# Mineração de Dados

## Transformação de Dados

João Carlos Xavier Júnior

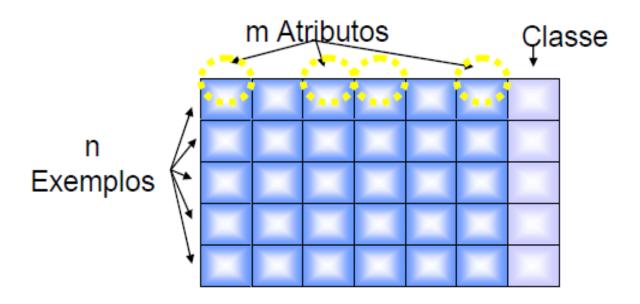
jcxavier@imd.ufn.br





# Redução

- ☐ Redução de dimensões:
  - \* A supressão de uma coluna (atributo) é muito mais delicada do que a supressão de uma linha (padrão).

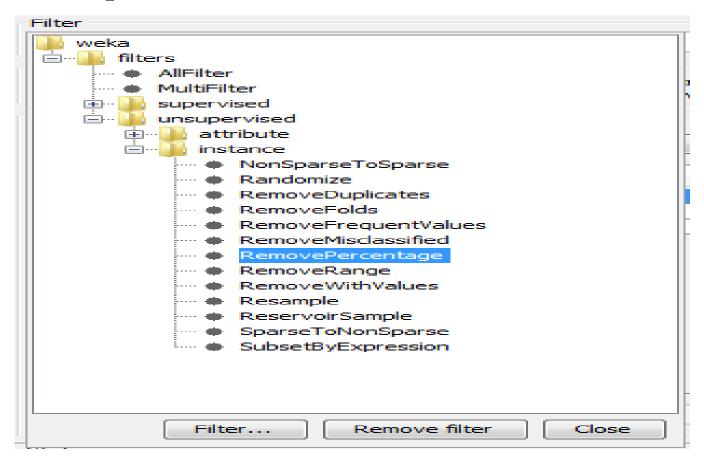


#### Redução de Instâncias

- ☐ Amostragem Incremental:
  - \* Permite a redução do número de instâncias.
  - \* Expressa em percentual:
    - **10%**
    - 30%;
    - 50%;
    - 70%;
    - •

## Amostragem Incremental

☐ Exemplo - WEKA:



#### Redução de Atributos

- Redução de dimensão:
  - Significa retirar atributos.
  - Selecionar atributos.
- ☐ Quais ou como?



#### Seleção de Atributos

#### ☐ Manual:

- Melhor método se for baseado em um entendimento profundo sobre:
  - O problema de aprendizado;
  - O significado de cada atributo (Correlação de Pearson).

#### Automático:

- Métodos de Seleção de atributos:
  - Não-supervisionada;
  - Supervisionada.

- O coeficiente de correlação de Pearson (r):
  - Mede o grau da correlação linear entre duas variáveis quantitativas.
  - É um índice com valores situados ente -1,0 e 1,0.
    - r = 1, significa uma correlação perfeita positiva entre as duas variáveis;
    - r = -1, significa uma correlação negativa perfeita entre as duas variáveis, se uma aumenta, a outra sempre diminui.
    - r = 0, significa que as duas variáveis não dependem linearmente uma da outra.

O coeficiente de **correlação de Pearson** (**r**) é uma medida de associação linear entre variáveis. Sua fórmula é a seguinte:

$$r = rac{\sum_{i=1}^{n}(x_i - ar{x})(y_i - ar{y})}{\sqrt{\sum_{i=1}^{n}(x_i - ar{x})^2}\sqrt{\sum_{i=1}^{n}(y_i - ar{y})^2}}$$

#### where:

- n is the sample size
- ullet  $x_i,y_i$  are the individual sample points indexed with i
- $ar{x} = rac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i$  (the sample mean); and analogously for  $ar{y}$

Como interpretar a Correlação de Pearson:

```
r = 0.10 até 0.30 (fraco);
```

- r = 0,40 até 0,6 (moderado);
- r = 0.70 até 1 (forte).

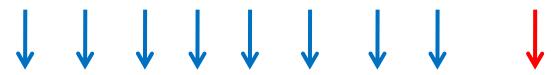
- Dataset:
  - https://github.com/renatopp/arff-datasets/tree/master/classification



··/			
<u>anneal.ORIG.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	84017
<u>anneal.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	143336
<u>arrhythmia.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	418221
<u>audiology.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	45903
autos.arff	15-Jul-2008	15:27	30676
<u>balance-scale.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	8714
<u>breast-cancer.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	29418
<u>breast-w.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	19167
<u>bridges_version1.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	11911
<u>bridges_version2.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	12313
<u>car.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	55474
<pre>cmc.arff</pre>	15-Jul-2008	15:27	33589
<u>colic.ORIG.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	42294
<u>colic.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	63983
<u>credit-a.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	34315
<u>credit-g.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	162249
<u>cylinder-bands.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	113893
<u>dermatology.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	32417
<u>diabetes.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	37419
ecoli.arff	15-Jul-2008	15:27	15714
<u>flags.arff</u>	15-Jul-2008	15:27	21255

- Dataset (atributos):
  - 1. Número de gravidez (preg);
  - \* 2. Concentração de glicose no plasma (plas);
  - 3. Pressão sanguínea (pres);
  - \* 4. Tamanho das dobras cutâneas no tríceps (skin);
  - ❖ 5. Insulina sérica (insu);
  - ❖ 6. Índice de massa corporal IMC (mass);
  - \* 7. Casos de Diabets na família (pedi);
  - \* 8. Idade em anos (age);
  - ❖ 9. Variável classe (0 − negativo ou 1 − positivo).

Dataset:



preg	plas	pres	skin	insu	mass	pedi	age	class
6	148	72	35	О	33,6	0,627	50	tested_positive
1	85	66	29	O	26,6	0,351	31	tested_negative
8	183	64	O	O	23,3	0,672	32	tested_positive
1	89	66	23	94	28,1	0,167	21	tested_negative
O	137	40	35	168	43,1	2,288	33	tested_positive
5	116	74	O	O	25,6	0,201	30	tested_negative
3	78	50	32	88	31	0,248	26	tested_positive
10	115	O	O	O	35,3	0,134	29	tested_negative
2	197	70	45	543	30,5	0,158	53	tested_positive
8	125	96	O	O	O	0,232	54	tested_positive
4	110	92	O	O	37,6	0,191	30	tested_negative
10	168	74	O	O	38	0,537	34	tested_positive
10	139	80	O	O	27,1	1,441	57	tested_negative
1	189	60	23	846	30,1	0,398	59	tested_positive
5	166	72	19	175	25,8	0,587	51	tested_positive
7	100	O	O	O	30	0,484	32	tested_positive
O	118	84	47	230	45,8	0,551	31	tested_positive
7	107	74	O	O	29,6	0,254	31	tested_positive
1	103	30	38	83	43,3	0,183	33	tested_negative
1	115	70	30	96	34,6	0,529	32	tested_positive
3	126	88	41	235	39,3	0,704	27	tested_negative
8	99	84	O	O	35,4	0,388	50	tested_negative
7	196	90	O	O	39,8	0,451	41	tested_positive
9	119	80	35	O	29	0,263	29	tested_positive
11	143	94	33	146	36,6	0,254	51	tested_positive
10	125	70	26	115	31,1	0,205	41	tested_positive

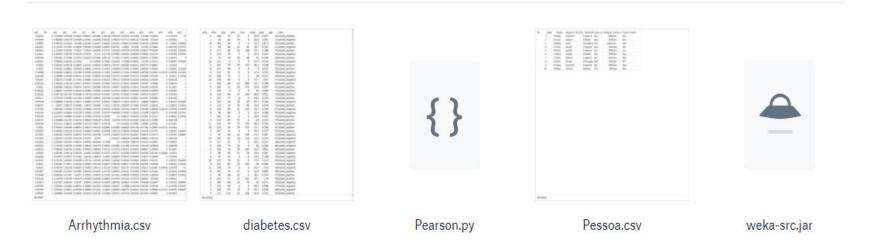
#### ☐ Exemplo:

Correl[1-2]	Correl[1-3]	Correl[1-4]	Correl[1-5]	Correl[1-6]	Correl[1-7]	Correl[1-8]
0,12946			-0,07353			
0,12540	0,14120	0,00107	0,07333	0,01700	0,03332	0,54454
Correl[2-3]	Correl[2-4]	Correl[2-5]	Correl[2-6]	Correl[2-7]	Correl[2-8]	
0,15259	0,05733	0,33136	0,22107	0,13734	0,26351	
Correl[3-4]	Correl[3-5]	Correl[3-6]	Correl[3-7]	Correl[3-8]		
0,20737	0,08893	0,28181	0,04126	0,23953		
Correl[4-5]	Correl[4-6]	Correl[4-7]	Correl[4-8]			
0,43678	0,39257	0,18393	-0,11397			
Correl[5-6]	Correl[5-7]	Correl[5-8]				
0,19786	0,18507	-0,04216				
Correl[6-7]	Correl[6-8]					
0,14065	0,03624					
Correl[7-8]						
0,03356						

Baixando os arquivos:

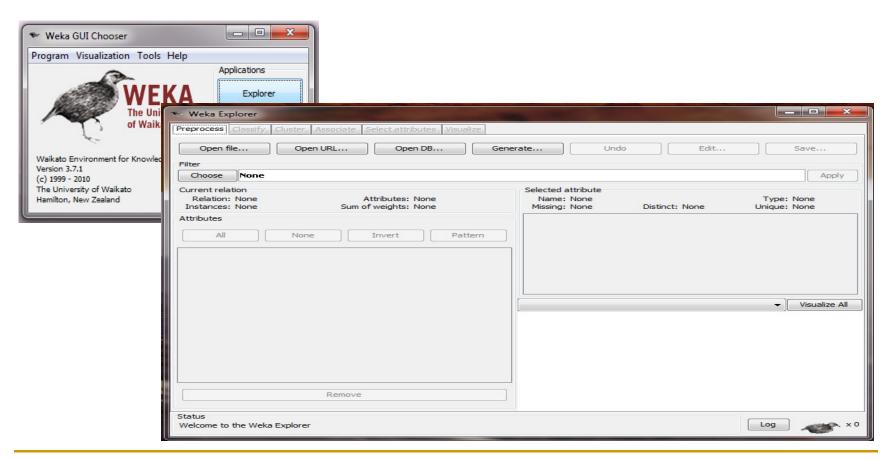
MPES0009\_Material

Classificado por nome

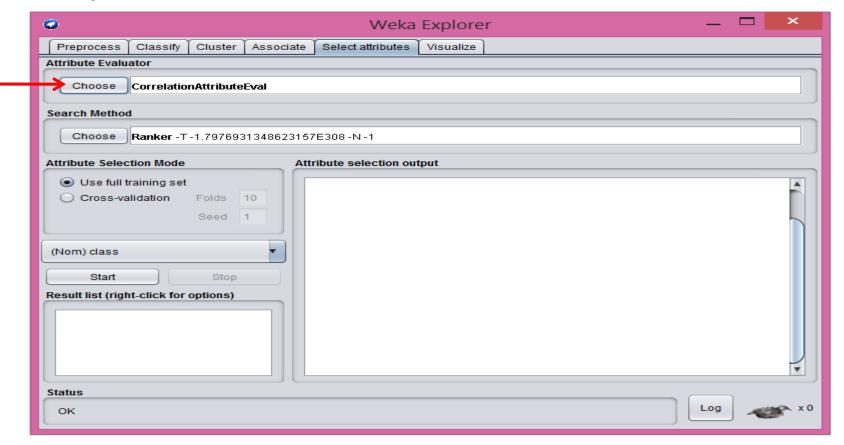


https://www.dropbox.com/sh/b03djhgsziugl7h/AAARsUXaqAA7TYSsdk1-ZALKa?dl=0

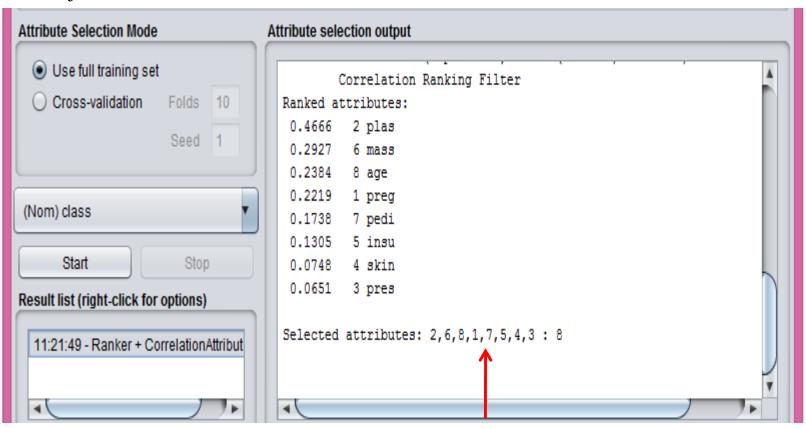
Executando Weka:



☐ Seleção de atributos:



Seleção de atributos:



Utilizando Panda (biblioteca para Análise de Dados em Python):

pandas.DataFrame.corr

DataFrame.corr(method='pearson', min\_periods=1)

[source]

Compute pairwise correlation of columns, excluding NA/null values

method: {'pearson', 'kendall', 'spearman'}

pearson: standard correlation coefficient

kendall : Kendall Tau correlation coefficient

spearman : Spearman rank correlation

min\_periods : int, optional

Minimum number of observations required per pair of columns to have a valid result.

Currently only available for pearson and spearman correlation

y: DataFrame Returns:

Parameters:

Código em Python:

```
<u>Arquivo Editar Pesquisar Código Executar Depurar Consoles Projetos Ferramentas Ver Ajuda</u>
Editor - C:\Users\anne\Dropbox\MPES0009_Material\Pearson.py
   Pearson.py
  1# Biblioteca Pandas
  2 import pandas as pd
  4# DataFrame (dataset)
  5 db = pd.read csv('diabetes.csv',encoding='utf-8')
  7# .corr - métoda para calculo da correlação
  8# propriedade method = 'pearson'
  9 print(db.corr(method='pearson'))
 10
```

Correlação calculada:

```
Console IPython
                                                                                   6
   Console 1/A 🔀
In [1]:
In [1]: runfile('C:/Users/anne/Dropbox/MPES0009 Material/Pearson.py', wdir='C:/
Users/anne/Dropbox/MPES0009 Material')
          preg
                     plas
                               pres
                                          skin
                                                     insu
                                                               mass
                                                                          pedi
                           0.141282 -0.081672 -0.073535
preg
      1.000000
                 0.129459
                                                           0.017683 -0.033523
plas
      0.129459
                 1.000000
                           0.152590
                                      0.057328 0.331357
                                                           0.221071
                                                                      0.137337
pres 0.141282
                 0.152590
                           1.000000
                                      0.207371
                                                0.088933
                                                           0.281805
                                                                      0.041265
skin -0.081672
                0.057328
                           0.207371
                                      1.000000
                                                0.436783
                                                           0.392573
                                                                      0.183928
insu -0.073535
                 0.331357
                           0.088933 \rightarrow 0.436783
                                                1.000000
                                                           0.197859
                                                                      0.185071
mass 0.017683
                 0.221071
                           0.281805
                                      0.392573
                                                0.197859
                                                           1.000000
                                                                      0.140647
pedi -0.033523
                 0.137337
                           0.041265
                                      0.183928
                                                0.185071
                                                           0.140647
                                                                      1.000000
age \rightarrow 0.544341
                 0.263514
                           0.239528 -0.113970 -0.042163
                                                           0.036242
                                                                      0.033561
           age
      0.544341
preg
plas
      0.263514
pres
      0.239528
skin -0.113970
insu -0.042163
mass
      0.036242
pedi
      0.033561
      1.000000
age
```

# Python Data Analysis Library

- Pandas (referências):
  - http://minerandodados.com.br/index.php/2017/09/26/ /python-para-analise-de-dados/
  - https://pandas.pydata.org/

### Dúvidas ...

