

Formato Archivo starter.ss

March, 15, 2023

Contents

1	Contexto	2
1.1	Identificamos los directorio de trabajo	2
1.2	Leer los archivos de Stock Synthesis con la función SS_read()	2
1.3	Investigar el modelo	2
1.4	Revisamos los elementos de la lista	2
1.5	Revisamos los nombres de los componentes de la lista del archivo starter	2

1 Contexto

1.1 Identificamos los directorio de trabajo

```
dirname.base <- here("simple")
dirname.simple_base <- here("simple_base")
dirname.simple_mod <- here("simple_modificado")
```

1.2 Leer los archivos de Stock Synthesis con la función SS_read()

```
inputs <- r4ss::SS_read(dir = dirname.simple_mod)
```

1.3 Investigar el modelo

Cada uno de los archivos de entrada se lee en R como una lista.

Use `names()` para ver todos los componentes de la lista

1.4 Revisamos los elementos de la lista

```
names(inputs)
## [1] "dir"      "path"     "dat"      "ctl"      "start"    "fore"     "wtatage"
```

1.5 Revisamos los nombres de los componentes de la lista del archivo starter

```
names(inputs$start)
## [1] "sourcefile"      "type"           "SSversion"
## [4] "datfile"         "ctlfile"        "init_values_src"
## [7] "run_display_detail" "detailed_age_structure" "checkup"
## [10] "parmtrace"       "cumreport"      "prior_like"
## [13] "soft_bounds"     "N_bootstraps"   "last_estimation_phase"
## [16] "MCMCburn"        "MCMCthin"       "jitter_fraction"
## [19] "minyr_sdreport"  "maxyr_sdreport" "N_STD_yrs"
## [22] "converge_criterion" "retro_yr"       "min_age_summary_bio"
## [25] "depl_basis"      "depl_denom_frac" "SPR_basis"
## [28] "F_report_units"  "F_age_range"    "F_report_basis"
## [31] "MCMC_output_detail" "ALK_tolerance"  "final"
## [34] "seed"
```

```
inputs$start[1]
## $sourcefile
## [1] "/Users/mariajosezunigabasualto/Modelos_SS3/SS3_GSA/simple_modificado/starter.ss"
inputs$start[2]
## $type
## [1] "Stock_Synthesis_starter_file"
inputs$start[3]
## $SSversion
## [1] "3.30"
inputs$start[4]
## $datfile
## [1] "data.ss"
inputs$start[5]
## $ctlfile
```

```

## [1] "control.ss"
inputs$start[6]
## $init_values_src
## [1] 0
inputs$start[7]
## $run_display_detail
## [1] 0
inputs$start[8]
## $detailed_age_structure
## [1] 1
inputs$start[9]
## $checkup
## [1] 0
inputs$start[10]
## $parmtrace
## [1] 0
inputs$start[11]
## $cumreport
## [1] 0
inputs$start[12]
## $prior_like
## [1] 1
inputs$start[13]
## $soft_bounds
## [1] 1
inputs$start[14]
## $N_bootstraps
## [1] 1
inputs$start[15]
## $last_estimation_phase
## [1] 10
inputs$start[16]
## $MCMCburn
## [1] 0
inputs$start[17]
## $MCMCthin
## [1] 1
inputs$start[18]
## $jitter_fraction
## [1] 0
inputs$start[19]
## $minyr_sdreport
## [1] 1969
inputs$start[20]
## $maxyr_sdreport
## [1] 2011
inputs$start[21]
## $N_STD_yrs
## [1] 0
inputs$start[22]
## $converge_criterion
## [1] 1e-04
inputs$start[23]

```

```

## $retro_yr
## [1] 0
inputs$start[24]
## $min_age_summary_bio
## [1] 1
inputs$start[25]
## $depl_basis
## [1] 2
inputs$start[26]
## $depl_denom_frac
## [1] 1
inputs$start[27]
## $SPR_basis
## [1] 4
inputs$start[28]
## $F_report_units
## [1] 3
inputs$start[29]
## $F_age_range
## [1] NA NA
inputs$start[30]
## $F_report_basis
## [1] 0
inputs$start[31]
## $MCMC_output_detail
## [1] 0
inputs$start[32]
## $ALK_tolerance
## [1] 0
inputs$start[33]
## $final
## [1] 3.3
inputs$start[34]
## $seed
## [1] -1

```