**Notas uso Chimera**

1. Mostrar pdb deseado: seleccionarlo en “Favorites” 🡪 “Model Panel”
2. Convertir visualización estructura: “Actions” 🡪 “Atoms/Bonds”.
3. Colorear según b-factor: “Tools” 🡪 “ Depiction” 🡪 “Render by Attribute” Marcar “Attrubites of …” “Residues” y en “Choose attr.” “Average b-factor”. “Apply”. Para engrosar ir a “Worms”. “Apply”.
4. Seleccionar residuos o átomos: control click. Para seleccionar algo mas sumar shift.
5. Etiquetar seleccionado: “Actions” 🡪 “Label” 🡪 “Residue”.
6. Colorear seleccionado: “Actions” 🡪 “Color”
7. Colorear etiquetas: “Actiones” 🡪 “Color” 🡪 “all options…” marcar “residue label”.