



MARGAUX HAERING

CONTACT



12 Juillet 1997
à Cannes, France



+337.88.22.77.49



margauxhaering@orange.fr



Monaco



Permis A, B, Bateau



margauxhaering.fr

COMPÉTENCES

INFORMATIQUE :

Python - R - Bash
JavaScript - PHP - MySQL
HTML - CSS - Office

LANGUES :

Anglais (courant)
Allemand (scolaire)

LOISIRS

SPORT :

Equitation - compétition en amateur
Plongée sous marine - niveau 2
Parachutisme - BPA

ARTS :

Photographie, piano,
batterie, saxophone

EXPÉRIENCE

2024
2021

Doctorat de Bioinformatique

Développement d'une plateforme d'exploration et d'analyse de sc-RNA-seq d'ataxie cérébelleuse, IBDM - Habermann Team

Vacations R, MySQL Licence et Master, AMU

2021
2020

Ingénieur biologiste en traitement de données

NGS, -omics, IBDM - Habermann Team

2021

Stage Master 2 -

Développement d'une R-shiny app d'analyse et intégration de données NGS, -omics, IBDM - Habermann Team

2019

Stage Master 1 -

Analyse de l'adhérence des molécules leucémiques par vidéonanoscopie, CRCM, Marseille

FORMATION

2024
2021

Doctorat en Bioinformatique

2020
2018

Master de Bioinformatique parcours DLAD

Développement Logiciel et Analyses de données, AMU

2018
2015

Licence de Biologie parcours BCB

Biochimie et Chimie Biopharmaceutique AMU

2015

Baccalauréat scientifique

École de Provence, Marseille

PUBLICATIONS

2024

Haering M, Del Bondio A, Puccio H, Habermann B. mitoXplorer 3.0 for exploring mitochondrial dynamics in single-cell RNA-seq data. 2024. doi:<https://doi.org/10.1101/2024.12.17.628870>.

2022

Marchiano F, **Haering M**, Haberman BH. The mitoXplorer 2.0 update: integrating and interpreting mitochondrial expression dynamics within a cellular context. 2022. doi: <https://doi.org/10.1101/2022.01.31.478461>

2021

Meiler A, Marchiano F, **Haering M**, Weitkunat M, Schnorrer F, Habermann BH. AnnoMiner is a new web-tool to integrate epigenetics, transcription factor occupancy and transcriptomics data to predict transcriptional regulators. Sci Rep. 2021 Jul 29;11(1):15463. doi: 10.1038/s41598-021-94805-1. PMID: 34326396; PMCID: PMC8322331.

2021

Haering M, Habermann BH. RNfuzzyApp: an R shiny RNA-seq data analysis app for visualisation, differential expression analysis, time-series clustering and enrichment analysis. F1000Res. 2021 Jul 26;10:654. doi: 10.12688/f1000research.54533.2. PMID: 35186266; PMCID: PMC825645.