCCACTGCCTAATGAGCACCAATGCAGAGAGAAATAGAAATTGAGTCTACAATTTG	65460
Query	624446	ATCTCCAGGACCAGCCAGTTAAACTAAAGGCCTTAGTATCTTTCCAATTTAGATGCTTGC	624505
Sbjct	65461	ATCTCCAGGACCAGCCAGTTAAACTAAAGGCCTTAGTATCTTTCCAATTTAGATGCTTGC	65520
Query	624506	ACACTTATCTGCTCCCCCACCCCTTTGCTGCTTGCTGTAAAGCTTAATCCTGGATAGAT	624565
Sbjct	65521	ACACTTATCTGCTCCCCCACCCCTTTGCTGCTTGCTGTAAAGCTTAATCCTGGATAGAT	65580
Query	624566	GCTCAGGGCCCCCTTATTCCAACAAAAGAAGTCCTGCCTGAGGTAACTGAGGGGCT	624625
Sbjct	65581	GCTCAGGGCCCCCTTATTCCAACAAAAGAAGTCCTGCCTGAGGTAACTGAGGGGCT	65640
Query	624626	GAGCTAGCTTAACTAGAAATAAACCCCTCATGTGAGACTGCATTGGATCAGCTCCTGTCCGG	624685
Sbjct	65641	GAGCTAGCTTAACTAGAAATAAACCCCTCATGTGAGACTGCATTGGATCAGCTCCTGTCCGG	65700
Query	624686	TTTAATATTTAGTGGCACTAACAGCCTGCAGTCCTGAATCCTTGATGCAGGTGTGTCCAT	624745
Sbjct	65701	TTTAATATTTAGTGGCACTAACAGCCTGCAGTCCTGAATCCTTGATGCAGGTGTGTCCAT	65760
Query	624746	GTCAGTTGTCCCTTGAAGCCTCTCTCCAGTCTTGCCATTCAAAAACAAATAGAGGCTGG	624805
Sbjct	65761	GTCAGTTGTCCCTTGAAGCCTCTCTCCAGTCTTGCCATTCAAAAACAAATAGAGGCTGG	65820
Query	624806	CTTTAGGCCACAAAGCTATTCAAGTGTCTGAAGCTTTCAAAGGATGTCAGGGGCAGTTTG	624865
Sbjct	65821	CTTTAGGCCACAAAGCTATTCAAGTGTCTGAAGCTTTCAAAGGATGTCAGGGGCAGTTTG	65880
Query	624866	GTTAACAAAAGCCATGTTACAGCTGACTGTTACTCTCTGGCTTCTGGGTCAAAGCAGT	624925
Sbjct	65881	GTTAACAAAAGCCATGTTACAGCTGACTGTTACTCTCTGGCTTCTGGGTCAAAGCAGT	65940
Query	624926	ATAGGTCCTATAGGTTTAAAAAACTCTAGATATTCCCTGGGGTCCTCATTCTTTCCCTGC	624985
Sbjct	65941	ATAGGTCCTATAGGTTTAAAAAACTCTAGATATTCCCTGGGGTCCTCATTCTTTCCCTGC	66000
Query	624986	ATCACCTGGCTAACCTTACATAAATTTGTGGGCTATCCGGTGGCCTCTCAGAGCCCCAC	625045
Sbjct	66001	ATCACCTGGCTAACCTTACATAAATTTGTGGGCTATCCGGTGGCCTCTCAGAGCCCCAC	66060
Query	625046	CCCGCCCATCAGAATCTGGCACCTGTTCTTTAACAGCATTGCTAAATTCTCAGTCAGGTC	625105
Sbjct	66061	CCCGCCCATCAGAATCTGGCACCTGTTCTTTAACAGCATTGCTAAATTCTCAGTCAGGTC	66120
Query	625106	CAGTCCAAGGAAAGGCTGCACCTATATCAGCCTGAACTAGAGTAGGCAGCCCATTGCTC	625165
Sbjct	66121	CAGTCCAAGGAAAGGCTGCACCTATATCAGCCTGAACTAGAGTAGGCAGCCCATTGCTC	66180
Query	625166	CCAGAACCATTTTCTGGGTGGCTCCCAAGAACCCTCTCTCTTTTTCCTCTGTTGTGTAGT	625225
Sbjct	66181	CCAGAACCATTTTCTGGGTGGCTCCCAAGAACCCTCTCTCTTTTTCCTCTGTTGTGTAGT	66240
Query	625226	GCAGCTAGAGCTGACACCTGGGTTGACTGACACTCATCCCTGGTAAGTCAACATGACTGA	625285
Sbjct	66241	GCAGCTAGAGCTGACACCTGGGTTGACTGACACTCATCCCTGGTAAGTCAACATGACTGA	66300
Query	625286	ATCTAGAAGACCTGTGAGAGCTCATGTTCTATCTAAAAATGGGAGGGGGGTTTCTGCCAG	625345
Sbjct	66301	ATCTAGAAGACCTGTGAGAGCTCATGTTCTATCTAAAAATGGGAGGGGGGTTTCTGCCAG	66360
Query	625346	TTCCTGCAAATGGCACATGTGTCATGAACACATATTCCCCTGAACATCTGGGGGGAGATT	625405
Sbjct	66361	TTCCTGCAAATGGCACATGTGTCATGAACACATATTCCCCTGAACATCTGGGGGGAGATT	66420
Query	625406	CTACCTGGGTTCATAGCCTGGAGAGGTAAGGCCCTTAGTAGACTGCCCTCTGGAGAGTAT	625465
Sbjct	66421	CTACCTGGGTTCATAGCCTGGAGAGGTAAGGCCCTTAGTAGACTGCCCTCTGGAGAGTAT	66480
Query	625466	GGGCCTGAATGTGAGGTGGACTCCAAGTGGGGTCGGGGAGGTCAGGGGCTGCTCTTCCCT	625525
Sbjct	66481	GGGCCTGAATGTGAGGTGGACTCCAAGTGGGGTCGGGGAGGTCAGGGGCTGCTCTTCCCT	66540
Query	625526	CTGCCTGTGCTGGCTGAGGAAGGGTAGTGGCAGAGAGGCATGATGAGGAACATAGGAAG	625585

Sbjct	66541	CTGCCTGTGCTGGCTGAGGAAGGGTAGTGGCAGAGAGGGCATGATGAGGAACATAGGAAG	66600
Query	625586	GGGACAGAAATCCTCCTTTGGGAGCAGAAAGAGGAAGCAAGGCAAAGGGGCCGAGGCTGAT	625645
Sbjct	66601	GGGACAGAAATCCTCCTTTGGGAGCAGAAAGAGGAAGCAAGGCAAAGGGGCCGAGGCTGAT	66660
Query	625646	TCTCCTTTTAGAAGAAGAAGGGTGGGGAGCAGAGAGGCCATAACaaaaaaaGATTTCATC	625705
Sbjct	66661	TCTCCTTTTAGAAGAAGAAGGGTGGGGAGCAGAGAGGCCATAACAAAAAAGATTTCATC	66720
Query	625706	CAAACAGGGACTTCTCAACCAGGTATTGCCACGTGAAGATGTATGACAGTTGGTCTGGGT	625765
Sbjct	66721	CAAACAGGGACTTCTCAACCAGGTATTGCCACGTGAAGATGTATGACAGTTGGTCTGGGT	66780
Query	625766	GGCCTTAAAGTCTCATAACTAAACCTTCACCCTGTAAATGATGGGGAGATGGAAAGTCC	625825
Sbjct	66781	GGCCTTAAAGTCTCATAACTAAACCTTCACCCTGTAAATGATGGGGAGATGGAAAGTCC	66840
Query	625826	CCTCCTCAGTCTATAGGTGGGTCAATTCATTCTGCAGTTATGCCTAGCTTGTAGGGACAA	625885
Sbjct	66841	CCTCCTCAGTCTATAGGTGGGTCAATTCATTCTGCAGTTATGCCTAGCTTGTAGGGACAA	66900
Query	625886	ACTGCTAGCATTGGTCTAAGCTCCAcccccccccAGTTACCTGGCAACAGCCAGGTATGC	625945
Sbjct	66901	ACTGCTAGCATTGGTCTAAGCTCCACCCCCCCCCAGTTACCTGGCAACAGCCAGGTATGC	66960
Query	625946	ATGACACTATAAAAGGGGCTGATGGCCCCCTCCTCATTCTGTTGctctcttgccttact	626005
Sbjct	66961	ATGACACTATAAAAGGGGCTGATGGCCCCCTCCTCATTCTGTTGCTCTCTTGTCTTACT	67020
Query	626006	ctcttcccccttctgtccgtctctccacattccccctctccccctactcttCCAAGTACTCAT	626065
Sbjct	67021	CTCTTCCCCCTTTGTCCGTCTCTCCACATTCCCCCTCTCCCCTACTCTTCCAAGTACTCAT	67080
Query	626066	AGACAGCCTCTACTTCTCTATTTCTCTACTCTTATTCCCCCAGTCTCTCTAGGC	626125
Sbjct	67081	AGACAGCCTCTACTTCTCTATTTCTCTACTCTTATTCCCCCAGTCTCTCTAGGC	67140
Query	626126	TTCTGCCACCCTCCCTGCCTGGTTGCTGACTTTGCAGCCTCTAGTTCTAATGGTGGGCTG	626185
Sbjct	67141	TTCTGCCACCCTCCCTGCCTGGTTGCTGACTTTGCAGCCTCTAGTTCTAATGGTGGGCTG	67200
Query	626186	GGAGAGCAGAAGCAGGTCTGGCCTAGCCCCCTTGAGTCTGCTGGAGACTGGCTGAGGAGA	626245
Sbjct	67201	GGAGAGCAGAAGCAGGTCTGGCCTAGCCCCCTTGAGTCTGCTGGAGACTGGCTGAGGAGA	67260
Query	626246	CCTTCTCTTTCCCTGTGTGCAGCCATCTTCCCTCCCAAGTGTTCCAGTGCTCGCTAGctc	626305
Sbjct	67261	CCTTCTCTTTCCCTGTGTGCAGCCATCTTCCCTCCCAAGTGTTCCAGTGCTCGCTAGCTC	67320
Query	626306	tctgtctctctctccctatctctctctctctctcttctctccttctgtcttgcctctcttctc	626365
Sbjct	67321	TCTGTCTCTCTCTCCCTATCTCTCTCTCTCTCTTTCTCCTTCTGTCTTGCTCTCTTTCTC	67380
Query	626366	tttccgtgtctccatctgtctgtctatgtctctgtcttctctgttctctctgtctcttat	626425
Sbjct	67381	TTTCCGTGTCTCCATCTGTCTGTCTATGTCTCTGTCTTTCTCTGTTCTCTCTGTCTCTAT	67440
Query	626426	ctctcttgccttctctgtctctctgtctctctatattctctgtctctctgtctctctcctt	626485
Sbjct	67441	CTCTCTTGCTTTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTATTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTCCTT	67500
Query	626486	ctgtctcgctctctttccctctgtgtctccatctgtctgtctatgtctctgtctgactct	626545
Sbjct	67501	CTGTCTCGCTCTCTTTCCCTCTGTGTCTCCATCTGTCTGTCTATGTCTCTGTCTGACTCT	67560
Query	626546	attctctctgtctctctgtctctctcttctccttctgtctctccttctctctctgtgtgtg	626605
Sbjct	67561	ATTCTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTTTCTCCTTCTGTCTCTCCTTCTCTCTGTGTGTG	67620
Query	626606	tctctctgtctctctatattctctgtctctgtatattctctctctgtctctctgtttctatt	626665
Sbjct	67621	TCTCTCTGTCTCTCTATTTCTCTGTCTCTGTATTTCTCTCTCTGTCTCTCTGTTTCTATT	67680
Query	626666	ctctctgcctctgtctctctctctgcctctgtctctcatggctctctctgtctctcttgtttt	626725
Sbjct	67681	CTCTCTGCCTCTGTCTCTCTCTGCCTCTGTCTCTCATGGTCTCTCTGTCTCTTGTTTT	67740
Query	626726	ctctatattctctttctctgtctctctcttctctctctgtcttctctgtgtctctctgtct	626785
Sbjct	67741	CTCTATTTCTCTTTCTCTGTCTCTCTCTTTCTCTCTGTCTTTCTCTGTGTCTCTCTGTCT	67800
Query	626786	ctctcttttctccttctgtctctctctcttctctctgtgtgtctccatctgtctgtctctct	626845
Sbjct	67801	CTCTCTTTCTCCTTCTGTCTCTCTCTTTCTCTCTGTGTCTCCATCTGTCTGTCTCTCT	67860
Query	626846	atgtctctgtctctattctctctgtttctggctctctcttactttctctgtctccctgtc	626905
Sbjct	67861	ATGTCTCTGTCTCTATTCTCTCTGTTTCTGGCTCTCTTACTTTCTCTGTCTCCCTGTC	67920

Query	626906	ttttctctttctctgttactctgtctctctctgtatctctctctttctctctctctgtctc	626965
Sbjct	67921	TTTCTCTTTCTCTGTTACTCTGTCTCTCTCTGTATCTCTCTCTTTCTCTCTCTGTCTC	67980
Query	626966	cctctgtctctctctctgtctttctttgtctctctatctctgtctctctgtctgtctc	627025
Sbjct	67981	CCTCTGTCTCTCTCTGTCTTTCTTTGTCTCTCTATTTCTCTGTCTCTCTGTCTGTCTC	68040
Query	627026	tattctctctctccgtgtctctctcggctctctgtctctcatggactttctctgtctcttg	627085
Sbjct	68041	TATTCTCTCTCTCCGTGTCTCTCTCGGTCTCTGTCTCTCATGGACTTTCTCTGTCTCTTG	68100
Query	627086	ctttctctatcttctctttctctctctctttctctctgtctctatctctctatctt	627145
Sbjct	68101	CTTTCTCTATTTCTCTTTCTCTCTCTTTCTCTCTGTCTCTATTTCTCTATCTCTATTT	68160
Query	627146	ctctctctgtctctccgtttgtctgtctctctgtctgtctctgtctctctctgcctct	627205
Sbjct	68161	CTCTCTCTGTCTCTCCGTTTGTCTGTCTCTCTGTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGCGCTCT	68220
Query	627206	gtctctctgtctctctctgtctttctctttctcctcagctctctctgactctctgtctgtc	627265
Sbjct	68221	GTCTCTCTGTCTCTCTGTCTTTCTCTTTCTCCTCAGTCTCTCTGACTCTCTGTCTGTCT	68280
Query	627266	tatctatctctgtcactctgcctctgtctttctgtctttctctgtttctcctctgtctct	627325
Sbjct	68281	TATCTATCTCTGTCACTCTGCCTCTGTCTTTCTGTCTTTCTCTGTTTCTCCTCTGTCTCT	68340
Query	627326	ctctgtctctctttctctctctgtctgcctctctgtccctctgtctctcctctctgactc	627385
Sbjct	68341	CTCTGTCTCTCTTTCTCTCTGTCTGCCTCTCTGTCCCTCTGTCTCTCCTCTCTGACTC	68400
Query	627386	tctctatctctctatctctctatcttctctctctgtctctctgtctgtatctgtctgtctc	627445
Sbjct	68401	TCTCTATCTCTCTATCTCTCTATTTCTCTCTGTCTCTGTCTGTATCTGTCTGTCTCTC	68460
Query	627446	tctgcctctgtgtctgtctgtctctctatgtctctctctgtctctctcatggctctc	627505
Sbjct	68461	TCTGCCTCTGTGTCTGTCTGTCTCTCTATGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCATGGTCTC	68520
Query	627506	tgtctccctgtctttctctttctctgtctctctgtctctctctgtatctctctctttctc	627565
Sbjct	68521	TGTCTCCCTGTCTTTCTCTTTCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTGTATCTCTCTCTTTCTC	68580
Query	627566	tctctctgtctccgtctgtctctctctctgtctttctttgtctctctattcctctgtctc	627625
Sbjct	68581	TCTCTCTGTCTCCGTCTGTCTCTCTCTCTGTCTTTCTTTGTCTCTCTATTCTCTGTCTCT	68640
Query	627626	tctgtctgtctctatctctctgtctgtgtctctttcgggtctctgtctctcacggactct	627685
Sbjct	68641	TCTGTCTGTCTCTATTCTCTCTGTCTGTGTCTCTTTCCGTCTCTGTCTCTCACGGACTCT	68700
Query	627686	ctctgtctctctctcttgcctttctgtattctctctttctcgcctctctctttctctgtgtctct	627745
Sbjct	68701	CTCTGTCTCTCTCTTGCTTTCTGTATTCTCTTTCTCGCTCTCTCTTTCTCTGTGTCTCT	68760
Query	627746	atctctctatctttctatctctctctctgtctctccgtttgtctgtctctctgtctgtct	627805
Sbjct	68761	ATCTCTCTATCTTTCTATTTCTCTCTCTGTCTCTCCGTTTGTCTGTCTCTCTGTCTGTCT	68820
Query	627806	ctgtctgtctctctgcctctgtctctctgtctctctctgtctttctctttctcctcagtc	627865
Sbjct	68821	CTGTCTGTCTCTCTGCCTCTGTCTCTCTGTCTCTCTGTCTTTCTCTTTCTCCTCAGTC	68880
Query	627866	tctctgactatctgtctgtctgtctctctctgtcactctgcctctgtcttactgtctttc	627925
Sbjct	68881	TCTCTGACTATCTGTCTGTCTGTCTCTCTGTCACTCTGCCTCTGTCTTACTGTCTTTC	68940
Query	627926	tctgtttctcctctgtctatctctctgtctctctttctctctctgtctgcctctctgtcc	627985
Sbjct	68941	TCTGTTTCTCCTCTGTCTATCTCTCTGTCTCTTTCTCTCTCTGTCTGCCTCTCTGTCC	69000
Query	627986	tctgtctctctcctctctgactctctctatctctctatctttgtctctgtctccctctgac	628045
Sbjct	69001	TTCTGTCTCTCCTCTCTGACTCTCTCTATCTCTCTATCTTTGTCTCTGTCTCCCTCTGAC	69060
Query	628046	tctctctctgtctctctctttttctctgtctctctctctctctgtgtctctctctctgac	628105
Sbjct	69061	TCTCTCTCTGTCTCTCTCTTTTCTCTGTCTCTCTCTCTCTGTCTCTCTCTCTCTGAC	69120
Query	628106	tctcagctctctctatctctctccatgactctctctttctgtctccctctctgtctctctc	628165
Sbjct	69121	TCTCAGTCTCTCTATCTCTCTCCATGACTCTCTCTTTCTGTCTCCCTCTCTGTCTCTCTC	69180
Query	628166	tccctctctctgtctctgtctgtgtgtcctgcgtgtgtatgtgtgtttgggactgtgtctc	628225
Sbjct	69181	TCCCTCTCTCTGTCTCTGTCTGTGTGTCTGCGTGTGTATGTGTGTTGGGACTGTGCTC	69240
Query	628226	ctgctctctgcccgcagcaggctcaaaagaaaaaaaaTACAGCTTTCGCCCTGTCCCT	628285

Sbjct	69241	CTGCTCTCTGCCCGCAGCAGGCTCAAAAGAAAAAAATACAGCTTTTCGCCCTGTCCCCT	69300
Query	628286	TTCATAATCTGTTTGTCACCCACCGCAATAATAGCATACTCATTGCTGGGATGGGAAACA	628345
Sbjct	69301	TTCATAATCTGTTTGTCACCCACCGCAATAATAGCATACTCATTGCTGGGATGGGAAACA	69360
Query	628346	GGTACTTTGAGTCCTCCTTGTCCCCCACCCEAACAGGGCTGGGCCTGAAACAGTGGTC	628405
Sbjct	69361	GGTACTTTGAGTCCTCCTTGTCCCCCACCCEAACAGGGCTGGGCCTGAAACAGTGGTC	69420
Query	628406	AGGGACTTGCGATGCCAGGTGGAAACTCTGCCACATGCCAGGTGGAAC TAGGAGCGTG	628465
Sbjct	69421	AGGGACTTGCGATGCCAGGTGGAAACTCTGCCACATGCCAGGTGGAAC TAGGAGCGTG	69480
Query	628466	CACCGCAGAACC AAAGAACCAACCTCTCGGCTGCCCTCTACCTCAACTATGTGCATGCGT	628525
Sbjct	69481	CACCGCAGAACC AAAGAACCAACCTCTCGGCTGCCCTCTACCTCAACTATGTGCATGCGT	69540
Query	628526	GTATGCATGCATGCGTGTGCCACTCCTGTCCCTACCTAGCTCCACAGACTAGCCATTAC	628585
Sbjct	69541	GTATGCATGCATGCGTGTGCCACTCCTGTCCCTACCTAGCTCCACAGACTAGCCATTAC	69600
Query	628586	CAAGACTGGCCTGTGTT CAGTTCCATCACTCTCTCCCTCACAGCACAAC TTTCTTATTCC	628645
Sbjct	69601	CAAGACTGGCCTGTGTT CAGTTCCATCACTCTCTCCCTCACAGCACAAC TTTCTTATTCC	69660
Query	628646	TTTCTCTACCTACAAAACCTGTCAAAGTTCGGTATTATGACTTTCATTCTTATCCTGTC	628705
Sbjct	69661	TTTCTCTACCTACAAAACCTGTCAAAGTTCGGTATTATGACTTTCATTCTTATCCTGTC	69720
Query	628706	TGATAGGATTTTTTGCTACTGCCGTTAAATTATGGTATGCTCTATT CAGATATTACTAGGC	628765
Sbjct	69721	TGATAGGATTTTTTGCTACTGCCGTTAAATTATGGTATGCTCTATT CAGATATTACTAGGC	69780
Query	628766	AATATAGCCCCCGATCTTGTTAGAAATCTGCTAATTATTAATATATTTAAGTTTATGAGA	628825
Sbjct	69781	AATATAGCCCCCGATCTTGTTAGAAATCTGCTAATTATTAATATATTTAAGTTTATGAGA	69840
Query	628826	CAGAATCTTCTGAAATCTCTAACAGTTTGCCCCACAAGGTTTCAGAAGATATGAACACAG	628885
Sbjct	69841	CAGAATCTTCTGAAATCTCTAACAGTTTGCCCCACAAGGTTTCAGAAGATATGAACACAG	69900
Query	628886	CTTCAAGAGTCTGCTTGGATTGTGATATGATAGCCACTGAGAAACACAGTGTACAAAAC T	628945
Sbjct	69901	CTTCAAGAGTCTGCTTGGATTGTGATATGATAGCCACTGAGAAACACAGTGTACAAAAC T	69960
Query	628946	GGATACCCTTAGAGTCAAATGATTTATCTAAATTAAGGTAAGTCAAAAATCTCATGT CAC	629005
Sbjct	69961	GGATACCCTTAGAGTCAAATGATTTATCTAAATTAAGGTAAGTCAAAAATCTCATGT CAC	70020
Query	629006	ACCTATCCATTACACAGAGAAAAAGCTCTGTGTCTTCTGGGCTCCAAAGCCAGACTGAGT	629065
Sbjct	70021	ACCTATCCATTACACAGAGAAAAAGCTCTGTGTCTTCTGGGCTCCAAAGCCAGACTGAGT	70080
Query	629066	CTGCCCAAGTTGCCATGGAGACCTTAGGGAAC TGTGGGTAGTACACTCTGTCATGTTTT	629125
Sbjct	70081	CTGCCCAAGTTGCCATGGAGACCTTAGGGAAC TGTGGGTAGTACACTCTGTCATGTTTT	70140
Query	629126	AAATAACATATGACTGCTAGATTATAAGCTATTCCAGATTTCTGACTACATTGACAGCT	629185
Sbjct	70141	AAATAACATATGACTGCTAGATTATAAGCTATTCCAGATTTCTGACTACATTGACAGCT	70200
Query	629186	AAGGTAGCTGTAGCTTAACAAC TAGGACACAGACTCTAAACTCAGTTTCTAGCGACTAGT	629245
Sbjct	70201	AAGGTAGCTGTAGCTTAACAAC TAGGACACAGACTCTAAACTCAGTTTCTAGCGACTAGT	70260
Query	629246	TCAGCCGTAAGCCTTCACAGATGGAATTGGTTGTTTCCTTATCTAAACCTGGATCCC GTT	629305
Sbjct	70261	TCAGCCGTAAGCCTTCACAGATGGAATTGGTTGTTTCCTTATCTAAACCTGGATCCC GTT	70320
Query	629306	GATTAAATGTTTCATATcccccccttttttttGTTTTCAGTTTAAACATTTTAAACCA	629365
Sbjct	70321	GATTAAATGTTTCATATCCCCCCCCTTTT TTTTGT TTTTCAGTTTAAACATTTTAAACCA	70380
Query	629366	GGGTTGATCACAAACAGTCAACAGCACAAACAGAGGGGGAGCATAGCTATTGCCAACCCGGT	629425
Sbjct	70381	GGGTTGATCACAAACAGTCAACAGCACAAACAGAGGGGGAGCATAGCTATTGCCAACCCGGT	70440
Query	629426	CAGCTGAGGCTCTAGGAAGAGCTTTAGCTTTGTGATACAAGGGACCCCTAGACCCCCAAG	629485
Sbjct	70441	CAGCTGAGGCTCTAGGAAGAGCTTTAGCTTTGTGATACAAGGGACCCCTAGACCCCCAAG	70500
Query	629486	GCTGCAGGCTGTCTTCCCTCTCCCCCTGGCCTCCCCCACCAGCGAGGTGGCATCTATGA	629545
Sbjct	70501	GCTGCAGGCTGTCTTCCCTCTCCCCCTGGCCTCCCCCACCAGCGAGGTGGCATCTATGA	70560
Query	629546	GGCCCTGCAGATGGCACTCTCCCTCTTCCAGTCTCTGTGGCTCACAACCAGGCTAAGGGG	629605
Sbjct	70561	GGCCCTGCAGATGGCACTCTCCCTCTTCCAGTCTCTGTGGCTCACAACCAGGCTAAGGGG	70620

Query	629606	CAGAGGTAGCTGGGGAGACAAGGGGGTACACGAGGCCCAGGTGGCAGTGAGGGAGCTTGG	629665
Sbjct	70621	CAGAGGTAGCTGGGGAGACAAGGGGGTACACGAGGCCCAGGTGGCAGTGAGGGAGCTTGG	70680
Query	629666	AACCTTGAGGAGGGCATGCTGACTCCTTGCTGGAGAAAAGGCACCTAAATAGGGAAGCTG	629725
Sbjct	70681	AACCTTGAGGAGGGCATGCTGACTCCTTGCTGGAGAAAAGGCACCTAAATAGGGAAGCTG	70740
Query	629726	GACTTGTGGGCCTCCCAGGGAGACACGGGTTAAAGGGAGCAGTATGGTGAAAACCTCCAAT	629785
Sbjct	70741	GACTTGTGGGCCTCCCAGGGAGACACGGGTTAAAGGGAGCAGTATGGTGAAAACCTCCAAT	70800
Query	629786	TCTGGTTCCCACTGCCAACATCCTACAGGGAAAGGTAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTA	629845
Sbjct	70801	TCTGGTTCCCACTGCCAACATCCTACAGGGAAAGGTAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTA	70860
Query	629846	TGCCTGAAACCTGTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCACACCCTGCTCCCCAAGCCCAGCT	629905
Sbjct	70861	TGCCTGAAACCTGTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCACACCCTGCTCCCCAAGCCCAGCT	70920
Query	629906	TCCCACTGCCAACATCCTACAGGGAAAGGTAAGTGAGAGATAAAATTTTGAATTAACTCA	629965
Sbjct	70921	TCCCACTGCCAACATCCTACAGGGAAAGGTAAGTGAGAGATAAAATTTTGAATTAACTCA	70980
Query	629966	AAACACAGTAACAAGATCTGACTGAGGAAGACAGATGGCTAAAATTACAGAAGAACTGAT	630025
Sbjct	70981	AAACACAGTAACAAGATCTGACTGAGGAAGACAGATGGCTAAAATTACAGAAGAACTGAT	71040
Query	630026	ACTGACACAGTTGTTTTATCACCAGTGTGAGCAGTCGTTCTGTCTCAGTGATGTTTGT	630085
Sbjct	71041	ACTGACACAGTTGTTTTATCACCAGTGTGAGCAGTCGTTCTGTCTCAGTGATGTTTGT	71100
Query	630086	AAGCCCCTTATACCTTACAGAGAACATTCCAGGAAACCTGCCGCCCCAAAGCCTAACCAG	630145
Sbjct	71101	AAGCCCCTTATACCTTACAGAGAACATTCCAGGAAACCTGCCGCCCCAAAGCCTAACCAG	71160
Query	630146	ATGTGTTTCAGATGCAGATGCTTCATCAACTCCGACCCACATTTACTCTGACAGGACAAG	630205
Sbjct	71161	ATGTGTTTCAGATGCAGATGCTTCATCAACTCCGACCCACATTTACTCTGACAGGACAAG	71220
Query	630206	AGATAAGATTTGCTCTCGGAATAATGAGGACTCGAAGACCCGACCCCTTCTGATTTAGTAG	630265
Sbjct	71221	AGATAAGATTTGCTCTCGGAATAATGAGGACTCGAAGACCCGACCCCTTCTGATTTAGTAG	71280
Query	630266	CTTTGTTCCAGAAATGGGGGGCCATAAAACCTTTTGGCTTCCCTCATCTCCTGGGGCCA	630325
Sbjct	71281	CTTTGTTCCAGAAATGGGGGGCCATAAAACCTTTTGGCTTCCCTCATCTCCTGGGGCCA	71340
Query	630326	TAAAACCTTTTGGTGCCCCCTTATCCTCTAGAGTCATAAAACAGTTAGACATCTTACAAC	630385
Sbjct	71341	TAAAACCTTTTGGTGCCCCCTTATCCTCTAGAGTCATAAAACAGTTAGACATCTTACAAC	71400
Query	630386	TCTGTGATATCTCTGGCATTCCTTTCTGATATCCCTTTTCCCTGAGGCTCGAGGCCTC	630445
Sbjct	71401	TCTGTGATATCTCTGGCATTCCTTTCTGATATCCCTTTTCCCTGAGGCTCGAGGCCTC	71460
Query	630446	TCCCTTTTAAAAAGCCCTCTCCCAACCACTCGGGGTCGACACCTCTGTCTCCTGCGTGG	630505
Sbjct	71461	TCCCTTTTAAAAAGCCCTCTCCCAACCACTCGGGGTCGACACCTCTGTCTCCTGCGTGG	71520
Query	630506	GATATGTGTGCGCCCGGAGATCTCTGTAATAGGTCTCCGTAATAAACCTCGCCTTTGCTA	630565
Sbjct	71521	GATATGTGTGCGCCCGGAGATCTCTGTAATAGGTCTCCGTAATAAACCTCGCCTTTGCTA	71580
Query	630566	ATTACATCCGAAATGGTCTCTCTGTGTCTGGGGTCCGCGATTTCCCAAGACTTGAGTAAG	630625
Sbjct	71581	ATTACATCCGAAATGGTCTCTCTGTGTCTGGGGTCCGCGATTTCCCAAGACTTGAGTAAG	71640
Query	630626	GGTCTCTCTGCGTGGGATCTTTCAGTAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTATGCCTGAAAC	630685
Sbjct	71641	GGTCTCTCTGCGTGGGATCTTTCAGTAAGGAATCCTGGAGCAGAGCCTTATGCCTGAAAC	71700
Query	630686	CTGTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCCACCCCTGCTCCCCAAGCCCAAGTCCTTCCCATT	630745
Sbjct	71701	CTGTCTGAGGGAGCCTCATCCTTTCCACCCCTGCTCCCCAAGCCCAAGTCCTTCCCATT	71760
Query	630746	GCCAGCTGTAGGCCATGTGCTGGGAGAGAATGGATGTTAAAGGGGTCTCAGGCTGTCTT	630805
Sbjct	71761	GCCAGCTGTAGGCCATGTGCTGGGAGAGAATGGATGTTAAAGGGGTCTCAGGCTGTCTT	71820
Query	630806	GGTGCCTCAGCCACCTCCTCGTGGGCCCAGAGCTCCACGTGGTGTTTTGGACCAAACCC	630865
Sbjct	71821	GGTGCCTCAGCCACCTCCTCGTGGGCCCAGAGCTCCACGTGGTGTTTTGGACCAAACCC	71880
Query	630866	CTCATCTTAGTTGCCTTTTGCTCTTAAACAGCTGCTGAAAGTGAGGTTTGCAGTAAATGC	630925
Sbjct	71881	CTCATCTTAGTTGCCTTTTGCTCTTAAACAGCTGCTGAAAGTGAGGTTTGCAGTAAATGC	71940
Query	630926	ACGTGCATTGCAGCATAACTGCCCAGGCTGAATTTGGTGCGGCAGTGTTTCGCAACAGAAA	630985

[illegible]

Query	632306	TCTGTCTAAGCTCCACCCCATAGGTTACCTGGCAACAAGAGTCAGGTATGCCTGACTATA	632365
Sbjct	73321	TCTGTCTAAGCTCCACCCCATAGGTTACCTGGCAACAAGAGTCAGGTATGCCTGACTATA	73380
Query	632366	TAAAAGGGGATGCTTCCCCTCCTCActctcttgttctcttccctccctcttgctttcttac	632425
Sbjct	73381	TAAAAGGGGATGCTTCCCCTCCTCACTCTCTTGTTCTCTTCCCTCCCTCTTGCTTTCTTAC	73440
Query	632426	caactctttcccttgtcccttctccccccattccctccctccACCTCCACATGCTCACA	632485
Sbjct	73441	CAACTCTTTCCCTTGTCCTTCTCCCCCATTCCTCCCTCCACCTCCACATGCTCACA	73500
Query	632486	GCTGGcctctctgcctctctacttctctactcctctactccttctccctccacctctccc	632545
Sbjct	73501	GCTGGCCTCTCTGCCTCTCTACTTCTCTACTCCTCTACTCCTTCTCCCTCCACCTCTCCC	73560
Query	632546	cctccctctccctccccctccccctctctctcctccctccctctccctcactccctttg	632605
Sbjct	73561	CCTCCCTCTCCCTCCCCCTCCCCCTCTCTCTCCCTCCCTCCCTCTCCCTCACTCCCTTTG	73620
Query	632606	tcctccctctcctcctcctcctccccctctgtctccctctccctcccaactcacctctc	632665
Sbjct	73621	TCCCTCCCTCTCCTCCTCCTCCTCCCCCTCTGTCTCCCTCTCCCTCCCACTCACCTCTC	73680
Query	632666	tctcccactctccctctctcctgtgcctctactacctcttaactcctctccccATGCCC	632725
Sbjct	73681	TCTCCCACTCTCCCTCTCTCTGTGCCTCTACTACCTCTTAACTCCTCTCCCCATGCCC	73740
Query	632726	TGGATAAACTTTATACTATACTGTATTATCCTGGGTTGGTTCCCTCAGGGGAAGGGATGTC	632785
Sbjct	73741	TGGATAAACTTTATACTATACTGTATTATCCTGGGTTGGTTCCCTCAGGGGAAGGGATGTC	73800
Query	632786	TCAGCATGGGCCTGCAGAGGCACCCCTTTCCCTTATACCTCACCACACCTCCATAGAACA	632845
Sbjct	73801	TCAGCATGGGCCTGCAGAGGCACCCCTTTCCCTTATACCTCACCACACCTCCATAGAACA	73860
Query	632846	TATCCCCACTCTTTATCTTTTCATAAACACATCGTAAACAACCAGACCCAAGTCTTCTGT	632905
Sbjct	73861	TATCCCCACTCTTTATCTTTTCATAAACACATCGTAAACAACCAGACCCAAGTCTTCTGT	73920
Query	632906	GACTCTGTGAGGTCCATAAATGGTTTCAGGATCAGCCCCAGTGGAATGCTTTGTGCCTGCC	632965
Sbjct	73921	GACTCTGTGAGGTCCATAAATGGTTTCAGGATCAGCCCCAGTGGAATGCTTTGTGCCTGCC	73980
Query	632966	CCGTCTAGGAATTAAAGAAAAATTTGTAGGAGAGGACAAAAAGCACAAACAGAATACAC	633025
Sbjct	73981	CCGTCTAGGAATTAAAGAAAAATTTGTAGGAGAGGACAAAAAGCACAAACAGAATACAC	74040
Query	633026	ACACAGAGTGACATAGAAGGACATTCCCAGAAAAACAAAACTGAACCAAATGCTGTCTC	633085
Sbjct	74041	ACACAGAGTGACATAGAAGGACATTCCCAGAAAAACAAAACTGAACCAAATGCTGTCTC	74100
Query	633086	AGATGGTCTGGGCTGCCGCCACCTGTCCACCCACAAATTGCCACTGGCCACCTCAGGCTC	633145
Sbjct	74101	AGATGGTCTGGGCTGCCGCCACCTGTCCACCCACAAATTGCCACTGGCCACCTCAGGCTC	74160
Query	633146	CCTGACCCTGCTCCCCCTCACATGCAGTCTGAGCCAGTTCCCTACTTGGCCTCCCACCACC	633205
Sbjct	74161	CCTGACCCTGCTCCCCCTCACATGCAGTCTGAGCCAGTTCCCTACTTGGCCTCCCACCACC	74220
Query	633206	AATACCCTAAGCTGGCTTGGCTATGCCCTTATGGTTTTCTTTCTCAGCCTTGCTGTATT	633265
Sbjct	74221	AATACCCTAAGCTGGCTTGGCTATGCCCTTATGGTTTTCTTTCTCAGCCTTGCTGTATT	74280
Query	633266	TGGAAATCAAAGTTTGCCATCACTAACATTTCAGAAATCCTTTATTACTGGCATTGTAAC	633325
Sbjct	74281	TGGAAATCAAAGTTTGCCATCACTAACATTTCAGAAATCCTTTATTACTGGCATTGTAAC	74340
Query	633326	TACTTGTAAGATGAGTAATTGACAAGAATGACAATCAGAATTTGTGGTTCTGGCTCAGT	633385
Sbjct	74341	TACTTGTAAGATGAGTAATTGACAAGAATGACAATCAGAATTTGTGGTTCTGGCTCAGT	74400
Query	633386	AGCATTTAGACTTCATTTGGGTGAGTTTCCCTTACCTTTGTAAACAAGCAACTGTTGATG	633445
Sbjct	74401	AGCATTTAGACTTCATTTGGGTGAGTTTCCCTTACCTTTGTAAACAAGCAACTGTTGATG	74460
Query	633446	TCTGAAAGCCAGGTGCTAACTAAGCTTGTTCCTAGAAGAACAGTCTCTCAGGAAATTCTT	633505
Sbjct	74461	TCTGAAAGCCAGGTGCTAACTAAGCTTGTTCCTAGAAGAACAGTCTCTCAGGAAATTCTT	74520
Query	633506	TTTCTAATGgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtg	633565
Sbjct	74521	TTTCTAATGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG	74580
Query	633566	tgGTTTGTAATGTTGATTGTCTTTGTTTGAATTTCAATTATCAGAGAACAAAGGATCTC	633625
Sbjct	74581	TGGTTTGTAATGTTGATTGTCTTTGTTTGAATTTCAATTATCAGAGAACAAAGGATCTC	74640
Query	633626	ACAGTCCCTGGTCAGTAGGAAGTTAATATCCAGGGACCAAAACTGCTTATTTCAGAGAT	633685



Sbjct	74641	TCCCTGGTCAGTAGGAAGTTAATATCCAGGGACCAAAAAC TGCTTATTCAGAGAT	74700
Query	633686	AAAAGAAACTTCTTTAGTTAAACAAAATTAGCTAACAGCAGTTTAATTTTACAGTTTGTG	633745
Sbjct	74701	AAAAGAAACTTCTTTAGTTAAACAAAATTAGCTAACAGCAGTTTAATTTTACAGTTTGTG	74760
Query	633746	TCATTAAGTGCTTTGAAACCTTGGACATAAAGCCAAAATAATACTTCTTGT CACAATTCC	633805
Sbjct	74761	TCATTAAGTGCTTTGAAACCTTGGACATAAAGCCAAAATAATACTTCTTGT CACAATTCC	74820
Query	633806	AGAGTTTCAATATACTTTTGTGGAAAAACATAACAAAACAAAAGAACAAGGATACTTAGT	633865
Sbjct	74821	AGAGTTTCAATATACTTTTGTGGAAAAACATAACAAAACAAAAGAACAAGGATACTTAGT	74880
Query	633866	atttacttattttatagtttttggtggtttattttattttatagttttccctgtctagtttagat	633925
Sbjct	74881	ATTTACTTATTTATAGTTTTTGGTGTTTATTTATTTATAGTTTTCCCTGTCTAGTTTAGAT	74940
Query	633926	tttCAGTGAAATCTCATGCAATTTGCTTGCAACTCCCCTTTTGTATACAAC TTACTTTA	633985
Sbjct	74941	TTTCAGTGAAATCTCATGCAATTTGCTTGCAACTCCCCTTTTGTATACAAC TTACTTTA	75000
Query	633986	AAAGTTGGAGGACCGAACAAAGTGTTTCAGGACTGTAAACCCACGTT CACCATCGTTGT	634045
Sbjct	75001	AAAGTTGGAGGACCGAACAAAGTGTTTCAGGACTGTAAACCCACGTT CACCATCGTTGT	75060
Query	634046	ACAAGTTTCTCCCAGATATCGGTGCAGTGATCAGTGCCTTCATTTGGACTCCTTGGTATG	634105
Sbjct	75061	ACAAGTTTCTCCCAGATATCGGTGCAGTGATCAGTGCCTTCATTTGGACTCCTTGGTATG	75120
Query	634106	CCATGAAAAAGTAACAGGCAGAGGGATGGGGTGTTGAAGGATTAAAAATTAATAATAAG	634165
Sbjct	75121	CCATGAAAAAGTAACAGGCAGAGGGATGGGGTGTTGAAGGATTAAAAATTAATAATAAG	75180
Query	634166	CCGCCTAGCTACCCAAAAAGAAGAAGTAGGGGCCCTAGCTACCCAAAAAGAAGAAGTAGGG	634225
Sbjct	75181	CCGCCTAGCTACCCAAAAAGAAGAAGTAGGGGCCCTAGCTACCCAAAAAGAAGAAGTAGGG	75240
Query	634226	TCTGTGAGAACATGAAC'TTTTCACCCTCCCTTGCTGTACAATGGTTCCCGGAACATTCT	634285
Sbjct	75241	TCTGTGAGAACATGAAC'TTTTCACCCTCCCTTGCTGTACAATGGTTCCCGGAACATTCT	75300
Query	634286	TGCATGAAAAGTTTCTTGGAACAGCCACAATGACCCATAGCCTCCGGCCACAATGGTCCA	634345
Sbjct	75301	TGCATGAAAAGTTTCTTGGAACAGCCACAATGACCCATAGCCTCCGGCCACAATGGTCCA	75360
Query	634346	ATGGCCCTGTAAAAATGTCACTACCCCTAATCACAATGT CACAAAGTCTGGGTGTGTTGC	634405
Sbjct	75361	ATGGCCCTGTAAAAATGTCACTACCCCTAATCACAATGT CACAAAGTCTGGGTGTGTTGC	75420
Query	634406	CTAGTGTTACACATGACTAGCATATGACCCAAATGTATGGGCAGTTTATGGTTT TGGAAT	634465
Sbjct	75421	CTAGTGTTACACATGACTAGCATATGACCCAAATGTATGGGCAGTTTATGGTTT TGGAAT	75480
Query	634466	TCCCTCCTCCTCCTCCTTCTTGATCCCCCTGGTTTGTGGtttttttCCTTTATAAGCTCTG	634525
Sbjct	75481	TCCCTCCTCCTCCTCCTTCTTGATCCCCCTGGTTTGTGGTTTTTTTTCCTTTATAAGCTCTG	75540
Query	634526	TGAAAATT CAGTGCGGGTTCGAACTCCTCTACTCCCTGTGTGGCGTATGAGTCTCGACCC	634585
Sbjct	75541	TGAAAATT CAGTGCGGGTTCGAACTCCTCTACTCCCTGTGTGGCGTATGAGTCTCGACCC	75600
Query	634586	CAGCATGCTGGCCTGAGCTCTCGTTTCATCTCGCTTACAATAAATCTTCCTCGTGTGATT	634645
Sbjct	75601	CAGCATGCTGGCCTGAGCTCTCGTTTCATCTCGCTTACAATAAATCTTCCTCGTGTGATT	75660
Query	634646	ACAGCAGGTCGTTGTCTGTGTCTACTGGGTGCGCGTCTTTCCCGAGACTTGAGTGGGGG	634705
Sbjct	75661	ACAGCAGGTCGTTGTCTGTGTCTACTGGGTGCGCGTCTTTCCCGAGACTTGAGTGGGGG	75720
Query	634706	GCTCCCTTCGGGGGTCTTT CAGTGGCATCTAACAAAAGAATGAATCTCATGAGTTCTCCA	634765
Sbjct	75721	GCTCCCTTCGGGGGTCTTT CAGTGGCATCTAACAAAAGAATGAATCTCATGAGTTCTCCA	75780
Query	634766	AGAATAGCCACCAATCCCAGTACTGACCTCTAAGCTGATAGTGGGGTGAACATTTTGGAG	634825
Sbjct	75781	AGAATAGCCACCAATCCCAGTACTGACCTCTAAGCTGATAGTGGGGTGAACATTTTGGAG	75840
Query	634826	AAAAGGACTCTAAATCTTAGGCAGAGCACTGCTTACGAAATTCAAGCTGCAACTAACTAC	634885
Sbjct	75841	AAAAGGACTCTAAATCTTAGGCAGAGCACTGCTTACGAAATTCAAGCTGCAACTAACTAC	75900
Query	634886	AAAGCTTTCTTG CACAAGGATACTCCTGTGCACAAAGATgaaggagagtgaggaggaaga	634945
Sbjct	75901	AAAGCTTTCTTG CACAAGGATACTCCTGTGCACAAAGATGAAGGAGAGTGAGGAGGAAGA	75960
Query	634946	agagggaaggaggaggaggtagtggaagggaagagagagagaaaaaggaggaagataagaagc	635005
Sbjct	75961	AGAGGAAGGAGGAGGAGGTAGTGGAAGGAAGAGAGAGAGAAAAGGAGGAAGATAAGAAGC	76020

Query	635006	aaataggtccaggtgagaaagaggaagCCTGTGGACTGCCATAGGATCCATGAGGTCTTT	635065
Sbjct	76021	AAATAGGTCCAGGTGAGAAAGAGGAAGCCTGTGGACTGCCATAGGATCCATGAGGTCTTT	76080
Query	635066	GGCCTGTATCTACGGCTCTTTGCTTATAATCCACACAATGGAGAAACAAAAGACAAAAGA	635125
Sbjct	76081	GGCCTGTATCTACGGCTCTTTGCTTATAATCCACACAATGGAGAAACAAAAGACAAAAGA	76140
Query	635126	CACGGGGAACACATGCAGAAACTCTCCAGCGAAAGATTAATAAGCACCCATTGAGTAGAT	635185
Sbjct	76141	CACGGGGAACACATGCAGAAACTCTCCAGCGAAAGATTAATAAGCACCCATTGAGTAGAT	76200
Query	635186	ATATTTGCATTCAATTTATATTAGAAGTCTACCCAAAGACATAAACCCCTTATTGAGTGTTG	635245
Sbjct	76201	ATATTTGCATTCAATTTATATTAGAAGTCTACCCAAAGACATAAACCCCTTATTGAGTGTTG	76260
Query	635246	GCATTGAAATGTGCTGAAGCATGCCCTGACTTAGAGGTCCAGTAGTGTCAACTAACTAAT	635305
Sbjct	76261	GCATTGAAATGTGCTGAAGCATGCCCTGACTTAGAGGTCCAGTAGTGTCAACTAACTAAT	76320
Query	635306	CCACTGAATTCTGGAGAACAGTCTTTTAACTGATTTACAGAAACAATACATGTAAGTTAG	635365
Sbjct	76321	CCACTGAATTCTGGAGAACAGTCTTTTAACTGATTTACAGAAACAATACATGTAAGTTAG	76380
Query	635366	TTAGTGTGAACACTAAATGGTTTGAAAAATCAATTAAAGCTCAAAGGTTTTACGGTCCTGT	635425
Sbjct	76381	TTAGTGTGAACACTAAATGGTTTGAAAAATCAATTAAAGCTCAAAGGTTTTACGGTCCTGT	76440
Query	635426	AGAACAGTAGTTTGTTTCAAAGAGTTCAATACATCAGGTAATACACTGTATTGTATTTAC	635485
Sbjct	76441	AGAACAGTAGTTTGTTTCAAAGAGTTCAATACATCAGGTAATACACTGTATTGTATTTAC	76500
Query	635486	TTAGTGTGTAAGATATCACAATTGAAGCTCCATGGGCTGCTCTTTCCTTCCGACCTATGC	635545
Sbjct	76501	TTAGTGTGTAAGATATCACAATTGAAGCTCCATGGGCTGCTCTTTCCTTCCGACCTATGC	76560
Query	635546	CTTAGGGTTACATAGTCGATTCAAGAGCTTACGGGGAACAGTTTGTATGAGAGAAACACT	635605
Sbjct	76561	CTTAGGGTTACATAGTCGATTCAAGAGCTTACGGGGAACAGTTTGTATGAGAGAAACACT	76620
Query	635606	GTGGGAGAATAATGTGATGAAACTGGAAGAGGCTAACTGAAGCTCTGGGTATGAAACTTG	635665
Sbjct	76621	GTGGGAGAATAATGTGATGAAACTGGAAGAGGCTAACTGAAGCTCTGGGTATGAAACTTG	76680
Query	635666	GTATAGACAAACCTATGCCTGGTTTCCTTGAGCTTTCTTAAAGAAGCTATGGCAGGGGTTG	635725
Sbjct	76681	GTATAGACAAACCTATGCCTGGTTTCCTTGAGCTTTCTTAAAGAAGCTATGGCAGGGGTTG	76740
Query	635726	CTGTATTCTGTTTTAAGCTTGCTTGTAAGAGTTTGTAACTTTGAACCATTCTTTAGCTTA	635785
Sbjct	76741	CTGTATTCTGTTTTAAGCTTGCTTGTAAGAGTTTGTAACTTTGAACCATTCTTTAGCTTA	76800
Query	635786	AAAATCTGGCGGGTGAGCTAATGGGTAAATGGCCACTTATACTTCCCCTTCCCTTCACCT	635845
Sbjct	76801	AAAATCTGGCGGGTGAGCTAATGGGTAAATGGCCACTTATACTTCCCCTTCCCTTCACCT	76860
Query	635846	TTTGTAGTAGTCCATTTTGCATCACTTTGTATATGGGGAGTGTACCTGCAGGCTAAGTG	635905
Sbjct	76861	TTTGTAGTAGTCCATTTTGCATCACTTTGTATATGGGGAGTGTACCTGCAGGCTAAGTG	76920
Query	635906	TCCACTTAGCTTGCCATGTAACTTGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCG	635965
Sbjct	76921	TCCACTTAGCTTGCCATGTAACTTGGTGCTTTGTACATTTTGTCTGATTCTTACCCG	76980
Query	635966	GTCCTGGAACACATAGCTTTGTCTGTACTGCTTTTATACAAAAATTTTGTGAATAAACT	636025
Sbjct	76981	GTCCTGGAACACATAGCTTTGTCTGTACTGCTTTTATACAAAAATTTTGTGAATAAACT	77040
Query	636026	GTTTATTCTTTAAAGATAGGTAAAAGAGAAGCAGAATGTGACTTCCTGTGCATGAACTTG	636085
Sbjct	77041	GTTTATTCTTTAAAGATAGGTAAAAGAGAAGCAGAATGTGACTTCCTGTGCATGAACTTG	77100
Query	636086	TATAAATGCTTATTTTATCAAACGATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAACCTGGGT	636145
Sbjct	77101	TATAAATGCTTATTTTATCAAACGATGTTACAGAGAGAAGAGTTTACAGAACAACCTGGGT	77160
Query	636146	TTATCATAGTGTGAAGGAGAAGTGAAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCACGTGC	636205
Sbjct	77161	TTATCATAGTGTGAAGGAGAAGTGAAAAAGACAAACCCATGCACACTGGCACGCACGTGC	77220
Query	636206	ACACGCAAGCACACACAGTGACAGTGAAAGACCCCCGAAGGGAGCCCCCACTCAAGTCT	636265
Sbjct	77221	ACACGCAAGCACACACAGTGACAGTGAAAGACCCCCGAAGGGAGCCCCCACTCAAGTCT	77280
Query	636266	CGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGCAATCACACGAGGAAG	636325
Sbjct	77281	CGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCAACTTGCTGCAATCACACGAGGAAG	77340
Query	636326	CTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGTGGTCGAGACTCATA	636385

Sbjct	77341	TATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCCAGCATGCTGTGGTCGAGACTCATA	77400
Query	636386	CACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCACAGAGCTTATAAAGG	636445
Sbjct	77401	CACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCTGAATTTCCACAGAGCTTATAAAGG	77460
Query	636446	aaaaaaaaCCACAAACCagggggatcaggagggaggaggagggaAATTCCAAAACCATAG	636505
Sbjct	77461	AAAAAAACCACAAACCAGGGGGATCAGGAGGGAGGGAGGAGGAAATTCCAAAACCATAG	77520
Query	636506	ACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACACTAGGCAACACACCCAGGA	636565
Sbjct	77521	ACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTGTAACACTAGGCAACACACCCAGGA	77580
Query	636566	CTTTGTGACTTTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAAGGCCATTGGAACATTGTGGC	636625
Sbjct	77581	CTTTGTGACTTTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTTACAAGGCCATTGGAACATTGTGGC	77640
Query	636626	CGGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAACTTTTCATGCAAGAATGTTCCGGGA	636685
Sbjct	77641	CGGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAACTTTTCATGCAAGAATGTTCCGGGA	77700
Query	636686	ACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTTCTT	636745
Sbjct	77701	ACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATGTTCTCACAGACTCTACTTCTTCTT	77760
Query	636746	TTTGTGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATT	636805
Sbjct	77761	TTTGTGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGTAGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATT	77820
Query	636806	TTTAATCCTTCATTCCCCTTCTTCTTTTTTCATCGGCTCTAATCTTAGAGCCATTGTTC	636865
Sbjct	77821	TTTAATCCTTCATTCCCCTTCTTCTTTTTTCATCGGCTCTAATCTTAGAGCCATTGTTC	77880
Query	636866	ATCCCATTGTAACCTCTGGTACTGTTGTCGCAGGACCAGTACCTGAACAGCACTCACTCT	636925
Sbjct	77881	ATCCCATTGTAACCTCTGGTACTGTTGTCGCAGGACCAGTACCTGAACAGCACTCACTCT	77940
Query	636926	TTCTTTTATAAATGTCAACAGCCTATTGAGTATACATGGCCTGAAAGTAAGTAGAAGCAT	636985
Sbjct	77941	TTCTTTTATAAATGTCAACAGCCTATTGAGTATACATGGCCTGAAAGTAAGTAGAAGCAT	78000
Query	636986	GAGGATTATAATGGGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTAACCATGGGGACTTATT	637045
Sbjct	78001	GAGGATTATAATGGGCCCAACTAAAGTAGAGAGGAGAGTGGTTAACCATGGGGACTTATT	78060
Query	637046	AAACCAACTTTCAAACCACCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTTTCCGTATATCTAAGCG	637105
Sbjct	78061	AAACCAACTTTCAAACCACCCCTGTCTGTCTTCTCTTTCTTTTTTCCGTATATCTAAGCG	78120
Query	637106	TTCTCTAAGTTTAGCCATCGAATCCTTAATTACTCCAGAATGATCAACATAAAAAACAACA	637165
Sbjct	78121	TTCTCTAAGTTTAGCCATCGAATCCTTAATTACTCCAGAATGATCAACATAAAAAACAACA	78180
Query	637166	TTCTTCTTTTAGAGCAGCACAGAGTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT	637225
Sbjct	78181	TTCTTCTTTTAGAGCAGCACAGAGTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT	78240
Query	637226	TCTGTTCTGTAGTACCACTTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTTCTAGTTTAGTTATAGA	637285
Sbjct	78241	TCTGTTCTGTAGTACCACTTCAGATAGGGAGGTTAAAGACTCTTCTAGTTTAGTTATAGA	78300
Query	637286	TTGTTCTATGGATCTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCGTAATCTTTCATAATATTGGGG	637345
Sbjct	78301	TTGTTCTATGGATCTAAGGTCAGTATCCATAGCTGCCCGTAATCTTTCATAATATTGGGG	78360
Query	637346	GGTCTGAATTAATGCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTATCCCCAGTCCCATGAG	637405
Sbjct	78361	GGTCTGAATTAATGCAGCGGCACCCGTACCAACTCCAGCCGCTATCCCCAGTCCCATGAG	78420
Query	637406	TACTGCAAAGGTCAAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTCGGTGATCAAACATC	637465
Sbjct	78421	TACTGCAAAGGTCAAGGTGATAGGCTCTCTCTTCCAACGACCTCGGTGATCAAACATC	78480
Query	637466	TACAAAAGAGCTATCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTTGAACCAAAATACAGTA	637525
Sbjct	78481	TACAAAAGAGCTATCATCGTGATATAGGAGTCTAGGAACGAGTTGAACCAAAATACAGTA	78540
Query	637526	ATCTTTGGAAGTATTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGAGACCAGTGTTGCAGGC	637585
Sbjct	78541	ATCTTTGGAAGTATTGAAAACAGAAGTTGATACACAAGGAGTGAGACCAGTGTTGCAGGC	78600
Query	637586	CCATGCTGTGTCTAagggggggTACTAGATACTGATTACCTTCCGTAGGCTGGACGGTTTG	637645
Sbjct	78601	CCATGCTGTGTCTAGGGGGGGTACTAGATACTGATTACCTTCCGTAGGCTGGACGGTTTG	78660
Query	637646	CATTTGATTACAAAGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTAAACAAAGTCCACTTCC	637705
Sbjct	78661	CATTTGATTACAAAGGTGCTGTTTATCATGAGGTACCTGGCCTAAACAAAGTCCACTTCC	78720

Query	637706	TGAGACTGCTGTTAGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGCATTGAGAGGAGTCTGT	637765
Sbjct	78721	TGAGACTGCTGTTAGAGTTAACTTTCTGTTTTCCCCCAGGGGCATTGAGAGGAGTCTGT	78780
Query	637766	TGTTTTGTTGTAACCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATGGGGGGCTAGAGGCATA	637825
Sbjct	78781	TGTTTTGTTGTAACCCCTGGTCTGAGCAATACCTTCATAATATGGGGGGCTAGAGGCATA	78840
Query	637826	GCACAACCAACAAGACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTGAGGACCAGGAATGCCCC	637885
Sbjct	78841	GCACAACCAACAAGACTGAGTAACGTTAGGATTGGTACGATTGAGGACCAGGAATGCCCC	78900
Query	637886	TTGTATTAGGCTAAACAGACGATTTTTCAGTGTCGGGGGTATGGGAGTATTGAAGTGGA	637945
Sbjct	78901	TTGTATTAGGCTAAACAGACGATTTTTCAGTGTCGGGGGTATGGGAGTATTGAAGTGGA	78960
Query	637946	GGGAGGTTCTTTAGCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTGGGGGGCTACTGAGGCT	638005
Sbjct	78961	GGGAGGTTCTTTAGCTAGGACATTAGGACCTACAGGTTGGGCTGGGGGGCTACTGAGGCT	79020
Query	638006	TAAGCGAACCATGACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCATTAAAACTACCCCCCA	638065
Sbjct	79021	TAAGCGAACCATGACTGATGATCCAGGCTTGTTATTATAATCATTAAAACTACCCCCCA	79080
Query	638066	TCTCATGCCCTCATCCATGTTTGGGTATCATAATTTTACCAGTGTCTGTAAATTTGAT	638125
Sbjct	79081	TCTCATGCCCTCATCCATGTTTGGGTATCATAATTTTACCAGTGTCTGTAAATTTGAT	79140
Query	638126	CCGAATTCTATCTAAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTATATGGTTCCATTATGAC	638185
Sbjct	79141	CCGAATTCTATCTAAATCAGCAGAGCGACAGTCAAACCTTTTATATGGTTCCATTATGAC	79200
Query	638186	ATACCTCCCTGGCCAGAGTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGTCATGAGTATATTTCGCT	638245
Sbjct	79201	ATACCTCCCTGGCCAGAGTTTTCAAAGAAAAGGTAGCCCTGTCATGAGTATATTTCGCT	79260
Query	638246	GTCCCATTTCCAATCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATTTAGCACATAATGTGA	638305
Sbjct	79261	GTCCCATTTCCAATCACCGTCATTGGAAGAAACACAACCTCCATTTAGCACATAATGTGA	79320
Query	638306	GGCTGGCCCCCACAATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGCAGTAAAACCCATAGCT	638365
Sbjct	79321	GGCTGGCCCCCACAATAGTCTGCTTATTATGCTCTGGGCAGCAGTAAAACCCATAGCT	79380
Query	638366	TCTTATTTGATTAGGGGGAATGGAAGTGGGATAATCTGTTTGAGGCAGAAAGCTAGGTC	638425
Sbjct	79381	TCTTATTTGATTAGGGGGAATGGAAGTGGGATAATCTGTTTGAGGCAGAAAGCTAGGTC	79440
Query	638426	AGGCCACCATGTCCCTGGTGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATAAAACCTGATCCAGAGC	638485
Sbjct	79441	AGGCCACCATGTCCCTGGTGGTGCTATTTTGAAGTGGTGAATAAAACCTGATCCAGAGC	79500
Query	638486	AGGACCAAGAACCTGCCAGGTTAGAATTAAAGGCTGATGTGGGTTGTAATTTGGTAGGTA	638545
Sbjct	79501	AGGACCAAGAACCTGCCAGGTTAGAATTAAAGGCTGATGTGGGTTGTAATTTGGTAGGTA	79560
Query	638546	AACCTGACCTGAGTGAGCAGCAGCCTTAACTGAATCATCTGGTGGGTGCTCACGGTCAGG	638605
Sbjct	79561	AACCTGACCTGAGTGAGCAGCAGCCTTAACTGAATCATCTGGTGGGTGCTCACGGTCAGG	79620
Query	638606	CCTGGTGGTCTTGGCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTCGGTTTGTCATCAGCAGT	638665
Sbjct	79621	CCTGGTGGTCTTGGCGTTGAGAACACGAGTAGTAGCGTGGTCTCGGTTTGTCATCAGCAGT	79680
Query	638666	AGCAGCGACAGCAGTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAGTCTGGATGATTTCCGG	638725
Sbjct	79681	AGCAGCGACAGCAGTAGTAGCGGCGGCTTTTGCGGCGGCAGCAGTCTGGATGATTTCCGG	79740
Query	638726	TTTCGCTGGCGTTGGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAGGTTTCCTAGCTGGAGG	638785
Sbjct	79741	TTTCGCTGGCGTTGGTTTCGGAGGCGTGGGTTTCGGAGGCGCAGGTTTCCTAGCTGGAGG	79800
Query	638786	ATTCGCAGCTCCTATGTTTCTGGCCATATTCTGCATCTTGGCTCTTCACTTCTGCGGC	638845
Sbjct	79801	ATTCGCAGCTCCTATGTTTCTGGCCATATTCTGCATCTTGGCTCTTCACTTCTGCGGC	79860
Query	638846	ACAGGCGAAGCTTAAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAGTTGTTGTCTTCATTTT	638905
Sbjct	79861	ACAGGCGAAGCTTAAGAGGATTATCAGTAGTTGCCACCATCCAGTTGTTGTCTTCATTTT	79920
Query	638906	GGCTGGGTGTCTTCTTGACGTGGGAAGTGTGTATCCAAGCAGCGATCCCATCCACCTTTA	638965
Sbjct	79921	GGCTGGGTGTCTTCTTGACGTGGGAAGTGTGTATCCAAGCAGCGATCCCATCCACCTTTA	79980
Query	638966	CTGCCGTGGGGGTGGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCACCGAGGCTCCAAGGTGC	639025
Sbjct	79981	CTGCCGTGGGGGTGGTCAGCAACACCAGATATGGTCCTTTCCACCGAGGCTCCAAGGTGC	80040
Query	639026	CAGCTCGATGTCGTCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAACCTGTGGGGCACCTCTG	639085

Sbjct	80041	TCGATGTCGTCTGACTAAGACCGAATCTCCAACCTGGAACCTGTGGGGCACCTCTG	80100
Query	639086	AAGTTCCTGGTGCGTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCCAGATCTGTGTTCTGATGACTTCCA	639145
Sbjct	80101	AAGTTCCTGGTGCGTAGGCTTCTTTTATCTGGTCCCAGATCTGTGTTCTGATGACTTCCA	80160
Query	639146	GAGCCTTGGGTACCCCCAAACCGGGGTAAAGATTTCTTCAAGAATCTTCTTGGCCACCACCT	639205
Sbjct	80161	GAGCCTTGGGTACCCCCAAACCGGGGTAAAGATTTCTTCAAGAATCTTCTTGGCCACCACCT	80220
Query	639206	GAGCAGTTTCGGATTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAAAAGGTATCAACAAAGA	639265
Sbjct	80221	GAGCAGTTTCGGATTTTGTGGGGAAAGCCTCCACCCATCCTGAAAAGGTATCAACAAAGA	80280
Query	639266	CTAATAGATATTTATTACCATAATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTAAAATCCACTTCCCAGT	639325
Sbjct	80281	CTAATAGATATTTATTACCATAATTTTCTGGCTTTATTTTCAGTAAAATCCACTTCCCAGT	80340
Query	639326	GGACTCCTGGTTCGGTCTCCTCGTCTTCTTTTCCAGGTTCTTGATAGGGCTTAGCGGCGT	639385
Sbjct	80341	GGACTCCTGGTTCGGTCTCCTCGTCTTCTTTTCCAGGTTCTTGATAGGGCTTAGCGGCGT	80400
Query	639386	TAGTAAGTGTAACAGGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATTGTTGAATTTAAATTTA	639445
Sbjct	80401	TAGTAAGTGTAACAGGCCTGGCAAGAGTCAACCACCTGCCTAATTGTTGAATTTAAATTTA	80460
Query	639446	ACACATGGTATTTTAGAAGCTTTGACAAGTTGTTTTAGTTTATCTGCCCCTAAATGAGTCA	639505
Sbjct	80461	ACACATGGTATTTTAGAAGCTTTGACAAGTTGTTTTAGTTTATCTGCCCCTAAATGAGTCA	80520
Query	639506	ACTGGTGCAGTCTCTGAACATAACTTATTCCTTCTTGTTGGCAGGATCACTCGCCCAT	639565
Sbjct	80521	ACTGGTGCAGTCTCTGAACATAACTTATTCCTTCTTGTTGGCAGGATCACTCGCCCAT	80580
Query	639566	CCATAGTCCGCGCTACCCCATCAAAGCTGAATTCTTGAGCTTGTTTTCTGTAAACCATAT	639625
Sbjct	80581	CCATAGTCCGCGCTACCCCATCAAAGCTGAATTCTTGAGCTTGTTTTCTGTAAACCATAT	80640
Query	639626	TTTTTAATATTTTAAAATCATTGGCTGAATAAATGTAGTTAGAGTCATCAGTAACTGGAG	639685
Sbjct	80641	TTTTTAATATTTTAAAATCATTGGCTGAATAAATGTAGTTAGAGTCATCAGTAACTGGAG	80700
Query	639686	TTTTTACTGGAGTCTGACTCTTTTCTGCTAATATTGTTACCTGCTGGGCCACCTGTTTTG	639745
Sbjct	80701	TTTTTACTGGAGTCTGACTCTTTTCTGCTAATATTGTTACCTGCTGGGCCACCTGTTTTG	80760
Query	639746	CCACGAGGTCCGCCATTTGGTTCCCTTTTGTTATAGGATCTTCTCCTTTTTTGGTGACCTG	639805
Sbjct	80761	CCACGAGGTCCGCCATTTGGTTCCCTTTTGTTATAGGATCTTCTCCTTTTTTGGTGACCTG	80820
Query	639806	GACAGTGAATAATGGCCACCTTCTTTGGCAAATGTACTGCCTCTAAAAGGGCTAAAATCT	639865
Sbjct	80821	GACAGTGAATAATGGCCACCTTCTTTGGCAAATGTACTGCCTCTAAAAGGGCTAAAATCT	80880
Query	639866	CTTCTTTGTTTTTGGATGTCTCTTCCCGCCGAAGTGAGTAGCCCCCTTTGCTTGTAGATGG	639925
Sbjct	80881	CTTCTTTGTTTTTGGATGTCTCTTCCCGCCGAAGTGAGTAGCCCCCTTTGCTTGTAGATGG	80940
Query	639926	CTCCATGTATATGGGCTGTAGCAAAGGCATACCGGCTGTTCGGTATAAAATGTTAATGGCCT	639985
Sbjct	80941	CTCCATGTATATGGGCTGTAGCAAAGGCATACCGGCTGTTCGGTATAAAATGTTAATGGCCT	81000
Query	639986	TACCTTCTGCCAATCGCAAGGCCTGAGTCAAAGCCACGAGTTCGGCTTTTTTGAGCTGAAG	640045
Sbjct	81001	TACCTTCTGCCAATCGCAAGGCCTGAGTCAAAGCCACGAGTTCGGCTTTTTTGAGCTGAAG	81060
Query	640046	TTCTTCTGGAAGACTACTTGCCAGATTACCTGTTTTCCATCTACCACTGCCGCTCCCG	640105
Sbjct	81061	TTCTTCTGGAAGACTACTTGCCAGATTACCTGTTTTCCATCTACCACTGCCGCTCCCG	81120
Query	640106	CTCTCCTTTTTCTTCCACCACAAAACCTGCTGCCATCTGTATACCAAGCAGGCACACCTG	640165
Sbjct	81121	CTCTCCTTTTTCTTCCACCACAAAACCTGCTGCCATCTGTATACCAAGCAGGCACACCTG	81180
Query	640166	GCCATGGTCGATCAGTCAGGTCCTTTCTTGTTCCGGTTTCTTCCGCCAAGATATCGACAC	640225
Sbjct	81181	GCCATGGTCGATCAGTCAGGTCCTTTCTTGTTCCGGTTTCTTCCGCCAAGATATCGACAC	81240
Query	640226	ATTGATGTATTGGGGTGGAGTTATGCATCTCAGGGAGAAGAGTAGCAGGATTAAGAATGG	640285
Sbjct	81241	ATTGATGTATTGGGGTGGAGTTATGCATCTCAGGGAGAAGAGTAGCAGGATTAAGAATGG	81300
Query	640286	CAGGTGGGGCGAAAGTCACTCGTTTCATTTCAGTAACAGGCTCTGATAGTGGGTCATCCGGG	640345
Sbjct	81301	CAGGTGGGGCGAAAGTCACTCGTTTCATTTCAGTAACAGGCTCTGATAGTGGGTCATCCGGG	81360
Query	640346	CGTTAGTCATCCACCGGTCGGGGGGCTGCCGCACGATACTCTCCAGAGCATGGGGAGCAA	640405
Sbjct	81361	CGTTAGTCATCCACCGGTCGGGGGGCTGCCGCACGATACTCTCCAGAGCATGGGGAGCAA	81420

Query	640406	TGATAGTCACATGCTGACCTAGGGTGAGCTTGTTCAGCATCTTTAACAAGTAAGGCCACGG	640465
Sbjct	81421	TGATAGTCACATGCTGACCTAGGGTGAGCTTGTTCAGCATCTTTAACAAGTAAGGCCACGG	81480
Query	640466	CAGCAATGGCTTTTAGGCAGGAGGGCCATCCGCTGGCGACCGGGTCTAACCTTTTTGACA	640525
Sbjct	81481	CAGCAATGGCTTTTAGGCAGGAGGGCCATCCGCTGGCGACCGGGTCTAACCTTTTTGACA	81540
Query	640526	AGTAGGCTACCGGGCGTTTCCAGGGCCCCAGAGCCTGAGTTAAGACCCCGCGGGCTACTC	640585
Sbjct	81541	AGTAGGCTACCGGGCGTTTCCAGGGCCCCAGAGCCTGAGTTAAGACCCCGCGGGCTACTC	81600
Query	640586	CAGCCCGTTTCATCAACATATAAGGTGAAAGGCTTAGTCAAATCTGGCAAGGCCAGAGCAG	640645
Sbjct	81601	CAGCCCGTTTCATCAACATATAAGGTGAAAGGCTTAGTCAAATCTGGCAAGGCCAGAGCAG	81660
Query	640646	GGGCTGCCAGTAGTGCAGCTTTTATGTCCTCAAAGGCTCTTTGGTGCTCCTCGGTCCAGG	640705
Sbjct	81661	GGGCTGCCAGTAGTGCAGCTTTTATGTCCTCAAAGGCTCTTTGGTGCTCCTCGGTCCAGG	81720
Query	640706	TGAATGGGACCTTTTCTTTTGTAAGAGGGTACAAAGGGGCTGCCAGTGTTGCGAACCCCG	640765
Sbjct	81721	TGAATGGGACCTTTTCTTTTGTAAGAGGGTACAAAGGGGCTGCCAGTGTTGCGAACCCCG	81780
Query	640766	GTATCCAGAGTCTACAAAAGCCCGCGTCCCCAGAAACTCACGTACTTGTGCGGGAGTGG	640825
Sbjct	81781	GTATCCAGAGTCTACAAAAGCCCGCGTCCCCAGAAACTCACGTACTTGTGCGGGAGTGG	81840
Query	640826	TGGGGGCCGGGATCTGCATCACAGTTTTCTTTTCGAGCTTCGGTGAGCCACCGCTTTCCTT	640885
Sbjct	81841	TGGGGGCCGGGATCTGCATCACAGTTTTCTTTTCGAGCTTCGGTGAGCCACCGCTTTCCTT	81900
Query	640886	CTCTGAGAGTGTATCCTAGGTAGGTCACCTCAGTGCACACAGCTGAGCTTTTTTAGCAG	640945
Sbjct	81901	CTCTGAGAGTGTATCCTAGGTAGGTCACCTCAGTGCACACAGCTGAGCTTTTTTAGCAG	81960
Query	640946	ACACCTGGTACCCCAACTCACCCAATTCATTTAGGAGCCTTTTGGTCCCCTCACGACACA	641005
Sbjct	81961	ACACCTGGTACCCCAACTCACCCAATTCATTTAGGAGCCTTTTGGTCCCCTCACGACACA	82020
Query	641006	GTTCTTGCGGTGAAGCAGAAAGCAGTAGGTCGTCTACGTACTGCAAGAGAGAAATCTGGG	641065
Sbjct	82021	GTTCTTGCGGTGAAGCAGAAAGCAGTAGGTCGTCTACGTACTGCAAGAGAGAAATCTGGG	82080
Query	641066	GGTTTTGTGCCCTGAAAGGCGCAAGGTCTCGATGGAGCGCCTCATCAAAGAGAGTAGGGG	641125
Sbjct	82081	GGTTTTGTGCCCTGAAAGGCGCAAGGTCTCGATGGAGCGCCTCATCAAAGAGAGTAGGGG	82140
Query	641126	AATTTTTGAACCCTTGGGGCAGCCTTGTCAGGTTAGCTGGCCAGTGTGTCTCTCTCTG	641185
Sbjct	82141	AATTTTTGAACCCTTGGGGCAGCCTTGTCAGGTTAGCTGGCCAGTGTGTCTCTCTCTG	82200
Query	641186	GATCTCTCCACTCAAAAGCAAATAGTGGCTGGCTGTTGGGATGCAATCGAAGGCAGAAAA	641245
Sbjct	82201	GATCTCTCCACTCAAAAGCAAATAGTGGCTGGCTGTTGGGATGCAATCGAAGGCAGAAAA	82260
Query	641246	AGGCATCCTTTAAGTCTAAGACAGTGTACCAAGTCCGCTCTGGTGGTAGGGAACCTTAGTA	641305
Sbjct	82261	AGGCATCCTTTAAGTCTAAGACAGTGTACCAAGTCCGCTCTGGTGGTAGGGAACCTTAGTA	82320
Query	641306	AATTGTAAGGATTTGGAACCGTAGGGTGGATGTCCTGCACCCTTTTGTTAACTTCTCTTA	641365
Sbjct	82321	AATTGTAAGGATTTGGAACCGTAGGGTGGATGTCCTGCACCCTTTTGTTAACTTCTCTTA	82380
Query	641366	AATCCTGTACTGGTCGATAATCGTTAGTCCCAGGCTTGCGCACAGGCAGGAGAGGAGTGT	641425
Sbjct	82381	AATCCTGTACTGGTCGATAATCGTTAGTCCCAGGCTTGCGCACAGGCAGGAGAGGAGTGT	82440
Query	641426	TCCAAGGGGATTGGCAAGGCACTAGAAATCCCTAGTTGTAGCAGTCTCTGAATATGTGGCC	641485
Sbjct	82441	TCCAAGGGGATTGGCAAGGCACTAGAAATCCCTAGTTGTAGCAGTCTCTGAATATGTGGCC	82500
Query	641486	GGATGCCTTCTTTAGCTTCCCTACTCATAGGGTATTGTTTGAAGTGGAGTGGAGAGGCAT	641545
Sbjct	82501	GGATGCCTTCTTTAGCTTCCCTACTCATAGGGTATTGTTTGAAGTGGAGTGGAGAGGCAT	82560
Query	641546	CGGCTTTTAATTCTACTACTATTGGCGGTACTTGCTTGCTTAACCCCATCCCTGTCTGCT	641605
Sbjct	82561	CGGCTTTTAATTCTACTACTATTGGCGGTACTTGCTTGCTTAACCCCATCCCTGTCTGCT	82620
Query	641606	CCGCCCAGACTTTGGAAAAAGCAGACAGCCACTCGGGGGCTAGTAACTGTTTGGGATTCT	641665
Sbjct	82621	CCGCCCAGACTTTGGAAAAAGCAGACAGCCACTCGGGGGCTAGTAACTGTTTGGGATTCT	82680
Query	641666	GCTCATGGAGGCGGTATTCTTCTTCTAAACTTAAACCAAACATGCAACAGGGGCCTCTT	641725
Sbjct	82681	GCTCATGGAGGCGGTATTCTTCTTCTAAACTTAAACCAAACATGCAACAGGGGCCTCTT	82740
Query	641726	CCCAGGTTACTTTTGCCCTTTTGAGGTGAACTGTACTTGAGCCTTAAGTTGGTTAATA	641785

Sbjct	82741	GGTTACTTTTGGCCCTTTTGAGGTGAAGTGTACTTGAGCCTTAAGTTTGGTTAATA	82800
Query	641786	AGTCTCTTCCCAGTAGGGGCATGGGGCATTGAGGAATCACAAGAAAAGAATGAGTCACTT	641845
Sbjct	82801	AGTCTCTTCCCAGTAGGGGCATGGGGCATTGAGGAATCACAAGAAAAGAATGAGTCACTT	82860
Query	641846	GGCTTTTCCCTATATCTAAGACTCGTTTAGTGGTCCAGGGGTAAAGTTTACTACCAGTGG	641905
Sbjct	82861	GGCTTTTCCCTATATCTAAGACTCGTTTAGTGGTCCAGGGGTAAAGTTTACTACCAGTGG	82920
Query	641906	CTCCCATTACCATAGTCTTCTTTTGTCCCAATTGTCCCAGTGGCTTGGTCAAAACTGAAT	641965
Sbjct	82921	CTCCCATTACCATAGTCTTCTTTTGTCCCAATTGTCCCAGTGGCTTGGTCAAAACTGAAT	82980
Query	641966	GTTCTGCTCCTGTGTCTACCAAGAAATCAACAGGAGTCCCCTCCACAGAAAGAGTTACCC	642025
Sbjct	82981	GTTCTGCTCCTGTGTCTACCAAGAAATCAACAGGAGTCCCCTCCACAGAAAGAGTTACCC	83040
Query	642026	TAGGCTCGGGGAGGGGAGTTCGAGCCCCGACTTCCCTAGTTCTCTTCAAAGGCCAGTACGT	642085
Sbjct	83041	TAGGCTCGGGGAGGGGAGTTCGAGCCCCGACTTCCCTAGTTCTCTTCAAAGGCCAGTACGT	83100
Query	642086	TGGGTCTCTTTGTTTCTTTTGGACAGTTTCTGGCCCAATGTCCTTTTTCTTTGCAGT	642145
Sbjct	83101	TGGGTCTCTTTGTTTCTTTTGGACAGTTTCTGGCCCAATGTCCTTTTTCTTTGCAGT	83160
Query	642146	ATGCACATTGATCATTTTTCGAGCTGCAGTCTTTTTCTCCCGAGGTCTTCTTGCTCCGT	642205
Sbjct	83161	ATGCACATTGATCATTTTTCGAGCTGCAGTCTTTTTCTCCCGAGGTCTTCTTGCTCCGT	83220
Query	642206	TGCCCAGGTACCCTGACTGTCCCTTCTCTATCCTTTTGTACCTACTACTGCGGCCAAAA	642265
Sbjct	83221	TGCCCAGGTACCCTGACTGTCCCTTCTCTATCCTTTTGTACCTACTACTGCGGCCAAAA	83280
Query	642266	TCTTAGTTAAGTTCCCTCTCCTGCCGCGGATCACGCCGGttctctctctctctctgcctctt	642325
Sbjct	83281	TCTTAGTTAAGTTCCCTCTCCTGCCGCGGATCACGCCGGTCTCTCTCTCCTCTGCCTCTT	83340
Query	642326	tcttttctctctctctcgtttctcttctctctgtttccctcttatgatacaccttctctgctt	642385
Sbjct	83341	TCTTTTCTCTCTCTCGTTTCTTTCCTCTGTTTCCCTCTTATGATACACCTTCTCTGCTT	83400
Query	642386	cttttACTAGATCTCGCAAAGTGTAGTCTGGAGCCCCTCTAACCTCTGCAGCTTTCTCT	642445
Sbjct	83401	CTTTTACTAGATCTCGCAAAGTGTAGTCTGGAGCCCCTCTAACCTCTGCAGCTTTCTCT	83460
Query	642446	TAATGTCTGAGGCAGACTGCCCAATGAAAGCCATGGCTACAGCCGCTTGCTGTCCCTCCG	642505
Sbjct	83461	TAATGTCTGAGGCAGACTGCCCAATGAAAGCCATGGCTACAGCCGCTTGCTGTCCCTCCG	83520
Query	642506	AGGAGGGGTCAAACGGTGTATATCTCCTATAGGCCTCCATCAGTCGCTCTAAGAAAACAG	642565
Sbjct	83521	AGGAGGGGTCAAACGGTGTATATCTCCTATAGGCCTCCATCAGTCGCTCTAAGAAAACAG	83580
Query	642566	AGGGCGGCTCTGCTGGTCCCTGAAGAACTTCTCTTACCTTAGCCAAATTAGTGGGTCTGT	642625
Sbjct	83581	AGGGCGGCTCTGCTGGTCCCTGAAGAACTTCTCTTACCTTAGCCAAATTAGTGGGTCTGT	83640
Query	642626	GAGCGGCCCTTTGAGCCCCGCCACTAGAGTCCGGCGGTATACTGTGAGACGCTCCCTAC	642685
Sbjct	83641	GAGCGGCCCTTTGAGCCCCGCCACTAGAGTCCGGCGGTATACTGTGAGACGCTCCCTAC	83700
Query	642686	CTTCCGCAGTGTGAAGTCCCAGGCTGGGCAGGTCAAGGGGAAGGTTTCATCTATAAGAT	642745
Sbjct	83701	CTTCCGCAGTGTGAAGTCCCAGGCTGGGCAGGTCAAGGGGAAGGTTTCATCTATAAGAT	83760
Query	642746	TGGGGAGATTAGTGGGGGTCCCATCTGGTCCGGGGACATTCTTTCTGGCTTCCAACAGGA	642805
Sbjct	83761	TGGGGAGATTAGTGGGGGTCCCATCTGGTCCGGGGACATTCTTTCTGGCTTCCAACAGGA	83820
Query	642806	TCCTCTCCTTCTCCTCTGTGGTGAAGAGGGCCTGCAGGAGTTGCTGGCAATCATCCCAAG	642865
Sbjct	83821	TCCTCTCCTTCTCCTCTGTGGTGAAGAGGGCCTGCAGGAGTTGCTGGCAATCATCCCAAG	83880
Query	642866	TGGGCTGATGGGAAAACATAAGGGACTCAAGAAGCCCAGTCAAGCCCGAGGGATTTTCTG	642925
Sbjct	83881	TGGGCTGATGGGAAAACATAAGGGACTCAAGAAGCCCAGTCAAGCCCGAGGGATTTTCTG	83940
Query	642926	AAAAAGAAGGGTGATTAGTTTTCAGTTGTATAGATCAGCTGAAGAGAAAGGCCAGTACT	642985
Sbjct	83941	AAAAAGAAGGGTGATTAGTTTTCAGTTGTATAGATCAGCTGAAGAGAAAGGCCAGTACT	84000
Query	642986	GCAAAGGGACAAGTTTCATCGGGGCCTGGCGGGGGGCCACCAACATAGGCACGGAGGGGCA	643045
Sbjct	84001	GCAAAGGGACAAGTTTCATCGGGGCCTGGCGGGGGGCCACCAACATAGGCACGGAGGGGCA	84060
Query	643046	GGGCAACAGTGAAATCCCCTTCTGGGCTGCGGCCTCTCCGGCTCCGTGTCCCTGCCGCAG	643105
Sbjct	84061	GGGCAACAGTGAAATCCCCTTCTGGGCTGCGGCCTCTCCGGCTCCGTGTCCCTGCCGCAG	84120

Query	643106	GcccccccACCCCATCCCTCTCGGCAGGTGCCGGGGCCGGGGTTGCAGATGGTCGCGGCA	643165
Sbjct	84121	GCCCCCCCACCCCATCCCTCTCGGCAGGTGCCGGGGCCGGGGTTGCAGATGGTCGCGGCA	84180
Query	643166	GAGGATAAGGGGGAGGCTGTGGCTCCGTCCACAAAGGGTCTCGATCTCAGGGTAGATCT	643225
Sbjct	84181	GAGGATAAGGGGGAGGCTGTGGCTCCGTCCACAAAGGGTCTCGATCTCAGGGTAGATCT	84240
Query	643226	TTGGAGGTTCCGAAGGGTCTGCCGACAGTTGGGTCTGCTTAGGTTTAGCTGCAGCAACTG	643285
Sbjct	84241	TTGGAGGTTCCGAAGGGTCTGCCGACAGTTGGGTCTGCTTAGGTTTAGCTGCAGCAACTG	84300
Query	643286	CCACTGTCTACTCCAGACCCCATGATCCAGGGCTTAACCCAAGGTGGGGGATCCTGGACTA	643345
Sbjct	84301	CCACTGTCTACTCCAGACCCCATGATCCAGGGCTTAACCCAAGGTGGGGGATCCTGGACTA	84360
Query	643346	GGTCCTGCCAGACGATGATATAGGGGATCTGGTCGGGATGTCCTCCTACTTCCTGAAAGA	643405
Sbjct	84361	GGTCCTGCCAGACGATGATATAGGGGATCTGGTCGGGATGTCCTCCTACTTCCTGAAAGA	84420
Query	643406	CAATGCGCTTAAACAGCGAGAAACAAGAGACAGGTTAAAGGCTCCCTCTGGTGGCCATCCTA	643465
Sbjct	84421	CAATGCGCTTAAACAGCGAGAAACAAGAGACAGGTTAAAGGCTCCCTCTGGTGGCCATCCTA	84480
Query	643466	CCTTAAAGGTTGGCCATTCCGATGAACAAAAAGTCTGCCAGGGTCCCTTCTTAACGTCTA	643525
Sbjct	84481	CCTTAAAGGTTGGCCATTCCGATGAACAAAAAGTCTGCCAGGGTCCCTTCTTAACGTCTA	84540
Query	643526	CTGAAAAATTGTGAGCTCTAGTCCTTACTTCAGTCCAGTGATCCAGAGTCAAAGTCAAAG	643585
Sbjct	84541	CTGAAAAATTGTGAGCTCTAGTCCTTACTTCAGTCCAGTGATCCAGAGTCAAAGTCAAAG	84600
Query	643586	GAGTCGTTACTTTCTGTCCCATGTTCGAGCTCGacaacacacaccacacacacgagcacia	643645
Sbjct	84601	GAGTCGTTACTTTCTGTCCCATGTTCGAGCTCGACAACACACACCACACACACGAGCACAA	84660
Query	643646	acaaaagagaaaaaagaaaaacaaacCGACGTCGACCAGAGGCACTGAAACTGATCGGCA	643705
Sbjct	84661	ACAAAAGAGAAAAAAGAAAAACAAACCAGGTCGACCAGAGGCACTGAAACTGATCGGCA	84720
Query	643706	GGTTGCAGACCTTGCCCTAACAAACCGGTCGTCAAGGAGTAAAGTCTCCTCTGGACCTATC	643765
Sbjct	84721	GGTTGCAGACCTTGCCCTAACAAACCGGTCGTCAAGGAGTAAAGTCTCCTCTGGACCTATC	84780
Query	643766	AGATGGGGTTTACCAGGCGTCCCTGGTCCCCCTTGTGTCTCCTGGGACGTCTCCCAGG	643825
Sbjct	84781	AGATGGGGTTTACCAGGCGTCCCTGGTCCCCCTTGTGTCTCCTGGGACGTCTCCCAGG	84840
Query	643826	GCGAACGGACGGTGGGTACCTGGACACGTCTATCCCTATCCACCCCGCTCTCCTTCCTGG	643885
Sbjct	84841	GCGAACGGACGGTGGGTACCTGGACACGTCTATCCCTATCCACCCCGCTCTCCTTCCTGG	84900
Query	643886	AGCGCGGTCTCACTGAGCGTCCGCAAAACCGAAAAGCGATCGCACCAAATTTCCAGACAG	643945
Sbjct	84901	AGCGCGGTCTCACTGAGCGTCCGCAAAACCGAAAAGCGATCGCACCAAATTTCCAGACAG	84960
Query	643946	AACATAGACACGGACACAGACACAGCGCTGAGATAAAACAGAGAATCTTACCTCCAAGTG	644005
Sbjct	84961	AACATAGACACGGACACAGACACAGCGCTGAGATAAAACAGAGAATCTTACCTCCAAGTG	85020
Query	644006	GGTCTAGGACCCCTGGGTGGTCGCGCAGATCCCGGACGAGCCCCAAAAGAAAGACCCCC	644065
Sbjct	85021	GGTCTAGGACCCCTGGGTGGTCGCGCAGATCCCGGACGAGCCCCAAAAGAAAGACCCCC	85080
Query	644066	GAAGGGAGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCA	644125
Sbjct	85081	GAAGGGAGCCCCCACTCAAGTCTCGGGAAAGACGCGCACCCAGTAGGACACAGACACCA	85140
Query	644126	ACTTGCTGCAATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCC	644185
Sbjct	85141	ACTTGCTGCAATCACACGAGGAAGCTTTATTGTAAGCGAGATGAAACGAGAGCTCAGGCC	85200
Query	644186	AGCATGCTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCT	644245
Sbjct	85201	AGCATGCTGGGGTCGAGACTCATACACCACACAGGGAGTAGAGGAGTTCGACCCCGACCT	85260
Query	644246	GAATTTCCACAGAGCTTATAAAGGaaaaaaCCACAAACCagggggatcaggagggaggg	644305
Sbjct	85261	GAATTTCCACAGAGCTTATAAAGGAAAAAAACCACAAACCAGGGGGATCAGGAGGGAGGG	85320
Query	644306	aggaggggaAATTCCAAAACCATAGACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTG	644365
Sbjct	85321	AGGAGGGGAATTCAAAACCATAGACTGCCTATACAGTTAGGTCATATGCTAGTCATGTG	85380
Query	644366	TAACACTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTT	644425
Sbjct	85381	TAACACTAGGCAACACACCCAGGACTTTGTGACATTGTGATTAGGGGGTAGTGACATTTT	85440
Query	644426	ACAGGGCCATTGGAACATTGTGGCCGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAAAC	644485



Sbjct	85441	GGCCATTGGAACATTGTGGCCGGAGGCTATGGGTCATTGTGGCTGTTCCAGGAAAC	85500
Query	644486	TTTTTCATGCAAGAATGTTCCGGGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATG	644545
Sbjct	85501	TTTTTCATGCAAGAATGTTCCGGGAACCATTGTACAGCAAGGGAGGGGTGAAAAGTTCATG	85560
Query	644546	TTCTCACAGACTCTACTTCTCTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGT	644605
Sbjct	85561	TTCTCACAGACTCTACTTCTCTTTTTGAGTAGCTAGACCCCTACTTCTTCTTTTTGGGT	85620
Query	644606	AGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATTTTTAATCCTTCAACAGAAGTCATATATGATGTAGTT	644665
Sbjct	85621	AGCTAGGCGGCTTTTTATTAAATTTTTAATCCTTCAACAGAAGTCATATATGATGTAGTT	85680
Query	644666	TTGTGTGCTGGAGAGAGAGACCCTGATAAACAGATAGATGTGTCTGATCTACAAAGGAGT	644725
Sbjct	85681	TTGTGTGCTGGAGAGAGAGACCCTGATAAACAGATAGATGTGTCTGATCTACAAAGGAGT	85740
Query	644726	ACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTTTTTACAGCATTATGTATGTTTTTCAGAG	644785
Sbjct	85741	ACTTTGCATGCTAAAGGGGCACAGCCAGTGTTTTTACAGCATTATGTATGTTTTTCAGAG	85800
Query	644786	ATGAGTACTGACCACTTACAGATAGACAATGGTTTCCATGGTGATGCTGAAAGGACAGGA	644845
Sbjct	85801	ATGAGTACTGACCACTTACAGATAGACAATGGTTTCCATGGTGATGCTGAAAGGACAGGA	85860
Query	644846	CAGCCAGCCCAGACCTGAGGGCACTGTGTTTTTGCCTGCTCAGAAATGAACTACTGTATC	644905
Sbjct	85861	CAGCCAGCCCAGACCTGAGGGCACTGTGTTTTTGCCTGCTCAGAAATGAACTACTGTATC	85920
Query	644906	CTAGTCATTAGAATACTCAACCTAAGTGATAATTTACATATGTTCCCTTGGTGGCTAAA	644965
Sbjct	85921	CTAGTCATTAGAATACTCAACCTAAGTGATAATTTACATATGTTCCCTTGGTGGCTAAA	85980
Query	644966	GAACTTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAAGTCCCTTGACCTTTGCATTGGAATGCCT	645025
Sbjct	85981	GAACTTTAATATGCATCCAGGCATCCAGTAAAGTCCCTTGACCTTTGCATTGGAATGCCT	86040
Query	645026	GCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAGAATAGAACAATGGGCTGGGAAGAATTAA	645085
Sbjct	86041	GCAAGATCCTACTGTCTGGAGTTTAAGAAAAGAATAGAACAATGGGCTGGGAAGAATTAA	86100
Query	645086	CAGCTGCCTCTGTTCTGTAAACACCTTCTTATCTGTGGGAAAGGGATTGAAATAGTCCTT	645145
Sbjct	86101	CAGCTGCCTCTGTTCTGTAAACACCTTCTTATCTGTGGGAAAGGGATTGAAATAGTCCTT	86160
Query	645146	TATTCCTATCAAACAGGAATGAAAAGAAATTCCTTGCCCAGCTGGATATTTGTAGTGTGT	645205
Sbjct	86161	TATTCCTATCAAACAGGAATGAAAAGAAATTCCTTGCCCAGCTGGATATTTGTAGTGTGT	86220
Query	645206	ACCCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCTTCCCTCTCCCACCTCCCACCTTTAGCAT	645265
Sbjct	86221	ACCCTTCTGATGTTTCCTTTAAAACTCCACCTTCCCTCTCCCACCTCCCACCTTTAGCAT	86280
Query	645266	GTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCTGCCTTTGAGCTGGCAGTACAGATAAATT	645325
Sbjct	86281	GTCAAGCTGTATTGGCTCTAAAGCTGTTTGCTGCCTTTGAGCTGGCAGTACAGATAAATT	86340
Query	645326	CATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCGATTAAATGCCATAAGAATGCGAGTAGTA	645385
Sbjct	86341	CATTATGAGTCTAAACCTAGTTTCTTCCATCGATTAAATGCCATAAGAATGCGAGTAGTA	86400
Query	645386	CGCTGTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCTTCTAAGCATTCTCCTTTCTTACACACTA	645445
Sbjct	86401	CGCTGTAAACAAAAAGTATGTAGTAAGCCCTTCTAAGCATTCTCCTTTCTTACACACTA	86460
Query	645446	CACATCCTTACACACATTTTGGTCTCTCCCCACACCCCCACCAGaaaaaaaaGGGGAG	645505
Sbjct	86461	CACATCCTTACACACATTTTGGTCTCTCCCCACACCCCCACCAGAAAAAAAAAGGGGAG	86520
Query	645506	CAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAACCTCAGTATCCAAACCAAGTAGGAATCTCAAGCT	645565
Sbjct	86521	CAGGACCTTTATTACAACCAGAGGGAACCTCAGTATCCAAACCAAGTAGGAATCTCAAGCT	86580
Query	645566	GTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTTGGGATAGGTAGGAGCAGAGCCAGTATCATGAGATTA	645625
Sbjct	86581	GTAAATTACAGCAAGGGGAGTGTTGGGATAGGTAGGAGCAGAGCCAGTATCATGAGATTA	86640
Query	645626	CCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGCTATGGTGAGGGTCACCAGTGATATCAG	645685
Sbjct	86641	CCTATCACAGGGCTTTGCTGAGGTGCTCCTGCTATGGTGAGGGTCACCAGTGATATCAG	86700
Query	645686	CGGACAGTAAGTAGGTTAgtgctgctagtggaaactggtgctgctgctgctgctgctgct	645745
Sbjct	86701	CGGACAGTAAGTAGGTTAGCTGCTGCTAGTGGAACGGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT	86760
Query	645746	gcagggtgcacgtgctgctgctcctggtgctgctgctgtttctgctgTAGTGGGTATCCAGTGG	645805
Sbjct	86761	GCAGGTGCACGTGCTGCTGCTCCTGGTGCTGCTGTTTCTGCTGTAGTGGGTATCCAGTGG	86820

Query	645806	GGATGTCCACAGGCTGTAAATAAATGCTTTTCTGGTTCTTGGAGGACTGGTGTGCAGCTC	645865
Sbjct	86821	GGATGTCCACAGGCTGTAAATAAATGCTTTTCTGGTTCTTGGAGGACTGGTGTGCAGCTC	86880
Query	645866	TAGCCCAGTCCTGTCCGTATATGATAGTGTGTAGGTTGTTGTCCCATTGCAACAGGTTGT	645925
Sbjct	86881	TAGCCCAGTCCTGTCCGTATATGATAGTGTGTAGGTTGTTGTCCCATTGCAACAGGTTGT	86940
Query	645926	ACAGTTTTGTTGAGGCAACTTCACGCTGCAAAGTATAACTCCTCTGTGGCACTTTAACCC	645985
Sbjct	86941	ACAGTTTTGTTGAGGCAACTTCACGCTGCAAAGTATAACTCCTCTGTGGCACTTTAACCC	87000
Query	645986	TTCGATGAGTCTGATATTTATAGTTTGGATATTTCTCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCT	646045
Sbjct	87001	TTCGATGAGTCTGATATTTATAGTTTGGATATTTCTCTCTGTGTAGGGTCTTCAGTCTCT	87060
Query	646046	GCGCCTCCTGGAAAAAGGGCCTTTTTTCAGCTTCTGTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCA	646105
Sbjct	87061	GCGCCTCCTGGAAAAAGGGCCTTTTTTCAGCTTCTGTAAGGCTTTTCCACTGATATCCCA	87120
Query	646106	GCTGCTTGCTGATCTCTGAATTCTGCATGCTGGGATTCTGTTGAGCCAACCTGCGCCTCT	646165
Sbjct	87121	GCTGCTTGCTGATCTCTGAATTCTGCATGCTGGGATTCTGTTGAGCCAACCTGCGCCTCT	87180
Query	646166	CTCCACGGGACCACACCATAAATGCATTTCATGGGGCGCTTGACATGGCCCTCCATGCTAT	646225
Sbjct	87181	CTCCACGGGACCACACCATAAATGCATTTCATGGGGCGCTTGACATGGCCCTCCATGCTAT	87240
Query	646226	CTAGACAACGTCTACTGCTCCCAAAGCTCTCCCTTCTCCAGAGATTAATATGTCTCAGG	646285
Sbjct	87241	CTAGACAACGTCTACTGCTCCCAAAGCTCTCCCTTCTCCAGAGATTAATATGTCTCAGG	87300
Query	646286	CTGTAGGGCTGAACACTGAAAGTGAAGATCTGAAATGCTGAATGTAGTGGAAGAATTAGA	646345
Sbjct	87301	CTGTAGGGCTGAACACTGAAAGTGAAGATCTGAAATGCTGAATGTAGTGGAAGAATTAGA	87360
Query	646346	ATTGCAACCAGGAAGTcagagatgagatgagagagacagagatagagacagaaacagaga	646405
Sbjct	87361	ATTGCAACCAGGAAGTCAGAGATGAGATGAGAGAGACAGAGATAGAGACAGAAACAGAGA	87420
Query	646406	gacagagacagacagagacagaAGTCAAGATATAAAGTGTAAGGGGTAAAAGCTAGTATC	646465
Sbjct	87421	GACAGAGACAGACAGAGACAGAAGTCAAGATATAAAGTGTAAGGGGTAAAAGCTAGTATC	87480
Query	646466	CAAATTGTGTTTGTAACAAATATTTTAGTATTTAAAGTGTGTCAGAAAATATTCATCCCT	646525
Sbjct	87481	CAAATTGTGTTTGTAACAAATATTTTAGTATTTAAAGTGTGTCAGAAAATATTCATCCCT	87540
Query	646526	CCTCCCTCAGGACCTTCCACGTCCAGCCCAACTAATCTACTTTGAAGCCACCACACAAAC	646585
Sbjct	87541	CCTCCCTCAGGACCTTCCACGTCCAGCCCAACTAATCTACTTTGAAGCCACCACACAAAC	87600
Query	646586	CTACATATTGTCAACCAAAACCCCTGTGGATTGTAATGTAGAGACTGCACtttttttttt	646645
Sbjct	87601	CTACATATTGTCAACCAAAACCCCTGTGGATTGTAATGTAGAGACTGCACTTTTTTTTTT	87660
Query	646646	ttcccttttttttttttttttttttttATTAACCTGAGTATTTCTTATATACATTTCGAGTGTTAT	646705
Sbjct	87661	TTCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTAACCTGAGTATTTCTTATATACATTTCGAGTGTTAT	87720
Query	646706	TCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACA tccccccctcccccttccttatgggtgttccct	646765
Sbjct	87721	TCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCCCCCCCTCCCCTTCCTTATGGGTGTTCCCT	87780
Query	646766	cccaaccctccccccattgccgcctccccccATAGACTAGTTCACTGTGGGTTCACTCT	646825
Sbjct	87781	CCCAACCCTCCCCCATTCGCCCTCCCCCATAGACTAGTTCACTGTGGGTTCACTCT	87840
Query	646826	TAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGTATATTCATTGCTACCT	646885
Sbjct	87841	TAGCAGGACCCAGGGCTTCCCTTCCACTGGTGTCTTACTAGTATATTCATTGCTACCT	87900
Query	646886	ATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGG	646945
Sbjct	87901	ATGGGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAGTCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGG	87960
Query	646946	AAGCTCTGGTTGCTTGGCATGTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCC	647005
Sbjct	87961	AAGCTCTGGTTGCTTGGCATGTGTTGTACTTTTGGGGTCTCGAGCCCCTTCAAGCTCTTCC	88020
Query	647006	AGTTCTTTCTCTGATTCCTTCAATAGGGGACCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGG	647065
Sbjct	88021	AGTTCTTTCTCTGATTCCTTCAATAGGGGACCTATTCTCAGTTCAGTGGTTTGCTGCTGG	88080
Query	647066	CATTGCGCTCTATATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTTCATCCGGC	647125
Sbjct	88081	CATTGCGCTCTATATTTGCTGTATTCTGGCTGTGTCTCTCAGGAGCGATCTTCATCCGGC	88140
Query	647126	TCCTGTCGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGT	647185

Sbjct	88141	TCCTGTCGGTCTGCACTTCTTTGCTTCATCCATCTTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGT	88200
Query	647186	ATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTT	647245
Sbjct	88201	ATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTGTTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTT	88260
Query	647246	GCCTCTCCCTTCCTTGCCAAGGGTATTCCTTTTTCCTCATTTAAAGAAGGAGTGAAGCATT	647305
Sbjct	88261	GCCTCTCCCTTCCTTGCCAAGGGTATTCCTTTTTCCTCATTTAAAGAAGGAGTGAAGCATT	88320
Query	647306	CACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCGTTTGTTCTAGGGATCTAGGGTAATTCAAGCA	647365
Sbjct	88321	CACATTTTGATCATCCGTCTTGAGTTTCGTTTGTTCTAGGGATCTAGGGTAATTCAAGCA	88380
Query	647366	TTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGT	647425
Sbjct	88381	TTTGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATACCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGT	88440
Query	647426	TAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCGCTACGAATTCATAAACTC	647485
Sbjct	88441	TAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAACCATTTCGCTACGAATTCATAAACTC	88500
Query	647486	GTTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCA	647545
Sbjct	88501	GTTGTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCCATTGTGTAGATGTACCACATTTTCTGTATCCA	88560
Query	647546	TTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGC	647605
Sbjct	88561	TTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAGCTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGC	88620
Query	647606	GATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCC	647665
Sbjct	88621	GATGAACATAGTGGAGCACGTGTCTCTTTTATATGTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCC	88680
Query	647666	CAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCAGGCAATTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCA	647725
Sbjct	88681	CAAGAGAGGTATAGCTGGATCATCAGGCAATTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCA	88740
Query	647726	GACTGATTTCCAGAATGGTTTACCAGTCTGCAATCCCAACAATGGAGGAGTGTTCC	647785
Sbjct	88741	GACTGATTTCCAGAATGGTTTACCAGTCTGCAATCCCAACAATGGAGGAGTGTTCC	88800
Query	647786	TCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCAATCG	647845
Sbjct	88801	TCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTACCTGAGTTTTTGATCTTAGCCAATCG	88860
Query	647846	CACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTGTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGA	647905
Sbjct	88861	CACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTGTGTTTGATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGA	88920
Query	647906	TGTTGAACATTTCTTTAGTGTTTCTCAGCCATTGCGCATTCCTCAGCTGTGAATTCTTT	647965
Sbjct	88921	TGTTGAACATTTCTTTAGTGTTTCTCAGCCATTGCGCATTCCTCAGCTGTGAATTCTTT	88980
Query	647966	GTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTTTCCCTGCGGTCTAACTTCTT	648025
Sbjct	88981	GTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATAGGGTTATTTGTTTCCCTGCGGTCTAACTTCTT	89040
Query	648026	GAGTTCTTTGTATATTTTGAAATAAGGCCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTT	648085
Sbjct	89041	GAGTTCTTTGTATATTTTGAAATAAGGCCCTCTATCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTT	89100
Query	648086	TTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCT	648145
Sbjct	89101	TTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTTAACCACAGTGTCTTTGCCTTACAGAAGCT	89160
Query	648146	TTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGT	648205
Sbjct	89161	TTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTTGATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGT	89220
Query	648206	TTTGTTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTC	648265
Sbjct	89221	TTTGTTTCAGGAAATTTTTTCCAGTGCCCATGTGTTCCAGATGCTTCCCTAGTTTTTCTTC	89280
Query	648266	TATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTIONAAGCTT	648325
Sbjct	89281	TATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGGTCCTTGATCCACTTGGACTIONAAGCTT	89340
Query	648326	TGTACAGGGTGATAAGGATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGCCCTCCAGTTGAA	648385
Sbjct	89341	TGTACAGGGTGATAAGGATGGATCGATCTGCATTCTTCTACATGTTGCCCTCCAGTTGAA	89400
Query	648386	CCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTC	648445
Sbjct	89401	CCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTCCATTGGATGGTTTTGGCTCCTTTGTC	89460
Query	648446	AAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTG	648505
Sbjct	89461	AAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTCATTTCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTG	89520

Query	648506	GTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATA	648565
Sbjct	89521	GTCTATCTGTCTGTCTCTGTACCAATACCATGCAGTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATA	89580
Query	648566	CTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGCTTT	648625
Sbjct	89581	CTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAAGTCCTTTTATTGTTGAGGATAGCTTT	89640
Query	648626	AGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTT	648685
Sbjct	89641	AGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAATTTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTT	89700
Query	648686	GAAGAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAA	648745
Sbjct	89701	GAAGAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCATTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAA	89760
Query	648746	AATGGCCATTTTTACCATAATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCT	648805
Sbjct	89761	AATGGCCATTTTTACCATAATTAATCCTGCCAATCCATGAGCATGGGAGATCTTTCATCT	89820
Query	648806	TCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCCTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTT	648865
Sbjct	89821	TCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCCTCAGTGTCTTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTT	89880
Query	648866	TACTTGCTTGTTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATATTATTGGGTCTATTATGAAGGG	648925
Sbjct	89881	TACTTGCTTGTTTAAAGTCACACCGAGGTACTTTATATTATTGGGTCTATTATGAAGGG	89940
Query	648926	TGTCGTTTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGA	648985
Sbjct	89941	TGTCGTTTTCCCTAATTTCTTTCTCGGCTTGTTTCTCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGA	90000
Query	648986	TTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGTAG	649045
Sbjct	90001	TTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTTGCTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGTAG	90060
Query	649046	TTCTCTGGTGGAACTTTTGGGATCACTTAAATATACTATCATGTCATCTGCAAATAGTGA	649105
Sbjct	90061	TTCTCTGGTGGAACTTTTGGGATCACTTAAATATACTATCATGTCATCTGCAAATAGTGA	90120
Query	649106	TATTTTGACCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTGTCTGATTGC	649165
Sbjct	90121	TATTTTGACCTCTTCTTTTCCGATCTGTATCCCTTTGATCTCCTTTTGTGTCTGATTGC	90180
Query	649166	TCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGTCT	649225
Sbjct	90181	TCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATATTGAATAAGTAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGTCT	90240
Query	649226	AGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAAATGTTAGCAAC	649285
Sbjct	90241	AGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTCTCTCCATTTAGTTTAAATGTTAGCAAC	90300
Query	649286	TGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTATTCTTTC	649345
Sbjct	90301	TGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGGTATGGGCCTTGAATTCCTATTCTTTC	90360
Query	649346	CAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGA	649405
Sbjct	90361	CAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTGTCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGA	90420
Query	649406	AATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAAGTTTGTGTTTATATAATGGATCACGTTGATGGTTTT	649465
Sbjct	90421	AATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAAGTTTGTGTTTATATAATGGATCACGTTGATGGTTTT	90480
Query	649466	CCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGAT	649525
Sbjct	90481	CCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATGAAGCCTACTTGATCATGGTGGATGAT	90540
Query	649526	TGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTGCCTCGAT	649585
Sbjct	90541	TGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCGGTTTGCCAGAATTTTATTGAGTATTTTGCCTCGAT	90600
Query	649586	ATTCATAAGGGAAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGG	649645
Sbjct	90601	ATTCATAAGGGAAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTCTTTGTTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGG	90660
Query	649646	TATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGGGCTCCATCTGTTTCAATTTT	649705
Sbjct	90661	TATAAGAGTAATTGTGGCTTCATAGAAGGAATTCGGTAGGGCTCCATCTGTTTCAATTTT	90720
Query	649706	GTGGAATAGTTTGGATAAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAGAATTCTGC	649765
Sbjct	90721	GTGGAATAGTTTGGATAAATATTGGTATGAGGTCTTCTATGAAGGTTTGATAGAATTCTGC	90780
Query	649766	ACTAAACCCGCTCGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTAT	649825
Sbjct	90781	ACTAAACCCGCTCGGACCTGGGCTCTTTTGGTTGGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTAT	90840
Query	649826	TTCTTAGGAGTTATGGGGTGTGTTAACTGGTTTATCTGTTCTGATTTAACTTCGATAC	649885

Sbjct	90841	TTCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTTATCTGTTCCCTGATTTAACTTCGATAC	90900
Query	649886	CTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGAAGATTTTCAAATTTTGTGGAATATAG	649945
Sbjct	90901	CTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTGAAGATTTTCAAATTTTGTGGAATATAG	90960
Query	649946	GTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCCGAATCTGTAGTTATGTCTCC	650005
Sbjct	90961	GTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATTTCTCCGAATCTGTAGTTATGTCTCC	91020
Query	650006	CTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGTCCTCTCGTTAGTCTGGC	650065
Sbjct	91021	CTTTTCATTTCTGATTTTGTAAATTTGGACACACTCTCTGTGTCCTCTCGTTAGTCTGGC	91080
Query	650066	TAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCT	650125
Sbjct	91081	TAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAGAACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCT	91140
Query	650126	TTCTATGGTCCTTTTGTGTTCTACTTGTTGATTTAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTCTG	650185
Sbjct	91141	TTCTATGGTCCTTTTGTGTTCTACTTGTTGATTTAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTCTG	91200
Query	650186	CCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGT	650245
Sbjct	91201	CCTTCTACTCCTCCTGGGTGTATTTGCTTCTTTTTGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGT	91260
Query	650246	CAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTT	650305
Sbjct	91261	CAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTTCTGCAGGCACTCAGCGCTATGAGTTT	91320
Query	650306	TCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTC	650365
Sbjct	91321	TCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCATAAGTTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTC	91380
Query	650366	ATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATT	650425
Sbjct	91381	ATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTTCTTTCTTTATTTCTTCCTTGACCAGGTTATCATT	91440
Query	650426	GAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAA	650485
Sbjct	91441	GAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTGGGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAA	91500
Query	650486	GACCAGTTTTAGGCCGTTGTGGTCCGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTA	650545
Sbjct	91501	GACCAGTTTTAGGCCGTTGTGGTCCGATAGCACGCATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTA	91560
Query	650546	CCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAGAAAGTACCATGAGG	650605
Sbjct	91561	CCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGGTCAATTTTGAGAGAAAGTACCATGAGG	91620
Query	650606	AGCTGAGAAGAAGGTATATCTTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATCCGTTAA	650665
Sbjct	91621	AGCTGAGAAGAAGGTATATCTTTTTGCTTTAGGATAGAATGTTCTATAAATATCCGTTAA	91680
Query	650666	GTCCATTTGGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTACATCACTGTTTAAATTTCTGTTTCCA	650725
Sbjct	91681	GTCCATTTGGGCTCATGACTTCTCTTAGTCTGTCTACATCACTGTTTAAATTTCTGTTTCCA	91740
Query	650726	TGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGC	650785
Sbjct	91741	TGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAATCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGC	91800
Query	650786	AATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACATAAGTAGGTGCCCTTGTATTTGG	650845
Sbjct	91801	AATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTTACATAAGTAGGTGCCCTTGTATTTGG	91860
Query	650846	GGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGTTGATTTTTCTTTTGATGAATATGAA	650905
Sbjct	91861	GGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGTTGATTTTTCTTTTGATGAATATGAA	91920
Query	650906	GTGTCCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAATGATTTTATTGATATTAG	650965
Sbjct	91921	GTGTCCTTCCTTATCTTTTTTGATGACTTTTAGTTGGAATGATTTTATTGATATTAG	91980
Query	650966	AATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACTTGCTTGGAAAGTTGTTTTCCAGCGTTT	651025
Sbjct	91981	AATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCACTTGCTTGGAAAGTTGTTTTCCAGCGTTT	92040
Query	651026	CACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGC	651085
Sbjct	92041	CACTCTGAGGTAGTATCTGTCTTTGTCTCTGAGGTGTGTTTCTGTAGGCAGCAGAATGC	92100
Query	651086	AGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTGAGGCC	651145
Sbjct	92101	AGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAATCTATGTCTTTTTATTGGGGAGTTGAGGCC	92160
Query	651146	ATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATAGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGA	651205
Sbjct	92161	ATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATAGTGATTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGA	92220

Query	651206	TGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTGTGGCCAAGACGATTAGTTTC	651265
Sbjct	92221	TGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCTCTTTGTTTGTGGCCAAGACGATTAGTTTC	92280
Query	651266	TTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTTATTATCCTTT	651325
Sbjct	92281	TTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCTTATGTTGGGCTTTACCATTTATTATCCTTT	92340
Query	651326	GTAGTGCTGGATTTGTAGAAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGG	651385
Sbjct	92341	GTAGTGCTGGATTTGTAGAAAAGATATTGTGTAAATTTGGTTTTGTCATGGAATATCTTGG	92400
Query	651386	TTTCTCCATCAATGTTAATTGAGAGTTTGTGCTGGATACAGTAATCTGGGCTGGCATTGT	651445
Sbjct	92401	TTTCTCCATCAATGTTAATTGAGAGTTTGTGCTGGATACAGTAATCTGGGCTGGCATTGT	92460
Query	651446	GTTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCG	651505
Sbjct	92461	GTTCTCTTAGGGTCTGTATAACATCAGTCCAGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCG	92520
Query	651506	AGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCCTTA	651565
Sbjct	92521	AGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCCCTTTATATGTTACTTGACCTTTTTCCCTTA	92580
Query	651566	CTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGG	651625
Sbjct	92581	CTGCTTTTAAATATTCTTTCTTTATTTTGTGCGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGG	92640
Query	651626	AGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCCTGTATGTCTATGG	651685
Sbjct	92641	AGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTGGAGTTCTGTAGGCTTCCTGTATGTCTATGG	92700
Query	651686	GTATCTCtttttttAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTG	651745
Sbjct	92701	GTATCTCTTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTCTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTG	92760
Query	651746	GTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTC	651805
Sbjct	92761	GTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTTCTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTC	92820
Query	651806	TCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCGCTTTACATTAT	651865
Sbjct	92821	TCATTGAGTCCTGGATTTCTGTATGTTTTGGACCAGTAGCTTTTTCCGCTTTACATTAT	92880
Query	651866	CTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTTCCA	651925
Sbjct	92881	CTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGGAATCTTCTGCTCCTGAGATTCTCTTCCA	92940
Query	651926	TCTCTTGATTTCTGTTGGTGAAGCTTGATCTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGGTTTT	651985
Sbjct	92941	TCTCTTGATTTCTGTTGGTGAAGCTTGATCTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGGTTTT	93000
Query	651986	CTATATCCAGGGTGTTTTCCATGTGTCTTTCTTGATTGCTTCTATTTCCATTTTTAATT	652045
Sbjct	93001	CTATATCCAGGGTGTTTTCCATGTGTCTTTCTTGATTGCTTCTATTTCCATTTTTAATT	93060
Query	652046	CCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGGCATTCTCTCTC	652105
Sbjct	93061	CCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGAATCTTTCAGGGATTTTGGCATTCTCTCTC	93120
Query	652106	TGTAGGCTTTTACTTGTTTATTAATGTTTTCTGTGCTTCCCTAAGTGTTTCAGGTCTT	652165
Sbjct	93121	TGTAGGCTTTTACTTGTTTATTAATGTTTTCTGTGCTTCCCTAAGTGTTTCAGGTCTT	93180
Query	652166	TCCTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTCTG	652225
Sbjct	93181	TCCTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAATATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTCTG	93240
Query	652226	GTGTGTTTGGATATTCCATGTTTGTGTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGATGGCATGT	652285
Sbjct	93241	GTGTGTTTGGATATTCCATGTTTGTGTTTGGTGGGAGAATTGGGCTCCGATGATGGCATGT	93300
Query	652286	AGTCTTGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAG	652345
Sbjct	93301	AGTCTTGTTTCTGTTGCTTGGGTTCTGCGCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAG	93360
Query	652346	TGTTACTTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAG	652405
Sbjct	93361	TGTTACTTTGTCTGCTATTTCTGACAGTGGCTAGACTGTCCTATAAGCCTGTGTGTCAG	93420
Query	652406	GAGTGCTGTAGACCTGTTTTCTCTCTTTTCAGTCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTT	652465
Sbjct	93421	GAGTGCTGTAGACCTGTTTTCTCTCTTTTCAGTCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTT	93480
Query	652466	TCGGGCGTGTAGTTTTTCTCTCTACAGGTCTTCAGCTGTTCTGTGGGCCTGTGTCTTG	652525
Sbjct	93481	TCGGGCGTGTAGTTTTTCTCTCTACAGGTCTTCAGCTGTTCTGTGGGCCTGTGTCTTG	93540
Query	652526	AGTTCACCAGGCAGCTTTCTTGCAGCAGAAAATTTGGTCTTACCTGTGGTCCCAGGCTC	652585

Sbjct	93541	CACCAGGCAGCTTTCTTGCAGCAGAAAAATTTGGTCTTACCTGTGGTCCCGAGGCTC	93600
Query	652586	AGGTTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCCACGGGCTCTCTGCAGGGGCAGCAACCAGGAAGACCT	652645
Sbjct	93601	AGGTTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCCACGGGCTCTCTGCAGGGGCAGCAACCAGGAAGACCT	93660
Query	652646	GTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACCAGGGTTCCAGATGGTCTTTGGCTTTTTTC	652705
Sbjct	93661	GTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACCAGGGTTCCAGATGGTCTTTGGCTTTTTTC	93720
Query	652706	TCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGCCTGTCTGC	652765
Sbjct	93721	TCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGCCTGTCTGC	93780
Query	652766	CTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTTATGCGG	652825
Sbjct	93781	CTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTTATGCGG	93840
Query	652826	TCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCCGGCAGGGGTCCTGCCGCTCCTGGGCCCTC	652885
Sbjct	93841	TCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCCGGCAGGGGTCCTGCCGCTCCTGGGCCCTC	93900
Query	652886	CCCCACGGGAGCCCAGAGGCCTTATACAGTTTCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGG	652945
Sbjct	93901	CCCCACGGGAGCCCAGAGGCCTTATACAGTTTCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGG	93960
Query	652946	TGAGCAGTGTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGCCTCAGGAGTGCCACCTGACCAGGCG	653005
Sbjct	93961	TGAGCAGTGTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGCAGCCTCAGGAGTGCCACCTGACCAGGCG	94020
Query	653006	GTTGGGTCTCTCTCTCACCGGTCTGGGAGCAGAGAGCTGCTGCGGGCCGGGATCCGCGG	653065
Sbjct	94021	GTTGGGTCTCTCTCTCACCGGTCTGGGAGCAGAGAGCTGCTGCGGGCCGGGATCCGCGG	94080
Query	653066	GTGTGGGACTTCCGGTAAACACAGAACGTGCCCGTTCTAGAGAAATCTGCTTCTGTGT	653125
Sbjct	94081	GTGTGGGACTTCCGGTAAACACAGAACGTGCCCGTTCTAGAGAAATCTGCTTCTGTGT	94140
Query	653126	GTCCCAAGCTCACCAAGGCAGCTTTCTTGCAGCAGAAAAATTTGGTCTTACCTGTGGTCCCG	653185
Sbjct	94141	GTCCCAAGCTCACCAAGGCAGCTTTCTTGCAGCAGAAAAATTTGGTCTTACCTGTGGTCCCG	94200
Query	653186	AGGCTCAAGTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCAGGGGCTCTCTGCAGCGGCTGCAACCAGGA	653245
Sbjct	94201	AGGCTCAAGTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCAGGGGCTCTCTGCAGCGGCTGCAACCAGGA	94260
Query	653246	AGACCTGTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACCAGGGTTCCAGATGGTCTTTGGCT	653305
Sbjct	94261	AGACCTGTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACCAGGGTTCCAGATGGTCTTTGGCT	94320
Query	653306	TTTTCCTCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGCGT	653365
Sbjct	94321	TTTTCCTCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCAGTCTCTTCTGGTTTCCCAGGCGT	94380
Query	653366	GTCCGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTT	653425
Sbjct	94381	GTCCGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGGGATTGGGTGCAGAGAACTGTTT	94440
Query	653426	ATCCGGTCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCGAGACTGCACTTTTACACTCCTTA	653485
Sbjct	94441	ATCCGGTCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCGAGACTGCACTTTTACACTCCTTA	94500
Query	653486	AAAACATACAACCTTTCTCTTTGGTCATTTCTTCTCAACAAGCATTAAGATACAACAATGA	653545
Sbjct	94501	AAAACATACAACCTTTCTCTTTGGTCATTTCTTCTCAACAAGCATTAAGATACAACAATGA	94560
Query	653546	GCATACTAAGCCGTTCTTTTTGCCCTGTAGCATACATGATATTTATGATGGACTAACTGA	653605
Sbjct	94561	GCATACTAAGCCGTTCTTTTTGCCCTGTAGCATACATGATATTTATGATGGACTAACTGA	94620
Query	653606	GAAATAAACAAGCATGTACAAGTGGTAGAGAGGGTCAAAGATAAGTAGGAAAACAATTGT	653665
Sbjct	94621	GAAATAAACAAGCATGTACAAGTGGTAGAGAGGGTCAAAGATAAGTAGGAAAACAATTGT	94680
Query	653666	ATCCTAGTCCAGTAAGCGAGGTGGCATGAAGAAAAAGAATCAGTCTGTCCAGGGCAATAG	653725
Sbjct	94681	ATCCTAGTCCAGTAAGCGAGGTGGCATGAAGAAAAAGAATCAGTCTGTCCAGGGCAATAG	94740
Query	653726	CCCACTATAAAGATCTACACCATGGGACAAAGaaaaaccaaaaacaaaaaCAGTAGTAAT	653785
Sbjct	94741	CCCACTATAAAGATCTACACCATGGGACAAAGAAAAAACAAAAACAAAAACAGTAGTAAT	94800
Query	653786	GCTGAGTTTTAGAATTGAAAGCTACAAAACCTAAACTCAACAAATATCTCAAGGAAGTT	653845
Sbjct	94801	GCTGAGTTTTAGAATTGAAAGCTACAAAACCTAAACTCAACAAATATCTCAAGGAAGTT	94860
Query	653846	TTCTTTCTCTCTTTGTCATATACATGCATCATAAAGCTCGTTTGTACAAATTTCTATGT	653905
Sbjct	94861	TTCTTTCTCTCTTTGTCATATACATGCATCATAAAGCTCGTTTGTACAAATTTCTATGT	94920

Query	653906	AGTAATACTAAAAATATTGTTATTAGGATTATTTCAATACAACCAACAGTTGTTGCTGGC	653965
Sbjct	94921	AGTAATACTAAAAATATTGTTATTAGGATTATTTCAATACAACCAACAGTTGTTGCTGGC	94980
Query	653966	ATGTTGCTAAAGTGCATTTGAGACTCAATTATTTGCAGATacacacagacacacacacac	654025
Sbjct	94981	ATGTTGCTAAAGTGCATTTGAGACTCAATTATTTGCAGATACACACAGACACACACACAC	95040
Query	654026	tccacatgcaggtaatcacgcacagacactcagacaaataacaacagaaacacacTACTGT	654085
Sbjct	95041	TCCACATGCAGGTAATCACGCACAGACACTCAGACAAATACAACAGAAACACACTACTGT	95100
Query	654086	ATTCTCTACTCTGAAAAATGTGTCCTGAGCCTTGTTGGGCTGCAGAGGGACCCCATCC	654145
Sbjct	95101	ATTCTCTACTCTGAAAAATGTGTCCTGAGCCTTGTTGGGCTGCAGAGGGACCCCATCC	95160
Query	654146	AGAAGCTAGAGACATTTGCCTCAGGTCACTGCAGAAGACATCTGTCTGGATATCCAGAAG	654205
Sbjct	95161	AGAAGCTAGAGACATTTGCCTCAGGTCACTGCAGAAGACATCTGTCTGGATATCCAGAAG	95220
Query	654206	TACTTCTCTCTCCGACAGAGAAGGCTGGAGGGAGAACACATGCAATCATGGCTGAGCAGC	654265
Sbjct	95221	TACTTCTCTCTCCGACAGAGAAGGCTGGAGGGAGAACACATGCAATCATGGCTGAGCAGC	95280
Query	654266	CTGGTATATGAGAGTTCACAGAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAA	654325
Sbjct	95281	CTGGTATATGAGAGTTCACAGAGCTGCTGACCTATCTGGATTTGACCACATTGTCCAGAA	95340
Query	654326	GATAAGCAGTGTGTACAAGGGATGGTAGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTTAC	654385
Sbjct	95341	GATAAGCAGTGTGTACAAGGGATGGTAGGGGACTCTTAGCACAGGCAGAGACATTTTAC	95400
Query	654386	AGAGTGCCAGACAAACCATCTCTTAGTTCAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCC	654445
Sbjct	95401	AGAGTGCCAGACAAACCATCTCTTAGTTCAGTGGACGGTAGATGGCCTACCAGAGGAGCC	95460
Query	654446	AATGTCGGTAAGTAGAGTAATGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAGGGAAAA	654505
Sbjct	95461	AATGTCGGTAAGTAGAGTAATGTGGGGAGCAGAAGATGCAGACCTCCAGGTCAGGGAAAA	95520
Query	654506	GCCATTTGCTAGAGGTCCCTCCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAG	654565
Sbjct	95521	GCCATTTGCTAGAGGTCCCTCCTGTGAGGCAATAGGACAGGTATTTCTCAACATCCACAG	95580
Query	654566	CCAAGCCTATGTCTCTCCAGTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCA	654625
Sbjct	95581	CCAAGCCTATGTCTCTCCAGTTTGCTTCAAGGACCTACCACATATGTCTGCTTTGCCCA	95640
Query	654626	AGAAGGACCTACCACATATGTGTGCTTGGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTGTGCTT	654685
Sbjct	95641	AGAAGGACCTACCACATATGTGTGCTTGGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTGTGCTT	95700
Query	654686	GGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGT	654745
Sbjct	95701	GGCCCAAGAATGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCACATATGT	95760
Query	654746	CTGCTTGGCCCAAGATGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCAC	654805
Sbjct	95761	CTGCTTGGCCCAAGATGGACCTACCACATATGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGACCTACCAC	95820
Query	654806	ATTTGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCTGAGCTCTTGGGCAGGAAGGGT	654865
Sbjct	95821	ATTTGTCTGCTTGGCCCAAGAAGGCACAGAAAGGTTTGTCTGAGCTCTTGGGCAGGAAGGGT	95880
Query	654866	GTTTCGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAGAGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTC	654925
Sbjct	95881	GTTTCGGGAAATGCTGAGGCAAAGTCCTTTCAGGCAGAGAGTCTGAATGCCAGCTCAATTC	95940
Query	654926	AAGTAAGAGTAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCCAGCCAGCCTTCCTCAATTGTGTGCT	654985
Sbjct	95941	AAGTAAGAGTAAAGGAAACACTGTGAGTAATGCCAGCCAGCCTTCCTCAATTGTGTGCT	96000
Query	654986	GGCATTTTCATATTCTGTGTATATTTCATGCCGGATAGGTCTTGCCAGACCTTGAAGAAGT	655045
Sbjct	96001	GGCATTTTCATATTCTGTGTATATTTCATGCCGGATAGGTCTTGCCAGACCTTGAAGAAGT	96060
Query	655046	AGACCTTGAAGTAGGAAGGGGCCACATCTTCTTGAGAATCAGCAAGGGAAGATCTGGAGA	655105
Sbjct	96061	AGACCTTGAAGTAGGAAGGGGCCACATCTTCTTGAGAATCAGCAAGGGAAGATCTGGAGA	96120
Query	655106	AGCCCCCATGATCCTCAGACTCATCAATCCCTGCTCTGCAGCTGCTGTGTCAATATAAGT	655165
Sbjct	96121	AGCCCCCATGATCCTCAGACTCATCAATCCCTGCTCTGCAGCTGCTGTGTCAATATAAGT	96180
Query	655166	CAAGGTGGAGGGGCACCAGACACCCAGGTGAGGCCTAGCAGTTTTCCTGTGTTGTGGACA	655225
Sbjct	96181	CAAGGTGGAGGGGCACCAGACACCCAGGTGAGGCCTAGCAGTTTTCCTGTGTTGTGGACA	96240
Query	655226	CAATAACAGGAAAAGCTGATACTTGTGGAGAAAGTCAGTTTGAGGGCACTGATGGGATGG	655285



Sbjct	96241	CAATAACAGGAAAAGCTGATACTTGTGGAGAAAGTCAGTTTGAGGGGCACTGATGGGATGG	96300
Query	655286	AAGTTGGGGAGTTCCATAACCGTGCTGACAATGAAGCTGCACCTTTCCTAACACTGCAGG	655345
Sbjct	96301	AAGTTGGGGAGTTCCATAACCGTGCTGACAATGAAGCTGCACCTTTCCTAACACTGCAGG	96360
Query	655346	GATGGGCTTTTCTGGGTTACTCTCAGAAACCCAGACTTTACTCTTGAATCCTGTGTCTGAG	655405
Sbjct	96361	GATGGGCTTTTCTGGGTTACTCTCAGAAACCCAGACTTTACTCTTGAATCCTGTGTCTGAG	96420
Query	655406	TCAGTGTGTCTAGTGAGGTCACATCCCAACATTGAGAACTGCACTGGAGGGTGGCACAGG	655465
Sbjct	96421	TCAGTGTGTCTAGTGAGGTCACATCCCAACATTGAGAACTGCACTGGAGGGTGGCACAGG	96480
Query	655466	GAATTCTGTCAAGGCCAACATTCTGTGATTTCCACATGAGGCAGGAGCAATTAGTGTGT	655525
Sbjct	96481	GAATTCTGTCAAGGCCAACATTCTGTGATTTCCACATGAGGCAGGAGCAATTAGTGTGT	96540
Query	655526	CCTCCAGGACTCTGAAGCAGGAGTTAAAGTGCCCCAAATGCCTTGTCTGGTAGCCTGTTA	655585
Sbjct	96541	CCTCCAGGACTCTGAAGCAGGAGTTAAAGTGCCCCAAATGCCTTGTCTGGTAGCCTGTTA	96600
Query	655586	TTGCCTGGTTGCTCTTGATGGAGGCATTGATGATCTGTGTGCTGTCTTCCTAAGAGAGTG	655645
Sbjct	96601	TTGCCTGGTTGCTCTTGATGGAGGCATTGATGATCTGTGTGCTGTCTTCCTAAGAGAGTG	96660
Query	655646	CACGTAACCTATTAGGAGGAGGAAATACCTTTCTCTGACTTCCTCACTCAGCTCCAGA	655705
Sbjct	96661	CACGTAACCTATTAGGAGGAGGAAATACCTTTCTCTGACTTCCTCACTCAGCTCCAGA	96720
Query	655706	AAGGACCCCCGTCCATTCTGCCAAGCCACTGCCCTTGGCTTTGGCTCTCCATCCACTGGC	655765
Sbjct	96721	AAGGACCCCCGTCCATTCTGCCAAGCCACTGCCCTTGGCTTTGGCTCTCCATCCACTGGC	96780
Query	655766	AAAGGCATGTTTTGGCATCTTGCCACTTTGTATCCTCAAGTACAGCCCTTCTCTACCCCT	655825
Sbjct	96781	AAAGGCATGTTTTGGCATCTTGCCACTTTGTATCCTCAAGTACAGCCCTTCTCTACCCCT	96840
Query	655826	ATTTCCCTCACGTGGATAACACCTCATGACTACCAGTTGCTGAGGGAGTAGTGTCACTGAA	655885
Sbjct	96841	ATTTCCCTCACGTGGATAACACCTCATGACTACCAGTTGCTGAGGGAGTAGTGTCACTGAA	96900
Query	655886	TGGCATGTCACTCCAGTCCTGTCTCATTTCTCCAAGCACACGCTGCCAGCCATCCAGAT	655945
Sbjct	96901	TGGCATGTCACTCCAGTCCTGTCTCATTTCTCCAAGCACACGCTGCCAGCCATCCAGAT	96960
Query	655946	CATAACATCCAGAGTCCCTTTTCTCCCATCAAGGGCATCAGAGGACTCCCTACCTGAGAC	656005
Sbjct	96961	CATAACATCCAGAGTCCCTTTTCTCCCATCAAGGGCATCAGAGGACTCCCTACCTGAGAC	97020
Query	656006	TGCCTTCTAACTTTCTTAGCAGAGACCTAAGGTAATGTGTACAGGCTGCACTTGGCCATG	656065
Sbjct	97021	TGCCTTCTAACTTTCTTAGCAGAGACCTAAGGTAATGTGTACAGGCTGCACTTGGCCATG	97080
Query	656066	GATTCTTTTTGCCTGCTATTTATTCCATGGATAGCCTCTGCCTTTATAATTCTCCTCACA	656125
Sbjct	97081	GATTCTTTTTGCCTGCTATTTATTCCATGGATAGCCTCTGCCTTTATAATTCTCCTCACA	97140
Query	656126	GGACTACCCCAAAACAATATGATAATGGCTTAGAGAACCAGGTCCTTGAGTACTTTTGTT	656185
Sbjct	97141	GGACTACCCCAAAACAATATGATAATGGCTTAGAGAACCAGGTCCTTGAGTACTTTTGTT	97200
Query	656186	CTTCCAGGCTTCTCCAGGTGCTTTCCAATAATGTTTCTTTGTGAGGGTTAGGAGAGGGGC	656245
Sbjct	97201	CTTCCAGGCTTCTCCAGGTGCTTTCCAATAATGTTTCTTTGTGAGGGTTAGGAGAGGGGC	97260
Query	656246	CCTGTCTATTTCCCCCAAGTTTACCAAGTCAAATGTAGTTATCTATTGCTTGTGTCAAAC	656305
Sbjct	97261	CCTGTCTATTTCCCCCAAGTTTACCAAGTCAAATGTAGTTATCTATTGCTTGTGTCAAAC	97320
Query	656306	CCATCACACAGGGCAAGAGCACTGGGGGTCTATCATCATCCACAGTCTAGCTTGAAACC	656365
Sbjct	97321	CCATCACACAGGGCAAGAGCACTGGGGGTCTATCATCATCCACAGTCTAGCTTGAAACC	97380
Query	656366	TGAGTAGAATGGCCCTACTCCGACCCTGTCTTGTTGACCTGTGTGGTCCTTGGGGTCAGT	656425
Sbjct	97381	TGAGTAGAATGGCCCTACTCCGACCCTGTCTTGTTGACCTGTGTGGTCCTTGGGGTCAGT	97440
Query	656426	GACAGGTCTGACATAGAATGTCCCTCAAGGACCAAAAAGTGTTCATTCTTCAGAACAAA	656485
Sbjct	97441	GACAGGTCTGACATAGAATGTCCCTCAAGGACCAAAAAGTGTTCATTCTTCAGAACAAA	97500
Query	656486	GAGGACAAACAAGGGCTGGGGAAGCCAATACAACAACCAAGGACCTCAAGTGTTTGAGA	656545
Sbjct	97501	GAGGACAAACAAGGGCTGGGGAAGCCAATACAACAACCAAGGACCTCAAGTGTTTGAGA	97560
Query	656546	CACTCTATCCTGCATTGACATTCTGAAGTTGCAGTGAAGGCTAGGCGGCCAAGGGA	656605
Sbjct	97561	CACTCTATCCTGCATTGACATTCTGAAGTTGCAGTGAAGGCTAGGCGGCCAAGGGA	97620

Query	656606	AAAGATCCAGCATTCACGGAATCCACACACAGCAAATAGCCAAAATATGTACTAGCCT	656665
Sbjct	97621	AAAGATCCAGCATTCACGGAATCCACACACAGCAAATAGCCAAAATATGTACTAGCCT	97680
Query	656666	CTCTTCCAAACCCTTGATTATTCTGGCCTGGAACCCTCTCTGTCCTGACATTAGAAGCAC	656725
Sbjct	97681	CTCTTCCAAACCCTTGATTATTCTGGCCTGGAACCCTCTCTGTCCTGACATTAGAAGCAC	97740
Query	656726	CTCTCCTTTTCTGCCCAACTGCCTTCTTGGTATGGACATCAGCTATAGCTCATCTCAGA	656785
Sbjct	97741	CTCTCCTTTTCTGCCCAACTGCCTTCTTGGTATGGACATCAGCTATAGCTCATCTCAGA	97800
Query	656786	ATGTACTGAGAAGCACCCCTCTGAATGTCTCCTAACACTTCAGGAACAGCACTGCTGGTGT	656845
Sbjct	97801	ATGTACTGAGAAGCACCCCTCTGAATGTCTCCTAACACTTCAGGAACAGCACTGCTGGTGT	97860
Query	656846	CAGATGCCACTCTCAAATAAATATCTACCTGTTGATGAGCATATCTCTCATTGTTCTTTA	656905
Sbjct	97861	CAGATGCCACTCTCAAATAAATATCTACCTGTTGATGAGCATATCTCTCATTGTTCTTTA	97920
Query	656906	CACTCAAATGACATATATGTATATAGAAGAACGTCAACATTATTTCACATATGTGCTAaca	656965
Sbjct	97921	CACTCAAATGACATATATGTATATAGAAGAACGTCAACATTATTTCACATATGTGCTAACA	97980
Query	656966	cacacacacaAGAAAAAGAGGTAGAGAGAGTGGTCTatagatagatagatagatagatag	657025
Sbjct	97981	CACACACACAAGAAAAAGAGGTAGAGAGAGTGGTCTATAGATAGATAGATAGATAGATAG	98040
Query	657026	atagatagatagatagatagatagatagagagacagacagagaaagacagacagagacagac	657085
Sbjct	98041	ATAGATAGATAGATAGATAGATATAGAGAGACAGACAGAGAAAGACAGACAGAGACAGAC	98100
Query	657086	tgagagagagaaaacacacaaaagcagggagagagagagatggagagagagagaaaac	657145
Sbjct	98101	TGAGAGAGAGAAACACACAAAGAAAAGCAGGGAGAGAGAGAGATGGAGAGAGAGAGAAAC	98160
Query	657146	aaacacacacaacacatacaaaaaaacaggaagagagagacagagacagagagagac	657205
Sbjct	98161	AAACACACACAAACACATACAAAGAAAACAGGAAGAGAGAGACAGAGACAGAGAGAGAC	98220
Query	657206	agggagatggagagagacagagagtgaaggggagatagaAAAACACACATTGGGGATGAT	657265
Sbjct	98221	AGGGAGATGGAGAGAGACAGAGAGTGAGAGGGAGATAGAAAAACACACATTGGGGATGAT	98280
Query	657266	GTCACAGGTGAGGCAGGTACAGGATAGAAGGAGGTCTGTGTTTGAATGagaaggaaggac	657325
Sbjct	98281	GTCACAGGTGAGGCAGGTACAGGATAGAAGGAGGTCTGTGTTTGAATGAGAAGGAAGGAC	98340
Query	657326	aggcaggagaaaaagtttgaaggaagatgagaagattggaacggaaaaagaagaaACAGGAG	657385
Sbjct	98341	AGGCAGGAGAAAAGTTTGAAGGAAGATGAGAAGATTGGAACGGAAAAGAAGAAACAGGAG	98400
Query	657386	GGGAGGGACAGAAGCCGTGACAGAATATGACAGGGGATGTTAAGATTCCATGCTGTACCT	657445
Sbjct	98401	GGGAGGGACAGAAGCCGTGACAGAATATGACAGGGGATGTTAAGATTCCATGCTGTACCT	98460
Query	657446	TTACAGGTTGTTATGGATGTTTTTAAGGGATGGATATGTATTGGGCTTTGTATGTTTAGG	657505
Sbjct	98461	TTACAGGTTGTTATGGATGTTTTTAAGGGATGGATATGTATTGGGCTTTGTATGTTTAGG	98520
Query	657506	TGGGCGATTGTATCTTATTAATTGGGCCAAAGGTTATTGTGTTGTGTGTTCTTTCATGTA	657565
Sbjct	98521	TGGGCGATTGTATCTTATTAATTGGGCCAAAGGTTATTGTGTTGTGTGTTCTTTCATGTA	98580
Query	657566	GTGATTTTtagtGTAAGAAAGTGGGCACTGGCTGTCTGGCCACCACAGAGTTGGGATGTGT	657625
Sbjct	98581	GTGATTTTtagtGTAAGAAAGTGGGCACTGGCTGTCTGGCCACCACAGAGTTGGGATGTGT	98640
Query	657626	GTTTCTGGCATGGAACCTGCCTTGGGAACTAAATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCA	657685
Sbjct	98641	GTTTCTGGCATGGAACCTGCCTTGGGAACTAAATAGGAAGAAAGATTGCTGATGGCTCA	98700
Query	657686	CAGAGAGGCCTTCGGTAGTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGGCTTTGCTGA	657745
Sbjct	98701	CAGAGAGGCCTTCGGTAGTGTGATATGGGTTGGAGCAGAGCAAGTGAGAGGCTTTGCTGA	98760
Query	657746	CTGACAGTTAAGATATCCAGCAGATATCTTGGGACACTGTGGAATAGACCTAAAGTGGTG	657805
Sbjct	98761	CTGACAGTTAAGATATCCAGCAGATATCTTGGGACACTGTGGAATAGACCTAAAGTGGTG	98820
Query	657806	ATAAATGACCACCATACTtttttatttttatatattttGACAACAACAGacacacacacac	657865
Sbjct	98821	ATAAATGACCACCATACTTTTTTATTTTTTATATTTTGACAACAACAGACACACACACAC	98880
Query	657866	acacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacacCCCAATAGTCACCTACGTAG	657925
Sbjct	98881	ACACACACACACACACACACACACACACACACACACACACCCCAATAGTCACCTACGTAG	98940
Query	657926	GCTGTATATCCATCAAATACTTTACCTTCCTTATCATCAACAACTACTCCACATCACGTG	657985

Sbjct	98941	GCTGTATATCCATCAAATACTTTACCTTCCTTATCATCAACAACACTACTCCACATCACGTG	99000
Query	657986	TCCTGCTTGTAGTCCCAATGTCACCTTCTATCCCATATTTGTAGGTACACACTCAGAACT	658045
Sbjct	99001	TCCTGCTTGTAGTCCCAATGTCACCTTCTATCCCATATTTGTAGGTACACACTCAGAACT	99060
Query	658046	GTAAGATACAGGGTGCCCTGCCAGGAATGACTCCTAAGGTGCTTCTAGGTATTGCAATGC	658105
Sbjct	99061	GTAAGATACAGGGTGCCCTGCCAGGAATGACTCCTAAGGTGCTTCTAGGTATTGCAATGC	99120
Query	658106	TTATAGGAACATTCATGTAGGTGTGAGGCTCCCCACCAGTGCCAAGCTAGCAACGGGAT	658165
Sbjct	99121	TTATAGGAACATTCATGTAGGTGTGAGGCTCCCCACCAGTGCCAAGCTAGCAACGGGAT	99180
Query	658166	CAGACAAGTATGCTAGCCATTTGGTTATAATCATCATAGGAAGGAATTAGGCAAAAGGAC	658225
Sbjct	99181	CAGACAAGTATGCTAGCCATTTGGTTATAATCATCATAGGAAGGAATTAGGCAAAAGGAC	99240
Query	658226	CCACCACAGTCCAGGAAACCATTCACTCCTGCTGGCGCCTAAAGGTATAGAGACTAGGG	658285
Sbjct	99241	CCACCACAGTCCAGGAAACCATTCACTCCTGCTGGCGCCTAAAGGTATAGAGACTAGGG	99300
Query	658286	CCTGACCAGGAAGGTATATGAAGAAGGTATCCATTTCCATGTCAATTGCCACATCTTTGAG	658345
Sbjct	99301	CCTGACCAGGAAGGTATATGAAGAAGGTATCCATTTCCATGTCAATTGCCACATCTTTGAG	99360
Query	658346	ATCCTCATAAATTCTGAGTGACACATAGATTATAAAATTCTGTGTCTGTGACAGAATATG	658405
Sbjct	99361	ATCCTCATAAATTCTGAGTGACACATAGATTATAAAATTCTGTGTCTGTGACAGAATATG	99420
Query	658406	AAGGAGGTCATGTTAGACATTCTTGCAGGCCACTGGAGTCAGGAAATTGACATGGCCCTG	658465
Sbjct	99421	AAGGAGGTCATGTTAGACATTCTTGCAGGCCACTGGAGTCAGGAAATTGACATGGCCCTG	99480
Query	658466	ACTCTGTAGGAAGCTGACTAGACAATTTCTGCTTGGTCCTAGGACTTTGGCTGAAGGACT	658525
Sbjct	99481	ACTCTGTAGGAAGCTGACTAGACAATTTCTGCTTGGTCCTAGGACTTTGGCTGAAGGACT	99540
Query	658526	CTAAGAAACACCTCTCAGCTGACAGGAGCCTCCTAAGGAGCTGTCTCCTAAGAGGCTCTG	658585
Sbjct	99541	CTAAGAAACACCTCTCAGCTGACAGGAGCCTCCTAAGGAGCTGTCTCCTAAGAGGCTCTG	99600
Query	658586	CCAGAGCTTGACAAATGCAGAGGCAGATGCTTTCAGCCAACCATTGAACTGAGAATGGGA	658645
Sbjct	99601	CCAGAGCTTGACAAATGCAGAGGCAGATGCTTTCAGCCAACCATTGAACTGAGAATGGGA	99660
Query	658646	TCCCCAATGGAGGAGATAGAGAAAAGACTGAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAA	658705
Sbjct	99661	TCCCCAATGGAGGAGATAGAGAAAAGACTGAAGGAGCTGAAGGGGTTTACAACCCCATAA	99720
Query	658706	GAACAACAACAGTATCAGCCAATAGCCCCCGAGGGCTCCCAGGGACTAAACCAATGTCC	658765
Sbjct	99721	GAACAACAACAGTATCAGCCAATAGCCCCCGAGGGCTCCCAGGGACTAAACCAATGTCC	99780
Query	658766	CAGGAGTACATAGGGATGGCTCCAGTTGCATATGTAGCAGAGGATGGCTTTGTTGGCCAT	658825
Sbjct	99781	CAGGAGTACATAGGGATGGCTCCAGTTGCATATGTAGCAGAGGATGGCTTTGTTGGCCAT	99840
Query	658826	CAACAGTAAGAGAGGCCCTTGTTTCAAAGCT	658856
Sbjct	99841	CAACAGTAAGAGAGGCCCTTGTTTCAAAGCT	99871

Load next setPrevious Match

Loading alignment... for sequences gi|289450881 AlignDB=on Reading indexes 7–7

[Download GenBankGraphics](#)

Sort by:

Next Previous [Descriptions](#)

Rattus norvegicus Y Chr BAC RNAEX–258F11 (Amplicon Express Rat SHR–Akr BAC library) complete sequence

Sequence ID: [gb|AC239817.2|](#)Length: 97422Number of Matches: 154

Related Information

[Map Viewer](#)–aligned genomic context

Range 1: 1 to 97422[GenBankGraphics](#) Next Match Previous Match [First Match](#)

Alignment statistics for match #1

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	Frame
1.799e+05 bits(97422)	0.0(0)	97422/97422(100%)	0/97422(0%)	Plus/Plus	

Features:

Query	353818	AGCTTGTAATTTTATGAATCAAAAAGTCTTAATCCATTTACAGAATACTTCACACAAAC	353877
Sbjct	1	AGCTTGTAATTTTATGAATCAAAAAGTCTTAATCCATTTACAGAATACTTCACACAAAC	60
Query	353878	ACAAAAGAAGATACCTTCTTCTCAGTACCTCATGGAACCTTCCTCAAAACTTGACCATATT	353937
Sbjct	61	ACAAAAGAAGATACCTTCTTCTCAGTACCTCATGGAACCTTCCTCAAAACTTGACCATATT	120
Query	353938	CTTGAACACAAAGAAAGTTTCAACAAAAACAAGAAAGCTGCAGTAATTCTCTTCATCCTG	353997
Sbjct	121	CTTGAACACAAAGAAAGTTTCAACAAAAACAAGAAAGCTGCAGTAATTCTCTTCATCCTG	180
Query	353998	TCTAACTACCATGGATTAAGGCTGGATATCAACAATGACAGAAAGAACAGAAAGTTTACA	354057
Sbjct	181	TCTAACTACCATGGATTAAGGCTGGATATCAACAATGACAGAAAGAACAGAAAGTTTACA	240
Query	354058	AACTTGTGGAATTAACAACCTCGATACAGAGTTaaaaaaaaTGTTTTCAAGAATGATGT	354117
Sbjct	241	AACTTGTGGAATTAACAACCTCGATACAGAGTTAAAAAAAAATGTTTTCAAGAATGATGT	300
Query	354118	ATCATAGTAATAAAAAATAAGTTTATTTCATCACATTATCAAGAGTAATGACATTTGGCAGA	354177
Sbjct	301	ATCATAGTAATAAAAAATAAGTTTATTTCATCACATTATCAAGAGTAATGACATTTGGCAGA	360
Query	354178	TTATGAAATTATAGAAAAATTCCACATCCATTAAACAACACTAAGTTGCGTGAATCAGG	354237
Sbjct	361	TTATGAAATTATAGAAAAATTCCACATCCATTAAACAACACTAAGTTGCGTGAATCAGG	420
Query	354238	AGATGGCTAATTTAGCTCaaataaattatgtaactgagaaaaaatgggttaaaatggaaa	354297
Sbjct	421	AGATGGCTAATTTAGCTCAAATAAATTATGTAACTGAGAAAAAATGGGTAAAAATGGAAA	480
Query	354298	tgaagtaattaaaaaaagacttttctataaattcaatgaaaatgAACACAAACCATAACCCAA	354357
Sbjct	481	TGAAGTAATTA AAAAAGACTTTCTATAATTCAATGAAAATGAACACAAACCATAACCCAA	540
Query	354358	CTTAAAGGacacacaaagaaaacagttcaaagatgcaagttgtgtgaacattaaaaacaaa	354417
Sbjct	541	CTTAAAGGACACACAAAGAAAACAGTTCAAAGATGCAAGTTGTGTGAACATTAAAAACAA	600
Query	354418	caaacacaaacaaaccacacacacTTGTTCAATCTCATACCAGCAAATTAACAACATACCTAA	354477
Sbjct	601	CAACACAAACAAACCACACAACCTTGTTCAATCTCATACCAGCAAATTAACAACATACCTAA	660
Query	354478	AAGCTTTAGAAAGGAAAAGAAGCAAGCACACCCAAAAAGACTGATGGCAATAATTAATCAA	354537
Sbjct	661	AAGCTTTAGAAAGGAAAAGAAGCAAGCACACCCAAAAAGACTGATGGCAATAATTAATCAA	720
Query	354538	GCTCGGGGCTGAAATCAGTAAATCAAAAAGATAACAATTTAAAGATTCACTGAAACAAA	354597
Sbjct	721	GCTCGGGGCTGAAATCAGTAAATCAAAAAGATAACAATTTAAAGATTCACTGAAACAAA	780
Query	354598	GAATTGGTTCCTTCTAGAACATCAACAACATGGTTCaaaaaagaaagataggaaagaagga	354657
Sbjct	781	GAATTGGTTCCTTCTAGAACATCAACAACATGGTTCAAAAAAGAAAGATAGGAAAGAAGGA	840
Query	354658	agggaaggaggggggggagggaagggaaggaaaaCCTCTAATCTGAACTACCTAAACCAT	354717
Sbjct	841	AGGGAAGGAGGGGGGGAGGGAGGAAGGAAGGAAACCTCTAATCTGAACTACCTAAACCAT	900
Query	354718	AAAGAGAATATTCAAAATCAGACATCAAGGAAATGCATGGAGGCATACCTTAAACCTGT	354777
Sbjct	901	AAAGAGAATATTCAAAATCAGACATCAAGGAAATGCATGGAGGCATACCTTAAACCTGT	960
Query	354778	AGTTCACATAACTGCAAAATCTAAAGGAAATAAATAATTTTCTGCTATGTAGCACAAAC	354837
Sbjct	961	AGTTCACATAACTGCAAAATCTAAAGGAAATAAATAATTTTCTGCTATGTAGCACAAAC	1020
Query	354838	CAAAGTTAAATTAAGACCaaaaaaaaaaaaGCAAATTAATGAACATATAACCACTAGA	354897
Sbjct	1021	CAAAGTTAAATTAAGACCAAAAAAAAAAAAAGCAAATTAATGAACATATAACCACTAGA	1080
Query	354898	GAAATAGAAGCCATCATACGTTTCCCAAAAAACAAATGCCCAGGGTCTGACACTttttttt	354957
Sbjct	1081	GAAATAGAAGCCATCATACGTTTCCCAAAAAACAAATGCCCAGGGTCTGACACTTTTTTT	1140
Query	354958	ttttcttttttcttttttCTCGGAGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCA	355017
Sbjct	1141	TTTCTTTTTTCTTTTTCTCGGAGCTGGGGACTGAACCCAGGGCCTTGCGCTTGCTAGGCA	1200
Query	355018	AGCCCTCTACCACAGCTAAATCCCCAACCCAGGGTCTGATACTTTTAGCACAGAATTCT	355077
Sbjct	1201	AGCCCTCTACCACAGCTAAATCCCCAACCCAGGGTCTGATACTTTTAGCACAGAATTCT	1260
Query	355078	ACCAGACTTCCTCTACCAGAGAGGAGCTGAGGACGTA CTCTGTAAATTGTTTCACAAAC	355137
Sbjct	1261	ACCAGACTTCCTCTACCAGAGAGGAGCTGAGGACGTA CTCTGTAAATTGTTTCACAAAC	1320
Query	355138	TAGAAACAGAATAGAAAAACCGCCCAATTCAtttttttttttttATTAAC TTGAGTATTC	355197

Sbjct	1321	TAGAAACAGAATAGAAAAACGCCCAATTCATTTTTTTTTTTTATTAACCTTGAGTATTTCT	1380
Query	355198	TTATATACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCAcctcccc	355257
Sbjct	1381	TTATATACATTTTCGAGTGTATTCCCTTTCCCGGTTTCCGGGCAAACATCCACCTCCCCC	1440
Query	355258	ctcccccttccttatgggtgtccccctcccaacctccccccattgcccgcctccccccAT	355317
Sbjct	1441	CTCCCCCTTCCTTATGGGTGTCCCCCTCCCAACCTCCCCCATTGCCGCCCTCCCCCAT	1500
Query	355318	AGACTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGC	355377
Sbjct	1501	AGACTAGTTCACTGGGGGTTCACTCTTAGCAGGACCCAGGGCTTCCCCTTCCACTGGTGC	1560
Query	355378	TCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAG	355437
Sbjct	1561	TCTTACTAGGATATTCATTGCTACCTATGAGGTCAGAGTCCAGGGTCAGTCCATGTATAG	1620
Query	355438	TCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACTTTTGG	355497
Sbjct	1621	TCTTTAGGTAGTGGCTTAGTCCCTGGAAGCTCTGGTTGCTTGGCATTGTTGTACTTTTGG	1680
Query	355498	GGTCTTGAGCCCCATCAAGCTCTTTCCGTTCTATCTCTGATTCTTCAATAGGGGACCTA	355557
Sbjct	1681	GGTCTTGAGCCCCATCAAGCTCTTTCCGTTCTATCTCTGATTCTTCAATAGGGGACCTA	1740
Query	355558	TTCTCAGTTCACTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTG	355617
Sbjct	1741	TTCTCAGTTCACTGGTTTGCTGCTGGCATTGCGCTCTGTATTTGCTGTATTCTGGCTGTG	1800
Query	355618	TCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGCGTCTGCACCTCTTTTGCTTCATCCATA	355677
Sbjct	1801	TCTCTCAGGAGCGATCTACATCCGGCTCCTGTGCGTCTGCACCTCTTTTGCTTCATCCATA	1860
Query	355678	TTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTG	355737
Sbjct	1861	TTGTCTAATTGGGTGGCTGTATATGTATGGGCCACATGTGGGGCAGGCTCTGAATGGGTG	1920
Query	355738	TTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTTC	355797
Sbjct	1921	TTCCCTTCAGTCTCTGTTTTAATCTTTGCCTCTCCCTTCCCTGCCAAGGGTATTCTTTTTTC	1980
Query	355798	CTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCACCCGCTTTGAGTTTCGTTTGT	355857
Sbjct	1981	CTCATTTTAAAGAAGGAGTGAAGCATTACATTTTGATCACCCGCTTTGAGTTTCGTTTGT	2040
Query	355858	TCTAGGGATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATA	355917
Sbjct	2041	TCTAGGGATCTAGGGTAATTCAAGCATTGGGGCTAATAGCCACTTATCAATGAGTGCATA	2100
Query	355918	CCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAC	355977
Sbjct	2101	CCATGTATGTCTTTCTGTGATTGGGTTAGCTCACTCAGGATGATATTTTCCAGTTCCAAC	2160
Query	355978	CATTTCGCTACGAATTTTATAAACTCGTCTTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTG	356037
Sbjct	2161	CATTTCGCTACGAATTTTATAAACTCGTCTTTTTTGATAGCTGAGTAATATTCATTGTG	2220
Query	356038	TAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAT	356097
Sbjct	2221	TAGATGTACCACATTTTCTGTATCCATTCTCTGTTGAAGGGCATCTGGGTTCTTTCCAT	2280
Query	356098	TTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAACATAGTGAGCACGTGTCTCTTTTATAT	356157
Sbjct	2281	TTTCTGGCTATTATAAATAAGGCTGCGATGAACATAGTGAGCACGTGTCTCTTTTATAT	2340
Query	356158	TTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCA	356217
Sbjct	2341	TTTGAGGCATCTTTTGGGTATATGCCAAGAGAGGTATAGCTGGATCCTCAGGCAGTTCA	2400
Query	356218	ATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTACCAGTCTGCAA	356277
Sbjct	2401	ATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCCAGAATGGTTTACCAGTCTGCAA	2460
Query	356278	TCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTTCCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCA	356337
Sbjct	2461	TCCCACCAACAATGGAGGAGTGTTTCCTCTTTCTCCACATCCTCGCCAGCATCTGCTGTCA	2520
Query	356338	CCTGAGTTTTTTGATCTTAGCCAATCACACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTG	356397
Sbjct	2521	CCTGAGTTTTTTGATCTTAGCCAATCACACTGGTGTGAGGTGAAATCTCAGGGTTGTTTTG	2580
Query	356398	ATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATT	356457
Sbjct	2581	ATTTGCATTTCCCTTATGACTAAAGATGTTGAACATTTCTTTAGGTGTTTCTCAGCCATT	2640
Query	356458	CGGCATTCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATGGGGTTA	356517
Sbjct	2641	CGGCATTCTCAGCTGTGAATTCTTTGTTTAGCTCTGAACCCCATTTTTTAATGGGGTTA	2700

Query	356518	TTTGTTCCTCCGCTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTA	356577
Sbjct	2701	TTTGTTCCTCCGCTCTAACTTCTTGAGTTCTTTGTATATTTTGGATATAAGGCCTCTA	2760
Query	356578	TCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACC	356637
Sbjct	2761	TCTGTTGTAGGATTGGTAAAGATCTTTTCCCAATCTGTTGGTTGCCGTTTTGTCTAACC	2820
Query	356638	ACAGTGTCTTTGCCTTACAAAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTT	356697
Sbjct	2821	ACAGTGTCTTTGCCTTACAAAAGCTTTGCAGTTTTATGAGATCCCATTTGTCGATTCTT	2880
Query	356698	GATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCAAGAAATTTTTCCAGTGCCCATGTGT	356757
Sbjct	2881	GATCTTAGAGCATAAGCCATTGGTGTTTTGTTCAAGAAATTTTTCCAGTGCCCATGTGT	2940
Query	356758	TCCAGATGCTTCCTTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGG	356817
Sbjct	2941	TCCAGATGCTTCCTTAGTTTTTCTTCTATTAGTTTGAGTGTGTCTGGTTTGATGTGGAGG	3000
Query	356818	TCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAGGCATGGATCGATCTGCATT	356877
Sbjct	3001	TCCTTGATCCACTTGGACTTAAGCTTTGTACAGGGTGATAGGCATGGATCGATCTGCATT	3060
Query	356878	CTTCTACATGTTGCCCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTC	356937
Sbjct	3061	CTTCTACATGTTGCCCTCCAGTTGAACCAGCACCATTTGCTGAAAATGCTATCTTTTTTC	3120
Query	356938	CATTGGATGGTTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTTCATT	356997
Sbjct	3121	CATTGGATGGTTTTTGGCTCCTTTGTCAAAAATCAAGTGACCATAGGTGTGTGGGTTTCATT	3180
Query	356998	TCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAATACCATGCA	357057
Sbjct	3181	TCTGGGTCTTCAATTCTATTCCATTGGTCTATCTGTCTGTCTGTACCAATACCATGCA	3240
Query	357058	GTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAA	357117
Sbjct	3241	GTTTTTATCACTATTGCTCTGTAATACTGCTTGAGTTCAGGGATAGTGATTCCCCCTGAA	3300
Query	357118	GTCCTTTTATTGTTGAGGATAGCTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAAT	357177
Sbjct	3301	GTCCTTTTATTGTTGAGGATAGCTTTAGCTATCCTGGGTTTTTTGTTATTCCAGATGAAT	3360
Query	357178	TTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCA	357237
Sbjct	3361	TTGCAAATTGTTCTGTCTAACTCTTTGAAGAATTGGATTGGTATTTTGATGGGGATTGCA	3420
Query	357238	TTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAATGGCCATTTTACTATATTAATCCTGCCAATC	357297
Sbjct	3421	TTGAATCTGTAGATTGCTTTTGGTAAATGGCCATTTTACTATATTAATCCTGCCAATC	3480
Query	357298	CATGAGCATGGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCCTCAGTGTC	357357
Sbjct	3481	CATGAGCATGGGAGATCTTTCCATCTTCTGAGGTCTTCTTCAATTTCTTTCCTCAGTGTC	3540
Query	357358	TTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTT	357417
Sbjct	3541	TTGAAGTTCTTATTGTACAGATCTTTTACTTGCTTGGTTAAAGTCACACCGAGGTACTTT	3600
Query	357418	ATATTATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGTGTTTTCCCTAATTTCTTCTCAGCTTGTTTC	357477
Sbjct	3601	ATATTATTTGGGTCTATTATGAAGGGTGTGTTTTCCCTAATTTCTTCTCAGCTTGTTTC	3660
Query	357478	TCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTG	357537
Sbjct	3661	TCTTTTGTATAGAGGAAGGCAACTGATTTATTTGAGTTAATTTTATACCCAGCCACTTTG	3720
Query	357538	CTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACCTTTGGGATCACTTAAATAT	357597
Sbjct	3721	CTGAAGTTGTTTATCAGCTTTAGTAGTTCTCTGGTGGAACCTTTGGGATCACTTAAATAT	3780
Query	357598	ACTATCATGTCTATCTGCAAATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTCCGATCTGTATCCCT	357657
Sbjct	3781	ACTATCATGTCTATCTGCAAATAGTGATATTTTGACCTCTTCTTTCCGATCTGTATCCCT	3840
Query	357658	TTGATCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATACTGAATAAG	357717
Sbjct	3841	TTGATCTCCTTTTGTTGTCTGATTGCTCTGGCTAGAACTTCAAGAACTATACTGAATAAG	3900
Query	357718	TAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGACTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTC	357777
Sbjct	3901	TAGGGAGAGAGTGGGCAGCCTTGACTAGTCCCTGATTTTAGTGGGATTGCTTCAAGTTTC	3960
Query	357778	TCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGG	357837
Sbjct	3961	TCTCCATTTAGTTTAATGTTAGCAACTGGTTTGCTGTATATGGCTTTTACTATGTTTAGG	4020
Query	357838	TATTGGCCTTTAATTCCTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTGAATTTTG	357897

Sbjct	4021	TATTGGCCTTTAATTCCTATTCTTTCCAGGACTTTTATCATGAAGGGGTGTTGAATTTTG	4080
Query	357898	TCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAGTTTGTTT	357957
Sbjct	4081	TCAAATGCTTTCTCAGCATCTAATGAAATGATCATGTGGTTCTGTTCTTTTCAGTTTGTTT	4140
Query	357958	ATATAATGGATCACGTTGATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATG	358017
Sbjct	4141	ATATAATGGATCACGTTGATGGTTTTCCGTATATTAAACCATCCCTGCATGCCTGGGATG	4200
Query	358018	AAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCGGTTTGCCAGA	358077
Sbjct	4201	AAGCCTACTTGATCATGGTGGATGATTGTTTTGATGTGCTCTTGAATTCGGTTTGCCAGA	4260
Query	358078	ATTTTATTGAGTATTTTTGCGTCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTC	358137
Sbjct	4261	ATTTTATTGAGTATTTTTGCGTCGATATTCATAAGGGAAATTGGTCTGAAGTTCTCTTTC	4320
Query	358138	TTTGTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCGTAGAAGGAATTC	358197
Sbjct	4321	TTTGTGTGTCTTTGTGTGGTTTAGGTATAAGAGTAATTGTGGCTTCGTAGAAGGAATTC	4380
Query	358198	GGTAGGGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCT	358257
Sbjct	4381	GGTAGGGCTCCATCTGTTTCAATTTTGTGGAATAGTTTGGATAATATTGGTATGAGGTCT	4440
Query	358258	TCTATGAAGGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTT	358317
Sbjct	4441	TCTATGAAGGTCTGATAGAATTCTGCACTAAACCCGTCTGGACCTGGGCTCTTTTGGTT	4500
Query	358318	GGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTT	358377
Sbjct	4501	GGGAGACCTTTAATGACTGCTTCTATTTCCTTAGGAGTTATGGGGTTGTTTAACTGGTTT	4560
Query	358378	ATCTGTTCTCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTCTGA	358437
Sbjct	4561	ATCTGTTCTCTGATTTAACTTCGATACCTGGTATCTGTCTAGGAAATTGTCCATTTCTCTGA	4620
Query	358438	AGATTTTCAAATTTTGTGGAATATAGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATT	358497
Sbjct	4621	AGATTTTCAAATTTTGTGGAATATAGTTTTTATAGTAAGATCTGATGATTTTTTGAATT	4680
Query	358498	TCCTCCAAATCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATTCTGATTTTGTTAATTGGACACAC	358557
Sbjct	4681	TCCTCCAAATCTGTAGTTATGTCTCCCTTTTCATTCTGATTTTGTTAATTGGACACAC	4740
Query	358558	TCTCTGTGTCTCTCGTTAGCCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAG	358617
Sbjct	4741	TCTCTGTGTCTCTCGTTAGCCTGGCTAAGGGTTTATCTATCTTGTTGATTTTCTCAAAG	4800
Query	358618	AACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTTGTTTCTACTTGGGTTGATT	358677
Sbjct	4801	AACCAACTTTTGGTTCTGTTGATTCTTTCTATGGTCCTTTTTGTTTCTACTTGGGTTGATT	4860
Query	358678	TCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTT	358737
Sbjct	4861	TCAGCTCTGAGTTTGATTATTTCTGCCTTCTACTCCTCCTGGGTGATTTGCTTCTTTT	4920
Query	358738	TGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTT	358797
Sbjct	4921	TGTTCTAGAGCTTTTAGGTGTGCTGTCAAGCTGCTGACATATGCTCTTTCCTGTTTCTTT	4980
Query	358798	CTGCAGGCACCTCAGCGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAG	358857
Sbjct	4981	CTGCAGGCACCTCAGCGCTATGAGTTTTCCTCTTAGCACAGCTTTCATTGTGTCCCATAAG	5040
Query	358858	TTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTCTTTCTTT	358917
Sbjct	5041	TTTGAGTATGTTGTATCTTCATTTTCATTAAATTCTAAAAAGTTTTTAATTCTTTCTTT	5100
Query	358918	ATTTCTTCCCTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTG	358977
Sbjct	5101	ATTTCTTCCCTTGACCAGGTTATCATTGAGTAGAGCATTGTTCAATTTCCACGTATATGTG	5160
Query	358978	GGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGTTTTAGGCCGTGGTGGTCCGATAGCACG	359037
Sbjct	5161	GGCATTCTTCCCTTATTGTTATTGAAGACCAGTTTTAGGCCGTGGTGGTCCGATAGCACG	5220
Query	359038	CATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTACCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGG	359097
Sbjct	5221	CATGGGATTATTTCTATCTTTCTGTACCTGTTGAGGCCCGTTTTTTGACCAATTATATGG	5280
Query	359098	TCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGA	359157
Sbjct	5281	TCAATTTTGGAGAAAGTACCATGAGGAGCTGAGAAGAAGGTATATCCTTTTGCTTTAGGA	5340
Query	359158	TAGAATGTTGTATAAATATCCGTTAAGTCCATTTGGCTCATGATTTCTCTTAGTCTGTCTG	359217
Sbjct	5341	TAGAATGTTGTATAAATATCCGTTAAGTCCATTTGGCTCATGATTTCTCTTAGTCTGTCTG	5400

Query	359218	ACATCACTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAA	359277
Sbjct	5401	ACATCACTGTTTAATTTCTGTTTCCATGATCTGTCCATTGATGAGAGTGGGGTGTTGAAA	5460
Query	359278	TCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTT	359337
Sbjct	5461	TCTCCCACTATTATTGTGTGAGGTGCAATGTGTGTTTTGAGCTTTAGTAAGGTTTCTTTT	5520
Query	359338	ACGTATGTAGGTGCCCTTGTAATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGG	359397
Sbjct	5521	ACGTATGTAGGTGCCCTTGTAATTTGGGGCATAGATATTTAGGATTGAGAGTTCATCTTGG	5580
Query	359398	TTGATTTTTCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCttttttttttttGACTTTT	359457
Sbjct	5581	TTGATTTTTCTTTGATGAATATGAAGTGTCTTCCTTATCTTTTTTTTTTTTGACTTTT	5640
Query	359458	AATTGAAAATTGATTTTATTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCA	359517
Sbjct	5641	AATTGAAAATTGATTTTATTGATATTAGAATGGCTACTCCAGCTTGCTTCTTCTGACCA	5700
Query	359518	TTTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTCGTCTCTG	359577
Sbjct	5701	TTTGCTTGGAAGTTGTTTTCCAGCCTTTCACTCTGAGGTAGTGTCTGTCTTCGTCTCTG	5760
Query	359578	AGGTGTGTTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAAT	359637
Sbjct	5761	AGGTGTGTTTTCTGTAGGCAGCAGAATGCAGGGTCCTCGTTGCGTATCCAGTTTGTTAAT	5820
Query	359638	CTATGTCTTTTTGTTGGGGAGTTGAGGCCATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATAGTGA	359697
Sbjct	5821	CTATGTCTTTTTGTTGGGGAGTTGAGGCCATTGATATTGAGAGATATTAAGGAATAGTGA	5880
Query	359698	TTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCT	359757
Sbjct	5881	TTATTGCTTCCCGTTATATTCATATTTGGATGTGAGGTTATGTTTGTGTGCTTTCATTCT	5940
Query	359758	CTTTGTTTTGTTGCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCT	359817
Sbjct	5941	CTTTGTTTTGTTGCCAAGACGATTAGTTTCTTGCTTCTTCTAGGGTATAGCTTGCCTCCT	6000
Query	359818	TATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGAAAGATATTGTG	359877
Sbjct	6001	TATGTTGGGCTTTACCATTATTATCCTTTGTAGTGCTGGATTGTAGAAAGATATTGTG	6060
Query	359878	TAAATTTGGTTTTGTGTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCAATGTTAATTGAGAGTTTTG	359937
Sbjct	6061	TAAATTTGGTTTTGTGTCATGGAATATCTTGGTTTCTCCATCAATGTTAATTGAGAGTTTTG	6120
Query	359938	CTGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATGACATCAGTCC	359997
Sbjct	6121	CTGGATACAGTAACCTGGGCTGGCATTGTGTCTCTTAGGGTCTGTATGACATCAGTCC	6180
Query	359998	AGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCC	360057
Sbjct	6181	AGGATCTTCTGGCCTTCATAGTTTCTGGCGAGAAGTCTGGTGTGATTCTGATAGGTCTCC	6240
Query	360058	CTTTATATGTTACTTGACCTCTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTG	360117
Sbjct	6241	CTTTATATGTTACTTGACCTCTTCCCTTACTGCTTTTAATATTCTTTCTTTATTTTGTG	6300
Query	360118	CGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGGAGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTG	360177
Sbjct	6301	CGTTTGGTGTTTTGACAATTATGTGACGGGAGGTGTTTCTTTTCTGGTCCAATCTATTTG	6360
Query	360178	GAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGTCTATGGGTATCTCttttttttAGGTTAGGGAAGTTTT	360237
Sbjct	6361	GAGTTCTGTAGGCTTCTTGATGTCTATGGGTATCTCTTTTTTTAGGTTAGGGAAGTTTT	6420
Query	360238	CTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTT	360297
Sbjct	6421	CTTCTATGATTTTGTTGAAGATATTTACTGGTCCTTTGAGCTGGGAGTCTTCACTCTCTT	6480
Query	360298	CTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCCTGTATGTTTT	360357
Sbjct	6481	CTATACCTATTATCCTTAGGTTTGATCTTCTCATTGAGTCCTGGATTTCCCTGTATGTTTT	6540
Query	360358	GGACCAGTAGCTTTTTCCGCTTTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGG	360417
Sbjct	6541	GGACCAGTAGCTTTTTCCGCTTTACATTATCTTTGACAGTTGAGTCAATGATTTCTATGG	6600
Query	360418	AATCTTCTGCTCCTGATATCTCTCTCCATCTCTTGTAATCTGTTGGTGAAGCTTGAT	360477
Sbjct	6601	AATCTTCTGCTCCTGATATCTCTCTCCATCTCTTGTAATCTGTTGGTGAAGCTTGAT	6660
Query	360478	CTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTT	360537
Sbjct	6661	CTACAGCTCCTTGTCTCTTCTTTTGGTTTTCTATATCCAGGGTTGTTTCCATGTGTTCTT	6720
Query	360538	TCTTGATTGCTTCTATTTCCGTTTTTTAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTGGA	360597



Sbjct	6721	TCTTGATTGCTTCTATTTCCGTTTTTAATTCCTTCAACTGTTTGATTGTGTTTTCTCTGGA	6780
Query	360598	ATTCTTTTCAGGGATTTTTGCGATACCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTATTAATGTTTT	360657
Sbjct	6781	ATTCTTTTCAGGGATTTTTGCGATACCTCTCTGTAGGCTTCTACTTGTTTATTAATGTTTT	6840
Query	360658	CCTGTGTTTTCCCTAAGTGTGTTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAAT	360717
Sbjct	6841	CCTGTGTTTTCCCTAAGTGTGTTTCATGTCTTTCTTGAAGTCCTCCAGCATCATGATCAAAT	6900
Query	360718	ATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGATATTCATGTTTGTTTTGG	360777
Sbjct	6901	ATGATTTTGAAACTAGATCTTGCTTTTCTGGTGTGTTTGATATTCATGTTTGTTTTGG	6960
Query	360778	TGGGAGAATTGGGCTCCATTGATGGCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTCCCTGC	360837
Sbjct	6961	TGGGAGAATTGGGCTCCATTGATGGCATGTAGTCTTGGTTTCTGTTGCTTGGGTCCCTGC	7020
Query	360838	GCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTG	360897
Sbjct	7021	GCTTGCCCTCTCGCCATCAGATTATCTCTAGTGTTACTTTGTTCTGCTATTTCTGACAGTG	7080
Query	360898	GCTAGACTGTCTATAAAGCCTGTGTGTGTCAGGAGTGTGTAGACCTGTTTTCTCTCTTTC	360957
Sbjct	7081	GCTAGACTGTCTATAAAGCCTGTGTGTGTCAGGAGTGTGTAGACCTGTTTTCTCTCTTTC	7140
Query	360958	AGTCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTTTTCGGGCGTGTAGTTTTCTCTCTACAGGT	361017
Sbjct	7141	AGTCAGTTATGGGGACAGAGTGTCTGCTTTTCGGGCGTGTAGTTTTCTCTCTACAGGT	7200
Query	361018	CTTCAGCTGTTCTCTGTGGGCTGTGTCTTGAGTTCACAGGCAGCTTTCTTGACAGAAAA	361077
Sbjct	7201	CTTCAGCTGTTCTCTGTGGGCTGTGTCTTGAGTTCACAGGCAGCTTTCTTGACAGAAAA	7260
Query	361078	AATTTGGTCTTACCTGGGTCCCGAGGCTCAGGTTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCAGGGGCT	361137
Sbjct	7261	AATTTGGTCTTACCTGGGTCCCGAGGCTCAGGTTTCGCTCGTGGGGTGCTGCCAGGGGCT	7320
Query	361138	CTCTGCAGCGGCAGCAACCAGGAAGACCTGTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACC	361197
Sbjct	7321	CTCTGCAGCGGCAGCAACCAGGAAGACCTGTGCCGCCCTTCCGGGAGCTTCAGTGCACC	7380
Query	361198	AGGGTTCCAGATGGTCTTTTGCTTTTTCTCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCA	361257
Sbjct	7381	AGGGTTCCAGATGGTCTTTTGCTTTTTCTCTGGCGTCCGAGATGTGTGTGCAGGGAGCA	7440
Query	361258	GTCTCTTCTGGTTTCCAGGCTTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGG	361317
Sbjct	7441	GTCTCTTCTGGTTTCCAGGCTTGTCTGCCTCTCTGAAGGTTTAGCTCTCCCTCCCACGG	7500
Query	361318	GATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCCGGTCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCT	361377
Sbjct	7501	GATTTGGGTGCAGAGAACTGTTTATCCGGTCTGTTTCCTTCAGGGTCCGGCGGTGTCTCT	7560
Query	361378	GGCAGGGGTCCTGCCGCTCCTGGGCCCTCCCCACGGGAGCCCAGAGGCCTTATACAGTT	361437
Sbjct	7561	GGCAGGGGTCCTGCCGCTCCTGGGCCCTCCCCACGGGAGCCCAGAGGCCTTATACAGTT	7620
Query	361438	TCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGAGCAGTGTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGC	361497
Sbjct	7621	TCCTCTTGGGCCAGGGATGTGGGCAGGGGTGAGCAGTGTGGTGGTCTCTTCCGCTCTGC	7680
Query	361498	AGCCTCAGGAGTGCCACCTGACCAGGCGGTTGGGtctctctctctctcGCCCAATTCATTT	361557
Sbjct	7681	AGCCTCAGGAGTGCCACCTGACCAGGCGGTTGGGTCTCTCTCTCTCGCCCAATTCATTT	7740
Query	361558	TAAGATGCTACATTTACTCCGATGCCCAAACCTACACAGTTTCAACAGAATTACCGGCCTT	361617
Sbjct	7741	TAAGATGCTACATTTACTCCGATGCCCAAACCTACACAGTTTCAACAGAATTACCGGCCTT	7800
Query	361618	CGTGACACATGCAAATTTTTTCACTAAAATACTAGAAAACCTGAAACCAAGAACACATCAA	361677
Sbjct	7801	CGTGACACATGCAAATTTTTTCACTAAAATACTAGAAAACCTGAAACCAAGAACACATCAA	7860
Query	361678	AAAGATCATCAACCATGACTCAGTAAGCTTCATTGCAGAGATGCAAGGATGGCTCAATAT	361737
Sbjct	7861	AAAGATCATCAACCATGACTCAGTAAGCTTCATTGCAGAGATGCAAGGATGGCTCAATAT	7920
Query	361738	ATAAAAAATTGATAAGTATTGATAAATGAAATTGAAGGACTATAAACAGTGTGATTATCTT	361797
Sbjct	7921	ATAAAAAATTGATAAGTATTGATAAATGAAATTGAAGGACTATAAACAGTGTGATTATCTT	7980
Query	361798	ATGAGATGGAGAAAAGACCTTTGACAAAATTCAACAATGCTTCAAAATAAAAAATTCTGGA	361857
Sbjct	7981	ATGAGATGGAGAAAAGACCTTTGACAAAATTCAACAATGCTTCAAAATAAAAAATTCTGGA	8040
Query	361858	AAAAAGATACACTACACATACATAATACATACATAATGAAGGTATTTTGCAACAAACCCA	361917
Sbjct	8041	AAAAAGATACACTACACATACATAATACATACATAATGAAGGTATTTTGCAACAAACCCA	8100

Query	361918	TAGTAGTCGAAATCAACTTAAATGGAGAGAAACTAAAACCAATTCCACTAAAATCAGGTT	361977
Sbjct	8101	TAGTAGTCGAAATCAACTTAAATGGAGAGAAACTAAAACCAATTCCACTAAAATCAGGTT	8160
Query	361978	GCCCACTTTTCTCATCTCATTTCAATATAGTGCATGCAGACATGGCTAAATGAATGAGAGA	362037
Sbjct	8161	GCCCACTTTTCTCATCTCATTTCAATATAGTGCATGCAGACATGGCTAAATGAATGAGAGA	8220
Query	362038	AAATCAAAGAAATGGAAGTCAAAGTTTCATTATTTTaaaaaaaaGATATGGGGCTGGGGA	362097
Sbjct	8221	AAATCAAAGAAATGGAAGTCAAAGTTTCATTATTTTAAAAAAAAAGATATGGGGCTGGGGA	8280
Query	362098	TTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTTGGTCCCCAGC	362157
Sbjct	8281	TTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCGCAAGGCCCTGGGTTTGGTCCCCAGC	8340
Query	362158	TCCGaaaaaaaaagaacaacaaaaaaaaaaaaaGATATGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGT	362217
Sbjct	8341	TCCGAAAAAAAAAGAACAACAAAAAAAAAAAAAGATATGGGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGT	8400
Query	362218	AGAGCACTTGCCTAGCAAGCACAAAGGCCCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCCGGACAGaaaaa	362277
Sbjct	8401	AGAGCACTTGCCTAGCAAGCACAAAGGCCCTGGGTTTCGGTCTCAGCTCCGGACAGAAAAA	8460
Query	362278	aaaaaaaaGATATGACAGTATACATAACTAGCCCTCAAAATTCCAACAGGAAACTCAGAT	362337
Sbjct	8461	AAAAAAAAAGATATGACAGTATACATAACTAGCCCTCAAAATTCCAACAGGAAACTCAGAT	8520
Query	362338	GTACTCACACTTGGTGAACACTTTCATCAAGGTAGCTAGACAGAAAATTAAGTGAAGAAA	362397
Sbjct	8521	GTACTCACACTTGGTGAACACTTTCATCAAGGTAGCTAGACAGAAAATTAAGTGAAGAAA	8580
Query	362398	CAGTACTCTTCCCTAAATAAAAAAGGGGGAGGGGGGAGACTGAAAAAGAAACCAAGAAAATAA	362457
Sbjct	8581	CAGTACTCTTCCCTAAATAAAAAAGGGGGAGGGGGGAGACTGAAAAAGAAACCAAGAAAATAA	8640
Query	362458	GCCCTTCACAATGGCCACAAATATACAAATATCTTAGGGTAACTCTAACCAAGCTAAGT	362517
Sbjct	8641	GCCCTTCACAATGGCCACAAATATACAAATATCTTAGGGTAACTCTAACCAAGCTAAGT	8700
Query	362518	GAAAGACTTCTATGACCAAAACGTCAAAGAAATTGAAGAAGAGATCAGAAGATGGAAAGG	362577
Sbjct	8701	GAAAGACTTCTATGACCAAAACGTCAAAGAAATTGAAGAAGAGATCAGAAGATGGAAAGG	8760
Query	362578	TTTCCCACTCACAAATCAGTAGGATTAACATAGTGAAATGGCCACCTTATCAAAAGA	362637
Sbjct	8761	TTTCCCACTCACAAATCAGTAGGATTAACATAGTGAAATGGCCACCTTATCAAAAGA	8820
Query	362638	AATCTAGAGATTCAACCCATCAGCCTTCAAACACACAGTATAATCCTTTATAGACCTTGC	362697
Sbjct	8821	AATCTAGAGATTCAACCCATCAGCCTTCAAACACACAGTATAATCCTTTATAGACCTTGC	8880
Query	362698	AAGAACAATATTCAACTTCAAATGGaaaaaaaaaaaaaGCAAGGCAGCTAAAACCAACCC	362757
Sbjct	8881	AAGAACAATATTCAACTTCAAATGGAAAAAACAAAAAGCAAGGCAGCTAAAACCAACCC	8940
Query	362758	CATATTAAGAACTTCTGGAGGTTGGAGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCGAGGAA	362817
Sbjct	8941	CATATTAAGAACTTCTGGAGGTTGGAGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCGAGGAA	9000
Query	362818	GCGCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCCCCAACTCCGGAGAGaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaG	362877
Sbjct	9001	GCGCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCCCCAACTCCGGAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG	9060
Query	362878	AATAATAATTGGAGGTATCACCATCTTGGATTTCAAGCTCTACCACAGAGATACAGTAAT	362937
Sbjct	9061	AATAATAATTGGAGGTATCACCATCTTGGATTTCAAGCTCTACCACAGAGATACAGTAAT	9120
Query	362938	AAAAACTGCATGGTATTGATATTaaaaataaataaaaaaaGACAGGTTGATCTACAGAAT	362997
Sbjct	9121	AAAAACTGCATGGTATTGATATTAAAAATAAATAAAAAAGACAGGTTGATCTACAGAAT	9180
Query	362998	AGAATCTAAGACTCAGAGATAAATCTACACACTTATGGATATCTGATTTTTGATAAGAA	363057
Sbjct	9181	AGAATCTAAGACTCAGAGATAAATCTACACACTTATGGATATCTGATTTTTGATAAGAA	9240
Query	363058	GCTGAATTACACACTGGAAAAAGAAAGCCTCTTTGACAAATGGTGCTGGTCTAAGTGCA	363117
Sbjct	9241	GCTGAATTACACACTGGAAAAAGAAAGCCTCTTTGACAAATGGTGCTGGTCTAAGTGCA	9300
Query	363118	TGTCAGGATGTAGAAGAATGCAAATAGATCCATATCTACCACCTGCACAAAACCTCCAGT	363177
Sbjct	9301	TGTCAGGATGTAGAAGAATGCAAATAGATCCATATCTACCACCTGCACAAAACCTCCAGT	9360
Query	363178	CCAAGTGACTTAAAGACATAGACATACAACCAGATACACTAAACCTAACAGAAGAGAAAG	363237
Sbjct	9361	CCAAGTGACTTAAAGACATAGACATACAACCAGATACACTAAACCTAACAGAAGAGAAAG	9420
Query	363238	TGGGAAATAACCTTGAACACGTTAGCACAGGAGACAATTTTCTGAACAGAACACAAACCA	363297

Sbjct	9421	TGGGAAATAACCTTGAACACGTTAGCACAGGAGACAATTTTCTGAACAGAACACAAACCA	9480
Query	363298	CTCAGCTTCAACAACTGATAAATGGGACCTCGTGAAGAAGCTAAAGTATACCATCAGTAG	363357
Sbjct	9481	CTCAGCTTCAACAACTGATAAATGGGACCTCGTGAAGAAGCTAAAGTATACCATCAGTAG	9540
Query	363358	GACAAAAGAGCCGTCTACAAAATGGGAAGAGTTTTACCAACTCCACATCTGACAAACAGT	363417
Sbjct	9541	GACAAAAGAGCCGTCTACAAAATGGGAAGAGTTTTACCAACTCCACATCTGACAAACAGT	9600
Query	363418	GTGAGTGCACATTATTTGGCTAGTATCCAAAATATTCAAAGAACTCAAGAAACTGGACAT	363477
Sbjct	9601	GTGAGTGCACATTATTTGGCTAGTATCCAAAATATTCAAAGAACTCAAGAAACTGGACAT	9660
Query	363478	CGACAAATGAAATAATCCAATTA AAAAGAGAGTACAGATCTAAACAGAATTCTCAACAC	363537
Sbjct	9661	CGACAAATGAAATAATCCAATTA AAAAGAGAGTACAGATCTAAACAGAATTCTCAACAC	9720
Query	363538	AGGAACATCAAATAGCTGAGAAACACCTAAAGAGATGCTCAATATCCTTAGGTTATCAAG	363597
Sbjct	9721	AGGAACATCAAATAGCTGAGAAACACCTAAAGAGATGCTCAATATCCTTAGGTTATCAAG	9780
Query	363598	GAAATGTAAACAAAATGACTTTAGGATTCTATCATACACCTGTCAGAATGGCTGTGATT	363657
Sbjct	9781	GAAATGTAAACAAAATGACTTTAGGATTCTATCATACACCTGTCAGAATGGCTGTGATT	9840
Query	363658	AAAAAACACCAGAGTGCCTGGACTCTGTCCAGGTGACCTCAATGAAGACTTCTAGTAATG	363717
Sbjct	9841	AAAAAACACCAGAGTGCCTGGACTCTGTCCAGGTGACCTCAATGAAGACTTCTAGTAATG	9900
Query	363718	GGGGACAGTGAGTCTGAACCAACCATCTTCTGAACTACACAAGGGTCCCAGTGC GGGACT	363777
Sbjct	9901	GGGGACAGTGAGTCTGAACCAACCATCTTCTGAACTACACAAGGGTCCCAGTGC GGGACT	9960
Query	363778	GGTACATTAACCCATCCATAAAACCTTCAATGCATAATCTGCCTTGCCTGTAAGATGTGC	363837
Sbjct	9961	GGTACATTAACCCATCCATAAAACCTTCAATGCATAATCTGCCTTGCCTGTAAGATGTGC	10020
Query	363838	TGGGATAATGGTGGTGCAGAGTAGTCAACCACTGACTGGTCCAACCTTGAGGCCACACC	363897
Sbjct	10021	TGGGATAATGGTGGTGCAGAGTAGTCAACCACTGACTGGTCCAACCTTGAGGCCACACC	10080
Query	363898	TCAAGAGGGAGCCCACTGCCACTGCCTGCAGGGCCAGAAACCAGAGGAGGACCACCCA	363957
Sbjct	10081	TCAAGAGGGAGCCCACTGCCACTGCCTGCAGGGCCAGAAACCAGAGGAGGACCACCCA	10140
Query	363958	GAAACCCAGCATAGAATCAGACTCaaaaatgacttgaaaaacaaaaagaaaaacaaagaa	364017
Sbjct	10141	GAAACCCAGCATAGAATCAGACTCAAAAATGACTTGAAAACAAAAGAAAAACAAAGAA	10200
Query	364018	taaaaaggaaaaggaaaaggaatggaaaaaagTCAGTACAAGTATTCTTAATGATATTCTCT	364077
Sbjct	10201	TAAAAAGGAAAGGAAAGGAATGGAAAAAAGTCAGTACAAGTATTCTTAATGATATTCTCT	10260
Query	364078	ATACCCATAGATCAGTACCTAGCTCAAGTATTATCAAAGAGGAGTCATCTAGCAACTTAT	364137
Sbjct	10261	ATACCCATAGATCAGTACCTAGCTCAAGTATTATCAAAGAGGAGTCATCTAGCAACTTAT	10320
Query	364138	GGGAGCAGATGCAGAGACCCTCCACCAAAAATTAGGGGGAGCCATGTGAATCCTTTGGAA	364197
Sbjct	10321	GGGAGCAGATGCAGAGACCCTCCACCAAAAATTAGGGGGAGCCATGTGAATCCTTTGGAA	10380
Query	364198	GAGGGGAGGAAGATTTGTAGGGGCCAGAGGGGTGAAGGACACCAGGAGAGCAAGGCCAC	364257
Sbjct	10381	GAGGGGAGGAAGATTTGTAGGGGCCAGAGGGGTGAAGGACACCAGGAGAGCAAGGCCAC	10440
Query	364258	AGAACAAACTAAGCAGGAATCAAAGGACTTGCAGTAAGTCAAGTTAACTCCTGGACCC	364317
Sbjct	10441	AGAACAAACTAAGCAGGAATCAAAGGACTTGCAGTAAGTCAAGTTAACTCCTGGACCC	10500
Query	364318	TGTATGCTAGATCCTCTAGATCCTCTGTGTAAGTGCTGTGGTTTGTGTCAGTGTGAAGTC	364377
Sbjct	10501	TGTATGCTAGATCCTCTAGATCCTCTGTGTAAGTGCTGTGGTTTGTGTCAGTGTGAAGTC	10560
Query	364378	CTCATGGGGTTCTTAATGGGAATGGGGCATTCACTCTTTACTCTTTCACTTTCTCTTCA	364437
Sbjct	10561	CTCATGGGGTTCTTAATGGGAATGGGGCATTCACTCTTTACTCTTTCACTTTCTCTTCA	10620
Query	364438	TCCTCCTGGGGTTGCCTGGTTT CAGCCTTGATAAAATGGTTGTGTCTAGTACTACTGTAAC	364497
Sbjct	10621	TCCTCCTGGGGTTGCCTGGTTT CAGCCTTGATAAAATGGTTGTGTCTAGTACTACTGTAAC	10680
Query	364498	TTGTTATGCTGTCTCTGGTTGATATAACTGTGAGGCCTGATGTTTTCTTTGaaaataaaa	364557
Sbjct	10681	TTGTTATGCTGTCTCTGGTTGATATAACTGTGAGGCCTGATGTTTTCTTTGAAAAATAAAA	10740
Query	364558	caaaagcaaaaaacagtaacaaaaaGAGTAGTTAGTGGATGTGGGGGGAAATGGGGTAAAGA	364617
Sbjct	10741	CAAAGCAAAAAACAGTAACAAAAGAGTAGTTAGTGGATGTGGGGGGAAATGGGGTAAAGA	10800

Query	364618	GGGGGAAGCTGGGAAGAGTGGAGGAAGAGGAAACTGCTGTCTCAGAAATAAATGaaaaaaaaTAA	364677
Sbjct	10801	GGGGGAAGCTGGGAAGAGTGGAGGAAGAGGAAACTGCTGTCTCAGAAATAAATGAAAAAAAAATAA	10860
Query	364678	CATTGTGATATTTTCATGGAAATGATGGAACCAAATAACAAATAAATAATCAAATAGTCC	364737
Sbjct	10861	CATTGTGATATTTTCATGGAAATGATGGAACCAAATAACAAATAAATAATCAAATAGTCC	10920
Query	364738	ATCTACCAGAGGGAGGTAACCTAAATCAGAAAGATAAGTAGGGTAGGTATTGGTCATAA	364797
Sbjct	10921	ATCTACCAGAGGGAGGTAACCTAAATCAGAAAGATAAGTAGGGTAGGTATTGGTCATAA	10980
Query	364798	TTGCATAGTAGCCACTAACTAAGTGATATCCAAGCAACAGTCCATAGACCAAGaaaaaaaa	364857
Sbjct	10981	TTGCATAGTAGCCACTAACTAAGTGATATCCAAGCAACAGTCCATAGACCAAGAAAAAAAA	11040
Query	364858	aTAGGTATTTTTTAAAGTGAGTAGAGATAACACATGAATCTCTCTGGCAGTGATAATTAGA	364917
Sbjct	11041	ATAGGTATTTTTTAAAGTGAGTAGAGATAACACATGAATCTCTCTGGCAGTGATAATTAGA	11100
Query	364918	ATACATTTTATGCATGGTGTCTCAGCCTGGCTGGATTAGGAGTGGAAAGGGTCTTTTGCagg	364977
Sbjct	11101	ATACATTTTATGCATGGTGTCTCAGCCTGGCTGGATTAGGAGTGGAAAGGGTCTTTTGCAGG	11160
Query	364978	aaggagaggttcaagtggagaggaacacaggagggaggattgagggagggaAATGTAAAGA	365037
Sbjct	11161	AAGGAGAGGTTCAAGTGGAGAGGAACACAGGAGGGAGGATTGAGGGAGGAAATGTAAAGA	11220
Query	365038	GAGACAGCTAAAACTGCAGGGCATCTAACAAATTAATATGGAATCTAGTTTAAGTAGAAA	365097
Sbjct	11221	GAGACAGCTAAAACTGCAGGGCATCTAACAAATTAATATGGAATCTAGTTTAAGTAGAAA	11280
Query	365098	CTCCATAAAATATATGAATAGTATCCTATTGAGGTCTTTAAAATAATGAGGGAGATTGAG	365157
Sbjct	11281	CTCCATAAAATATATGAATAGTATCCTATTGAGGTCTTTAAAATAATGAGGGAGATTGAG	11340
Query	365158	TCCCAACTGGCCATCTCATGTCACCAAATGAAGCTTCTAGTACTGATATCGGGGCCTATC	365217
Sbjct	11341	TCCCAACTGGCCATCTCATGTCACCAAATGAAGCTTCTAGTACTGATATCGGGGCCTATC	11400
Query	365218	CAATTTAGTTTCTGCCAAAGACATACCATGAAAATCCCCAAACAATCCAGACTGACAATT	365277
Sbjct	11401	CAATTTAGTTTCTGCCAAAGACATACCATGAAAATCCCCAAACAATCCAGACTGACAATT	11460
Query	365278	GACAGTAAATGCTCTCCATAAGCTGAAAGCAGGGCCTCATTGCTGAAATCAACACCCACA	365337
Sbjct	11461	GACAGTAAATGCTCTCCATAAGCTGAAAGCAGGGCCTCATTGCTGAAATCAACACCCACA	11520
Query	365338	CAACTTATTGAACATGAAAAGATAGGGCTAGTACTGAGAACATTTCATCCCTACTTTCTAA	365397
Sbjct	11521	CAACTTATTGAACATGAAAAGATAGGGCTAGTACTGAGAACATTTCATCCCTACTTTCTAA	11580
Query	365398	AGTCTTGTTATAAAAAGGTACTTTGCAGGCTGCTAAAGGAGAAAGCTACAAATTCTTTGA	365457
Sbjct	11581	AGTCTTGTTATAAAAAGGTACTTTGCAGGCTGCTAAAGGAGAAAGCTACAAATTCTTTGA	11640
Query	365458	TCAATAGAGCGATCTTGACTGTAAAAATGCGTTAGTGCAAAAGTGGCACAAACCTTGTAGG	365517
Sbjct	11641	TCAATAGAGCGATCTTGACTGTAAAAATGCGTTAGTGCAAAAGTGGCACAAACCTTGTAGG	11700
Query	365518	GAATGACCAACAAATGTATGATTTGACTTAAGGTTCCCCTACAAAATGGAAGCCAATCAT	365577
Sbjct	11701	GAATGACCAACAAATGTATGATTTGACTTAAGGTTCCCCTACAAAATGGAAGCCAATCAT	11760
Query	365578	AACAGACCTTGGGTGACTAAGAACCAGAGACTAGACAGCCATCTACAATCAGAAAAGCTT	365637
Sbjct	11761	AACAGACCTTGGGTGACTAAGAACCAGAGACTAGACAGCCATCTACAATCAGAAAAGCTT	11820
Query	365638	ACTCCTGCAGTAAATTGGAACAAATACAGAGACCCACAGTCAGCCATTATGCAGAGGAAA	365697
Sbjct	11821	ACTCCTGCAGTAAATTGGAACAAATACAGAGACCCACAGTCAGCCATTATGCAGAGGAAA	11880
Query	365698	AGAAAGGCATCTTGAAATATTCTCTCTAAATTGGATGTCagagggagaaaagagaaagag	365757
Sbjct	11881	AGAAAGGCATCTTGAAATATTCTCTCTAAATTGGATGTCAGAGGGAGAAAGAGAAAGAG	11940
Query	365758	agacacagacagaaaaaggaggagggaaggaaagaggaagggaagtatagaggaggaag	365817
Sbjct	11941	AGACACAGACAGAAAAGGAGGGAGGGAAGGAAAGAGGAAGGGAAGGTATAGAGGAGGAAG	12000
Query	365818	aagaggaggaagaggaagaggaggcagaggagagagggagagagaaagagacaaagacag	365877
Sbjct	12001	AAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGAGGCAGAGGAGAGAGGGAGAGAGAAAGAGACAAAGACAG	12060
Query	365878	agaCCACAAATTCTCTCCCTTACAGCTCAGGAAACCCTGTGGAAGAAGAGAAAAGGGTTA	365937
Sbjct	12061	AGACCACAAATTCTCTCCCTTACAGCTCAGGAAACCCTGTGGAAGAAGAGAAAAGGGTTA	12120
Query	365938	GTGATAGAGCAGACAGAGGACACAAGAACAAGGTTCTCTAAAACAACCTGAGGAAGGCTCA	365997

Sbjct	12121	GTGATAGAGCAGACAGAGGACACAAGAACAAGGTTCTCTAAAACAACTGAGGAAGGCTCA	12180
Query	365998	TATGTACTCACTAAGACTGAAGCAGTAATCATAGGGTCTTCTCAGTTCTATACCAGGTCC	366057
Sbjct	12181	TATGTACTCACTAAGACTGAAGCAGTAATCATAGGGTCTTCTCAGTTCTATACCAGGTCC	12240
Query	366058	TCGGTGTATATACAGCTTTTCAGCTTAGTATTTTTATTGGACTCCTCAGTGTGTGAATAAG	366117
Sbjct	12241	TCGGTGTATATACAGCTTTTCAGCTTAGTATTTTTATTGGACTCCTCAGTGTGTGAATAAG	12300
Query	366118	TGAGTCTCTGATCCTTATGTCTCCTCTTGGGACTCCTTTCATTCATAGGGTTACCTTGT	366177
Sbjct	12301	TGAGTCTCTGATCCTTATGTCTCCTCTTGGGACTCCTTTCATTCATAGGGTTACCTTGT	12360
Query	366178	CCAACTTCTACATAATAATGTTTTGTTTTATTATACTTTATTTTGTTCATGTTTGGTTAC	366237
Sbjct	12361	CCAACTTCTACATAATAATGTTTTGTTTTATTATACTTTATTTTGTTCATGTTTGGTTAC	12420
Query	366238	TATCTCTTAGAAGCCTGTTCTCTTCTAATCAGAGACAGAAATGGAGTAGAGGAGAGCTGG	366297
Sbjct	12421	TATCTCTTAGAAGCCTGTTCTCTTCTAATCAGAGACAGAAATGGAGTAGAGGAGAGCTGG	12480
Query	366298	GGAATGTTTGGAGTTGAGAGAGGGGAAAATGTAGTAAGAATACTATTTGCATGAGAAATG	366357
Sbjct	12481	GGAATGTTTGGAGTTGAGAGAGGGGAAAATGTAGTAAGAATACTATTTGCATGAGAAATG	12540
Query	366358	AAATAAAGGGAGAGCAATAAAAAATCCAAACAAAATGCAATCATATGAATGAAACGGGCAA	366417
Sbjct	12541	AAATAAAGGGAGAGCAATAAAAAATCCAAACAAAATGCAATCATATGAATGAAACGGGCAA	12600
Query	366418	AGTAGATATTAGGCAAATTACCTTTTTCTTCAGGAGATAAGGTCCATTTGCTATTGTTGAC	366477
Sbjct	12601	AGTAGATATTAGGCAAATTACCTTTTTCTTCAGGAGATAAGGTCCATTTGCTATTGTTGAC	12660
Query	366478	AGGAAACCCACTGCCAAATCTTTGGAGTGAATGTCTGCTCCATACTCAACTGTCACATC	366537
Sbjct	12661	AGGAAACCCACTGCCAAATCTTTGGAGTGAATGTCTGCTCCATACTCAACTGTCACATC	12720
Query	366538	CTCCTCAATGCTGCTCACCAGCCTCCAGAATTCCTTTTCACAACCTTCTGTAGGTACCAT	366597
Sbjct	12721	CTCCTCAATGCTGCTCACCAGCCTCCAGAATTCCTTTTCACAACCTTCTGTAGGTACCAT	12780
Query	366598	CTATGAGAAAGGTGAAAAGATTCTCACGGTTCACTTGTATTTCTTTTCATAAGACTAGCA	366657
Sbjct	12781	CTATGAGAAAGGTGAAAAGATTCTCACGGTTCACTTGTATTTCTTTTCATAAGACTAGCA	12840
Query	366658	GACATTAATCATACAGTCACATACATGTACAGGCATGTTGAAGTAGTCAGCCTTGAAGGA	366717
Sbjct	12841	GACATTAATCATACAGTCACATACATGTACAGGCATGTTGAAGTAGTCAGCCTTGAAGGA	12900
Query	366718	ATCAGCCATCTCACAAAACCTCTGCAACGTATACTCCTGTGTAGCTTGCTCAAAGCCAAA	366777
Sbjct	12901	ATCAGCCATCTCACAAAACCTCTGCAACGTATACTCCTGTGTAGCTTGCTCAAAGCCAAA	12960
Query	366778	AGCTTCCAGGGGACGCTTACATTCTGaaaagaaaaagaaaaaaaaaagaaaagaaaaat	366837
Sbjct	12961	AGCTTCCAGGGGACGCTTACATTCTGAAAAGAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAAT	13020
Query	366838	tcagtaagctgaaagcaaaaggtaaaaaataaataaataaagtaaacataaaattcaaa	366897
Sbjct	13021	TCAGTAAGCTGAAAGCAAAAGGTAAAAATAAATAAATAAATAAGTAACATAAAATTCAAA	13080
Query	366898	cacactaaatctaataGGAAGAGAAATTAAGGAACCTCCCTTAAACACCTTGGCACAGGAGA	366957
Sbjct	13081	CACACTAAATCTAATGGAAGAGAAATTAAGGAACCTCCCTTAAACACCTTGGCACAGGAGA	13140
Query	366958	AAATTTCTTGAGAAAACACAAATGGGTTAGGCTCTAAGATCAACATTTGATAAAGGGTCC	367017
Sbjct	13141	AAATTTCTTGAGAAAACACAAATGGGTTAGGCTCTAAGATCAACATTTGATAAAGGGTCC	13200
Query	367018	TTATGAAACTGAAAAGCTTCTGTAAGACAAAAGACACTGTCAATAGGACAAAAAGGCAAC	367077
Sbjct	13201	TTATGAAACTGAAAAGCTTCTGTAAGACAAAAGACACTGTCAATAGGACAAAAAGGCAAC	13260
Query	367078	CTACAGATCTTTACCAATCCTATACTTGATAGAGGGCTAATATCCAAAATACAAAAGAAC	367137
Sbjct	13261	CTACAGATCTTTACCAATCCTATACTTGATAGAGGGCTAATATCCAAAATACAAAAGAAC	13320
Query	367138	TCAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCTAATTAAAAATGGGGTACAGAGGTAAACAAAGAA	367197
Sbjct	13321	TCAGACTCCAGAGAGCCAAATAACCCTAATTAAAAATGGGGTACAGAGGTAAACAAAGAA	13380
Query	367198	GTCACAGCTGAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGTTCAACATCCTTA	367257
Sbjct	13381	GTCACAGCTGAGGAATATCAAATGGCTGAGAAGTACCTAAAGAAATGTTCAACATCCTTA	13440
Query	367258	GTCATAAGGGAAATGCAAATCAAGAGAATCCTGAGATTCTACCTCACACCAGTCAGAATG	367317
Sbjct	13441	GTCATAAGGGAAATGCAAATCAAGAGAATCCTGAGATTCTACCTCACACCAGTCAGAATG	13500

Query	367318	GCTAAGATCAAAAACCTCAAGTGACACCAAATGCTGGCGAGGTTGCGGAGAAAGAGGAACA	367377
Sbjct	13501	GCTAAGATCAAAAACCTCAAGTGACACCAAATGCTGGCGAGGTTGCGGAGAAAGAGGAACA	13560
Query	367378	CTCCTCCATTGTTGGTGGGACTGCAGACTGGTACAACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGG	367437
Sbjct	13561	CTCCTCCATTGTTGGTGGGACTGCAGACTGGTACAACCATTCTGGAAATCAGTCTGGAGG	13620
Query	367438	TTCCTCAGAAAATTGGACATTGAACACCTGAGGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATA	367497
Sbjct	13621	TTCCTCAGAAAATTGGACATTGAACACCTGAGGATCCAGCTATACCTCTCTTGGGCATA	13680
Query	367498	TACCCAAAAGATGCCCCAACATATaaaaaaaGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGC	367557
Sbjct	13681	TACCCAAAAGATGCCCCAACATATAAAAAAAGACACGTGCTCCACTATGTTTCATAGCAGC	13740
Query	367558	CTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGAT	367617
Sbjct	13741	CTTATTTATAATAGCCAGAAGCTGGAAAGAACCCAGATGCCCTTCAACAGAGGAATGGAT	13800
Query	367618	ACAGAAAATGTGGTATATCTACACAATGGAATACTACTCAGCTATCAAAAACAATGCCTT	367677
Sbjct	13801	ACAGAAAATGTGGTATATCTACACAATGGAATACTACTCAGCTATCAAAAACAATGCCTT	13860
Query	367678	TCTGAAATTTCATAGGCAAATGGATGGAACCTGGAAAATACCATCGTGAGTGAGGTAGCCCA	367737
Sbjct	13861	TCTGAAATTTCATAGGCAAATGGATGGAACCTGGAAAATACCATCGTGAGTGAGGTAGCCCA	13920
Query	367738	ATCACAGAAAAACACACTTGGTATCCACTCATCaaaaacaaaaacatccagtgaaaaaaG	367797
Sbjct	13921	ATCACAGAAAAACACACTTGGTATCCACTCATCAAAAACAAAAACATCCAGTGAAAAAAG	13980
Query	367798	ACAGCATTTTCAGTAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGGTCAGCATGTAGAAGAATGCAAA	367857
Sbjct	13981	ACAGCATTTTCAGTAAATGGTTCTGGTTCAACTGGAGGTCAGCATGTAGAAGAATGCAAA	14040
Query	367858	TTGATCCATTCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCCACA	367917
Sbjct	14041	TTGATCCATTCTTATCACCTGTACAAAGCTTAAGTCCAAGTGGATCAAGGACCTCCACA	14100
Query	367918	TCAAACCAGATACATTCAACCTAATAGAAGACAAAGTGAGGAAGAGTCTGAATCCCATAG	367977
Sbjct	14101	TCAAACCAGATACATTCAACCTAATAGAAGACAAAGTGAGGAAGAGTCTGAATCCCATAG	14160
Query	367978	GGACAGAGGAAAAATTTCTGAATAGAACACCAATGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCA	368037
Sbjct	14161	GGACAGAGGAAAAATTTCTGAATAGAACACCAATGGCTTATGCTCTAAGATCAAGAATCA	14220
Query	368038	ACAAATGGGATCTCATAAACTGCAAAGCTTCTGCAAGACAAAGGACACTGTCATTAGGA	368097
Sbjct	14221	ACAAATGGGATCTCATAAACTGCAAAGCTTCTGCAAGACAAAGGACACTGTCATTAGGA	14280
Query	368098	CAAAACAGCAACTAACAGAACTAGAAGTTTTCTACTTCAAGACACAGCTATATCACTCCT	368157
Sbjct	14281	CAAAACAGCAACTAACAGAACTAGAAGTTTTCTACTTCAAGACACAGCTATATCACTCCT	14340
Query	368158	GGGCATATAGTCAAAAGATGTCCCACTATACTACACTTGCTCAACTACATTACAGCAGC	368217
Sbjct	14341	GGGCATATAGTCAAAAGATGTCCCACTATACTACACTTGCTCAACTACATTACAGCAGC	14400
Query	368218	TTTATTTGTAATAACTGGAATTTCAAAAACCTGGAAACAATCTAGATGTCCGTAACTGAA	368277
Sbjct	14401	TTTATTTGTAATAACTGGAATTTCAAAAACCTGGAAACAATCTAGATGTCCGTAACTGAA	14460
Query	368278	AAATAAGTAAAGACTTTACACAATGTAATACAATTGTGTAAGTATTA AAAACAAAGACAT	368337
Sbjct	14461	AAATAAGTAAAGACTTTACACAATGTAATACAATTGTGTAAGTATTA AAAACAAAGACAT	14520
Query	368338	CATGAAATTTGTTGGCAAATGGATAAAAACTGGAAAATCCTGAGTGAAGTAACCTAAACC	368397
Sbjct	14521	CATGAAATTTGTTGGCAAATGGATAAAAACTGGAAAATCCTGAGTGAAGTAACCTAAACC	14580
Query	368398	CAGAAAGACAGACATAGTATATACTCACTTATAAGTGGATATTAGTCATTAAGTACATGT	368457
Sbjct	14581	CAGAAAGACAGACATAGTATATACTCACTTATAAGTGGATATTAGTCATTAAGTACATGT	14640
Query	368458	TATGATCCACAGATGAAAGGAAAAACTAAGTAACAGGAAGGGCCCAAGTGAGGGTATGTG	368517
Sbjct	14641	TATGATCCACAGATGAAAGGAAAAACTAAGTAACAGGAAGGGCCCAAGTGAGGGTATGTG	14700
Query	368518	AATTTCACTCAAAGTGGGAAATAAAATAGACATTAGAAGTGAATAAAGGGAGGAGTAAGG	368577
Sbjct	14701	AATTTCACTCAAAGTGGGAAATAAAATAGACATTAGAAGTGAATAAAGGGAGGAGTAAGG	14760
Query	368578	AAAGGGATGGAGAGGCGATCGTGGACGGGAATCAGGTGTGAGGAGAGGGCTAAGAAAAAT	368637
Sbjct	14761	AAAGGGATGGAGAGGCGATCGTGGACGGGAATCAGGTGTGAGGAGAGGGCTAAGAAAAAT	14820
Query	368638	GGAAATCACTGGGCTGGCATCTCTGGGATGAGCAGGAGACCTGAGACAAGGGATTCTCCC	368697

Sbjct	14821	GGAAATCACTGGGCTGGCATCTCTGGGATGAGCAGGAGACCTGAGACAAGGGATTCTCCC	14880
Query	368698	CAGAGTCTATGGATGTGACTTTAGCTGAGACTTCTTTTCGTTTTTTGGAGCTGAGGATTG	368757
Sbjct	14881	CAGAGTCTATGGATGTGACTTTAGCTGAGACTTCTTTTCGTTTTTTGGAGCTGAGGATTG	14940
Query	368758	AACCCAGGGCCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCTCCCTAGCTGAGACTTCTAACAGTTG	368817
Sbjct	14941	AACCCAGGGCCTACCACTGAGCTAAATCCCCAGCTCCCTAGCTGAGACTTCTAACAGTTG	15000
Query	368818	GAGGTATGGCAACTGAAGTGACTAACTCCTATAATGTAGTTAGGCAGGATTCTATTAGA	368877
Sbjct	15001	GAGGTATGGCAACTGAAGTGACTAACTCCTATAATGTAGTTAGGCAGGATTCTATTAGA	15060
Query	368878	GGAATGGAACACTAACTCACCCACAAAACCTTCAACCCAAAATATGTCCTGCCTACAAGA	368937
Sbjct	15061	GGAATGGAACACTAACTCACCCACAAAACCTTCAACCCAAAATATGTCCTGCCTACAAGA	15120
Query	368938	TGACTGAAGGAACAGCCAAACAATGACTGGGTCAACTTGAGACCATGGGAGAGAAGCCCT	368997
Sbjct	15121	TGACTGAAGGAACAGCCAAACAATGACTGGGTCAACTTGAGACCATGGGAGAGAAGCCCT	15180
Query	368998	GACACTATTAATGATATTGTGGTATGCTTATAGCCTGGTATAACTGTTTCCTGAGAGGCT	369057
Sbjct	15181	GACACTATTAATGATATTGTGGTATGCTTATAGCCTGGTATAACTGTTTCCTGAGAGGCT	15240
Query	369058	TCATCCAGCATAGGATGGAAGCAGGTTGCAGAGAACCACAGTCAACTATTAGATGGAGCT	369117
Sbjct	15241	TCATCCAGCATAGGATGGAAGCAGGTTGCAGAGAACCACAGTCAACTATTAGATGGAGCT	15300
Query	369118	CTTAGCATCTTGTGGAAGATTGGGGAATAGGACTGAGAGCTGGAGAGGTGTTAAGGACAC	369177
Sbjct	15301	CTTAGCATCTTGTGGAAGATTGGGGAATAGGACTGAGAGCTGGAGAGGTGTTAAGGACAC	15360
Query	369178	CACAAGAAAACCAATAGAGGCAACTAATCTGTGCCTGCAGGAGGCTCACAGAGACTGAAC	369237
Sbjct	15361	CACAAGAAAACCAATAGAGGCAACTAATCTGTGCCTGCAGGAGGCTCACAGAGACTGAAC	15420
Query	369238	CAGCAACCAAAGAGCATGCAGGGGCTAGATGTAAGCCCCCTTAAACATATGTAATAGATGT	369297
Sbjct	15421	CAGCAACCAAAGAGCATGCAGGGGCTAGATGTAAGCCCCCTTAAACATATGTAATAGATGT	15480
Query	369298	GCAGCTTGGTGTTTCATGTGGGTCCCTTAACAACCTGGAATGAGGTCTGTCTCTGATTCTGT	369357
Sbjct	15481	GCAGCTTGGTGTTTCATGTGGGTCCCTTAACAACCTGGAATGAGGTCTGTCTCTGATTCTGT	15540
Query	369358	TGCTCCCTTTGCATCATCTTCTCCTATCTGGGCTGTCTTATTGGGCATCAGTGGGAAAGA	369417
Sbjct	15541	TGCTCCCTTTGCATCATCTTCTCCTATCTGGGCTGTCTTATTGGGCATCAGTGGGAAAGA	15600
Query	369418	ATATTCTTAGTCCTACTGCATTTGAATGTCCCAGGGAGGTACGCTACTCATGGGGGACTT	369477
Sbjct	15601	ATATTCTTAGTCCTACTGCATTTGAATGTCCCAGGGAGGTACGCTACTCATGGGGGACTT	15660
Query	369478	CCCATCTCTCTGGAGAGGAGGATCTGGAAAGAGTGGTGTGTGAAGGTGGGGCTGGAAAGA	369537
Sbjct	15661	CCCATCTCTCTGGAGAGGAGGATCTGGAAAGAGTGGTGTGTGAAGGTGGGGCTGGAAAGA	15720
Query	369538	GAGGAAAGAGTATAGGCTATAACTAGGATATAAAGTGAATAAATAAATGAAGaaaaagaa	369597
Sbjct	15721	GAGGAAAGAGTATAGGCTATAACTAGGATATAAAGTGAATAAATAAATGAAGAAAAAGAA	15780
Query	369598	aaaagaaaaaaaaaGTAGATTTTCAGGGAAGTAAGTATTTTACATCAAAAAATTCTACATG	369657
Sbjct	15781	AAAAGAAAAAAAAGTAGATTTTCAGGGAAGTAAGTATTTTACATCAAAAAATTCTACATG	15840
Query	369658	TTTAAACAGTTTCAAGTTGTTCAATATTAATTTTTTCTTTTAGCCAATATTTTCACAATT	369717
Sbjct	15841	TTTAAACAGTTTCAAGTTGTTCAATATTAATTTTTTCTTTTAGCCAATATTTTCACAATT	15900
Query	369718	TATAAATTATAATTTTATCTGCTTCATGTAAATTGTTAACATCTTTAGCTATTCTGTCC	369777
Sbjct	15901	TATAAATTATAATTTTATCTGCTTCATGTAAATTGTTAACATCTTTAGCTATTCTGTCC	15960
Query	369778	AATTTTTCTTATTGACTACAAGCTAATCAGAATCTTCTCTACTAATTTTAGTCCATCCAT	369837
Sbjct	15961	AATTTTTCTTATTGACTACAAGCTAATCAGAATCTTCTCTACTAATTTTAGTCCATCCAT	16020
Query	369838	GTCCAAAAGGATAGATTAAAGAAATGGACTAGGTTATGATTAAACTGTCTCAAGATGGAC	369897
Sbjct	16021	GTCCAAAAGGATAGATTAAAGAAATGGACTAGGTTATGATTAAACTGTCTCAAGATGGAC	16080
Query	369898	AAATCTTACCGCTAAGATACACTTTGGGCACCTCCATACCCCCTTGGGGACTTCAGAAAG	369957
Sbjct	16081	AAATCTTACCGCTAAGATACACTTTGGGCACCTCCATACCCCCTTGGGGACTTCAGAAAG	16140
Query	369958	CGGTGGCAATAGGCAAAAGATATGGTAATTGTCGTTGCACCCAACACAGAGCAGAAATCT	370017
Sbjct	16141	CGGTGGCAATAGGCAAAAGATATGGTAATTGTCGTTGCACCCAACACAGAGCAGAAATCT	16200

Query	370018	ATCATCTTTCATCCCCACGAGAGCATATTTCGGCAAACATATGAATCCATCTGGTAGGGTAA	370077
Sbjct	16201	ATCATCTTTCATCCCCACGAGAGCATATTTCGGCAAACATATGAATCCATCTGGTAGGGTAA	16260
Query	370078	AGAAAGTAAATAAGTAAGGTTCTTTTATATACCTATCCCAAGTCTTTGGTCTATTGTATC	370137
Sbjct	16261	AGAAAGTAAATAAGTAAGGTTCTTTTATATACCTATCCCAAGTCTTTGGTCTATTGTATC	16320
Query	370138	TGGATTTTCAGTAAACATACACTATGAAAACCTCCAGTCTGACTGAAAGCACAAATAGTATAA	370197
Sbjct	16321	TGGATTTTCAGTAAACATACACTATGAAAACCTCCAGTCTGACTGAAAGCACAAATAGTATAA	16380
Query	370198	AAATAATCATAACAACACAGTAATAAGTGGCTCATGTTCAAAATGTTCAAAAAGCAACAA	370257
Sbjct	16381	AAATAATCATAACAACACAGTAATAAGTGGCTCATGTTCAAAATGTTCAAAAAGCAACAA	16440
Query	370258	TGAAGTATTCTTTTGGAAAAATCAGTAGTGGGGTTCAAGATGCAGCTAAGTTGGCAAAAT	370317
Sbjct	16441	TGAAGTATTCTTTTGGAAAAATCAGTAGTGGGGTTCAAGATGCAGCTAAGTTGGCAAAAT	16500
Query	370318	GTTTATTTTATCATTCATGATGCCCTGAGTTCTCTCCAGTGTAGTACATAAAGAAAGTATG	370377
Sbjct	16501	GTTTATTTTATCATTCATGATGCCCTGAGTTCTCTCCAGTGTAGTACATAAAGAAAGTATG	16560
Query	370378	TCCATGCACACTTATAAATTCTAACACTTGGGATGGAGGTAAGATGATTCAAGACTCTATT	370437
Sbjct	16561	TCCATGCACACTTATAAATTCTAACACTTGGGATGGAGGTAAGATGATTCAAGACTCTATT	16620
Query	370438	TAGATATATAGGTAGGCTAGTCAGGGATATATTATAACCCTGTCTCACACAGCAAAAAGT	370497
Sbjct	16621	TAGATATATAGGTAGGCTAGTCAGGGATATATTATAACCCTGTCTCACACAGCAAAAAGT	16680
Query	370498	AAAGAAAAATATTCAATGACAGAAAATTCACTTGGTCTCTTCCATAAACTTAACTTGAC	370557
Sbjct	16681	AAAGAAAAATATTCAATGACAGAAAATTCACTTGGTCTCTTCCATAAACTTAACTTGAC	16740
Query	370558	TTGTATAGCTAACCTAACCTACCTTCCACTAAAAGACCTGTTTGCCCTTTCCCTAGCCA	370617
Sbjct	16741	TTGTATAGCTAACCTAACCTACCTTCCACTAAAAGACCTGTTTGCCCTTTCCCTAGCCA	16800
Query	370618	GGAAACCTAGAGCCTTCCCAGTTCCCATTCACCTACCACAGCTACCTACTCTAACCTCT	370677
Sbjct	16801	GGAAACCTAGAGCCTTCCCAGTTCCCATTCACCTACCACAGCTACCTACTCTAACCTCT	16860
Query	370678	GCTACAGATCTCTAGTCAGTTCTCTAAGCAGCCATCAGAATTTGCTCAGCCAACTACCCT	370737
Sbjct	16861	GCTACAGATCTCTAGTCAGTTCTCTAAGCAGCCATCAGAATTTGCTCAGCCAACTACCCT	16920
Query	370738	CAACCCCTCCCAGGACCTCCCTGCTCCAGGAGAAAGGACTAAAGCTCTTCCCACTCTCT	370797
Sbjct	16921	CAACCCCTCCCAGGACCTCCCTGCTCCAGGAGAAAGGACTAAAGCTCTTCCCACTCTCT	16980
Query	370798	GGACTAGTCCTTGGAACACACTGACCCACTCACTGTACTATTTCTGCACATTTGGATAG	370857
Sbjct	16981	GGACTAGTCCTTGGAACACACTGACCCACTCACTGTACTATTTCTGCACATTTGGATAG	17040
Query	370858	GGCAAGGAGCTCCATCTTGTACAGCTTATCGAATTCCTGTGAGAGTCCTTGTCTATTCC	370917
Sbjct	17041	GGCAAGGAGCTCCATCTTGTACAGCTTATCGAATTCCTGTGAGAGTCCTTGTCTATTCC	17100
Query	370918	CATTTCTAGCTGAAGAACCTAGATGATATTAGTCCTCTACAACGTGCACTCCAACCTACT	370977
Sbjct	17101	CATTTCTAGCTGAAGAACCTAGATGATATTAGTCCTCTACAACGTGCACTCCAACCTACT	17160
Query	370978	CTACCTATCTTCCCTGCATGCACTTCGTTACCCCTCTAGAACCATAACTTCTGTTATAAC	371037
Sbjct	17161	CTACCTATCTTCCCTGCATGCACTTCGTTACCCCTCTAGAACCATAACTTCTGTTATAAC	17220
Query	371038	ATCATCCATCTCATCCACTTGTCTAGAGCCAGCCTTATGTGAGTTATTTACTCCCATCC	371097
Sbjct	17221	ATCATCCATCTCATCCACTTGTCTAGAGCCAGCCTTATGTGAGTTATTTACTCCCATCC	17280
Query	371098	CAGTACCCATCTTGCACTCTCTCAAAATAATGACATAAACCCCTTGACAGGAAAAGTAAC	371157
Sbjct	17281	CAGTACCCATCTTGCACTCTCTCAAAATAATGACATAAACCCCTTGACAGGAAAAGTAAC	17340
Query	371158	AGCTGAAAATCAGAAATTGTTGCAACTTAAGCCAAAGGACTAAAGACTTCTGCATCAACT	371217
Sbjct	17341	AGCTGAAAATCAGAAATTGTTGCAACTTAAGCCAAAGGACTAAAGACTTCTGCATCAACT	17400
Query	371218	CAACACAGCTAGGAAGAAGTACTAAAAGATAGAAACCACAACACTgtttttactatagtt	371277
Sbjct	17401	CAACACAGCTAGGAAGAAGTACTAAAAGATAGAAACCACAACACTGTTTTTACTATAGTT	17460
Query	371278	tatttttcttttagttatttttttattactgttaattttgtatctttttatactttttgtgtt	371337
Sbjct	17461	TATTTTCTTTTAGTTATTTTTTTATTACTGTAAATTTGTATCTTTTATACTTTTGTGTT	17520
Query	371338	ttaatttgtttaCTACTGGAAAAGGCTTGCCCTATTTTTATGTGTAATAAAGTAGACTTCA	371397



Sbjct	17521	TTAATTTGTTTACTACTGGAAAAGGCTTGCCTATTTTATGTGTAATAAAGTAGACTTCA	17580
Query	371398	AACAAAGCTTGCAGGAGAAGATTAAAAACAGCCACTATATAGGTAAAGATTCATCAAGAA	371457
Sbjct	17581	AACAAAGCTTGCAGGAGAAGATTAAAAACAGCCACTATATAGGTAAAGATTCATCAAGAA	17640
Query	371458	AATATAATTTGTACATATTTTGTACTAAACTGGTGAGGTTTGAACTTTACAAAAGAAAC	371517
Sbjct	17641	AATATAATTTGTACATATTTTGTACTAAACTGGTGAGGTTTGAACTTTACAAAAGAAAC	17700
Query	371518	ACtttttttttAAAGCATAAGTGTTCCTTATGCTTTAGtttttttAAAGCATAAGTGGTT	371577
Sbjct	17701	ACTTTTTTTTTTAAAGCATAAGTGTTCCTTATGCTTTAGTTTTTTTAAAGCATAAGTGGTT	17760
Query	371578	CTGTCTCAGGCAATAATCATGTAGTCAATTCTTACCTTCCAACAGTTAGTTTAAACAAAC	371637
Sbjct	17761	CTGTCTCAGGCAATAATCATGTAGTCAATTCTTACCTTCCAACAGTTAGTTTAAACAAAC	17820
Query	371638	AAGaaaaaaaTCAGAAAAGAAATGTATCCTGCAGATTAATTTAATGGACAGCTACAGAAT	371697
Sbjct	17821	AAGAAAAAATCAGAAAAGAAATGTATCCTGCAGATTAATTTAATGGACAGCTACAGAAT	17880
Query	371698	ATCACATCTGGCAGATAGAGAAAACAACCTCTGCAGCACAAAGGAATCATCATTTAAATCAA	371757
Sbjct	17881	ATCACATCTGGCAGATAGAGAAAACAACCTCTGCAGCACAAAGGAATCATCATTTAAATCAA	17940
Query	371758	TCATGTTATCAGCATTAAATTGGGATTTAATAAATACAATAAATGTTAAAAATAATTCCTT	371817
Sbjct	17941	TCATGTTATCAGCATTAAATTGGGATTTAATAAATACAATAAATGTTAAAAATAATTCCTT	18000
Query	371818	ATATCTTACTACGACATAATGGAATAAAACCAGAAATCAATAGTAAGAAAAAGCATAGAA	371877
Sbjct	18001	ATATCTTACTACGACATAATGGAATAAAACCAGAAATCAATAGTAAGAAAAAGCATAGAA	18060
Query	371878	AAACTAAAGAAATGGCTCAGCAAGTTAAGAATCCTAGTTGATATTTCAGAAGTACCAACA	371937
Sbjct	18061	AAACTAAAGAAATGGCTCAGCAAGTTAAGAATCCTAGTTGATATTTCAGAAGTACCAACA	18120
Query	371938	CTAACAAAGCAGTTCTATATGCCAGTTCTAATAGATTCAATATTCTCTCTGACCTCTTC	371997
Sbjct	18121	CTAACAAAGCAGTTCTATATGCCAGTTCTAATAGATTCAATATTCTCTCTGACCTCTTC	18180
Query	371998	TGACCTGAATACTAAACTACCACATGGTACACAGACATGCACACAAATATAACACTCATA	372057
Sbjct	18181	TGACCTGAATACTAAACTACCACATGGTACACAGACATGCACACAAATATAACACTCATA	18240
Query	372058	CaaaaaataaaaaaatccccagtttaaaaaaggaaagttaaaaCTACATAAATACATGG	372117
Sbjct	18241	CAAAACAAAATAAAAAATCCCAAGTTTAAAAAGGAAAGTAAACTACATAAATACATGG	18300
Query	372118	AGGCTAATATAGTTTCAAATGAACCACtaaaaaatgaaggaaatttaaatgggctaaga	372177
Sbjct	18301	AGGCTAATATAGTTTCAAATGAACCACtaaaaaatgaaggaaatttaaatgggctaaga	18360
Query	372178	attaaaattaaaaacaaaaacaaaaacaaacaaacaaaaacccaaaaaacaaa	372237
Sbjct	18361	ATTAAATTAATAAACAAACAAACAAACAAACAAACAAACAAACCCAAAAAACAAA	18420
Query	372238	caaacacaaacacaaaaaacTCAGAGAAGAGCTGGGGATATGTCTCAATAGACCAAGTGC	372297
Sbjct	18421	CAAACAAACAAACAAAAAACTCAGAGAAGAGCTGGGGATATGTCTCAATAGACCAAGTGC	18480
Query	372298	CCACCCACAACCTTGAGAACCTAATTTTGGTCACTAGAGCCTGAGATAAAGCTCGGGTGG	372357
Sbjct	18481	CCACCCACAACCTTGAGAACCTAATTTTGGTCACTAGAGCCTGAGATAAAGCTCGGGTGG	18540
Query	372358	TATGGATCTGTTGCCAAGTGTCAAGAGAAATAGAGGAAAGTAGTCCAATGTCTAGCCTttt	372417
Sbjct	18541	TATGGATCTGTTGCCAAGTGTCAAGAGAAATAGAGGAAAGTAGTCCAATGTCTAGCCTTT	18600
Query	372418	tttttGGAGGTCAAACATTTATTTTACAAAAAAGTAAGTAAATAAATAAATAATCAGAT	372477
Sbjct	18601	TTTTTGGAGGTCAAACATTTATTTTACAAAAAAGTAAGTAAATAAATAAATAATCAGAT	18660
Query	372478	TGTCTCATTCTCTCTAGCTGACACATCAGCACCATATTTAAGAAACACTCAGCAATGCTT	372537
Sbjct	18661	TGTCTCATTCTCTCTAGCTGACACATCAGCACCATATTTAAGAAACACTCAGCAATGCTT	18720
Query	372538	TGTTAACCAAAAAATAATCAATTGAAAAACACTTCaaaaaaaCCTTTCTCTGGTTACTAC	372597
Sbjct	18721	TGTTAACCAAAAAATAATCAATTGAAAAACACTTCaaaaaaaACCTTTCTCTGGTTACTAC	18780
Query	372598	AAGATTAATGTTTAAATGCAGTACAATACAGATCCATTCATCTGTACAAAAATGCGGTAA	372657
Sbjct	18781	AAGATTAATGTTTAAATGCAGTACAATACAGATCCATTCATCTGTACAAAAATGCGGTAA	18840
Query	372658	GACATTCTGTGGGTGGCACTTACAGCTAAAATAGACTCAGAGAACTGTATGTTAAGGGCG	372717
Sbjct	18841	GACATTCTGTGGGTGGCACTTACAGCTAAAATAGACTCAGAGAACTGTATGTTAAGGGCG	18900

Query	372718	TCTTTTCAGAGGATGCCCAGCATCTATTGGCATAGCAATAGGTAAATCTTATGAGTAACCT	372777
Sbjct	18901	TCTTTTCAGAGGATGCCCAGCATCTATTGGCATAGCAATAGGTAAATCTTATGAGTAACCT	18960
Query	372778	GGTAGGGTCCTAATGATTCAAGGAAATTTTATGCTTCAACATTCAGCAATATTTTCATGTT	372837
Sbjct	18961	GGTAGGGTCCTAATGATTCAAGGAAATTTTATGCTTCAACATTCAGCAATATTTTCATGTT	19020
Query	372838	CAACAATTTTCAGATCATTTCATATTAAAGCAGCTTTATTGGGAACATTAAGTCTAAGA	372897
Sbjct	19021	CAACAATTTTCAGATCATTTCATATTAAAGCAGCTTTATTGGGAACATTAAGTCTAAGA	19080
Query	372898	AAAATATTTCTACAGTGAGTTCTAGGTAAAACCTGACTGCACCTTCATTTGACATTGTTATA	372957
Sbjct	19081	AAAATATTTCTACAGTGAGTTCTAGGTAAAACCTGACTGCACCTTCATTTGACATTGTTATA	19140
Query	372958	TCATTTCATTGTTCTCCTCCAGAAGCCCAGAGAACCTTTATAGCTGGTGTGTCAATAATAC	373017
Sbjct	19141	TCATTTCATTGTTCTCCTCCAGAAGCCCAGAGAACCTTTATAGCTGGTGTGTCAATAATAC	19200
Query	373018	AACAAACTAGTACTCCAGTAAAGTGAATTGATATCAGACGCCTGCACTAGCATTTTCAGT	373077
Sbjct	19201	AACAAACTAGTACTCCAGTAAAGTGAATTGATATCAGACGCCTGCACTAGCATTTTCAGT	19260
Query	373078	GAGtatatatatacgtatatatatatatatatatatatatatacgtatatatatatgtaagtatgt	373137
Sbjct	19261	GAGTATATATACGTATATATATATATATATATATATATATATATACGTATATATATGTAAGTATGT	19320
Query	373138	atgtatatatagatagagagagagagtgagagtgagagagagagagagagagagagagagagag	373197
Sbjct	19321	ATGTATATATAGATAGAGAGAGAGTGAGAGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG	19380
Query	373198	agaggagagagagCGCGCGCATGCCAATTTGGCCATCATAGTGAAAACAGAAAATAAATT	373257
Sbjct	19381	AGAGGAGAGAGAGCGCGCGCATGCCAATTTGGCCATCATAGTGAAAACAGAAAATAAATT	19440
Query	373258	CCCAAGACATGGCCTCTCCAGTAACCTTGACAATATTTAAGTTGAGAACCTACCAAGCTTT	373317
Sbjct	19441	CCCAAGACATGGCCTCTCCAGTAACCTTGACAATATTTAAGTTGAGAACCTACCAAGCTTT	19500
Query	373318	CCCTGTGATTCCAAATAACAAAAGATGAAAACAATAAAATTTGATTAATAGAAGACTTGT	373377
Sbjct	19501	CCCTGTGATTCCAAATAACAAAAGATGAAAACAATAAAATTTGATTAATAGAAGACTTGT	19560
Query	373378	AAAATTTTTGAGGTGATATAACTGTTAATTAAAATGGTTGATTGGTGCTCACTTCAGCAG	373437
Sbjct	19561	AAAATTTTTGAGGTGATATAACTGTTAATTAAAATGGTTGATTGGTGCTCACTTCAGCAG	19620
Query	373438	CACATATACTAAAATTGAAACGATACAGAGATGATTAGCAGGGACCCCGCAAGGATGACA	373497
Sbjct	19621	CACATATACTAAAATTGAAACGATACAGAGATGATTAGCAGGGACCCCGCAAGGATGACA	19680
Query	373498	TGCAAATTCATGAAATAATAAATAAAATAAAGTTATTGATTGGTCACAATAAAAACATAG	373557
Sbjct	19681	TGCAAATTCATGAAATAATAAATAAAATAAAGTTATTGATTGGTCACAATAAAAACATAG	19740
Query	373558	CAAACCTAGAGCTGCACACAATGGCACATCCCTTTAATTCCAGCACTTAGGAGGTAGAGG	373617
Sbjct	19741	CAAACCTAGAGCTGCACACAATGGCACATCCCTTTAATTCCAGCACTTAGGAGGTAGAGG	19800
Query	373618	TTAGAGAGAGGTGGATCTCTGTAATTTTGAGGTCAGCCCACTCTGATGGGGAGTGTTAGA	373677
Sbjct	19801	TTAGAGAGAGGTGGATCTCTGTAATTTTGAGGTCAGCCCACTCTGATGGGGAGTGTTAGA	19860
Query	373678	ATTGCCAGAGGTACAAAATAGAAAGAACTTGTCTCAAAGGAATACCAAACCTCTCAAAT	373737
Sbjct	19861	ATTGCCAGAGGTACAAAATAGAAAGAACTTGTCTCAAAGGAATACCAAACCTCTCAAAT	19920
Query	373738	GGTGAGTTTTTCATTTAAATATATTGTTATAAATAGTTGCAATTGGTAACTTTTAATTTaa	373797
Sbjct	19921	GGTGAGTTTTTCATTTAAATATATTGTTATAAATAGTTGCAATTGGTAACTTTTAATTTAA	19980
Query	373798	aaaaaCACTCAAACCATAAAAAAGAAAATACACATATTAAGAGCTACAGTATTTAATACTA	373857
Sbjct	19981	AAAAAFACTCAAACCATAAAAAAGAAAATACACATATTAAGAGCTACAGTATTTAATACTA	20040
Query	373858	ATTAGTAAGAATCATAATCATGAGATTTACATAACTAAGTAAAAATCTAATTGCCAATAAA	373917
Sbjct	20041	ATTAGTAAGAATCATAATCATGAGATTTACATAACTAAGTAAAAATCTAATTGCCAATAAA	20100
Query	373918	GAAACCTACTGCTTTTCCATTACTGCTGTATATAGCAAATTTGATAATATTTCTTGACAA	373977
Sbjct	20101	GAAACCTACTGCTTTTCCATTACTGCTGTATATAGCAAATTTGATAATATTTCTTGACAA	20160
Query	373978	CATAAGCAAGAAAACCTTTAATATTTGTAATATGCTGTGAATTTACCTaaaaaaaTTTGT	374037
Sbjct	20161	CATAAGCAAGAAAACCTTTAATATTTGTAATATGCTGTGAATTTACCTAAAAAAATTTGT	20220
Query	374038	TGATAAATTTTCTTTTCATTATATGCAATCTTGTGAAGATAGCAAATAAATGTCAGCCCA	374097

Sbjct	20221	TGATAAAATTTTCTTTTCATTATATGCAATCTTGTGAAGATAGCAAATAAATGTCAGCCCA	20280
Query	374098	TGAAAGTATGTGCAGTAGACTAAATACTCAACTTATATCCAAATTCATTTTAATGTTCT	374157
Sbjct	20281	TGAAAGTATGTGCAGTAGACTAAATACTCAACTTATATCCAAATTCATTTTAATGTTCT	20340
Query	374158	ATGATATTGAACAGTGAAAATTTGACTAAAAGTATTTAAGGAACAGGTTTATAATCTTCC	374217
Sbjct	20341	ATGATATTGAACAGTGAAAATTTGACTAAAAGTATTTAAGGAACAGGTTTATAATCTTCC	20400
Query	374218	TTTTAGTAATGCAAATGGAACAGCTTCACATCCCCTAACTTTACTTGGAATCGGTGGA	374277
Sbjct	20401	TTTTAGTAATGCAAATGGAACAGCTTCACATCCCCTAACTTTACTTGGAATCGGTGGA	20460
Query	374278	tttttttttGACTCAATATATTTTTGCCTATATATATACCTACAAGTATTCTTCACACTAA	374337
Sbjct	20461	TTTTTTTTTGACTCAATATATTTTTGCCTATATATATACCTACAAGTATTCTTCACACTAA	20520
Query	374338	TGAAATATTTTAAGAGGAAAAAATTTTAACTGGTATTATAGTAAATTCCTTTTTAGTAAT	374397
Sbjct	20521	TGAAATATTTTAAGAGGAAAAAATTTTAACTGGTATTATAGTAAATTCCTTTTTAGTAAT	20580
Query	374398	ATCATTATGTTTCATGTGTTATGAAACATACCAACTTTCTGAAAATATGTTGGCTGTTTT	374457
Sbjct	20581	ATCATTATGTTTCATGTGTTATGAAACATACCAACTTTCTGAAAATATGTTGGCTGTTTT	20640
Query	374458	GATGGTTACATTTTCAGACACATAATCTGACTATAATAGGAGGCTTATTCTACATGTGAAT	374517
Sbjct	20641	GATGGTTACATTTTCAGACACATAATCTGACTATAATAGGAGGCTTATTCTACATGTGAAT	20700
Query	374518	ACTTTCATAGAAATTTTAAATTTTCTGCCTATTTGAGATGGGAATGGAAGTTGAATTCAA	374577
Sbjct	20701	ACTTTCATAGAAATTTTAAATTTTCTGCCTATTTGAGATGGGAATGGAAGTTGAATTCAA	20760
Query	374578	GGCACTGCACATAGTAAATATTCTACTAATTTTGATGGCCAGTCTCTTTGAAAAACTTTT	374637
Sbjct	20761	GGCACTGCACATAGTAAATATTCTACTAATTTTGATGGCCAGTCTCTTTGAAAAACTTTT	20820
Query	374638	TCTTGCTAAATAACCTAGATAGGACTGATCTTGCTAGGGAGGACTTGAATTTGGGGTCTT	374697
Sbjct	20821	TCTTGCTAAATAACCTAGATAGGACTGATCTTGCTAGGGAGGACTTGAATTTGGGGTCTT	20880
Query	374698	CCTGCCTCGGCCTCCTCAATAGCTGTCTGTATTGCAATTATATTATTAAGATTTATTTGT	374757
Sbjct	20881	CCTGCCTCGGCCTCCTCAATAGCTGTCTGTATTGCAATTATATTATTAAGATTTATTTGT	20940
Query	374758	TATGCAGTTGCCAGTCAGGTCTCTCTCTCTGTGTGCAGCATCAGGTCAGATTTGAACCG	374817
Sbjct	20941	TATGCAGTTGCCAGTCAGGTCTCTCTCTCTGTGTGCAGCATCAGGTCAGATTTGAACCG	21000
Query	374818	CTACCATGCGAACAACCAAGACAAACCAAGAAGCACCCCTCAGCGCTCAATTGTGTTC	374877
Sbjct	21001	CTACCATGCGAACAACCAAGACAAACCAAGAAGCACCCCTCAGCGCTCAATTGTGTTC	21060
Query	374878	GCCATGTTTGACCCGTTCCAGATCGAAGAAATAAAAGAGACATGCTTGTATGCCTGGGGA	374937
Sbjct	21061	GCCATGTTTGACCCGTTCCAGATCGAAGAAATAAAAGAGACATGCTTGTATGCCTGGGGA	21120
Query	374938	AGAACCCACCGATGCCTACCTGGACATCATGGTGAACGAGGCCTCGGGCCCCATTAGTTT	374997
Sbjct	21121	AGAACCCACCGATGCCTACCTGGACATCATGGTGAACGAGGCCTCGGGCCCCATTAGTTT	21180
Query	374998	CACCAAGCTCTTACCATGTTTGCAGAGAAGCTGAGTAGCACCACCACAAGGATGTCATC	375057
Sbjct	21181	CACCAAGCTCTTACCATGTTTGCAGAGAAGCTGAGTAGCACCACCACAAGGATGTCATC	21240
Query	375058	AGAAATGCCTTCGAGGTGGCCGGCTCAGGAACCTGAGCACCTCTGCGGTTCATCCTGGTCC	375117
Sbjct	21241	AGAAATGCCTTCGAGGTGGCCGGCTCAGGAACCTGAGCACCTCTGCGGTTCATCCTGGTCC	21300
Query	375118	CCTCTGCGCCTACCCCGATCTTCTCCAGGCCTCAGCACGGCAGTGGGCGAGTGGGACAGC	375177
Sbjct	21301	CCTCTGCGCCTACCCCGATCTTCTCCAGGCCTCAGCACGGCAGTGGGCGAGTGGGACAGC	21360
Query	375178	GCGCTTTGTGAGTGGAACCTCAGTGTTCCGTGGGTGGAGCGGGCAGCACTGAAGGGGCGG	375237
Sbjct	21361	GCGCTTTGTGAGTGGAACCTCAGTGTTCCGTGGGTGGAGCGGGCAGCACTGAAGGGGCGG	21420
Query	375238	AAAATGCACGAGCCGAGTCTCCCAGGAAAGTGGAAGGAAGCATggggcacgggggttggg	375297
Sbjct	21421	AAAATGCACGAGCCGAGTCTCCCAGGAAAGTGGAAGGAAGCATGGGGCACGGGGGTGGG	21480
Query	375298	gggggaggggAGGTGTTTGGGGCAGCATGAGTCAGCAGCAGACCGCGCGGAGACTGCCCCA	375357
Sbjct	21481	GGGGGAGGGGAGGTGTTTGGGGCAGCATGAGTCAGCAGCAGACCGCGCGGAGACTGCCCCA	21540
Query	375358	GCTGCTGGAGACTGTGCATCGTCACTGCCAGGACCCCATCACTGTGGAGAACCTACTGCC	375417
Sbjct	21541	GCTGCTGGAGACTGTGCATCGTCACTGCCAGGACCCCATCACTGTGGAGAACCTACTGCC	21600

Query	375418	ACCAAAAAATACGGATTAATCTAGAAAGAAAATGTACAATATATGTCCATGAGAAAAGCTCT	375477
Sbjct	21601	ACCAAAAAATACGGATTAATCTAGAAAGAAAATGTACAATATATGTCCATGAGAAAAGCTCT	21660
Query	375478	GAAAGTGAAGATGTGTTGCTGGTATACTTAACTCGGAAATGTATGGGTCTTGTCAGCTCT	375537
Sbjct	21661	GAAAGTGAAGATGTGTTGCTGGTATACTTAACTCGGAAATGTATGGGTCTTGTCAGCTCT	21720
Query	375538	GCCCCATAAGGCGTTCTTGACTTAAACAAGGTTGCCACAAAACCTGGGTGTCCTGGATGGC	375597
Sbjct	21721	GCCCCATAAGGCGTTCTTGACTTAAACAAGGTTGCCACAAAACCTGGGTGTCCTGGATGGC	21780
Query	375598	ATCAAATTGGAGGAAAACAAATCTAAGAACCACCTTTTGGTGGATAGGATCTGACCTGAAC	375657
Sbjct	21781	ATCAAATTGGAGGAAAACAAATCTAAGAACCACCTTTTGGTGGATAGGATCTGACCTGAAC	21840
Query	375658	AACTTTTAGGGCAGCACCCCAACAGAAGAAGCTGCAGGCAGAGCTCTCTGACCTGTCGGA	375717
Sbjct	21841	AACTTTTAGGGCAGCACCCCAACAGAAGAAGCTGCAGGCAGAGCTCTCTGACCTGTCGGA	21900
Query	375718	GATGGAAGACTCTTTGGATGAGTTAATAAAAGATTGTGCTCAGCAACTACTGGAGTTAAC	375777
Sbjct	21901	GATGGAAGACTCTTTGGATGAGTTAATAAAAGATTGTGCTCAGCAACTACTGGAGTTAAC	21960
Query	375778	AGATGACAAAGAAAATGAAAGACTAGCTTACATGACCTATCAGGACATTACAGCATTCA	375837
Sbjct	21961	AGATGACAAAGAAAATGAAAGACTAGCTTACATGACCTATCAGGACATTACAGCATTCA	22020
Query	375838	AATTTTCCATGAACAGATTGTCAGTGAAGGCTCCAGAGGAAACCAGACTGGATGT	375897
Sbjct	22021	AATTTTCCATGAACAGATTGTCAGTGAAGGCTCCAGAGGAAACCAGACTGGATGT	22080
Query	375898	TTTGGCTCCCAGAGAGAATTCTAACATAGTACATATCACAAAGCACCAAAGAACTACTGAT	375957
Sbjct	22081	TTTGGCTCCCAGAGAGAATTCTAACATAGTACATATCACAAAGCACCAAAGAACTACTGAT	22140
Query	375958	GAATATTTGTGTGAACCACTCAAATGGTAAACAACCTGATAGAATAGAGGCCTCTCCATC	376017
Sbjct	22141	GAATATTTGTGTGAACCACTCAAATGGTAAACAACCTGATAGAATAGAGGCCTCTCCATC	22200
Query	376018	TGACAGCAAACATCTGCAATGGCCAGAGGAAGAAGACAGCGTCTGTAGTGAGTCAAGAAC	376077
Sbjct	22201	TGACAGCAAACATCTGCAATGGCCAGAGGAAGAAGACAGCGTCTGTAGTGAGTCAAGAAC	22260
Query	376078	TTCTCAGAGTGACCAACTTATAGCAGCGCAGAGTGACAAAGGTCTTTAGCATCCCACGTG	376137
Sbjct	22261	TTCTCAGAGTGACCAACTTATAGCAGCGCAGAGTGACAAAGGTCTTTAGCATCCCACGTG	22320
Query	376138	GGTAAATCTTTGTGATCCATCCTGTGTGCGCGAATCATGTGCTTGTCTGATCCTCAGCAAT	376197
Sbjct	22321	GGTAAATCTTTGTGATCCATCCTGTGTGCGCGAATCATGTGCTTGTCTGATCCTCAGCAAT	22380
Query	376198	AAGTCTCCTCGGATTGCTCTTGTGGTCTTATTCTAGACTCTTGTGATCTTACTCTAACTG	376257
Sbjct	22381	AAGTCTCCTCGGATTGCTCTTGTGGTCTTATTCTAGACTCTTGTGATCTTACTCTAACTG	22440
Query	376258	AAGGCCAGTAGTGTTCTGCTGAGTAGCCTCAAGCGCAGGTTCTACCTTAAGCATAGGTT	376317
Sbjct	22441	AAGGCCAGTAGTGTTCTGCTGAGTAGCCTCAAGCGCAGGTTCTACCTTAAGCATAGGTT	22500
Query	376318	CCCCATTGAAATCTGCTCTTTGATAATTCTTCACTGGCTTTTGTGAGTAAATAGACC	376377
Sbjct	22501	CCCCATTGAAATCTGCTCTTTGATAATTCTTCACTGGCTTTTGTGAGTAAATAGACC	22560
Query	376378	TCTTGCCCTCCTGAAATCATTTTATCACAAAGACTAGCACAAAGGATAGACAGCTGGTTAGC	376437
Sbjct	22561	TCTTGCCCTCCTGAAATCATTTTATCACAAAGACTAGCACAAAGGATAGACAGCTGGTTAGC	22620
Query	376438	TGGCCCTGGACTGTGCCATGGCCTGATGGATAGATAGTGTTTGCTTCACAGGAGAATTGC	376497
Sbjct	22621	TGGCCCTGGACTGTGCCATGGCCTGATGGATAGATAGTGTTTGCTTCACAGGAGAATTGC	22680
Query	376498	CTTACACTGGTTTACATTTGCACTTAGGTATTGTGCACTGGTGAGGTGTACACACAGGAC	376557
Sbjct	22681	CTTACACTGGTTTACATTTGCACTTAGGTATTGTGCACTGGTGAGGTGTACACACAGGAC	22740
Query	376558	CAAATGTGGCACCTTTCTCCATATGTGTACCATGTTTAGTTTGCTTATGAAATGTCTAAG	376617
Sbjct	22741	CAAATGTGGCACCTTTCTCCATATGTGTACCATGTTTAGTTTGCTTATGAAATGTCTAAG	22800
Query	376618	TGACACTTCTACCTTAGAACACCCAAAATAATGTATGTAGGGAAAATAACCAACAGATCT	376677
Sbjct	22801	TGACACTTCTACCTTAGAACACCCAAAATAATGTATGTAGGGAAAATAACCAACAGATCT	22860
Query	376678	CTAGTTCCTCAGTTCCTGTAACTTATTAGAACCCCTGGATGGTGAGAGGAGTATTCTAAA	376737
Sbjct	22861	CTAGTTCCTCAGTTCCTGTAACTTATTAGAACCCCTGGATGGTGAGAGGAGTATTCTAAA	22920
Query	376738	GTTTACATGTAGAAGTTTCAGAAATGCCTGTACATTTAGGTTATATACTTTAAATATT	376797

[illegible]

[illegible]

Sbjct	25621	AAACCTATCTCACTAAACCTACAGATTACTGGCAAGATGACTAATTAAGAAGCCCTGAGA	25680
Query	379498	GTCTTCCTTTTAACTACTATCTAACACCTTGCTTTTATAGGTGTAGTGAGGATCTGAACT	379557
Sbjct	25681	GTCTTCCTTTTAACTACTATCTAACACCTTGCTTTTATAGGTGTAGTGAGGATCTGAACT	25740
Query	379558	CAAGTTCTTATGTTATACAGTAATTCCTTTATCCACCAGAGCTTTTATCCATGGCTTTCT	379617
Sbjct	25741	CAAGTTCTTATGTTATACAGTAATTCCTTTATCCACCAGAGCTTTTATCCATGGCTTTCT	25800
Query	379618	CTAGTCCCTACTAACCATCAGCTTTCAATTTGTGACTtttttaatttttgagtttttctcc	379677
Sbjct	25801	CTAGTCCCTACTAACCATCAGCTTTCAATTTGTGACTTTTAAATTTTGAGTTTTCCTCC	25860
Query	379678	atttttattttttgatatgtatgtattttaagtattttatatgtaccatccaagtagg	379737
Sbjct	25861	ATTTTATATTTTGTATTTTGTATGTATTTTAAGTATTTTATATGTACCATCCAAGTAGG	25920
Query	379738	ttttttttttCATTTATAATGTTGAGAAACCAATTCTACACAATATGGGCCAATATATT	379797
Sbjct	25921	TTTTTTTTTTCATTTATAATGTTGAGAAACCAATTCTACACAATATGGGCCAATATATT	25980
Query	379798	ATCAATATTTTGGTTGGAAGATAAATACTAGGAATTTCATAATGGTTTTTATAAGCTTGA	379857
Sbjct	25981	ATCAATATTTTGGTTGGAAGATAAATACTAGGAATTTCATAATGGTTTTTATAAGCTTGA	26040
Query	379858	TAATAAATGAAAATAAGGGAGAAAACATGCAAATTAGTGAACATGTTGGTCATTTAAATT	379917
Sbjct	26041	TAATAAATGAAAATAAGGGAGAAAACATGCAAATTAGTGAACATGTTGGTCATTTAAATT	26100
Query	379918	TTTAAATGGACAACAGTGATGTGCTACACCATAGCAGTCTTAGGCTCAGAGCCATGGAC	379977
Sbjct	26101	TTTAAATGGACAACAGTGATGTGCTACACCATAGCAGTCTTAGGCTCAGAGCCATGGAC	26160
Query	379978	GAAAACTGTTTACGGACAACAGTGATGTGCTACACCATAACAGTCTCAGGCTCAGAGCGG	380037
Sbjct	26161	GAAAACTGTTTACGGACAACAGTGATGTGCTACACCATAACAGTCTCAGGCTCAGAGCGG	26220
Query	380038	TGGCTGAAAACCTGGAAACTGCCTATCTCAGGTGTTATGGGGGTAAATGGACTTGCAATATGA	380097
Sbjct	26221	TGGCTGAAAACCTGGAAACTGCCTATCTCAGGTGTTATGGGGGTAAATGGACTTGCAATATGA	26280
Query	380098	GGCCTCTGCTGGTAGCTGCCCAACAACCTTACTCCATTCATCAATTTTTATCTCCTATTC	380157
Sbjct	26281	GGCCTCTGCTGGTAGCTGCCCAACAACCTTACTCCATTCATCAATTTTTATCTCCTATTC	26340
Query	380158	TATAATTTTTATCTGTTAAGTTCCAACCTTATTAACACTACTGTCTCCATTTCTGACTCTGAA	380217
Sbjct	26341	TATAATTTTTATCTGTTAAGTTCCAACCTTATTAACACTACTGTCTCCATTTCTGACTCTGAA	26400
Query	380218	GCTCAATAACACACCATGTCCACCCCTCAACCAGCCGGTCTTTTGGTACAATCCGCCGCA	380277
Sbjct	26401	GCTCAATAACACACCATGTCCACCCCTCAACCAGCCGGTCTTTTGGTACAATCCGCCGCA	26460
Query	380278	GTTTCCGACTTCCCTACTTCCTTTGCATTGGTGACATCCGGGTCCCTCCGCCTATTTAT	380337
Sbjct	26461	GTTTCCGACTTCCCTACTTCCTTTGCATTGGTGACATCCGGGTCCCTCCGCCTATTTAT	26520
Query	380338	ACTGGTTGCGAGGAAAGTTCGAGCGGTCAGTTTGAAGTCGGAGTTGTTTCGTGTACTGTGT	380397
Sbjct	26521	ACTGGTTGCGAGGAAAGTTCGAGCGGTCAGTTTGAAGTCGGAGTTGTTTCGTGTACTGTGT	26580
Query	380398	GATCCGTTAAAGCCGACAAGTTAGGAAATCAGAAAAAGGTAATGAATTCTGAATTTTAAC	380457
Sbjct	26581	GATCCGTTAAAGCCGACAAGTTAGGAAATCAGAAAAAGGTAATGAATTCTGAATTTTAAC	26640
Query	380458	TGTAACCAATAATTTTGTACCTTAGAAAAAGCAAAGGTTATGACAGGGAAATGTAATTCA	380517
Sbjct	26641	TGTAACCAATAATTTTGTACCTTAGAAAAAGCAAAGGTTATGACAGGGAAATGTAATTCA	26700
Query	380518	CAGTGATTTTCTGTGCATATTTTGTAGAAAAATTTTAAAATTCTGTATTAGTAAATAATA	380577
Sbjct	26701	CAGTGATTTTCTGTGCATATTTTGTAGAAAAATTTTAAAATTCTGTATTAGTAAATAATA	26760
Query	380578	TGTAAGTCGGAATGTTTATGGACATAAAGGAATTCATTATCCTATCAGAAGGGGGGAAA	380637
Sbjct	26761	TGTAAGTCGGAATGTTTATGGACATAAAGGAATTCATTATCCTATCAGAAGGGGGGAAA	26820
Query	380638	GCCCTTTTGTGCTTGAGAAGAGGGAGTTAAGGTTTAAATTATGTGTTTGTATGAAACGA	380697
Sbjct	26821	GCCCTTTTGTGCTTGAGAAGAGGGAGTTAAGGTTTAAATTATGTGTTTGTATGAAACGA	26880
Query	380698	GTAAC TGATAACCTTTTATTTGCCTCTCTTTGTGGTGGGTTTAAATTTTAGATTTAATGGTG	380757
Sbjct	26881	GTAAC TGATAACCTTTTATTTGCCTCTCTTTGTGGTGGGTTTAAATTTTAGATTTAATGGTG	26940
Query	380758	CAGGGTGTTTGTCTGAGGTGTGTTTGTCTGAGATGTTTAGCCTAATGCATTTTATTTTC	380817
Sbjct	26941	CAGGGTGTTTGTCTGAGGTGTGTTTGTCTGAGATGTTTAGCCTAATGCATTTTATTTTC	27000

Query	380818	AAGCGGTGCGCCAAAAGTTTAGGCACCATTTTGTTC	380877
Sbjct	27001	AAGCGGTGCGCCAAAAGTTTAGGCACCATTTTGTTC	27060
Query	380878	CACCATTTTGTTC	380937
Sbjct	27061	CACCATTTTGTTC	27120
Query	380938	TCCACAGAAGCAACTGCATAGCTTTGCTGACTCAGAAA	380997
Sbjct	27121	TCCACAGAAGCAACTGCATAGCTTTGCTGACTCAGAAA	27180
Query	380998	GCTACAGTTTATGGACAACAGTTATTAGTGCTATAGTCTCTTTGTCCTGATTTTGCCAGC	381057
Sbjct	27181	GCTACAGTTTATGGACAACAGTTATTAGTGCTATAGTCTCTTTGTCCTGATTTTGCCAGC	27240
Query	381058	AGTGCACTCCTGTTAAACTACCAGCTACCATTAGTTAGGTCCAGCGTAAGAGGATGCGGG	381117
Sbjct	27241	AGTGCACTCCTGTTAAACTACCAGCTACCATTAGTTAGGTCCAGCGTAAGAGGATGCGGG	27300
Query	381118	TAGAGCCACAGAACAGGGTTTCTGAGCAGGGGCAAGCTCGTGCTACGCCACTACGTTGAT	381177
Sbjct	27301	TAGAGCCACAGAACAGGGTTTCTGAGCAGGGGCAAGCTCGTGCTACGCCACTACGTTGAT	27360
Query	381178	AGGTTAGAAATTCAGAACACGCCTGCGTAGAGTTGGACTCCGCCTACTGGTAGGGCAGGC	381237
Sbjct	27361	AGGTTAGAAATTCAGAACACGCCTGCGTAGAGTTGGACTCCGCCTACTGGTAGGGCAGGC	27420
Query	381238	TCAAGCTACTCTACCACTCAGATAGGTTAAACTTTGTAAAGACACAAAGACGTCACCTGC	381297
Sbjct	27421	TCAAGCTACTCTACCACTCAGATAGGTTAAACTTTGTAAAGACACAAAGACGTCACCTGC	27480
Query	381298	GCCTGCGTACTCTATACTAGTTAGACGCCTCCTTCTAAAGAGAATCTCGTGCGACCTCTT	381357
Sbjct	27481	GCCTGCGTACTCTATACTAGTTAGACGCCTCCTTCTAAAGAGAATCTCGTGCGACCTCTT	27540
Query	381358	CGTGTGAAAGCTACTTCTACGGTGCTGGGACCGACTTGGTAGAGCCGGTTTGTGAAGTGC	381417
Sbjct	27541	CGTGTGAAAGCTACTTCTACGGTGCTGGGACCGACTTGGTAGAGCCGGTTTGTGAAGTGC	27600
Query	381418	TGCTGACTTCTGTAGGTAGTCTAGTGAGATGGGGAGCCTGATTAGAGCAGACTTTTGAG	381477
Sbjct	27601	TGCTGACTTCTGTAGGTAGTCTAGTGAGATGGGGAGCCTGATTAGAGCAGACTTTTGAG	27660
Query	381478	AGTGGAGCAGCTTCTTAGGCAGATTCTTAATATGCTGCTCCCTTGGTAGGACGGAGCACA	381537
Sbjct	27661	AGTGGAGCAGCTTCTTAGGCAGATTCTTAATATGCTGCTCCCTTGGTAGGACGGAGCACA	27720
Query	381538	CTCCTAAAATGTCCGACCAGCTTGTGAAAGACGCCGCTTTCCTGAAGGACAGGTTTGGG	381597
Sbjct	27721	CTCCTAAAATGTCCGACCAGCTTGTGAAAGACGCCGCTTTCCTGAAGGACAGGTTTGGG	27780
Query	381598	GGGAGAATGCCACCTGGGTCCCTCAGGCCTTCTGCCAAGATACCACTGCTTGAGTGGTGG	381657
Sbjct	27781	GGGAGAATGCCACCTGGGTCCCTCAGGCCTTCTGCCAAGATACCACTGCTTGAGTGGTGG	27840
Query	381658	GCATACTGGTACCATGTACCACAGCTTCTGTAAGGTTAGAACCCTTAAGATTTTGTCCC	381717
Sbjct	27841	GCATACTGGTACCATGTACCACAGCTTCTGTAAGGTTAGAACCCTTAAGATTTTGTCCC	27900
Query	381718	TGGTTAGAAATGGCAGCAAGTGAGATGCTGCAAACTGAGAGGCAAGTTTGTGGACTCTGA	381777
Sbjct	27901	TGGTTAGAAATGGCAGCAAGTGAGATGCTGCAAACTGAGAGGCAAGTTTGTGGACTCTGA	27960
Query	381778	TCTAAAGAACAGCAGGCTCCCGCTATAGCACCCATGTGAAGAGCCACCTTTTAGGACATG	381837
Sbjct	27961	TCTAAAGAACAGCAGGCTCCCGCTATAGCACCCATGTGAAGAGCCACCTTTTAGGACATG	28020
Query	381838	GTGCTGAGAAGAGCCTTGAGTGACACTTGTATCTCAGAAGTATATACACATGGGATTTT	381897
Sbjct	28021	GTGCTGAGAAGAGCCTTGAGTGACACTTGTATCTCAGAAGTATATACACATGGGATTTT	28080
Query	381898	GCCCTGAAATCCTTAGACACCTGCTACAGCACCATCCTTGTTAGAGCCAGAAGAACACTTT	381957
Sbjct	28081	GCCCTGAAATCCTTAGACACCTGCTACAGCACCATCCTTGTTAGAGCCAGAAGAACACTTT	28140
Query	381958	TTGGGTAGGAGAGATTTCGTTGGATGCCCCCAATTTGGAAAAGCAGGATATTAAACACTGC	382017
Sbjct	28141	TTGGGTAGGAGAGATTTCGTTGGATGCCCCCAATTTGGAAAAGCAGGATATTAAACACTGC	28200
Query	382018	CTCTTAAGTTTGATAGGCTTATGGGATGTGGCTACCTGTATGAGGGCAGTCTTAGAACTC	382077
Sbjct	28201	CTCTTAAGTTTGATAGGCTTATGGGATGTGGCTACCTGTATGAGGGCAGTCTTAGAACTC	28260
Query	382078	TGGGTTGGAAAGGTTGTGAGACACAATGGCTGAGAAAATCAGGGTAGTGTAATCCAGCAG	382137
Sbjct	28261	TGGGTTGGAAAGGTTGTGAGACACAATGGCTGAGAAAATCAGGGTAGTGTAATCCAGCAG	28320
Query	382138	TCTGGGTAGAGCTGTTTAGTGACCTGTTTCCATGTAAGAAAGGCATGCTCAAGGAAATGA	382197



[illegible]

Query	383518	CAAGCATGTGGAGCTGTCAGACCCAATTACTTTTGATAAAATTCTGTTTCTTCAGATGTAT	383577
Sbjct	29701	CAAGCATGTGGAGCTGTCAGACCCAATTACTTTTGATAAAATTCTGTTTCTTCAGATGTAT	29760
Query	383578	TCTGCAAATATTTTTACTACCCTATTCTAGGCTACTGATTTTAAGGGTTTTTAAATA	383637
Sbjct	29761	TCTGCAAATATTTTTACTACCCTATTCTAGGCTACTGATTTTAAGGGTTTTTAAATA	29820
Query	383638	ACCAACAATTTTAAATAGCACTGTCAGTGTAGGTAATTTACTAAATACATGAAAATTAT	383697
Sbjct	29821	ACCAACAATTTTAAATAGCACTGTCAGTGTAGGTAATTTACTAAATACATGAAAATTAT	29880
Query	383698	CAC TTCAAAAAACAAATACAAGGTGATCAATATGGTTTAACTAGTAAATAGCATACT	383757
Sbjct	29881	CAC TTCAAAAAACAAATACAAGGTGATCAATATGGTTTAACTAGTAAATAGCATACT	29940
Query	383758	ATAACTCATAAATGTGATTATTTTTAAGTGAAAATGAATAGAGGTTTAGTAATTATGACC	383817
Sbjct	29941	ATAACTCATAAATGTGATTATTTTTAAGTGAAAATGAATAGAGGTTTAGTAATTATGACC	30000
Query	383818	TTTCCCATTCCTTAATAAAAACTAGAACCATTACATATGCTAATTGAGCTTTTGATTTCCT	383877
Sbjct	30001	TTTCCCATTCCTTAATAAAAACTAGAACCATTACATATGCTAATTGAGCTTTTGATTTCCT	30060
Query	383878	TCATTAAACAGTGGTGTACACCTAAACTCTGAGTAGTACATGTGTTGAAGCAAGAAGAGG	383937
Sbjct	30061	TCATTAAACAGTGGTGTACACCTAAACTCTGAGTAGTACATGTGTTGAAGCAAGAAGAGG	30120
Query	383938	GACTAACTTGAGCTAAATAGAAGACTGTCATAAATGAAAGGaaaaaaaaTAAACATTAGG	383997
Sbjct	30121	GACTAACTTGAGCTAAATAGAAGACTGTCATAAATGAAAGGAAAAAAAAAATAACATTAGG	30180
Query	383998	ATGTCAGGCTATGTATTTCCCTTAAGTTGTATTTTCTTAGTGTTTATCTATATGAATCTT	384057
Sbjct	30181	ATGTCAGGCTATGTATTTCCCTTAAGTTGTATTTTCTTAGTGTTTATCTATATGAATCTT	30240
Query	384058	GCCTGTGTGTATGTCTGTGCACCATGTATTTGCATGGTGTGTTGTATATGGAAGCCAACAG	384117
Sbjct	30241	GCCTGTGTGTATGTCTGTGCACCATGTATTTGCATGGTGTGTTGTATATGGAAGCCAACAG	30300
Query	384118	TCCCTAAGAACTGGAATTACtttttttttttttttttttgggttctttttttGGAGCCGGG	384177
Sbjct	30301	TCCCTAAGAACTGGAATTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTCTTTTTTGGAGCCGGG	30360
Query	384178	GACCGAACCCAGGGCCTTGCACTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCA	384237
Sbjct	30361	GACCGAACCCAGGGCCTTGCACTTGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGCTAAATCCCCA	30420
Query	384238	ACCCCTGGAATTACTTTTGAACCAACATGTCATGCTAGGAATCAGATCTCGGATCATCT	384297
Sbjct	30421	ACCCCTGGAATTACTTTTGAACCAACATGTCATGCTAGGAATCAGATCTCGGATCATCT	30480
Query	384298	GGAAGAGCAGCCAGTGTTTTTTAAC TAATGACCTCCATTGTTTGCTTAAACGTTTTAAGC	384357
Sbjct	30481	GGAAGAGCAGCCAGTGTTTTTTAAC TAATGACCTCCATTGTTTGCTTAAACGTTTTAAGC	30540
Query	384358	ATATTTTAATACTTTATCCTTTTGTCTTCTTATAGAAAAATGGCAGAAAGTGAGCAGCCT	384417
Sbjct	30541	ATATTTTAATACTTTATCCTTTTGTCTTCTTATAGAAAAATGGCAGAAAGTGAGCAGCCT	30600
Query	384418	GGGAAAATTTTATAGGAGGCCTCAACTTAGAGACCAGACAAAAGACTCTTCAAGTAATA	384477
Sbjct	30601	GGGAAAATTTTATAGGAGGCCTCAACTTAGAGACCAGACAAAAGACTCTTCAAGTAATA	30660
Query	384478	TTTGGGAGATTTGGACCAATAACACATGGTAATTCCTTAATACCAAATATATGTCTTTTC	384537
Sbjct	30661	TTTGGGAGATTTGGACCAATAACACATGGTAATTCCTTAATACCAAATATATGTCTTTTC	30720
Query	384538	AGAGTAAATATAAATATTTCTGTGTTATGTTTCATTTTGGAACTTAGATGATTATTTTA	384597
Sbjct	30721	AGAGTAAATATAAATATTTCTGTGTTATGTTTCATTTTGGAACTTAGATGATTATTTTA	30780
Query	384598	TGATATAGAACTACTATTGCAGTGGAATGAGTGTATTTATGTATGTGTGTGCATGTACaa	384657
Sbjct	30781	TGATATAGAACTACTATTGCAGTGGAATGAGTGTATTTATGTATGTGTGTGCATGTACAA	30840
Query	384658	aaaaaGCTGACATTAATTTATGGTTTATTGATATTGAGAATATAACTAATAGTATGAAAT	384717
Sbjct	30841	AAAAAGCTGACATTAATTTATGGTTTATTGATATTGAGAATATAACTAATAGTATGAAAT	30900
Query	384718	GTAAGGTTTTAGGGTTTTAAGATTTGTGAAGAATGATTTGTACTGTGTTCTGCTTAGCCT	384777
Sbjct	30901	GTAAGGTTTTAGGGTTTTAAGATTTGTGAAGAATGATTTGTACTGTGTTCTGCTTAGCCT	30960
Query	384778	GTCAAATTAAGGGTCCTATGAGTAACTAACAGTTAAAGAAATTAATTTTGGAAATAGAAT	384837
Sbjct	30961	GTCAAATTAAGGGTCCTATGAGTAACTAACAGTTAAAGAAATTAATTTTGGAAATAGAAT	31020
Query	384838	AATTAAC TTTTATATAATTTGTAAATGTTTAAATGTATTGCAGTTATTTTGATGAGAGA	384897

Sbjct	31021	AATTAACCTTTTATATAAATTTGTAAATGTTTAAATGTATTGCAGTTATTTTGATGAGAGA	31080
Query	384898	TCGTGAAACTAAGAAGTCTAGAGGCTTTGCTTTTCGTTACTTTTCAATGTCCTGGAGATGC	384957
Sbjct	31081	TCGTGAAACTAAGAAGTCTAGAGGCTTTGCTTTTCGTTACTTTTCAATGTCCTGGAGATGC	31140
Query	384958	TAAGAATGCTGTCAAAGAAATGAACGGAGTGGTAAGTATGTAGTAAGAATATGCTAATTC	385017
Sbjct	31141	TAAGAATGCTGTCAAAGAAATGAACGGAGTGGTAAGTATGTAGTAAGAATATGCTAATTC	31200
Query	385018	TTTTCAGTAGTTAATAACATTAGTTGATGTTTTTCAGTTTGCTAAGATATGAGCAAACTT	385077
Sbjct	31201	TTTTCAGTAGTTAATAACATTAGTTGATGTTTTTCAGTTTGCTAAGATATGAGCAAACTT	31260
Query	385078	CTTCATTGTTTTTTGTTTGTGTAGTAGTGCCAAGATTCTGACTAGTAGAATATTTCAAT	385137
Sbjct	31261	CTTCATTGTTTTTTGTTTGTGTAGTAGTGCCAAGATTCTGACTAGTAGAATATTTCAAT	31320
Query	385138	ATTGTGATATATATTAAACCTGTATCATATTCTTTAAGAGTAAATTGGATGCAATCTTTa	385197
Sbjct	31321	ATTGTGATATATATTAAACCTGTATCATATTCTTTAAGAGTAAATTGGATGCAATCTTTA	31380
Query	385198	aaagaaacagaaaaaaggtaaaaaGGGTAAACCATGTTTTTAAAAATTCATCGAAGAAATTC	385257
Sbjct	31381	AAAGAAACAGAAAAAAGGTAAAAAGGTTAACCATGTTTTTAAAAATTCATCGAAGAAATTC	31440
Query	385258	TTAAGGAAAATATTCTGTAGAAAGTTACGTTTGAGTAAAATTGAGTCTAAACAGATAAT	385317
Sbjct	31441	TTAAGGAAAATATTCTGTAGAAAGTTACGTTTGAGTAAAATTGAGTCTAAACAGATAAT	31500
Query	385318	AAGTCTTACAGCAATAAATACAAATTGATTTTCTCAGTTATTGGAATAAATAGAGTTCCT	385377
Sbjct	31501	AAGTCTTACAGCAATAAATACAAATTGATTTTCTCAGTTATTGGAATAAATAGAGTTCCT	31560
Query	385378	ACCTAAACCCTAGTTTATTTTTACTAAGTTGAAATCTTTTTGTCTTTCAAACTAACCAT	385437
Sbjct	31561	ACCTAAACCCTAGTTTATTTTTACTAAGTTGAAATCTTTTTGTCTTTCAAACTAACCAT	31620
Query	385438	ATGAGTGTTTTTATCTCATAATTTTTCTTTCAAACCTAAGTGTATTTGCTTTAAGAAAA	385497
Sbjct	31621	ATGAGTGTTTTTATCTCATAATTTTTCTTTCAAACCTAAGTGTATTTGCTTTAAGAAAA	31680
Query	385498	ATTTAAACCTCATGTTTGATGCAATAAAAGGTAAAGAATACAGGTTAAATTTAATTGTGC	385557
Sbjct	31681	ATTTAAACCTCATGTTTGATGCAATAAAAGGTAAAGAATACAGGTTAAATTTAATTGTGC	31740
Query	385558	TAATAATATTCTTTGTCTTTTTAAGTCTTTGGATGGAAAAAGAATTAAAGTAGAACAAGC	385617
Sbjct	31741	TAATAATATTCTTTGTCTTTTTAAGTCTTTGGATGGAAAAAGAATTAAAGTAGAACAAGC	31800
Query	385618	CAGAAGACCATCATCAGTTGAAAGGAGTAGCAAGAGGAGACCATTATCCTTTTCAAGAAC	385677
Sbjct	31801	CAGAAGACCATCATCAGTTGAAAGGAGTAGCAAGAGGAGACCATTATCCTTTTCAAGAAC	31860
Query	385678	CAGAGGTGCTTCAAGAATTCTGAAATGTGGAAGAGGAGGAAGTAGCAGAGGAAGAAGTCG	385737
Sbjct	31861	CAGAGGTGCTTCAAGAATTCTGAAATGTGGAAGAGGAGGAAGTAGCAGAGGAAGAAGTCG	31920
Query	385738	TCCTTCACGTGAAAGAAATTTGGGTAACCTTTACATAGTGGAAGCAGTGTGACTGACAATT	385797
Sbjct	31921	TCCTTCACGTGAAAGAAATTTGGGTAACCTTTACATAGTGGAAGCAGTGTGACTGACAATT	31980
Query	385798	AGTAAGATAATATAACTAGATGTATTTCAACTTATATTCATACATTATCATGAGTAGAGC	385857
Sbjct	31981	AGTAAGATAATATAACTAGATGTATTTCAACTTATATTCATACATTATCATGAGTAGAGC	32040
Query	385858	AGTTGCCTTTTAATTTaaaaaaaTTACTTCAAAGCACTGTAGGATTAATATAAATAACTGA	385917
Sbjct	32041	AGTTGCCTTTTAATTTAAAAAAATTACTTCAAAGCACTGTAGGATTAATATAAATAACTGA	32100
Query	385918	CATCATAATTTAAAATTGAATTTACACCAGAGTGGAAATTTTTAAGACATTGGTATTTG	385977
Sbjct	32101	CATCATAATTTAAAATTGAATTTACACCAGAGTGGAAATTTTTAAGACATTGGTATTTG	32160
Query	385978	TCCATACACAGTTAACAGACTTTGCAAGATTTACTTGTTTTGCTTCTATGTGTATTACTA	386037
Sbjct	32161	TCCATACACAGTTAACAGACTTTGCAAGATTTACTTGTTTTGCTTCTATGTGTATTACTA	32220
Query	386038	TGTGAGGATTTTCATACCTGGAGTTAACATTTTTAGCTGCCATCTGGGTATTGGGAATTGA	386097
Sbjct	32221	TGTGAGGATTTTCATACCTGGAGTTAACATTTTTAGCTGCCATCTGGGTATTGGGAATTGA	32280
Query	386098	ACACAGGTCCTCTGGAAGATCATTTCAGTATTAAGCACTGAGCAGCAAGATTTATTTCTAA	386157
Sbjct	32281	ACACAGGTCCTCTGGAAGATCATTTCAGTATTAAGCACTGAGCAGCAAGATTTATTTCTAA	32340
Query	386158	TCGTATTTTTAGTTTTGTACTTTGGAGGCCAGTATTAAATGTGAGTTGCAATTTTAACTA	386217
Sbjct	32341	TCGTATTTTTAGTTTTGTACTTTGGAGGCCAGTATTAAATGTGAGTTGCAATTTTAACTA	32400

Query	386218	TTAGGGAGGTTAAACTATAACAGGATGAAATATAAATTGACTAAAAATGCCCAGAACTC	386277
Sbjct	32401	TTAGGGAGGTTAAACTATAACAGGATGAAATATAAATTGACTAAAAATGCCCAGAACTC	32460
Query	386278	AGAAGTACATGTTTCAATTAAATAGAAATTGATCAGACAAAATTTGTTGTTGTGTATTTAT	386337
Sbjct	32461	AGAAGTACATGTTTCAATTAAATAGAAATTGATCAGACAAAATTTGTTGTTGTGTATTTAT	32520
Query	386338	CTGAAAACGTTCATTTCTTATTTTGATGACAGTTTGTATATAAGCCTGCCGAACATCCT	386397
Sbjct	32521	CTGAAAACGTTCATTTCTTATTTTGATGACAGTTTGTATATAAGCCTGCCGAACATCCT	32580
Query	386398	GGAATTATCTAAACCTTGAACTTTTCAAGGCTGTTCCAGACTTTGGAGCAATTTAAAAGA	386457
Sbjct	32581	GGAATTATCTAAACCTTGAACTTTTCAAGGCTGTTCCAGACTTTGGAGCAATTTAAAAGA	32640
Query	386458	AACAGTACTTTCTAAGTGTGTACATGTTAACTTTATTATGATGATTCATTAGAATGTTTA	386517
Sbjct	32641	AACAGTACTTTCTAAGTGTGTACATGTTAACTTTATTATGATGATTCATTAGAATGTTTA	32700
Query	386518	TAGACAATGGCTAAGAGAAATTTGTTACTTTAGAAAATAAATTTTTACTTAAAAatatct	386577
Sbjct	32701	TAGACAATGGCTAAGAGAAATTTGTTACTTTAGAAAATAAATTTTTACTTAAAAATATCT	32760
Query	386578	atatatatatatatatattttatattaacattaaataactatatataaGGGCTGTTTGATAATG	386637
Sbjct	32761	ATATATATATATATATATTTTATATTAACATTAAATAACTATATAAGGGCTGTTTGATAATG	32820
Query	386638	AGATAGGTGATTTACTGACAGGTGATAATTTTCTCAAGTGGATTTATATTTTGTAATGCT	386697
Sbjct	32821	AGATAGGTGATTTACTGACAGGTGATAATTTTCTCAAGTGGATTTATATTTTGTAATGCT	32880
Query	386698	CTCCAAGTGATCTTAATGATTGGTTAAATCTAAGTTTTTATTCTCAGATGTATAAAAAACA	386757
Sbjct	32881	CTCCAAGTGATCTTAATGATTGGTTAAATCTAAGTTTTTATTCTCAGATGTATAAAAAACA	32940
Query	386758	CAAATTTTAGTTATAATTGGGAAGTAGATGTATTTTATGATGTTTTAAGCTAAAATGATT	386817
Sbjct	32941	CAAATTTTAGTTATAATTGGGAAGTAGATGTATTTTATGATGTTTTAAGCTAAAATGATT	33000
Query	386818	ATAAAATAGTTAATATGCATTTTCATAGATAGTCCTAGTTTATAAATTATAATTGTTTCAGT	386877
Sbjct	33001	ATAAAATAGTTAATATGCATTTTCATAGATAGTCCTAGTTTATAAATTATAATTGTTTCAGT	33060
Query	386878	GTATCTATGTATTAATAGTATATATAA ttttttat tttttGATATTTGGGCTTAAATTTG	386937
Sbjct	33061	GTATCTATGTATTAATAGTATATATAA TTTTTTATTTTTTGATATTTGGGCTTAAATTTG	33120
Query	386938	GGTGACAATTTATTTTCATAGATGTATCTTACAAAGTATTATTTGAGACTAGAAACATAAA	386997
Sbjct	33121	GGTGACAATTTATTTTCATAGATGTATCTTACAAAGTATTATTTGAGACTAGAAACATAAA	33180
Query	386998	AGTTAATCTGCTTTCTAATAATGAAGCGATTATTTTATCTGAACTCTAGGAATATTTAAT	387057
Sbjct	33181	AGTTAATCTGCTTTCTAATAATGAAGCGATTATTTTATCTGAACTCTAGGAATATTTAAT	33240
Query	387058	TGGCAAACCTTCCCTCTTCACTCCAGTTCTCTGCCACTTCTTTAAACACTGTATAGTCTT	387117
Sbjct	33241	TGGCAAACCTTCCCTCTTCACTCCAGTTCTCTGCCACTTCTTTAAACACTGTATAGTCTT	33300
Query	387118	TAAATTATACTATAAATGTTAAAGCCTCTTTTATGTACTGTTTGAATTATACTTAAAAAA	387177
Sbjct	33301	TAAATTATACTATAAATGTTAAAGCCTCTTTTATGTACTGTTTGAATTATACTTAAAAAA	33360
Query	387178	GGAAATAGTAAATTTTACCAATTTAGATAAAATACTAATTGCTGAGATCACTGTATTGTT	387237
Sbjct	33361	GGAAATAGTAAATTTTACCAATTTAGATAAAATACTAATTGCTGAGATCACTGTATTGTT	33420
Query	387238	TATCAAAGGTTTATAAGTGATAAA ttttttttAAGTATTGATGCCCTTAGCTAAGA ttt	387297
Sbjct	33421	TATCAAAGGTTTATAAGTGATAAA TTTTTTAAGTATTGATGCCCTTAGCTAAGATTT	33480
Query	387298	tttttAAAAATACAGATGATGGTAGATATACTCCTAATTTCAACATAAGTTCTTCTGGGA	387357
Sbjct	33481	TTTTTAAAAATACAGATGATGGTAGATATACTCCTAATTTCAACATAAGTTCTTCTGGGA	33540
Query	387358	GACACTTTGCAGTTAAAAGAAGTACATCTTCAAAAAGGGAAGGTCCTCCTTCTAAAAGAT	387417
Sbjct	33541	GACACTTTGCAGTTAAAAGAAGTACATCTTCAAAAAGGGAAGGTCCTCCTTCTAAAAGAT	33600
Query	387418	CTGCAACTTCTGCTCTGACAAGAGCCAATCCTGGACTGAGAGGACGAGGTAATACATGC	387477
Sbjct	33601	CTGCAACTTCTGCTCTGACAAGAGCCAATCCTGGACTGAGAGGACGAGGTAATACATGC	33660
Query	387478	CAAGCAGACATTTTCATGGAAGTAGTTTATAATGAATGAGAAAAATTAAATAATTGCCTA	387537
Sbjct	33661	CAAGCAGACATTTTCATGGAAGTAGTTTATAATGAATGAGAAAAATTAAATAATTGCCTA	33720
Query	387538	TTGATTTTTTGACATCTCAGTCTTATGGGAGATATACACTCATGTATATATGAAGCAAAGA	387597

Sbjct	33721	TTGATTTTTTGACATCTCAGTCTTATGGGAGATATACACTCATGTATATATGAAGCAAAGA	33780
Query	387598	AGGAAAAATTTACATTTGTAGATCTATCCAAAGATTTTAGCCAGAATAATAGTGAAATTT	387657
Sbjct	33781	AGGAAAAATTTACATTTGTAGATCTATCCAAAGATTTTAGCCAGAATAATAGTGAAATTT	33840
Query	387658	CTATTCTAGAGTATTAGATGGTATAGAATCAACATAATGAATCATGTTGTAAGCAATATG	387717
Sbjct	33841	CTATTCTAGAGTATTAGATGGTATAGAATCAACATAATGAATCATGTTGTAAGCAATATG	33900
Query	387718	AGTAAAGAACATTAAAAATAAGAAGATGTGAAACATGAATAACAAGAGATTACCCATAA	387777
Sbjct	33901	AGTAAAGAACATTAAAAATAAGAAGATGTGAAACATGAATAACAAGAGATTACCCATAA	33960
Query	387778	AGTAAGAGGAAGAGTAATGTTTGATTACGCTGACAATAATATGGCTATATTTAATTTATG	387837
Sbjct	33961	AGTAAGAGGAAGAGTAATGTTTGATTACGCTGACAATAATATGGCTATATTTAATTTATG	34020
Query	387838	AGATAGTTTACTGATACAGCTTAATTAAGGAAGGACGTGTGCCACAGTGATTTATAGGCA	387897
Sbjct	34021	AGATAGTTTACTGATACAGCTTAATTAAGGAAGGACGTGTGCCACAGTGATTTATAGGCA	34080
Query	387898	GATGTAGAGATGGAGCTTGTTTTAGAAATATTGTAAAAGGTATTTTGCAGAGAAAAATCCA	387957
Sbjct	34081	GATGTAGAGATGGAGCTTGTTTTAGAAATATTGTAAAAGGTATTTTGCAGAGAAAAATCCA	34140
Query	387958	ATGTTCTTATTTCTACTTTGAAACGTCTGCAGCTTGAAATACTTGTATAATCATTTTTAA	388017
Sbjct	34141	ATGTTCTTATTTCTACTTTGAAACGTCTGCAGCTTGAAATACTTGTATAATCATTTTTAA	34200
Query	388018	ACTTAACATCCAGAACCACATGGAAGAGAGGTGTCTAGAAATATGCCAAGAAGAGAGCCA	388077
Sbjct	34201	ACTTAACATCCAGAACCACATGGAAGAGAGGTGTCTAGAAATATGCCAAGAAGAGAGCCA	34260
Query	388078	GTATCTTCCAGAAGAGATGAATATCCATTACCAAGGGATGATGGTTATTCTTCTAATGAT	388137
Sbjct	34261	GTATCTTCCAGAAGAGATGAATATCCATTACCAAGGGATGATGGTTATTCTTCTAATGAT	34320
Query	388138	AGGTAAAGAAAAATAGAAAGATGGTTAAATTTCCCATTTGAGAAAAAATGTTTTAACT	388197
Sbjct	34321	AGGTAAAGAAAAATAGAAAGATGGTTAAATTTCCCATTTGAGAAAAAATGTTTTAACT	34380
Query	388198	ATTGTGTTTAGTATCATGCAAAAATATTTTATGTAGTGTCAAACTTATGTCTCTCATTA	388257
Sbjct	34381	ATTGTGTTTAGTATCATGCAAAAATATTTTATGTAGTGTCAAACTTATGTCTCTCATTA	34440
Query	388258	AGACTGCTTTCAAAGGGTAGTGAGATGTCTTAACAGGTTGAGTAACTTGCATGAGATCTA	388317
Sbjct	34441	AGACTGCTTTCAAAGGGTAGTGAGATGTCTTAACAGGTTGAGTAACTTGCATGAGATCTA	34500
Query	388318	AGATGTTGAGATGCCACAAAATCTTGGGAAAAAACAGTTTTTTATTTTCTGAGTTCCACAT	388377
Sbjct	34501	AGATGTTGAGATGCCACAAAATCTTGGGAAAAAACAGTTTTTTATTTTCTGAGTTCCACAT	34560
Query	388378	ACACAATGACTAAATAGATAAGTGCATACAAAATTTTTTGCAAACGTCTTTGTAGGATA	388437
Sbjct	34561	ACACAATGACTAAATAGATAAGTGCATACAAAATTTTTTGCAAACGTCTTTGTAGGATA	34620
Query	388438	AGAAAAGCAGTTCAGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAAACGCA	388497
Sbjct	34621	AGAAAAGCAGTTCAGGTTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGGAAACGCA	34680
Query	388498	AGGCCCTGGGTTTCGATCCCCAGTTCTGaaaaaaaaaagaaaaaagaaaaGCAGTTCAGT	388557
Sbjct	34681	AGGCCCTGGGTTTCGATCCCCAGTTCTGAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAGCAGTTCAGT	34740
Query	388558	GAACCAAGCATTTCCTTTAAGATGAAGACTTGCATTAATATACTGAAAACATAAGAAGTT	388617
Sbjct	34741	GAACCAAGCATTTCCTTTAAGATGAAGACTTGCATTAATATACTGAAAACATAAGAAGTT	34800
Query	388618	AGGCATAAAACCTGTAATCTTATTGGTGCTAGTTGGTAGAGCCTCATGTTGATATCAGAC	388677
Sbjct	34801	AGGCATAAAACCTGTAATCTTATTGGTGCTAGTTGGTAGAGCCTCATGTTGATATCAGAC	34860
Query	388678	TCTCATGGGTCTGATAGTATTCCATGGAAAAATTCAGGACAGTTAGAGACACTGTTTCA	388737
Sbjct	34861	TCTCATGGGTCTGATAGTATTCCATGGAAAAATTCAGGACAGTTAGAGACACTGTTTCA	34920
Query	388738	GACAGAATATAGAATGGACCTGAGAACCAATATATGAGGATTTCCCTTTGATATTTATACT	388797
Sbjct	34921	GACAGAATATAGAATGGACCTGAGAACCAATATATGAGGATTTCCCTTTGATATTTATACT	34980
Query	388798	CATTCCCTACATGTGACTATCTCAAAATCCTACCATCTATTCTTTGTGCACAAAATACAT	388857
Sbjct	34981	CATTCCCTACATGTGACTATCTCAAAATCCTACCATCTATTCTTTGTGCACAAAATACAT	35040
Query	388858	ACAATCAATTTTTATCTGTAAGTACACAGATATGGAATCAGTTTACTGTATTCTGATTTG	388917
Sbjct	35041	ACAATCAATTTTTATCTGTAAGTACACAGATATGGAATCAGTTTACTGTATTCTGATTTG	35100

Query	388918	AAC <b>T</b> GTACa <b>a</b> tttttagatt <b>t</b> ta <b>a</b> at <b>c</b> ttacaa <b>a</b> ttttattttatta <b>a</b> ata <b>a</b> tatatatta <b>a</b> atta	388977
Sbjct	35101	AAC <b>T</b> GTACA <b>A</b> TTTTAGATT <b>T</b> TAAT <b>C</b> TTACAA <b>A</b> TTTTATT <b>T</b> TATTA <b>A</b> ATA <b>T</b> ATATATTA <b>A</b> TTA	35160
Query	388978	tata <b>t</b> att <b>C</b> TGTTGTAT <b>G</b> TCCTTT <b>T</b> AAAA <b>G</b> CTGTA <b>A</b> TTTTG <b>C</b> ATTGTA <b>A</b> CTGCTA <b>A</b> GGAC	389037
Sbjct	35161	TATATT <b>C</b> TGTTGTAT <b>G</b> TCCTTT <b>T</b> AAAA <b>G</b> CTGTA <b>A</b> TTTTG <b>C</b> ATTGTA <b>A</b> CTGCTA <b>A</b> GGAC	35220
Query	389038	ATCCATATACAGATA <b>A</b> TAGAGTT <b>C</b> TTATTT <b>T</b> TAGCTATTT <b>T</b> AAGGGT <b>A</b> CTAGAGTT <b>A</b> AAT	389097
Sbjct	35221	ATCCATATACAGATA <b>A</b> TAGAGTT <b>C</b> TTATTT <b>T</b> TAGCTATTT <b>T</b> AAGGGT <b>A</b> CTAGAGTT <b>A</b> AAT	35280
Query	389098	TGCTGGG <b>C</b> AATATGGTAGTGTATTATGTAG <b>A</b> ACCATGCCATTT <b>T</b> ACATT <b>C</b> CTATCTGTGG	389157
Sbjct	35281	TGCTGGG <b>C</b> AATATGGTAGTGTATTATGTAG <b>A</b> ACCATGCCATTT <b>T</b> ACATT <b>C</b> CTATCTGTGG	35340
Query	389158	TCAGGATTT <b>T</b> AAATT <b>C</b> TACGAATTT <b>C</b> TATGAAAT <b>G</b> TAAC <b>T</b> TTTT <b>C</b> TCCAAATATTGTAT <b>C</b>	389217
Sbjct	35341	TCAGGATTT <b>T</b> AAATT <b>C</b> TACGAATTT <b>C</b> TATGAAAT <b>G</b> TAAC <b>T</b> TTTT <b>C</b> TCCAAATATTGTAT <b>C</b>	35400
Query	389218	ATCTGCATTT <b>G</b> TTAA <b>A</b> ATTTAGCCAG <b>C</b> CTAATAG <b>A</b> AGTAAT <b>T</b> CATTAGTACATTTGGTGG	389277
Sbjct	35401	ATCTGCATTT <b>G</b> TTAA <b>A</b> ATTTAGCCAG <b>C</b> CTAATAG <b>A</b> AGTAAT <b>T</b> CATTAGTACATTTGGTGG	35460
Query	389278	AGTAGTATT <b>C</b> ATGTGTCC <b>A</b> AGTCATGTT <b>T</b> GAGGCATGTAC <b>C</b> TTATTTGGAGTAGTG <b>C</b> CA	389337
Sbjct	35461	AGTAGTATT <b>C</b> ATGTGTCC <b>A</b> AGTCATGTT <b>T</b> GAGGCATGTAC <b>C</b> TTATTTGGAGTAGTG <b>C</b> CA	35520
Query	389338	TTTTTATTT <b>T</b> GT <b>A</b> AGTA <b>A</b> CTTAGATGCATAG <b>C</b> CAGTAA <b>A</b> CTAATTGGCCAGTT <b>C</b> CAGGA	389397
Sbjct	35521	TTTTTATTT <b>T</b> GT <b>A</b> AGTA <b>A</b> CTTAGATGCATAG <b>C</b> CAGTAA <b>A</b> CTAATTGGCCAGTT <b>C</b> CAGGA	35580
Query	389398	TAGTGAGAG <b>A</b> CT <b>C</b> TACATA <b>A</b> AA <b>G</b> ACCGGATGGTTATTT <b>T</b> AA <b>T</b> TT <b>C</b> TTAAGTTATT <b>C</b> AA	389457
Sbjct	35581	TAGTGAGAG <b>A</b> CT <b>C</b> TACATA <b>A</b> AA <b>G</b> ACCGGATGGTTATTT <b>T</b> AA <b>T</b> TT <b>C</b> TTAAGTTATT <b>C</b> AA	35640
Query	389458	GGAGATATG <b>C</b> GTCAACAT <b>C</b> TAGAGGATAC <b>C</b> GTGACTATGGCAAT <b>T</b> ACAG <b>C</b> TCTCGGGAT <b>G</b>	389517
Sbjct	35641	GGAGATATG <b>C</b> GTCAACAT <b>C</b> TAGAGGATAC <b>C</b> GTGACTATGGCAAT <b>T</b> ACAG <b>C</b> TCTCGGGAT <b>G</b>	35700
Query	389518	AACATGCAT <b>C</b> TAAAG <b>T</b> C <b>T</b> TCAGGTATTATAATTT <b>C</b> TTATGAAATATGTTACTGAAAT <b>T</b> GT	389577
Sbjct	35701	AACATGCAT <b>C</b> TAAAG <b>T</b> C <b>T</b> TCAGGTATTATAATTT <b>C</b> TTATGAAATATGTTACTGAAAT <b>T</b> GT	35760
Query	389578	TAGTT <b>C</b> TTGTGTTAA <b>A</b> CTGAA <b>A</b> CTTT <b>C</b> TTTTGAAATTTAGTGATCATGCTGGCTACCAT <b>G</b> G	389637
Sbjct	35761	TAGTT <b>C</b> TTGTGTTAA <b>A</b> CTGAA <b>A</b> CTTT <b>C</b> TTTTGAAATTTAGTGATCATGCTGGCTACCAT <b>G</b> G	35820
Query	389638	GGGACGTGATAGAGATTT <b>C</b> TCTGA <b>A</b> CTTAAGTGG <b>A</b> AGTTCATACAGAGATACATAT <b>G</b> A	389697
Sbjct	35821	GGGACGTGATAGAGATTT <b>C</b> TCTGA <b>A</b> CTTAAGTGG <b>A</b> AGTTCATACAGAGATACATAT <b>G</b> A	35880
Query	389698	AAGTTATGGTAA <b>G</b> AGT <b>C</b> CTATTTTGACTTTGAA <b>A</b> TAATTGCTATGTTAATGAATTT <b>T</b> AAA	389757
Sbjct	35881	AAGTTATGGTAA <b>G</b> AGT <b>C</b> CTATTTTGACTTTGAA <b>A</b> TAATTGCTATGTTAATGAATTT <b>T</b> AAA	35940
Query	389758	CATACAA <b>A</b> GA <b>A</b> ATGTGACATGGATTATTGATTGTAGTATTTGTAAT <b>T</b> CCTGCATT <b>C</b> TACA	389817
Sbjct	35941	CATACAA <b>A</b> GA <b>A</b> ATGTGACATGGATTATTGATTGTAGTATTTGTAAT <b>T</b> CCTGCATT <b>C</b> TACA	36000
Query	389818	TTTATT <b>C</b> TATTACATG <b>A</b> AAAAATTTAATGT <b>C</b> CAGG <b>C</b> TTAATACGTGTGACTATAGAG <b>G</b> TA	389877
Sbjct	36001	TTTATT <b>C</b> TATTACATG <b>A</b> AAAAATTTAATGT <b>C</b> CAGG <b>C</b> TTAATACGTGTGACTATAGAG <b>G</b> TA	36060
Query	389878	ATAGAAGCAGTTAA <b>A</b> AT <b>T</b> CCAG <b>C</b> TTATTT <b>T</b> TAGAA <b>A</b> ATTAAATGCACATATGT <b>C</b> TAA <b>A</b> GA	389937
Sbjct	36061	ATAGAAGCAGTTAA <b>A</b> AT <b>T</b> CCAG <b>C</b> TTATTT <b>T</b> TAGAA <b>A</b> ATTAAATGCACATATGT <b>C</b> TAA <b>A</b> GA	36120
Query	389938	TTT <b>A</b> GAATGTAA <b>A</b> AAATTATGATACAAT <b>T</b> AAAA <b>A</b> CTGGTT <b>T</b> CTACTTGGACATTTAT <b>C</b> T	389997
Sbjct	36121	TTT <b>A</b> GAATGTAA <b>A</b> AAATTATGATACAAT <b>T</b> AAAA <b>A</b> CTGGTT <b>T</b> CTACTTGGACATTTAT <b>C</b> T	36180
Query	389998	ACTTTAGGAAG <b>C</b> TTCCATGAGGA <b>A</b> CCAT <b>C</b> TGCAAGAGGC <b>A</b> CTTACACTGGAA <b>A</b> CA <b>A</b> CC <b>G</b> C	390057
Sbjct	36181	ACTTTAGGAAG <b>C</b> TTCCATGAGGA <b>A</b> CCAT <b>C</b> TGCAAGAGGC <b>A</b> CTTACACTGGAA <b>A</b> CA <b>A</b> CC <b>G</b> C	36240
Query	390058	TATGATGACTATAGTAG <b>C</b> TACGAGGTGGATATGGTGGAGGACGAGAA <b>A</b> CTTACTCAG <b>G</b> C	390117
Sbjct	36241	TATGATGACTATAGTAG <b>C</b> TACGAGGTGGATATGGTGGAGGACGAGAA <b>A</b> CTTACTCAG <b>G</b> C	36300
Query	390118	AGCCGAAGTGACATATATGG <b>C</b> TATGAACGTAGTGGTAGACAAGT <b>G</b> CTTCCAC <b>C</b> TATTGAT	390177
Sbjct	36301	AGCCGAAGTGACATATATGG <b>C</b> TATGAACGTAGTGGTAGACAAGT <b>G</b> CTTCCAC <b>C</b> TATTGAT	36360
Query	390178	AGGGA <b>A</b> CT <b>C</b> TGAGCGTGGGG <b>G</b> CAGAGA <b>A</b> GAAAGAGGG <b>C</b> ACTCACCTATGGATAGG <b>C</b> TG	390237
Sbjct	36361	AGGGA <b>A</b> CT <b>C</b> TGAGCGTGGGG <b>G</b> CAGAGA <b>A</b> GAAAGAGGG <b>C</b> ACTCACCTATGGATAGG <b>C</b> TG	36420
Query	390238	TATAGGGCAT <b>C</b> TCATGAAT <b>C</b> ATACACTATTAGTT <b>C</b> AAGGTTTGGGGGATACCATGGAG <b>G</b> T	390297

Sbjct	36421	TATAGGGCATCTCATGAATCATACACTATTAGTTCAAGGTTTGGGGGATACCATGGAGGT	36480
Query	390298	CATGAAGAAACCAGATATGAAAGTGGAGGCAGGCGTTAAAAGTCTTAAGTGCCAAACATC	390357
Sbjct	36481	CATGAAGAAACCAGATATGAAAGTGGAGGCAGGCGTTAAAAGTCTTAAGTGCCAAACATC	36540
Query	390358	ATTTCTAAGAAGAAAAATGAGGTGTTAATCCTATGTTCTCTGATGTTAAGTTGAATATAT	390417
Sbjct	36541	ATTTCTAAGAAGAAAAATGAGGTGTTAATCCTATGTTCTCTGATGTTAAGTTGAATATAT	36600
Query	390418	TGATTTAGGAATTAAGGCATATTAAGTTTACAGCATTGCCCAAATACTGAAATTCATTG	390477
Sbjct	36601	TGATTTAGGAATTAAGGCATATTAAGTTTACAGCATTGCCCAAATACTGAAATTCATTG	36660
Query	390478	GTTTGGCGGAAAGTGAAATACTATCTAACTTTCCGTCCATGAATTCGACTAGAATGTAAA	390537
Sbjct	36661	GTTTGGCGGAAAGTGAAATACTATCTAACTTTCCGTCCATGAATTCGACTAGAATGTAAA	36720
Query	390538	GCAAGAAAGCTTTAACTGTAAAAAATATTCTTTGTTAAGTAATACCTGTTAATGTTAAA	390597
Sbjct	36721	GCAAGAAAGCTTTAACTGTAAAAAATATTCTTTGTTAAGTAATACCTGTTAATGTTAAA	36780
Query	390598	TTAGAATTGAACATTAGAGATTAAATATCTGCATTGGCaaaaaaaaTTCTGTCAATAAAA	390657
Sbjct	36781	TTAGAATTGAACATTAGAGATTAAATATCTGCATTGGCAAAAAAAAAATTCTGTCAATAAAA	36840
Query	390658	ATTGAAAGAAAAATGTGATTGTCTGACTTTGTTCTTAAGTAACATTATTTCTTCCTTATTT	390717
Sbjct	36841	ATTGAAAGAAAAATGTGATTGTCTGACTTTGTTCTTAAGTAACATTATTTCTTCCTTATTT	36900
Query	390718	TTGATGGTTTTTTCCTTGGGCAGTTATTAGTCCTATCTGCTGTCAGTGTAATGTTGGCTA	390777
Sbjct	36901	TTGATGGTTTTTTCCTTGGGCAGTTATTAGTCCTATCTGCTGTCAGTGTAATGTTGGCTA	36960
Query	390778	TGGCTCTTTTTTGCCAGTTTTAAGGCCTGGGTAAGAGCCCTTTGCTCGGCTTTCTGAGCTG	390837
Sbjct	36961	TGGCTCTTTTTTGCCAGTTTTAAGGCCTGGGTAAGAGCCCTTTGCTCGGCTTTCTGAGCTG	37020
Query	390838	AAGTTCCCAGCAGCAAATCAGTGGTCCAAATAACAGGTCCAAGTCCACTACCACCACCCC	390897
Sbjct	37021	AAGTTCCCAGCAGCAAATCAGTGGTCCAAATAACAGGTCCAAGTCCACTACCACCACCCC	37080
Query	390898	TGCGTCCCTGACTCCATTCTGGATGAAGCTGCTCCTATCCCTGTGGTACATACGTTCCCC	390957
Sbjct	37081	TGCGTCCCTGACTCCATTCTGGATGAAGCTGCTCCTATCCCTGTGGTACATACGTTCCCC	37140
Query	390958	ATCAGCCTGACACTCTGGATGTGCCCCAGAACTATATAGAGAACAAACATGCTGCACATC	391017
Sbjct	37141	ATCAGCCTGACACTCTGGATGTGCCCCAGAACTATATAGAGAACAAACATGCTGCACATC	37200
Query	391018	TGTGGCTGGGTGAGAGAGGAGGATGGCTGGGTTTAGGGCAGAAGATGGGTTATATCTTAT	391077
Sbjct	37201	TGTGGCTGGGTGAGAGAGGAGGATGGCTGGGTTTAGGGCAGAAGATGGGTTATATCTTAT	37260
Query	391078	GTGAGGGGACTCAAAAGTAGAGCCTGAAAGTGACCAACTGGGGTTGGACAGCCACTGGC	391137
Sbjct	37261	GTGAGGGGACTCAAAAGTAGAGCCTGAAAGTGACCAACTGGGGTTGGACAGCCACTGGC	37320
Query	391138	TGGGTGGATTCTTGAGGGTCCCCCTCAGTAGCATGGGGGAGGGGAGATAGTGATAACAAGT	391197
Sbjct	37321	TGGGTGGATTCTTGAGGGTCCCCCTCAGTAGCATGGGGGAGGGGAGATAGTGATAACAAGT	37380
Query	391198	CCCTGACCCATGGTTATGTTGCCAGCATCTTTGACTAGAAGGACAGTGGCAGCTGTGGTC	391257
Sbjct	37381	CCCTGACCCATGGTTATGTTGCCAGCATCTTTGACTAGAAGGACAGTGGCAGCTGTGGTC	37440
Query	391258	CAGAAGCAGGCTGGCCATTTTTGGCCCACCGGGTCCAGCTTCTTAGATAAATCAGACTCA	391317
Sbjct	37441	CAGAAGCAGGCTGGCCATTTTTGGCCCACCGGGTCCAGCTTCTTAGATAAATCAGACTCA	37500
Query	391318	GGTCTTTTCTATGATCCCAAAGTTTGGGTGAGCACCCCTTTGCTGTCCCCCTCTCTCTGA	391377
Sbjct	37501	GGTCTTTTCTATGATCCCAAAGTTTGGGTGAGCACCCCTTTGCTGTCCCCCTCTCTCTGA	37560
Query	391378	TCCACATACAGGTGAAATGGTTTGTGACTCTCTAGGAGGGCCAATGCTGCCATCTCCAGT	391437
Sbjct	37561	TCCACATACAGGTGAAATGGTTTGTGACTCTCTAGGAGGGCCAATGCTGCCATCTCCAGT	37620
Query	391438	AAGGCTCTTCTTAGAGTCTTAAGAGCTACATTCTCTTATGGGTCCATCTACTTTGTTTTT	391497
Sbjct	37621	AAGGCTCTTCTTAGAGTCTTAAGAGCTACATTCTCTTATGGGTCCATCTACTTTGTTTTT	37680
Query	391498	CTTGGTCCTGGACGACCTCATAAGGCTTTGGCTAGCTCAAGCACAACAGCTGTGTAGCTT	391557
Sbjct	37681	CTTGGTCCTGGACGACCTCATAAGGCTTTGGCTAGCTCAAGCACAACAGCTGTGTAGCTT	37740
Query	391558	TCATTTGTGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGACCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATCT	391617
Sbjct	37741	TCATTTGTGCGTGGCTGTTTTGCAGTTGACCTTGGTGTGCATAATTATTCCATTACATCT	37800

Query	391618	GACCTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAATTTTGTGTAAGTACAGTGTCCCTG	391677
Sbjct	37801	GACCTTCCTACTTCTTTCTCCTTCTGCTCTGGTGAATTTTGTGTAAGTACAGTGTCCCTG	37860
Query	391678	ATGCAATGAATCTTAAACAATTGGAAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGTCCCT	391737
Sbjct	37861	ATGCAATGAATCTTAAACAATTGGAAATTGAGAGATAAGGGCACAGCACAGTCCCT	37920
Query	391738	AATGGCCCAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGAATCAATGTAGTAACTGCACAATA	391797
Sbjct	37921	AATGGCCCAGGTGCATGCTGTGTGTGCTCATCTTGAATCAATGTAGTAACTGCACAATA	37980
Query	391798	ATAGTTCAGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGGATTTATTAGAAAATGAAT	391857
Sbjct	37981	ATAGTTCAGATTAATGCTTGACTTGCAAAGAACTTTAAAGGATTTATTAGAAAATGAAT	38040
Query	391858	TAGCACCAACATTTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTTT	391917
Sbjct	38041	TAGCACCAACATTTGGGACTCCAAGAAAGGAAAAATTTATTGAAGTAACGAAAAACGTTTT	38100
Query	391918	ATATAACATTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGTATAGAATACGTAAAATTACATACT	391977
Sbjct	38101	ATATAACATTTAACAGTGGATCCTAGATAAGGAAGTATAGAATACGTAAAATTACATACT	38160
Query	391978	AGTAAACTAAGTCAAAATAGTGGAATTCTTAGGAGAGTGTTTGAGTGCAAAATAAAGGA	392037
Sbjct	38161	AGTAAACTAAGTCAAAATAGTGGAATTCTTAGGAGAGTGTTTGAGTGCAAAATAAAGGA	38220
Query	392038	GGAGAAAGCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACTACTGCCT	392097
Sbjct	38221	GGAGAAAGCTAGCAGAACTATTGAGTTAAGGGTTAACTTGATTCTTTCTGACTACTGCCT	38280
Query	392098	GGCAGTTTTGTCTGTCATTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAAATGCAACAAGCTGAGCTC	392157
Sbjct	38281	GGCAGTTTTGTCTGTCATTATCATTAGAGCTTCCCAGGAAAATGCAACAAGCTGAGCTC	38340
Query	392158	TGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTAACTAATGATAAGTTT	392217
Sbjct	38341	TGAGCTCTGAGCTCTGAAGTATAGTAAGTCGAAAGTTAAAGTTAACTAATGATAAGTTT	38400
Query	392218	GCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGTAA	392277
Sbjct	38401	GCAATTGTTATTATTTTGGTCACAGGCCTGAGAATAGGGAAAGCTTGAAACTTTGGGTAA	38460
Query	392278	CAACTGTAATTCttttttttttttttttttttttttttttttgggttccttttttttttCGGAGCTGGG	392337
Sbjct	38461	CAACTGTAATTCttttttttttttttttttttttttttttttgggttccttttttttttCGGAGCTGGG	38520
Query	392338	GACCTAACCCAGGGCCTTGCCTTCTAGGTAAGCACTCTACCACTGAGCTAAATCCCCA	392397
Sbjct	38521	GACCTAACCCAGGGCCTTGCCTTCTAGGTAAGCACTCTACCACTGAGCTAAATCCCCA	38580
Query	392398	GCCCCACAACCTGTAATTCCTAATTCCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATT	392457
Sbjct	38581	GCCCCACAACCTGTAATTCCTAATTCCTTTGTGCAATGTGGTTATTCTTTTGAATTTGATT	38640
Query	392458	TGGCAATGATTGTGCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAAATAGT	392517
Sbjct	38641	TGGCAATGATTGTGCAATGTCTTTTCTTTAAACCTGCTTTTGGAGTAACATTAAAATAGT	38700
Query	392518	GGGGCaaagaaagaggcgagagagaaacgagaggagcatgtgaagctaagcgtgagtgaaga	392577
Sbjct	38701	GGGGCAAGAAAGAGGCGAGAGAGAAACGAGAGGAGCATGTGAAGCTAAGCGTGAGTGAAGA	38760
Query	392578	gagagtatgaagagtgaatgaagagagaatgtgaggtgtgtatgaagaatgtgtgtgtga	392637
Sbjct	38761	GAGAGTATGAAGAGTGAATGAAGAGAGAATGTGAGGTGTGTATGAAGAATGTGTGTGTGA	38820
Query	392638	gtgaaaggaaagtgcattgtgatgtgtgtgagatatgtgtgaggtgtgtatgacgagtggtg	392697
Sbjct	38821	GTGAAAGGAAAGTGCATGTGATATGTGTGAGATATGTGTGAGGTGTGTATGACGAGTGTG	38880
Query	392698	tgtgagagtgaagaggaattaagacatctgtgtatgtgtgtgtgagTTTGAGAAAAGAA	392757
Sbjct	38881	TGTGAGAGTGAAAGAGGAATTAAGACATCTGTGTATGTGTGTGTGAGTTTGAGAAAAGAA	38940
Query	392758	AAGTACAGAGGAGAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGC	392817
Sbjct	38941	AAGTACAGAGGAGAAAAGAAGAGCACACAAGAAAGTGCAGAGTGTGCAGCCTCAAGCTGC	39000
Query	392818	AGgtgtgtgtgtttgtgtgtgtgtgtATgagagagagagagagacagacagagagaca	392877
Sbjct	39001	AGGTGTGTGTGTTGTGTGTGTGTGTATGAGAGAGAGAGAGAGACAGACAGACAGAGACA	39060
Query	392878	gagagggagagagagacagagggagagagagatggaggaggagaaggagaatgaaaggaa	392937
Sbjct	39061	GAGAGGGAGAGAGAGACAGAGGGAGAGAGAGATGGAGGAGGAGAAGGAGAATGAAAGGAA	39120
Query	392938	gaagaggaagaggaggaggaggaggaggaggagaagatgatgaagacaatgaagaagaagaaA	392997



Sbjct	39121	GAAGAGGAAGAGGAGGGAGGGAGGAGGAGGAAGATGATGAAGACAATGAAGAAGAAGAAA	39180
Query	392998	TTAAAGAAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTCAGTTTGTACTCCAAAGTAGTCTTTT	393057
Sbjct	39181	TTAAAGAAACTTTAAGCATTGAAAAATTGCCTGTCAGTTTGTACTCCAAAGTAGTCTTTT	39240
Query	393058	ATAGTTTTTCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTGAGAATTGAGGCTGGACCCTGAC	393117
Sbjct	39241	ATAGTTTTTCCCTGCTTCCAGTTGAGAACTGTCATTGAGAATTGAGGCTGGACCCTGAC	39300
Query	393118	AATAGTCAGAGACGGCCAGCTGCAC'TTGGCTCTGGACGGTTGCTAAATGCTCTGAGCACA	393177
Sbjct	39301	AATAGTCAGAGACGGCCAGCTGCAC'TTGGCTCTGGACGGTTGCTAAATGCTCTGAGCACA	39360
Query	393178	ATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGACGCCAGCCCTCTGGT	393237
Sbjct	39361	ATTCTGTGTGCCTGCCTGCCAGCCTATCTCCATCATAGTCAAGGACGCCAGCCCTCTGGT	39420
Query	393238	ACTGTGAGCTCCCAAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGGGTACTT	393297
Sbjct	39421	ACTGTGAGCTCCCAAGTGAATCAATCTTAGCTTCTTGAGGTACCTTGTTTCATGGGGTACTT	39480
Query	393298	CATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTTCAGATGTCACATGT	393357
Sbjct	39481	CATGACAATACAAGGATAAGAAAGACACTGGAATTTAGTGTGGCTTCAGATGTCACATGT	39540
Query	393358	GTACTTGTAAC'TATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTCTGTGAGTTCATATG	393417
Sbjct	39541	GTACTTGTAAC'TATTGCAATAGTCTTCTGCATGACTTCAGAACCTCTGTGAGTTCATATG	39600
Query	393418	TGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACCATTGACCTGTAGCCATCCACATCCTCTG	393477
Sbjct	39601	TGCAGCTGCCCTGCTGTATGAGAAGGAATACCATTGACCTGTAGCCATCCACATCCTCTG	39660
Query	393478	GCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCTACCATTCCACAATGGATCTCTGATCCTTGGAA	393537
Sbjct	39661	GCTCTCATATTCTGTCTTTTCCACCCTACCATTCCACAATGGATCTCTGATCCTTGGAA	39720
Query	393538	GGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCCTACTGGCTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTGACAAAA	393597
Sbjct	39721	GGCAGAGTGCAGTCTAGAAGTTTTCCTACTGGCTTTGCTGCAACTGGTGAGTCTGACAAAA	39780
Query	393598	GCCACCTAATGGGTAAAGAGACTTGAGAGATGGCTTTGTGGTTAAGAGTGATTCTTGGGG	393657
Sbjct	39781	GCCACCTAATGGGTAAAGAGACTTGAGAGATGGCTTTGTGGTTAAGAGTGATTCTTGGGG	39840
Query	393658	GCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCCTGGGTTTGG	393717
Sbjct	39841	GCTGGGGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCCTGGGTTTGG	39900
Query	393718	TCCCCAGCTCCGaaaaaaaaaagaccaaaaaaaaaaaaagaaaaagaaagaGTGATACGTG	393777
Sbjct	39901	TCCCCAGCTCCGAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAGAAGAAAAGAAAAGAGTGATACGTG	39960
Query	393778	TTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCCAGCTCCAGGGGACCCAA	393837
Sbjct	39961	TTCTGACACAGGAGTTTGGCATACAAATGCCTGTAGGAATTCCAGCTCCAGGGGACCCAA	40020
Query	393838	CACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACATATGCCCCAACCATGCACAGCCAGGC	393897
Sbjct	40021	CACTCTCTGCTGGCTTATGCTGGCACCTAAGACATATGCCCCAACCATGCACAGCCAGGC	40080
Query	393898	AATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAGAACACAGTCTT	393957
Sbjct	40081	AATTAAGCACTTGACTAAAGGTTTTTAAAAAGTCCTGCTACTCTAAAAGAACACAGTCTT	40140
Query	393958	TGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAAACTTTTTCTT	394017
Sbjct	40141	TGTTGTGATACTGTCTGCCTCTCTGCCTTCTTAGTAGTCTTCTAAATAAACTTTTTCTT	40200
Query	394018	TCTCCAACAAC'TGCCCTGGCTGTTTGGCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTAAATGAAC'TTAG	394077
Sbjct	40201	TCTCCAACAAC'TGCCCTGGCTGTTTGGCCTTTCTAGCTGACAAGGAGTAAATGAAC'TTAG	40260
Query	394078	GTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATATCATGGACTTG	394137
Sbjct	40261	GTTTGTGATTATAACACTGGCAGCAGGTGACAACAGTCCCCAAAGTATATCATGGACTTG	40320
Query	394138	CATAGAGaagcaaaacacacaaagtcaaaaagcaaacaaagctataaaacacccaaaccaac	394197
Sbjct	40321	CATAGAGAAGCAAAACACACAAAGTCAAAAAGCAAAACAAGCTATAAAACACCAAAACCAAC	40380
Query	394198	ggacgcgcaaagAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCTGTGGCTGAGCCCCAAAAATGATTT	394257
Sbjct	40381	GGACGCAAAAGAGCTATTCTCCAGGTTTTTCAACTGCTGTGGCTGAGCCCCAAAAATGATTT	40440
Query	394258	TTTCTTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCTTTGTTTtagacaggctgacccccctgcc	394317
Sbjct	40441	TTTCTTTTGAATGTCAAGGGTCATCTGATATCCTTTGTTTtagacaggctgacccccctgcc	40500

Query	394318	ATTGTGACAGGGGACAAATGGATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGCTGCATAACCATAT	394377
Sbjct	40501	ATTGTGACAGGGGACAAATGGATGATTTTAGAAAAGCAAATGTGTGCTGCATAACCATAT	40560
Query	394378	AACAAAAGTTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCACAGAACTGGCATC	394437
Sbjct	40561	AACAAAAGTTAGTTATGGATTTTGAGCACCTCACTACACTTTCACCACAGAACTGGCATC	40620
Query	394438	CACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCC	394497
Sbjct	40621	CACACCAATGTTTATCACGCCCTTGTGAGGCAGAGGAGGGGAGGAAGGCTAAGACTAGCC	40680
Query	394498	TGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCTTGATAAGTAGTGT	394557
Sbjct	40681	TGGAATTCATAGCAAGACCCTGCCTCCAATTCAAACAAACAGGCCCTTGATAAGTAGTGT	40740
Query	394558	GAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAAGAGCTTGACAGAGTACATAGTT	394617
Sbjct	40741	GAAATCACATGGTTTTATATTCTTTTTATAAAGTGAAGAGCTTGACAGAGTACATAGTT	40800
Query	394618	GGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTTGGGTAAACGTGCAGGCCCATGGTCATCTATTGCTTC	394677
Sbjct	40801	GGTGTCCAAGTTTAAGTACCTCTTGGGTAAACGTGCAGGCCCATGGTCATCTATTGCTTC	40860
Query	394678	AGTGTCACTTGGAAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGTTCAGGCCAAATAGTAGTTAT	394737
Sbjct	40861	AGTGTCACTTGGAAATCCAAACCTAGTTTTCCCTTCTGTTCAGGCCAAATAGTAGTTAT	40920
Query	394738	CAAGTTTTAATTCACTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGTATGGGTACACAGAGAGGCAA	394797
Sbjct	40921	CAAGTTTTAATTCACTGGCTCCCTGAAGACTCCTGGAGGTATGGGTACACAGAGAGGCAA	40980
Query	394798	GGAATGGTTCCTTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGGTAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCT	394857
Sbjct	40981	GGAATGGTTCCTTTCAGTAAATTAGATGTAGCCCAAGGTAAGGTAAGTAGCGTCTGGACCT	41040
Query	394858	GTCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTCCTAACATTGACCCACAATC	394917
Sbjct	41041	GTCACATTCCAATCTCTGCACAGGAAACACAGCTTCTTTCCTAACATTGACCCACAATC	41100
Query	394918	GCCTAAAACTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCACACAGTGAGTCTGAGGCCAGCCT	394977
Sbjct	41101	GCCTAAAACTCATACTGATTGTGGCCAGTATGAGTCACACAGTGAGTCTGAGGCCAGCCT	41160
Query	394978	ACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCCTCACTGGTGCTCATAGGCCTCACTGGGTTTACAGGAG	395037
Sbjct	41161	ACAGTGCATAGTGAGAACTTGCCCTCACTGGTGCTCATAGGCCTCACTGGGTTTACAGGAG	41220
Query	395038	ATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTCTTAGCTGGTGTCTGGTACATGTTGGACTCAGCACTC	395097
Sbjct	41221	ATGCTAGGCCTCCTCTTCTCTCTCTTAGCTGGTGTCTGGTACATGTTGGACTCAGCACTC	41280
Query	395098	TGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGGAAGCAACCTCTAGCCCAAGATTG	395157
Sbjct	41281	TGTTACACATTTTACAGGGGAATATCAGGAAAGGGGGAAGCAACCTCTAGCCCAAGATTG	41340
Query	395158	TTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGATGTGAAGTTTGTTCCATCATACA	395217
Sbjct	41341	TTTATTGGATGAGGCATGTGTACTTGGCCAATGAGATGTGAAGTTTGTTCCATCATACA	41400
Query	395218	GACAGAGAGAGGGGGCAGACATTTCTCCCCATGGGAGGACTGTAAAACCCACTCTCTTGC	395277
Sbjct	41401	GACAGAGAGAGGGGGCAGACATTTCTCCCCATGGGAGGACTGTAAAACCCACTCTCTTGC	41460
Query	395278	CCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGGCCCTGGTCTCCATGACAGTGTGTACACAT	395337
Sbjct	41461	CCCTAAACCAATGTTCCAGAGACGTTTTTGGCCCTGGTCTCCATGACAGTGTGTACACAT	41520
Query	395338	TCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTTCTTTTCATCAGTCTCTGAATTTG	395397
Sbjct	41521	TCCCTTTCTGCAGAACTCGGTGCTGAGAATGACTTTTCTTTTCATCAGTCTCTGAATTTG	41580
Query	395398	TTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATGGGAGAGAGCACAAACATTGTTACC	395457
Sbjct	41581	TTACTGTTTTATTCCCAACAGAGATTAAGTGCACATGGGAGAGAGCACAAACATTGTTACC	41640
Query	395458	CTGTGTACTTTTGTATTTTGTATGGCTTAATGGGGAGAAGAACTGGACAGATGGGACTCAG	395517
Sbjct	41641	CTGTGTACTTTTGTATTTTGTATGGCTTAATGGGGAGAAGAACTGGACAGATGGGACTCAG	41700
Query	395518	AGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCCTGAGTGTAAGAAAAGTAAGGCAGAGAGG	395577
Sbjct	41701	AGATACATTTAAGGGTGCTTGTTGTACCATCCTGAGTGTAAGAAAAGTAAGGCAGAGAGG	41760
Query	395578	CAGAACTGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTGTTGCAATAGTGAGTGGCATCAAC	395637
Sbjct	41761	CAGAACTGACTCCATCTCAACAGGCTGAGACTGTTTTGTTGCAATAGTGAGTGGCATCAAC	41820
Query	395638	CTTTTCCTGGGATGAACGTTGAGTGCCTTAGTGGCGTGAAGGAAAATATTTTATACAT	395697

Sbjct	41821	CTTTTCTCGGGATGAACGTTGAGTGCACCTAGTGGCGTGAAGGAAAATATTTTATACAT	41880
Query	395698	AAACACATACTTGGGTAGCTACCAGGAACCTCCAGCTtgtgtgtactctgtgtgtgtgtg	395757
Sbjct	41881	AAACACATACTTGGGTAGCTACCAGGAACCTCCAGCTTGTGTGTACTCTGTGTGTGTGTG	41940
Query	395758	tgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgATTTGAGTGGAA	395817
Sbjct	41941	TGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGATTGAGTGGAA	42000
Query	395818	TCTGTGTAGTTTGCTTTTGAGGCCAGACATATTGTTTCTGCAGGTGGACAGAAATGACC	395877
Sbjct	42001	TCTGTGTAGTTTGCTTTTGAGGCCAGACATATTGTTTCTGCAGGTGGACAGAAATGACC	42060
Query	395878	AGGCAGGATGGACCTAAGTCACTCTTTTGAAGGCTTGTGACCTTACATCTTGAC	395937
Sbjct	42061	AGGCAGGATGGACCTAAGTCACTCTTTTGAAGGCTTGTGACCTTACATCTTGAC	42120
Query	395938	TTGATTCTCATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCAACATAGCCCAATTCTGGAAGGGT	395997
Sbjct	42121	TTGATTCTCATGACCTGAGGCTATTATCATTATCCAACATAGCCCAATTCTGGAAGGGT	42180
Query	395998	AAAAAGAAGATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGAGTGGGAAGGCCGGGTGGCAAGTG	396057
Sbjct	42181	AAAAAGAAGATGGGAGAGGGGCCATAGTTTCATGTGAGTGGGAAGGCCGGGTGGCAAGTG	42240
Query	396058	GGGATGGGACATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGATGGGTATGTTCTGAATGGTGGAA	396117
Sbjct	42241	GGGATGGGACATCATCCATCTAGAGGAGTCAAGGAGATGGGTATGTTCTGAATGGTGGAA	42300
Query	396118	GGAGCATGCTGAGACCCCTCCAGGTAGGATAGGCAGGGACTGTGAGGTTTGACCATAAA	396177
Sbjct	42301	GGAGCATGCTGAGACCCCTCCAGGTAGGATAGGCAGGGACTGTGAGGTTTGACCATAAA	42360
Query	396178	GGACTCTGTGACCCCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGTCTACATTGGAGAACTCGGTGAG	396237
Sbjct	42361	GGACTCTGTGACCCCTCTGAGCAGTGCAAGCTTGTAGTCTACATTGGAGAACTCGGTGAG	42420
Query	396238	ACAGCAGAAAGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCACAAATCATAATGTTAGTACCTGA	396297
Sbjct	42421	ACAGCAGAAAGACCGGAAACAAAGAGTGAAGTTAGCACAAATCATAATGTTAGTACCTGA	42480
Query	396298	CTAGGAAGCAAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAATGCTGTCTGCCCCCTTTCTGTTTT	396357
Sbjct	42481	CTAGGAAGCAAAACCATCACTTGGCAGTCAGGTAAATGCTGTCTGCCCCCTTTCTGTTTT	42540
Query	396358	TAATTCTGTTTCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAG	396417
Sbjct	42541	TAATTCTGTTTCAGTGATGGCTTAGCTTTCTCTGGTACTTGGCCAGATCGGTCACAGAAAG	42600
Query	396418	CCAGCATCCTTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCTTCCTTTTCGGCAATCATTACATC	396477
Sbjct	42601	CCAGCATCCTTCTTCTCTAGCAAGGCAGAGACACCTTCCTTTTCGGCAATCATTACATC	42660
Query	396478	TAATGCATTGCATTTTGGGAGGAACACTGCAGCCAGGCAATCTATTTGGTTTCAGTAGGGT	396537
Sbjct	42661	TAATGCATTGCATTTTGGGAGGAACACTGCAGCCAGGCAATCTATTTGGTTTCAGTAGGGT	42720
Query	396538	GACTATACTTTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTTCTTTGGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGC	396597
Sbjct	42721	GACTATACTTTGCTGTACCAAAGTCAGGTCTTTCTTTGGCTGTCTTGTACCGCTTGGAGC	42780
Query	396598	TCAATTGCTCGTTTCGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGTGTGGTGAGATCCACTGGGAGCT	396657
Sbjct	42781	TCAATTGCTCGTTTCGTGGGTGCCTCTTAATGCCTCGTGTGGTGAGATCCACTGGGAGCT	42840
Query	396658	GCTTACATGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTTCAGTAGGGTGAAGACCGTGTA	396717
Sbjct	42841	GCTTACATGGAGGGTTTCTTTGGGTATGAGGTGAATTTTCAGTAGGGTGAAGACCGTGTA	42900
Query	396718	AAGTGTGAAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGA	396777
Sbjct	42901	AAGTGTGAAAATGCAGATGATAATGAGGAAAGGAGTGATCCAGGGAAAGAGACAGACTGA	42960
Query	396778	GAGAGAACTCATGGCCCATGCATAAAAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCCTTGT	396837
Sbjct	42961	GAGAGAACTCATGGCCCATGCATAAAAGGAGGCTTGTGGTTGTATTTTGTCTGTCCTTGT	43020
Query	396838	GTGTTTCAACCACCTTTCAAACAGTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGA	396897
Sbjct	43021	GTGTTTCAACCACCTTTCAAACAGTTAGGGTTTGTGGTGCATGAGCAGCATTGTTGGA	43080
Query	396898	TGAAGAGGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTG	396957
Sbjct	43081	TGAAGAGGGCACCGATCCTCTCTTTAGCAGTAGTCAGATCTAGTCTTGGGGTAGATATTG	43140
Query	396958	CAGCAGCCATGGTTCTGAAGGGCTAGAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGC	397017
Sbjct	43141	CAGCAGCCATGGTTCTGAAGGGCTAGAACTTCTCTAAGGTTTTTGAGAACTGGTGAAGC	43200

Query	397018	AGAGACATTAATAAGGATATAGTTCACCTGTTTTAGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCA	397077
Sbjct	43201	AGAGACATTAATAAGGATATAGTTCACCTGTTTTAGCTCTGAGACCTGAAAACAGTGCTCA	43260
Query	397078	GTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTA	397137
Sbjct	43261	GTGTGGCCAAAAGAGTGAAGAGGTGGATCCAGGCGTCAGAGGTTGCCAGAATTGCCTTTA	43320
Query	397138	GGAGTTTAGCATGCAGATTCTTTTTGAGCTGGCAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGC	397197
Sbjct	43321	GGAGTTTAGCATGCAGATTCTTTTTGAGCTGGCAAAAGGGACTGTGTAGAAAGGGCAGC	43380
Query	397198	AGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCA	397257
Sbjct	43381	AGCTGTTGCACACTAAAATAGTGTCTGCTGAAACATTGAAAGAATGGTCCAATGTGAGCA	43440
Query	397258	ATGCCTTGGGGACTGTGAGAGATGATACCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTCCCC	397317
Sbjct	43441	ATGCCTTGGGGACTGTGAGAGATGATACCGGAAAAGGGCAGAGGACCTTATTTTTCCCC	43500
Query	397318	TCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAA	397377
Sbjct	43501	TCATGTCCACTTTGTCCCCTAGATTGTTGTTGGATGTGATTTTGTGCCTCCTGTGACAAA	43560
Query	397378	CATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTTGGATGTCAGTCCACAGCTATA	397437
Sbjct	43561	CATTTTCATTCAATTCATAAGGCATGTTTTATTCTTGTTGGATGTCAGTCCACAGCTATA	43620
Query	397438	GGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTCATGCT	397497
Sbjct	43621	GGTTCCAATCTGGTCGGTGTACTTGAATCTAGACTTGGCCTTCTGCTTTGCTTTCATGCT	43680
Query	397498	TTCCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGA	397557
Sbjct	43681	TTCCCAGATATAATCTACAGTACATGCCAGGCAGTTGTGTTTAACTTTGGTCTGTCCAGA	43740
Query	397558	CCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTTCTTACTGGTGTTTATT	397617
Sbjct	43741	CCGAGATCTGGGAAATTGCTGCTCTTGTTAATATTTTGTATGTTCTTACTGGTGTTTATT	43800
Query	397618	TACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCTTGGGTCATTGCTTTCTTTGTCACATCCG	397677
Sbjct	43801	TACATGCTTTTCTCAGTTCAAACAACGTGCTTGGGTCATTGCTTTCTTTGTCACATCCG	43860
Query	397678	TGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACT	397737
Sbjct	43861	TGTACAAAAGTACCTTCATGTATACAAGTACACCGAAACTAAAGTAAGGGTGGGTACACT	43920
Query	397738	ATTACAGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCCTAGGTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAA	397797
Sbjct	43921	ATTACAGCATAGTCAATCACATTCTTTCAGGTCCTAGGTTGTCAGGTCCAACAAGAAGAA	43980
Query	397798	TAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACGATAAAACTCAACAGATGG	397857
Sbjct	43981	TAGCAGGAGACAACGGTGACAGGGTCCATCCAAGGGGTCACGATAAAACTCAACAGATGG	44040
Query	397858	CAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAG	397917
Sbjct	44041	CAAAGATCCAGGACAAAAGTCAGGAGGTAATAACTGTACATCTTTGTAGGGAACATTAAG	44100
Query	397918	AGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACTGGCTGGAG	397977
Sbjct	44101	AGACAGTCCAAAATAACTTTTGTTTAGTAACCTCAAATGCCATTGTACAACTGGCTGGAG	44160
Query	397978	GATGTACCAGAGTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTC	398037
Sbjct	44161	GATGTACCAGAGTTTGTAGGAAAAACAACCTGTAATAGCAGTGTGCTACATCAGGACTC	44220
Query	398038	CCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCtttttttttaaaaaaCTCCATGGAATTCGGCAT	398097
Sbjct	44221	CCAGATAAAGAAAGACCACCTGGAAGCTTTTTTTTAAAAAACTCCATGGAATTCGGCAT	44280
Query	398098	CTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTC	398157
Sbjct	44281	CTAATCGGCAATTTACAAGACAAATAGAACCCCATCTGAGTTATGTTTACAAAATTGTC	44340
Query	398158	TAGCTAAGTTTCCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTT	398217
Sbjct	44341	TAGCTAAGTTTCCAAAGGCACCACTTCAGTACACAGAATCATTGCCCTAAACTATGAGTT	44400
Query	398218	TGATGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGA	398277
Sbjct	44401	TGATGGCAGAGAACTTGGCAGCCCCCTTAGTCATGGATCATTTGTGGTTAGTGTGTGGA	44460
Query	398278	CCATGAAATTAGCTCCTGTAAAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAA	398337
Sbjct	44461	CCATGAAATTAGCTCCTGTAAAAATGAAGACTTGAAAGGCATAGCAGAGGGCATGGTCAA	44520
Query	398338	TTGAACTAGCACGCAGGTCCCATACCACTCCAGTGATAGGCTTACTTTCCAGGTTCCACT	398397

[illegible]

Query	399718	AATATTTGAGGCCTTTCTTCAGTATATCTTCTTTGAAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTT	399777
Sbjct	45901	AATATTTGAGGCCTTTCTTCAGTATATCTTCTTTGAAGGGATCCTCCCTATTTTCGAGTTT	45960
Query	399778	TTAGCCTGTATACCCAGAAAAACCTTGCGGTCTCATATAACTAGAGCCTAATCTCATACAA	399837
Sbjct	45961	TTAGCCTGTATACCCAGAAAAACCTTGCGGTCTCATATAACTAGAGCCTAATCTCATACAA	46020
Query	399838	CCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAAGCCCAGTGATCTTGCCTGTCTCCTC	399897
Sbjct	46021	CCAGGTGGGAGGATTGACAAGATACACAGTTGAAAGCCCAGTGATCTTGCCTGTCTCCTC	46080
Query	399898	CCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAATCCAGCTGTGTTTTAGGCAGTCTCACTAGA	399957
Sbjct	46081	CCTTTGGAAGGAATAAGAACAGTTAACAAATCCAGCTGTGTTTTAGGCAGTCTCACTAGA	46140
Query	399958	GTTCTGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCACATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGA	400017
Sbjct	46141	GTTCTGAAGACAGAATTTATCAAGACATTTTGCCACATCTCCTTATTAAGAGAAGACTGA	46200
Query	400018	ATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTAATATTAAGTGTGTACACCCTGCAAA	400077
Sbjct	46201	ATCCCTTTCCACACAGAGTGTAATGAAGCAAATTAATATTAAGTGTGTACACCCTGCAAA	46260
Query	400078	ACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAAACCTTGTAGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGA	400137
Sbjct	46261	ACCTTTAGGCTTGCAAGCACACAGGCAAAACCTTGTAGAAGGCATAACCCAGTCTTTATGA	46320
Query	400138	CTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTCGGCTTGATCAGAGTCATCATCACATTT	400197
Sbjct	46321	CTTATATAGCATGTAGTCTTTTAGTTTTGTTCGGCTTGATCAGAGTCATCATCACATTT	46380
Query	400198	ATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGAACCCAGTTAAAACATATGGTGCTGGA	400257
Sbjct	46381	ATGTTTCACATCATCTAAAAGAATTTAGCTGTGGGAACCCAGTTAAAACATATGGTGCTGGA	46440
Query	400258	ACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTATTCTTCATATGTATGAGCATGCT	400317
Sbjct	46441	ACAATGATTAAGAGACTCTGAGCTGAAGCCCCCTTATTCTTCATATGTATGAGCATGCT	46500
Query	400318	TAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCTGGTTTTAAGAATATAATGTCTCTAC	400377
Sbjct	46501	TAGACACAAGATACAATATAGTTTTCTTTTCGCTGGTTTTAAGAATATAATGTCTCTAC	46560
Query	400378	ACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGACAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTG	400437
Sbjct	46561	ACACATACATTGTTTGGTGGTTTTGCAAGGAGAGACAAGAGGGCAGATGGAGAGAACCTG	46620
Query	400438	GGTTAAGGAGGAGaaaaagaaaaacaaaaaaGGGAGGATACGAGGAAGAACTTCCTAACT	400497
Sbjct	46621	GGTTAAGGAGGAGAAAAAGAAAAACAAAAAGGGAGGATACGAGGAAGAACTTCCTAACT	46680
Query	400498	TTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATAT	400557
Sbjct	46681	TTCTACTTCCCGTCTACCTACCTTCCATAATAAAACAACCTTTTCTCCTGTTGTTTATAT	46740
Query	400558	TTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTCTTTGTAGGTTAGACATTACACA	400617
Sbjct	46741	TTTCTTCCTTAACTCAGTGAAGTGACAGTCTATTTTCTTTGTAGGTTAGACATTACACA	46800
Query	400618	TATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATTATCAGATATAATTTCAACAAAGT	400677
Sbjct	46801	TATTTTAATAATTCAATTATGCAGATTTAGCTCAATTATCAGATATAATTTCAACAAAGT	46860
Query	400678	CAAAAAGGAGAACTATTaaaaaaaTTAGAACATTAGGGGAAATCAATTCATGCTGACGA	400737
Sbjct	46861	CAAAAAGGAGAACTATTAAAAAAAATTAGAACATTAGGGGAAATCAATTCATGCTGACGA	46920
Query	400738	ACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGtttttttttATATATAAATACTTGTTATTGG	400797
Sbjct	46921	ACAAAATAGTCACTCTGGGGATGAGAGGTTTTTTTTTATATATAAATACTTGTTATTGG	46980
Query	400798	ATTATATTATTTTAACTCTAAATGTTTTTCGCTTTTGCCAGTTTTTTCTCCAGAAATCCGCT	400857
Sbjct	46981	ATTATATTATTTTAACTCTAAATGTTTTTCGCTTTTGCCAGTTTTTTCTCCAGAAATCCGCT	47040
Query	400858	ATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTTCACCCACACCCCCACTCCGTCCC	400917
Sbjct	47041	ATCCCATCCTCCCTCAGCTTCTATGAGGGTGCTCCTTCACCCACACCCCCACTCCGTCCC	47100
Query	400918	ACCTCTGCCACCCAACATTGACCTTAACTGAGGACATCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTC	400977
Sbjct	47101	ACCTCTGCCACCCAACATTGACCTTAACTGAGGACATCAAGCTTTGAAACAAGGGCCTCTC	47160
Query	400978	TTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACATATGCAACTGGAGCCATCCCTAT	401037
Sbjct	47161	TTACTGTTGATGGCCAACAAAGCCATCCTCTGCTACATATGCAACTGGAGCCATCCCTAT	47220
Query	401038	GTA	401097

[illegible]

Query	402418	GCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTTTCTTCTTTTCCGTTCCAATCTCCTCATCTTCCTTCA	402477
Sbjct	48601	GCTTCTGTCCCTCCCCCTCCTGTTTCTTCTTTTCCGTTCCAATCTCCTCATCTTCCTTCA	48660
Query	402478	AACTTTCTCCTGCCTGTCTTCCTTCTCATTCAAACACAGACCTCCTTCTATCCTGTAC	402537
Sbjct	48661	AACTTTCTCCTGCCTGTCTTCCTTCTCATTCAAACACAGACCTCCTTCTATCCTGTAC	48720
Query	402538	CTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTtctatctccctctcactctctgt	402597
Sbjct	48721	CTGCCTCACCTGTGACATCATCCCAAATGTGTGTTTTTCTATCTCCCTCTCACTCTCTGT	48780
Query	402598	ctctctcccatctccctgtctctctctgtctctgtctctctcttccctggttttctttgtat	402657
Sbjct	48781	CTCTCTCCATCTCCCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTCTCTTCTGTTTTTCTTTGTAT	48840
Query	402658	gtgtttgtgtgtgtttgtttccctctctctcaacctctctctctccctgcttttctttgt	402717
Sbjct	48841	GTGTTTGTGTGTGTTTGTTTCCCTCTCTCTCAACCTCTCTCTCTCCCTGCTTTTCTTTGT	48900
Query	402718	gtgttcctctctctcagtcgtctctgtctgtctttctctgtctgtctctctatatctat	402777
Sbjct	48901	GTGTTCTCTCTCTCAGTCTGTCTCTGTCTGTCTTTCTCTGTCTGTCTCTCTATATCTAT	48960
Query	402778	atctatctatctatctatctatctatctatctatctatctatctatAGACCACTCT	402837
Sbjct	48961	ATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATCTATAGACCACTCT	49020
Query	402838	CTCTACCTCTTTTTCTTgtgtgtgtgtgtTAGCACATATGTGAATAATGTTGACTTTCTT	402897
Sbjct	49021	CTCTACCTCTTTTTCTTGTGTGTGTGTGTGTAGCACATATGTGAATAATGTTGACTTTCTT	49080
Query	402898	CTATATACATATATGTCAATTTGAGTGTAAAGAACAATGAGAGATATGCTCATCAACAGGT	402957
Sbjct	49081	CTATATACATATATGTCAATTTGAGTGTAAAGAACAATGAGAGATATGCTCATCAACAGGT	49140
Query	402958	AGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGCTGTTCTGAAGTGTAGGAGA	403017
Sbjct	49141	AGATATTTATTTGAGAGTGGCATCTGACACCAGCAGTGCTGTTCTGAAGTGTAGGAGA	49200
Query	403018	CATTCAAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGATGTCCATACCAAG	403077
Sbjct	49201	CATTCAAGGGTGCTTCTCAGTACATTCTGAGATGAGCTATAGCTGATGTCCATACCAAG	49260
Query	403078	AAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAAGGATAGAGGGGGTTCCAGG	403137
Sbjct	49261	AAGGCAGTTGGGCAGGAAAAGGAGAGGTGCTTCTAATGTCAAGGATAGAGGGGGTTCCAGG	49320
Query	403138	CCAGAATAATCAAGGGTTTGAAGAGAGGCTAGTACATATTTTGGCTATTTGCTGTGTGT	403197
Sbjct	49321	CCAGAATAATCAAGGGTTTGAAGAGAGGCTAGTACATATTTTGGCTATTTGCTGTGTGT	49380
Query	403198	GGATTTCCGTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGCCTAGCCTTAGTCACTGCAACTT	403257
Sbjct	49381	GGATTTCCGTGGAATGCTGGATCTTTTCCCTTGGCCGCCTAGCCTTAGTCACTGCAACTT	49440
Query	403258	CAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTTTGGTTGTTGTATT	403317
Sbjct	49441	CAGGAATGTCAATGCAGGATAGAGTGTCTCAAACACTTGAGGTCCTTTGGTTGTTGTATT	49500
Query	403318	GGCTTCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAGAATTGAAACAGTTTGGTCCTT	403377
Sbjct	49501	GGCTTCCCAGCCCTTGTTTGTCTCTTTGTTCTGAAGAATTGAAACAGTTTGGTCCTT	49560
Query	403378	GAGGGACATTCTATGTGACACCTGTCACTGACCCCAAGGACCACACAGGTCAACAAGACA	403437
Sbjct	49561	GAGGGACATTCTATGTGACACCTGTCACTGACCCCAAGGACCACACAGGTCAACAAGACA	49620
Query	403438	GGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGATGATGATAGGACC	403497
Sbjct	49621	GGGTCGGAGTAGGGCCATTCTACTCAGGTTTCAAGCTAGACTGTGGATGATGATAGGACC	49680
Query	403498	CCCAGTGCTCTTGTCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATGATAACTACATTTGACTT	403557
Sbjct	49681	CCCAGTGCTCTTGTCTGTGTGATGGGTTTGACACAAGCAATGATAACTACATTTGACTT	49740
Query	403558	GGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTAACCCTGACAAAGAAACATTATTG	403617
Sbjct	49741	GGTAAACTTGGGGGAAATAGACAGGGCCCTCTCCTAACCCTGACAAAGAAACATTATTG	49800
Query	403618	GAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCTGGTTCTTAAGCCA	403677
Sbjct	49801	GAAAGCACCTGGAGAAGGCTGGAAGAACAAAAGTACTCAAGGACCTGGTTCTTAAGCCA	49860
Query	403678	TTATCATATTGTTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAATTATAAAGGCAGAGGCTATCCATG	403737
Sbjct	49861	TTATCATATTGTTTTGGGGTAGTCCCGTGAGGAGAATTATAAAGGCAGAGGCTATCCATG	49920
Query	403738	GAATAAATAGCAGGCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCGCCTGTACACATTACCTTAGG	403797



Sbjct	49921	GAATAAATAGCAGGCCAAAAAGAATCCATGGCCAAGTGCAGCCTGTACACATTACCTTAGG	49980
Query	403798	TCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCTGATGCCCTTGATGG	403857
Sbjct	49981	TCTCTGCTAGGAAAGTTAGAAGGCAGTCTCAGGTAGGGAGTCCTCTGATGCCCTTGATGG	50040
Query	403858	GAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATG	403917
Sbjct	50041	GAGAAAAGGGACTCTGGATGTTATGATCTGGATGGCTGGCAGCGTGTGCTTGGAGAAATG	50100
Query	403918	AGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTAGTGACACTACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCA	403977
Sbjct	50101	AGACAGGACTGGGACTGACATGCCATTAGTGACACTACTCCCTCAGCAACTGGTAGTCA	50160
Query	403978	TGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTACTTGAGGATACAAAG	404037
Sbjct	50161	TGAGGTGTTATCCACGTGAGGAAATAGGGGTAGAGAAGGGCTGTACTTGAGGATACAAAG	50220
Query	404038	TGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGGAGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGG	404097
Sbjct	50221	TGGCAAGATGCCAAAACATGCCTTTGCCAGTGGATGGAGAGCCAAAGCCAAGGGCAGTGG	50280
Query	404098	CTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTCTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTA	404157
Sbjct	50281	CTTGGCAGAATGGACGGGGGTCTCTTTCTGGAGCTGAGTGAGGAAGTCAGAGAGAAAGGTA	50340
Query	404158	GTTCTCTCTCCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGGAAGACAGCACACAGATCATCAAT	404217
Sbjct	50341	GTTCTCTCTCCTAATAGGTTACGTGCACTCTCTTAGGAAGACAGCACACAGATCATCAAT	50400
Query	404218	GCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGCATTTGGGGCACTTT	404277
Sbjct	50401	GCCTCCATCAAGAGCAACCAGGCAATAACAGGCTACCAGACAAGGCATTTGGGGCACTTT	50460
Query	404278	AACTCCTGCTTCAGAGTCTTGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCTCATGTGGGAAATCA	404337
Sbjct	50461	AACTCCTGCTTCAGAGTCTTGAGGACACACTAATTGCTCCTGCCTCATGTGGGAAATCA	50520
Query	404338	CAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCCTCCAGTGCACTTCTCAATGTTGG	404397
Sbjct	50521	CAGAATGTTGGCCTTGACAGAATTCCCTGTGCCACCCTCCAGTGCACTTCTCAATGTTGG	50580
Query	404398	GATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTCAAGAGTAAAGTCTGGGTTT	404457
Sbjct	50581	GATGTGACCTCACTAGACACACTGACTCAGACACAGGATTCAAGAGTAAAGTCTGGGTTT	50640
Query	404458	CTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTGCAGCTTCATTGTCA	404517
Sbjct	50641	CTGAGAGTAACCCAGAAAGCCCATCCCCGCAGTGTTAGGAAAGGTGCAGCTTCATTGTCA	50700
Query	404518	GCACGGTTATGGAACCTCCCAACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAAACCTGACTTTCTCCA	404577
Sbjct	50701	GCACGGTTATGGAACCTCCCAACTTCCATCCCATCAGTGCCCTCAAACCTGACTTTCTCCA	50760
Query	404578	CAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACACAGGAAACTGCTAGGCCTCACCT	404637
Sbjct	50761	CAAGTATCAGCTTTTCTGTTATTGTGTCCACAACACAGGAAACTGCTAGGCCTCACCT	50820
Query	404638	GGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATT	404697
Sbjct	50821	GGGTGTCTGGTGCCCTCCACCTTGACTTATATTGACACAGCAGCTGCAGAGCAGGGATT	50880
Query	404698	GATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTGATTCTCAAGAAGAT	404757
Sbjct	50881	GATGAGTCTGAGGATCATGGGGGCTTCTCCAGATCTTCCCTTGCTGATTCTCAAGAAGAT	50940
Query	404758	GTGGCCCCTTCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAAGACCTATCCGGCAT	404817
Sbjct	50941	GTGGCCCCTTCTACTTCAAGGTCTACTTCTTCAAGGTCTGGCCAAGACCTATCCGGCAT	51000
Query	404818	GAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCTGGCTGGGCATTACT	404877
Sbjct	51001	GAATATACACAGAATATGAAATGCCAGCACACAATTGAGGAAGGCTGGCTGGGCATTACT	51060
Query	404878	CACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATTAGACTCTCTGCCTGAAAG	404937
Sbjct	51061	CACAGTGTTCCTTTACTCTTACTTGAATTGAGCTGGCATTAGACTCTCTGCCTGAAAG	51120
Query	404938	GACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCTTCCTGCCCAAGAGCTGACAAACCTTTCTGT	404997
Sbjct	51121	GACTTTGCCTCAGCATTTCCCGAACACCCTTCCTGCCCAAGAGCTGACAAACCTTTCTGT	51180
Query	404998	GCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGT	405057
Sbjct	51181	GCCTTCTTGGGCCAAGCAGACAAATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGACATATGT	51240
Query	405058	GGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGAC	405117
Sbjct	51241	GGTAGGTCCATCTTGGGCCAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTCTTGGGCCAAGCAGAC	51300

Query	405118	ATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAA	405177
Sbjct	51301	ATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAAGCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCCAA	51360
Query	405178	GCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTGAAG	405237
Sbjct	51361	GCACACATATGTGGTAGGTCATTCTTGGGCAAAGCAGACATATGTGGTAGGTCCTTGAAG	51420
Query	405238	CAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACCTGTCCTATTGCCTC	405297
Sbjct	51421	CAAACCTGGGAGAGACATAGGCTTGGCTGTGGATGTTGAGAAATACCTGTCCTATTGCCTC	51480
Query	405298	ACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCTGCATCTTCTGCTCC	405357
Sbjct	51481	ACAGGAGGGACCTCTAGCAAATGGCTTTTCCCTGACCTGGAGGTCTGCATCTTCTGCTCC	51540
Query	405358	CCACATTACTCTACTTACCAGCATTGGCTCCTCTGGTAGGCCATCTACCGTCCAGTGAAC	405417
Sbjct	51541	CCACATTACTCTACTTACCAGCATTGGCTCCTCTGGTAGGCCATCTACCGTCCAGTGAAC	51600
Query	405418	TAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCTAAGAGTCCCCCTA	405477
Sbjct	51601	TAAGAGATGGTTTGTCTGGCACTCTGTGAAATGTCTCTGCCTGTGCTAAGAGTCCCCCTA	51660
Query	405478	CCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATCCAGATAGGTCAGC	405537
Sbjct	51661	CCATCCCTTGTACACACTGCTTATCTTCTGGACAATGTGGTCAAATCCAGATAGGTCAGC	51720
Query	405538	AGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCAGGATTGCATGTGTTCTCCCTCCA	405597
Sbjct	51721	AGCTCTGTGAACTCTCATATACCAGGCAGCTCAGCCAGGATTGCATGTGTTCTCCCTCCA	51780
Query	405598	GCCTTCTCTGTGCGGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATGTCTTCTGCAGTGA	405657
Sbjct	51781	GCCTTCTCTGTGCGGAGAGAGAAGTACTTCTGGATATCCAGACAGATGTCTTCTGCAGTGA	51840
Query	405658	CCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCCCTCTGCAGCCCACCAAGGCTCAG	405717
Sbjct	51841	CCTGAGGCAAATGTCTCTAGCTTCTGGATGGGGGTCCCTCTGCAGCCCACCAAGGCTCAG	51900
Query	405718	GACACATTTTTTTCAGAGTAGACAATACAGTAgtgtgttttctgttgattttgtctgagtgt	405777
Sbjct	51901	GACACATTTTTTTCAGAGTAGACAATACAGTAGTGTGTTTCTGTTGTATTTGTCTGAGTGT	51960
Query	405778	ctgtgcggtgattacctgcactgtggagtgtgtgtgtgtctgtgtgtATCTGCAAATAATTG	405837
Sbjct	51961	CTGTGCGTGATTACCTGCATGTGGAGTGTGTGTGTCTGTGTGTATCTGCAAATAATTG	52020
Query	405838	AGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGTATTGAAATAATCC	405897
Sbjct	52021	AGTCTCAAATGCACTTTAGCAACATGCCAGCAACAACCTGTTGGTTGTATTGAAATAATCC	52080
Query	405898	TAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTATGATGC	405957
Sbjct	52081	TAATAACAATATTTTTAGTATTACTACATAGGAAATTTGTACAAACGAGCTTTATGATGC	52140
Query	405958	ATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTATAGTTTTT	406017
Sbjct	52141	ATGTATATGACAAAGAGAGAAAGAAAACCTCCTTGAGATATTTGTTGAGTTTATAGTTTTT	52200
Query	406018	GTAGCTTTCAATTCTAAAACTCAGCATTACTACTGtttttggttttggtttttCTTTGTC	406077
Sbjct	52201	GTAGCTTTCAATTCTAAAACTCAGCATTACTACTGTTTTTGTGTTTTGGTTTTCTTTGTC	52260
Query	406078	CCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTTCTTCAT	406137
Sbjct	52261	CCATGGTGTAGATCTTTATAGTGGGCTATTGCCCTGGACAGACTGATTCTTTTTCTTCAT	52320
Query	406138	GCCACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGTTTTCCCTACTTATCTTTGACCCTCTCTA	406197
Sbjct	52321	GCCACCTCGCTTACTGGACTAGGATACAATTGTTTTCCCTACTTATCTTTGACCCTCTCTA	52380
Query	406198	CCACTTGTACATGCTTGTTTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGTATGCTACA	406257
Sbjct	52381	CCACTTGTACATGCTTGTTTTATTTCTCAGTTAGTCCATCATAAATATCATGTATGCTACA	52440
Query	406258	GGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTTGAGAAGAAAT	406317
Sbjct	52441	GGGCAAAAAGAACGGCTTAGTATGCTCATTGTTGTATCTTAATGCTTGTTGAGAAGAAAT	52500
Query	406318	GACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAAAGTGCAGTCTCTACATTTACAA	406377
Sbjct	52501	GACCAAAGAGAAAGTTGTATGTTTTTAAGGAGTGTAAAAGTGCAGTCTCTACATTTACAA	52560
Query	406378	TCCATAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTTGTGTTGGCTTCAAAGTAGATTAGT	406437
Sbjct	52561	TCCATAGGGGTTTTGGTTGACAATATGTAGGTTTTGTGTTGGCTTCAAAGTAGATTAGT	52620
Query	406438	TGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTTCTGACACACTTTAAA	406497

Sbjct	52621	TGGGCTGGACGTGGAAGGTCCTGAGGGAGGAGGGATGAATATTTTCTGACACACTTTAAA	52680
Query	406498	TACTAAAATCTTTGTTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTACCCCTTACACTTTATA	406557
Sbjct	52681	TACTAAAATCTTTGTTACAAACACAATTTGGATACTAGCTTTTACCCCTTACACTTTATA	52740
Query	406558	TCTTGACTtctgtctctgtctgtctctgtctctctgtttctgtctctatctctgtctctc	406617
Sbjct	52741	TCTTGACTTCTGTCTCTGTCTGTCTCTGTCTCTCTGTTTCTGTCTCTATCTCTGTCTCTC	52800
Query	406618	tcatacccatctctgACTTCCTGGTTGCAATTCTAATTCTTCCACTACATTCA	406677
Sbjct	52801	TCATCCCATCTCTGACTTCCTGGTTGCAATTCTAATTCTTCCACTACATTCA	52860
Query	406678	GATCTTCACTTTCAGTGTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGGAGAAGGG	406737
Sbjct	52861	GATCTTCACTTTCAGTGTTCAGCCCTACAGCCTGAGGACATATTAATCTCTGGAGAAGGG	52920
Query	406738	AGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCA	406797
Sbjct	52921	AGAGCTTTGGGAGCAGTGACAGTTGTCTAGATAGCATGGAGGGCCATGTCAAGCGCCCCA	52980
Query	406798	TGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAGTTGGCTCAACAGAATCCCA	406857
Sbjct	52981	TGAATGCATTTATGGTGTGGTCCCGTGGAGAGAGGCGCAAGTTGGCTCAACAGAATCCCA	53040
Query	406858	GCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGAAAAGCCTTACAGAAG	406917
Sbjct	53041	GCATGCAGAATTCAGAGATCAGCAAGCAGCTGGGATATCAGTGGAAAAGCCTTACAGAAG	53100
Query	406918	CCGAAAAAAGGCCCTTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCCTACACAGAGAGAAAT	406977
Sbjct	53101	CCGAAAAAAGGCCCTTTTTTCCAGGAGGCGCAGAGACTGAAGACCCTACACAGAGAGAAAT	53160
Query	406978	ATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCACAGAGGAGTTATACTT	407037
Sbjct	53161	ATCCAAACTATAAATATCAGACTCATCGAAGGGTTAAAGTGCCACAGAGGAGTTATACTT	53220
Query	407038	TGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACCTGTACAACCTGTTGCAATGGGACAACAACCTAC	407097
Sbjct	53221	TGCAGCGTGAAGTTGCCTCAACAAAACCTGTACAACCTGTTGCAATGGGACAACAACCTAC	53280
Query	407098	ACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGTCCTCCAAGAACCAGA	407157
Sbjct	53281	ACACTATCATATACGGACAGGACTGGGCTAGAGCTGCACACCAGTCCTCCAAGAACCAGA	53340
Query	407158	AAAGCATTTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCACTacagcagaaacagc	407217
Sbjct	53341	AAAGCATTTATTTACAGCCTGTGGACATCCCCACTGGATACCCACTACAGCAGAAACAGC	53400
Query	407218	agcaccagcagcagcagcagcagctgcacctgcagcagcagcagcagcagcagcagcaccagt	407277
Sbjct	53401	AGCACCAGCAGCAGCAGCAGCAGCTGCACCTGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCACCAGT	53460
Query	407278	tccactagcagcagcTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTGGTGACCCTACACCAT	407337
Sbjct	53461	TCCACTAGCAGCAGCTAACCTACTTACTGTCCGCTGATATCACTGGTGACCCTACACCAT	53520
Query	407338	AGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGATACTGGCTCTGCTCCT	407397
Sbjct	53521	AGCAGGAGCACCTCAGCAAAGCCCTGTGATAGGTAATCTCATGATACTGGCTCTGCTCCT	53580
Query	407398	ACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATTCCCTACTTGGTTTGGAT	407457
Sbjct	53581	ACCTATCCCAACACTCCCCTTGCTGTAATTTACAGCTTGAGATTCCCTACTTGGTTTGGAT	53640
Query	407458	ACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCtctctctctctCTGGTGGGGGTGT	407517
Sbjct	53641	ACTGAGTTCCTCTGGTTGTAATAAAGGTCCTGCTCCCCTTTTTTTTCTGGTGGGGGTGT	53700
Query	407518	GGGGGAGGAGACCAAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAGGAGAATGCTTAG	407577
Sbjct	53701	GGGGGAGGAGACCAAAATGTGTGTAAGGATGTGTAGTGTGTAAGAAAGGAGAATGCTTAG	53760
Query	407578	AAGGGCTTACTACATACTTTTGTGTTTAAACAGCGTACTACTCGCATTCTTATGGCATTTAA	407637
Sbjct	53761	AAGGGCTTACTACATACTTTTGTGTTTAAACAGCGTACTACTCGCATTCTTATGGCATTTAA	53820
Query	407638	TCGATGGAAGAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTACTGCCAGCTCAAAGG	407697
Sbjct	53821	TCGATGGAAGAACTAGGTTTAGACTCATAATGAATTTATCTGTACTGCCAGCTCAAAGG	53880
Query	407698	CAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGGGAGGTGGGAGAGGGG	407757
Sbjct	53881	CAGCAAACAGCTTTAGAGCCAATACAGCTTGACATGCTAAAGTGGGAGGTGGGAGAGGGG	53940
Query	407758	AAGGTGGAGTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAATATCCAGCTGGGCAA	407817
Sbjct	53941	AAGGTGGAGTTTAAAGGAAACATCAGAAGGGTACACACTACAAATATCCAGCTGGGCAA	54000

Query	407818	GGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTCAATCCCTTTCCCACA	407877
Sbjct	54001	GGAAATTCTTTTCATTCTGTTTGATAGGAATAAAGGACTATTTCAATCCCTTTCCCACA	54060
Query	407878	GATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCCAGCCCATTGTTCTAT	407937
Sbjct	54061	GATAAGAAGGTGTTACAGGAACAGAGGCAGCTGTTAATTCTTCCCAGCCCATTGTTCTAT	54120
Query	407938	TCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGCATTCCAATGCAAAGGTCAAGGGA	407997
Sbjct	54121	TCTTTTCTTAAACTCCAGACAGTAGGATCTTGCAGGCATTCCAATGCAAAGGTCAAGGGA	54180
Query	407998	CTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAAGGGGAACATATGTAA	408057
Sbjct	54181	CTTTACTGGATGCCTGGATGCATATTAAAGTTCTTTAGCCACCAAGGGGAACATATGTAA	54240
Query	408058	ATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTTCATTTCTGAGCAGGC	408117
Sbjct	54241	ATTATCACTTAGGTTGAGTATTCTAATGACTAGGATACAGTAGTTCATTTCTGAGCAGGC	54300
Query	408118	AAAAACACAGTGCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCCTGTCCTTTCAGCATCACCATGGAA	408177
Sbjct	54301	AAAAACACAGTGCCTCAGGTCTGGGCTGGCTGTCCTGTCCTTTCAGCATCACCATGGAA	54360
Query	408178	ACCATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACATACATAATGCTGTAA	408237
Sbjct	54361	ACCATTGTCTATCTGTAAGTGGTCAGTACTCATCTCTGAAAAACATACATAATGCTGTAA	54420
Query	408238	AAACACTGGCTGTGCCCTTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAGATCAGACACATCTAT	408297
Sbjct	54421	AAACACTGGCTGTGCCCTTTAGCATGCAAAGTACTCCTTTGTAGATCAGACACATCTAT	54480
Query	408298	CTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAACTACATCATATATGACTTCTGTCAC	408357
Sbjct	54481	CTGTTTATCAGGGTCTCTCTCTCCAGCACACAAACTACATCATATATGACTTCTGTCAC	54540
Query	408358	TGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTTGTCTTTTCACTTCT	408417
Sbjct	54541	TGTGTGTGCTTGCGTGTGCACGTGCGTGCCAGTGTGCATGGGTTTGTCTTTTCACTTCT	54600
Query	408418	CCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTCTGTAACATCGTTTGA	408477
Sbjct	54601	CCTTCACACTATGATAAACCCAGTTGTTCTGTAAACTCTTCTCTCTGTAACATCGTTTGA	54660
Query	408478	TAAAAATAAGCATTATACAAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCTGCTTCTCTTTACCT	408537
Sbjct	54661	TAAAAATAAGCATTATACAAAGTTCATGCACAGGAAGTCACATTCTGCTTCTCTTTACCT	54720
Query	408538	ATCTTTAAAGAATAAACAGTTTATTACAAAATTTTGTATAAAAGCAGTACAGACAAA	408597
Sbjct	54721	ATCTTTAAAGAATAAACAGTTTATTACAAAATTTTGTATAAAAGCAGTACAGACAAA	54780
Query	408598	GCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACAAAGCACCAAGTTACA	408657
Sbjct	54781	GCTATGTTTTCCAGGACCGGGTAAGAATCAGAAACAAAATGTACAAAGCACCAAGTTACA	54840
Query	408658	TAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCATATACAAAGTGATGCA	408717
Sbjct	54841	TAGGCAAGCTAAGTGGACACTTAGCCTGCAGGTAACACTCCCCATATACAAAGTGATGCA	54900
Query	408718	AAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTATAAGTGGCCATTTACCCATTAG	408777
Sbjct	54901	AAATGGACTACTACAAAAGGTGAAGGGAAGGGGAAGTATAAGTGGCCATTTACCCATTAG	54960
Query	408778	CTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAAACTCTTACAAGCAAG	408837
Sbjct	54961	CTCACCCGCCAGATTTTTAAGCTAAAGAATGGTTCAAAGTTACAAACTCTTACAAGCAAG	55020
Query	408838	CTTAAACAGAAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAAGCTCAAGGAACCAGG	408897
Sbjct	55021	CTTAAACAGAAATACAGCAACCCCTGCCATAGCTTCTTTAAGAAAGCTCAAGGAACCAGG	55080
Query	408898	CATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAGCCTCTTCCAGTTTCA	408957
Sbjct	55081	CATAGGTTTGTCTATACCAAGTTTCATACCCAGAGCTTCAGTTAGCCTCTTCCAGTTTCA	55140
Query	408958	TCACATTATTCTCCACAGTGTCTCTCATACAAACTGTTCCCCGTAAGCTCTTGAATC	409017
Sbjct	55141	TCACATTATTCTCCACAGTGTCTCTCATACAAACTGTTCCCCGTAAGCTCTTGAATC	55200
Query	409018	GACTATGTAACCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCATGGAGCTTCAATTGT	409077
Sbjct	55201	GACTATGTAACCTAAGGCATAGGTCGGAAGGAAAGAGCAGCCCATGGAGCTTCAATTGT	55260
Query	409078	GATATCTTACACACTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGATGTATTGAACTCTTTG	409137
Sbjct	55261	GATATCTTACACACTAAGTAAATACAATACAGTGTATTACCTGATGTATTGAACTCTTTG	55320
Query	409138	AAACAAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTGAGCTTTAATTGATTTTCAAACCA	409197

Sbjct	55321	AAACAACTACTGTTCTACAGGACCGTAAAACCTTTGAGCTTTAATTGATTTTCAAACCA	55380
Query	409198	TTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAATCAGTTAAAAGACTGT	409257
Sbjct	55381	TTTAGTGTTCACTAACTAACTTACATGTATTGTTTCTGTAAATCAGTTAAAAGACTGT	55440
Query	409258	TCTCCAGAATTCACTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCTAAGTCAGGGCATGCT	409317
Sbjct	55441	TCTCCAGAATTCACTGGATTAGTTAGTTGACACTACTGGACCTCTAAGTCAGGGCATGCT	55500
Query	409318	TCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTATGTC'TTGGGTAGACTTCTAATA	409377
Sbjct	55501	TCAGCACATTTCAATGCCAACACTCAATAAGGGTTTATGTC'TTGGGTAGACTTCTAATA	55560
Query	409378	TAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTTTCGCTGGAGAGTTTC	409437
Sbjct	55561	TAAATGAATGCAAATATATCTACTCAATGGGTGCTTATTAATCTTTCGCTGGAGAGTTTC	55620
Query	409438	TGCATGTGTTCCCCGTGCTTTTGTCTTTTGTTCCTATTGTGTGGATTATAAGCAAAG	409497
Sbjct	55621	TGCATGTGTTCCCCGTGCTTTTGTCTTTTGTTCCTATTGTGTGGATTATAAGCAAAG	55680
Query	409498	AGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCCACAGGcttcctcttt	409557
Sbjct	55681	AGCCGTAGATACAGGCCAAGGACCTCATGGATCCTATGGCAGTCCACAGGCTTCTCTTT	55740
Query	409558	ctcacctggacctatattgcttccttatcttcctcctctttctctctcttcctttccactac	409617
Sbjct	55741	CTCACCTGGACCTATTTGCTTCTTATCTTCCTCCTTTTCTCTCTCTTCTTTTCCACTAC	55800
Query	409618	ctcctcctccttcctcctccttcctcctcactctccttcATCTTTGTGCACAGGAGTATCC	409677
Sbjct	55801	CTCCTCCTCCTTCTCCTCTTCTCCTCACTCTCCTTCATCTTTGTGCACAGGAGTATCC	55860
Query	409678	TTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAAGCAGTGCTCTGCCTA	409737
Sbjct	55861	TTGTGCAAGAAAGCTTTGTAGTTAGTTGCAGCTTGAATTTTCGTAAGCAGTGCTCTGCCTA	55920
Query	409738	AGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAATGTTACCCCACTATCAGCTTAGAGGTCAGTACTG	409797
Sbjct	55921	AGATTTAGAGTCCTTTTCTCCAAATGTTACCCCACTATCAGCTTAGAGGTCAGTACTG	55980
Query	409798	GGATTGGTGGCTATTCTTGGAGAACTCATGAGATTCATTCTTTTGTTAGATGCCACCCCC	409857
Sbjct	55981	GGATTGGTGGCTATTCTTGGAGAACTCATGAGATTCATTCTTTTGTTAGATGCCACCCCC	56040
Query	409858	ATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATAACCAAGGAGTCCAAACGAAGGCACTGATCA	409917
Sbjct	56041	ATCCCTCTGCCTGTTACTTTTTCATGGCATAACCAAGGAGTCCAAACGAAGGCACTGATCA	56100
Query	409918	CTGCACCGATATCTGGGAGAAACTTGTACAACGATGGTGAATGTGGGGTTTACAGTCCTG	409977
Sbjct	56101	CTGCACCGATATCTGGGAGAAACTTGTACAACGATGGTGAATGTGGGGTTTACAGTCCTG	56160
Query	409978	AAACACTTTGTTCGGTCCTCCAACCTTTTAAAGTAAGTTGTATAGCAAAGGGGAGTTGCA	410037
Sbjct	56161	AAACACTTTGTTCGGTCCTCCAACCTTTTAAAGTAAGTTGTATAGCAAAGGGGAGTTGCA	56220
Query	410038	AGCAAATTGCATGAGATTTCACTGaaaaatctaactagacagggaaaactataaataaat	410097
Sbjct	56221	AGCAAATTGCATGAGATTTCACTGAAAATCTAAACTAGACAGGGAAAACATAAATAAAT	56280
Query	410098	aaacacccaaaactataaataagtaaataCTAAGTATCCTTGTTCTTTTGTGTTTAGG	410157
Sbjct	56281	AAACACCAAAACTATAAATAAGTAAATACTAAGTATCCTTGTTCTTTTGTGTTTAGG	56340
Query	410158	TTTTCCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGACAAGAAGTATTATTTTGGCTTTAT	410217
Sbjct	56341	TTTTCCACAAAGTATATTGAAACTCTGGAATTGTGACAAGAAGTATTATTTTGGCTTTAT	56400
Query	410218	GTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAAACTGTAAAAT'AAAAGTCTGTTAGCTAAT	410277
Sbjct	56401	GTCCAAGGTTTCAAAGCACTTAATGACACAAACTGTAAAAT'AAAAGTCTGTTAGCTAAT	56460
Query	410278	TTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAATAAGCAGTTT'TGGTCCCTGGATA	410337
Sbjct	56461	TTTGTTTAACTAAAGAAGTTTCTTTTATCTCTGAAATAAGCAGTTT'TGGTCCCTGGATA	56520
Query	410338	TTAACTTCCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTGTTCTCTGATAATTGAAATTCAAA	410397
Sbjct	56521	TTAACTTCCTACTGACCAGGGACTGTGAGATCCTTTGTTCTCTGATAATTGAAATTCAAA	56580
Query	410398	ACAAAGACAATCAACATTACAAACcacacacacacacacacacagagagacacacaca	410457
Sbjct	56581	ACAAAGACAATCAACATTACAAACCACACACACACACACACACAGAGAGACACACACA	56640
Query	410458	cacacacagacacacacacacacacacagacacacacacacacgcacacacacacacacaca	410517
Sbjct	56641	CACACACAGACACACACACACACAGACACACACACACACGCACACACACACACACACA	56700

Query	410518	cacacacatatatatatatatatatatattataGGCAGAGAATAAGATTAAGTGTATTTG	410577
Sbjct	56701	CACACACATATATATATATATATATATATTATAGGCAGAGAATAAGATTAAGTGTATTTG	56760
Query	410578	GGAGAAAAGTAAATTTTTCTTAGATGTACATTTGAAACCCAGAGGAATCCCACCCTTTGG	410637
Sbjct	56761	GGAGAAAAGTAAATTTTTCTTAGATGTACATTTGAAACCCAGAGGAATCCCACCCTTTGG	56820
Query	410638	AATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGGTTATCTGGGTGGA	410697
Sbjct	56821	AATAGGTAGTAAGTGGGAACATTAGACAGATAGACAGATTACCCAGGTTATCTGGGTGGA	56880
Query	410698	GTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCCTGTAGTTTACAAGTTTACAA	410757
Sbjct	56881	GTCTATTTGGTCCATAAGGGATAGATCTGAGTGGGTTTCCTGTAGTTTACAAGTTTACAA	56940
Query	410758	AAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAAACATGGGGCTGGAGAGGTGGCCAGAGGTTA	410817
Sbjct	56941	AAGAGATAACAACAAAAGTTAATTTAACAAACATGGGGCTGGAGAGGTGGCCAGAGGTTA	57000
Query	410818	AGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAACCACATGGTGGCA	410877
Sbjct	57001	AGAGAACTGACTGTTCTTCCCAAGATCCTGAGTTCAAATCCCAGCAACCACATGGTGGCA	57060
Query	410878	CACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGACAGT	410937
Sbjct	57061	CACAACCATCTGAAATGAGATCTAATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAAGACAGAGACAGT	57120
Query	410938	GTAATCGCATATATAAATAAAATAATCCTTaaaaaaaaaaaaGAGTTAACGACATGAACA	410997
Sbjct	57121	GTAATCGCATATATAAATAAAATAATCCTTAAAAAAAAAAAAAGAGTTAACGACATGAACA	57180
Query	410998	TTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGATTATACAGTTAG	411057
Sbjct	57181	TTCTTTAAGATAATCTGTTTGTGGAACAGAAGGAATAAGAATTTGCGATTATACAGTTAG	57240
Query	411058	ATCCATGTAGTGAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGCTCAGGGACTAC	411117
Sbjct	57241	ATCCATGTAGTGAAAAGTTTAAACAAGAAGAGGAAATACGGGGCTGCTGCTCAGGGACTAC	57300
Query	411118	TGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTTGACCGGAAGCGGTCCCCAGCGACCT	411177
Sbjct	57301	TGGCAGCTATGGCAGCTAGAGCCCGAGCCTCTTGACCGGAAGCGGTCCCCAGCGACCT	57360
Query	411178	ACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCGAGCCTTCTTGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGC	411237
Sbjct	57361	ACCCCCGCCCTGCGGCGCAGGCCAGCCCGAGCCTTCTTGGCTTGGCATCTCCTCCAGGGC	57420
Query	411238	CGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTTGTC	411297
Sbjct	57421	CGCCAAGCACCTCTGAAGAGCCATGTTCCAGGCTGCTGGAGCCGCCAGGCCACCTTGTC	57480
Query	411298	TCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTT	411357
Sbjct	57481	TCATGAAGCCAAAGGCAGCAGTGGAACAGCACGGTGCAGCTATCTAAGTCCTTTAGCTT	57540
Query	411358	GCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTACCCTATGGAGCG	411417
Sbjct	57541	GCAGACTCAGGTGAAGGAGACCTGTGCAGCCTGCCAGAAGACTGTGTACCCTATGGAGCG	57600
Query	411418	GCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCGCAC	411477
Sbjct	57601	GCTGGTGGCAGACAAGCTCATTTTCCACAACCTCAGTTTCTGTTGCGAACACTGCCGCAC	57660
Query	411478	CAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCAAACCTCACTTT	411537
Sbjct	57661	CAAATTCAGCCTGGGCAGTTATGCTGCAATGCACGTGCATTTTACTGCAAACCTCACTTT	57720
Query	411538	CAGCAGCTGTTTAAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAAAACACCACGTG	411597
Sbjct	57721	CAGCAGCTGTTTAAAGAGCAAAGGCAACTAAGATGAGGGGTTTGGTCCAAAACACCACGTG	57780
Query	411598	GAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAACAGCCTGAGACCCCTTTAAC	411657
Sbjct	57781	GAGCTCTGGGCCCACGAGGAGGTGGGCTGAGGCACCAAACAGCCTGAGACCCCTTTAAC	57840
Query	411658	ATCCATTCTCTCCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCAGTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGC	411717
Sbjct	57841	ATCCATTCTCTCCCAGCACATGGCCTACAGCTGGGCAGTGGGAAGGAGGCTAACCTGGGC	57900
Query	411718	TTGGGGGAGCAGGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGTTTCAGGCATAAGGCTC	411777
Sbjct	57901	TTGGGGGAGCAGGGTGGGAAAGGATGAGGCTCCCTCAGACAGTTTCAGGCATAAGGCTC	57960
Query	411778	TGCTCCAGGATTCCTTGCCCTTTCCTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGT	411837
Sbjct	57961	TGCTCCAGGATTCCTTGCCCTTTCCTGTAGGATGTTGGCAGTGGGAACCAGAATTGGAGT	58020
Query	411838	TTTCACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCCAAGTCCAGCTTCC	411897

Sbjct	58021	TTTCACCATACTGCTCCCTTTAACCCGTGTCTCCCTGGGAGGCCACAAAGTCCAGCTTCC	58080
Query	411898	CTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTC	411957
Sbjct	58081	CTATTTAGGTGCCTTTTCTCCAGCAAGGAGTCAGCATGCCCTCCTCAGGGTTCCAAGCTC	58140
Query	411958	CCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGCTCTCCCAGCTACCTCTGCCCCCTTAG	412017
Sbjct	58141	CCTCACTGCCACCTGGGCCTCGTGTACCCCTTGCTCTCCCAGCTACCTCTGCCCCCTTAG	58200
Query	412018	CCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCATAGAT	412077
Sbjct	58201	CCTGGTTGTGAGCCACAGAGACTGGAAGAGGGAGAGTGCCATCTGCTGGGCCTCATAGAT	58260
Query	412078	GCCACCTCGCTGGTGGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGG	412137
Sbjct	58261	GCCACCTCGCTGGTGGGGGGAGGCCAGGGGGAGAGGGAAGACAGCCTGCAGCCTTGGGGG	58320
Query	412138	TCTAGGGGTCCCTTGATCACAAGCTAAAGCTCTTCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTT	412197
Sbjct	58321	TCTAGGGGTCCCTTGATCACAAGCTAAAGCTCTTCTAGAGCCTCAGCTGACCGGGTT	58380
Query	412198	GGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGGTTTAA	412257
Sbjct	58381	GGCAATAGCTATGCTCCCCCTCTGTTGTGCTGTTGACTGTTGTGATCAACCCTGGTTTAA	58440
Query	412258	AAATGTTTAAACTGAAAACaaaaaaaggggggggATATGAAACATTTAATCAACGGGAT	412317
Sbjct	58441	AAATGTTTAAACTGAAAACAAAAAAGGGGGGGGATATGAAACATTTAATCAACGGGAT	58500
Query	412318	CCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAACTAGTCG	412377
Sbjct	58501	CCAGGTTTAGATAAGGAAACAACCAATTCATCTGTGAAGGCTTACGGCTGAACTAGTCG	58560
Query	412378	CTAGAAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCA	412437
Sbjct	58561	CTAGAAACTGAGTTTAGAGTCTGTGTCTAGTTGTTAAGCTACAGCTACCTTAGCTGTCA	58620
Query	412438	ATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAAACATG	412497
Sbjct	58621	ATGTAGTCAGAAATCTGGGAATAGCTTATAATCTAGCAGTCATATGTTATTTAAAACATG	58680
Query	412498	ACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTC	412557
Sbjct	58681	ACAGAGTGTACTACCCAACAGTTCCTAAGGTCTCCATGGCAACTTGGGCAGACTCAGTC	58740
Query	412558	TGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAATGGATAGGTGTGACATG	412617
Sbjct	58741	TGGCTTTGGAGCCCAGAAGACACAGAGCTTTTTCTCTGTGTAATGGATAGGTGTGACATG	58800
Query	412618	AGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAAATCATTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGT	412677
Sbjct	58801	AGATTTTTGACTTACCTTAATTTAGATAAAATCATTGACTCTAAGGGTATCCAGTTTTGT	58860
Query	412678	ACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTC	412737
Sbjct	58861	ACACTGTGTTTCTCAGTGGCTATCATATCACAATCCAAGCAGACTCTTGAAGCTGTGTTC	58920
Query	412738	ATATCTTCTGAAACCTTGTTGGGGCAAACCTGTTAGAGATTTTCTGTCATATAA	412797
Sbjct	58921	ATATCTTCTGAAACCTTGTTGGGGCAAACCTGTTAGAGATTTTCTGTCATATAA	58980
Query	412798	ACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTA	412857
Sbjct	58981	ACTTAAATATATTAATAATTAGCAGATTTCTAACAAGATCGGGGGCTATATTGCCTAGTA	59040
Query	412858	ATATCTGAATAGAGCATAACCATAATTTAACGGCAGTAGCAAAAATCCTATCAGACAGGAT	412917
Sbjct	59041	ATATCTGAATAGAGCATAACCATAATTTAACGGCAGTAGCAAAAATCCTATCAGACAGGAT	59100
Query	412918	AAGAATGAAAGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAG	412977
Sbjct	59101	AAGAATGAAAGTCATAATACGGAACTTTGACAGGTTTGTAGGTAGAGAAAAGGAATAAG	59160
Query	412978	AAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGTAATGGC	413037
Sbjct	59161	AAAGTTGTGCTGTGAGGGAGAGAGTGATGGAACCTGAACACAGGCCAGTCTTGGTAATGGC	59220
Query	413038	TAGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGC	413097
Sbjct	59221	TAGTCTGTGGAGCTAGGTAGGGACAGGAGTGGGCACACGCATGCATGCATACACGCATGC	59280
Query	413098	ACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCC	413157
Sbjct	59281	ACATAGTTGAGGTAGAGGGCAGCCGAGAGGTTGGTTCTTTGGTTCTGCGGTGCACGCTCC	59340
Query	413158	TAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGTCCCTGACCACTG	413217
Sbjct	59341	TAGTTCCACCTGGCATGTGGGCAGAGTTTCCACCTGGCATCTGCAAGTCCCTGACCACTG	59400

Query	413218	TTTCAGGCCCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCC	413277
Sbjct	59401	TTTCAGGCCCCAGCCCTGGTTGGGGTGGGGGACAAGGAGGACTCAAAGTAGCCTGTTTCCC	59460
Query	413278	ATCCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACA	413337
Sbjct	59461	ATCCCAGCAATGAGTATGCTATTATTGCGGTGGGTGACAAACAGATTATGAAAGGGGACA	59520
Query	413338	GGGCGAAAGCTGTATtttttttttCTTTTGAGCCTGCTGCGGgcagagagcaggagcacag	413397
Sbjct	59521	GGGCGAAAGCTGTATTTTTTTTTTCTTTTGAGCCTGCTGCGGGCAGAGAGCAGGAGCACAG	59580
Query	413398	tcccaaacacacatacacacgcaggacacacagacagagacagagagagggagagagaga	413457
Sbjct	59581	TCCCAAACACACATACACACGCAGGACACACAGACAGAGACAGAGAGAGGGAGAGAGAGA	59640
Query	413458	cagagaggggagacagaaaagagagagtcatggagagagatagagagactgagagtcagaga	413517
Sbjct	59641	CAGAGAGGGAGACAGAAAGAGAGAGTCATGGAGAGAGATAGAGAGACTGAGAGTCAGAGA	59700
Query	413518	gagagagacacagagagagagagacagagaaaaagagagagacagagagagagtcagagg	413577
Sbjct	59701	GAGAGAGACACAGAGAGAGAGAGACAGAGAAAAAGAGAGAGACAGAGAGAGAGTCAGAGG	59760
Query	413578	gagacagagacaaagatagagagatagagagagtcagagaggagagacagaaggacagag	413637
Sbjct	59761	GAGACAGAGACAAAGATAGAGAGATAGAGAGAGTCAGAGAGGAGAGACAGAAGGACAGAG	59820
Query	413638	aggcagacagagagagagaaaagagagacagagagatagacagaggagaaaacagagaaagaca	413697
Sbjct	59821	AGGCAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGACAGAGAGATAGACAGAGGAGAAACAGAGAAAGACA	59880
Query	413698	gtaagacagagggcagagtgacagagagagacagacagacagatagtcagagagactgagg	413757
Sbjct	59881	GTAAGACAGAGGCAGAGTGACAGAGAGAGACAGACAGACAGATAGTCAGAGAGACTGAGG	59940
Query	413758	agaaaagagaaagacagagagagacagagagacagagggcagagagacagacagagacagac	413817
Sbjct	59941	AGAAAAGAGAAAGACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGGCAGAGAGACAGACAGAGACAGAC	60000
Query	413818	agagagacagacaaaacggagagacagagagagaaaatagaaaagatagagagatagagacac	413877
Sbjct	60001	AGAGAGACAGACAAACGGAGAGACAGAGAGAGAAATAGAAAGATAGAGAGATAGAGACAC	60060
Query	413878	agagaaagagagagcgagaaaagagaaatacagaaaagcaagagagagacagagagagtcgg	413937
Sbjct	60061	AGAGAAAGAGAGAGCGAGAAAGAGAAATACAGAAAGCAAGAGAGAGACAGAGAGAGTCCG	60120
Query	413938	tgagagacagagaccgaaaagagacacagacagagagaatagagacagacagagagacaga	413997
Sbjct	60121	TGAGAGACAGAGACCGAAAGAGACACAGACAGAGAGAATAGAGACAGACAGAGAGACAGA	60180
Query	413998	ggaatagagagacaaaagaaagacagagagacagacagagacagagagagagaaaagagaga	414057
Sbjct	60181	GGAATAGAGAGACAAAGAAAGACAGAGAGACAGACAGAGACAGAGAGAGAGAAAGAGAGA	60240
Query	414058	gatacagagagagacagagagacagagaaaagagaaaagacagagagacagagaaaagcaaga	414117
Sbjct	60241	GATACAGAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAAGAGAAAAGACAGAGAGACAGAGAAAAGCAAGA	60300
Query	414118	gagagagagagagccagaaaacagagagaatagagaaggagacatagagagacagacagat	414177
Sbjct	60301	GAGAGAGAGAGAGCCAGAAAACAGAGAGAATAGAGAAGGAGACATAGAGAGACAGACAGAT	60360
Query	414178	ggagacacacagagagaaaagagagagacagaaggagaaaagagagacagagagacacagag	414237
Sbjct	60361	GGAGACACACAGAGAGAAAGAGAGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGACAGAGAGACACAGAG	60420
Query	414238	aaagacagagagaaaagggagagacagagaaaagagaaaatagagaaaagcaagagacagagag	414297
Sbjct	60421	AAAGACAGAGAGAAAAGGGAGAGACAGAGAAAAGAGAAAATAGAGAAAAGCAAGAGACAGAGAG	60480
Query	414298	agaccatgagagacagagggcagagagagtcagagggcagagagaaatagaaaacagagagaca	414357
Sbjct	60481	AGACCATGAGAGACAGAGGCAGAGAGAGTCAGAGGCAGAGAGAAATAGAAACAGAGAGACA	60540
Query	414358	gagagagaaaatacacagagacagagaaaatagagagacagagagacacacacagagagagaag	414417
Sbjct	60541	GAGAGAGAAAATACAGAGACAGAGAAAATAGAGAGACAGAGAGACACACACAGAGAGAGAAG	60600
Query	414418	gagagacagaaggagaaaagagagacagagagacagagaaaagagagatagagagaatagag	414477
Sbjct	60601	GAGAGACAGAAGGAGAAAAGAGAGACAGAGAGACAGAGAAAAGAGAGATAGAGAGAATAGAG	60660
Query	414478	tcagacagagacatagacagatggagacacagagagagaaaagagagcgagacagaaggag	414537
Sbjct	60661	TCAGACAGAGACATAGACAGATGGAGACACAGAGAGAGAAAAGAGAGCGAGACAGAAGGAG	60720
Query	414538	aaagagagagacagagaaaagaggagagacagaaggagaaactagagagacagagagacaga	414597



Sbjct	60721	AAAGAGAGAGACAGAGAAAGAGGAGAGACAGAAGGAGAACTAGAGAGACAGAGAGACAGA	60780
Query	414598	gaaagcaagagagagatagagacagagagaacagagaaagacagagacatagacagacag	414657
Sbjct	60781	GAAAGCAAGAGAGAGATAGAGACAGAGAGAAACAGAGAAAGACAGAGACATAGACAGACAG	60840
Query	414658	atggagacacacggaagagaaaagagagcaagacagaaggagaaaagagagagagagatag	414717
Sbjct	60841	ATGGAGACACGGAAAGAGAAAGAGAGCAAGACAGAAGGAGAAAGAGAGAGAGAGATAG	60900
Query	414718	ggagagagagagacagagagCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGGGAAGATGGCTGCA	414777
Sbjct	60901	GGAGAGAGAGAGACAGAGAGCTAGCGAGCACTGGAACACTTGGGAGGGAAGATGGCTGCA	60960
Query	414778	CACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAAGGGGCTAGGCCAG	414837
Sbjct	60961	CACAGGGAAAGAGAAGGTCTCCTCAGCCAGTCTCCAGCAGGACTCAAGGGGCTAGGCCAG	61020
Query	414838	ACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAAGTCAGCAACCAGG	414897
Sbjct	61021	ACCTGCTTCTGCTCTCCCAGCCCACCATTAGAACTAGAGGCTGCAAAGTCAGCAACCAGG	61080
Query	414898	CAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAGAGTAGAGAAATAG	414957
Sbjct	61081	CAGGGAGGGTGGCAGAAGCCTAGAGAGACTGGGGGTGGGGGAATAAGAGTAGAGAAATAG	61140
Query	414958	AGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGaagagtaggggagaggggaatgtggagagat	415017
Sbjct	61141	AGAAGTAGAGGCTGTCTATGAGTACTTGGAAAGAGTAGGGGAGAGGGGAATGTGGAGAGAT	61200
Query	415018	ggacaaaagggggaagagagtaagagcaagagagCAACAGAATGAGGAGGGGGCCATCAGC	415077
Sbjct	61201	GGACAAAAGGGGGAAGAGAGTAAGAGCAAGAGAGCAACAGAATGAGGAGGGGGCCATCAGC	61260
Query	415078	CCCTTTTATAGTGTCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtgggggggTGGAGCTTA	415137
Sbjct	61261	CCCTTTTATAGTGTCATGCATACCTGGCTGTTGCCAGGTAACtgggggggTGGAGCTTA	61320
Query	415138	GACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGAATGAATGACCCAC	415197
Sbjct	61321	GACCAATGCTAGCAGTTTGTCCCTACAAGCTAGGCATAACTGCAGGAATGAATGACCCAC	61380
Query	415198	CTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACAGGGTGAAGGTTTAGTTT	415257
Sbjct	61381	CTATAGACTGAGGAGGGGACTTTCCATCTCTCCATCATTTACAGGGTGAAGGTTTAGTTT	61440
Query	415258	ATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTTCACGTGGCAATACCTGGTT	415317
Sbjct	61441	ATGAGACTTTGAGGCCACCCAGACCAACTGTCATACATCTTCACGTGGCAATACCTGGTT	61500
Query	415318	GAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCTGCTCCCCACCCTT	415377
Sbjct	61501	GAGAAGTCCCTGTTTGGATGAGGTCtttttttGTTATGGGCCTCTCTGCTCCCCACCCTT	61560
Query	415378	CTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTTGCCCCCTTTGCCTTGCTTCCTCTTTCTGCTCCCAA	415437
Sbjct	61561	CTTCTTCTAAAGGAGAATCAGCCTTGCCCCCTTTGCCTTGCTTCCTCTTTCTGCTCCCAA	61620
Query	415438	GGAGGATTTCTGTCCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTGCCACTACCCTTCCTC	415497
Sbjct	61621	GGAGGATTTCTGTCCCCTTCCTATGTTCTCATCATGCCCTCTCTGCCACTACCCTTCCTC	61680
Query	415498	AGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACCCCACTTGGAGTCCAC	415557
Sbjct	61681	AGCCAGCACAGGCAGAGGGAAGAGCAGCCCCTGACCTCCCCGACCCCACTTGGAGTCCAC	61740
Query	415558	CTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTTACCTCTCCAGGCT	415617
Sbjct	61741	CTCACATTACAGGCCATACTCTCCAGAGGGCAGTCTACTAAGGCCTTACCTCTCCAGGCT	61800
Query	415618	ATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCAAGATGTTTACAGGGAATATGTGTTTCATGACACATG	415677
Sbjct	61801	ATGGAACCCAGGTAGAATCTCCCCAAGATGTTTACAGGGAATATGTGTTTCATGACACATG	61860
Query	415678	TGCCATTTCAGGAAGTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTTAGATAGACCATGAGCTCTC	415737
Sbjct	61861	TGCCATTTCAGGAAGTGGCAGAAACCCCCCTCCCATTTTTAGATAGACCATGAGCTCTC	61920
Query	415738	ACAGGTCTTCTAGATTCAATCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTCAGTCAACCCAGGT	415797
Sbjct	61921	ACAGGTCTTCTAGATTCAATCATGTTGACTTACCTGGGATGAGTGTCAGTCAACCCAGGT	61980
Query	415798	GTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAAAGAGAGAGGGTTCTTGGGAGCCACCC	415857
Sbjct	61981	GTCAGCTCTAGCTGCACTACACAACAGAGGAAAAAGAGAGAGGGTTCTTGGGAGCCACCC	62040
Query	415858	AGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCTGATATAGGTGCAG	415917
Sbjct	62041	AGAAAATGGTTCTGGGAGCAAATGGGCTGCCTACTCTAGTTCAGGCTGATATAGGTGCAG	62100

Query	415918	CCTTTCCCTTGGA	CTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTAAAGAACAGGTGCCAG	415977	
Sbjct	62101	CCTTTCCCTTGGA	CTGGACCTGACTGAGAATTTAGCAATGCTGTTAAAGAACAGGTGCCAG	62160	
Query	415978	ATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCCACAAATTTATGTAA	416037		
Sbjct	62161	ATTCTGATGGGCGGGGTGGGGGCTCTGAGAGGCCACCGGATAGCCCACAAATTTATGTAA	62220		
Query	416038	GGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATATCTAGAGTTTTTTTAA	416097		
Sbjct	62221	GGTTAGCCAGGTGATGCAGGGAAAGAATGAGGACCCAGGGAATATCTAGAGTTTTTTTAA	62280		
Query	416098	ACCTGTAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACAGTCAGCTGTGAAC	416157		
Sbjct	62281	ACCTGTAGGACCTATACTGCTTTTGACCCAGAAGCCAGAGAGTAACAGTCAGCTGTGAAC	62340		
Query	416158	ATGGCTTTTGTGTTAACCAA	ACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTCAGACACTGAATAG	416217	
Sbjct	62341	ATGGCTTTTGTGTTAACCAA	ACTGCCCTGACATCCTTTTGAAAGCTTCAGACACTGAATAG	62400	
Query	416218	CTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACTGGGAGAGAGGCTT	416277		
Sbjct	62401	CTTTGTGGCCTAAAGCCAGCCTCTATTTGTCTTTGAATGGCAAGACTGGGAGAGAGGCTT	62460		
Query	416278	CAAGGGACA	ACTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATT	CAGGACTGCAGGCTGTTAGTG	416337
Sbjct	62461	CAAGGGACA	ACTGACATGGACACACCTGCATCAAGGATT	CAGGACTGCAGGCTGTTAGTG	62520
Query	416338	CCACTAAAGTATTA	AACTGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCACATGAGGGTTTATT	416397	
Sbjct	62521	CCACTAAAGTATTA	AACTGGACAGGAGCTGATCCAATGCAGTCTCACATGAGGGTTTATT	62580	
Query	416398	CTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGACTTCTTTTGTGGA	416457		
Sbjct	62581	CTAGTTAAGCTAGCTCAGCCCCTCAGTTAACCTCAGGCAGGCAGGACTTCTTTTGTGGA	62640		
Query	416458	ATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCCGCAAAGGGGTGGG	416517		
Sbjct	62641	ATAAGGGGCCCTGAGCATCTATCCAGGATTAAGCTTTACAGCAAGCCGCAAAGGGGTGGG	62700		
Query	416518	GGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGCCTTTAGTTTAACT	416577		
Sbjct	62701	GGGAGCAGATAAGTGTGCAAGCATCTAAATTGGAAAGATACTAAGGCCTTTAGTTTAACT	62760		
Query	416578	GGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCTGCATTGGTGCTCA	416637		
Sbjct	62761	GGCTGGTGCTGGAGATCAAATTGTAGACTCAATTTCTATTTCTCTCTGCATTGGTGCTCA	62820		
Query	416638	TTAGGCAGCGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTAACCTGGGGCTGCA	416697		
Sbjct	62821	TTAGGCAGCGGGGGTGAGGAGATGGGGAAGGGAGTTGGGGGCTTGTAACCTGGGGCTGCA	62880		
Query	416698	GATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTTGGGGGTGTAACCTGGAGTGCA	416757		
Sbjct	62881	GATCTGTTGGGGTAATAACCTGGAGCCACTGGTCTTGTTGGGGGTGTAACCTGGAGTGCA	62940		
Query	416758	GATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTTGTGTTgggggggtgggg	416817		
Sbjct	62941	GATCTTACTGGGGTGAGCCTAGAGACTGGAGAGAGGCCAGGTTTTGTGTTGGGGGGTGGGG	63000		
Query	416818	gctggggCGTA	AACTTGGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAACTTAGGGCAGGT	416877	
Sbjct	63001	GCTGGGGCGTA	AACTTGGAAACTAATGCCTGTTTGAACCTGAGTTCAAACTTAGGGCAGGT	63060	
Query	416878	TCTCTAAAATGGAGTCTGGATTTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATCACCTTGGAGGAG	416937		
Sbjct	63061	TCTCTAAAATGGAGTCTGGATTTAAAAGATCTGGTCTCTGAACCTATCACCTTGGAGGAG	63120		
Query	416938	GCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCACCTGTGGGCCACCCCCAAATAACTGTGTTCTTG	416997		
Sbjct	63121	GCACTGCCTGAGTACTTGGGTGAGCACCTGTGGGCCACCCCCAAATAACTGTGTTCTTG	63180		
Query	416998	TGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCTAGGAGGCCGCATGAGACTCCTACAG	417057		
Sbjct	63181	TGTGTATTGCAGGGCTCCCGGCTTGGAGACATGCTAGGAGGCCGCATGAGACTCCTACAG	63240		
Query	417058	GAACTGAGACAACTTGGCTGCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCAGCATTGTCATCT	417117		
Sbjct	63241	GAACTGAGACAACTTGGCTGCCAGTGTCTGCTAAGAAGGCAGGCCAGCATTGTCATCT	63300		
Query	417118	TGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATGCTGTTGGACACC	417177		
Sbjct	63301	TGAGGTCCCCTATCTGGGATGCATAGTCAACGGGGGCCAGCCAACATGCTGTTGGACACC	63360		
Query	417178	TGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCAGGTGCAACAACCCTAAAGCAAGTACAGGAATTT	417237		
Sbjct	63361	TGGAAGCAAACCATCCTCAGCATCCAGGTGCAACAACCCTAAAGCAAGTACAGGAATTT	63420		
Query	417238	CTGGGATCTCACAGTTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCTAGCCAAAGCCTT	417297		

Sbjct	63421	CTGGGATCTCACAGGTTTTGTAGACTTTGGGTGCAAAGGTCTTGAGCTAGCCAAAGCCTT	63480
Query	417298	ATGAGGTCTTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAGAGGAATGTAGCTCT	417357
Sbjct	63481	ATGAGGTCTTCCAGGACCAAGAAAACAAAGTAGATGGACCCTTAAGAGGAATGTAGCTCT	63540
Query	417358	TAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCTAGAGAGTCACAA	417417
Sbjct	63541	TAAGACTCTAAGAAGAGCCTTACTGGAGATGGCAGCATTGGCCCTCCTAGAGAGTCACAA	63600
Query	417418	ACCATTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGTGCTCACCCAAAC	417477
Sbjct	63601	ACCATTTACCTGTATGTGGATCAGAGAGAGGGGACAGCAAAGGGGGTGCTCACCCAAAC	63660
Query	417478	TTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGTTGGACCCGGTGGGCCA	417537
Sbjct	63661	TTTGGGATCATAGAAAAGACCTGAGTCTGATTTATCTAAGAAGTTGGACCCGGTGGGCCA	63720
Query	417538	AAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCTTCTAGTCAAAGATGCTGG	417597
Sbjct	63721	AAAATGGCCAGCCTGCTTCTGGACCACAGCTGCCACTGTCTTCTAGTCAAAGATGCTGG	63780
Query	417598	CAACATAACCATGGGTGAGGACTTGTATCATACTATCTCCCCTCCCCATGCTACTGAGG	417657
Sbjct	63781	CAACATAACCATGGGTGAGGACTTGTATCATACTATCTCCCCTCCCCATGCTACTGAGG	63840
Query	417658	GGACCCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCCAACCCAGTTGGTGCACTTTTCAGGC	417717
Sbjct	63841	GGACCCTCAAGAATCCACCCAGCCAGTGGCTGTCCAACCCAGTTGGTGCACTTTTCAGGC	63900
Query	417718	TCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTAAACCCAGCCATC	417777
Sbjct	63901	TCTACTTTTGAGTCCCCTCACATAAGATATAACCCATCTTCTGCCCTAAACCCAGCCATC	63960
Query	417778	CTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTATATAGTACTGGGGCA	417837
Sbjct	63961	CTCCTCTCTGACCCAGCCACAGATGTGCAGCATGTTTGCTCTCTATATAGTACTGGGGCA	64020
Query	417838	CATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGGAGCAGCTTCATC	417897
Sbjct	64021	CATCCAGAGTGTGAGGCTGATGGGGAACGTATGTACCACAGGGATAGGAGCAGCTTCATC	64080
Query	417898	CAGAATGGAGTCAGGGACGCGAGGGTGGTGGTAGTGGACTTGACCTGTTATTTGGACCA	417957
Sbjct	64081	CAGAATGGAGTCAGGGACGCGAGGGTGGTGGTAGTGGACTTGACCTGTTATTTGGACCA	64140
Query	417958	CTGATTTGCTGCTGGGAACCTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAGGCTCTTACCCAGGCCT	418017
Sbjct	64141	CTGATTTGCTGCTGGGAACCTTCAGCTCAGAAAGCTGAGCAAAGGCTCTTACCCAGGCCT	64200
Query	418018	TAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAAACATTTTACACTGACAGCAGATAGGACTAATAAC	418077
Sbjct	64201	TAAAACTGGCAAAAAGAGCCATAGCCAAACATTTTACACTGACAGCAGATAGGACTAATAAC	64260
Query	418078	TGCCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGTTTTATTCAAACACTCTC	418137
Sbjct	64261	TGCCCAAGGAAAAACCATCAAAAATAAGGAAGGAATACTTGTTTTATTCAAACACTCTC	64320
Query	418138	AAAATGGCTATAGTTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGATATCAGAAATTGTCTG	418197
Sbjct	64321	AAAATGGCTATAGTTTCATTGCCCTGGGCATCAATCAGACAGGGATATCAGAAATTGTCTG	64380
Query	418198	AGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGCCAACTCCTGATA	418257
Sbjct	64381	AGGGAACAGGCTAGCTGATAAAGCCAAAAGGGAGGCTACTCAAGCTGCCAACTCCTGATA	64440
Query	418258	GCTTTGCTGCCCAATGCACTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAAGACAAACAACAT	418317
Sbjct	64441	GCTTTGCTGCCCAATGCACTCCTAACCATCCCTGAGTATACTACTGAAGACAAACAACAT	64500
Query	418318	CAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGACGGTTGCTGACCTCTGAAGGCTGT	418377
Sbjct	64501	CAGGTGAAATGCCAAGGAGTTTTTCAGAAGAGACTGACGGTTGCTGACCTCTGAAGGCTGT	64560
Query	418378	ACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCATTAAACTTCACTG	418437
Sbjct	64561	ACCATCCTACCTAAGAAGTTTGCTAAGCCAGTCATCCATCAGATCCATTAAACTTCACTG	64620
Query	418438	TTGGTCACTGCAAACTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAATATTTGACTTAG	418497
Sbjct	64621	TTGGTCACTGCAAACTGAAGTAATTTTTGTGAGGGGCAAGGTACAAAATATTTGACTTAG	64680
Query	418498	GACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTGTGAACTCCTCAG	418557
Sbjct	64681	GACACGTGGTTGATCAGGTAATCTCAGACTGAGCCATCTGCCAGGCTGTGAACTCCTCAG	64740
Query	418558	ACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAAATAGACTACAGA	418617
Sbjct	64741	ACTACAGGAACCAGAATCAGGGGTCAACAGCCAGGGGCTAATTGGGAAATAGACTACAGA	64800

Query	418618	AATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGATACCTTTTCAGG	418677
Sbjct	64801	AATAAAACCAGGAACCTTATGGACACAAGTATTTGCTAATTGTTATGGATACCTTTTCAGG	64860
Query	418678	ATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCCAAAATAGTGGGaaaaaaaGCTTC	418737
Sbjct	64861	ATGGGTTGAAGCCTACCCACAGAGAGGGAGACTGCCAAAATAGTGGGAAAAAAGCTTC	64920
Query	418738	TGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTGACAATGAACCAG	418797
Sbjct	64921	TGGAGGACATCATACCCAGATATGGTTTGCCTACCCTGCTTCGGTCTGACAATGAACCAG	64980
Query	418798	CATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTTACCATAGGTTGAGATTCTGGGGAACCAATAGA	418857
Sbjct	64981	CATTCTCTCTTAGGTAACCTCCACCTTACCATAGGTTGAGATTCTGGGGAACCAATAGA	65040
Query	418858	AAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTTCAGGGCAAGTAGAAGGGATGAATCAGACC	418917
Sbjct	65041	AAATTATATTATGCATACCTTCCCCATGGTTTCAGGGCAAGTAGAAGGGATGAATCAGACC	65100
Query	418918	CTGAAGGAGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGGGAATCTCTCCTA	418977
Sbjct	65101	CTGAAGGAGGCCTTTACCAAATCTACACCTGAAACTGGCAGCGACTGGGAATCTCTCCTA	65160
Query	418978	CTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTCTCTGCTTTTTGA	419037
Sbjct	65161	CTTTATGCCTTATTTACAGCTAGGAACACTGCCTATATTTTAGGTTTCTCTGCTTTTTGA	65220
Query	419038	GATCCTATATGGGAGGCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGTATCTTAGCTGAA	419097
Sbjct	65221	GATCCTATATGGGAGGCCCTCCCATGCTGCCCTACCTCCAGTCGGTATCTTAGCTGAA	65280
Query	419098	TATGACCAGCAAACGTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATCTACACGCAACTC	419157
Sbjct	65281	TATGACCAGCAAACGTTTTAAAAATCCTTGGGAGCCCTCCATAGGATCTACACGCAACTC	65340
Query	419158	TGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTCCGTAGCCCCATTACTTTGAA	419217
Sbjct	65341	TGGCCTTCCATCAGCCAGGTTTATGAGTTTGTCCCTCTCCGTAGCCCCATTACTTTGAA	65400
Query	419218	CCATGTGACAAATCTGGATTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAACCTTGCTGGAAAG	419277
Sbjct	65401	CCATGTGACAAATCTGGATTAACAGATATAACCACAAGACTCTGGAACCTTGCTGGAAAG	65460
Query	419278	GGCCTTACATCGTGTTCCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACAGGATCAGAATGT	419337
Sbjct	65461	GGCCTTACATCGTGTTCCCTGACCACACATAGGGCTGATAAGGTGGACAGGATCAGAATGT	65520
Query	419338	GGATACATCACTCTCATGTTAACCCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAGTCAAGGTCCCAG	419397
Sbjct	65521	GGATACATCACTCTCATGTTAACCCTACGAGGAGAGACGATCCAGCAGTCAAGGTCCCAG	65580
Query	419398	CACAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAG	419457
Sbjct	65581	CACAACAGGAACAATGGAAGGTCACTCCATACCCTGTTGATACTGAAACTGTGACTCCAG	65640
Query	419458	TACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACATTTTGCTGCACCAGCCACTAGCCCCAT	419517
Sbjct	65641	TACTCCAGTGATCCTGCTTGCTTGCTGCCTACATTTTGCTGCACCAGCCACTAGCCCCAT	65700
Query	419518	TACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACCTTGTCATCAAGTTCACAGTGGCT	419577
Sbjct	65701	TACTATCTGGATTCCCCCAATGGAGATGCTACAAACCTTGTCATCAAGTTCACAGTGGCT	65760
Query	419578	GGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACTCCTCTCTCCCTGGACTTAATAAAGA	419637
Sbjct	65761	GGCAAGAAGGCAGATCAGATTGCTGGTTCTTAACTCCTCTCTCCCTGGACTTAATAAAGA	65820
Query	419638	ACCGTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAGAAGATATCCCCAACTGATTCCCG	419697
Sbjct	65821	ACCGTTGGTTACCAGACAGGGACTCTGCATTGGAAGAAGATATCCCCAACTGATTCCCG	65880
Query	419698	CCTCTCCCCTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTAACTACATACATTTATGGCCTGGC	419757
Sbjct	65881	CCTCTCCCCTGCACTGTAACGCGTACTTCAGGGCTAACTACATACATTTATGGCCTGGC	65940
Query	419758	TATAAATATGACTGAGGATTTTTATGTTCTAGTACACCATGTACCCAGAATGACTTACTA	419817
Sbjct	65941	TATAAATATGACTGAGGATTTTTATGTTCTAGTACACCATGTACCCAGAATGACTTACTA	66000
Query	419818	CTCTGGGTAGGATGTCTCCAACCAGCTAGCACCTCCACACAATCAGGTCACTTCTGTTGT	419877
Sbjct	66001	CTCTGGGTAGGATGTCTCCAACCAGCTAGCACCTCCACACAATCAGGTCACTTCTGTTGT	66060
Query	419878	GTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGCTGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCA	419937
Sbjct	66061	GTTTCTAGGTTCTCTCCTTGGCCTATAGGGCTGGCTGGAGCTGCTATTGTAGGTGCCTCA	66120
Query	419938	GCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTACGGATAGAGATAGATACAGGAAAA	419997

Sbjct	66121	GCCCTAATACTCCTAGATAAAAAATTTCAAGGCCCTACGGATAGAGATAGATACAGGAAAA	66180
Query	419998	TAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTCTGAGAGAACAGAAGAGGCCTAGA	420057
Sbjct	66181	TAGGAGATGAAATAATGCATCCCTGACAGAAGTGGTCTGAGAGAACAGAAGAGGCCTAGA	66240
Query	420058	CTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCCTTAGATGACGAATGATGTTTCTA	420117
Sbjct	66241	CTTGCTGTTCTCTAGTAGGGAGGACTCTGTGCAGCCTTAGATGACGAATGATGTTTCTA	66300
Query	420118	TGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCAGATTCTACTGATGTTAGCTTTGA	420177
Sbjct	66301	TGTTGGCTGCTCAGGGGTGGTCAAAGAATCCATGCCAGATTCTACTGATGTTAGCTTTGA	66360
Query	420178	CTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTTTGTTCAGAACAGTTTATTAAA	420237
Sbjct	66361	CTTACTGTCTCTGCATAATCAGTGCTTTAGTTTGGTTTGTTCAGAACAGTTTATTAAA	66420
Query	420238	ATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAGTGGGGTGAAATGATGAGACAGGCTGACTCC	420297
Sbjct	66421	ATCTCTCAAGGATTGGAGATGGCCCAAAGTGGGGTGAAATGATGAGACAGGCTGACTCC	66480
Query	420298	ATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGACTAAAACTGAGGCTTCATGCAA	420357
Sbjct	66481	ATGACAGGTCTCAAATTGGCAGTTCAAGAGATTAGGACTAAAACTGAGGCTTCATGCAA	66540
Query	420358	CTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGTAAGGACAATGGCTCAGCAACAGTAT	420417
Sbjct	66541	CTAGTCAGAAACTGCCCCACCACTTGGCCTAAAGTAAGGACAATGGCTCAGCAACAGTAT	66600
Query	420418	CCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCCTTAAGAGATAGAACAAGGGTTTGG	420477
Sbjct	66601	CCAGCCTTCACACCCAGGTAATAGTTCTGAATGTCCTTAAGAGATAGAACAAGGGTTTGG	66660
Query	420478	GGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGGAATCCCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCC	420537
Sbjct	66661	GGATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCTTAGGAATCCCAAGGCCCTGGGTTTCGGTCGCC	66720
Query	420538	AGCCCCGaaaaaaaaaaaaaaaaaagaacccaaaaaaaaaaaaaaGAGATATAACAAGGTC	420597
Sbjct	66721	AGCCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCAAAAAAAAAAAAAAGAGATATAACAAGGTC	66780
Query	420598	AGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAGGCTCCATGCTCCAATAACATT	420657
Sbjct	66781	AGGCCACCTACCCCTGAATTACTCAACAACAGATTCCAGGCTCCATGCTCCAATAACATT	66840
Query	420658	CCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGGGAATTCCCCAATGTGCTTTAAAT	420717
Sbjct	66841	CCCTAAGAGATAGAGCGGGATAAGGTCACCTACCTGGGAATTCCCCAATGTGCTTTAAAT	66900
Query	420718	CAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATGGGAGACCCCAGCATGCAGAAC	420777
Sbjct	66901	CAAACCTGCAAGCTCACTCGGGTATCTATCTTGATAATGGGAGACCCCAGCATGCAGAAC	66960
Query	420778	TTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTACATGCTACTTGAATCTGGATATCATTCTTC	420837
Sbjct	66961	TTCTACAGAATAAAACACTCCTTGCAATTACATGCTACTTGAATCTGGATATCATTCTTC	67020
Query	420838	TTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGGTACATGTACATACACATAT	420897
Sbjct	67021	TTGGAATCATGGATGCTTACAAAAGGACTGAAGGACAGGTACATGTACATACACATAT	67080
Query	420898	GGGGAACTTACAGCTATTTTAAACCCTGGCCTCTTGTAATGCTCTTGACAGCTGATGTAGA	420957
Sbjct	67081	GGGGAACTTACAGCTATTTTAAACCCTGGCCTCTTGTAATGCTCTTGACAGCTGATGTAGA	67140
Query	420958	AAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATACCTTCCTTACCCTTTTGCCGGACCAT	421017
Sbjct	67141	AAGGTCAGTGTTTTAGATTCAAGTGCATGGGATACCTTCCTTACCCTTTTGCCGGACCAT	67200
Query	421018	TGCCCTTCATATTTCACTGAAAATTTGGTTGATTACGGATGGGTCCCATGATTCTCTGAA	421077
Sbjct	67201	TGCCCTTCATATTTCACTGAAAATTTGGTTGATTACGGATGGGTCCCATGATTCTCTGAA	67260
Query	421078	CTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGACTCCGCCTCCTACGATGATTAAG	421137
Sbjct	67261	CTATTTCACTTGGCTCATTCTGTCTTCTGACATCGGACTCCGCCTCCTACGATGATTAAG	67320
Query	421138	CAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAATGAATAGTGTTTACATCTATTTCCACACC	421197
Sbjct	67321	CAAACCTAAGATTTTGATGTTTCAGCATTAATGAATAGTGTTTACATCTATTTCCACACC	67380
Query	421198	TGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGAGCCTCATGTAGCTGAGACTGTG	421257
Sbjct	67381	TGTGGTTCAATTATGTGCTGGGAAGAGCGGTATTGTGAGCCTCATGTAGCTGAGACTGTG	67440
Query	421258	CTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTCTGAAGGCCAGCAGAAGGTACCAACCACAAA	421317
Sbjct	67441	CTCACTCACTCATGTGTGCTTATTTGTTCTCTGAAGGCCAGCAGAAGGTACCAACCACAAA	67500

Query	421318	TCTGTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATGCTATGGTATCTATGTCACATAT	421377
Sbjct	67501	TCTGTTGATGTATAATGCTATCCTACCTCCAAGACATGCTATGGTATCTATGTCACATAT	67560
Query	421378	TTGAGGGCTAACTAGAAATATTTGCCTTGACTTATGGCTCCCTCCATCAGACCTATATCT	421437
Sbjct	67561	TTGAGGGCTAACTAGAAATATTTGCCTTGACTTATGGCTCCCTCCATCAGACCTATATCT	67620
Query	421438	GACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGGTGAGACTAAAGAGCCCAGTGACCTAAAAGCAAATA	421497
Sbjct	67621	GACACTGCTTGGGTGGCCAAGAAGGTGAGACTAAAGAGCCCAGTGACCTAAAAGCAAATA	67680
Query	421498	CTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAGATCCCAACGGAATGACTGTTAAGGGCATT	421557
Sbjct	67681	CTACCAATCTATAGAAAAATAAAATTTAAAGATCCCAACGGAATGACTGTTAAGGGCATT	67740
Query	421558	TTGCTGTACTCATACAGCTTGTTCAGTCATCAAAGCTTCCTCCTGCAGCGGATGGGAAA	421617
Sbjct	67741	TTGCTGTACTCATACAGCTTGTTCAGTCATCAAAGCTTCCTCCTGCAGCGGATGGGAAA	67800
Query	421618	TAATACAGAATgggggggTGGGGTAGAAACAGGGTGTGGGGAGGGAGAAGCTTTGGTACA	421677
Sbjct	67801	TAATACAGAATGGGGGGTGGGGTAGAAACAGGGTGTGGGGAGGGAGAAGCTTTGGTACA	67860
Query	421678	CTCATCCCTAAATGGGATTCTTTCATCAAATCCTCCAGTCAGGACTCAGGGAACCTCATG	421737
Sbjct	67861	CTCATCCCTAAATGGGATTCTTTCATCAAATCCTCCAGTCAGGACTCAGGGAACCTCATG	67920
Query	421738	AAAGAGTAAC TGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATGGAGGACAGAAAGAAAAGACAA	421797
Sbjct	67921	AAAGAGTAAC TGAAAGATTGTAAGAGCCAAAGGGAATGGAGGACAGAAAGAAAAGACAA	67980
Query	421798	GTCTCTCTAAATTAAC TGAGCAAAGCTCATATGAACTCACAGAGACTGAGGCTGGATGCA	421857
Sbjct	67981	GTCTCTCTAAATTAAC TGAGCAAAGCTCATATGAACTCACAGAGACTGAGGCTGGATGCA	68040
Query	421858	CAGGACCTCCTTAGGTCTCTACCTCTGTGtatatatatatatGGGTTTCAGTTTAGTGTT	421917
Sbjct	68041	CAGGACCTCCTTAGGTCTCTACCTCTGTGTATATATATATATGGGTTTCAGTTTAGTGTT	68100
Query	421918	TGTATGGTATTTGTGAGGGGGTCTCTGATTCTTGTACCTAactttttctttcttttcttcc	421977
Sbjct	68101	TGTATGGTATTTGTGAGGGGGTCTCTGATTCTTGTACCTACTTTTCTTTCTTTCTTCC	68160
Query	421978	tttttttttAGTATGTTTTATCTTGTTTATAATTTATTATTAAACATTAAAAGCCTGTTTT	422037
Sbjct	68161	TTTTTTTTTAGTATGTTTTATCTTGTTTATAATTTATTATTAAACATTAAAAGCCTGTTTT	68220
Query	422038	TTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAAAAGGGACAGAATTGATGGATT CAGGTA	422097
Sbjct	68221	TTACAATAAGAGACAGAAAGGAAGGGGATCAAAAAGGGACAGAATTGATGGATT CAGGTA	68280
Query	422098	TTGGGAAGTGAAGGAGGAGATACCATAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATT	422157
Sbjct	68281	TTGGGAAGTGAAGGAGGAGATACCATAATCAGGATATATGAAGTGAGAAAGAGATCTATT	68340
Query	422158	TTAAATAAATGGAAAAATAAAC CACAACCAATCAAACAAGAACAAACCAAACACCTCTC	422217
Sbjct	68341	TTAAATAAATGGAAAAATAAAC CACAACCAATCAAACAAGAACAAACCAAACACCTCTC	68400
Query	422218	TCTTCAGTACATTAAAATGAAATGTCGCCTGCCTCCTCTGTGTCCTTCATATTTAATTAC	422277
Sbjct	68401	TCTTCAGTACATTAAAATGAAATGTCGCCTGCCTCCTCTGTGTCCTTCATATTTAATTAC	68460
Query	422278	GCATTCAAGTACACTTTGTGCAACAATACATCAATTTTACAACAATGATTGTATTT CATT	422337
Sbjct	68461	GCATTCAAGTACACTTTGTGCAACAATACATCAATTTTACAACAATGATTGTATTT CATT	68520
Query	422338	TTCTCCCTACAGTGTTGGAATCCATATTCTTCTGTGTCATAATGGCGGGTTTACATTTCC	422397
Sbjct	68521	TTCTCCCTACAGTGTTGGAATCCATATTCTTCTGTGTCATAATGGCGGGTTTACATTTCC	68580
Query	422398	TCAGCTTCTCTTTTGAAGGTACAAGTCATATTTAATAAGCCGTTCTGACCGCCATAGCTG	422457
Sbjct	68581	TCAGCTTCTCTTTTGAAGGTACAAGTCATATTTAATAAGCCGTTCTGACCGCCATAGCTG	68640
Query	422458	ATGTTGTCTGCTTTAGAAAAGCGGGCACGAAGTCTAAACAAGCATAACGTATGTATTATTT	422517
Sbjct	68641	ATGTTGTCTGCTTTAGAAAAGCGGGCACGAAGTCTAAACAAGCATAACGTATGTATTATTT	68700
Query	422518	GCTGGGTTGTAGAAGAAAGATCCACAGTACAGGCAAGTGACTTAAGAGCTTTAACGTTT	422577
Sbjct	68701	GCTGGGTTGTAGAAGAAAGATCCACAGTACAGGCAAGTGACTTAAGAGCTTTAACGTTT	68760
Query	422578	AAAGCATGTTCTATGTTGCGTTGCGCTGCCACTCTCTATTACCAGCCTGTATTGTAAGCA	422637
Sbjct	68761	AAAGCATGTTCTATGTTGCGTTGCGCTGCCACTCTCTATTACCAGCCTGTATTGTAAGCA	68820
Query	422638	TTTCCAGCAGATTTTGTGTGGTTTTCATTCTTCCAGGGGGCGCAATGATCATTTCTGTG	422697

Sbjct	68821	TTTCCCAGCAGATTTTGTGTGGTTTCATTCTTCCAGGGGCGCAATGATCATTTCTGTG	68880
Query	422698	AGGCGCTACATAGTCTCAGAAAACAGGCTCCCAGCACCGCATTAAGCTCTGCCCTCC	422757
Sbjct	68881	AGGCGCTACATAGTCTCAGAAAACAGGCTCCCAGCACCGCATTAAGCTCTGCCCTCC	68940
Query	422758	TCTTGAATATTCAATTTCTGCAGGCTCAGTACGTCATAAATGATTCATGAGGAACGTGGAT	422817
Sbjct	68941	TCTTGAATATTCAATTTCTGCAGGCTCAGTACGTCATAAATGATTCATGAGGAACGTGGAT	69000
Query	422818	CAAGCTCCTCCCTTCCGTTTCCGCGCCGGCCAGCGCCATCTTGTTCCTCGTGTGAGGACG	422877
Sbjct	69001	CAAGCTCCTCCCTTCCGTTTCCGCGCCGGCCAGCGCCATCTTGTTCCTCGTGTGAGGACG	69060
Query	422878	CGGACGCGCCTTTTGTGGAAGGAGTTTCTGAAAAAAGTGGTCAGGGACCTGAAGGTGGAG	422937
Sbjct	69061	CGGACGCGCCTTTTGTGGAAGGAGTTTCTGAAAAAAGTGGTCAGGGACCTGAAGGTGGAG	69120
Query	422938	GCTGCACCATCCTGGGACCACGTCTTCGAGGAAGAGAAAAGTACGAAGAGAGCGACAGGGA	422997
Sbjct	69121	GCTGCACCATCCTGGGACCACGTCTTCGAGGAAGAGAAAAGTACGAAGAGAGCGACAGGGA	69180
Query	422998	GCGCAAACAGGCACCAGCATTGGTAACAATCTGGGGCTCTGTGGTGGGGGCCTCGGGAGC	423057
Sbjct	69181	GCGCAAACAGGCACCAGCATTGGTAACAATCTGGGGCTCTGTGGTGGGGGCCTCGGGAGC	69240
Query	423058	CGTTGGGCCGTGACGCCAGGGCTTGTGGTAGGGGCGGCCTGGCAGGGACAGTACAGTGA	423117
Sbjct	69241	CGTTGGGCCGTGACGCCAGGGCTTGTGGTAGGGGCGGCCTGGCAGGGACAGTACAGTGA	69300
Query	423118	AGGGATTCCCTATCAGGTTAAGGAACCTCCGTTTAAATGCCCTTATCCTAGATTACAGGGCAA	423177
Sbjct	69301	AGGGATTCCCTATCAGGTTAAGGAACCTCCGTTTAAATGCCCTTATCCTAGATTACAGGGCAA	69360
Query	423178	CAGGCAGGTAGGCAGAATGGGGTCCGGAGA ggtgggggtggcgggtgggggtgggggtggc	423237
Sbjct	69361	CAGGCAGGTAGGCAGAATGGGGTCCGGAGAGGTGGGGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGC	69420
Query	423238	ggtgggggtggcgggtgggggtgggggtgggggtggcgggtggcgggtggcgggtggg	423297
Sbjct	69421	GGTGGGGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGGGGTGGCGGTGGGGGTGGCGGTGGCGGTGGG	69480
Query	423298	ggtgggggtggcgggtggcgggtgggggtgggggtggg AGAATCGACATGCTTGGGGATCTC	423357
Sbjct	69481	GGTGGGGGTGGCGGTGGCGGTGGGGGTGGGGGTGGGAGAATCGACATGCTTGGGGATCTC	69540
Query	423358	CAGTCTTGGGTCAACCTCTCTAACCGCAGCCATCCCTCCTTTTCCTCGTTTTTTATAAAG	423417
Sbjct	69541	CAGTCTTGGGTCAACCTCTCTAACCGCAGCCATCCCTCCTTTTCCTCGTTTTTTATAAAG	69600
Query	423418	CGTTTTCTCGATTTTTTAATACGTCAGCAACATAGGTTTCTCTAAAATCATTTTGGTGTG	423477
Sbjct	69601	CGTTTTCTCGATTTTTTAATACGTCAGCAACATAGGTTTCTCTAAAATCATTTTGGTGTG	69660
Query	423478	TGGAAGGGGATTGTGAGTTGGTTATCATGGCATATAGGCAATAAGATATGGGGTGTATT	423537
Sbjct	69661	TGGAAGGGGATTGTGAGTTGGTTATCATGGCATATAGGCAATAAGATATGGGGTGTATT	69720
Query	423538	AATTTGTGCAGTTAATATAATTAAGATAAAAAGTAGACAAAAAGGGGGCTGGGGATTTAGC	423597
Sbjct	69721	AATTTGTGCAGTTAATATAATTAAGATAAAAAGTAGACAAAAAGGGGGCTGGGGATTTAGC	69780
Query	423598	TCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGaa	423657
Sbjct	69781	TCAGTGGTAGAGCGCTTACCTAGGAAGCTCAAGGCCCTGGGTTCGGTCCCCAGCTCCGAA	69840
Query	423658	aaaaaagaacccaaaaaaaaaaaaaaGTAGACAAAAAGGACAAATTGCTgtttttgtttcctt	423717
Sbjct	69841	AAAAAAGAACCCTAAAAAAAAAAAAAGTAGACAAAAAGGACAAATTGCTGTTTTGTTTCTT	69900
Query	423718	gttgttttggggatttgttttgttttgttgtttttctttgtttttattttgttttggtta	423777
Sbjct	69901	TGTTGTTTGGGGATTTGTTTTGTTTTGTTGTTTTTCTTTGGTTTTATTTTGTGTTGTTA	69960
Query	423778	tcattttttcatTTTTCTTAGAGAAAAACACCAGGATTTTAGACATAGAGTTAGCAGTGATT	423837
Sbjct	69961	TCATTTTTCATTTTTCTTAGAGAAAAACACCAGGATTTTAGACATAGAGTTAGCAGTGATT	70020
Query	423838	CACCTAGGCTTGACATCTTTGTGTCATGGATTTCCTGTTTCTCTGGTCCAGCACAGACATA	423897
Sbjct	70021	CACCTAGGCTTGACATCTTTGTGTCATGGATTTCCTGTTTCTCTGGTCCAGCACAGACATA	70080
Query	423898	ATGTTTTACATGAGATCTGTCTTGTGAGATGGATTTCACGTCAGAGTAGTAGTGCCACACA	423957
Sbjct	70081	ATGTTTTACATGAGATCTGTCTTGTGAGATGGATTTCACGTCAGAGTAGTAGTGCCACACA	70140
Query	423958	TACCACCCTGAAAAGACTTCTTAGAGCCAGTCTGTAGACATTTTGTGTGAGTGTACTTAG	424017
Sbjct	70141	TACCACCCTGAAAAGACTTCTTAGAGCCAGTCTGTAGACATTTTGTGTGAGTGTACTTAG	70200

Query	424018	ACTTGTCTGCCTTTGTGGTATAGTCTCCACTTTCCTTAGTCGCTTGACTCACTCAGCAGA	424077
Sbjct	70201	ACTTGTCTGCCTTTGTGGTATAGTCTCCACTTTCCTTAGTCGCTTGACTCACTCAGCAGA	70260
Query	424078	TTAACTTTAGTTATGTGAAGAACTTCCCAAAAGACTAGACTGGAATTTTGGAGGGTATA	424137
Sbjct	70261	TTAACTTTAGTTATGTGAAGAACTTCCCAAAAGACTAGACTGGAATTTTGGAGGGTATA	70320
Query	424138	GTCCATCTGCTGTCACTCTCCAGTCTGATTTGTGAGGGCTCTGTAATTCTTATCCTTTC	424197
Sbjct	70321	GTCCATCTGCTGTCACTCTCCAGTCTGATTTGTGAGGGCTCTGTAATTCTTATCCTTTC	70380
Query	424198	ACTGGCCCTTCCCTCCCTACTTCTCTGGCAGCATATAATGTGGAATTCTGTTTTATTGTT	424257
Sbjct	70381	ACTGGCCCTTCCCTCCCTACTTCTCTGGCAGCATATAATGTGGAATTCTGTTTTATTGTT	70440
Query	424258	TAGAGACACCCAGTTTCGGTTTGGTATCTTATCAGTGTCTGCTCACTGATTCTTTTGGAT	424317
Sbjct	70441	TAGAGACACCCAGTTTCGGTTTGGTATCTTATCAGTGTCTGCTCACTGATTCTTTTGGAT	70500
Query	424318	ATAAACTGTTAAACTTCTGATATACCTTTGTAGCATCCTTGCAGGCTTTACAGCAAGTA	424377
Sbjct	70501	ATAAACTGTTAAACTTCTGATATACCTTTGTAGCATCCTTGCAGGCTTTACAGCAAGTA	70560
Query	424378	AACCATCAGGATGAGCTATGAATGAACTGGGATCAGCCTGATGTTGGAACCTGGTGCTTG	424437
Sbjct	70561	AACCATCAGGATGAGCTATGAATGAACTGGGATCAGCCTGATGTTGGAACCTGGTGCTTG	70620
Query	424438	GGCCAAGATTTTCGGAGTCTGTCTTGTCTTGTAGCTCACAGAGCACAATTTTGGAGATAC	424497
Sbjct	70621	GGCCAAGATTTTCGGAGTCTGTCTTGTCTTGTAGCTCACAGAGCACAATTTTGGAGATAC	70680
Query	424498	GCGTTCTAATAATAATAATTCAGTCCCAAGTACACAACAAATTTAAGACACTGAGATTCT	424557
Sbjct	70681	GCGTTCTAATAATAATAATTCAGTCCCAAGTACACAACAAATTTAAGACACTGAGATTCT	70740
Query	424558	TTACAAAGTACACCCTGACttttttttttCCACAAGGATGGGACTTATTGATTAGAATAG	424617
Sbjct	70741	TTACAAAGTACACCCTGACTTTTTTTTTTCCACAAGGATGGGACTTATTGATTAGAATAG	70800
Query	424618	TGCCAGAGATCTAGGGCCATTGACCTGGCCCTGAGGTAGCATAGGAACCACTGAGGCTGT	424677
Sbjct	70801	TGCCAGAGATCTAGGGCCATTGACCTGGCCCTGAGGTAGCATAGGAACCACTGAGGCTGT	70860
Query	424678	TGATAAGTACAGTCACATCACTCATAAGAATGGCTTTTATGGCCTAGAAGCAATGTGCAG	424737
Sbjct	70861	TGATAAGTACAGTCACATCACTCATAAGAATGGCTTTTATGGCCTAGAAGCAATGTGCAG	70920
Query	424738	GATTTAGAGAGAAAGGTTCTGGAATGGGTAAAACAATTTCTGGGTTACGGGTGGCTCATC	424797
Sbjct	70921	GATTTAGAGAGAAAGGTTCTGGAATGGGTAAAACAATTTCTGGGTTACGGGTGGCTCATC	70980
Query	424798	AGCAAAATGTCACCATGGTGTAAGTACACCTATTCTAGCATTCCAGGAGGAAGACAGG	424857
Sbjct	70981	AGCAAAATGTCACCATGGTGTAAGTACACCTATTCTAGCATTCCAGGAGGAAGACAGG	71040
Query	424858	TAAACATCTCTTTCCTTTGAAGGATGCCTGTTTGCTTGTTTAACTTTTCTGTTTCTCTA	424917
Sbjct	71041	TAAACATCTCTTTCCTTTGAAGGATGCCTGTTTGCTTGTTTAACTTTTCTGTTTCTCTA	71100
Query	424918	GTGCTTATCTCTGTGCACAAACACTTTTTGCCCTCTACACTGACCATGAAGAGCTACATT	424977
Sbjct	71101	GTGCTTATCTCTGTGCACAAACACTTTTTGCCCTCTACACTGACCATGAAGAGCTACATT	71160
Query	424978	AGTTTGACTTATGTCAGATATACAGATTCAGTGCTTTTTCTCTCACAGAAGGGTAGCGAG	425037
Sbjct	71161	AGTTTGACTTATGTCAGATATACAGATTCAGTGCTTTTTCTCTCACAGAAGGGTAGCGAG	71220
Query	425038	GCACACTCGCACGCACACAGACAAAACCTTTTGTGAAGAGAATGTTTCTGCCACAGGGCCT	425097
Sbjct	71221	GCACACTCGCACGCACACAGACAAAACCTTTTGTGAAGAGAATGTTTCTGCCACAGGGCCT	71280
Query	425098	CAGCTGTGATGTTCCCTAttttttttCAGATGTCCAGCTCGGTCTGTCCAAGAAACGCAG	425157
Sbjct	71281	CAGCTGTGATGTTCCCTATTTTTTTCAGATGTCCAGCTCGGTCTGTCCAAGAAACGCAG	71340
Query	425158	AGTGTCTGGACCTGACTCTGAGGTGGATTCTAGTTGGCCTTCTACCCATTCTGTGATGTT	425217
Sbjct	71341	AGTGTCTGGACCTGACTCTGAGGTGGATTCTAGTTGGCCTTCTACCCATTCTGTGATGTT	71400
Query	425218	TGGCGCACCCCAAGGGCCAAACAGCGTGAGTATGGCTTTTGTCAAGATGGAAACTCTCAG	425277
Sbjct	71401	TGGCGCACCCCAAGGGCCAAACAGCGTGAGTATGGCTTTTGTCAAGATGGAAACTCTCAG	71460
Query	425278	CGGAGGTGGTGAAGTACCTCTTGTTTTTCCAAATGTCTAAGTCTCATTACTGTTTTATCT	425337
Sbjct	71461	CGGAGGTGGTGAAGTACCTCTTGTTTTTCCAAATGTCTAAGTCTCATTACTGTTTTATCT	71520
Query	425338	CCCCTGGAACCTCTGTGCTCATCTTTAGGGAATGTCAAAAAACAAGGAAATGGATATAGAT	425397



Sbjct	71521	CCCCTGGAAC TCTGTGCTCATCTTTAGGGAATGTCAAAAAACAAGGAAATGGATATAGAT	71580
Query	425398	GAAAGCCTTTACTCCCGCCAGCTGTGAGTGGTACCCAGGATGGGAGGTGGAGATTGGGAA	425457
Sbjct	71581	GAAAGCCTTTACTCCCGCCAGCTGTGAGTGGTACCCAGGATGGGAGGTGGAGATTGGGAA	71640
Query	425458	GAAGTACCTAGCGGGGCAGACCCTAACCTAGAGTTCTTTGCTGACAGGTATGTACTAGGT	425517
Sbjct	71641	GAAGTACCTAGCGGGGCAGACCCTAACCTAGAGTTCTTTGCTGACAGGTATGTACTAGGT	71700
Query	425518	CATGAGGCAATGAAACATCTCCAGACGTCCAGTGTACTGATATCAGGCCTGCAGGGTCTG	425577
Sbjct	71701	CATGAGGCAATGAAACATCTCCAGACGTCCAGTGTACTGATATCAGGCCTGCAGGGTCTG	71760
Query	425578	GGTGTGGAAATTGCCAAGAATATCATCCTTGGTGGGGTCAAGGCTGTCACTCTCCATGAC	425637
Sbjct	71761	GGTGTGGAAATTGCCAAGAATATCATCCTTGGTGGGGTCAAGGCTGTCACTCTCCATGAC	71820
Query	425638	CAGGGCACTGCCAGTGGGCTGATCTGTCTTCCCAGGTATCTCTCTTTGGCTTCCCTTTG	425697
Sbjct	71821	CAGGGCACTGCCAGTGGGCTGATCTGTCTTCCCAGGTATCTCTCTTTGGCTTCCCTTTG	71880
Query	425698	CCTAGGCTCCAGCATGGGCACTGCTTATGTTGCAGTCTTATCTTCTATCCATTCTTAC	425757
Sbjct	71881	CCTAGGCTCCAGCATGGGCACTGCTTATGTTGCAGTCTTATCTTCTATCCATTCTTAC	71940
Query	425758	AGTTCTACCTGCATGAGGAAGATATTGGCAAAAATCGAGCTGAGGTATCCCAACCACGCC	425817
Sbjct	71941	AGTTCTACCTGCATGAGGAAGATATTGGCAAAAATCGAGCTGAGGTATCCCAACCACGCC	72000
Query	425818	TTGCTGAAC TCAACAGTTATGTTCC TGTGCACACTTACACTGGACCTCTAGTTGACGACT	425877
Sbjct	72001	TTGCTGAAC TCAACAGTTATGTTCC TGTGCACACTTACACTGGACCTCTAGTTGACGACT	72060
Query	425878	TCCTTAGTGGTTTTTCAGGTATCCTGGTACTAGTATATCCCCATTCTTGCTGCCTTATTCT	425937
Sbjct	72061	TCCTTAGTGGTTTTTCAGGTATCCTGGTACTAGTATATCCCCATTCTTGCTGCCTTATTCT	72120
Query	425938	TTCAGCTTTGTTGTCA TTTAGGCTGGCACCTTCTGACAGGTTTAGTTTTGGAAAATTAGG	425997
Sbjct	72121	TTCAGCTTTGTTGTCA TTTAGGCTGGCACCTTCTGACAGGTTTAGTTTTGGAAAATTAGG	72180
Query	425998	AGATGTAGGTGGCCCCAGAGGGGCAGATTCTTCTCAAAGGGTGTTGTGTTTATAGTGAG	426057
Sbjct	72181	AGATGTAGGTGGCCCCAGAGGGGCAGATTCTTCTCAAAGGGTGTTGTGTTTATAGTGAG	72240
Query	426058	ATCTGGAGCCCAGCACCTGCATGTATAATTCTCAGACTGTCGTATGAGCAGGTGTGATGA	426117
Sbjct	72241	ATCTGGAGCCCAGCACCTGCATGTATAATTCTCAGACTGTCGTATGAGCAGGTGTGATGA	72300
Query	426118	GAGCAAACCCAGGTTGACTGGGTAATTATTGTTGAATATAACCTGGCTGTAGGTAGCCAA	426177
Sbjct	72301	GAGCAAACCCAGGTTGACTGGGTAATTATTGTTGAATATAACCTGGCTGTAGGTAGCCAA	72360
Query	426178	GCTGTCTTATTTTCACCAGATAAATGAACTTAGCTGGTCATCAGACCTTGTTTGTCCAGC	426237
Sbjct	72361	GCTGTCTTATTTTCACCAGATAAATGAACTTAGCTGGTCATCAGACCTTGTTTGTCCAGC	72420
Query	426238	AGTGCTATTATTTCTTGCTGTAGTTGGTAGTGTTTTTTAAAGCTGTTCTCTGACCCTTATT	426297
Sbjct	72421	AGTGCTATTATTTCTTGCTGTAGTTGGTAGTGTTTTTTAAAGCTGTTCTCTGACCCTTATT	72480
Query	426298	ATGTCTGATACCCATTGAGACTCACTCGAGTGTCATGTGACAAAAGGCTGAGCCAGCAG	426357
Sbjct	72481	ATGTCTGATACCCATTGAGACTCACTCGAGTGTCATGTGACAAAAGGCTGAGCCAGCAG	72540
Query	426358	ATCCTGGAGATTGGATTCTTCCCCCTTCTCCTTCACCTCTGTCAGCTTTTTTATTCTCTC	426417
Sbjct	72541	ATCCTGGAGATTGGATTCTTCCCCCTTCTCCTTCACCTCTGTCAGCTTTTTTATTCTCTC	72600
Query	426418	GCTCCACCC TAAACCTGAGCCTGTTGGTCTTTACAGGTGGTGGTTCTTACCAACACTCCT	426477
Sbjct	72601	GCTCCACCC TAAACCTGAGCCTGTTGGTCTTTACAGGTGGTGGTTCTTACCAACACTCCT	72660
Query	426478	TTGGAATATCAGCTGCAGGTGGGTGAATTCTGCCATAGCCATGGAATCAAGCTGGTAGTA	426537
Sbjct	72661	TTGGAATATCAGCTGCAGGTGGGTGAATTCTGCCATAGCCATGGAATCAAGCTGGTAGTA	72720
Query	426538	GCAGACACTCGGGGCCTAGTTGGGTGAGTGCTTACTTGCTTCTTTCTTCTCTAACTTCTA	426597
Sbjct	72721	GCAGACACTCGGGGCCTAGTTGGGTGAGTGCTTACTTGCTTCTTTCTTCTCTAACTTCTA	72780
Query	426598	CCAAACATAGGCCAAGAGTCTCCCAAGCCTTCATGTCTCCCCACCAACCAGATTTGAA	426657
Sbjct	72781	CCAAACATAGGCCAAGAGTCTCCCAAGCCTTCATGTCTCCCCACCAACCAGATTTGAA	72840
Query	426658	ATGAttttttcattttttCCTGTGTGTTTTGAGCATGACCTGATCTGCTCCAGTACCTTGA	426717
Sbjct	72841	ATGATTTTTCATTTTTTCCTGTGTGTTTTGAGCATGACCTGATCTGCTCCAGTACCTTGA	72900

Query	426718	GTGTCAGAAGGTCCTGTACTTGGTCCAAATCACCACGCCCATTCGCTCCTTCCTTAGACA	426777
Sbjct	72901	GTGTCAGAAGGTCCTGTACTTGGTCCAAATCACCACGCCCATTCGCTCCTTCCTTAGACA	72960
Query	426778	ACTCTTCTGTGACTTTGGAGAGGAAATGATTCTCACTGATGCAAATGGAGAACAGCCACT	426837
Sbjct	72961	ACTCTTCTGTGACTTTGGAGAGGAAATGATTCTCACTGATGCAAATGGAGAACAGCCACT	73020
Query	426838	CAGTGCTATGGTTTCAATGATCACTAAGGTAAGGAGACTAGCCCCCTTAGGTCCTCCTGCA	426897
Sbjct	73021	CAGTGCTATGGTTTCAATGATCACTAAGGTAAGGAGACTAGCCCCCTTAGGTCCTCCTGCA	73080
Query	426898	AAGAAAGGCAGTTACttttttttttccttttccttttccttttctctcaccctccttttttc	426957
Sbjct	73081	AAGAAAGGCAGTTACTTTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTCTCACCTCCTTTTTTC	73140
Query	426958	caccctctctcctctccttccttttctcacctattttttgctcttgagaattcctctcctttt	427017
Sbjct	73141	CACCTCTCTCCTCTCCTTCTTTCTCACTATTTTGTCTTGAGAATTCTCTCCCTTT	73200
Query	427018	ctttttccCATTCCCTCTCActttttttttAAAGATTTATTTATTTATTATATATAAGTACA	427077
Sbjct	73201	CTTTTCCCATTCCTCTCATTTTTTTTTTTAAAGATTTATTTATTTATTATATATAAGTACA	73260
Query	427078	CTGTAGCTGTCTTCAGATACACCAGAAGAGGGCATCAGATCTCTTTACAGATGGTTGTGA	427137
Sbjct	73261	CTGTAGCTGTCTTCAGATACACCAGAAGAGGGCATCAGATCTCTTTACAGATGGTTGTGA	73320
Query	427138	GCCACCATGTGGTTGCTGGGAATTGAACTCATGACCTCTGGAAGAGCAGTCGGGTGCTCT	427197
Sbjct	73321	GCCACCATGTGGTTGCTGGGAATTGAACTCATGACCTCTGGAAGAGCAGTCGGGTGCTCT	73380
Query	427198	TAACTGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCTCCCTCTCActttttttATTCTTTTCCCGTTCCCC	427257
Sbjct	73381	TAACTGCTGAGCCATCTCTCCAGCCCTCCCTCTCATTTTTTTTATTCTTTTCCCGTTCCCC	73440
Query	427258	TTCTCCTTCCCTTCCCTGTCTCACCTAACAATTGAACTTGGGATCTACCACTAAATAGG	427317
Sbjct	73441	TTCTCCTTCCCTTCCCTGTCTCACCTAACAATTGAACTTGGGATCTACCACTAAATAGG	73500
Query	427318	TGAGTAGCCTGTCACTGAGGTAAATTAAAACCTCCTTAGTGGCTGTCAGCCTGCCCTTGAC	427377
Sbjct	73501	TGAGTAGCCTGTCACTGAGGTAAATTAAAACCTCCTTAGTGGCTGTCAGCCTGCCCTTGAC	73560
Query	427378	TGAAAATCCTGGGTGGTTTTTCACTTGTTTGTTCTTGGGTGATTTTAAGGCTAGGGTGAA	427437
Sbjct	73561	TGAAAATCCTGGGTGGTTTTTCACTTGTTTGTTCTTGGGTGATTTTAAGGCTAGGGTGAA	73620
Query	427438	CCTTCTGCCTCAGTTTCCACAGTGGTGGGACTATAAGCATGCCACACTGTACGTACATAG	427497
Sbjct	73621	CCTTCTGCCTCAGTTTCCACAGTGGTGGGACTATAAGCATGCCACACTGTACGTACATAG	73680
Query	427498	CTTAACTCTCAATCctttttctttttcttttttccttttcTCCCTAACCAGGAGAATCCAGG	427557
Sbjct	73681	CTTAACTCTCAATCTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTCCCTAACCAGGAGAATCCAGG	73740
Query	427558	GATTGTACCTGCTTGGAGGAAACCCGGCATGGATTGAAAGTGGTGACTTGTCTCTTT	427617
Sbjct	73741	GATTGTACCTGCTTGGAGGAAACCCGGCATGGATTGAAAGTGGTGACTTGTCTCTTT	73800
Query	427618	CACAGAAGTTCAAGGCATGAGTGAACGAATGGCATTGGTCCTATGGAGATCAAAGTTCT	427677
Sbjct	73801	CACAGAAGTTCAAGGCATGAGTGAACGAATGGCATTGGTCCTATGGAGATCAAAGTTCT	73860
Query	427678	GGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGGTGGCAGAGGACAAAGGGAAGGTT	427737
Sbjct	73861	GGGTATGGCAAGCCTGGGGAAGGAGGGTGAGAAGTGGTGGCAGAGGACAAAGGGAAGGTT	73920
Query	427738	GGCCCTGTGATGTGGGCTTGCTCTCAGAAGCTAAGAGGTCACCTCTAGAACTTTCCCAGCAG	427797
Sbjct	73921	GGCCCTGTGATGTGGGCTTGCTCTCAGAAGCTAAGAGGTCACCTCTAGAACTTTCCCAGCAG	73980
Query	427798	ACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCTGAGTGCTGATTCTGAGTGCTGGCA	427857
Sbjct	73981	ACTGAGCTGATCTCAAACCCAGAGTCCTCTTGCTGAGTGCTGATTCTGAGTGCTGGCA	74040
Query	427858	TTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTTGTGTTTCCCACCTCCACTGTGGG	427917
Sbjct	74041	TTAAAGCCACATGCCGGGATAAAACACTGCCTAACTTGTGTTTCCCACCTCCACTGTGGG	74100
Query	427918	AGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAGACAGCCCACTTATTCCTTGGT	427977
Sbjct	74101	AGAGTGACACAGGACTGATTCTTGCTTATTGGTCAAGACAGCCCACTTATTCCTTGGT	74160
Query	427978	CTTATTCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTTATTTTAGACAATTAAATCTTCTCTT	428037
Sbjct	74161	CTTATTCCTTTTGACTTTCCCCCTTTTGGTTTTATTTTAGACAATTAAATCTTCTCTT	74220
Query	428038	TAAGCTATAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCTAGTGTGTGTGATTACTAAGCTAG	428097

Sbjct	74221	TAAGCTATAAAAAAGTCTTAAGAGACTAGGTCCTTTCTAGTGTGTGTGATTACTAAGCTAG	74280
Query	428098	GTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCATCACAACGTGAATGAGATCTCAT	428157
Sbjct	74281	GTTCTGGTAGACTAATGGCTGGAAAGTTGTGATCTCATCACAACGTGAATGAGATCTCAT	74340
Query	428158	GCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACACAGTGTACTTATATAGAATAAGTAAATAAA	428217
Sbjct	74341	GCCCTCGCATGGTCTGTCTGAAGACAACACAGTGTACTTATATAGAATAAGTAAATAAA	74400
Query	428218	TTTGTAGtttttttctttttAAAGaaaaaaaaaaaaGGAAAATTGGGTGTCACTGTGGA	428277
Sbjct	74401	TTTGTAGTTTTTTCTTTTAAAGAAAAAAAAAAAAAGGAAAATTGGGTGTCACTGTGGA	74460
Query	428278	TGATGTCGTTACCTGTAGCCTGGCACTCAGGAGGTGGTGGATGCAGGAGTATTAGAAGT	428337
Sbjct	74461	TGATGTCGTTACCTGTAGCCTGGCACTCAGGAGGTGGTGGATGCAGGAGTATTAGAAGT	74520
Query	428338	TCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCCATTTGAATCCCTGTCTCCGAATG	428397
Sbjct	74521	TCAAGCCCAGTTCAAGAGCAAGAGGCCAGCCTGGGCCATTTGAATCCCTGTCTCCGAATG	74580
Query	428398	AACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACAAGTACAGGGtttttggttttttt	428457
Sbjct	74581	AACAAGCACATGGAAAAGAATTGCTTTGTCTTGAACAAGTACAGGGTTTTTGGTTTTTTT	74640
Query	428458	ttttttCTTCTCTTTAGTCACTAGATGTTAGTAAAGTACTGGACATTAATATAGCAAATC	428517
Sbjct	74641	TTTTTCTTCTCTTTAGTCACTAGATGTTAGTAAAGTACTGGACATTAATATAGCAAATC	74700
Query	428518	AGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTTGAGTTTCAGCCCCAGAACTGTG	428577
Sbjct	74701	AGTCGGTAAAGTTCTTGCTGTGGTCTCACAAGTGCTTGAGTTTCAGCCCCAGAACTGTG	74760
Query	428578	TAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGATCTTTACAGAGCTTGTGCGTAGCGCCTGGGAG	428637
Sbjct	74761	TAAGAAGAATTAGGTCCTATGGCTTGATCTTTACAGAGCTTGTGCGTAGCGCCTGGGAG	74820
Query	428638	ATGGAGACAAGTAGatttctttttgtcttgttttaaatattctattttttgcattgtgtg	428697
Sbjct	74821	ATGGAGACAAGTAGATTTCCTTTTGCTCTGTTTTAAATTTATTCTATTTTTGCATGTGTG	74880
Query	428698	tatatatgttttttGGGTATGTCTGAGACATACAGACACTTGTGAGTGGCCAGAGAGCA	428757
Sbjct	74881	TATATATGTTTTTGGGGTATGTCTGAGACATACAGACACTTGTGAGTGGCCAGAGAGCA	74940
Query	428758	GGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAGACAGAGGAGACATCTGTTCCCTC	428817
Sbjct	74941	GGAAGCACTCACTCTCAGCCTCTGAATCAGATCATAGACAGAGGAGACATCTGTTCCCTC	75000
Query	428818	CCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGATGTGTGAGTTCCCCAGCACCTG	428877
Sbjct	75001	CCCCTTCTTGTTTTTCTGCATTGAAACAAAAGCCAGATGTGTGAGTTCCCCAGCACCTG	75060
Query	428878	GAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCTGTTTGGTATGGGTAGCCCTCAGC	428937
Sbjct	75061	GAGTCTGAAGCTGTATGAGTGAGATTGTGGCCATTCTGTTTGGTATGGGTAGCCCTCAGC	75120
Query	428938	TAGCTTTGAACCTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGTGATAGTTGTGTACTCCCATGCCT	428997
Sbjct	75121	TAGCTTTGAACCTCTGAATCGCCCTGAGTTGCTGGGGTGATAGTTGTGTACTCCCATGCCT	75180
Query	428998	TTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTATCGCTTTGCtttttttGCTTGCTT	429057
Sbjct	75181	TTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTGATGGATGTGTATCGCTTTGCTTTTTTTGCTTGCTT	75240
Query	429058	GTGTGCTTGCTCACTTGTCCTATCTGAGTAGAGTTTGCAGTTTTTAAAAACCTGGTGTG	429117
Sbjct	75241	GTGTGCTTGCTCACTTGTCCTATCTGAGTAGAGTTTGCAGTTTTTAAAAACCTGGTGTG	75300
Query	429118	TCTTAAGACTTGGACTATGAGTTTTTTGTACTTGACGTTGAGAGGTGGCAAGGGCACGA	429177
Sbjct	75301	TCTTAAGACTTGGACTATGAGTTTTTTGTACTTGACGTTGAGAGGTGGCAAGGGCACGA	75360
Query	429178	TTGGACTGGAAGTGTTCTCCATCTTGTTGATCTTTAGGTCCCTATTTCCTTTAGTATCTG	429237
Sbjct	75361	TTGGACTGGAAGTGTTCTCCATCTTGTTGATCTTTAGGTCCCTATTTCCTTTAGTATCTG	75420
Query	429238	TGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGCATTGTGAGTCAAGTGAAAGTATC	429297
Sbjct	75421	TGATACCTCCAGCTTCTCTGAGTACACCCGTGGAGGCATTGTGAGTCAAGTGAAAGTATC	75480
Query	429298	TCAGAAGATCAGTTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCTGTGAATGGAAGGACTCCTGCTTT	429357
Sbjct	75481	TCAGAAGATCAGTTTTTGTGAGTTGGTGGTGGGGGGCTGTGAATGGAAGGACTCCTGCTTT	75540
Query	429358	TGAGATTCATACGTTGTTTCATATCTGGTTTTGATGCTTCGTTATCCACAGAAATCCCTAG	429417
Sbjct	75541	TGAGATTCATACGTTGTTTCATATCTGGTTTTGATGCTTCGTTATCCACAGAAATCCCTAG	75600

Query	429418	TTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGATTTTGCTAAGTGCTGTCGCCCTG	429477
Sbjct	75601	TTGCCTCGCTGGCAGAGCCAGAGTTTGTGATAACAGATTTTGCTAAGTGCTGTCGCCCTG	75660
Query	429478	CTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTTCTGTACTCAGCACAGCAGGCCTC	429537
Sbjct	75661	CTCAGCTCCACATTGGCTTCCAGGCCCTGCATCAGTTCTGTACTCAGCACAGCAGGCCTC	75720
Query	429538	CTCGGCCCCATAATGAGGTAAATGAGTGGGAAGCCAGCCCGGACCTCTGGTATGTCTGT	429597
Sbjct	75721	CTCGGCCCCATAATGAGGTAAATGAGTGGGAAGCCAGCCCGGACCTCTGGTATGTCTGT	75780
Query	429598	TTCTTGTACCTGTTCTTCCCTGCAGTAGGACCTGATAGACTGTTATCTTGGTTTCGTTTTGA	429657
Sbjct	75781	TTCTTGTACCTGTTCTTCCCTGCAGTAGGACCTGATAGACTGTTATCTTGGTTTCGTTTTGA	75840
Query	429658	CCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGCACAGGCTGTGAATGCTCAATCTT	429717
Sbjct	75841	CCAACCAGGAGGATGCTGCAGAAATGGTGACCTTAGCACAGGCTGTGAATGCTCAATCTT	75900
Query	429718	TGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCTCATCCGGAAGTTGGCCTATGTAG	429777
Sbjct	75901	TGCCAGCAGTCCAGCAGGATTGCCTAGATATAGACCTCATCCGGAAGTTGGCCTATGTAG	75960
Query	429778	CAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTCATTGGTGGTTTGGCTGCCCAGGAGGTCA	429837
Sbjct	75961	CAGCTGGGGATCTGGCACCCATGAGTGCTTTCATTGGTGGTTTGGCTGCCCAGGAGGTCA	76020
Query	429838	TGAAGGTGAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGGACTGCTGTGTGCTTCTGGTTCCCTCACT	429897
Sbjct	76021	TGAAGGTGAGCAGTAGTGGGAAAGGGTGGTGGACTGCTGTGTGCTTCTGGTTCCCTCACT	76080
Query	429898	GCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGACAACACTCTTCTCCAGGCTTGT	429957
Sbjct	76081	GCCTTTTAGTCCCTGTCACTTCCAGTTTGGCTGCTGACAACACTCTTCTCCAGGCTTGT	76140
Query	429958	TCTGGAAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACTTTGATGCCCTCGAATGTCTCCCG	430017
Sbjct	76141	TCTGGAAAGTTTATGCCTATTAGGCAGTGGCTGTACTTTGATGCCCTCGAATGTCTCCCG	76200
Query	430018	GAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGCCGGTAGGTCTGTGGGAACACTAG	430077
Sbjct	76201	GAGCACAGAGTGGCCTTCATGGAAGATAAGTGCCTGCCGGTAGGTCTGTGGGAACACTAG	76260
Query	430078	GGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAACCTGTCTGTACTCATTACGTAAA	430137
Sbjct	76261	GGACGTTTGGGAACATCTTGAAGGAAGTGTCTCTAACCTGTCTGTACTCATTACGTAAA	76320
Query	430138	TCCAGCGCCAGAACCGTTACGATGGGCAAGTGGCGGTATTTGGATCAGACCTACAAGAGA	430197
Sbjct	76321	TCCAGCGCCAGAACCGTTACGATGGGCAAGTGGCGGTATTTGGATCAGACCTACAAGAGA	76380
Query	430198	AGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCCTGGTGATTGACACTAGCAATAGGCTCTGCCCCTCT	430257
Sbjct	76381	AGCTTGGCAAGCAGAAGTACTTCCTGGTGATTGACACTAGCAATAGGCTCTGCCCCTCT	76440
Query	430258	TTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATCTTTTGGTTTTTCATGTCCTGATCA	430317
Sbjct	76441	TTATAAGATCTCTTCCCTAATCCTTTGGGGAGGGATCTTTTGGTTTTTCATGTCCTGATCA	76500
Query	430318	CATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGGCTTTGTGTATctctctctctctctt	430377
Sbjct	76501	CATCACCTATTCTGTTTTGTGGTTGGTTGAGGAAAGGCTTTGTGTATCTCTCTCTCTCTT	76560
Query	430378	tttttttttttCTTCCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAGGAATATCTGTCATCCCTTTGAAT	430437
Sbjct	76561	TTTTTTTTTTTCTTCCCCTCTGCCTCAGTCACCCATAGGAATATCTGTCATCCCTTTGAAT	76620
Query	430438	TGAATGTTTGTACTACACAATCTTGTGTTCTGTGTGGTGTTCCTTTTGGGAGTAAGGAA	430497
Sbjct	76621	TGAATGTTTGTACTACACAATCTTGTGTTCTGTGTGGTGTTCCTTTTGGGAGTAAGGAA	76680
Query	430498	TTGTGGGTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGATCAGAGGGTTTACCAAACTTCCAG	430557
Sbjct	76681	TTGTGGGTAGCATATGCCATCACTATTCCCTCTGATCAGAGGGTTTACCAAACTTCCAG	76740
Query	430558	GTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGAACTTTGCCATGATTGGCCTTGGC	430617
Sbjct	76741	GTAGGTGCAGGTGCCATTGGTTGTGAGCTGCTCAAGAACTTTGCCATGATTGGCCTTGGC	76800
Query	430618	TGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGGACACCATTGAGAAGTCAAACCTG	430677
Sbjct	76801	TGTGGAGAGGGTGGAGAAATCACAGTTACAGACATGGACACCATTGAGAAGTCAAACCTG	76860
Query	430678	AACAGACAGTTTCTCTTTTCGCCCCCTGGGATGTCACAGTGAGTAGGATGGCTTCTGTTTGA	430737
Sbjct	76861	AACAGACAGTTTCTCTTTTCGCCCCCTGGGATGTCACAGTGAGTAGGATGGCTTCTGTTTGA	76920
Query	430738	TTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTTGCTTTCCTCTCCTCTCTTTATTTCCTCCTA	430797

Sbjct	76921	TTGCAATCTAAATGGCTTACATGTTTTTGTCTTTCCTCTCCTCTCTTTATTTCCCTCCTA	76980
Query	430798	TTTTTCAGGCATTACAGATGTAAGGTCAGTAGACATAATTACCTGTCACGTTTTTTCATTT	430857
Sbjct	76981	TTTTTCAGGCATTACAGATGTAAGGTCAGTAGACATAATTACCTGTCACGTTTTTTCATTT	77040
Query	430858	GCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTGTGCATTGCAGATGTGACATTGTA	430917
Sbjct	77041	GCCTTGTTCTCCCTCCCCACCTAAGCTCGAATGCTTGTGCATTGCAGATGTGACATTGTA	77100
Query	430918	AGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATAGGTCAGTGTTACCTTGATTGACT	430977
Sbjct	77101	AGATGGGTAATAGAGTCATTACTGGGTATTCCCTATAGGTCAGTGTTACCTTGATTGACT	77160
Query	430978	CGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTTTTACCCTAAGCATCCTAGCCTCT	431037
Sbjct	77161	CGCTGATAATCCATCTTTGCTTTGCTTTGCTTTGTTTTTACCCTAAGCATCCTAGCCTCT	77220
Query	431038	AGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCTCTCTAAGATTGGGAAGATTGGAG	431097
Sbjct	77221	AGATTTACAAGGTAACGAAAGAAATGTTCTGTTCCTCTCTAAGATTGGGAAGATTGGAG	77280
Query	431098	CAAGTGAGAATCTTCTGAGTGCATTTTGGTATCCTCCTGTAACACTGAGTCTGCCAGAC	431157
Sbjct	77281	CAAGTGAGAATCTTCTGAGTGCATTTTGGTATCCTCCTGTAACACTGAGTCTGCCAGAC	77340
Query	431158	TCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATCTTTTCCTACCCAGATTGCTCTAA	431217
Sbjct	77341	TCAGTAATAACTTAAATGGTATTAAATACTGTTTATCTTTTCCTACCCAGATTGCTCTAA	77400
Query	431218	CAGTGGAAGGACAAATTTCTTCATACTTTTAGAAAGCCAGGTCAGGGAAGCTGGGATG	431277
Sbjct	77401	CAGTGGAAGGACAAATTTCTTCATACTTTTAGAAAGCCAGGTCAGGGAAGCTGGGATG	77460
Query	431278	CTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAACATagaagggggaggaggggggaga	431337
Sbjct	77461	CTGTTTTCCCGTATAACTAGGATGTGATGGCCAAAAACATAGAAGGGGAGGAGGGGGAGA	77520
Query	431338	gggaaatggaagaagaggagggggggggaggaggaggaAAGAAAGAAAGAAAGCTACGT	431397
Sbjct	77521	GGGAAATGGAAGAAGAGGAGGGGGGGGGAGGAGGAGGAAAGAAAGAAAGAAAGCTACGT	77580
Query	431398	ACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATTCACACTAGTTcatgcatgtactat	431457
Sbjct	77581	ACTATATGTGTTCTAGTACTACTAGTACACTAGTATTCACACTAGTTCATGCATGTACTAT	77640
Query	431458	gtatgtatatatgcatatgtatatatgcatatgtgagaggtgtgtgtgtgtatcccca	431517
Sbjct	77641	GTATGTATATATGCATATGTATATATGCATATGTGAGAGGTGTGTGTGTGTATCCCCA	77700
Query	431518	tgtgtgtatacgtgtgtacatacacatacgttccatacacataaaaagtacatacataTGGACA	431577
Sbjct	77701	TGTGTGTATACGTGTGTACATACATACGTTACATACATAAAAAGTACATACATATGGACA	77760
Query	431578	CAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTATAAAATGTGAGTATGGTATGAGT	431637
Sbjct	77761	CAGCTGTTGTAAGAGAGTATGTAACCTAAAACATTTATAAAATGTGAGTATGGTATGAGT	77820
Query	431638	CCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGATAAATAACTTATGCTTATCTCGT	431697
Sbjct	77821	CCTCAGGGATGTTCTGTACTGGAAGTATTTTTCAAGATAAATAACTTATGCTTATCTCGT	77880
Query	431698	ATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAATATTCTGCTTAAAAATCTAACATG	431757
Sbjct	77881	ATGACATACTGTGGTAAGTGGACTAGTGCTTTTAAATATTCTGCTTAAAAATCTAACATG	77940
Query	431758	GGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGCTGTTGGGAGACTGTTCTTCAGCA	431817
Sbjct	77941	GGAAATTGTGGTGCTTATGACCTATACCCCCAAAAGCTGTTGGGAGACTGTTCTTCAGCA	78000
Query	431818	TCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAATGAAGGAATGAGGAACAGAGAGG	431877
Sbjct	78001	TCTTTGCCTATGTTGTACTAAGTGGTATATGGTTAAATGAAGGAATGAGGAACAGAGAGG	78060
Query	431878	CAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTTCACTGCTTATGAAGACTTTGTCTCTAA	431937
Sbjct	78061	CAGCAATTGGGAATGCCAGGAGAGTGCTGGTTTTTCACTGCTTATGAAGACTTTGTCTCTAA	78120
Query	431938	GGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAGCAAACAGTTGACCATGCAAAAAGT	431997
Sbjct	78121	GGGAATTGACGTAGAAGGGTAAAACAAGGTATGTGAGCAAACAGTTGACCATGCAAAAAGT	78180
Query	431998	AGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTACAGAGAGAGGGGCTAAGAACAGAG	432057
Sbjct	78181	AGTAGAAGCCTGAGGAAAGATAAGACATTGGGGCTACAGAGAGAGGGGCTAAGAACAGAG	78240
Query	432058	GAGGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAGAAACCGAGGAGGTTATTGAGAAG	432117
Sbjct	78241	GAGGCTACAACCCCTTTTATACCACAAGTGAAAGTAGAAACCGAGGAGGTTATTGAGAAG	78300

Query	432118	TGGAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTTGGGTACTCTAGATGTCATTAATTGA	432177
Sbjct	78301	TGGAACATGACTCAGTCTGTCTGTGGTTTTATTTGGGTACTCTAGATGTCATTAATTGA	78360
Query	432178	AAAGAGAGTAGCTGTCTGGGTCAATTCTGTTTTAGTACTCACAGTATCCTGTGGGGCCAGAT	432237
Sbjct	78361	AAAGAGAGTAGCTGTCTGGGTCAATTCTGTTTTAGTACTCACAGTATCCTGTGGGGCCAGAT	78420
Query	432238	TTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAATTTTATGAATAATGTAAATGTAGC	432297
Sbjct	78421	TTTGTTTATAATCCTTAAAGCAAAAAGACAACAGAATTTTATGAATAATGTAAATGTAGC	78480
Query	432298	TGTCATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTTTATAATATCTGTTGTTGGTAGCC	432357
Sbjct	78481	TGTCATAAAAGAGCAGTCTGTGGTCCGTAATCTCTTTTATAATATCTGTTGTTGGTAGCC	78540
Query	432358	AGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTCTCTGGAGTTTCGTTGCATCGGTG	432417
Sbjct	78541	AGGTGGTTTTTGACATCGGATACATTTTGAGGTACCTCTCTGGAGTTTCGTTGCATCGGTG	78600
Query	432418	TGTGGGAAACAGCTCTATTTTTTCATATTCCCATCTAGAAATTAAAGTCTGAGACTGCTGC	432477
Sbjct	78601	TGTGGGAAACAGCTCTATTTTTTCATATTCCCATCTAGAAATTAAAGTCTGAGACTGCTGC	78660
Query	432478	TGCAGCAGTACGTGACATAAAATCCACACATCAGGGTGTGCAGCCACCAGAATCGAGTAGG	432537
Sbjct	78661	TGCAGCAGTACGTGACATAAAATCCACACATCAGGGTGTGCAGCCACCAGAATCGAGTAGG	78720
Query	432538	CCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTCCAAAACCTGGATGGTGTGGCCAA	432597
Sbjct	78721	CCCTGAGACAGAACACGTCTATGATGATGACTTCTTCCAAAACCTGGATGGTGTGGCCAA	78780
Query	432598	TGCTCTAGACAAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGAGATTGAGTGAGGAGGGCAAGGGCAGGG	432657
Sbjct	78781	TGCTCTAGACAAATGTGGATGCTCGTAAGTTTGAGATTGAGTGAGGAGGGCAAGGGCAGGG	78840
Query	432658	TAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCCTGTCTTGTCTTGGGTTTTGGAGACAGGGTT	432717
Sbjct	78841	TAGTGTGTATGGATGAGGTTCTTGTGTTCCTGTCTTGTCTTGGGTTTTGGAGACAGGGTT	78900
Query	432718	TCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTGGAACCAATTTCGGAAGACCAAGCTGACCCGTGTTCCCTG	432777
Sbjct	78901	TCTCTGTAGCCTTGGCTGTCTGGAACCAATTTCGGAAGACCAAGCTGACCCGTGTTCCCTG	78960
Query	432778	TTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTCTTCCCATCTCCCTGAAGGATTAT	432837
Sbjct	78961	TTTTATCTAAGCATGCCTACTACTCATCTGCCATTCTTCCCATCTCCCTGAAGGATTAT	79020
Query	432838	ACATGGACCGCGGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCTGCTGGAATCCGGCACATTGGGCA	432897
Sbjct	79021	ACATGGACCGCGGTTGTGTTTACTATCGTAAGCCTCTGCTGGAATCCGGCACATTGGGCA	79080
Query	432898	CCAAGGGCAACGTGCAAGTGGTTGTTCCCTTCTTGACAGAATCTTACAGCTCTAGCCAGG	432957
Sbjct	79081	CCAAGGGCAACGTGCAAGTGGTTGTTCCCTTCTTGACAGAATCTTACAGCTCTAGCCAGG	79140
Query	432958	ACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAAGAACTTCCCCAATGCCATTGAGC	433017
Sbjct	79141	ACCCACCTGAGAAATCCATCCCCATCTGCACACTGAAGAACTTCCCCAATGCCATTGAGC	79200
Query	433018	ATACCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAGGTGGAAGGGTTAGGTCATCAAGC	433077
Sbjct	79201	ATACCCTGCAGGTGATCAACCTTGGGAGGAATTGGAGGTGGAAGGGTTAGGTCATCAAGC	79260
Query	433078	CTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTGCTCTCGTCTTTATACCACTATCC	433137
Sbjct	79261	CTTTGCCAGTCTCATGCTACAGATTCTAAGTTTCCTGCTCTCGTCTTTATACCACTATCC	79320
Query	433138	AGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTACAAAGAACTTTGACCTTTGGGTACACCTTG	433197
Sbjct	79321	AGAGTACCTGCTATTGGGTCCCTTCTTTACAAAGAACTTTGACCTTTGGGTACACCTTG	79380
Query	433198	TGTGTGCTGTCACAAGTCTCTGAGATCATATGTGTATCAACCACATGTGTATCTATCAG	433257
Sbjct	79381	TGTGTGCTGTCACAAGTCTCTGAGATCATATGTGTATCAACCACATGTGTATCTATCAG	79440
Query	433258	ATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTGACAGCACTCATAAAATTGTATAA	433317
Sbjct	79441	ATATGTGTGGTTTCTTTGGAGTCATCCACTTCTGGTGACAGCACTCATAAAATTGTATAA	79500
Query	433318	GTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGAGGTCCGCACAATGTTCCAGCTCA	433377
Sbjct	79501	GTTCAAACCAAGCAAAGTCCCAACACAAAGACGGGGAGGTCCGCACAATGTTCCAGCTCA	79560
Query	433378	GAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCATTTGTCTACAATGGAATGTTACCGTA	433437
Sbjct	79561	GAATGTATCAAACGTGCTCAGAAAAGGGAAAACCATTTGTCTACAATGGAATGTTACCGTA	79620
Query	433438	TCTAGCAACCACATTTTCAGGGTGGATGTCATGCCTAGAAGTACGTGGCCAGATGGACTTC	433497

Sbjct	79621	TCTAGCAACCACATTTTCAGGGTGGATGTCATGCCTAGAAGTACGTGGCCAGATGGACTTC	79680
Query	433498	AGG t t t t t g t t t t g t t t t g c g c a c t t c t t c t g t t t g g t a t t t c t t g t c t t	433557
Sbjct	79681	AGG T T T T T G T T T T G T T T T G C G C A C T T C T T C T G T T T G G T A T T C T T G T C T T	79740
Query	433558	g c t g c t g g g t t t t a t t t a t t t c t t t t g g g t t t a c t t t t t C T C G G G A G A T G G C A C A C G G	433617
Sbjct	79741	G C T G C T G G G T T T T A T T T A T T T C T T T T G G G T T T A C T T T T T C T C G G G A G A T G G C A C A C G G	79800
Query	433618	G T T A A G C A G C T A G G G A G T T G A G G A G T C C T G G G A G G G T C T G G C A G A A A G A A A A A C A T C C	433677
Sbjct	79801	G T T A A G C A G C T A G G G A G T T G A G G A G T C C T G G G A G G G T C T G G C A G A A A G A A A A A C A T C C	79860
Query	433678	A A A C T C T A G T G T A T G A A G A T A C C T T A A G T A G A G T A A T T A A C G T T A A C C T T T T A A T T T G G	433737
Sbjct	79861	A A A C T C T A G T G T A T G A A G A T A C C T T A A G T A G A G T A A T T A A C G T T A A C C T T T T A A T T T G G	79920
Query	433738	A A A G A C T T A A A G A G A A C A T C A C G G G A C A T G T G C C T G A A C A G T G A G G A T G G T C T G T A A A T G	433797
Sbjct	79921	A A A G A C T T A A A G A G A A C A T C A C G G G A C A T G T G C C T G A A C A G T G A G G A T G G T C T G T A A A T G	79980
Query	433798	A T G C T T T T T G C T G C A C A A A T C G G C T A A T G T T G T T T C T G C T G A C T T T C T A A A T T A A C C T G T	433857
Sbjct	79981	A T G C T T T T T G C T G C A C A A A T C G G C T A A T G T T G T T T C T G C T G A C T T T C T A A A T T A A C C T G T	80040
Query	433858	A A T A G T G A G T G C G T T T T T G G T T T G T T A A A C T C T T A C C C A A A G T G A G T T A G A C G G C T G G T T	433917
Sbjct	80041	A A T A G T G A G T G C G T T T T T G G T T T G T T A A A C T C T T A C C C A A A G T G A G T T A G A C G G C T G G T T	80100
Query	433918	T T T A A G T G C G G C T T C T G T C T G T G T A G T C A A G T A C A T A A T C T T G T G T A C C C T C T G G C T G G A	433977
Sbjct	80101	T T T A A G T G C G G C T T C T G T C T G T G T A G T C A A G T A C A T A A T C T T G T G T A C C C T C T G G C T G G A	80160
Query	433978	G A A A T T G A A T G C T G C A C T G G A A A C T A A A A C C A G A G C C T A G T C C T G C T T A T G T T C T T C C A G	434037
Sbjct	80161	G A A A T T G A A T G C T G C A C T G G A A A C T A A A A C C A G A G C C T A G T C C T G C T T A T G T T C T T C C A G	80220
Query	434038	T C C A A C A G T G C C T G G G G C A G G G G G T G T T T G G T T T C T G T T T G C T T G T A G G C T C A T A G T G	434097
Sbjct	80221	T C C A A C A G T G C C T G G G G C A G G G G G T G T T T G G T T T C T G T T T G C T T G T A G G C T C A T A G T G	80280
Query	434098	T C A G T A C A T C G A G G C C A T G C T A A G C A G T T G G A G A T A A G G A A G G A C T A G A C T G G A G A G T T C	434157
Sbjct	80281	T C A G T A C A T C G A G G C C A T G C T A A G C A G T T G G A G A T A A G G A A G G A C T A G A C T G G A G A G T T C	80340
Query	434158	C A A C C A C A T T A C C T T G C C C T G T T T C T T G T T C A A G G T T A T A A A A T G G T T C T C T G T G T C T G T	434217
Sbjct	80341	C A A C C A C A T T A C C T T G C C C T G T T T C T T G T T C A A G G T T A T A A A A T G G T T C T C T G T G T C T G T	80400
Query	434218	G C A G C A G A C A G A A G T G C A A A A G G T T T T A C A A T G T T C A G T A G C T T T G T A G G A G C C A T G T	434277
Sbjct	80401	G C A G C A G A C A G A A G T G C A A A A G G T T T T A C A A T G T T C A G T A G C T T T G T A G G A G C C A T G T	80460
Query	434278	C T G G T C C T C A G A T T C C T T A T C T G C A A A T G A G C A T T G A A G T G A G A T T T T G T A A A G C A C T T	434337
Sbjct	80461	C T G G T C C T C A G A T T C C T T A T C T G C A A A T G A G C A T T G A A G T G A G A T T T T G T A A A G C A C T T	80520
Query	434338	A A G C A C T G G A T A T G G G C T G C T C A T A T A C T T T G G T A A A G T T C T T A G C T G T G G G T T G T A G T	434397
Sbjct	80521	A A G C A C T G G A T A T G G G C T G C T C A T A T A C T T T G G T A A A G T T C T T A G C T G T G G G T T G T A G T	80580
Query	434398	T G A C A C C A T T C T C A A T C T T G T G G T A T G A T G T A C T C A T T C A C T A A C A T T G A T G A G T G T A A	434457
Sbjct	80581	T G A C A C C A T T C T C A A T C T T G T G G T A T G A T G T A C T C A T T C A C T A A C A T T G A T G A G T G T A A	80640
Query	434458	A T G C T A G C T A T A T C A G A G A C T T A A A C A G G G A T G T T A T T C T T C T G C A A C A G G T C A T A A A A	434517
Sbjct	80641	A T G C T A G C T A T A T C A G A G A C T T A A A C A G G G A T G T T A T T C T T C T G C A A C A G G T C A T A A A A	80700
Query	434518	G C A G G T T A G T A T G T G T G A G A G T G A A A A T T T A G A A G C T G T A T G T C T A G T G T C T G T A T A G A T	434577
Sbjct	80701	G C A G G T T A G T A T G T G T G A G A G T G A A A A T T T A G A A G C T G T A T G T C T A G T G T C T G T A T A G A T	80760
Query	434578	G C C C C A G A C C A T T T C A G C A G T G A C C T C C T A G T T C T T A G A A A C C G G G T T G a a a a c a a t a a	434637
Sbjct	80761	G C C C C A G A C C A T T T C A G C A G T G A C C T C C T A G T T C T T A G A A A C C G G G T T G A A A A C A A T A A	80820
Query	434638	a c a a a c a a a c a a a a g a c c a a g a a a c a a a G G A G G A G T T C C T A T T G A G A C C T G G G T G A C T T C	434697
Sbjct	80821	A C A A A C A A A C A A A A G A C C A A G A A A C A A A G G A G A G T T C C T A T T G A G A C C T G G G T G A C T T C	80880
Query	434698	T T C C T C T C T G T G T C T C T T T G T T A T A A A C C A G A C A C C T C A C A C C C A T A T T G C C A T T C A G T T	434757
Sbjct	80881	T T C C T C T C T G T G T C T C T T T G T T A T A A A C C A G A C A C C T C A C A C C C A T A T T G C C A T T C A G T T	80940
Query	434758	T C T C A C A A G A T A C A T A A T T G G C T G C C A A G T A C A A C C A C T G G T C T G G A C A C G T G G G T G C C	434817
Sbjct	80941	T C T C A C A A G A T A C A T A A T T G G C T G C C A A G T A C A A C C A C T G G T C T G G A C A C G T G G G T G C C	81000

Query	434818	CTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAACAAAGCATTACTAATATGTACAGAG	434877
Sbjct	81001	CTCATTGTCCAGGTTGAATGTGGTCTTTACCCAGAACAAAGCATTACTAATATGTACAGAG	81060
Query	434878	ACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTGTAGTGGGCTCGGGATGAGTTTGA	434937
Sbjct	81061	ACCTGTTTTGTTGACATGCATTTGTTTGCTCTGTCTGTAGTGGGCTCGGGATGAGTTTGA	81120
Query	434938	AGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACCAATACCTCATGTAAGTAACAGACAA	434997
Sbjct	81121	AGGACTGTTCAAGCAGTCAGCCGAAAATGTTAACCAATACCTCATGTAAGTAACAGACAA	81180
Query	434998	ACCAAACAGCAGACAGACGCCAACCAACAAAGGCATCCTTGTCTGCTCTCCTCAGGCACA	435057
Sbjct	81181	ACCAAACAGCAGACAGACGCCAACCAACAAAGGCATCCTTGTCTGCTCTCCTCAGGCACA	81240
Query	435058	TCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCGGGTTGACTTTTTCCATAGAGAAA	435117
Sbjct	81241	TCCTTGGTGGATGAGTTGGGTAATGGGAAATGGTCCGGGTTGACTTTTTCCATAGAGAAA	81300
Query	435118	GAAGGCTTGTCTAGAAACTTTACTTCTAGGCCTCTGAAGTAATCCAGGTCTTTGCATTGG	435177
Sbjct	81301	GAAGGCTTGTCTAGAAACTTTACTTCTAGGCCTCTGAAGTAATCCAGGTCTTTGCATTGG	81360
Query	435178	ATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCTAGCTGGCACCCAGCCTTTGGAAG	435237
Sbjct	81361	ATAGGGACCCCAAGTTCATGGAGCGGACACTGCAGCTAGCTGGCACCCAGCCTTTGGAAG	81420
Query	435238	TACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCTCTGCAGAGGCCACAGACTTGGGCCGACTGTG	435297
Sbjct	81421	TACTGGAGGCTATACAGTGCAGCCTGGTCTCTGCAGAGGCCACAGACTTGGGCCGACTGTG	81480
Query	435298	TGACTTGGGCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTCTCACAAATCCAGCAGTTGCTGC	435357
Sbjct	81481	TGACTTGGGCCTACCAGCACTGGCACACCCAGTATTCTCACAAATCCAGCAGTTGCTGC	81540
Query	435358	ACAACCTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTGGGTATATTTGGCCCAAACACATT	435417
Sbjct	81541	ACAACCTCCCTCCAGACCAGGTATTATATACTCAGTGGGTATATTTGGCCCAAACACATT	81600
Query	435418	TCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCTCTGTCTGGACCTGGCTTCTTCCAGGTAGCCTAA	435477
Sbjct	81601	TCCAGGAAATGGGATGCTTACTGTCTCTGTCTGGACCTGGCTTCTTCCAGGTAGCCTAA	81660
Query	435478	GTGCCACAAGCACCCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTTCTCCGTGTAAGCATTTGCGTTTT	435537
Sbjct	81661	GTGCCACAAGCACCCCACGGCAAGGATTAGGCTAGTTCTCCGTGTAAGCATTTGCGTTTT	81720
Query	435538	CCTCCTCCTGCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCCTTTCCAGCTGCACCTGTGGGCTGA	435597
Sbjct	81721	CCTCCTCCTGCCACCAAGCAAGGGGCTTAGTTTCCTTTCCAGCTGCACCTGTGGGCTGA	81780
Query	435598	GTCATATCTGAGTTCCTCGGAGGGTTGCAGTTTTAAGTGAGAAATATGATAGTTAAATA	435657
Sbjct	81781	GTCATATCTGAGTTCCTCGGAGGGTTGCAGTTTTAAGTGAGAAATATGATAGTTAAATA	81840
Query	435658	TACAGCGGTCTATGGGTTCTATGGGTCTATGGGTCTGTGTTGACAGTGGGGTCA	435717
Sbjct	81841	TACAGCGGTCTATGGGTTCTATGGGTCTATGGGTCTGTGTTGACAGTGGGGTCA	81900
Query	435718	TGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGTGAAGTAGGTATGATAATGGCTTG	435777
Sbjct	81901	TGTCAAGCCTAATGATGTCTTGGCAAGCCATATCTGTGAAGTAGGTATGATAATGGCTTG	81960
Query	435778	TGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTTAGTATTGCATTGGTTTAGCCTAA	435837
Sbjct	81961	TGGGCCATTATTTAGAAAGGAGTAATTTGCATTTCTTAGTATTGCATTGGTTTAGCCTAA	82020
Query	435838	GCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAACCTTGCTGTGTGTTTTTGGCTCATCATGGGTCCAAG	435897
Sbjct	82021	GCCTCATACAAATTGGTAAGTTGAACCTTGCTGTGTGTTTTTGGCTCATCATGGGTCCAAG	82080
Query	435898	AATGGTGAACCTTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCCTGAGAGTGCTTCTCCTTCAGTCCT	435957
Sbjct	82081	AATGGTGAACCTTAGGCTTCTTAGTCTGAGACTTGCCCTGAGAGTGCTTCTCCTTCAGTCCT	82140
Query	435958	CTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTGGGGTACTTTTTTGGTCAGGACCT	436017
Sbjct	82141	CTTCATACCTTTGCATTCTTCTAGCTTACAAGCTCTGGGGTACTTTTTTGGTCAGGACCT	82200
Query	436018	AAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACAATGTAAGTGTCTTGGGATCTCC	436077
Sbjct	82201	AAACGCTGTCCACATCCACTCACCTTTGACACAAACAATGTAAGTGTCTTGGGATCTCC	82260
Query	436078	CAGGTGGTTGGGTGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTTACTCTGTGGTTGTTAAGCTAACT	436137
Sbjct	82261	CAGGTGGTTGGGTGGGGTGGTGGAGTCTCTACTCTTACTCTGTGGTTGTTAAGCTAACT	82320
Query	436138	TTTCTTTGCCATACCTTTCTTTCAGCCCTACATCTGGATTATGTTATGGCTGCTGCCAA	436197



Sbjct	82321	TTTCTTTGCCATACCTTTCTTTTCAGCCCTACATCTGGATTATGTTATGGCTGCTGCCAA	82380
Query	436198	CCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAGGACTGTGCTGCTGTGACCACACT	436257
Sbjct	82381	CCTGTTTGCTCAGACATACGGACTAGAAGGGTCCCAGGACTGTGCTGCTGTGACCACACT	82440
Query	436258	CCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCCAAGTTTGCTCCCAAGTCTGGCATCAGGATCCATGTTTC	436317
Sbjct	82441	CCTGCAGTCTCTGCCAGCCCCCAAGTTTGCTCCCAAGTCTGGCATCAGGATCCATGTTTC	82500
Query	436318	TGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGTGAGAAATGCTTCACCATTAGTTCA	436377
Sbjct	82501	TGAACAGGAGCTGCAGAGTACCAGTGCCACAGTCGGTGAGAAATGCTTCACCATTAGTTCA	82560
Query	436378	GGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTCCCTCTGGTATTTGCCACTGGCCA	436437
Sbjct	82561	GGGATCATCTGTTTGTCTTCTGTCCCTCTCAGCCTTCCCTCTGGTATTTGCCACTGGCCA	82620
Query	436438	TGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGAGGTGGATGGGTGGAAAAACAAAG	436497
Sbjct	82621	TGATTTTCTTCTGAGATTTACCTAGTCTGTGCTTAGAGGTGGATGGGTGGAAAAACAAAG	82680
Query	436498	TTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAATGGTTCATTCCCTTCTGGTGTA	436557
Sbjct	82681	TTCTCTATCATTTCTCTGCAATACAGGCTTATGGAAATGGTTCATTCCCTTCTGGTGTA	82740
Query	436558	ATTAACTTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTGATCTATTTTCATGCAAAAAGAAC	436617
Sbjct	82741	ATTAACTTTACAGAATTCTCCTGCTTGTTTCTTCTTGATCTATTTTCATGCAAAAAGAAC	82800
Query	436618	CTGAGTGCTCCCTGTCTGTGGGCATCTTGATACTTTTGCTACAGGTCACCTCTATTTTG	436677
Sbjct	82801	CTGAGTGCTCCCTGTCTGTGGGCATCTTGATACTTTTGCTACAGGTCACCTCTATTTTG	82860
Query	436678	CCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCTGTATCTGCTTAAAGCACACCTCG	436737
Sbjct	82861	CCACCCATGTATCTACCTCTGTGTTTCTGTCTCTCTGTATCTGCTTAAAGCACACCTCG	82920
Query	436738	CTTTCTGCACTCCTGTGTCCCGCTCTGTTTCTTCTTGATCTCTGTGCAGAATCTCTTC	436797
Sbjct	82921	CTTTCTGCACTCCTGTGTCCCGCTCTGTTTCTTCTTGATCTCTGTGCAGAATCTCTTC	82980
Query	436798	TCTTGTAAGGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCTCTGATTTCCCTTCCAGAGTAGTTGTCTC	436857
Sbjct	82981	TCTTGTAAGGTTTCCCAAGTTGATAGGGTTCTCTGATTTCCCTTCCAGAGTAGTTGTCTC	83040
Query	436858	CTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGCCATTTCTTCCATTAACATAATTT	436917
Sbjct	83041	CTCATGATATTTGTCTCTCCCTGTACCATTGCTTGCCATTTCTTCCATTAACATAATTT	83100
Query	436918	CTATCTTTCTGTGAACCTTAATCTGAATCACTTTTCCCCAGCTCTGTCTTCATCTTCTAAA	436977
Sbjct	83101	CTATCTTTCTGTGAACCTTAATCTGAATCACTTTTCCCCAGCTCTGTCTTCATCTTCTAAA	83160
Query	436978	ACTAAACCCCTATGCCATTGAACAACCTTCTCCCACCCTCTACCATCCCCGAAAACCTTT	437037
Sbjct	83161	ACTAAACCCCTATGCCATTGAACAACCTTCTCCCACCCTCTACCATCCCCGAAAACCTTT	83220
Query	437038	TTGTTTCAATCTTTTGGACCACTAGCTATATCATATTAGTGGAACCACAGAGAAACGAAA	437097
Sbjct	83221	TTGTTTCAATCTTTTGGACCACTAGCTATATCATATTAGTGGAACCACAGAGAAACGAAA	83280
Query	437098	TCATACCAGATTTTCTTCTCTGTGTCCTTCCATTCTATCTAGTGTAATGGCTGTACATT	437157
Sbjct	83281	TCATACCAGATTTTCTTCTCTGTGTCCTTCCATTCTATCTAGTGTAATGGCTGTACATT	83340
Query	437158	AATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTCTATTAACCTATTGATGGGTAATT	437217
Sbjct	83341	AATATGCTCCTGCGATTTTCTCCCCCTTTTACAGTCTATTAACCTATTGATGGGTAATT	83400
Query	437218	GAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCTTCTTTGTGTGAGGTGTTCATTTT	437277
Sbjct	83401	GAGTTCATCATCTTTCATCTTGTATGCATGTGCTGCTTCTTTGTGTGAGGTGTTCATTTT	83460
Query	437278	TGTTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTTGATTCCCTCATCCCTGCGTCCCTGTAC	437337
Sbjct	83461	TGTTACTCATGACCTCCAGGTCTTCATGTGTTTGATTCCCTCATCCCTGCGTCCCTGTAC	83520
Query	437338	TCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTTCTCTCTTCGCCTTTCCCTTCCCTTACACCTTCCAGGATG	437397
Sbjct	83521	TCTTTGGGCAGGGAAGTGTTTTCTCTCTTCGCCTTTCCCTTCCCTTACACCTTCCAGGATG	83580
Query	437398	CCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCCTCCTCCCAGTCCTGATTTACCCCT	437457
Sbjct	83581	CCTCTCTTTTTCAATTCTTCCACATAAACACCACCCTCCTCCCAGTCCTGATTTACCCCT	83640
Query	437458	GGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATGACAGCCACCTAGAGGAACTCAAG	437517
Sbjct	83641	GGGCAGTGCAGTGGGCTCACTTTGCTTTCTGCAGATGACAGCCACCTAGAGGAACTCAAG	83700

Query	437518	ACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGATTCAAGATGCATCCCATTGATTTTCGAG	437577
Sbjct	83701	ACTTCACTACCTACTCCAGACAAGATGCTTGGATTCAAGATGCATCCCATTGATTTTCGAG	83760
Query	437578	AAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGATGGTGGGCACAGATGCCTAGCAGT	437637
Sbjct	83761	AAGGTATTTGATGCGGGGTAGCTGGGATGGTTTGGATGGTGGGCACAGATGCCTAGCAGT	83820
Query	437638	AGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCCTGTTTAAAAGAGAAGTTTCTTTG	437697
Sbjct	83821	AGACTTTTGTCAAGATTGTGGACCTACAGAGGTCTCCTGTTTAAAAGAGAAGTTTCTTTG	83880
Query	437698	ATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAGTTGAAACATAGAATGCAGTTAGG	437757
Sbjct	83881	ATGAAGAGTGAGAGCTACATCTGTGGGTATATGTGAGTTGAAACATAGAATGCAGTTAGG	83940
Query	437758	AACTAGGCTGGCTTAGTAAAGTGGTCCGAAGAGCTTCTTCAAGATCCATTGGTTCACTAG	437817
Sbjct	83941	AACTAGGCTGGCTTAGTAAAGTGGTCCGAAGAGCTTCTTCAAGATCCATTGGTTCACTAG	84000
Query	437818	TCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCACTATGTCCAGTGGATACATCTGCAACACAAGT	437877
Sbjct	84001	TCCTGGGACAACGGTCAGTCAGTATTCACTATGTCCAGTGGATACATCTGCAACACAAGT	84060
Query	437878	GCACCTaagaaatgggaagagaaggtagaaaaaaatgtaaaagcaaggggatttaaaaaa	437937
Sbjct	84061	GCACCTAAGAAATGGGAAGAGAAGGTAGAAAAAAATGTAAAAGCAAGGGGATTTAAAAAA	84120
Query	437938	agaagaaaaaaacccaaaaaaCTGGTATCTCCTAGAAATGACAGAAAGAAGACGTGAACAA	437997
Sbjct	84121	AGAAGAAAAAACCCAAAAAACTGGTATCTCCTAGAAATGACAGAAAGAAGACGTGAACAA	84180
Query	437998	AGACAACACCAGAAGAATATTTTTACTATTTATTTTTCAACTTAAGTGACTTTGAGCAT	438057
Sbjct	84181	AGACAACACCAGAAGAATATTTTTACTATTTATTTTTCAACTTAAGTGACTTTGAGCAT	84240
Query	438058	ATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTCCCTCTCTACCTACCAAACCTTT	438117
Sbjct	84241	ATTCTTCTACTTCCCCAAGTCCTTCTAGATCCTCTTCCCTCTCTACCTACCAAACCTTT	84300
Query	438118	AAGTTCTTTTCTCAGAACCAACAAAACCTTAGTACAACAACAAGACTTCCCAAAGCCCAGA	438177
Sbjct	84301	AAGTTCTTTTCTCAGAACCAACAAAACCTTAGTACAACAACAAGACTTCCCAAAGCCCAGA	84360
Query	438178	AAACAAAATGTCAACCAAGAGAGGACAACAGCAAAACCCACCAACTTCTTTTTCTTGGT	438237
Sbjct	84361	AAACAAAATGTCAACCAAGAGAGGACAACAGCAAAACCCACCAACTTCTTTTTCTTGGT	84420
Query	438238	TATTTTACTTATTTACATTCAAATGTCCCCCTTTCTGGTTTCCCACCTAACCCCGCA	438297
Sbjct	84421	TATTTTACTTATTTACATTCAAATGTCCCCCTTTCTGGTTTCCCACCTAACCCCGCA	84480
Query	438298	CCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGGGTGCTCCCCCGCCATCTACCCA	438357
Sbjct	84481	CCCCAATTTTATCCCTGTTTCCCATGCCTCCACGAGGGTGCTCCCCCGCCATCTACCCA	84540
Query	438358	CCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCCTCCTCTCCCACTGATGTCACCTA	438417
Sbjct	84541	CCCTAGCATCATCCCCCTACACGTGGGGTATTGAGCCTCCTCTCCCACTGATGTCACCTA	84600
Query	438418	AGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTCCCCCTCATGTGTACTCTTTGGTG	438477
Sbjct	84601	AGGCCATCCTCTACATATGCAGCTGGAGCCATGAGTCCCCCTCATGTGTACTCTTTGGTG	84660
Query	438478	GGTGGTTTGTAGTCCCTCGAAGCTCtgtgtgtgtgtgtggggggggCGTTGATTAGTTGGT	438537
Sbjct	84661	GGTGGTTTGTAGTCCCTCGAAGCTCTGTGTGTGTGTGTGGGGGGGGCGTTGATTAGTTGGT	84720
Query	438538	AGTGGTGTTTTTCCATGATTGTCAGATCCCTTCAGCTCCTTCAGTCAGTCCTTCTCTCT	438597
Sbjct	84721	AGTGGTGTTTTTCCATGATTGTCAGATCCCTTCAGCTCCTTCAGTCAGTCCTTCTCTCT	84780
Query	438598	GACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGTTTGGCTGAGAGCATCTATGTCTG	438657
Sbjct	84781	GACTCCTCCATTGGGGTTGCCATGCTCAGTCCAATGTTTGGCTGAGAGCATCTATGTCTG	84840
Query	438658	TATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCGCTGTACCAGGCTCCTTTCAGCAA	438717
Sbjct	84841	TATTGGTCAGGCACTGGGAGAGACTATCATGACACCGCTGTACCAGGCTCCTTTCAGCAA	84900
Query	438718	GCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGTGTCTGCAGTTGGGATGGATCCCT	438777
Sbjct	84901	GCGCTTCTTGGCATCAGTATTAGTGTCTAGGTTTGGTGTCTGCAGTTGGGATGGATCCCT	84960
Query	438778	AGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCTCAGTCTCTGCTCCACTCTTGTGACAGGAA	438837
Sbjct	84961	AGGTGGGGCAGTGTGTGGATGGCCTTTCCTCAGTCTCTGCTCCACTCTTGTGACAGGAA	85020
Query	438838	CCATTCTTGGTTAAATTTTGTAGATGGGTAGGTGAGCCCATCTTCAACCTATCCACTG	438897

Sbjct	85021	CCATTCTTGGTTAAATTTTTTGAGATGGGTAGGTGAGCCCATCCTTCAACCTATCCACTG	85080
Query	438898	GATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGGGTATTGCGCCTAATGTCATCTCT	438957
Sbjct	85081	GATATGGTCTCTATAGGTTCTATCTCTCCTTTGTTGGGTATTGCGCCTAATGTCATCTCT	85140
Query	438958	CCTGGGTCTCTGGGAAAACCCCTTGTTTCCCTGTCATCTGGGACTTTCTAGTGGTTATCCC	439017
Sbjct	85141	CCTGGGTCTCTGGGAAAACCCCTTGTTTCCCTGTCATCTGGGACTTTCTAGTGGTTATCCC	85200
Query	439018	CAATTTCCCACCCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCACTTGCCTGCCATTTCAGCAGGAC	439077
Sbjct	85201	CAATTTCCCACCCCCTGCTGCTACACTCCTCCCTTCACTTGCCTGCCATTTCAGCAGGAC	85260
Query	439078	TCCTTTCCTCACACCACCCTGACCACAATAGACCTGTGCTCTGTCCGGGCTCAAAGCAG	439137
Sbjct	85261	TCCTTTCCTCACACCACCCTGACCACAATAGACCTGTGCTCTGTCCGGGCTCAAAGCAG	85320
Query	439138	CTTTCCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCAAGTAGTGAGTGACCTCTCCCAAC	439197
Sbjct	85321	CTTTCCTACTTTAGGTAGCTGGGGCTTTGCTGTGTCAAGTAGTGAGTGACCTCTCCCAAC	85380
Query	439198	CTCTCTCTTTCCAGATAAATTCAGATAAATTTGATTTTCCCCCTCCCCTACATCTTTTGTA	439257
Sbjct	85381	CTCTCTCTTTCCAGATAAATTCAGATAAATTTGATTTTCCCCCTCCCCTACATCTTTTGTA	85440
Query	439258	CAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCAAATAAGTCTGAGTGTTAAAGAGC	439317
Sbjct	85441	CAGGCTTCCACTTCCCTGCTGTGGACCAGAGTAGTCAAATAAGTCTGAGTGTTAAAGAGC	85500
Query	439318	TTTAGGGAGGTAGCTACCTCATACAAGGTATGTACACCTTGTTCAAGCTATTTTTGCTTT	439377
Sbjct	85501	TTTAGGGAGGTAGCTACCTCATACAAGGTATGTACACCTTGTTCAAGCTATTTTTGCTTT	85560
Query	439378	GTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCCTCTGTCCAGAGACTATTTGCTGTTG	439437
Sbjct	85561	GTCTTCTACAAAAGCCCTAATTGGAGCTTGGGTCCTCTGTCCAGAGACTATTTGCTGTTG	85620
Query	439438	GTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCGAGGGTGACTTGAAC TTGAGGTCA	439497
Sbjct	85621	GTTACAAATGTTTTTAAGTCAGTGTTTTATGTTGCCGAGGGTGACTTGAAC TTGAGGTCA	85680
Query	439498	TTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCATGCAGTACTGTGACTCCTGTGGG	439557
Sbjct	85681	TTCTGTCTCTACCTCCTGCATGCTGAGATTACAAGCATGCAGTACTGTGACTCCTGTGGG	85740
Query	439558	CTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGAGATTTGGTGAGCAGCACCATCAG	439617
Sbjct	85741	CTTCATAAGATGATTGATAGATTTATTTTTAGAGGGAGATTTGGTGAGCAGCACCATCAG	85800
Query	439618	TTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGCCTTGGTGACATTGCCCAAGCTGC	439677
Sbjct	85801	TTTTCCAGGTAGGTCATGGTAATGGGATTAGATTTGCCTTGGTGACATTGCCCAAGCTGC	85860
Query	439678	TAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCA TTGCTGATCGTCATCAGGAGCTTCTTGG	439737
Sbjct	85861	TAGTGCAGCCTGTGGTGCCGTGTTACCTGTCA TTGCTGATCGTCATCAGGAGCTTCTTGG	85920
Query	439738	GCAAACCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACaaaaaaGCAGTCTATCTCATTACGTATT	439797
Sbjct	85921	GCAAACCCTTTAACAAAAGCATCATCCACACAAAAAAGCAGTCTATCTCATTACGTATT	85980
Query	439798	GACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTTCTTccccccccccccAGTCCC	439857
Sbjct	85981	GACCAACTGCTCCAAATTGTAGAGGTTAGTCCTGGTTCTTCCCCCCCCCCCCCAGTCCC	86040
Query	439858	ATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATATATTTGCAGATACTTTGACCATA	439917
Sbjct	86041	ATGCTCCCTTAAATAAGGCTCAGACAGACTCAACATATATTTGCAGATACTTTGACCATA	86100
Query	439918	TAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTATAATCCATTTGCTTTGATCTACG	439977
Sbjct	86101	TAGCTAGGCTCCTCTCTGACTAGACTGTAAGTTTTTATAATCCATTTGCTTTGATCTACG	86160
Query	439978	TTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTTCAGGTTCCATGTGTCTATTTTGTAACATCTTC	440037
Sbjct	86161	TTCTGCCACAGGGCTGGTTACCTGTATTTCAGGTTCCATGTGTCTATTTTGTAACATCTTC	86220
Query	440038	CCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAAGATTCTTTCTGCCTCCAGGATGGCC	440097
Sbjct	86221	CCAGGATGAATCTCCTGTGCCTGGCTCTACCCCAAGATTCTTTCTGCCTCCAGGATGGCC	86280
Query	440098	CACCTTCTATTCTACCCCTTTCCTACATAGGCCATTGGGTTTTTAATTGACAGGTATATCC	440157
Sbjct	86281	CACCTTCTATTCTACCCCTTTCCTACATAGGCCATTGGGTTTTTAATTGACAGGTATATCC	86340
Query	440158	TGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCCAGTTGTTTTTAGAGGGCCTTGTTCTC	440217
Sbjct	86341	TGCTTCACTTTTTGAGTTCATAGGAGCTTTGCCCAGTTGTTTTTAGAGGGCCTTGTTCTC	86400

Query	440218	CTGGTGTCTCCTCCATTCCCTTCTGGTGTCTCTCCACTCATATGCTTACACTCATGCACACTCG	440277
Sbjct	86401	CTGGTGTCTCCTCCATTCCCTTCTGGTGTCTCTCCACTCATATGCTTACACTCATGCACACTCG	86460
Query	440278	ctgtctgtctgtctgtctctgtctctctgtctctgtgtgtgtctgtgtgtgtgCAGCT	440337
Sbjct	86461	CTGTCTGTCTGTCTGTCTCTGTCTCTGTCTGTGTGTGTCTGTGTGTGTGCAGCT	86520
Query	440338	GCACATGTGAGCTCAAACCTTTAAAGTTTCTACTTTATTAGGTTTCTGCAAACCCCTCACA	440397
Sbjct	86521	GCACATGTGAGCTCAAACCTTTAAAGTTTCTACTTTATTAGGTTTCTGCAAACCCCTCACA	86580
Query	440398	TCACCATAAATTTTAAGTGCCTCTCCCCTTATTCTCTCTTATTCCCTGCACTAGCCAGTC	440457
Sbjct	86581	TCACCATAAATTTTAAGTGCCTCTCCCCTTATTCTCTCTTATTCCCTGCACTAGCCAGTC	86640
Query	440458	TAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGCCCACTTGATCATGGTGGATGATC	440517
Sbjct	86641	TAGAGGACCTACATCCCTAGCCCAAGTGGGATGAAGCCCACTTGATCATGGTGGATGATC	86700
Query	440518	TTTTTGAAATGTTCTTGGATTATGTTTGCAAGTACTTCGCTGAGTATTTTTGCATCTGTG	440577
Sbjct	86701	TTTTTGAAATGTTCTTGGATTATGTTTGCAAGTACTTCGCTGAGTATTTTTGCATCTGTG	86760
Query	440578	TTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTCAGTCTTTATGTGGTTTGATTATC	440637
Sbjct	86761	TTCTAAGGGAAATTGGTCTGCAATTCTCTGTTTTTTCAGTCTTTATGTGGTTTGATTATC	86820
Query	440638	AGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTTCCATTTTGTAGAGTGATTTTAAG	440697
Sbjct	86821	AGGGTAAGCTGTGTTCTCAAGGAGTACTGCTCTGTTTCCATTTTGTAGAGTGATTTTAAG	86880
Query	440698	AGTATTAGCATTAACTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTCTGTGCTAAGATTATCTGGCTCTG	440757
Sbjct	86881	AGTATTAGCATTAACTTTTTTGAAAGTGGTAAAATTCTGTGCTAAGATTATCTGGCTCTG	86940
Query	440758	GATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTAGAATTGAATTTTCATTCAGTTGT	440817
Sbjct	86941	GATCTTATTTGGCTGGGAGACTTTTAAAGACTTTTTAGAATTGAATTTTCATTCAGTTGT	87000
Query	440818	AGAAAGTGTTGTATTTTACAAGTTTGTGTCTGGACGCAtttttttCATTCAGTAGAAGAT	440877
Sbjct	87001	AGAAAGTGTTGTATTTTACAAGTTTGTGTCTGGACGCATTTTTTTCATTCAGTAGAAGAT	87060
Query	440878	TGTTTCAGTTTCCTTGATTGTAAAGAGTTCTATTGTTTGTGTTGTTGATCTCCATGGTGAT	440937
Sbjct	87061	TGTTTCAGTTTCCTTGATTGTAAAGAGTTCTATTGTTTGTGTTGTTGATCTCCATGGTGAT	87120
Query	440938	CAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGATGTGTTAAGACTTTGTGTCTGAG	440997
Sbjct	87121	CAGAAAGGATGCAGGGTGTTATTTTCAGTCTTCTTGATGTGTTAAGACTTTGTGTCTGAG	87180
Query	440998	CACATGGTCAATAATTTTAAGGAAGTTCATGGGGTCTTAGAAGAAGGCATGTTCCCTTTG	441057
Sbjct	87181	CACATGGTCAATAATTTTAAGGAAGTTCATGGGGTCTTAGAAGAAGGCATGTTCCCTTTG	87240
Query	441058	TGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAACCTCCATTGGTTGCACCATATCTCTG	441117
Sbjct	87241	TGTTTGGGTGAAATGTTCTGTAAATACCTGTTAACCTCCATTGGTTGCACCATATCTCTG	87300
Query	441118	TTTAGTTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGATTGGGGTATTGAAGACTCCCACA	441177
Sbjct	87301	TTTAGTTTTTGTATGGATGACTTGTCCATTGGTGAGATTGGGGTATTGAAGACTCCCACA	87360
Query	441178	ATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTTACAAACTTGGGTGCCCTGGTGTGTTGGGGCAT	441237
Sbjct	87361	ATGAGTGTGTGAGGGTCAGTATATGATTTACAAACTTGGGTGCCCTGGTGTGTTGGGGCAT	87420
Query	441238	AGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTGTGAATTTCTTTTGATGAGTACATACTGTCC	441297
Sbjct	87421	AGAAGTTTAGGCTTGAAATGTCCTCTTGTGTGAATTTCTTTTGATGAGTACATACTGTCC	87480
Query	441298	TTTCCTATCTCTTTTGATTAGTTTTAGTTTGAGACTTATTTGTTAAGTATTAAAAATGGCC	441357
Sbjct	87481	TTTCCTATCTCTTTTGATTAGTTTTAGTTTGAGACTTATTTGTTAAGTATTAAAAATGGCC	87540
Query	441358	ACACGAGCTTGTTCCCTTGGGCATATAtttttttCTGTCTTTTTATGCTGAGCCGATTGG	441417
Sbjct	87541	ACACGAGCTTGTTCCCTTGGGCATATATTTTTTTTCTGTCTTTTTATGCTGAGCCGATTGG	87600
Query	441418	TGTCTATCCTTTAGTGTTGAACTGTACTTCTTACATGAAGCCAAAACATAAGATTGTATT	441477
Sbjct	87601	TGTCTATCCTTTAGTGTTGAACTGTACTTCTTACATGAAGCCAAAACATAAGATTGTATT	87660
Query	441478	TCCCCGTCCATTCTGTTAGTGTGTCCTTTTATGTGAGGGTTTGAGACTGTTGATTTTGA	441537
Sbjct	87661	TCCCCGTCCATTCTGTTAGTGTGTCCTTTTATGTGAGGGTTTGAGACTGTTGATTTTGA	87720
Query	441538	TAGATACCAATGGTCAGTGACTGTTGATACATGTAACCTTGTGTTGTTGGTGAAGTAAG	441597

Sbjct	87721	TAGATACCAATGGTCAGTGACTGTTGATACATGTAACTTTGTGTGTTGGTGAAGTAAG	87780
Query	441598	TACGTCAGAGGGATGTGTATGTGTGTGTCCACGTCCATCTGTCTGTCCATCCGTCTGTCC	441657
Sbjct	87781	TACGTCAGAGGGATGTGTATGTGTGTGTCCACGTCCATCTGTCTGTCCATCCGTCTGTCC	87840
Query	441658	ATTCATGCCCCCTCCCTTCTTTTGATGTGCTAGTCTGGGATTATATAGTTCCTGTGTTGTC	441717
Sbjct	87841	ATTCATGCCCCCTCCCTTCTTTTGATGTGCTAGTCTGGGATTATATAGTTCCTGTGTTGTC	87900
Query	441718	TTTGGTGTAACATAACCTACTTAGGTTGAAGTTTTCTTTCTAGCCCCCTTTTACAGCTGAG	441777
Sbjct	87901	TTTGGTGTAACATAACCTACTTAGGTTGAAGTTTTCTTTCTAGCCCCCTTTTACAGCTGAG	87960
Query	441778	TTTGTA AACAGATACTGCTTAAATGTGGGTGGGttttcttcttcccttcccttcccttccctcc	441837
Sbjct	87961	TTTGTA AACAGATACTGCTTAAATGTGGGTGGGTTTCTTCTTCCTTCCTTCCTTCCTCC	88020
Query	441838	cttctcttcttcttcttctctcttcttcttcttcttcttcttcttctcagaatgtctta	441897
Sbjct	88021	CTTCCTTTCTTTCTTTCTCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTCTCAGAATGTCTTA	88080
Query	441898	ttttcttcatctACAGTGATCAAAAGTTTTGCTGGGTGTGGTGTCTGACCATCGTCTAG	441957
Sbjct	88081	TTTCTTTCATCTACAGTGATCAAAAGTTTTGCTGGGTGTGGTGTCTGACCATCGTCTAG	88140
Query	441958	AACATCATCTCACCAGGCTTTTAAGGCTTTGAAGGTCTCTCTCTAGGTCAGGTTTAATTC	442017
Sbjct	88141	AACATCATCTCACCAGGCTTTTAAGGCTTTGAAGGTCTCTCTCTAGGTCAGGTTTAATTC	88200
Query	442018	TAATAGGTCTGTCTGCCTTTATTTGTACTTGTCCTTTTCCCTTTAATCTTCTTTTCATT	442077
Sbjct	88201	TAATAGGTCTGTCTGCCTTTATTTGTACTTGTCCTTTTCCCTTTAATCTTCTTTTCATT	88260
Query	442078	GTTGTGTATGTTTAGTGTTTTGATTATTACATGGCAAGAGGTCTTTCTTTTATGATCCAA	442137
Sbjct	88261	GTTGTGTATGTTTAGTGTTTTGATTATTACATGGCAAGAGGTCTTTCTTTTATGATCCAA	88320
Query	442138	ATCTACTTGGTGCTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGATAGGCATTTATTTCTTTAGGGCA	442197
Sbjct	88321	ATCTACTTGGTGCTCTGTATGCTTCTTTATACCTTGATAGGCATTTATTTCTTTAGGGCA	88380
Query	442198	GGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGCAAAAATCCTTCCTGGGTCTTGATACTTGGGGATT	442257
Sbjct	88381	GGGAGTTTTTCTTCTATGATTTTGTGCAAAAATCCTTCCTGGGTCTTGATACTTGGGGATT	88440
Query	442258	CTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGGTCTTTTCATGGTGCCTCAGATTT	442317
Sbjct	88441	CTCCTTTTTTCTTGATCCCCATTTTTCTTAGGTTTGGTCTTTTCATGGTGCCTCAGATTT	88500
Query	442318	TCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTTCAACACCTGAGAATCTCTTCCAT	442377
Sbjct	88501	TCTCTGATGGATGGCTTCATTTTTTCCATGGTATCTTCAACACCTGAGAATCTCTTCCAT	88560
Query	442378	CTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCCTCCGTAGTTCCTGTCCAAGTTCCTATGCTTTT	442437
Sbjct	88561	CTCCTGAATTCTGATGGTGAAGCTTGCCCTCCGTAGTTCCTGTCCAAGTTCCTATGCTTTT	88620
Query	442438	CAC TTCCAGTTTCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTGAATCCGTTTTCACTTTTCAGGTGG	442497
Sbjct	88621	CAC TTCCAGTTTCCCCAGTTTGAGTTTTCGTTTTTGAATCCGTTTTCACTTTTCAGGTGG	88680
Query	442498	TGT TCTCATAGATTACTCTAGGAGATTACTGATTTCCTCTTTAAGGACCTTTATCAAAT	442557
Sbjct	88681	TGT TCTCATAGATTACTCTAGGAGATTACTGATTTCCTCTTTAAGGACCTTTATCAAAT	88740
Query	442558	CCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTTGTGCCTCAGATATGTTGGTCCTG	442617
Sbjct	88741	CCACAAAAGCTGTTTTTATGTTTAAGCCTTTTTACTTGTGCCTCAGATATGTTGGTCCTG	88800
Query	442618	AGGAGTGTGGGGTCCAGATAGGTGTGGGGACTGGGTTTTCCAGGTGTAAAATGTGTTTCT	442677
Sbjct	88801	AGGAGTGTGGGGTCCAGATAGGTGTGGGGACTGGGTTTTCCAGGTGTAAAATGTGTTTCT	88860
Query	442678	TAGTATTGGGACCTGAGACTTGCGAACGGGAATGGGCTTGGGGTTATGACAGGGCTTTAC	442737
Sbjct	88861	TAGTATTGGGACCTGAGACTTGCGAACGGGAATGGGCTTGGGGTTATGACAGGGCTTTAC	88920
Query	442738	GAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGATGAATCATTGCCATGGTTATAGGG	442797
Sbjct	88921	GAGAGAGGGAAAGTAGGATGTTTGACCAGGAGCTGATGAATCATTGCCATGGTTATAGGG	88980
Query	442798	TCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACCAAAGAGCTGGGGATGAGACTGGA	442857
Sbjct	88981	TCAGAGAGTTAGGAGAGACCATGGCAGAAGGTCTACCAAAGAGCTGGGGATGAGACTGGA	89040
Query	442858	TCTTGA ACTTGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCATGCAGTTAGCTTCTGTGCTTCTG	442917
Sbjct	89041	TCTTGA ACTTGAGGAATTGAGGCAGAAGTGATGGCATGCAGTTAGCTTCTGTGCTTCTG	89100

Query	442918	GTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAATGGAACAAAGCAATTAGGAGAGT	442977
Sbjct	89101	GTTTTCCGAAGTTTCAAGACTTGCTGAAATTGGGGAATGGAACAAAGCAATTAGGAGAGT	89160
Query	442978	TAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGTGGGCTGGGTAGCGGCCACAGATA	443037
Sbjct	89161	TAGGAGGGGAAGATCTGTGGGATCTTTAGAGATAAGTGGGCTGGGTAGCGGCCACAGATA	89220
Query	443038	GTCTGCCCCAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTTGATTTGAAGGAACTGAGAGGGAG	443097
Sbjct	89221	GTCTGCCCCAAGAGCTAGAGATGAGACTTGTAGGTTTGATTTGAAGGAACTGAGAGGGAG	89280
Query	443098	ATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTGTACCAGAGCGGCCTGTAGTTTCC	443157
Sbjct	89281	ATGAAGATCTGGTTAAAGTTAGCCTACCTGCTTTCTGTACCAGAGCGGCCTGTAGTTTCC	89340
Query	443158	TAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTCAGATCTGGGACAAAGCAAGGAATGTGTGGATGGAGGGA	443217
Sbjct	89341	TAGAGAGGGCCTCGTGTAGTTCAGATCTGGGACAAAGCAAGGAATGTGTGGATGGAGGGA	89400
Query	443218	AGGAGGGGAAAGATCTGCAGGGACCACTAGAAATGAGCGGAAAGACTGCTATAGCTATTCT	443277
Sbjct	89401	AGGAGGGGAAAGATCTGCAGGGACCACTAGAAATGAGCGGAAAGACTGCTATAGCTATTCT	89460
Query	443278	TCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGGTGGGCAGGATTAGACTTGGAGGATCAGAAGGA	443337
Sbjct	89461	TCTGCAGAGTTGGGGATGATATGGGGGGTGGGCAGGATTAGACTTGGAGGATCAGAAGGA	89520
Query	443338	GAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTAAGTGGCCTATGAATTTGCAGAGA	443397
Sbjct	89521	GAAGTGAAGGTCTACAGTTGGCCTACCTGCTTCACTAAGTGGCCTATGAATTTGCAGAGA	89580
Query	443398	GTCCCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAGCGGTATTATTGGAAACCATACCC	443457
Sbjct	89581	GTCCCCCTTAGGGCACTTACTATGGAGGAAAGTGGGAGCGGTATTATTGGAAACCATACCC	89640
Query	443458	TCCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAACTAAGGAAGTCTGAGGGCAGGAA	443517
Sbjct	89641	TCCCCCAGACCCCTCATACACAGAGAACTCCAGGCAACTAAGGAAGTCTGAGGGCAGGAA	89700
Query	443518	AAATGTCTTCTGATGGTTTATTCATTACCAAGATGTTATCCCTGAAATCGTGGCATAAAA	443577
Sbjct	89701	AAATGTCTTCTGATGGTTTATTCATTACCAAGATGTTATCCCTGAAATCGTGGCATAAAA	89760
Query	443578	GTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGTTATATTTAAATATAAGCAAGACA	443637
Sbjct	89761	GTAGTGCTCACAGACTGAGTAGGTTCTGTTTTGCTGTTATATTTAAATATAAGCAAGACA	89820
Query	443638	GGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAGTAGTTGGGAGGGATTGAACGAG	443697
Sbjct	89821	GGGCCATGGCTTTTTAAAGAGAAAACAGGGAAAAGAGTAGTTGGGAGGGATTGAACGAG	89880
Query	443698	GGAATTGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGACAAAATCAAAGACACCTGTACTA	443757
Sbjct	89881	GGAATTGTATAATTATATTTGACTTCAACAAAAGCGACAAAATCAAAGACACCTGTACTA	89940
Query	443758	CAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAACAGTACATAGTTGGGAGAGACAGT	443817
Sbjct	89941	CAGTATCCATTTACATCATGTGGTTATTAGAATTAACAGTACATAGTTGGGAGAGACAGT	90000
Query	443818	GGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGATGACAGCAACTTTCACATGGATT	443877
Sbjct	90001	GGTATCCTGAGTAGACATTCACTCTCTTAAAGGATGATGACAGCAACTTTCACATGGATT	90060
Query	443878	TCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAACATGACATTCCCCCTGCAGACCGGC	443937
Sbjct	90061	TCATTGTGGCAGCATCCAACCTCCGGGCAGAAAACATGACATTCCCCCTGCAGACCGGC	90120
Query	443938	ATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCTTGCCCGAGCTGATTTTCTTCAT	443997
Sbjct	90121	ATAAGGTAATGGGAGTCTGTGATGTACCAGTGACCCTTGCCCGAGCTGATTTTCTTCAT	90180
Query	443998	TTGGGCCTTCTGTGGTCCCCACTTCCTCCTAAACAGTAATCCCTGGTGCCCACTGTCTG	444057
Sbjct	90181	TTGGGCCTTCTGTGGTCCCCACTTCCTCCTAAACAGTAATCCCTGGTGCCCACTGTCTG	90240
Query	444058	TCTTACAGAGCAAACCTGATTGCAGGGAAGATCATCCCAGCTATTGCAACCACTACATCAG	444117
Sbjct	90241	TCTTACAGAGCAAACCTGATTGCAGGGAAGATCATCCCAGCTATTGCAACCACTACATCAG	90300
Query	444118	CTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGTGGTTCAGGGTCACCAACAACCTGG	444177
Sbjct	90301	CTGTAGTTGGCCTCGTGTGTCTGGAGCTGTATAAGGTGGTTCAGGGTCACCAACAACCTGG	90360
Query	444178	ATTCTTTTAAAAACAGTTTTATCAACTTGGCTCTGCCTTTCTTCAGCTTCTCTGCACCTC	444237
Sbjct	90361	ATTCTTTTAAAAACAGTTTTATCAACTTGGCTCTGCCTTTCTTCAGCTTCTCTGCACCTC	90420
Query	444238	TAGCTCCAGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGCATAGGAAATATTGATATTACCAT	444297

Sbjct	90421	TAGCTCCAGGGTATCACCAGGTATGGGACCTACAAGCATAGGAAATATTGATATTACCAT	90480
Query	444298	TCAGGAAATCTGAGTACACCAGTATacacaaacacacacgcacgcacacacacGctctct	444357
Sbjct	90481	TCAGGAAATCTGAGTACACCAGTATACACAAACACACACGCACGCACACACACGCTCTCT	90540
Query	444358	ctttctctttctctctgtgctgtgtgtgctgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt	444417
Sbjct	90541	CTTTCTCTTTCTCTCTGTGCGTGTGTGTGCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	90600
Query	444418	gtgtgtgtgtTAGTGTTGGGATGGGGAATGGGGACTTCACAGCGGATAAGGGGTCATTTT	444477
Sbjct	90601	GTGTGTGTGTTAGTGTTGGGATGGGGAATGGGGACTTCACAGCGGATAAGGGGTCATTTT	90660
Query	444478	CCTGAGATATAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCAAACACATGGACAACATAAACTGT	444537
Sbjct	90661	CCTGAGATATAATTTGAATACCTCTGTTTCATCCATCAAACACATGGACAACATAAACTGT	90720
Query	444538	AGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGTCTCAAGAAAAGCAGAAAATCAGCC	444597
Sbjct	90721	AGTGCGGGCCAGGTATTGCTAGAGTGTGAGATTCTGTCTCAAGAAAAGCAGAAAATCAGCC	90780
Query	444598	AGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACAGGGGATGTTAAATGAGAGAAGGA	444657
Sbjct	90781	AGAAGGGTGCTGACAAAACATTTTCATGGAGAGCTACAGGGGATGTTAAATGAGAGAAGGA	90840
Query	444658	GAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCCTTTTCCTTACAAAGATTCAAGCTGCCTAATCA	444717
Sbjct	90841	GAAAGTAGGGTCTTAGTGGTGTGTGTCCTTTTCCTTACAAAGATTCAAGCTGCCTAATCA	90900
Query	444718	TGTTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTGGACAATAGAGCTGCAGTTGTAACAATGTTAA	444777
Sbjct	90901	TGTTTAGGTAATGCCACAAGTGTATTTTGGACAATAGAGCTGCAGTTGTAACAATGTTAA	90960
Query	444778	GAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCTCTAGTACTATGATAAAAAGTGGACATTGTGGG	444837
Sbjct	90961	GAACACTCTTATCTCTTATCTTTGTCTCTAGTACTATGATAAAAAGTGGACATTGTGGG	91020
Query	444838	ATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGAAGAGATGACCCTCAAGCAGTTTC	444897
Sbjct	91021	ATCGTTTTGATGTGCAGGGACTGCAACCTAGTGGTGAAGAGATGACCCTCAAGCAGTTTC	91080
Query	444898	TAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACCTCCCCCTTCGTGGGGACTTGTATATT	444957
Sbjct	91081	TAGACTACTTTAAGGTAGGGCTCCTTCTGTGAACCTCCCCCTTCGTGGGGACTTGTATATT	91140
Query	444958	TGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACCTCTGCAGACAGAGCACAAGCTGG	445017
Sbjct	91141	TGATTTAGTACAGTCACCACTGCTATCTCTTCTAACCTCTGCAGACAGAGCACAAGCTGG	91200
Query	445018	AAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTATTCTCTTTATGCCAGCCACCA	445077
Sbjct	91201	AAATCACCATACTATCCCAGGGTGTGTCCATGCTCTATTCTCTTTATGCCAGCCACCA	91260
Query	445078	AACTCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCTCCGGGCTGGTGGGAGTGGAACCC	445137
Sbjct	91261	AACTCCAGGAACGGTTGGATCAGCCGTGAGTTAGCCTCCGGGCTGGTGGGAGTGGAACCC	91320
Query	445138	TTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCATGGTTCCCCATTCTTTTTCTGCAA	445197
Sbjct	91321	TTGTATGGGATTCTCAACCACCCAGGGTGCCCCCTCATGGTTCCCCATTCTTTTTCTGCAA	91380
Query	445198	TCTGCTACCACCTTTTCCTTCTGTGTTTGTGTTTCTTCTTTCTTAAGTCTCGTGTTCCTTGA	445257
Sbjct	91381	TCTGCTACCACCTTTTCCTTCTGTGTTTGTGTTTCTTCTTTCTTAAGTCTCGTGTTCCTTGA	91440
Query	445258	TTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAGCGGAACTGGGCCAGCACGTGAA	445317
Sbjct	91441	TTTCAGGATGACAGAGATTGTGAGCCGTGTGTCAAAGCGGAACTGGGCCAGCACGTGAA	91500
Query	445318	GTCCCTTGTTGTTTGTGCTGTGCTGCAACAATGAGAGTGAGACGACATTGAAGTTCCTTA	445377
Sbjct	91501	GTCCCTTGTTGTTTGTGCTGTGCTGCAACAATGAGAGTGAGACGACATTGAAGTTCCTTA	91560
Query	445378	TGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCCATTCTTTTCAGTTCTGTCAGTCTG	445437
Sbjct	91561	TGTACGATACATCATCGGCTGATCTCTTACTGACTCCATTCTTTTCAGTTCTGTCAGTCTG	91620
Query	445438	TACCAAAACCTTTCTAGTTGTGATAAAACCTGATTTTCAGACTTCCTTGTTTCCTAAGACCT	445497
Sbjct	91621	TACCAAAACCTTTCTAGTTGTGATAAAACCTGATTTTCAGACTTCCTTGTTTCCTAAGACCT	91680
Query	445498	TTGTTTAGTGCTGTTTTTTATTACAATGCTTAGAACTGAAATTCGTAATAATACATTTTC	445557
Sbjct	91681	TTGTTTAGTGCTGTTTTTTATTACAATGCTTAGAACTGAAATTCGTAATAATACATTTTC	91740
Query	445558	AGCCAGTAAGTAGTGTGTCTTCTCTCCTTTTAAAGGCGGGTGTGCTGATGTCCCTAGGA	445617
Sbjct	91741	AGCCAGTAAGTAGTGTGTCTTCTCTCCTTTTAAAGGCGGGTGTGCTGATGTCCCTAGGA	91800

Query	445618	AGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCtttttttttttttttttttttttttttttt	445677
Sbjct	91801	AGAAATGGGAGTCCTTATACTAACCTGCAACTCTTTTTTTTTTTTCTTTTCTTTTTTT	91860
Query	445678	CGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGTATGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGC	445737
Sbjct	91861	CGGAGCTGGGGACCGAACCAGGGCCTTGCGTATGCTAGGCAAGCGCTCTACCACTGAGC	91920
Query	445738	TAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTTAAAAGGTGACATTAGAGTCCAGCGGCACA	445797
Sbjct	91921	TAAATCCCCAACCCCTAACCTGCAGCTGTTAAAAGGTGACATTAGAGTCCAGCGGCACA	91980
Query	445798	GAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTCAGATAGAGTACTGAAGATGAAACTTAAGCTG	445857
Sbjct	91981	GAAGCAGCATGGACATTTATCCAGTATTCAGATAGAGTACTGAAGATGAAACTTAAGCTG	92040
Query	445858	TTCTCATTCCTCTTGCTATTTCTGCTTAGGGAGAAATGAAGCCTGTGGCAGCAAGGCCAT	445917
Sbjct	92041	TTCTCATTCCTCTTGCTATTTCTGCTTAGGGAGAAATGAAGCCTGTGGCAGCAAGGCCAT	92100
Query	445918	AATGAGGCGGTGAGCCCTTGCCCTAAAATTAATACCCTTTCTTTTCTCTTGCCACATACCA	445977
Sbjct	92101	AATGAGGCGGTGAGCCCTTGCCCTAAAATTAATACCCTTTCTTTTCTCTTGCCACATACCA	92160
Query	445978	GTCCTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGTCTGGCTAGGCTGGGCTGGGATCC	446037
Sbjct	92161	GTCCTAGTGATGATCAGGTGAAGCAGAGACTCATAGTCTGGCTAGGCTGGGCTGGGATCC	92220
Query	446038	TGTGTCTTACTTTATCTTGTTTCTGATTGTTTTTCCCTGCCAGTTGCTCATCTGAGAT	446097
Sbjct	92221	TGTGTCTTACTTTATCTTGTTTCTGATTGTTTTTCCCTGCCAGTTGCTCATCTGAGAT	92280
Query	446098	AAGAGGATAAAAAAGTTGTTGTTAGAAATAAGGGCCTTAAAATTAGTTGCCGCTTAAC TTG	446157
Sbjct	92281	AAGAGGATAAAAAAGTTGTTGTTAGAAATAAGGGCCTTAAAATTAGTTGCCGCTTAAC TTG	92340
Query	446158	TGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCATGTAATCTGTCTCCTTTACTTTG	446217
Sbjct	92341	TGTCTTATTGAATATGGCGGTTTTGCGTAGGCTTTCATGTAATCTGTCTCCTTTACTTTG	92400
Query	446218	GGCAGCTCTTTTGGGTACGTGTATTTGACTTCGAAATGTCTCCTGTATTTGCATGTGCA	446277
Sbjct	92401	GGCAGCTCTTTTGGGTACGTGTATTTGACTTCGAAATGTCTCCTGTATTTGCATGTGCA	92460
Query	446278	CACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCTTCCATTGAACTTTTATTCACTTA	446337
Sbjct	92461	CACATTTCCCTGATTTTGGGGAGTTGGGGGCTGTGCTTCCATTGAACTTTTATTCACTTA	92520
Query	446338	ATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATATATGGA tttttttt AAATTGAG	446397
Sbjct	92521	ATTTTGGTCTCCTTTGTTTCTAGCTCCTTGTTCTATATATGGATTTTTTTTTTAAATTGAG	92580
Query	446398	TTCATGTTTCATTTTCATATGTATGAAGTATGTACATGAATGACCCAATACCTCTCTTCGTT	446457
Sbjct	92581	TTCATGTTTCATTTTCATATGTATGAAGTATGTACATGAATGACCCAATACCTCTCTTCGTT	92640
Query	446458	TCTACAGACCTCTGTATCATTCTTACACACATGGCTTCGTTTCTTTTATTTCAGTTGTCT	446517
Sbjct	92641	TCTACAGACCTCTGTATCATTCTTACACACATGGCTTCGTTTCTTTTATTTCAGTTGTCT	92700
Query	446518	GTTTTAGTTAACATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGCTCCCCACCCTGCCTTCCTCCTCC	446577
Sbjct	92701	GTTTTAGTTAACATTCCAAATGCCCCCTGCTCCCTGCTCCCCACCCTGCCTTCCTCCTCC	92760
Query	446578	CAGAGTTCTTCGCCACATGCCCTTCCTTTTGCTTGAGAGGGTGCTACCTCACCTACCCA	446637
Sbjct	92761	CAGAGTTCTTCGCCACATGCCCTTCCTTTTGCTTGAGAGGGTGCTACCTCACCTACCCA	92820
Query	446638	CACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGCATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGC	446697
Sbjct	92821	CACACACCTCACCACCAGCCTCCCGCTCCCCTGGGGCATCAAGTTTGTATAGGGTTAAGC	92880
Query	446698	ACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGCTGCTACATATGAGCCCCTGTATG	446757
Sbjct	92881	ACATCCTCTCCCACTGAGACCAGACAAGGCAGTCTGCTGCTACATATGAGCCCCTGTATG	92940
Query	446758	CTCCTTGATGGTGGGTTAGCCTCTGGGAGCCGTGAGGGATCCAGGGCCTTCCTACAGGGT	446817
Sbjct	92941	CTCCTTGATGGTGGGTTAGCCTCTGGGAGCCGTGAGGGATCCAGGGCCTTCCTACAGGGT	93000
Query	446818	TGGGAACCCCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTTAATCTTCCATAGGGGCCCTGACCTC	446877
Sbjct	93001	TGGGAACCCCTTCAGTTCATTTAGTCTTTTTCTTAATCTTCCATAGGGGCCCTGACCTC	93060
Query	446878	AATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTCAGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCA	446937
Sbjct	93061	AATCCAATGGTAGGCTGTAAGTATCTGTATCTGTTTCAGTCAGCACCTTAGAGCCTCTCA	93120
Query	446938	GAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAGCAGAACATGAGTAATAAGTGTC	446997



Sbjct	93121	GAGGACACCGCTGCTAGACTCCTGTGTTCAAGCACAGCAGAACATGAGTAATAAGTGTCA	93180
Query	446998	GGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTGGGCCAGTCACTGGAAGTCCTAT	447057
Sbjct	93181	GGGTTTTGTACCTGCCCATAGGATGGATCCCAAGTTGGGCCAGTCACTGGAAGTCCTAT	93240
Query	447058	CCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGTCCCTGCATTTCTTTAGAAATGTTTAGGAACAATT	447117
Sbjct	93241	CCTTTAGTCTCTTCTCCCTTTCTGTCCCTGCATTTCTTTAGAAATGTTTAGGAACAATT	93300
Query	447118	CTGGGTCAAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCAGGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCT	447177
Sbjct	93301	CTGGGTCAAAAAAATTTGAAGGTGGGTGGGTGACCCAGGCCTCAGCTGGGGGCCATGTCT	93360
Query	447178	GTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTACTGTTGGGCATTTTGGCTAAAATT	447237
Sbjct	93361	GTGCTGGATGTGGTTTCTTCAGGTTCCATCTCTCTACTGTTGGGCATTTTGGCTAAAATT	93420
Query	447238	ATTCCCATCCAGTCCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGGGGGTTCCCCCTGCCCCACCCCA	447297
Sbjct	93421	ATTCCCATCCAGTCCTGGGAACCTCTCACCTCTCTGGGGGTTCCCCCTGCCCCACCCCA	93480
Query	447298	CACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCCTCTTCCCTTGTCTCCTGCCATAC	447357
Sbjct	93481	CACTGCTTCATATTGCCATTCTCCTGGCCCTCTGGCCTCTTCCCTTGTCTCCTGCCATAC	93540
Query	447358	TTCATTCTGCCCCGCTCCCCGCCCCCTTTCTTCCCCTCTCCTGTCCAAACTCACTCTTG	447417
Sbjct	93541	TTCATTCTGCCCCGCTCCCCGCCCCCTTTCTTCCCCTCTCCTGTCCAAACTCACTCTTG	93600
Query	447418	CCTCTGGTGATTATTTTGTTCACGATCTAAGTGGGTTTGAAATAACCACACTTGGGCCT	447477
Sbjct	93601	CCTCTGGTGATTATTTTGTTCACGATCTAAGTGGGTTTGAAATAACCACACTTGGGCCT	93660
Query	447478	GCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTATCTTGGGTATTCTGAACCTTTTTG	447537
Sbjct	93661	GCCTTCTTGTTAAGATTCCACAGTCTGTGAGTTGTATCTTGGGTATTCTGAACCTTTTTG	93720
Query	447538	GCTAATTCCCACTTACAGTGAGTACATACAAGGCATGTCCTTTTGGTTCTGGGTTTCCTG	447597
Sbjct	93721	GCTAATTCCCACTTACAGTGAGTACATACAAGGCATGTCCTTTTGGTTCTGGGTTTCCTG	93780
Query	447598	ACTTAGGATATTTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAACCACTTTTCTGTATCTAGGTTGT	447657
Sbjct	93781	ACTTAGGATATTTTCTAGTTTGAATGTGCAAATGAACCACTTTTCTGTATCTAGGTTGT	93840
Query	447658	TTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAAATATGATGGATGGAGCACATGTC	447717
Sbjct	93841	TTCCAGCTATTGGGTATTATCGATAAGACTGCTATAAATATGATGGATGGAGCACATGTC	93900
Query	447718	CTTGAGATATGGTGAGCATCTTGGGTATATGCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCTCCG	447777
Sbjct	93901	CTTGAGATATGGTGAGCATCTTGGGTATATGCCAGGAGAGGTATAGCTGGGTCCTCCG	93960
Query	447778	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCAGAATGGTTGTACCA	447837
Sbjct	93961	GTAGTTCAATGTCCAATTTTCTGAGGAACCTCCAGACTGATTTCAGAATGGTTGTACCA	94020
Query	447838	GTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATGTTGAGCATTTCTTTAGGTGCTTC	447897
Sbjct	94021	GTCTGCAATCCCACCAACAATGGAGGAGTTAAGGATGTTGAGCATTTCTTTAGGTGCTTC	94080
Query	447898	TCAGCCACTCAATATTCCTCAGCTGAAAATTCTCTTACATGGATTCTTAAATGCTCTCTA	447957
Sbjct	94081	TCAGCCACTCAATATTCCTCAGCTGAAAATTCTCTTACATGGATTCTTAAATGCTCTCTA	94140
Query	447958	AGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTATTATTTTCTGTGTGGGTATCCC	448017
Sbjct	94141	AGCATGATCATGTCCCAAAGTTGTAGGAATGCTTGTATTATTTTCTGTGTGGGTATCCC	94200
Query	448018	CAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTCTTTCTGGTTGATTAGTTTAGCGATGATGC	448077
Sbjct	94201	CAGCCCATCTTCAGTCTGACAGTTCTTTCTTTCTGGTTGATTAGTTTAGCGATGATGC	94260
Query	448078	TTACCCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCTGTTCTGAGGTTTCTGTTGTCCACAGGA	448137
Sbjct	94261	TTACCCCTGTGTTTGACCTCTTCACTTTTCTGTTCTGAGGTTTCTGTTGTCCACAGGA	94320
Query	448138	GCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTCATCAAGAttttttATACTGATG	448197
Sbjct	94321	GCTTAATGTTTCTGGGATAATTTTCTCAACTGTTTTCATCAAGATTTTTTATACTGATG	94380
Query	448198	TTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTGTTCAATTGATAATTTTAGAAACTAACTTGAATTC	448257
Sbjct	94381	TTTATTACTTTGATGAGTCCTCTTGTGTTCAATTGATAATTTTAGAAACTAACTTGAATTC	94440
Query	448258	TTTGGCTTTTCAACCATTGTCTAATTTGACTGATGAAGTGTTTTAGACATCTGTACAGT	448317
Sbjct	94441	TTTGGCTTTTCAACCATTGTCTAATTTGACTGATGAAGTGTTTTAGACATCTGTACAGT	94500

Query	448318	AGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACATGTTGTGAAGGGGAAAGCAAAAAT	448377
Sbjct	94501	AGGCTCAAAATGAGACCAATTTTCCCCATTGCAACATGTTGTGAAGGGGAAAGCAAAAAT	94560
Query	448378	AATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGTGAAATGTTTGCATGCTACATCAA	448437
Sbjct	94561	AATAGGGAAAAAAGGCTAGAAAGAGGGTTGAGTTCGTGAAATGTTTGCATGCTACATCAA	94620
Query	448438	GTGAAGAAAGTTCAGCTCCCCAGCACTCACAGAAATGCCTGTCACCTAATCCCAGCATCT	448497
Sbjct	94621	GTGAAGAAAGTTCAGCTCCCCAGCACTCACAGAAATGCCTGTCACCTAATCCCAGCATCT	94680
Query	448498	GGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGGAGCAAGTCGACTAGCTAGATAGGCTCAATCTGC	448557
Sbjct	94681	GGAAGTTGCACATTAGGGAATCCTTGGAGCAAGTCGACTAGCTAGATAGGCTCAATCTGC	94740
Query	448558	CAGACCCCATGGGACACTCGGCCCATGTTTGAAAGTAAATAACAAACGAGGAAGATACC	448617
Sbjct	94741	CAGACCCCATGGGACACTCGGCCCATGTTTGAAAGTAAATAACAAACGAGGAAGATACC	94800
Query	448618	AGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCTTCTGTAGGACTCGTTTTGTATAT	448677
Sbjct	94801	AGCTGACAGACTCTTGGGAGTTTCCCTCCTAGCACCTTCTGTAGGACTCGTTTTGTATAT	94860
Query	448678	ACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTCTTATTTTCTCTACAAATTATGAT	448737
Sbjct	94861	ACATATTGTTTAAATGTAGTCATAGCAGTTGAATGTCTTATTTTCTCTACAAATTATGAT	94920
Query	448738	TGAACGTTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGCAATCCATGGTCTCTTACAATCTG	448797
Sbjct	94921	TGAACGTTTTTGCCAGGTATATAGTAAGCTGGACTGGCAATCCATGGTCTCTTACAATCTG	94980
Query	448798	TCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAATTCAGGAATAATTCTGATAGGTCT	448857
Sbjct	94981	TCTAGACTCTTCTGGGTTTCAGGACTCCATTGAGAATTCAGGAATAATTCTGATAGGTCT	95040
Query	448858	GCCTTTATTTCTTACTTGGTGTTCTTCCCTTGACGCTTTAATCAGTTTTTCTTGATCTGT	448917
Sbjct	95041	GCCTTTATTTCTTACTTGGTGTTCTTCCCTTGACGCTTTAATCAGTTTTTCTTGATCTGT	95100
Query	448918	ATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAACCTTGCTTTCTGGTCCAAATTATGT	448977
Sbjct	95101	ATGTTTAGTCCTTTGGTTATTATGTGCTGCAGGAACCTTGCTTTCTGGTCCAAATTATGT	95160
Query	448978	AGTGTGTGTATGCTCCTTGTAATAACAAGCATCTCCTTCTTTAGCTTCAAAGTTTTT	449037
Sbjct	95161	AGTGTGTGTATGCTCCTTGTAATAACAAGCATCTCCTTCTTTAGCTTCAAAGTTTTT	95220
Query	449038	CTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTTGGGCCTTTGAGTAAGGCATCTTAGTTGGGAG	449097
Sbjct	95221	CTTCTGTGCTTTTGTTGAAAACATTTTGTTGGGCCTTTGAGTAAGGCATCTTAGTTGGGAG	95280
Query	449098	TTTTCATAGTGCCCCAGTTGTCTGTCCATGGTTGTTTTGTGAGAGGAAatttttacattt	449157
Sbjct	95281	TTTTCATAGTGCCCCAGTTGTCTGTCCATGGTTGTTTTGTGAGAGGAAATTTTACATTT	95340
Query	449158	aatgttttgttttgaaagatgtatccatttttctgtcatatttttAAGGTCAGAGATTCT	449217
Sbjct	95341	AATGTTTTGTTTTGAAAGATGTATCCATTTTCTGTGCATATTTTAAAGGTCAGAGATTCT	95400
Query	449218	TTCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCCCTCTGTAGTTCTTGTTCAGCTCC	449277
Sbjct	95401	TTCTCCATCTCCTGTATTTTCTTGGTAAAGCTTGCCCTCTGTAGTTCTTGTTCAGCTCC	95460
Query	449278	AAATTTTTCACTTCCAGGATTCCCGAGGTTTGGGATTGATTTATTGATTCTGTTTCCACT	449337
Sbjct	95461	AAATTTTTCACTTCCAGGATTCCCGAGGTTTGGGATTGATTTATTGATTCTGTTTCCACT	95520
Query	449338	TTCAAGTCTAGAATGGATTGTTCATTTCTTCCAACGTCTGTCTTGCTAGATTTCCT	449397
Sbjct	95521	TTCAAGTCTAGAATGGATTGTTCATTTCTTCCAACGTCTGTCTTGCTAGATTTCCT	95580
Query	449398	TAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTTGTGTTTTCCGGATTTACTTACGGGCTTTA	449457
Sbjct	95581	TAATACGTTTATTTAATTCCACACATTCTTTGTGTTTTCCGGATTTACTTACGGGCTTTA	95640
Query	449458	TTAATTTACCCTTTAAGGAGCTTCTTTTTTCATACGCTTTATCTCTTGAACATATTGGG	449517
Sbjct	95641	TTAATTTACCCTTTAAGGAGCTTCTTTTTTCATACGCTTTATCTCTTGAACATATTGGG	95700
Query	449518	GCCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATATGCATTTCCCTGCTATTATTCTGT	449577
Sbjct	95701	GCCTACTGTGGTAGGATATCTGGCTGTAGGGATATATGCATTTCCCTGCTATTATTCTGT	95760
Query	449578	TCTGACCCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGTGATTACAGATCTTGCTGCTGATT	449637
Sbjct	95761	TCTGACCCTGGGATTGAAGGATCTGGGTTTAGAAAGTGATTACAGATCTTGCTGCTGATT	95820
Query	449638	TCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTGTTCCCTTGTTTCTGTTTCCCTCTCTG	449697

Sbjct	95821	TCTAGTTTGTCTTTTCTGGGTACCAAGCTGCTTTTGTTCCTTGGTTTCTGTTTCCTCTCTG	95880
Query	449698	GATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTTGGAAGTACCAAGTAAATTGGTTT	449757
Sbjct	95881	GATTGTAGACAGTGTGAAACTTGAGGATCGTGGCCTTGGAAGTACCAAGTAAATTGGTTT	95940
Query	449758	CTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAGGCTAGGGACACTTCATCGCCTGG	449817
Sbjct	95941	CTGCGTACTGGGACCGTCCATTAAGGAATGCTCATAGGCTAGGGACACTTCATCGCCTGG	96000
Query	449818	GTA AACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAGAATCACTGAATGTAAATTAAGTC	449877
Sbjct	96001	GTA AACCGCTCATGCCTACTAAGTGCTAAGGAAGTAGAATCACTGAATGTAAATTAAGTC	96060
Query	449878	CTGGTCCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGTCCTCCAGATACAAGCACCTGGAG	449937
Sbjct	96061	CTGGTCCTGTGTTTTTCTCTGGCCACAGCTTGCCAGTCCTCCAGATACAAGCACCTGGAG	96120
Query	449938	TTGTCCTTCTCCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCTGCTGCGTGTAGACACCTACAGTG	449997
Sbjct	96121	TTGTCCTTCTCCCACTGGGGGTATCTTAGGACTAGCTGCTGCGTGTAGACACCTACAGTG	96180
Query	449998	ATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGCCCATGGTTGCTTCTTGCTTGCTGCCTGTTCTATG	450057
Sbjct	96181	ATATGAATGAATCACCTAGGGCTTGCCCATGGTTGCTTCTTGCTTGCTGCCTGTTCTATG	96240
Query	450058	GACAGCCTCTGCTTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACCACCCAAAAGAATATGCTATGGC	450117
Sbjct	96241	GACAGCCTCTGCTTTTCTATAATTTTGCTCACAGGACCACCCAAAAGAATATGCTATGGC	96300
Query	450118	TTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCCTTTGACCTCGCACCAGGCTACT	450177
Sbjct	96301	TTTCTTCTGTCTTTTCTCAAGGATAGGAGAGGAACCCTTTGACCTCGCACCAGGCTACT	96360
Query	450178	AAGGCAAAGACACCATTTCACGATTGGCATCATGCCATATTATATTGTACACTAAACTG	450237
Sbjct	96361	AAGGCAAAGACACCATTTCACGATTGGCATCATGCCATATTATATTGTACACTAAACTG	96420
Query	450238	CAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAACAGCTCATGCCTACAAAATGCTA	450297
Sbjct	96421	CAGGCCTGCTCCACCTGTACTTCCCTCCTCTGGGTAACAGCTCATGCCTACAAAATGCTA	96480
Query	450298	AGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCCTAGTTCTGTATCTTTTCTCCAGC	450357
Sbjct	96481	AGGTTTAGAGTAGAGTCACTGAATGGCATTCCAATCCTAGTTCTGTATCTTTTCTCCAGC	96540
Query	450358	CACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTTAATAGATCCAGTCTCTTGGAAC	450417
Sbjct	96541	CACATCTTGCCAGTACCCAGATCCAAGCGTCTGGCTTAATAGATCCAGTCTCTTGGAAC	96600
Query	450418	TTTTGGTCCTCTGGCATTCTCAACTACTTTTCCAATAATATGTCTCTATGCTGGGAATAGG	450477
Sbjct	96601	TTTTGGTCCTCTGGCATTCTCAACTACTTTTCCAATAATATGTCTCTATGCTGGGAATAGG	96660
Query	450478	AGCGGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGACCAACTATTTACTGTATTGCCA	450537
Sbjct	96661	AGCGGGGACCTTTGCATCTCCCACCAGTTTACCAAGACCAACTATTTACTGTATTGCCA	96720
Query	450538	GTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACGGGGGCATCACCACCCACACTGAA	450597
Sbjct	96721	GTATCAGAACACATCACATAGGATAAGGGAATTGACGGGGGCATCACCACCCACACTGAA	96780
Query	450598	GCTTGAACCCCTGAGGTAAGAGGACTGTTCTGATGCTGTTGTTGACCTGGACAGTCCCAG	450657
Sbjct	96781	GCTTGAACCCCTGAGGTAAGAGGACTGTTCTGATGCTGTTGTTGACCTGGACAGTCCCAG	96840
Query	450658	CTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAGCAAAGTGGACAAACGCAGGGGAG	450717
Sbjct	96841	CTGGCCACTGGCAGGTCTGCCTCAAGGGCCTCAAGAGCAAAGTGGACAAACGCAGGGGAG	96900
Query	450718	GAGAACACAACATGCCCAGCCAAAGAACCCTTCATCAGGGACACTCCTGTCTCAACCATT	450777
Sbjct	96901	GAGAACACAACATGCCCAGCCAAAGAACCCTTCATCAGGGACACTCCTGTCTCAACCATT	96960
Query	450778	TGTTTCCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGGGAAATGATCCAGGCTTCCCAGGG	450837
Sbjct	96961	TGTTTCCTGCAGATGCAATGGAGAAGGCCAGGCTAAGGGAAATGATCCAGGCTTCCCAGGG	97020
Query	450838	AAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCTACCCTCCCTGACTCCTCACTCTT	450897
Sbjct	97021	AAATCCACAAACAACATGAAAAATAAAACCAGTAGCTACCCTCCCTGACTCCTCACTCTT	97080
Query	450898	ATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTGCCACAGTGGGTGCACCCATATAT	450957
Sbjct	97081	ATACCTGATTACAGTGTGTCTTACCTAAGCCGCTGCCACAGTGGGTGCACCCATATAT	97140
Query	450958	ACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGGGTTATTAGGGACCTTGTGTCTTT	451017
Sbjct	97141	ACTATGTGAAGACAGTGAACAATACACTCTTCTGGGGGTTATTAGGGACCTTGTGTCTTT	97200

Query	451018	GTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAATCCCCTGTATCTTAAGCCTTTGGA	451077
Sbjct	97201	GTAAGCTGGACTTTAACTAGCTTGTTTCTCTGAGAATCCCCTGTATCTTAAGCCTTTGGA	97260
Query	451078	GCTCCTGTC'TTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCATGGTGGGTAGTCAAGGAACATT	451137
Sbjct	97261	GCTCCTGTC'TTCTATCCTTGCTAACTGCCTTGCTGCATGGTGGGTAGTCAAGGAACATT	97320
Query	451138	GCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCCTTGGAACCTTTTCTTAGCACAAA	451197
Sbjct	97321	GCAAGAGGCACTGGGAAGCATCTTTCAGTATGTTCCCTTGGAACCTTTTCTTAGCACAAA	97380
Query	451198	ACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAAAAGCT	451239
Sbjct	97381	ACAGAAGTGGTGAGGTCAAATACCACATTCAAATAAAAAGCT	97422

Load next setPrevious Match

BLAST is a registered trademark of the National Library of Medicine.

[NCBI](#) | [NLM](#) | [NIH](#) | [DHHS](#)

[Copyright](#) | [Disclaimer](#) | [Privacy](#) | [Accessibility](#) | [Contact](#) | [Send feedback](#)

[Preferences](#)[Turn off](#)