

Untitled1\*

Source on Save

Run

Source

```

1
2
3
4 models <- list()
5 for (i in 1:4)
6   models <- c(models, lm(anscombe[,2] ~ y1, anscombe))
7

```

6:14 (Top Level)

R Script

Console

Copyright (C) 2011 The R Foundation for Statistical Computing

ISBN 3-900051-07-0

Platform: x86\_64-apple-darwin9.8.0/x86\_64 (64-bit)

R ist freie Software und kommt OHNE JEGLICHE GARANTIE.

Sie sind eingeladen, es unter bestimmten Bedingungen weiter zu verbreiten.

Tippen Sie 'license()' or 'licence()' für Details dazu.

R ist ein Gemeinschaftsprojekt mit vielen Beitragenden.

Tippen Sie 'contributors()' für mehr Information und 'citation()',

um zu erfahren, wie R oder R packages in Publikationen zitiert werden können.

Tippen Sie 'demo()' für einige Demos, 'help()' für on-line Hilfe, oder

'help.start()' für eine HTML Browserschnittstelle zur Hilfe.

Tippen Sie 'q()', um R zu verlassen.

```

> library("abind")
> detach("package:abind")
>
> models <- list()
> for (i in 1:4)
+   models <- c(models, lm(anscombe[,2] ~ y1, anscombe))
> models

```

Workspace

History

To Console

To Source

```

#
# check if inst directory is empty and delete if is#
inst <- paste(package_dir, "/inst", sep="")#
if (identical(dir(inst), character(0)))#
  unlink(inst, recursive = TRUE)
library(qstools)
?qstools
item("test")
item("test") + item("test 2")
i1
?qstools
".("
?.(
?'.('
?`.('
library(plyr)
?`.('

```

Files

Plots

Packages

Help

Install Packages

Check for Updates

<input type="checkbox"/>	<a href="#">abind</a>	Combine multi-dimensional arrays	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">acepack</a>	ace() and avas() for selecting regression transformations	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">actuar</a>	Actuarial functions	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">AER</a>	Applied Econometrics with R	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">akima</a>	Interpolation of irregularly spaced data	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">alr3</a>	Data to accompany Applied Linear Regression 3rd edition	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">anchors</a>	Statistical analysis of surveys with anchoring vignettes	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">ape</a>	Analyses of Phylogenetics and Evolution	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">aplpack</a>	Another Plot PACKage: stem.leaf, bagplot, faces, spin3R, and some slider functions	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">bdsmatrix</a>	Routines for Block Diagonal Symmetric matrices	✕
<input type="checkbox"/>	<a href="#">biglm</a>	bounded memory linear and generalized linear models	✕