0.1 Méthode séquentielle - Approche Probabiliste

0.1.1 Filtrage bayésien

Le filtrage bayésien consiste à écrire la récurrence sur les lois de probabilité, pour estimer, en fonction des observations passées et courante $y_{1:k}$ l'état courant x_k et de prédire l'état future x_{k+1} .

Pour simplifier les notations, l'exposant k qui conditionne la densité par les observations $y_{1:N}$. La densité de l'état est initialisée par la densité a priori de l'état initial p_{X_0} .

Puis pour tout $k \ge 0$ les lois de probabilité sont propagées.

L'étape de propagation ou forecast loi a priori est obtenue grace à la loi des probabilité totales

$$p_{\boldsymbol{X}_{k+1}}^{|k}(\boldsymbol{x}) = \int p_{\boldsymbol{X}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k}=\boldsymbol{x}'}(\boldsymbol{x}) p_{\boldsymbol{X}_{k}}^{|k}(\boldsymbol{x}') dx'$$
(1)

La loi a priori de la k+1 observations peut être otenue de nouveau grace à la loi de probabilité totale

$$p_{\mathbf{Y}_{k+1}}^{|k}(y) = \int p_{\mathbf{Y}_{k+1}|\mathbf{X}_{k+1}=x}(y) p_{\mathbf{X}_{k+1}}^{|k}(x) dx$$

Après la k+1 observation y_{k+1} , l'étape d'analyse permet de déterminer la loi a posteriori de l'état

$$p_{\boldsymbol{X}_{k+1}}^{|k+1}(\boldsymbol{x}) = p_{\boldsymbol{X}_{k+1}|\boldsymbol{Y}_{k+1} = \boldsymbol{y}_{k+1}}^{|k}(\boldsymbol{x}) = \frac{p_{\boldsymbol{Y}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k+1} = \boldsymbol{x}}^{|k}(\boldsymbol{y}) p_{\boldsymbol{X}_{k+1}}^{|k}(\boldsymbol{x})}{p_{\boldsymbol{Y}_{k+1}}^{|k}(\boldsymbol{y})}$$

la loi de Bayes après mesure de Y_n

0.1.2 Filtre Particulaire

Le filtre particulaire est une implémentation du filtre bayésien qui approxime la PDF à l'aide d'une distribution empirique. Les transformations du filtre, *forecast* et *analysis* sont appliquées sur les membres de cet échantillon. Cette méthode converge vers la distribution exacte lorsque le nombre de particule $N \to \infty$.

Le prior de l'état p(x) à l'instant k est représenté par un ensemble de N réalisations $\{x_1, x_2, \dots x_N\}$ de tel sorte que

$$p_{\boldsymbol{X}_k}(\boldsymbol{x}) \simeq \sum_{i=1}^N \omega_k^i \delta(\boldsymbol{x} - \boldsymbol{x}_k^i) \quad \text{with } \sum_{i=1}^N \omega_k^i = 1, \quad \omega_k^i > 0.$$

où δ est la masse de Dirac et ω_k^i les poids associés à chaque membre. Initialement, les échantillons sont supposés tirés de manière uniforme de tel sorte que $\omega_k^i=1/N$.

Lors de l'étape de propagation, les particules sont propagés par le modèle de manière déterministe.

Pour s'en convaincre, le loi de probabilité totale 1 peut être réécrite

$$p_{\boldsymbol{X}_{k+1}}^{|k|}(\boldsymbol{x}) = \int p_{\boldsymbol{X}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k}=\boldsymbol{x}'}(\boldsymbol{x}) p_{\boldsymbol{X}_{k}}^{|k|}(\boldsymbol{x}') dx'$$

$$\simeq \int p_{\boldsymbol{X}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k}=\boldsymbol{x}'}(\boldsymbol{x}) \sum_{i=1}^{N} \omega_{k}^{i} \delta(\boldsymbol{x}'-\boldsymbol{x}_{k}^{i}) dx'$$

$$\simeq \sum_{i=1}^{N} \omega_{k}^{i} \int p_{\boldsymbol{X}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k}=\boldsymbol{x}'}(\boldsymbol{x}) \delta(\boldsymbol{x}'-\boldsymbol{x}_{k}^{i}) dx'$$

$$\simeq \sum_{i=1}^{N} \omega_{k}^{i} \delta(\boldsymbol{x}-\mathcal{M}_{k,k+1}(\boldsymbol{x}_{k}^{i})-\boldsymbol{\eta}_{k,k+1}) = \sum_{i=1}^{N} \omega_{k}^{i} \delta(\boldsymbol{x}-\boldsymbol{x}_{k+1}^{i}).$$

Quant à l'étape d'analyse, elle correspond à une mise à jour du poids de chaque membre, qui correspond à sa vraissemblance conditionnée aux données

$$\begin{aligned} p_{\boldsymbol{X}_{k+1}}^{|k+1}(\boldsymbol{x}) & \propto & p_{\boldsymbol{Y}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k+1}=\boldsymbol{x}}^{|k}(\boldsymbol{y}) \sum_{i=1}^{N} \omega_k^i \delta(\boldsymbol{x} - \boldsymbol{x}_{k+1}^i) \\ & \propto & \sum_{i=1}^{N} \omega_k^i \; p_{\boldsymbol{Y}_{k+1}|\boldsymbol{X}_{k+1}=\boldsymbol{x}_{k+1}^i}^{|k|}(\boldsymbol{y}) \delta(\boldsymbol{x} - \boldsymbol{x}_{k+1}^i) \end{aligned}$$

Leading to

$$\omega_{k+1}^{i} = \frac{\omega_{k}^{i} \ p_{\mathbf{Y}_{k+1} | \mathbf{X}_{k+1} = \mathbf{x}_{k+1}^{i}}^{|k|}(\mathbf{y}_{k+1})}{\omega_{k}^{j} \sum_{j}^{N} p_{\mathbf{Y}_{k+1} | \mathbf{X}_{k+1} = \mathbf{x}_{k+1}^{j}}^{|k|}(\mathbf{y}_{k+1})}$$

Où le dénominateur est simplement un terme de normalisation.

Cependant, lorsque la dimension est grande, le nombre de poids non nulle à tendance à tendre vers 0. Pour éviter cela, des méthodes de rééchantillonnage du *posterior* ont été développé. Le filtre bootstrap [1] consiste à selectionner les membres de poids les plus élevé, de les cloner de manière proportionnelle à leurs poids. Après échantillonnage, N particules sont rassemblées, dont certaines sont identitiques avec des approximativement égaux. Un exemple d'algorithme suivant

Algorithme 1 : Implémentation du rééchantillonnage par bootstrap.

```
 \begin{array}{c|c} \textbf{1} & \textbf{pour } \textit{membre } n \textit{ do faire} \\ \textbf{2} & & \text{Tirer } u \textit{ dans } \mathcal{U}[0,1[;\\ \textbf{3} & & \text{Initialiser } j=1;\\ \textbf{4} & & \text{Affecter } S_w=w^1;\\ \textbf{5} & & \textbf{tant que } S_w < u \textit{ faire} \\ \textbf{6} & & & & & & & \\ \textbf{5} & & & & & & & \\ \textbf{5} & & & & & & & \\ \textbf{5} & & & & & & & \\ \textbf{5} & & & & & & & \\ \textbf{5} & & & & \\ \textbf{5} & & & & & \\ \textbf{5} & & & & \\ \textbf{5} & & & & & \\ \textbf{5} & & & & \\ \textbf{6} & & & & \\ \textbf{6} & & & & \\ \textbf{7} & & & & \\ \textbf{7} & & & & \\ \textbf{6} & & & & \\ \textbf{7} & & & \\ \textbf{7} & & & & \\ \textbf{7} & & & & \\ \textbf{7} & & & \\ \textbf{7} & & & \\ \textbf{7} & & & &
```

Références

[1] N.J. Gordon. Novel approach to nonlinear/non-gaussian bayesian state estimation. *IEE Proceedings F (Radar and Signal Processing)*, 140 :107–113(6), April 1993.