# **APPUNTI ALGO GRAFI**

## BFS: visita in ampiezza

#### Pseudo-codice

```
BFS (G, s)
     for ogni vertice v \in G.V - \{s\}
          v.color = WHITE
          v.d = \infty
          V.\pi = NIL
     s.color = GRAY
     s.d = 0
     s.\pi = NIL
     Q = \emptyset
     ENQUEUE(Q, s)
     while Q ≠ Ø
          u = DEQUEUE(Q)
          for ogni vertice v \in G.Adj[u]
                if v.color == WHITE
                     v.color = GRAY
                     v.\pi = u
                     v.d = u.d + 1
                     ENQUEUE(Q, v)
           u.color = BLACK
```

## Descrizione:

È un algoritmo di esplorazione di grafi che visita i nodi "a livelli", partendo da un nodo sorgente ed esplorando tutti i vicini a distanza crescente. Utilizza una coda (struttura FIFO) per gestire i nodi da visitare, garantendo che i nodi più vicini alla sorgente siano processati prima di quelli più lontani. È ideale per trovare cammini minimi nei grafi non pesati.

## Tempo di esecuzione nel caso peggiore:

O(|V| + |E|), dove V è il numero di nodi e E il numero di archi. Ogni nodo viene inserito nella coda una volta e ogni arco viene esaminato una volta.

## Problemi risolvibili con BFS:

- 1. **cammino minimo in grafi non pesati**: BFS trova il percorso con il minor numero di archi tra due nodi in tempo lineare;
- 2. **verifica se un grafo è bipartito**: assegnando livelli durante l'esplorazione, si controlla l'assenza di archi tra nodi dello stesso livello (cicli dispari);
- 3. **ricerca di componenti connesse in grafi non orientati**: BFS visita tutti i nodi raggiungibili da una sorgente, identificando una componente connessa per esecuzione.

# DFS: visita in profondità

### **Pseudocodice**

```
DFS(G)
     for ogni vertice u \in G.V
          u.color = WHITE
          u.\pi = NIL
     time = 0
     for ogni vertice u \in G.V
          if u.color == WHITE
               DFS-VISIT(G, u)
DFS-VISIT(G, v)
     time = time + 1
     v.d = time
     for ogni vertice u \in G.Adj[v]
          if u.color == WHITE
               u.\pi = v
               DFS-VISIT(G, u)
     v.color = BLACK
     time = time + 1
     v.f = time
```

#### **Descrizione:**

È un algoritmo di esplorazione di grafi che visita i nodi "in profondità", seguendo un percorso il più lontano possibile da un nodo iniziale prima di effettuare backtracking. Utilizza una struttura dati a stack (implicita nella ricorsione o esplicita nell'implementazione iterativa) per gestire i nodi da visitare. L'obiettivo è esplorare tutti i rami partendo da un nodo sorgente, marcando i nodi come visitati per evitare cicli.

## Tempo di esecuzione:

O(|V| + |E|), dove V è il numero di nodi (vertici) e E il numero di archi. Ogni nodo e arco viene processato una sola volta.

#### Problemi risolvibili con DFS:

- 1. **ordinamento topologico**: (per DAG), DFS genera un ordinamento lineare dei nodi in cui ogni nodo precede i suoi successori;
- 2. **rilevazione di cicli in un grafo diretto**: durante l'esplorazione, se si incontra un arco "all'indietro", il grafo contiene un ciclo.
- 3. **componenti fortemente connesse (SCC)**: algoritmi come Kosaraju o Tarjan utilizzando un DFS per identificare gruppi di nodi mutualmente raggiungibili.

## **Bellman-Ford**

## **Pseudocodice**

```
BELLMAN-FORD(G, w, s)

INITIALIZE-SINGLE-SOURCE(G, s)

for i = 1 to |G.V|-1

for each edge (u, v) ∈ G.E

RELAX(u, v, w)

for each edge (u, v) ∈ G.E

if v.d > u.d + w(u, v)

return false

return true
```

#### Descrizione

È un algoritmo per trovare i cammini minimi da un nodo sorgente a tutti gli altri nodi in un grafo con pesi qualsiasi (positivi, negativi o nulli). A differenza di Dijkstra, può gestire archi con peso negativo e rilevare cicli a peso negativo raggiungibili dalla sorgente. L'algoritmo si basa sul rilassamento iterativo di tutti gli archi per V - 1 iterazioni, garantendo che le distanze siano corrette se non ci sono cicli negativi.

## Tempo di esecuzione:

```
T(n) = O(|V| \cdot |E|)
```

# Dijkstra

## Pseudocodice:

```
DIJKSTRA(G, w, s)

INITIALIZE-SINGLE-SOURCE(G, s)

S = \emptyset

Q = G.V

while Q \neq \emptyset

u = EXTRACT-MIN(Q)

S = S \cup \{u\}

for ogni vertice v \in G.Adj[u]

RELAX(u, v, w)
```

#### **Descrizione:**

Risolve il problema dei cammini minimi da sorgente unica in un grafo pesato G = (V, E) nel caso in cui tutti i pesi degli archi non siano negativi. L'algoritmo mantiene un insieme S di vertici i cui pesi finali dei cammini minimi dalla sorgente s sono stati già determinati. L'algoritmo seleziona ripetutamente il vertice  $u \in V$ -S con la stima minima del cammino minimo, aggiunge u ad S e rilassa tutti gli archi che escono da u.

## Tempo di esecuzione:

- con heap binario:  $T(n) = O((|V| + |E|) \cdot log|V|)$
- con un heap di Fibonacci: T(n) = O(|E| + |V|log|V|)

## Kruskal

#### Pseudocodice:

```
MST-KRUSKAL(G, w)
A = \emptyset
for ogni vertice v \in G.V
MAKE-SET(v)
ordina gli archi di G.E in senso non decrescente rispetto al peso w
for ogni arco (u, v) \in G.E preso in ordine di peso non decrescente
if FIND-SET(u) \neq FIND-SET(v)
A = A \cup \{(u, v)\}
UNION(u, v)
return A
```

#### **Descrizione:**

È un metodo greedy per trovare un Minimum Spanning Tree (MST) in un grafo non orientato e pesato. L'MST è un sottoinsieme di archi che connette tutti i nodi del grafo con il peso totale minimo, senza formare cicli.

- 1. ordina tutti gli archi del grafo in ordine crescente di peso
- 2. aggiunge iterativamente gli archi all'MST, partendo da quello con peso minore
- 3. **evita i cicli** utilizzando una struttura dati UNION-FIND (o insiemi disgiunti) per verificare se due nodi appartengono già alla stessa componente connessa L'algoritmo termina quando sono stati selezionati V-1 archi (dove V è il numero di nodi), poichè un albero ha esattamente V 1 archi.

## Tempo di esecuzione:

```
T(n) = O(|E| \cdot log|V|)
```

## **Prim**

#### Pseudocodice:

```
MST - Prim(G, w, r)
for each u \in G.V
u.key = \infty
u.\pi = NIL
r.key = 0
Q = G.V
while Q \neq \emptyset
u = EXTRACT-MIN(Q)
for each v \in G.Adj[u]
if v \in Q \text{ and } w(u, v) < v.key
v.\pi = u
v.key = w(u, v)
```

## **Descrizione:**

È un metodo greedy per trovare un Minimum Spanning Tree (MST) in un grafo non orientato e pesato. A differenza di Kruskal, che lavora sugli archi, Prim costruisce l'MST incrementando un albero a partire da un nodo iniziale, aggiungendo iterativamente l'arco di peso minimo che collega l'albero corrente a un nodo non ancora incluso.

- 1. seleziona un nodo iniziale come radice dell'MST
- 2. **mantiene una struttura a coda a priorità** per tracciare i nodi non ancora inclusi nell'MST, con priorità pari al peso minimo degli archi che li collegano all'albero corrente
- 3. aggiunge iterativamente il nodo con il peso minimo all'MST, aggiornando i pesi dei suoi vicini
- 4. ripete finchè tutti i nodi non sono inclusi nell'MST

## Tempo di esecuzione:

- con heap binario: T(n) = O(|E|log|V|)
- con heap di Fibonacci: T(n) = O(|E| + |V|log|V|)