



# MARGAUX HAERING

CV interactif :  
[margauxhaering.github.io](https://margauxhaering.github.io)

## CONTACT

- 12 Juillet 1997  
à Cannes, France
- +337.88.22.77.49
- margaux.haering@univ-amu.fr
- Marseille & Monaco
- Permis A, B, Bateau

## COMPÉTENCES

### INFORMATIQUE :

Python - R - Bash  
JavaScript - PHP - MySQL  
HTML - CSS - Office  
Photoshop

### LANGUES :

Anglais (courant)  
Allemand (scolaire)

## LOISIRS

### SPORT :

Equitation, G7 - compétition, moto,  
plongée sous marine - niveau 2  
Parachutisme - Brevet B

### ARTS :

Photographie, piano, batterie,  
saxophone

## EXPÉRIENCE

- Vacations R et MySQL (CM, TP, exams)**  
Master 1 bioinformatique, L2 & 3, AMU  
2024
- Ingénieur biologiste en traitement de données**  
RNA-seq, ATAC-seq, IBDM - Habermann Team  
2021
- Stage Master 2** -  
Développement d'un pipeline d'analyse  
et intégration de données NGS, -omics,  
IBDM - Habermann Team  
2021
- Stage Master 1** -  
Analyse de l'adhérence des molécules  
leucémiques par vidéonanoscopie,  
CRCM, Marseille  
2019

## FORMATION

- Doctorat en Bioinformatique**  
Développement d'une plateforme d'exploration  
et d'analyse de sc-RNA-seq dans un contexte  
ataxique et mitochondrial,  
IBDM - Habermann Team  
2024
- Master de Bioinformatique parcours DLAD**  
Développement Logiciel et Analyses de  
données, AMU  
2018
- Licence de Biologie parcours BCB**  
Biochimie et Chimie Biopharmaceutique  
AMU  
2018
- Baccalauréat scientifique**  
École de Provence, Marseille  
2015

## PUBLICATIONS

- 2022 Marchiano F, **Haering M**, Haberman BH. The mitoXplorer 2.0 update: integrating and interpreting mitochondrial expression dynamics within a cellular context. *BioRxiv*. 2022 Feb 7; doi: <https://doi.org/10.1101/2022.01.31.478461>
- 2021 Meiler A, Marchiano F, **Haering M**, Weitkunat M, Schnorrer F, Habermann BH. AnnoMiner is a new web-tool to integrate epigenetics, transcription factor occupancy and transcriptomics data to predict transcriptional regulators. *Sci Rep*. 2021 Jul 29;11(1):15463. doi: 10.1038/s41598-021-94805-1. PMID: 34326396; PMCID: PMC8322331.
- 2021 **Haering M**, Habermann BH. RNfuzzyApp: an R shiny RNA-seq data analysis app for visualisation, differential expression analysis, time-series clustering and enrichment analysis. *F1000Res*. 2021 Jul 26;10:654. doi: 10.12688/f1000research.54533.2. PMID: 35186266; PMCID: PMC8825645.