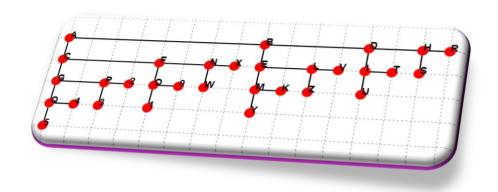
# CORSO VISUALIZZAZIONE DELLE INFORMAZIONI 2021/2022 UNIVERSITÀ ROMA TRE

Tree Drawing with HV algorithms

## **MARIO CUOMO**



# Sommario

Н٧	DRAWING FOR TREES	. 1
	(BINARY) RIGHT HEAVY	. 3
	(BINARY) ALTERNATE – VERSIONE INGENUA	. 4
	(Binary) Peter Eades* – 'metodo degli atomi'	
	(Arbitrary) Right heavy	. 6

 $<sup>^{\</sup>ast} \rm{articolo}$  del 1992 - Minimum Size h-v Drawings (P. Eades, Tao Lin, Xuemin Lin)

# Il progetto

Questo elaborato è di supporto al progetto proposto per il corso di Visualizzazione delle Informazioni dell'Università degli Studi Roma Tre.

Di seguito sono descritti 3 algoritmi per il disegno di alberi con approccio horizontal-vertical.

- Right Heavy
- Alternate
- Peter Eades

È disponibile un progetto realizzato in Javascript con la libreria D3. js al seguente indirizzo https://github.com/mariocuomo/InfoVis/tree/main/progetto2

Per lanciare il progetto è sufficiente utilizzare qualsiasi tool che avvii un server web in locale - per esempio python.

·		 	 
1			
1			
1			
1			
1			
: nvthon _m	httn canvan		
: python -m	http.server		
; ' -	•		
1			
:			
1			

# **HV** Drawing for Trees

L'Horizontal — Vertical Drawing permette di disegnare alberi – ideato per gli alberi binari ma esteso ad alberi di grado arbitrario – con un estetica e convenzione straight line grid in cui i nodi sono posizioni su vertici di una griglia e gli archi sono dei segmenti orizzontali o verticali.

In particolare se u è un genitore di v, il nodo v può essere posizionato in due soli modi: allineato orizzontalmente oppure allineato verticalmente a u. Il disegno finale risulta essere ortogonale e, con determinati accorgimenti, planare.

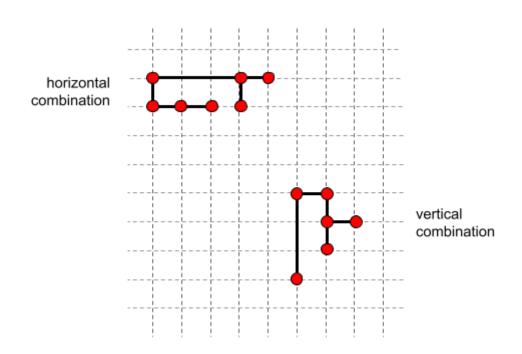
Se consideriamo un nodo u con figli  $v_{sx}$  e  $v_{dx}$  e una griglia che si estende da sinistra verso destra e dall'alto verso il basso, si utilizzano 2 tipi di combinazioni:

horizontal combination

$$\begin{aligned} \mathbf{x}(v_{sx}) &= \mathbf{x}(u) \\ \mathbf{y}(v_{sx}) &= \mathbf{y}(u) + 1 \end{aligned} & \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) \\ \mathbf{y}(v_{dx}) &= \mathbf{y}(u) + 1 \end{aligned} \qquad \text{oppure} \\ \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) + k \\ \mathbf{y}(v_{dx}) &= \mathbf{y}(u) \end{aligned} & \mathbf{x}(v_{sx}) &= \mathbf{x}(u) + k \\ \mathbf{y}(v_{sx}) &= \mathbf{y}(u) \end{aligned}$$

vertical combination

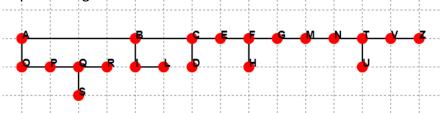
$$\begin{aligned} \mathbf{x}(v_{sx}) &= \mathbf{x}(u) + 1 \\ \mathbf{y}(v_{sx}) &= \mathbf{y}(u) \end{aligned} \qquad \begin{aligned} \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) + 1 \\ \mathbf{y}(v_{dx}) &= \mathbf{y}(u) \end{aligned} \qquad \begin{aligned} \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) + 1 \\ \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{y}(u) \end{aligned} \qquad \end{aligned} \\ \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) + k \\ \mathbf{y}(v_{dx}) &= \mathbf{y}(u) + k \end{aligned} \qquad \begin{aligned} \mathbf{x}(v_{dx}) &= \mathbf{x}(u) + k \\ \mathbf{y}(v_{sx}) &= \mathbf{y}(u) + k \end{aligned}$$



## (Binary) Right heavy

Con questo approccio si applicano solo combinazioni orizzontali in cui a destra del nodo u si posiziona il sottoalbero che ha il numero di nodi maggiore. Si applica ricorsivamente a tutti i nodi dell'albero.

Un esempio di output è il seguente

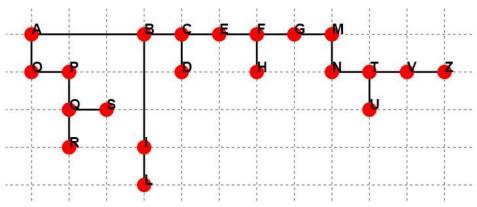


```
Tree (val, left, right, x, y)
posiziona(tree)
  //max_subtree è il figlio di tree con piu nodi
  //min_subtree è il figlio di tree con meno nodi
  min subtree.x = tree.x
  min subtree.y = tree.y+1
  posiziona(min_subtree)
  max_subtree.x = spostamentoADestra(tree)+1
  max_subtree.y = tree.y
  posiziona(max_subtree)
spostamentoADestra(tree)
  if tree==null
      return 0
  return max(tree.x,
             spostamentoADestra(tree.left)
             spostamentoADestra(tree.right)
```

## (Binary) Alternate – versione ingenua

Con questo approccio si applicano in modo alternato combinazioni orizzontali e verticali in base alla profondità del nodo u: se è pari si effettua l'orizzontale, se è dispari si effettua la verticale.

Il termine ingenuo indica il fatto che non si applica nessuna analisi sulla forma dei sottoalberi. Un esempio di output è il seguente



```
Tree (val, left, right, x, y, profondita)
posiziona(tree)
   if tree.profondita%2==0
       tree.right.x = tree.x
       tree.right.y = tree.y+1
       posiziona(tree.right)
       tree.left.x = spostamentoADestra(tree)+1
       tree.left.y = tree.y
       posiziona(tree.left)
       return
   else
       tree.left.x = tree.x+1
       tree.left.y = tree.y
       posiziona(tree.left)
       tree.right.x = spostamentoSotto(tree)+1
       tree.right.y = tree.y
       posiziona(tree.right)
       return
function spostamentoADestra(tree)
  if tree==null
      return 0
  return max(tree.x,
             spostamentoADestra(tree.left)
             spostamentoADestra(tree.right)
function spostamentoSotto(tree)
  if tree==null
      return 0
  return max(tree.y,
             spostamentoADestra(tree.left)
             spostamentoADestra(tree.right)
```

## (Binary) Peter Eades – 'metodo degli atomi'

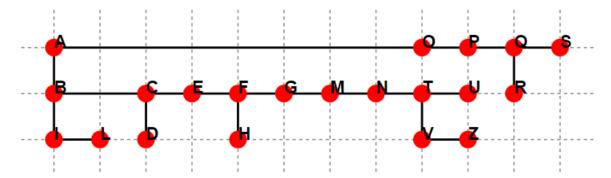
Peter Eades propone un metodo per disegnare un albero binario che occupa la minore size possibile. La size è una funzione ψ(larghezza, altezza) del disegno come per esempio il perimetro, l'area o il massimo tra altezza e larghezza. Di seguito si considera l'area.

Il metodo proposto da Eades permette di trovare il disegno con size ottima in  $O(n^2)$  – dove n è il numero di nodi dell'albero.

#### Si effettuano 3 passi principali

- Creare per ogni nodo u l'insieme degli enclosing rectangles  $P_u$ . Gli elementi di questo insieme sono delle coppie (a, b) e ogni coppia rappresenta un rettangolo caratterizzato da larghezza e altezza. La semantica di un rettangolo  $(a, b) \in P_u$  è che esiste un disegno dell'albero radicato a u contenuto in un rettangolo di larghezza a e altezza b.
- Creare per ogni nodo u gli atomi  $A_u$ Tra tutti i rettangoli possibili in  $P_u$  si è interessati a quelli che hanno size minima.  $A_u$  è ottenuto a partire da  $P_u$  ed indica l'insieme delle coppie che non ne dominano altre. Una coppia (a, b) è dominata da una coppia (c, d) se  $a \le c$  e  $b \le d$  – o detto in maniera semplicistica se un rettangolo di dimensioni (a, b) può essere disegnato all'interno di un rettangolo di dimensioni (c, d).
- Identificazione dei minimi & disegno Tra i vari atomi relativi a uno stesso nodo u si seleziona quello che ha size minima e si combinano tra loro i rettangoli minimi dei figli di u per occuparne lo spazio a disposizione ed evitare sovrapposizioni.

Un esempio di output – relativo allo stesso albero mostrato nel metodo alternate – è il seguente

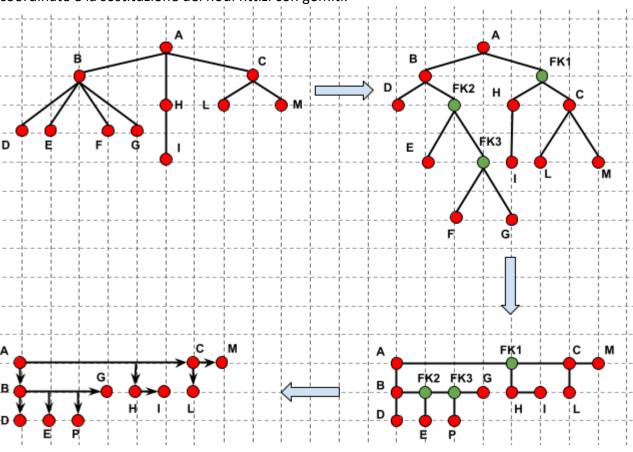


## (Arbitrary) Right heavy

È possibile estendere gli algoritmi al disegno di alberi con grado arbitrario.

Se un nodo ha n figli si posiziona a destra quello che ha più nodi e sotto — da sinistra verso destra in ordine crescente – gli altri n-1.

L'algoritmo si basa sulla trasformazione di un albero n-ario in un albero binario attraverso l'introduzione di fake nodes, la computazione dell'algoritmo Right heavy per il calcolo delle coordinate e la sostituzione dei nodi fittizi con gomiti.



```
fromNToBinary(tree)
       // figlio_con_max_sottoalbero è il figlio con sottoalbero più grande
       fittizio=new NTree()
       fittizio.children = tree.children - figlio_con_max_sottoalbero
       tree.children = figlio_con_max_sottoalbero + fittizio
       for(figlio in tree.children)
              fromNToBinary(figlio)
       return
NTree(val, children[], x, y)
```