



# MARGAUX HAERING

## CONTACT



12 Juillet 1997  
à Cannes, France



+337.88.22.77.49



margauxhaering@orange.fr



Monaco



Permis A, B, Bateau



margauxhaering.fr

## COMPÉTENCES

### INFORMATIQUE :

Python - R - Bash  
JavaScript - PHP - MySQL  
HTML - CSS - Office

### LANGUES :

Anglais (courant)  
Allemand (scolaire)

## LOISIRS

### SPORT :

Equitation - compétition en amateur  
Plongée sous marine - niveau 2  
Parachutisme - BPA

### ARTS :

Photographie, piano,  
batterie, saxophone

## EXPÉRIENCE

### Doctorat de Bioinformatique

Développement d'une plateforme d'exploration  
et d'analyse de sc-RNA-seq d'ataxie cérébelleuse,  
IBDM - Habermann Team

Développement fullstack avec base de données, pipelines de préprocessing  
**Vacations R, MySQL Licence et Master, AMU**

### Ingénieur biologiste en traitement de données

NGS, -omics, IBDM - Habermann Team  
Pipelines d'analyses sc/bulk, proteomics, HyperTRIBE, microRNA, ATAC-seq,  
DamID, visualisation

### Stage Master 2 -

Développement d'une R-shiny app d'analyse  
et intégration de données NGS, -omics,  
IBDM - Habermann Team  
Analyse bulk, intégration de données, visualisation

### Stage Master 1 -

Analyse de l'adhérence des molécules  
leucémiques par vidéonanoscopie,  
CRCM, Marseille  
Retraçage et caractérisation de trajectoire moléculaire, MATLAB

## FORMATION

### Doctorat en Bioinformatique

### Master de Bioinformatique parcours DLAD

Développement Logiciel et Analyses de  
données, AMU

### Licence de Biologie parcours BCB

Biochimie et Chimie Biopharmaceutique  
AMU

### Baccalauréat scientifique

École de Provence, Marseille

## PUBLICATIONS

2025

**Haering M**, Del Bondio A, Puccio H, Habermann B. ataxiaXplorer, the first ataxia interactome and its exploration and analysis platform. En cours...

2024

**Haering M**, Del Bondio A, Puccio H, Habermann B. mitoXplorer 3.0 for exploring mitochondrial dynamics in single-cell RNA-seq data. 2024, doi:<https://doi.org/10.1101/2024.12.17.628870>

2022

Marchiano F, **Haering M**, Haberman BH. The mitoXplorer 2.0 update: integrating and interpreting mitochondrial expression dynamics within a cellular context. 2022 Feb 7; doi: <https://doi.org/10.1101/2022.01.31.478461>

2021

Meiler A, Marchiano F, **Haering M**, Weitkunat M, Schnorrer F, Habermann BH. AnnoMiner is a new web-tool to integrate epigenetics, transcription factor occupancy and transcriptomics data to predict transcriptional regulators. Sci Rep. 2021 Jul 29;11(1):15463. doi: [10.1038/s41598-021-94805-1](https://doi.org/10.1038/s41598-021-94805-1). PMID: 34326396; PMCID: PMC8322331.

**Haering M**, Habermann BH. RNfuzzyApp: an R shiny RNA-seq data analysis app for visualisation, differential expression analysis, time-series clustering and enrichment analysis. F1000Res. 2021 Jul 26;10:654. doi: [10.12688/f1000research.54533.2](https://doi.org/10.12688/f1000research.54533.2). PMID: 35186266; PMCID: PMC8825645.