

**Cuadro 7.** Listado de genes sobreexpresados en LLA respecto a los controles sanos. Se muestra el listado de genes sobreexpresados obtenidos para la comparación de controles sanos vs. LLA (2497 genes). Se muestra el identificador ENSEMBL del gen, el nombre de este, el LogFC obtenido y el p-valor asociado. Los genes se encuentran organizados de mayor LogFC a menor LogFC.

<i>Identificador</i>	<b>Nombre del gen</b>	<b>logFC</b>	<b>p-valor</b>
ENSG00000135333.14	EPHA7	10,53108437	1,25971E-47
ENSG00000199666.2	SNORD3G	10,2215724	1,99328E-22
ENSG00000287172.1	AC073091.1	10,02255613	7,18902E-18
ENSG00000170561.13	IRX2	9,75400748	3,44004E-13
ENSG00000227706.4	AL713998.1	9,412238881	5,62744E-14
ENSG00000176887.7	SOX11	9,098632661	3,78632E-12
ENSG00000236656.1	AL365440.1	9,029572004	2,07846E-07
ENSG00000147378.11	FATE1	9,023700019	1,39135E-07
ENSG00000225840.2	AC010970.1	8,791851089	1,88857E-05
ENSG00000205696.4	ADARB2-AS1	8,697937531	1,88472E-15
ENSG00000260426.1	AC008060.4	8,61426167	5,8177E-25
ENSG00000200314.1	Y_RNA	8,574146155	4,32463E-12
ENSG00000122585.8	NPY	8,568422646	7,25128E-16
ENSG00000170688.4	OR5E1P	8,527608716	3,19202E-12
ENSG00000286680.1	AL713998.3	8,3583578	2,6188E-13
ENSG00000204960.7	BLACE	8,298557621	1,16678E-36
ENSG00000182334.3	OR5P3	8,247380306	4,78935E-13
ENSG00000107518.18	ATRNL1	8,166834818	3,60832E-24
ENSG00000185737.13	NRG3	8,14291522	1,63556E-30
ENSG00000179796.12	LRRC3B	8,068849011	2,06024E-25
ENSG00000118523.6	CCN2	8,068522069	2,98167E-13
ENSG00000176435.7	CLEC14A	8,057989112	4,98691E-18
ENSG00000280155.1	AL021408.2	8,039651391	2,14745E-21
ENSG00000253456.1	AC136424.1	8,01979448	2,19146E-34
ENSG00000287700.1	AL591378.1	7,96003674	2,76535E-09
ENSG00000168843.14	FSTL5	7,955936535	2,47753E-12
ENSG00000197588.9	KLKP1	7,914696444	3,42427E-22
ENSG00000200959.1	SNORA74A	7,822591132	3,27192E-30
ENSG00000215808.4	LINC01139	7,811693212	1,32125E-14
ENSG00000235492.1	LINC01221	7,7431332	1,00921E-14
ENSG00000200156.1	RNU5B-1	7,724642383	5,75391E-28
ENSG00000222626.1	RNU2-48P	7,719833461	7,779E-16
ENSG00000253134.1	AC025437.1	7,685217767	1,33146E-25
ENSG00000186493.13	C5orf38	7,666019893	1,66054E-12
ENSG00000251381.8	LINC00958	7,636352934	1,78194E-13
ENSG00000154646.9	TMPRSS15	7,634222516	2,17169E-28
ENSG00000228495.2	LINC01013	7,568411295	5,99255E-29
ENSG00000101198.15	NKAIN4	7,553870022	1,42691E-19

ENSG00000276778.1	LINC02227	7,533311202	4,32906E-38
ENSG00000169575.5	VPREB1	7,488964619	1,72771E-15
ENSG00000204001.9	LCN8	7,457199109	1,11941E-19
ENSG00000218672.1	AC008060.1	7,43254256	2,9464E-26
ENSG00000187398.12	LUZP2	7,33524342	6,57794E-14
ENSG00000253811.1	AC136424.2	7,271483141	1,20065E-31
ENSG00000165973.19	NELL1	7,151478258	1,61734E-20
ENSG00000166923.12	GREM1	7,100948729	1,97087E-15
ENSG00000200795.1	RNU4-1	7,070067863	1,21451E-22
ENSG00000153822.14	KCNJ16	7,062319495	3,13193E-21
ENSG00000280969.2	RPS4Y2	7,047927969	3,85868E-39
ENSG00000175097.8	RAG2	7,038150862	4,63912E-28
ENSG00000158497.5	HMHB1	7,002298198	1,92465E-17
ENSG00000287358.1	AL096706.1	6,986015561	9,0311E-11
ENSG00000202357.1	Y_RNA	6,944348923	2,76016E-12
ENSG00000172264.17	MACROD2	6,942914026	2,36345E-21
ENSG00000259779.1	LINC01922	6,931777316	3,105E-24
ENSG00000228842.3	PCDH9-AS2	6,931497219	1,33161E-09
ENSG00000172061.9	LRRC15	6,90433805	6,80948E-28
ENSG00000222293.1	RNU2-36P	6,87871404	2,13991E-18
ENSG00000285838.2	AL646090.2	6,849123319	1,12974E-10
ENSG00000169418.10	NPR1	6,805829167	1,08011E-36
ENSG00000229131.1	AC016710.1	6,779428597	4,17971E-10
ENSG00000141052.18	MYOCD	6,772390492	7,74167E-18
ENSG00000227892.1	OR5P4P	6,768724725	6,09288E-11
ENSG00000166408.4	OR5P1P	6,765747399	4,21753E-09
ENSG00000102970.11	CCL17	6,764409791	4,615E-37
ENSG00000153404.14	PLEKHG4B	6,761218491	1,80955E-16
ENSG00000188643.11	S100A16	6,754025111	8,6653E-12
ENSG00000186472.20	PCLO	6,741106301	9,69313E-12
ENSG00000201955.1	RNY3P1	6,738658228	2,7872E-22
ENSG00000202538.1	RNU4-2	6,735188507	1,53311E-21
ENSG00000183378.12	OVCH2	6,730211858	3,53324E-23
ENSG00000285722.1	AC207130.1	6,72798127	8,57021E-13
ENSG00000183303.2	OR5P2	6,722366951	3,22598E-10
ENSG00000254951.7	AC044810.2	6,702782149	6,39725E-20
ENSG00000198703.2	OR10R3P	6,694383795	0,000118961
ENSG00000236824.2	BCYRN1	6,689882358	5,01298E-12
ENSG00000230891.7	LINC00692	6,654051634	3,14275E-15
ENSG00000253673.1	AC025437.4	6,630263229	2,77069E-19
ENSG00000223806.8	LINC00114	6,626710425	3,22584E-43
ENSG00000015413.9	DPEP1	6,618240681	7,01283E-18
ENSG00000254056.1	IGHV3-71	6,588746608	1,82311E-17
ENSG00000287612.1	AP000474.2	6,579966195	1,45716E-09
ENSG00000153253.19	SCN3A	6,579545875	1,70453E-15

ENSG00000248210.2	LINC02355	6,579186496	1,48459E-10
ENSG00000286546.1	AL079338.1	6,573096395	6,35196E-30
ENSG00000286800.1	AC090348.1	6,558724086	7,13105E-07
ENSG00000210191.1	MT-TL2	6,556388632	6,62163E-11
ENSG00000238002.3	NPAP1P6	6,516401088	2,03253E-23
ENSG00000287169.1	AC107050.1	6,499821476	3,3178E-07
ENSG00000221455.2	U3	6,494022437	5,48074E-06
ENSG00000166349.10	RAG1	6,485604155	5,4168E-29
ENSG00000287544.1	AC097518.2	6,468639113	3,81672E-19
ENSG00000253449.1	AC025437.3	6,462026315	3,2889E-24
ENSG00000187773.8	DIPK1C	6,448962075	4,15636E-12
ENSG00000114200.10	BCHE	6,446938274	1,36616E-12
ENSG00000203635.2	AC144450.1	6,441542058	2,55393E-19
ENSG00000264940.5	SNORD3C	6,422816917	6,05978E-15
ENSG00000282842.1	FRG2EP	6,419747387	2,42107E-12
ENSG00000171303.7	KCNK3	6,41418168	5,42214E-25
ENSG00000283907.1	AD000090.1	6,413208651	1,59525E-05
ENSG00000232081.1	LARGE-IT1	6,398249828	1,91453E-16
ENSG00000261742.6	LINC00922	6,391539496	9,95587E-15
ENSG00000179136.7	LINC00670	6,386540109	1,72873E-12
ENSG00000285739.1	AC010157.2	6,381282656	4,22278E-06
ENSG00000101746.15	NOL4	6,370977356	6,86709E-12
ENSG00000197430.11	OPALIN	6,352692429	3,50369E-18
ENSG00000287784.1	AC112482.2	6,34600438	5,36244E-15
ENSG00000257458.1	AC069437.1	6,33628584	2,61317E-06
ENSG00000244018.1	RPL35P6	6,335429549	8,33413E-17
ENSG00000271955.2	AC007100.1	6,333031567	4,65486E-30
ENSG00000164330.17	EBF1	6,330132337	7,94265E-24
ENSG00000189184.12	PCDH18	6,300333791	1,58075E-15
ENSG00000168334.9	XIRP1	6,300239622	4,64595E-15
ENSG00000136352.19	NKX2-1	6,292818227	2,58143E-07
ENSG00000269888.1	AC112491.1	6,268010843	8,43946E-08
ENSG00000233410.1	LINC01222	6,262264241	2,82208E-16
ENSG00000140937.14	CDH11	6,258731868	4,17498E-12
ENSG00000229415.10	SFTA3	6,256189816	4,97687E-09
ENSG00000261038.1	AL133457.1	6,245060946	1,39664E-09
ENSG00000156687.11	UNC5D	6,240665281	4,20029E-09
ENSG00000142538.2	PTH2	6,240549571	1,47491E-09
ENSG00000201201.1	RN7SKP118	6,215379448	2,67184E-21
ENSG00000102935.12	ZNF423	6,195914729	4,37516E-26
ENSG00000115705.22	TPO	6,18365809	1,29111E-10
ENSG00000230882.1	AC005077.4	6,182057085	1,31495E-09
ENSG00000286617.1	AC084167.1	6,180093803	6,31353E-06
ENSG00000166073.11	GPR176	6,179176538	6,46061E-26
ENSG00000232494.1	AL161912.1	6,177661025	1,82826E-08

ENSG00000222969.1	RN7SKP8	6,176033615	7,52352E-24
ENSG00000151379.4	MSGN1	6,169507614	4,8867E-10
ENSG00000231082.1	LINC02655	6,127072138	4,72691E-13
ENSG00000233891.8	AC007179.2	6,1038814	4,93103E-23
ENSG00000219438.9	TAFA5	6,102110894	4,51333E-08
ENSG00000253236.2	LINC02143	6,076304452	1,2642E-06
ENSG00000180777.14	ANKRD30B	6,061068486	3,14432E-17
ENSG00000225906.1	AP000949.1	6,057648197	3,05503E-06
ENSG00000252266.1	Y_RNA	6,055334909	1,51186E-11
ENSG00000286844.1	AC068688.1	6,054058016	6,73593E-09
ENSG00000275612.1	AC104237.2	6,048091178	7,42717E-09
ENSG00000224973.6	LARGE-AS1	6,039813914	8,85589E-25
ENSG00000251199.6	AC015631.1	6,02724692	4,62149E-09
ENSG00000145113.22	MUC4	6,025078252	8,11095E-13
ENSG00000288083.1	AL121888.2	6,015310514	4,20153E-07
ENSG00000182601.7	HS3ST4	6,003050059	1,11028E-05
ENSG00000181211.1	HECW1-IT1	5,993139931	1,86954E-08
ENSG00000227220.1	AL133346.1	5,984187427	8,17179E-16
ENSG00000237603.1	HMGB3P12	5,975965182	3,31839E-16
ENSG00000230741.1	Z82173.1	5,971113218	1,06035E-13
ENSG00000238194.2	PHACTR3-AS1	5,970944075	9,05772E-05
ENSG00000279715.1	AL161912.4	5,966895165	1,02029E-12
ENSG00000225988.1	LAMP5-AS1	5,954291332	0,00095106
ENSG00000285588.1	AL160254.1	5,951572609	7,24156E-07
ENSG00000199831.1	RN7SKP291	5,933974268	2,07962E-25
ENSG00000225263.1	PCDH9-AS3	5,922356697	4,06523E-07
ENSG00000286541.1	AC105941.1	5,921136268	9,77207E-13
ENSG00000233928.6	AL591501.1	5,907738222	1,02071E-19
ENSG00000128218.8	VPREB3	5,903535893	6,98553E-26
ENSG00000201098.1	RNY1	5,891420137	1,21561E-20
ENSG00000287645.1	AC092939.1	5,887082236	1,26177E-10
ENSG00000111404.7	RERGL	5,873397572	1,67808E-07
ENSG00000286217.2	LINC00279	5,869504698	1,91221E-08
ENSG00000260930.2	LINC01416	5,869086207	3,35865E-11
ENSG00000237293.1	AC007099.2	5,865641092	3,569E-05
ENSG00000260564.1	AL161912.2	5,861250607	8,84972E-15
ENSG00000236138.4	DUX4L26	5,853767199	1,10604E-15
ENSG00000288101.1	AL359987.1	5,852762223	7,57383E-11
ENSG00000138696.11	BMPR1B	5,845126491	2,5021E-12
ENSG00000100721.11	TCL1A	5,838999523	6,52338E-16
ENSG00000239039.1	SNORD13	5,835295743	8,06357E-22
ENSG00000287683.1	AL591519.1	5,834521507	1,02446E-08
ENSG00000287785.1	AC103833.2	5,832289848	6,94486E-07
ENSG00000239440.6	LINC02008	5,830939222	5,95478E-11
ENSG00000213231.13	TCL1B	5,820971099	3,59827E-23

ENSG00000248432.1	AC139718.1	5,818074773	8,97189E-07
ENSG00000187229.3	AC100800.1	5,811339429	9,63996E-15
ENSG00000275620.1	FLJ16779	5,810497536	5,01038E-17
ENSG00000145242.13	EPHA5	5,805687153	9,31528E-05
ENSG00000212232.1	SNORD17	5,797690211	3,98234E-25
ENSG00000177455.15	CD19	5,795443017	8,1758E-29
ENSG00000212195.2	U3	5,791336293	4,93426E-21
ENSG00000265962.1	GACAT2	5,787559845	5,65558E-24
ENSG00000153292.16	ADGRF1	5,781017429	1,59509E-14
ENSG00000275126.2	H4C13	5,778944455	1,32534E-21
ENSG00000223131.1	RNA5SP304	5,778877559	1,03911E-08
ENSG00000001626.16	CFTR	5,778793941	1,4849E-11
ENSG00000225172.6	AC096631.1	5,766629017	7,83174E-10
ENSG00000250241.6	AC105383.1	5,765450767	4,06308E-07
ENSG00000224750.6	AL391704.1	5,763180344	1,56709E-05
ENSG00000259072.2	AL355835.1	5,762666649	2,60489E-11
ENSG00000235653.1	AC007253.1	5,751088277	6,13379E-12
ENSG00000276668.1	AC104237.3	5,745071364	1,9599E-10
ENSG00000138650.9	PCDH10	5,740895467	2,70401E-06
ENSG00000248740.6	LINC02428	5,738281399	2,81584E-17
ENSG00000234158.1	RPEP2	5,734317868	2,71055E-09
ENSG00000163618.18	CADPS	5,730416216	1,49769E-13
ENSG00000250307.2	TUBB8P3	5,723001035	3,25711E-07
ENSG00000132854.19	KANK4	5,692288918	4,18865E-17
ENSG00000172969.7	FRG2C	5,689900424	5,55318E-12
ENSG00000253934.2	MRPL49P2	5,687604595	1,45503E-07
ENSG00000165762.3	OR4K2	5,683756337	3,63853E-09
ENSG00000202137.1	Y_RNA	5,675295601	2,01057E-07
ENSG00000224443.1	NME2P2	5,674962446	1,0414E-13
ENSG00000241956.10	AC109466.1	5,674903876	1,37291E-09
ENSG00000200087.1	SNORA73B	5,671498061	1,46787E-18
ENSG00000252431.1	RNU6-1247P	5,667254834	2,73877E-10
ENSG00000230830.1	ARPP21-AS1	5,666552867	8,70939E-13
ENSG00000260035.1	AC051619.7	5,663310125	9,54414E-32
ENSG00000136531.18	SCN2A	5,649827305	2,19162E-09
ENSG00000161544.10	CYGB	5,646480646	9,64829E-15
ENSG00000206702.1	RNU1-11P	5,644287273	4,65111E-19
ENSG00000277918.1	RNVU1-28	5,640170978	3,47458E-11
ENSG00000250337.7	PURPL	5,634289781	1,67719E-06
ENSG00000226506.6	AC007463.1	5,631831938	5,45927E-16
ENSG00000257275.6	AL139020.1	5,626178476	3,89727E-16
ENSG00000249815.1	AC004704.1	5,612145483	1,54563E-09
ENSG00000286819.1	Z98745.1	5,609728035	1,53773E-12
ENSG00000202515.1	VTRNA1-3	5,60953048	5,68397E-14
ENSG00000189431.8	RASSF10	5,597175438	1,0099E-11



ENSG00000179008.9	C14orf39	5,593503862	1,2672E-10
ENSG00000146938.16	NLGN4X	5,587181845	2,39594E-14
ENSG00000285867.1	BX470102.2	5,585189376	1,17422E-22
ENSG00000277720.1	H3C5P	5,583230982	2,81288E-11
ENSG00000133424.22	LARGE1	5,574043541	1,92483E-24
ENSG00000213896.4	AC109486.1	5,565032399	5,82443E-15
ENSG00000258678.2	LINC02317	5,538122844	1,3391E-12
ENSG00000187581.3	COX8C	5,530833112	1,56941E-09
ENSG00000258723.1	AF099810.1	5,527740302	7,39955E-08
ENSG00000260139.6	CSPG4P13	5,525580403	2,49242E-08
ENSG00000265929.1	MIR5195	5,521751023	1,25341E-29
ENSG00000257522.7	AL133166.1	5,520895415	6,3303E-07
ENSG00000217684.2	RPS3AP24	5,520470705	8,36303E-09
ENSG00000095777.17	MYO3A	5,514972986	3,49306E-18
ENSG00000210112.1	MT-TM	5,514368499	5,9025E-07
ENSG00000286720.1	AC097375.5	5,508197574	3,86389E-22
ENSG00000163273.4	NPPC	5,500337256	6,61951E-20
ENSG00000224482.1	HSFY4P	5,499519596	1,11147E-06
ENSG00000240354.1	AC131211.1	5,491524964	1,20938E-06
ENSG00000172995.16	ARPP21	5,482115997	3,52898E-08
ENSG00000261303.6	AC022748.2	5,479513583	2,27133E-12
ENSG00000278862.1	AC092724.1	5,460941452	6,90358E-08
ENSG00000286934.1	AC027251.1	5,444700483	0,000289755
ENSG00000072832.15	CRMP1	5,443676524	5,68859E-12
ENSG00000223001.1	RNU2-61P	5,434003993	2,8897E-09
ENSG00000285981.1	AL591888.1	5,429008137	1,76274E-07
ENSG00000258039.2	AC117377.1	5,427947494	3,11261E-05
ENSG00000044524.11	EPHA3	5,427700815	7,94159E-06
ENSG00000258829.1	AC026888.1	5,413386265	1,23827E-08
ENSG00000236760.1	AC019118.2	5,40964649	5,43852E-28
ENSG00000227038.3	GTF2IP7	5,406983493	1,58251E-09
ENSG00000271394.1	7SK	5,401784346	4,03784E-12
ENSG00000228613.1	AC141930.1	5,401059656	2,89511E-14
ENSG00000152192.8	POU4F1	5,390965997	9,39838E-06
ENSG00000021645.20	NRXN3	5,387573062	9,3776E-12
ENSG00000186487.20	MYT1L	5,383056723	1,60411E-11
ENSG00000187922.14	LCN10	5,382704449	6,02486E-12
ENSG00000207513.1	RNU1-3	5,377054333	2,09882E-14
ENSG00000254350.1	AC091979.1	5,370286483	5,48305E-12
ENSG00000278637.2	H4C1	5,368756146	2,15401E-21
ENSG00000281181.1	FP236383.5	5,356396069	4,70246E-07
ENSG00000131773.14	KHDRBS3	5,353003183	8,21479E-15
ENSG00000145358.6	DDIT4L	5,350032223	1,12251E-07
ENSG00000230400.3	LINC01747	5,341843553	3,19576E-11
ENSG00000285611.2	AC007132.1	5,339444382	5,07728E-19

ENSG00000199990.1	VTRNA1-1	5,334372216	3,70032E-19
ENSG00000250850.2	AL161781.2	5,323600549	1,69205E-18
ENSG00000253743.1	MARK2P11	5,323322695	2,74518E-07
ENSG00000207274.1	SNORA70I	5,311288158	1,24727E-11
ENSG00000133107.15	TRPC4	5,306772942	5,3226E-07
ENSG00000136546.16	SCN7A	5,304838374	6,86736E-13
ENSG00000072041.17	SLC6A15	5,303136586	1,4458E-06
ENSG00000145808.10	ADAMTS19	5,296414315	5,16342E-05
ENSG00000159217.10	IGF2BP1	5,296343846	7,72059E-08
ENSG00000267206.6	LCN6	5,288931125	2,93008E-09
ENSG00000231419.6	LINC00689	5,287954494	9,10699E-10
ENSG00000180219.2	FAM71C	5,287771149	5,90926E-06
ENSG00000226520.1	KIRREL1-IT1	5,286642229	7,27144E-07
ENSG00000082497.12	SERTAD4	5,283769371	1,68771E-11
ENSG00000140557.12	ST8SIA2	5,283490443	3,45262E-10
ENSG00000285875.1	AL035446.2	5,279817589	2,38599E-09
ENSG00000237515.9	SHISA9	5,278472042	3,8904E-13
ENSG00000212556.1	Y_RNA	5,275686301	2,43162E-09
ENSG00000286171.1	AC073140.1	5,260223474	1,14545E-11
ENSG00000285582.1	AC016042.1	5,259828208	1,9557E-16
ENSG00000139292.13	LGR5	5,241554744	3,86634E-17
ENSG00000253857.2	AC022679.1	5,241253141	1,1163E-07
ENSG00000228358.6	LINC02263	5,235274372	4,20895E-06
ENSG00000180525.13	PRR26	5,234929012	3,44494E-20
ENSG00000222515.1	RN7SKP240	5,231502505	2,36875E-11
ENSG00000287335.1	AL139351.3	5,224105284	0,000272744
ENSG00000152611.12	CAPSL	5,223673104	1,13267E-10
ENSG00000226159.2	LINC01375	5,223513213	2,36164E-12
ENSG00000252487.1	RNY4P20	5,223385075	2,15974E-09
ENSG00000213416.4	KRTAP4-12	5,2166571	7,71751E-07
ENSG00000249072.1	AC114801.3	5,213774062	7,82804E-05
ENSG00000249112.1	AC112196.1	5,212592687	2,859E-12
ENSG00000222724.1	RNU2-63P	5,198528311	1,04306E-14
ENSG00000278756.1	MIR6722	5,194295998	2,62246E-11
ENSG00000287318.1	AL353730.1	5,190916767	1,95353E-05
ENSG00000269155.2	AL009178.2	5,189537641	1,53503E-09
ENSG00000241369.6	LINC01192	5,189283843	6,6463E-08
ENSG00000137872.17	SEMA6D	5,180399482	8,94596E-11
ENSG00000280443.1	AL136313.1	5,179928691	6,97856E-08
ENSG00000271776.1	AL445209.1	5,178889835	5,52516E-05
ENSG00000286172.1	RNVU1-8	5,175573469	4,20525E-15
ENSG00000176406.23	RIMS2	5,171700018	8,94148E-08
ENSG00000254221.2	PCDHGB1	5,150832445	9,82221E-12
ENSG00000283766.1	AC141930.2	5,149729497	1,93694E-07
ENSG00000282692.1	AC129915.3	5,148246847	1,30506E-06

ENSG00000188816.3	HMX2	5,14792932	0,000293345
ENSG00000199568.1	RNU5A-1	5,145738455	4,4316E-14
ENSG00000261154.1	LINC02131	5,144148385	1,23163E-05
ENSG00000133878.9	DUSP26	5,136902677	2,35196E-23
ENSG00000083857.14	FAT1	5,135721925	2,61997E-06
ENSG00000184672.12	RALYL	5,132962435	4,63474E-07
ENSG00000196092.14	PAX5	5,13291596	1,44338E-15
ENSG00000147481.17	SNTG1	5,131227444	4,62315E-07
ENSG00000201998.1	SNORA23	5,12367396	8,92923E-16
ENSG00000145147.20	SLIT2	5,123613601	3,00554E-08
ENSG00000107447.8	DNTT	5,121672841	8,08545E-07
ENSG00000286816.1	AP005273.2	5,116002689	1,15703E-07
ENSG00000107807.13	TLX1	5,115970532	6,81532E-12
ENSG00000227121.2	LINC02672	5,113771929	0,000194254
ENSG00000201496.1	RN7SKP275	5,113529519	1,29149E-15
ENSG00000258662.1	AC022469.2	5,113061806	2,44801E-07
ENSG00000272788.1	AP000864.1	5,111107997	3,55947E-14
ENSG00000260701.2	AC025284.1	5,110693568	4,24505E-07
ENSG00000228950.1	AC023137.1	5,105817386	8,91765E-11
ENSG00000260172.2	LINC01413	5,102489229	1,25626E-17
ENSG00000148123.15	PLPPR1	5,10139341	3,06693E-06
ENSG00000209082.1	MT-TL1	5,093699389	0,001730522
ENSG00000183196.10	CHST6	5,091278723	4,38404E-18
ENSG00000203808.12	BVES-AS1	5,079850603	2,26223E-06
ENSG00000004848.8	ARX	5,079820424	8,4999E-11
ENSG00000130508.11	PXDN	5,073621864	5,83919E-07
ENSG00000178522.14	AMBN	5,061444381	4,77333E-11
ENSG00000251456.1	AC113398.2	5,058918823	5,39458E-10
ENSG00000272085.1	AC091979.2	5,044486927	1,11258E-07
ENSG00000285971.1	AC023095.1	5,04441657	9,44073E-06
ENSG00000184302.7	SIX6	5,043601565	1,13768E-09
ENSG00000230945.1	LINC01507	5,04219944	1,9985E-09
ENSG00000185046.18	ANKS1B	5,032846424	1,59097E-24
ENSG00000112276.14	BVES	5,032160034	3,43282E-06
ENSG00000162631.19	NTNG1	5,029878555	8,43582E-10
ENSG00000130032.17	PRRG3	5,028656153	1,29776E-12
ENSG00000278886.1	AC087821.1	5,025274578	1,56868E-10
ENSG00000101638.14	ST8SIA5	5,024139683	7,759E-14
ENSG00000225386.2	AC099754.1	5,022156436	1,4212E-09
ENSG00000231292.6	IGKV1OR2-108	5,022091303	3,23292E-08
ENSG00000224924.7	LINC00320	5,017271255	8,06671E-08
ENSG00000265565.1	MIR3143	5,002732631	9,61639E-12
ENSG00000258628.1	RHPN2P1	5,000441598	1,32004E-07
ENSG00000208892.1	SNORA49	4,998316679	3,74303E-20
ENSG00000256004.1	AC092490.3	4,996851731	9,04435E-08



ENSG00000200972.1	RNU5A-8P	4,984660667	1,4583E-12
ENSG00000184357.5	H1-5	4,978476113	2,46245E-12
ENSG00000162975.5	KCNF1	4,974469085	3,99387E-09
ENSG00000185028.4	LRRC14B	4,973383184	4,52728E-20
ENSG00000148482.12	SLC39A12	4,972497385	1,85E-06
ENSG00000204011.5	COL5A1-AS1	4,962576159	1,18818E-08
ENSG00000273338.1	AC103591.3	4,960779134	2,33409E-13
ENSG00000138771.16	SHROOM3	4,95717999	6,67174E-11
ENSG00000215184.2	RPS12P16	4,94913861	1,0051E-11
ENSG00000230690.2	AC013402.1	4,948991092	2,75406E-05
ENSG00000269416.6	LINC01224	4,941729482	8,17062E-19
ENSG00000214324.5	C3orf56	4,937481923	1,19756E-08
ENSG00000279204.1	AC134043.3	4,933150249	6,07789E-17
ENSG00000144724.20	PTPRG	4,931006291	1,32646E-06
ENSG00000276713.1	Metazoa_SRP	4,92653391	3,33857E-05
ENSG00000143369.15	ECM1	4,921710537	9,97884E-14
ENSG00000275024.1	AC005383.1	4,919711385	6,28484E-08
ENSG00000251309.1	AP002075.1	4,918443408	1,90028E-15
ENSG00000178217.14	SH2D4B	4,911562306	7,51835E-23
ENSG00000016490.16	CLCA1	4,910048516	4,67222E-07
ENSG00000002746.15	HECW1	4,909890614	2,72093E-17
ENSG00000185448.10	FAM47A	4,908475036	2,86975E-05
ENSG00000242066.3	RN7SL214P	4,900222445	2,17242E-06
ENSG00000234167.1	ELOBP4	4,896092606	2,00764E-11
ENSG00000256574.8	OR13A1	4,891955521	1,371E-21
ENSG00000225542.2	ZNF385D-AS1	4,890995418	2,88362E-08
ENSG00000262119.1	AL079343.1	4,888559491	3,87596E-05
ENSG00000223881.1	AL157402.1	4,888059259	1,61357E-12
ENSG00000278705.1	H4C2	4,885483434	6,09375E-14
ENSG00000251149.1	MTND5P5	4,881131889	3,59047E-14
ENSG00000103710.11	RASL12	4,880398891	9,56755E-06
ENSG00000144229.12	THSD7B	4,879125498	1,11408E-10
ENSG00000206784.1	Y_RNA	4,878319518	2,90028E-19
ENSG00000222755.1	RN7SKP206	4,876068264	8,41639E-08
ENSG00000274997.2	H2AC12	4,875847157	1,08592E-14
ENSG00000187621.15	TCL6	4,871035817	1,08137E-14
ENSG00000223203.1	RNA5SP221	4,868823631	7,84481E-22
ENSG00000242265.6	PEG10	4,867431143	6,96776E-09
ENSG00000288557.1	AC080097.1	4,863402078	3,90762E-08
ENSG00000095587.9	TLL2	4,860907056	3,59001E-13
ENSG00000275427.1	AF067845.2	4,855873195	3,04456E-05
ENSG00000201715.1	RN7SKP133	4,85152524	6,42227E-12
ENSG00000231815.2	AC007179.1	4,851273659	5,24389E-07
ENSG00000254167.2	IGHV8-51-1	4,84772337	2,99914E-07
ENSG00000165810.17	BTNL9	4,845192249	3,79233E-09

ENSG00000256721.1	CACNA1C-IT3	4,844937671	7,60274E-06
ENSG00000276545.1	PCDHGB9P	4,824841694	7,71581E-12
ENSG00000184895.8	SRY	4,82016288	1,05444E-09
ENSG00000250556.1	CCDC34P1	4,815792175	5,89052E-06
ENSG00000279512.1	AC011755.1	4,811937482	6,29716E-07
ENSG00000011677.13	GABRA3	4,809979448	1,36899E-06
ENSG00000286393.1	Z97192.4	4,809893634	2,79096E-10
ENSG00000223631.2	LINC01120	4,80293391	1,18345E-10
ENSG00000111241.2	FGF6	4,800812984	4,08816E-10
ENSG00000169436.17	COL22A1	4,799899203	4,24779E-06
ENSG00000164500.7	SPATA48	4,798762318	2,83225E-07
ENSG00000067715.14	SYT1	4,798111769	7,07396E-12
ENSG00000197153.5	H3C12	4,789137215	3,36361E-14
ENSG00000275155.1	AC027348.1	4,788278777	1,04065E-13
ENSG00000158164.7	TMSB15A	4,788116001	3,3062E-07
ENSG00000253225.1	AC103833.1	4,786725063	6,36235E-06
ENSG00000132429.10	POPDC3	4,786222433	0,000178202
ENSG00000261949.6	GFY	4,785719143	5,82411E-08
ENSG00000238825.1	RNVU1-2	4,782371621	1,23973E-12
ENSG00000222489.1	SNORA79B	4,780580507	8,05416E-23
ENSG00000283402.1	AC087821.2	4,778153648	1,24209E-07
ENSG00000234423.2	LINC01250	4,775825123	2,40622E-19
ENSG00000231482.3	AC105450.1	4,75987602	5,99451E-13
ENSG00000254709.8	IGLL5	4,758093674	2,41654E-11
ENSG00000136378.15	ADAMTS7	4,757236419	6,88457E-10
ENSG00000242759.8	LINC00882	4,756938661	2,26074E-15
ENSG00000106571.15	GLI3	4,755261723	5,85269E-11
ENSG00000286848.1	AC009570.2	4,748271471	6,68344E-17
ENSG00000197410.14	DCHS2	4,745224717	2,58382E-12
ENSG00000248801.7	C8orf34-AS1	4,744633721	0,000508235
ENSG00000238741.1	SCARNA7	4,743462578	1,20356E-14
ENSG00000002745.13	WNT16	4,737760619	1,55848E-19
ENSG00000202337.1	RNU6-8	4,723894511	4,40123E-14
ENSG00000136267.14	DGKB	4,723752954	2,13337E-05
ENSG00000187772.8	LIN28B	4,720723284	0,001307456
ENSG00000178772.7	CPN2	4,719983626	1,36709E-08
ENSG00000238961.1	SNORA47	4,715321958	3,98308E-17
ENSG00000234816.2	H2AC5P	4,707833608	1,25318E-12
ENSG00000234717.2	TMEM212-AS1	4,702143717	0,001721969
ENSG00000250799.11	PRODH2	4,696198705	2,96387E-11
ENSG00000168502.17	MTCL1	4,690733664	2,31908E-12
ENSG00000165816.13	VWA2	4,683351354	2,37188E-11
ENSG00000117971.12	CHRNA4	4,680689017	9,84932E-12
ENSG00000151388.11	ADAMTS12	4,67852805	1,59591E-13
ENSG00000287303.1	AP006248.5	4,676435035	9,08716E-08

ENSG00000230465.1	VENTXP4	4,673376858	2,18435E-08
ENSG00000186051.7	TAL2	4,670908061	2,4671E-12
ENSG00000285882.1	AC093516.1	4,668980512	0,001331337
ENSG00000256025.2	CACNA1C-AS4	4,665050946	6,85965E-06
ENSG00000206579.9	XKR4	4,662547075	1,42919E-14
ENSG00000253642.6	AF279873.3	4,660413866	1,24658E-06
ENSG00000268089.3	GABRQ	4,658890948	6,14001E-06
ENSG00000147100.11	SLC16A2	4,656767875	1,27231E-09
ENSG00000207976.1	MIR607	4,655112303	6,72722E-08
ENSG00000287354.1	AL034351.4	4,652714264	5,43617E-10
ENSG00000249345.8	LINC02405	4,652500567	6,08766E-06
ENSG00000286348.1	AC084834.1	4,641970052	2,98141E-12
ENSG00000258885.1	AL450267.1	4,637638303	3,16766E-14
ENSG00000243422.2	RPL23AP49	4,637419867	4,68873E-09
ENSG00000234726.1	AC245060.3	4,633271558	9,01765E-09
ENSG00000237480.3	AL355306.2	4,631960798	3,25652E-07
ENSG00000248713.1	C4orf54	4,630769405	1,29358E-08
ENSG00000101134.12	DOK5	4,630558741	0,00124677
ENSG00000259432.1	AC023908.1	4,623759523	1,54651E-06
ENSG00000222386.1	RN7SKP86	4,620678253	2,19826E-09
ENSG00000149256.16	TENM4	4,616912348	6,79117E-10
ENSG00000287804.1	Z98745.2	4,615256764	6,22281E-06
ENSG00000166292.12	TMEM100	4,614709047	4,15345E-06
ENSG00000253926.1	AC011257.1	4,614577613	4,20437E-08
ENSG00000260918.1	AC107398.3	4,613120836	1,39285E-05
ENSG00000253335.1	AC009884.1	4,611809856	5,15205E-09
ENSG00000200792.1	SNORA80A	4,611796406	2,34083E-16
ENSG00000225140.1	AL358216.1	4,611674566	1,57064E-08
ENSG00000187372.11	PCDHB13	4,611310813	1,9068E-09
ENSG00000254135.3	AC091939.1	4,610136212	6,93831E-09
ENSG00000255794.9	RMST	4,599672054	2,67447E-05
ENSG00000260089.2	ADAM3B	4,592154909	1,93395E-07
ENSG00000276410.4	H2BC3	4,587791085	6,37049E-11
ENSG00000253496.3	AC011586.2	4,584309879	2,07908E-05
ENSG00000112214.10	FHL5	4,583720732	7,72171E-05
ENSG00000173805.16	HAP1	4,58313073	2,57844E-18
ENSG00000199683.1	RN7SKP185	4,582093899	3,16491E-18
ENSG00000248551.1	AC095050.1	4,580979673	2,41942E-05
ENSG00000275110.1	AL928646.1	4,579183432	9,42547E-05
ENSG00000006071.15	ABCC8	4,578325109	4,98913E-07
ENSG00000256995.8	AC084816.1	4,577312049	6,65418E-13
ENSG00000176490.5	DIRAS1	4,575530463	9,88808E-14
ENSG00000285578.1	AL035696.4	4,574472021	2,59287E-14
ENSG00000262576.3	PCDHGA4	4,574244588	6,93136E-11
ENSG00000210144.1	MT-TY	4,569663788	4,80309E-05

ENSG00000152953.13	STK32B	4,568573427	1,1754E-09
ENSG00000140873.16	ADAMTS18	4,56830762	2,71874E-06
ENSG00000161940.11	BCL6B	4,568168477	2,98197E-08
ENSG00000136237.19	RAPGEF5	4,561521157	8,4092E-11
ENSG00000230987.2	AL359976.1	4,560063475	1,54713E-08
ENSG00000275337.1	RN7SL680P	4,559239573	3,8583E-05
ENSG00000139865.16	TTC6	4,558775537	3,45066E-06
ENSG00000276966.2	H4C5	4,558012103	2,74085E-13
ENSG00000236283.5	AC019197.1	4,556838232	5,27022E-10
ENSG00000224058.2	AC006509.1	4,554094421	7,03608E-12
ENSG00000251680.6	AC008591.1	4,550951184	4,75002E-05
ENSG00000206652.1	RNU1-1	4,548492513	8,89474E-11
ENSG00000169900.8	PYDC1	4,543798716	7,88748E-13
ENSG00000218281.1	H2AC9P	4,54267143	1,66094E-08
ENSG00000264151.6	AC090403.1	4,540924273	9,3035E-05
ENSG00000241008.1	AC044810.1	4,538080932	5,20083E-11
ENSG00000200475.1	RN7SKP162	4,534854276	1,4954E-06
ENSG00000277775.2	H3C7	4,531778284	8,15232E-10
ENSG00000240666.2	MME-AS1	4,530267576	3,5786E-12
ENSG00000255856.2	AC069503.1	4,530044993	2,71974E-10
ENSG00000153531.13	ADPRHL1	4,529530717	1,22245E-10
ENSG00000148483.9	TMEM236	4,528389474	2,15926E-11
ENSG00000253420.1	AC103853.1	4,525372972	0,000747652
ENSG00000260186.5	LINC02137	4,523563136	4,4529E-16
ENSG00000164161.10	HHIP	4,523330715	2,5477E-09
ENSG00000214748.2	AL355309.1	4,517360344	2,82652E-06
ENSG00000174450.12	GOLGA6L2	4,517111889	5,54488E-07
ENSG00000183117.19	CSMD1	4,512174796	6,80768E-07
ENSG00000287001.1	AC010624.5	4,511952283	1,35413E-07
ENSG00000272168.8	CASC15	4,511318245	4,90897E-09
ENSG00000254030.1	IGLC5	4,499621134	1,76801E-10
ENSG00000265185.6	SNORD3B-1	4,4986372	6,36763E-10
ENSG00000280560.2	LINC01374	4,496881513	2,44074E-10
ENSG00000229269.1	AL451048.1	4,494717298	7,88184E-06
ENSG00000286522.2	H3C2	4,494426836	2,19573E-10
ENSG00000226953.8	NCKAP5-AS2	4,494117431	1,284E-06
ENSG00000250366.3	TUNAR	4,489198072	9,78077E-16
ENSG00000255191.1	AP003555.2	4,488953086	1,26508E-06
ENSG00000253485.2	PCDHGA5	4,488741037	1,09767E-09
ENSG00000286502.1	AL645768.1	4,486621862	6,47832E-11
ENSG00000120327.6	PCDHB14	4,484624222	1,76542E-09
ENSG00000132464.13	ENAM	4,4823739	1,68294E-12
ENSG00000128322.7	IGLL1	4,478770966	1,18438E-06
ENSG00000173954.8	SNURFL	4,476724556	4,66406E-06
ENSG00000233204.1	MAPRE1P3	4,476653245	0,000569666

ENSG00000227579.6	AL136114.1	4,475017108	0,000632028
ENSG00000092377.15	TBL1Y	4,467832975	4,66486E-05
ENSG00000273983.1	H3C8	4,467562113	3,08378E-10
ENSG00000200942.1	RNU6-501P	4,467470726	1,88036E-08
ENSG00000254047.2	AC025437.6	4,467433088	5,38753E-06
ENSG00000244514.3	RN7SL125P	4,463078295	2,69145E-05
ENSG00000184261.5	KCNK12	4,462917574	2,31781E-10
ENSG00000187908.20	DMBT1	4,461363649	2,81453E-10
ENSG00000253452.6	AC124290.1	4,455724962	1,66113E-06
ENSG00000245812.3	LINC02202	4,45110215	2,02275E-17
ENSG00000223247.1	RNU2-64P	4,451080143	5,04728E-06
ENSG00000207287.1	RNU6-1274P	4,448704165	1,25312E-11
ENSG00000229140.11	CCDC26	4,445135719	4,24918E-10
ENSG00000285108.1	AC103718.1	4,443040861	9,76909E-07
ENSG00000165186.12	PTCHD1	4,442933478	1,77503E-12
ENSG00000260756.1	AC131649.1	4,440729057	4,93579E-05
ENSG00000276127.1	AL589935.2	4,438572782	1,91148E-05
ENSG00000250540.1	AC104685.1	4,433732223	1,79797E-12
ENSG00000272563.1	AC016745.2	4,43189422	5,30232E-09
ENSG00000201801.1	RNU5E-4P	4,426999598	4,69792E-12
ENSG00000217159.2	LARP1P1	4,426336457	3,36923E-12
ENSG00000249167.2	SEMA6A-AS2	4,424404553	3,98112E-12
ENSG00000249297.2	LINC02174	4,421261364	0,000438793
ENSG00000135116.9	HRK	4,419277613	9,54967E-13
ENSG00000082175.15	PGR	4,418213235	8,04338E-06
ENSG00000264922.1	MIR4540	4,414796956	4,78143E-10
ENSG00000236390.1	AC092800.1	4,41441956	1,34658E-10
ENSG00000120833.14	SOCS2	4,408056017	1,15413E-08
ENSG00000228496.1	AC106875.1	4,406839795	0,000164668
ENSG00000184226.15	PCDH9	4,406454897	6,7794E-06
ENSG00000287080.2	H3C3	4,404401804	4,61723E-11
ENSG00000249752.1	AC108156.1	4,4036548	6,94569E-08
ENSG00000103647.13	CORO2B	4,399634922	1,00271E-10
ENSG00000254372.1	AC040914.1	4,395781673	1,11881E-08
ENSG00000248347.3	AC120036.1	4,394315433	0,009522575
ENSG00000114349.10	GNAT1	4,385521793	1,11591E-13
ENSG00000244302.2	PEX5L-AS2	4,385478041	0,000627818
ENSG00000274451.1	AL136228.1	4,385464008	2,07505E-12
ENSG00000229418.2	AL136181.1	4,384685314	1,47432E-08
ENSG00000280177.1	AC004408.2	4,381939932	1,14832E-06
ENSG00000267583.5	AC007998.3	4,380745349	1,09481E-14
ENSG00000222451.1	RN7SKP143	4,380002742	5,17349E-07
ENSG00000266019.1	MIR3609	4,377990542	1,25478E-11
ENSG00000243175.1	RPSAP36	4,372488075	5,21121E-24
ENSG00000224144.1	ASH2LP1	4,372298674	1,20342E-07



ENSG00000267327.2	AC009271.1	4,368980991	2,52589E-05
ENSG00000242593.7	AC006148.1	4,363049375	3,95661E-06
ENSG00000145864.14	GABRB2	4,36126242	0,000254585
ENSG00000254066.2	LINC01938	4,355427691	0,000246593
ENSG00000253767.2	PCDHGA8	4,351199875	3,16396E-10
ENSG00000225942.1	LINC01875	4,350907129	5,92247E-06
ENSG00000197061.5	H4C3	4,349875052	5,57797E-10
ENSG00000176771.17	NCKAP5	4,344211045	2,21045E-10
ENSG00000253976.1	AC022679.2	4,343590703	4,52004E-06
ENSG00000125879.5	OTOR	4,340896816	9,54629E-10
ENSG00000188620.11	HMX3	4,339330707	0,000914331
ENSG00000278588.2	H2BC10	4,337227596	1,10879E-09
ENSG00000177984.7	LCN15	4,326974241	5,88242E-14
ENSG00000249881.1	AC008696.2	4,319617016	4,78362E-13
ENSG00000168065.16	SLC22A11	4,319116138	3,76519E-11
ENSG00000233208.6	LINC00642	4,319030427	3,47277E-14
ENSG00000273727.1	U1	4,318509328	3,89359E-06
ENSG00000263667.3	AL035696.3	4,31303198	1,80493E-14
ENSG00000165553.4	NGB	4,312789787	5,30036E-06
ENSG00000232627.1	AC021876.1	4,309483181	1,6726E-09
ENSG00000244301.6	AOX3P	4,306729108	1,1173E-07
ENSG00000259721.1	AC090877.2	4,306429458	4,16878E-06
ENSG00000220771.2	BOLA2P3	4,30269515	1,12046E-14
ENSG00000255829.1	AC092490.2	4,300082229	5,33484E-07
ENSG00000106278.12	PTPRZ1	4,300064113	2,03652E-06
ENSG00000188269.10	OR7A5	4,297804727	9,75659E-08
ENSG00000273557.1	AC008781.2	4,293066605	3,51402E-08
ENSG00000037280.16	FLT4	4,291486742	1,1374E-05
ENSG00000203688.6	LINC02487	4,290610117	5,40451E-06
ENSG00000206588.1	RNU1-28P	4,290343757	2,0838E-12
ENSG00000124839.13	RAB17	4,289112691	1,42701E-08
ENSG00000287971.1	AC093642.6	4,287919697	1,61146E-10
ENSG00000259439.2	LINC01833	4,284922263	0,007938548
ENSG00000007314.12	SCN4A	4,282701543	7,38963E-14
ENSG00000242020.3	RN7SL68P	4,281089852	1,9189E-08
ENSG00000111262.6	KCNA1	4,280946161	1,71125E-08
ENSG00000264169.2	RN7SL665P	4,279830961	6,48945E-06
ENSG00000170549.4	IRX1	4,276445723	7,43448E-05
ENSG00000162771.8	FAM71A	4,269443877	1,29772E-08
ENSG00000243799.1	PEX5L-AS1	4,269267775	0,000290947
ENSG00000223039.1	RN7SKP268	4,261117863	1,56154E-15
ENSG00000170745.12	KCNS3	4,261011937	3,60832E-08
ENSG00000183580.10	FBXL7	4,259327629	7,88028E-09
ENSG00000188730.5	VWC2	4,257742763	1,79142E-09
ENSG00000240238.1	AC092754.1	4,256221401	3,47427E-07

ENSG00000228861.5	RPL23AP12	4,251100567	5,28079E-08
ENSG00000168916.15	ZNF608	4,249318865	3,19253E-10
ENSG00000138435.16	CHRNA1	4,247806867	2,67355E-10
ENSG00000256988.2	AC005833.2	4,246687353	1,30925E-07
ENSG00000260599.1	AC011467.1	4,24407952	0,001962671
ENSG00000199477.1	SNORA31	4,242669917	1,6484E-18
ENSG00000087510.7	TFAP2C	4,240398542	2,45216E-05
ENSG00000247809.9	NR2F2-AS1	4,235943054	4,52046E-05
ENSG00000262074.7	SNORD3B-2	4,235886076	5,7596E-09
ENSG00000201737.1	RNU1-133P	4,235273635	4,47149E-06
ENSG00000283422.1	LINC02452	4,231181155	4,47237E-10
ENSG00000268681.1	COX6CP7	4,230383328	7,32663E-08
ENSG00000282935.1	DUX4L34	4,230003268	7,0528E-05
ENSG00000231252.3	AC099792.1	4,228568238	2,88368E-05
ENSG00000200312.1	RN7SKP255	4,228118729	5,3165E-06
ENSG00000225519.1	AL365434.1	4,228112861	0,000240527
ENSG00000226397.8	C12orf77	4,224521763	4,30006E-08
ENSG00000206596.1	RNU1-27P	4,224230659	3,69571E-12
ENSG00000200488.1	RN7SKP203	4,223854304	5,28096E-06
ENSG00000196747.4	H2AC13	4,222950869	9,95718E-11
ENSG00000207975.1	MIR181B1	4,22292833	1,48008E-10
ENSG00000239202.3	RN7SL499P	4,221615734	1,01568E-07
ENSG00000232696.1	AC017006.2	4,220183207	4,72056E-15
ENSG00000235142.10	LINC02532	4,217073165	1,53741E-14
ENSG00000113430.10	IRX4	4,215545012	8,29383E-09
ENSG00000186960.12	LINC01551	4,214308002	2,70261E-06
ENSG00000287616.1	AL357522.1	4,213894147	5,48194E-06
ENSG00000164932.13	CTHRC1	4,210529796	2,50407E-11
ENSG00000128573.26	FOXP2	4,21042583	0,00023216
ENSG00000285646.2	AL021155.4	4,202853777	1,46912E-10
ENSG00000134762.17	DSC3	4,201933066	2,52469E-10
ENSG00000253709.1	IGHV1-14	4,201650222	1,84979E-07
ENSG00000259001.3	AL355075.4	4,20107994	1,32155E-08
ENSG00000162409.11	PRKAA2	4,200631187	4,54059E-05
ENSG00000261441.1	AC124068.2	4,19799685	1,14938E-22
ENSG00000288087.1	AC112770.1	4,197821905	6,05548E-07
ENSG00000200169.1	RNU5D-1	4,195678442	1,81302E-10
ENSG00000182963.11	GJC1	4,195324448	5,1165E-18
ENSG00000144285.22	SCN1A	4,194070499	8,72965E-07
ENSG00000146521.10	LINC01558	4,190422678	8,32291E-07
ENSG00000182050.13	MGAT4C	4,184315917	4,63575E-06
ENSG00000256797.1	KLRF2	4,183465265	0,000593709
ENSG00000197977.4	ELOVL2	4,182284754	6,29927E-08
ENSG00000116833.14	NR5A2	4,177715324	4,19253E-05
ENSG00000235026.6	DPP10-AS1	4,171113015	0,000630606

ENSG00000276368.2	H2AC14	4,16708752	1,27152E-08
ENSG00000261175.6	LINC02188	4,166021569	2,0537E-07
ENSG00000240759.1	RPS27P21	4,164348724	1,08421E-06
ENSG00000243478.9	AOX2P	4,159420967	5,30415E-06
ENSG00000007312.13	CD79B	4,158267658	1,16857E-14
ENSG00000221456.1	MIR1202	4,156836816	2,50758E-07
ENSG00000277128.2	AL589743.3	4,150420231	0,001834786
ENSG00000206737.1	RNVU1-18	4,146668184	8,12774E-07
ENSG00000249073.1	WSPAR	4,144785182	6,97033E-07
ENSG00000188163.8	FAM166A	4,141723855	2,61634E-12
ENSG00000277157.2	H4C4	4,141519131	1,57299E-09
ENSG00000287281.1	AC012101.2	4,14061057	0,000959652
ENSG00000250632.1	LINC02171	4,14051181	0,000435233
ENSG00000171004.18	HS6ST2	4,139367928	2,89709E-07
ENSG00000144481.17	TRPM8	4,137497592	1,65046E-07
ENSG00000273768.1	RNVU1-29	4,13686679	3,71389E-10
ENSG00000223965.2	ZNF587P1	4,132578106	1,98156E-07
ENSG00000211979.2	IGHV7-81	4,131955211	4,8674E-11
ENSG00000270255.1	AC009884.2	4,131426187	1,38558E-07
ENSG00000245526.11	LINC00461	4,128198377	5,27958E-06
ENSG00000273802.2	H2BC8	4,125321334	2,21796E-10
ENSG00000206195.11	DUXAP8	4,122910683	0,000423845
ENSG00000130635.16	COL5A1	4,120253623	1,92993E-06
ENSG00000206129.4	AC006305.1	4,119602737	6,68796E-06
ENSG00000236703.1	MYB-AS1	4,119033515	5,90453E-11
ENSG00000238610.1	RNU7-26P	4,118416091	2,36384E-07
ENSG00000233860.2	SHROOM3-AS1	4,116071557	3,8205E-05
ENSG00000237642.1	HMGB3P5	4,113683641	0,000228187
ENSG00000270474.2	IGHV3-29	4,110326258	8,84846E-10
ENSG00000280366.1	AL161782.1	4,109635054	2,32426E-05
ENSG00000250102.6	LINC02377	4,107831824	4,05341E-05
ENSG00000137962.13	ARHGAP29	4,107487376	8,50714E-08
ENSG00000253945.1	AC024995.1	4,10644249	2,53278E-06
ENSG00000278677.2	H2AC17	4,104537652	5,45919E-10
ENSG00000235054.4	LINC01777	4,103654222	0,000213057
ENSG00000286954.1	AL033539.2	4,101820154	0,000126427
ENSG00000181518.4	OR8D4	4,10097882	7,97217E-05
ENSG00000253295.2	AC022217.2	4,097739678	1,86647E-09
ENSG00000287150.1	AL139340.1	4,095754952	3,29495E-09
ENSG00000124785.9	NRN1	4,09458597	2,45858E-09
ENSG00000244384.3	RN7SL359P	4,094567358	6,2458E-06
ENSG00000156011.17	PSD3	4,093744113	1,06383E-09
ENSG00000275713.2	H2BC9	4,092266516	1,61255E-09
ENSG00000261121.2	LINC02473	4,089523577	0,000124293
ENSG00000158485.11	CD1B	4,08848212	1,99511E-06

ENSG00000156298.13	TSPAN7	4,088371486	3,74017E-06
ENSG00000105369.10	CD79A	4,08608947	1,01824E-10
ENSG00000100312.11	ACR	4,083626004	1,4057E-08
ENSG00000236166.1	AL021408.1	4,080913147	1,98554E-07
ENSG00000286944.1	AL137018.1	4,075341961	0,000212731
ENSG00000225724.1	ASH2LP3	4,074358942	1,04988E-10
ENSG00000253983.3	AC087627.1	4,072560857	1,26474E-09
ENSG00000261934.2	PCDHGA9	4,067644891	1,62562E-09
ENSG00000254417.1	LINC02584	4,064815645	1,66693E-06
ENSG00000267028.1	TCF4-AS1	4,064161751	3,33354E-08
ENSG00000223949.8	ROR1-AS1	4,059607887	3,36093E-08
ENSG00000211978.2	IGHV5-78	4,058962268	7,42057E-17
ENSG00000230111.1	H3P11	4,058794733	0,000173877
ENSG00000263934.5	SNORD3A	4,058032866	1,93496E-09
ENSG00000259776.1	AC093426.1	4,058003206	0,000170649
ENSG00000287184.1	AC007269.1	4,057523389	2,08314E-07
ENSG00000227115.8	LINC01630	4,055643004	2,17715E-06
ENSG00000286195.1	AC007666.2	4,05435161	1,012E-06
ENSG00000278463.2	H2AC4	4,052759249	1,32604E-09
ENSG00000101197.13	BIRC7	4,052455247	0,000132636
ENSG00000237423.3	LINC01522	4,052393111	2,90773E-07
ENSG00000242855.3	RN7SL496P	4,047801936	0,000185281
ENSG00000235020.5	AL390783.1	4,044683447	0,000325991
ENSG00000254707.1	AC104237.1	4,043832029	2,12662E-06
ENSG00000253537.3	PCDHGA7	4,043184557	8,10381E-09
ENSG00000239317.1	RPL35AP17	4,037265799	9,21378E-08
ENSG00000271201.1	AC247036.1	4,036715585	1,58913E-06
ENSG00000169933.16	FRMPD4	4,035809417	4,24495E-07
ENSG00000226963.1	AC078883.2	4,031417832	1,64034E-10
ENSG00000243081.2	AC092894.1	4,02712513	7,47122E-07
ENSG00000219384.1	AL138880.1	4,025219061	1,91879E-08
ENSG00000183454.18	GRIN2A	4,024626686	1,1369E-09
ENSG00000260455.2	NBAT1	4,023537165	1,30062E-07
ENSG00000095585.17	BLNK	4,022115223	4,20603E-09
ENSG00000139915.21	MDGA2	4,019448571	0,001866212
ENSG00000173546.7	CSPG4	4,018874882	1,06095E-05
ENSG00000201758.1	RN7SKP55	4,017589536	2,99073E-08
ENSG00000176769.9	TCERG1L	4,014459077	6,68844E-11
ENSG00000254861.2	AC100768.1	4,014105762	0,00059037
ENSG00000233321.2	LINC02669	4,011844921	2,17074E-10
ENSG00000012124.17	CD22	4,010327038	9,53477E-12
ENSG00000213854.3	CNN2P6	4,009780903	1,64363E-07
ENSG00000249599.2	BMPR1B-DT	4,009181631	9,01902E-05
ENSG00000248890.2	HHIP-AS1	4,008886234	7,96231E-07
ENSG00000274618.2	H4C6	4,008422304	5,47001E-07

ENSG00000286919.1	AC133681.1	4,00750889	3,54793E-06
ENSG00000228204.2	AC004830.2	4,006807022	2,25507E-06
ENSG00000274719.1	AC012653.2	4,001789714	0,001245566
ENSG00000227738.1	PSMD14P1	4,001638563	1,23619E-05
ENSG00000260255.1	AC093524.1	3,996005521	0,00622282
ENSG00000264229.1	RNU4ATAC	3,993874	1,7388E-12
ENSG00000246985.8	SOCS2-AS1	3,993631476	4,51376E-08
ENSG00000224141.6	MIR548XHG	3,993547484	0,0001095
ENSG00000253545.1	IGHV3-52	3,993008486	7,84262E-07
ENSG00000279602.1	AC109326.1	3,992009252	1,21104E-09
ENSG00000237955.1	AC245884.4	3,987290391	1,66586E-08
ENSG00000109158.11	GABRA4	3,983667048	0,014259453
ENSG00000275379.2	H3C11	3,983293111	1,36297E-09
ENSG00000266402.3	SNHG25	3,977568337	9,35151E-07
ENSG00000255428.1	AP002008.3	3,977153457	3,4556E-10
ENSG00000224468.3	LAMC1-AS1	3,974285609	8,92903E-07
ENSG00000007171.18	NOS2	3,972491995	2,17631E-11
ENSG00000226254.1	PTP4A1P3	3,970629929	2,42574E-09
ENSG00000206841.1	RNU6-409P	3,96594764	9,62212E-06
ENSG00000286066.1	AC097375.4	3,961860368	9,21629E-06
ENSG00000263763.1	MIR3686	3,961387278	8,19949E-05
ENSG00000263489.1	AC127029.2	3,960858914	5,91806E-09
ENSG00000131016.17	AKAP12	3,960798506	4,60179E-08
ENSG00000210077.1	MT-TV	3,960467058	0,020362514
ENSG00000241666.2	AL031733.2	3,960382219	6,78467E-14
ENSG00000260896.6	ARLNC1	3,958406967	8,08262E-07
ENSG00000169213.7	RAB3B	3,958326626	2,19422E-09
ENSG00000287190.1	AC239799.2	3,957787245	9,55515E-09
ENSG00000233729.1	NCKAP5-AS1	3,9551975	6,23344E-05
ENSG00000203396.3	AL512646.1	3,953149441	0,045121239
ENSG00000168671.10	UGT3A2	3,95265148	0,000205396
ENSG00000235121.1	AL645504.1	3,950573654	4,96623E-09
ENSG00000248994.2	AC124852.1	3,950562349	2,29205E-11
ENSG00000176956.13	LY6H	3,948599136	1,65862E-07
ENSG00000242419.5	PCDHGC4	3,947944976	2,93092E-09
ENSG00000133454.16	MYO18B	3,945185677	0,000503415
ENSG00000125848.10	FLRT3	3,943029361	0,000210849
ENSG00000285686.1	LINC02834	3,94214442	1,16873E-06
ENSG00000151322.19	NPAS3	3,941800212	0,000150236
ENSG00000163132.8	MSX1	3,939269386	3,07453E-05
ENSG00000241622.1	RARRES2P1	3,937666643	8,03956E-06
ENSG00000204421.3	LY6G6C	3,936785614	1,42727E-09
ENSG00000277769.1	RBM22P4	3,936215376	2,4181E-07
ENSG00000271232.1	CARS1P1	3,935675426	4,27935E-05
ENSG00000288097.1	AP002448.1	3,935151119	9,25039E-07



ENSG00000283906.1	IGHV4-80	3,934449961	2,29375E-10
ENSG00000126266.3	FFAR1	3,93444661	1,00583E-09
ENSG00000124575.7	H1-3	3,93298764	5,24663E-07
ENSG00000244642.3	RN7SL396P	3,930309177	2,21138E-08
ENSG00000272674.3	PCDHB16	3,928670489	7,90538E-05
ENSG0000022355.18	GABRA1	3,92723742	0,007411932
ENSG00000253910.2	PCDHGB2	3,923371515	6,05183E-07
ENSG00000106078.19	COBL	3,920586509	3,35795E-06
ENSG00000201428.1	RN7SKP71	3,917394541	5,20866E-08
ENSG00000108684.15	ASIC2	3,916671725	4,5563E-07
ENSG00000283064.1	AL353759.1	3,912895968	1,01378E-10
ENSG00000150722.10	PPP1R1C	3,912447647	7,85773E-07
ENSG00000165905.18	LARGE2	3,910989027	7,40249E-12
ENSG00000230314.7	ELOVL2-AS1	3,910331393	2,98684E-06
ENSG00000138083.5	SIX3	3,909521563	0,008126071
ENSG00000201498.1	Y_RNA	3,906579338	2,92582E-12
ENSG00000099954.18	CECR2	3,905458924	6,88512E-09
ENSG00000286771.1	AC097658.3	3,902982167	1,17482E-12
ENSG00000130037.5	KCNA5	3,902045884	4,61434E-08
ENSG00000283502.1	U6	3,900475163	7,04922E-07
ENSG00000231359.3	AC072052.1	3,898762362	3,37113E-12
ENSG00000260763.1	AC106799.3	3,898638756	0,001256311
ENSG00000187323.12	DCC	3,898410825	1,23787E-05
ENSG00000100968.14	NFATC4	3,893190329	1,69711E-05
ENSG00000201315.1	RN7SKP227	3,891202029	6,83483E-06
ENSG00000210082.2	MT-RNR2	3,887172076	3,18168E-06
ENSG00000206432.4	TMEM200C	3,885923377	2,13253E-05
ENSG00000104237.11	RP1	3,885628439	4,75793E-08
ENSG00000226320.6	LINC01811	3,882890084	7,80763E-10
ENSG00000105929.16	ATP6V0A4	3,879468272	1,80925E-08
ENSG00000211459.2	MT-RNR1	3,878881771	2,87015E-05
ENSG00000176320.2	AL138899.1	3,877981986	2,84031E-05
ENSG00000223056.1	RN7SKP169	3,875592948	6,74635E-05
ENSG00000248100.2	AC087257.1	3,873741216	1,29583E-07
ENSG00000232591.2	LINC02642	3,871224358	8,28336E-07
ENSG00000077943.8	ITGA8	3,870903228	3,11065E-07
ENSG00000170558.10	CDH2	3,869519132	0,000383566
ENSG00000227745.1	AC098826.2	3,867446836	0,000154672
ENSG00000231933.7	MYO18B-AS1	3,866126688	2,29794E-05
ENSG00000263958.2	AC091138.1	3,865962086	0,00021848
ENSG00000235564.2	AP000477.2	3,864566695	8,78228E-05
ENSG00000237720.2	AC011995.2	3,860250604	2,53998E-06
ENSG00000266187.2	RN7SL480P	3,860198128	0,000130834
ENSG00000274641.2	H2BC17	3,859245375	2,77599E-08
ENSG00000221676.1	RNU6ATAC	3,85804177	3,3766E-11

ENSG00000152931.9	PART1	3,856056048	3,42222E-10
ENSG00000170370.12	EMX2	3,855838144	0,005374786
ENSG00000253056.1	RNU7-128P	3,854394087	6,86466E-06
ENSG00000115380.20	EFEMP1	3,854268653	8,43505E-05
ENSG00000244112.3	RN7SL508P	3,854043606	0,001132716
ENSG00000244641.2	RPS26P43	3,854039494	1,08069E-06
ENSG00000199377.1	RNU5F-1	3,851921716	1,58986E-09
ENSG00000236078.2	LINC01447	3,851256508	4,87493E-08
ENSG00000212933.1	KRTAP12-4	3,850249936	0,000664197
ENSG00000269553.1	U62631.1	3,849215197	1,12849E-10
ENSG00000150275.19	PCDH15	3,848446129	0,015686612
ENSG00000188585.9	CLEC20A	3,846885862	2,35971E-08
ENSG00000273703.2	H2BC14	3,84685919	2,3486E-08
ENSG00000262202.4	AC007952.4	3,846247182	9,08816E-09
ENSG00000134533.6	RERG	3,844522133	7,1619E-06
ENSG00000105642.15	KCNN1	3,843924053	3,3312E-08
ENSG00000207005.1	RNU1-2	3,836830791	5,99529E-09
ENSG00000198010.13	DLGAP2	3,826570411	9,82665E-05
ENSG00000141433.13	ADCYAP1	3,825379735	0,000700525
ENSG00000005108.16	THSD7A	3,825152221	0,000736306
ENSG00000272789.1	AC010976.2	3,820415632	2,74676E-10
ENSG00000224982.4	TMEM233	3,816487072	1,27886E-05
ENSG00000284957.1	AF131216.5	3,815062995	4,13455E-07
ENSG00000282988.2	AL031777.2	3,813067578	5,88405E-09
ENSG00000234296.1	AL390961.1	3,812473279	2,22814E-08
ENSG00000080644.16	CHRNA3	3,812129991	5,59546E-11
ENSG00000253953.3	PCDHGB4	3,810962353	7,07484E-07
ENSG00000262209.3	PCDHGB3	3,810174641	5,00542E-08
ENSG00000286442.1	AL512603.1	3,807681751	4,64678E-06
ENSG00000239482.6	AC112487.1	3,806486079	1,7073E-06
ENSG00000175874.10	CREG2	3,805338924	1,39021E-07
ENSG00000200889.1	RNU4-13P	3,803099549	0,000389677
ENSG00000245864.3	MEF2C-AS2	3,800491387	4,50692E-09
ENSG00000259555.1	AC067863.1	3,800349778	8,58604E-06
ENSG00000211933.2	IGHV6-1	3,800056174	7,83534E-05
ENSG00000276097.1	AC006538.3	3,79674084	5,0844E-11
ENSG00000265623.1	MIR3139	3,794870429	1,47677E-10
ENSG00000196866.3	H2AC7	3,794377566	1,49654E-07
ENSG00000228429.1	AC004910.1	3,794097805	9,37333E-05
ENSG00000240563.2	L1TD1	3,793058665	3,68034E-07
ENSG00000162494.6	LRRC38	3,791895049	5,58145E-06
ENSG00000253424.1	AC025437.2	3,791886836	4,36419E-09
ENSG00000217862.2	H4C10P	3,791556102	1,10248E-07
ENSG00000131620.17	ANO1	3,789827918	1,65088E-08
ENSG00000092421.17	SEMA6A	3,788347713	1,26964E-13

ENSG00000270022.3	Z93241.1	3,788144465	7,68252E-09
ENSG00000256056.1	AC087257.2	3,7874012	6,03826E-08
ENSG00000270526.1	SNRPGP19	3,785046377	0,000210324
ENSG00000251171.1	AC096741.1	3,783788612	8,85771E-09
ENSG00000225929.1	AC000036.1	3,783474128	4,14319E-07
ENSG00000249618.6	LINC02465	3,778106667	0,007230044
ENSG00000176716.5	OR10AB1P	3,773807303	1,57658E-07
ENSG00000242516.2	LINC00960	3,77305565	3,22446E-07
ENSG00000114204.15	SERPINI2	3,772094465	2,70801E-06
ENSG00000167117.10	ANKRD40CL	3,771090601	1,51827E-11
ENSG00000223795.2	AL669970.1	3,770687977	6,96934E-08
ENSG00000090402.8	SI	3,768251229	0,000672954
ENSG00000287951.1	AC026402.2	3,767360825	4,24888E-07
ENSG00000171246.6	NPTX1	3,767218987	6,05661E-05
ENSG00000228769.1	ABCF2P2	3,766388101	0,000507883
ENSG00000241472.7	PTPRG-AS1	3,762856285	4,77545E-05
ENSG00000250377.2	AC008525.1	3,761162548	2,92122E-05
ENSG00000252316.1	RNY4	3,760630378	8,44065E-08
ENSG00000166897.16	ELFN2	3,753490303	2,98484E-09
ENSG00000270606.1	PPIAP52	3,752243092	5,07583E-06
ENSG00000258080.1	ARHGAP42P4	3,751686586	0,000756181
ENSG00000153956.16	CACNA2D1	3,749414403	0,006287591
ENSG00000228262.10	LINC01320	3,740741077	1,1036E-06
ENSG00000255345.1	AP002957.1	3,737768223	2,3252E-05
ENSG00000158488.16	CD1E	3,736465754	0,000297405
ENSG00000228401.5	AL590226.1	3,735204553	8,09537E-05
ENSG00000264750.1	AC032019.1	3,732245477	2,52923E-07
ENSG00000257660.5	ADCY6-DT	3,732086111	5,45775E-06
ENSG00000155052.14	CNTNAP5	3,732041906	0,012425026
ENSG00000252367.1	Y_RNA	3,731598739	6,1388E-12
ENSG00000170476.16	MZB1	3,731088909	2,8106E-08
ENSG00000287227.1	AC021698.1	3,727843182	0,00130056
ENSG00000261168.1	AL592424.1	3,727545725	9,29066E-10
ENSG00000231265.1	TRERNA1	3,724546417	4,14815E-07
ENSG00000225210.10	DUXAP9	3,722659336	0,006111705
ENSG00000153993.13	SEMA3D	3,720588121	0,001638495
ENSG00000162814.11	SPATA17	3,720390369	1,45268E-06
ENSG00000214290.8	COLCA2	3,71931197	7,47397E-08
ENSG00000155511.18	GRIA1	3,719168323	0,000287026
ENSG00000253731.3	PCDHGA6	3,717892828	1,37426E-08
ENSG00000235597.2	LINC01102	3,714518513	0,000493847
ENSG00000265112.1	MIR3153	3,714190353	9,31191E-09
ENSG00000164100.9	NDST3	3,71416005	0,000226274
ENSG00000249241.1	LINC02265	3,713894696	6,57051E-08
ENSG00000229957.1	AL031687.1	3,709295147	0,000133044

ENSG00000231826.6	LINC01819	3,708221887	1,55706E-05
ENSG00000133958.13	UNC79	3,70266548	3,84899E-06
ENSG00000287653.1	AL355597.1	3,702660207	0,001422695
ENSG00000287640.1	AC007381.1	3,701593782	3,81406E-07
ENSG00000283428.1	CCDC195	3,69963229	8,65764E-06
ENSG00000252835.1	SCARNA21	3,698807717	1,81912E-07
ENSG00000149201.10	CCDC81	3,697905104	7,12953E-13
ENSG00000112186.12	CAP2	3,695097143	0,000426161
ENSG00000243951.1	RN7SL308P	3,694983296	1,1344E-05
ENSG00000106018.14	VIPR2	3,693468472	1,30204E-08
ENSG00000280953.2	LINC01163	3,693316337	3,84222E-09
ENSG00000260220.7	CCDC187	3,689473661	2,2969E-06
ENSG00000285534.1	AL163541.1	3,68907112	2,26455E-05
ENSG00000112319.19	EYA4	3,688871401	0,000530803
ENSG00000065054.14	SLC9A3R2	3,688550756	3,6359E-06
ENSG00000233639.7	PANTR1	3,687707377	0,00042988
ENSG00000288162.1	AL596442.4	3,685594644	0,000158246
ENSG00000081853.15	PCDHGA2	3,685431831	3,43605E-06
ENSG00000240764.4	PCDHGC5	3,684669361	1,81828E-08
ENSG00000176654.12	NANOGP1	3,683672732	0,000105495
ENSG00000253159.3	PCDHGA12	3,681622674	1,54034E-06
ENSG00000117707.16	PROX1	3,681611342	0,000263246
ENSG00000276903.2	H2AC16	3,681310953	2,05698E-07
ENSG00000196482.18	ESRRG	3,67823827	0,000678785
ENSG00000257654.1	AC125603.1	3,678170701	0,000226157
ENSG00000225449.3	RAB6C-AS1	3,677738345	2,42801E-06
ENSG00000240457.3	RN7SL472P	3,677622975	6,17087E-06
ENSG00000248701.1	AC008539.1	3,675032108	0,001382225
ENSG00000287092.1	AL589693.1	3,674520814	2,16495E-06
ENSG00000239079.1	AP002762.1	3,673434595	2,31137E-09
ENSG00000145362.20	ANK2	3,673053062	6,31593E-07
ENSG00000185483.12	ROR1	3,672940949	3,92466E-05
ENSG00000250320.6	EDIL3-DT	3,670464308	0,000669373
ENSG00000286742.1	AC000065.1	3,670211818	5,99885E-10
ENSG00000189292.16	ALKAL2	3,670094842	3,61501E-10
ENSG00000284600.1	AC093390.2	3,669089008	3,35424E-05
ENSG00000234949.2	AC104667.2	3,668815541	1,71624E-07
ENSG00000196167.10	COLCA1	3,667926655	7,65467E-10
ENSG00000236075.1	AL359475.1	3,666820032	1,85425E-05
ENSG00000148935.11	GAS2	3,666461933	7,06162E-09
ENSG00000277062.1	RN7SL88P	3,665027824	0,000689819
ENSG00000279298.1	Z99916.3	3,663388449	0,000440679
ENSG00000198691.13	ABCA4	3,66175915	5,13858E-10
ENSG00000099864.18	PALM	3,660598047	2,37491E-05
ENSG00000196277.16	GRM7	3,659766762	1,63992E-05

ENSG00000135773.13	CAPN9	3,659044681	1,63069E-06
ENSG00000242641.6	LINC00971	3,657467599	0,000196574
ENSG00000138162.19	TACC2	3,655007208	0,000115076
ENSG00000234147.1	AL035446.1	3,65335231	0,000640016
ENSG00000157399.16	ARSL	3,651964835	8,2279E-06
ENSG00000286926.1	AP002505.3	3,649048812	4,96227E-09
ENSG00000276956.1	RN7SL769P	3,648559864	0,000131436
ENSG00000248449.2	PCDHGB8P	3,64800722	4,29993E-07
ENSG00000259384.7	GH1	3,646691934	3,43642E-06
ENSG00000239224.3	RN7SL546P	3,646385576	7,81486E-06
ENSG00000267749.1	AC092068.3	3,645798631	5,59002E-10
ENSG00000141431.12	ASXL3	3,644451313	0,000153249
ENSG00000183273.7	CCDC60	3,644378742	4,4613E-05
ENSG00000214745.2	GOT2P6	3,641458663	1,35183E-08
ENSG00000275803.1	RN7SL736P	3,639298618	0,000185999
ENSG00000286951.1	AL356113.1	3,63639481	0,002046844
ENSG00000201229.1	SNORA63D	3,63510948	6,73548E-06
ENSG00000257910.1	AC124784.1	3,627786367	8,505E-06
ENSG00000139910.20	NOVA1	3,62634447	0,000671842
ENSG00000217275.2	AL031777.1	3,626111983	1,20971E-06
ENSG00000266100.1	AC007431.2	3,624241221	1,43418E-07
ENSG00000204956.5	PCDHGA1	3,621393732	9,18293E-08
ENSG00000178965.14	ERICH3	3,620510412	5,21211E-06
ENSG00000166206.15	GABRB3	3,619620126	1,66685E-05
ENSG00000267694.1	AP005131.5	3,619359437	5,47581E-10
ENSG00000251138.7	LINC02882	3,616751597	0,002128268
ENSG00000251665.1	AC005920.3	3,615449936	6,12376E-06
ENSG00000170381.14	SEMA3E	3,61330789	0,000594923
ENSG00000254245.3	PCDHGA3	3,611665225	0,000178695
ENSG00000254416.6	LINC02732	3,611093931	3,29994E-07
ENSG00000239702.3	RN7SL507P	3,611088212	0,000548318
ENSG00000230461.9	PROX1-AS1	3,60893083	3,19027E-05
ENSG00000287882.1	AC134508.2	3,608788672	4,10208E-05
ENSG00000286201.1	AC011751.1	3,607638816	1,41843E-05
ENSG00000229914.1	AL138899.2	3,607430722	4,12116E-05
ENSG00000232464.1	Z98949.2	3,597088735	5,58106E-05
ENSG00000228198.3	OR2M3	3,596230678	5,90244E-05
ENSG00000241532.1	AGGF1P3	3,593164565	2,5727E-05
ENSG00000143434.16	SEMA6C	3,587788382	8,64885E-08
ENSG00000231533.2	AL391840.1	3,585214481	1,71787E-05
ENSG00000275830.2	AL390755.1	3,584069237	0,000206535
ENSG00000241684.6	ADAMTS9-AS2	3,583862774	0,000477593
ENSG00000176399.4	DMRTA1	3,583765683	0,001305629
ENSG00000185130.5	H2BC13	3,583189655	3,62112E-07
ENSG00000234640.1	AL390763.1	3,582527288	6,45637E-05



ENSG00000225968.7	ELFN1	3,581955785	8,74699E-07
ENSG00000183145.9	RIPPLY3	3,577663522	1,30345E-06
ENSG00000287470.1	AP001037.1	3,577286032	0,000100262
ENSG00000206585.1	RNVU1-7	3,576744461	7,7384E-06
ENSG00000232624.8	LINC01517	3,571558181	2,80364E-05
ENSG00000135547.9	HEY2	3,568968354	2,72137E-05
ENSG00000280122.1	AC016168.3	3,568956484	8,41135E-08
ENSG00000222414.1	RNU2-59P	3,568690416	1,02288E-07
ENSG00000267214.1	AC092068.1	3,568416274	6,51473E-09
ENSG00000267412.1	AC092068.2	3,566242761	5,30542E-10
ENSG00000235621.9	LINC00494	3,564441195	3,21664E-07
ENSG00000170703.15	TTLL6	3,562845839	0,00016001
ENSG00000244260.2	AC082651.4	3,561739651	3,64012E-05
ENSG00000154380.17	ENAH	3,559864193	4,0781E-05
ENSG00000223815.2	DIAPH3-AS2	3,556354303	1,32018E-05
ENSG00000254535.4	PABPC4L	3,554284304	0,001943205
ENSG00000286679.1	AC073225.1	3,554149669	3,34744E-05
ENSG00000223581.2	LINC02665	3,554090398	0,000115321
ENSG00000124610.5	H1-1	3,552439776	8,50579E-07
ENSG00000275090.1	RN7SL296P	3,551466628	6,26378E-05
ENSG00000271860.7	AL589740.1	3,55061012	3,30172E-06
ENSG00000170011.14	MYRIP	3,550458702	1,12401E-06
ENSG00000272259.5	LINC01749	3,548613199	5,86252E-07
ENSG00000038295.8	TLL1	3,547152159	0,000435339
ENSG00000178568.15	ERBB4	3,543937913	0,00572539
ENSG00000285703.1	AL021918.3	3,543796622	5,53943E-05
ENSG00000254499.1	AC002056.2	3,542585486	1,35843E-05
ENSG00000253359.1	IGHV3-37	3,541703664	1,69839E-06
ENSG00000145626.12	UGT3A1	3,538289923	0,000332065
ENSG00000128655.18	PDE11A	3,536253043	3,37127E-05
ENSG00000265612.1	MIR4539	3,534046195	2,38346E-06
ENSG00000249055.1	TBCAP3	3,532406499	1,60705E-11
ENSG00000231976.8	FAM238B	3,531095512	5,14354E-07
ENSG00000165078.13	CPA6	3,52853651	0,000287734
ENSG00000206937.1	SNORA70B	3,526057825	4,26789E-13
ENSG00000162105.19	SHANK2	3,524714281	3,6748E-05
ENSG00000177238.14	TRIM72	3,523045732	6,17085E-07
ENSG00000133115.12	STOML3	3,522746682	0,001899324
ENSG00000158023.10	CFAP251	3,522257248	1,62266E-11
ENSG00000157554.19	ERG	3,521848013	4,844E-08
ENSG00000168298.7	H1-4	3,520475874	7,32527E-07
ENSG00000232557.3	AL590609.2	3,519123911	2,59559E-08
ENSG00000169327.5	OR5AU1	3,518974059	1,85105E-07
ENSG00000166342.19	NETO1	3,51848061	0,000618751
ENSG00000286984.1	AC090578.3	3,518185119	0,002573709

ENSG00000102290.22	PCDH11X	3,516553102	0,0002587
ENSG00000130988.13	RGN	3,515174052	3,6034E-09
ENSG00000226806.1	LCT-AS1	3,514058132	0,000372217
ENSG00000136573.14	BLK	3,512956741	2,23656E-07
ENSG00000245688.1	AC008659.1	3,512815605	0,00021438
ENSG00000161270.20	NPHS1	3,511940715	1,10355E-06
ENSG00000125726.11	CD70	3,510400462	0,000358589
ENSG00000104369.5	JPH1	3,508132721	0,001737951
ENSG00000183853.18	KIRREL1	3,507360636	0,000450634
ENSG00000169306.10	IL1RAPL1	3,505312335	0,00721732
ENSG00000283409.1	MIR3662	3,504438336	5,03512E-11
ENSG00000105694.3	ELOCP28	3,50419985	1,76597E-09
ENSG00000211672.2	IGLV4-3	3,502163475	3,48062E-05
ENSG00000248735.2	R3HDM2P1	3,501750377	0,002983934
ENSG00000234170.6	LINC02645	3,501735271	0,023263808
ENSG00000136883.14	KIF12	3,497170773	2,60948E-07
ENSG00000169427.8	KCNK9	3,495903488	4,69181E-07
ENSG00000104888.10	SLC17A7	3,495180614	1,74087E-07
ENSG00000264017.2	RN7SL336P	3,492590769	2,18157E-12
ENSG00000279572.1	AC021683.4	3,49179102	9,15585E-05
ENSG00000259477.1	AC012653.1	3,491778807	0,000566522
ENSG00000253217.1	AP001574.1	3,491173441	0,003932901
ENSG00000202318.1	Y_RNA	3,488948026	1,19984E-05
ENSG00000120322.4	PCDHB8	3,488744518	0,002496193
ENSG00000203852.3	H3C15	3,487999932	4,23773E-08
ENSG00000224346.1	BICD1P1	3,487756922	4,11804E-08
ENSG00000285636.2	AL450163.1	3,487529358	0,000127947
ENSG00000268940.5	CT45A1	3,486783131	0,047480164
ENSG00000196468.8	FGF16	3,484059262	5,95301E-06
ENSG00000253846.2	PCDHGA10	3,481459627	1,43154E-06
ENSG00000112837.17	TBX18	3,474456591	0,009412296
ENSG00000185070.11	FLRT2	3,473533183	0,000494367
ENSG00000199879.1	RNVU1-22	3,472913895	0,000114623
ENSG00000253214.2	AC079209.1	3,472362196	2,03418E-07
ENSG00000259932.1	AC051619.6	3,472006491	1,67903E-07
ENSG00000124657.1	OR2B6	3,471692637	7,26858E-07
ENSG00000108551.5	RASD1	3,470588902	1,91896E-05
ENSG00000074047.22	GLI2	3,470116047	0,011816553
ENSG00000239649.3	MYADML	3,468234754	6,70319E-05
ENSG00000232490.6	OSBPL10-AS1	3,468095419	9,60744E-07
ENSG00000257464.1	AC125611.1	3,464395269	5,95704E-07
ENSG00000169994.18	MYO7B	3,463402245	3,11507E-05
ENSG00000236521.1	NPAP1P4	3,463288829	4,34879E-05
ENSG00000227406.1	RNF6P1	3,460556942	0,000476521
ENSG00000234352.9	AC009264.1	3,460379908	0,000735778

ENSG00000283676.1	MIR5087	3,459299478	6,1876E-07
ENSG00000163909.8	HEYL	3,457942109	6,32678E-06
ENSG00000224153.3	LINC02054	3,457309523	1,59033E-05
ENSG00000060566.14	CREB3L3	3,457228616	4,1539E-05
ENSG00000216331.2	H1-12P	3,456860175	1,52437E-05
ENSG00000177354.12	C10orf71	3,455677937	6,12895E-06
ENSG00000250472.1	TRIM36-IT1	3,452949559	0,000302371
ENSG00000114757.19	PEX5L	3,452302547	2,40181E-09
ENSG00000147724.12	FAM135B	3,44754964	0,004957797
ENSG00000114279.13	FGF12	3,44753075	0,005573159
ENSG00000154654.15	NCAM2	3,446847711	0,002954381
ENSG00000149599.15	DUSP15	3,446011203	2,64827E-06
ENSG00000137561.5	TTPA	3,443695849	0,001058338
ENSG00000134569.10	LRP4	3,441827676	0,000274779
ENSG00000086967.10	MYBPC2	3,44154573	3,49614E-07
ENSG00000270722.1	RNVU1-31	3,441319571	8,08066E-05
ENSG00000287393.1	AL591468.1	3,438848126	6,79694E-05
ENSG00000232891.1	AL450344.3	3,43784481	6,40899E-07
ENSG00000232044.7	SILC1	3,435816871	2,12114E-05
ENSG00000204442.4	FAM155A	3,434538455	0,000594096
ENSG00000137731.14	FXD2	3,433999565	6,32834E-07
ENSG00000277904.1	MIR7850	3,432995523	1,25197E-05
ENSG00000254122.3	PCDHGB7	3,429135257	1,83583E-05
ENSG00000253190.4	AC084082.1	3,428726841	3,38186E-07
ENSG00000156738.18	MS4A1	3,42850749	2,91476E-06
ENSG00000225405.3	RPS15AP17	3,427520447	0,000156616
ENSG00000228481.1	PRKCE-AS1	3,425863637	2,86582E-08
ENSG00000215045.8	GRID2IP	3,425328889	6,89898E-10
ENSG00000253305.2	PCDHGB6	3,424372329	2,14528E-06
ENSG00000269228.1	RPS27AP19	3,422013042	1,86699E-05
ENSG00000227674.3	LINC00355	3,421680546	0,01023212
ENSG00000136099.13	PCDH8	3,419580982	1,59015E-05
ENSG00000235862.2	AL590648.2	3,418618651	2,65653E-05
ENSG00000094796.5	KRT31	3,417810567	0,001437812
ENSG00000167748.11	KLK1	3,416931833	0,000514821
ENSG00000279273.1	AC120024.4	3,416782135	9,30218E-06
ENSG00000286495.1	AC092079.2	3,416519798	0,001725573
ENSG00000233099.1	AC095030.1	3,415090875	0,00012288
ENSG00000165105.10	RASEF	3,414919168	6,07771E-05
ENSG00000167751.13	KLK2	3,414804526	4,34318E-05
ENSG00000155816.20	FMN2	3,413670443	0,000418645
ENSG00000229235.1	RPL37P18	3,413364447	5,49536E-05
ENSG00000143469.20	SYT14	3,412219523	4,57784E-05
ENSG00000256557.1	AC009509.3	3,411613396	0,000108247
ENSG00000165084.16	C8orf34	3,40895033	0,000910951

ENSG00000165164.14	CFAP47	3,408243361	0,001606343
ENSG00000257894.2	AC027288.3	3,408025043	1,30406E-05
ENSG00000286179.1	AL139351.2	3,407499548	0,028167989
ENSG00000243872.3	RN7SL464P	3,407018794	0,001752482
ENSG00000237001.7	WASF3-AS1	3,405781946	0,001827992
ENSG00000150893.11	FREM2	3,403722033	0,006734824
ENSG00000285840.2	AL353648.1	3,403539267	1,8733E-10
ENSG00000264707.1	L3MBTL4-AS1	3,400706513	0,000307701
ENSG00000201343.1	Y_RNA	3,400563996	1,71928E-08
ENSG00000204603.7	LINC01257	3,400277438	0,004121767
ENSG00000162998.5	FRZB	3,399492847	0,00265559
ENSG00000110777.12	POU2AF1	3,396369211	3,95556E-07
ENSG00000227158.1	AC073621.1	3,394477807	0,000142459
ENSG00000010278.15	CD9	3,392733182	1,44916E-05
ENSG00000240652.1	AP001024.1	3,392407749	0,000194611
ENSG00000262772.2	LINC01977	3,392169455	8,05733E-09
ENSG00000213386.3	AC022217.1	3,391665364	2,29079E-06
ENSG00000230381.2	AL136376.1	3,39137133	5,15383E-05
ENSG00000267402.1	TCF4-AS2	3,389836321	2,13781E-05
ENSG00000230536.1	AL360268.1	3,389174399	2,9513E-12
ENSG00000176834.14	VSIG10	3,389046227	8,89811E-10
ENSG00000060709.15	RIMBP2	3,388376635	0,001766331
ENSG00000225479.1	PLCB1-IT1	3,388132911	0,000196344
ENSG00000259463.1	AC020661.2	3,38743297	7,70431E-12
ENSG00000138792.10	ENPEP	3,38681122	0,000770649
ENSG00000164796.18	CSMD3	3,386176535	0,001778149
ENSG00000207175.1	RNU1-67P	3,385192579	9,21895E-06
ENSG00000284237.1	LINC02767	3,382789795	0,000141979
ENSG00000007372.24	PAX6	3,380253353	9,67678E-08
ENSG00000210678.1	RNU6ATAC2P	3,378204786	0,000749504
ENSG00000273492.6	AP000229.1	3,378011329	0,001029666
ENSG00000279085.1	AL022323.2	3,377723951	1,08411E-05
ENSG00000254048.1	AC105150.1	3,377284399	1,93707E-05
ENSG00000154277.13	UCHL1	3,377092304	0,000426211
ENSG00000231638.1	LUARIS	3,371365315	1,17248E-05
ENSG00000244306.11	DUXAP10	3,371325931	0,006626674
ENSG00000253792.1	AC025437.5	3,370446739	0,000163397
ENSG00000218690.2	H2AC10P	3,363965553	1,27385E-06
ENSG00000223584.1	TVP23CP1	3,36316086	4,22453E-05
ENSG00000204652.6	RPS26P8	3,362344463	9,38279E-05
ENSG00000212443.1	SNORA53	3,362287563	6,8607E-06
ENSG00000264024.2	MIR4507	3,361011724	0,000117141
ENSG00000107187.17	LHX3	3,360396683	4,36969E-07
ENSG00000167483.19	NIBAN3	3,360339079	4,17799E-06
ENSG00000265078.2	RN7SL664P	3,359982297	0,000110706

ENSG00000196787.3	H2AC11	3,35896003	2,76907E-07
ENSG00000141837.21	CACNA1A	3,35740975	7,47803E-08
ENSG00000111405.9	ENDOU	3,355988451	3,41921E-11
ENSG00000264358.1	MIR3122	3,353226945	2,74472E-06
ENSG00000196549.12	MME	3,352398936	0,00063911
ENSG00000254141.1	AC103853.2	3,350421287	0,010884231
ENSG00000255420.2	CASC23	3,350275529	4,32817E-05
ENSG00000196581.11	AJAP1	3,350083954	0,000839458
ENSG00000178773.15	CPNE7	3,34923711	0,000285748
ENSG00000109738.11	GLRB	3,348103557	0,013865808
ENSG00000261363.2	AC106745.1	3,345940059	0,000584127
ENSG00000137473.18	TTC29	3,344545753	0,018540098
ENSG00000165996.14	HACD1	3,344073117	1,55848E-07
ENSG00000237849.1	NFYAP1	3,343577694	0,02607194
ENSG00000212402.1	SNORA74B	3,342016771	2,07521E-05
ENSG00000227234.2	SPANXB1	3,340312354	0,000439461
ENSG00000260192.3	LINC02240	3,339879632	0,002914053
ENSG00000255267.4	LINC02687	3,339745594	0,001011701
ENSG00000152104.12	PTPN14	3,338508004	0,000398422
ENSG00000228877.2	AL669970.3	3,336593942	2,27583E-05
ENSG00000233926.1	AL591368.1	3,336099088	2,10432E-06
ENSG00000287407.1	AL596442.3	3,331755226	0,003985421
ENSG00000269662.1	BNIP3P39	3,329632856	9,2406E-07
ENSG00000187475.6	H1-6	3,328321296	1,13079E-05
ENSG00000197891.12	SLC22A12	3,326124747	0,000283083
ENSG00000207782.3	MIR150	3,325643819	2,61435E-07
ENSG00000174233.11	ADCY6	3,324676229	2,52474E-06
ENSG00000240828.1	RPL21P4	3,322546637	3,81426E-06
ENSG00000077942.19	FBLN1	3,31968887	0,003557618
ENSG00000275410.5	HNF1B	3,318789691	3,81176E-06
ENSG00000270691.1	AL161912.3	3,318053452	4,42886E-05
ENSG00000279142.1	AC009108.4	3,317291849	0,006734256
ENSG00000280693.2	SH3PXD2A-AS1	3,315531094	1,75653E-05
ENSG00000179066.8	AC020907.1	3,315323993	9,26645E-06
ENSG00000153707.17	PTPRD	3,31523751	0,000713724
ENSG00000119660.4	DPPA5P4	3,315129851	8,01462E-06
ENSG00000204193.11	TXNDC8	3,314618672	0,00024402
ENSG00000225689.2	AL008633.1	3,31453616	0,000761106
ENSG00000204671.2	IL31	3,312549607	1,47106E-06
ENSG00000228412.9	LNC-LBCS	3,311176385	3,05628E-05
ENSG00000228835.1	AC012123.1	3,310875283	3,45973E-05
ENSG00000285555.1	AC005293.1	3,310288265	0,000900694
ENSG00000261177.1	AC135012.1	3,309981239	9,21279E-05
ENSG00000279289.1	AL136164.3	3,308710055	0,000662619
ENSG00000235211.4	TMSB10P2	3,308233225	1,66611E-05



ENSG00000253873.6	PCDHGA11	3,307112059	2,33341E-05
ENSG00000264985.4	AC124804.1	3,306860483	1,01214E-05
ENSG00000266944.1	AC005262.1	3,306037786	5,59607E-05
ENSG00000275878.1	RN7SL43P	3,305003612	8,67555E-06
ENSG00000141738.14	GRB7	3,304606734	1,00534E-09
ENSG00000287932.1	AC000065.2	3,301595831	3,50209E-07
ENSG00000285909.1	AP002762.2	3,297577932	1,19404E-06
ENSG00000244953.1	AC087521.1	3,296766598	4,83135E-05
ENSG00000217236.2	SP9	3,29333958	0,022496404
ENSG00000254585.5	MAGEL2	3,292495019	0,001192266
ENSG00000229989.4	MIR181A1HG	3,292474164	5,65026E-06
ENSG00000276168.1	RN7SL1	3,290381209	2,25524E-05
ENSG00000280614.1	FP236383.4	3,289823397	0,005895599
ENSG00000228793.2	AL033523.1	3,288886935	7,35788E-06
ENSG00000180730.5	SHISA2	3,288816909	0,000130356
ENSG00000276156.1	AL138880.2	3,288718552	0,000280273
ENSG00000286818.1	AC008496.3	3,288631292	4,29984E-05
ENSG00000154556.18	SORBS2	3,288435196	3,01659E-06
ENSG00000266705.1	MIR4437	3,287223086	2,05947E-05
ENSG00000237693.4	IRGM	3,285838865	2,57408E-06
ENSG00000274614.1	AL390754.1	3,285707363	3,46929E-06
ENSG00000276047.1	RN7SL711P	3,285582082	0,002996756
ENSG00000271826.5	PLS3-AS1	3,285438519	0,000796604
ENSG00000244128.7	LINC01322	3,285065712	0,001863206
ENSG00000227747.2	AC096631.2	3,284244391	2,71078E-06
ENSG00000251322.9	SHANK3	3,282932218	0,000291686
ENSG00000269954.2	AC022239.1	3,28252299	1,48756E-05
ENSG00000179023.8	KLHDC7A	3,282400288	2,28814E-05
ENSG00000164188.9	RANBP3L	3,279281252	1,49814E-05
ENSG00000273424.1	AL008582.1	3,277712824	8,55625E-10
ENSG00000286341.1	AP002762.3	3,27748643	2,74338E-06
ENSG00000256663.1	AC112777.1	3,275951651	1,44147E-06
ENSG00000126500.3	FLRT1	3,274474297	5,07204E-06
ENSG00000225595.2	LINC01623	3,273807119	2,99418E-06
ENSG00000236404.10	VLDLR-AS1	3,272259263	0,001460143
ENSG00000185053.14	SGCZ	3,271983038	0,010583625
ENSG00000267177.1	AP002505.1	3,271170493	1,14213E-06
ENSG00000231883.1	AL138733.2	3,263225441	0,004658725
ENSG00000275005.1	AL354950.1	3,26272082	9,13737E-05
ENSG00000279149.1	AL356750.1	3,262380139	1,56479E-06
ENSG00000145087.13	STXBP5L	3,259696202	0,003128807
ENSG00000239221.3	RN7SL442P	3,258342074	2,04125E-06
ENSG00000042781.14	USH2A	3,256748614	0,002528979
ENSG00000154258.17	ABCA9	3,254598991	0,000167
ENSG00000214925.3	AC234778.1	3,253767303	0,000855456

ENSG00000263993.2	RN7SL786P	3,252373573	0,00478044
ENSG00000053747.17	LAMA3	3,25201698	0,000379472
ENSG00000183598.4	H3C13	3,251873598	1,11699E-05
ENSG00000279652.1	Z82217.1	3,249645949	0,000116419
ENSG00000132872.12	SYT4	3,247361015	0,001006753
ENSG00000175183.10	CSRP2	3,246947711	8,48415E-06
ENSG00000156920.11	ADGRG4	3,246663302	0,000202078
ENSG00000166407.14	LMO1	3,246079212	0,003497769
ENSG00000106537.8	TSPAN13	3,243462013	1,0821E-06
ENSG00000134369.15	NAV1	3,243174842	1,46846E-05
ENSG00000173285.4	OR10K1	3,242690599	0,000480152
ENSG00000221083.1	AL096855.1	3,242498751	7,80497E-06
ENSG00000205755.12	CRLF2	3,240887923	0,000704145
ENSG00000196739.15	COL27A1	3,240396707	0,000314534
ENSG00000149742.10	SLC22A9	3,238135396	0,000652299
ENSG00000207389.1	RNU1-4	3,237675767	2,30484E-05
ENSG00000248441.7	LINC01197	3,236925477	0,001039994
ENSG00000237224.4	AL157832.2	3,236283005	5,84191E-07
ENSG00000164050.13	PLXNB1	3,235913902	1,62923E-05
ENSG00000079337.16	RAPGEF3	3,233777833	5,052E-08
ENSG00000207008.1	SNORA54	3,23348989	8,09279E-09
ENSG00000253674.1	IGHVII-78-1	3,230746772	1,69353E-05
ENSG00000106927.12	AMBP	3,229315142	3,50734E-06
ENSG00000250423.2	KIAA1210	3,228603643	0,011127097
ENSG00000102349.18	KLF8	3,22810111	6,57966E-07
ENSG00000185274.12	GALNT17	3,227860264	0,031955416
ENSG00000079841.18	RIMS1	3,226384452	0,003265205
ENSG00000237742.7	AL365259.1	3,225613226	0,000773089
ENSG00000234253.1	RPL7P13	3,225498178	0,000183365
ENSG00000274383.1	AC103691.1	3,22419751	0,002116575
ENSG00000168131.4	OR2B2	3,223945268	0,00030475
ENSG00000274204.1	AL138689.1	3,221257555	0,000316104
ENSG00000112290.13	WASF1	3,220431901	0,000105907
ENSG00000109458.8	GAB1	3,219520575	7,23206E-11
ENSG00000171815.6	PCDHB1	3,218231981	0,000144675
ENSG00000274591.1	AC025031.3	3,218135904	1,64298E-06
ENSG00000258233.1	ARHGAP42P5	3,21732708	0,00637836
ENSG00000224099.2	AC104823.1	3,217217344	0,004085615
ENSG00000245694.10	CRNDE	3,216863672	8,01857E-05
ENSG00000286063.1	AL121888.1	3,215873377	1,36521E-06
ENSG00000286460.1	AC006538.4	3,214689808	2,41458E-05
ENSG00000120669.16	SOHLH2	3,213689695	0,000852842
ENSG00000277075.2	H2AC8	3,213532527	5,63379E-05
ENSG00000184486.10	POU3F2	3,213245554	3,8295E-05
ENSG00000274356.1	AL355987.5	3,212754728	1,91895E-06

ENSG00000254101.7	LINC02055	3,210183315	0,000257116
ENSG00000286411.1	AC002458.1	3,209867108	3,44291E-05
ENSG00000177839.7	PCDHB9	3,208595971	0,000821021
ENSG00000282511.1	CLUHP10	3,207758245	0,00091825
ENSG00000259525.1	GCSHP2	3,207214719	0,008220249
ENSG00000254289.2	IGHV3-32	3,203759864	9,7148E-05
ENSG00000181264.9	TLCD5	3,203175922	0,001864928
ENSG00000137766.17	UNC13C	3,197991477	0,001489665
ENSG00000279197.1	AC010608.2	3,196321813	0,000959625
ENSG00000120693.14	SMAD9	3,196062816	2,38848E-05
ENSG00000232124.3	AP001057.1	3,194121111	2,63737E-07
ENSG00000152785.8	BMP3	3,192574581	0,006207034
ENSG00000109705.8	NKX3-2	3,192035563	0,029553754
ENSG00000073712.15	FERMT2	3,191294604	8,97283E-05
ENSG00000235829.1	TBCAP2	3,191058121	0,004519142
ENSG00000206262.9	FOXL2NB	3,190722688	0,007217219
ENSG00000106624.11	AEBP1	3,189723054	1,48668E-05
ENSG00000257346.1	AC011603.1	3,188578998	2,20286E-05
ENSG00000262133.1	AC087392.2	3,187250348	0,001557877
ENSG00000118513.19	MYB	3,186796019	8,79863E-09
ENSG00000213089.4	PDCL3P5	3,18622526	9,86893E-06
ENSG00000091128.13	LAMB4	3,184681004	0,000686009
ENSG00000267393.1	AP002439.1	3,183729122	4,04423E-06
ENSG00000144644.14	GADL1	3,183469439	1,56202E-05
ENSG00000259396.1	AC087721.1	3,180953166	1,67477E-06
ENSG00000228789.8	HCG22	3,179572994	6,5972E-05
ENSG00000261889.1	AC108134.2	3,179056162	5,97619E-08
ENSG00000120324.9	PCDHB10	3,179040185	0,001790457
ENSG00000249870.1	AC005920.2	3,178388555	3,41578E-07
ENSG00000280028.1	AC007431.3	3,176500703	2,40724E-05
ENSG00000143036.17	SLC44A3	3,176075599	0,000605753
ENSG00000139304.16	PTPRQ	3,172294238	0,000561877
ENSG00000122367.20	LDB3	3,172208491	1,08191E-05
ENSG00000256331.1	NIFKP3	3,17198952	0,001343217
ENSG00000238121.6	LINC00426	3,171084614	5,67921E-07
ENSG00000225742.6	LINC02036	3,168796662	2,91964E-05
ENSG00000226599.1	AL450344.2	3,166668359	4,85461E-05
ENSG00000074181.9	NOTCH3	3,166384837	0,001447511
ENSG00000089250.19	NOS1	3,165863282	0,001344302
ENSG00000106541.12	AGR2	3,165747154	0,005847677
ENSG00000180712.4	LINC02363	3,165009028	5,57222E-06
ENSG00000227051.7	C14orf132	3,163811413	2,11268E-05
ENSG00000286972.1	AL035665.2	3,159400294	0,006664995
ENSG00000219274.1	RPS20P2	3,159400227	1,96699E-05
ENSG00000258915.1	BHLHB9P1	3,158620377	0,001496795

ENSG00000081138.14	CDH7	3,158160555	0,000867932
ENSG00000284797.1	AC008397.1	3,158098057	0,000257828
ENSG00000148498.16	PARD3	3,154358717	0,000259952
ENSG00000197905.10	TEAD4	3,151242742	0,003850788
ENSG00000204092.2	LINC00951	3,149874919	4,63005E-05
ENSG00000244355.7	LY6G6D	3,148854591	0,000221877
ENSG00000200816.1	SNORA38	3,147144297	1,48064E-07
ENSG00000283160.1	MIR4521	3,147049545	1,09397E-05
ENSG00000269136.1	BRI3BPP1	3,145515914	1,36707E-05
ENSG00000275805.1	AC090206.1	3,144980326	0,005512165
ENSG00000222588.1	AL355598.1	3,144732219	9,03559E-09
ENSG00000257883.1	AC125603.2	3,144584205	0,003934395
ENSG00000253633.2	AP002852.1	3,144225643	2,07661E-05
ENSG00000128849.11	CGNL1	3,143023235	0,004346284
ENSG00000226454.3	AL033380.1	3,142434111	5,35461E-05
ENSG00000279020.1	C18orf15	3,141282191	3,07712E-05
ENSG00000234215.3	CT66	3,138766465	2,16321E-05
ENSG00000205439.10	KRTAP12-3	3,137946231	0,00152351
ENSG00000227906.8	SNAP25-AS1	3,13782525	0,002395924
ENSG00000101115.13	SALL4	3,13657474	0,001373594
ENSG00000277233.1	Metazoa_SRP	3,1355582	4,29829E-05
ENSG00000124635.9	H2BC11	3,135250082	3,84937E-06
ENSG00000124749.17	COL21A1	3,135138151	0,00398097
ENSG00000238420.1	RNU6-437P	3,134466739	8,67559E-07
ENSG00000206828.1	RNVU1-30	3,133989687	1,05725E-06
ENSG00000188338.15	SLC38A3	3,132385242	4,42755E-05
ENSG00000197479.7	PCDHB11	3,132189329	0,002223419
ENSG00000277118.1	Metazoa_SRP	3,131812348	0,000132109
ENSG00000217646.1	H2BC16P	3,131627159	4,84879E-05
ENSG00000274210.1	RNVU1-27	3,131199429	1,41286E-05
ENSG00000266146.1	MIR5190	3,127283653	5,43443E-07
ENSG00000138892.11	TTLL8	3,126833775	0,000168319
ENSG00000109501.14	WFS1	3,124972653	0,000183014
ENSG00000230709.1	AC104024.1	3,123559229	1,43618E-05
ENSG00000124216.4	SNAI1	3,123301192	0,000160866
ENSG00000287550.1	AL450345.2	3,12280303	0,003572591
ENSG00000274978.1	RNU11	3,122749244	0,000378996
ENSG00000233541.4	RPL31P47	3,122054072	0,001199043
ENSG00000165899.11	OTOGL	3,120200619	0,001615603
ENSG00000275489.2	C17orf98	3,117744077	7,02498E-05
ENSG00000171724.3	VAT1L	3,114647081	0,022021083
ENSG00000206763.1	RNU6-10P	3,112430693	1,02944E-05
ENSG00000214140.11	PRCD	3,110662816	7,96784E-06
ENSG00000236975.2	LINC02814	3,107275524	0,000327367
ENSG00000090932.11	DLL3	3,107108408	0,00590414

ENSG00000253877.6	LINC01608	3,106911018	0,0010069
ENSG00000198963.11	RORB	3,106670557	0,008916667
ENSG00000150394.14	CDH8	3,105194499	0,008512359
ENSG00000158477.7	CD1A	3,103241091	0,000419498
ENSG00000153064.12	BANK1	3,101458242	1,80905E-06
ENSG00000161681.16	SHANK1	3,098255551	0,001529838
ENSG00000237819.5	CDK6-AS1	3,097667021	0,000315726
ENSG00000228596.1	AC013436.1	3,097251409	0,000250247
ENSG00000172379.21	ARNT2	3,095430702	0,000735967
ENSG00000229839.6	AC018462.1	3,095301051	3,12515E-10
ENSG00000250544.2	LINC02059	3,094619429	0,015193061
ENSG00000236463.1	LINC00427	3,093926593	5,65571E-06
ENSG00000121904.17	CSMD2	3,093305011	0,003094724
ENSG00000286176.2	AC116317.1	3,093171718	1,48905E-05
ENSG00000243005.3	RN7SL16P	3,091387708	7,5164E-06
ENSG00000197705.10	KLHL14	3,090234231	0,000105322
ENSG00000232229.6	LINC00865	3,090100666	0,000493811
ENSG00000227486.2	AL050309.1	3,089258562	4,94003E-08
ENSG00000128438.10	TBC1D27P	3,087752424	4,86188E-05
ENSG00000105650.22	PDE4C	3,085779709	0,000298118
ENSG00000279281.1	AC015883.1	3,082007803	5,46514E-06
ENSG00000260386.6	LDC1P	3,080784813	0,000751547
ENSG00000179546.4	HTR1D	3,079410275	0,001208657
ENSG00000259519.1	AC051619.3	3,076098714	1,52983E-05
ENSG00000183463.6	URAD	3,073876866	0,000506941
ENSG00000153157.13	SYCP2L	3,073478453	0,002319387
ENSG00000243968.2	RN7SL402P	3,073370421	8,87434E-06
ENSG00000231060.1	FARSBP1	3,070138165	0,008894668
ENSG00000104804.8	TULP2	3,069847505	9,51069E-05
ENSG00000224901.1	AL365258.1	3,068690004	4,32449E-05
ENSG00000173406.16	DAB1	3,067846113	0,000521822
ENSG00000196758.3	AC079612.1	3,067444267	0,006466484
ENSG00000230731.3	AL589745.1	3,064899077	0,003619338
ENSG00000133067.17	LGR6	3,064696055	0,001567033
ENSG00000284543.1	LINC01226	3,064143156	0,000781902
ENSG00000178248.11	FAM230I	3,062117458	0,001166325
ENSG00000207119.2	U3	3,061937569	3,37219E-06
ENSG00000143816.8	WNT9A	3,061918284	0,001217229
ENSG00000236939.2	BAALC-AS2	3,060640434	0,00262951
ENSG00000224825.2	RORB-AS1	3,060337323	0,001506386
ENSG00000266602.2	AP005262.1	3,058622748	0,002102462
ENSG00000127325.19	BEST3	3,05846893	0,000731722
ENSG00000126259.20	KIRREL2	3,057486461	0,000167027
ENSG00000100253.13	MIOX	3,057444445	6,38436E-07
ENSG00000232732.11	AC097717.1	3,057337999	3,85681E-09



ENSG00000286933.1	AL022170.1	3,055368278	0,001304808
ENSG00000135318.12	NT5E	3,055271259	0,001024221
ENSG00000278099.1	RNVU1-2A	3,054562331	0,00663775
ENSG00000283265.1	AL356234.3	3,051298782	0,001631066
ENSG00000235387.5	SPAAR	3,050738829	0,000424611
ENSG00000169894.18	MUC3A	3,049804593	2,04598E-05
ENSG00000087495.17	PHACTR3	3,049566192	0,014502728
ENSG00000288637.1	AC013477.1	3,048530571	8,64191E-06
ENSG00000275645.1	AC068338.3	3,046412495	2,12537E-07
ENSG00000207445.1	SNORD15B	3,043641744	2,62599E-07
ENSG00000180532.10	ZSCAN4	3,042755427	0,003012945
ENSG00000145198.14	VWA5B2	3,040021067	2,62998E-06
ENSG00000258857.1	AL359397.1	3,039640276	2,3587E-06
ENSG00000226217.1	RPL19P1	3,038439977	0,001242893
ENSG00000263551.6	AP000829.1	3,036819502	0,002656836
ENSG00000256642.1	LINC00273	3,035642016	0,007833771
ENSG00000187546.14	AGMO	3,034497259	0,018675272
ENSG00000172742.6	OR4D9	3,031198218	0,00018638
ENSG00000213291.3	AC010099.1	3,027945857	0,001786685
ENSG00000172421.10	EFCAB3	3,027093205	0,001018783
ENSG00000126583.11	PRKCG	3,0250096	6,52409E-06
ENSG00000198797.7	BRINP2	3,024919759	0,030731438
ENSG00000213973.9	ZNF99	3,024721371	0,000646185
ENSG00000185960.14	SHOX	3,02436582	8,14878E-05
ENSG00000125533.6	BHLHE23	3,023716519	0,006744171
ENSG00000246863.2	GPR176-DT	3,022852038	3,04354E-06
ENSG00000225539.7	LINC01821	3,022561216	0,008343288
ENSG00000273035.1	AC007684.2	3,021924987	7,77061E-06
ENSG00000107821.15	KAZALD1	3,021848368	3,35955E-05
ENSG00000225420.1	AC104134.1	3,020595864	8,52247E-08
ENSG00000120278.16	PLEKHG1	3,019059644	0,000174258
ENSG00000257114.3	LINC02450	3,016777742	0,039943565
ENSG00000252010.1	SCARNA5	3,01657978	0,000516146
ENSG00000275016.5	AC015574.1	3,015929537	0,004344034
ENSG00000235096.2	AC118555.1	3,014474288	0,001716245
ENSG00000138075.14	ABCG5	3,013919352	0,000539919
ENSG00000214145.7	LINC00887	3,013127191	0,004215804
ENSG00000258337.1	AC130895.1	3,012863564	5,27023E-06
ENSG00000270487.1	AL355297.1	3,012723794	4,06374E-06
ENSG00000116141.17	MARK1	3,012371638	8,31204E-05
ENSG00000271026.1	KATNBL1P1	3,01078884	0,002821162
ENSG00000244694.7	PTCHD4	3,00950062	0,028214947
ENSG00000226532.1	AL022718.1	3,00840564	0,003959629
ENSG00000239921.6	LINC01471	3,007978901	0,000288017
ENSG00000259215.1	AC027237.2	3,007574394	2,77022E-06

ENSG00000229106.1	BTBD6P1	3,007035901	4,86707E-05
ENSG00000287015.1	AL161797.1	3,006133665	0,000627966
ENSG00000243766.8	HOTTIP	3,005569706	0,020875793
ENSG00000179141.9	MTUS2-AS1	3,001957852	0,000208285
ENSG00000276210.2	LINC00226	2,999688666	0,005200778
ENSG00000275747.1	IGHV3-79	2,999587226	0,000208904
ENSG00000231310.3	TBL1XR1-AS1	2,998381077	2,7454E-05
ENSG00000225067.4	RPL23AP2	2,997748655	0,000524233
ENSG00000224077.1	AP000936.1	2,996667969	0,000398263
ENSG00000241168.1	AC128685.1	2,995936449	0,009814718
ENSG00000224481.3	AC245100.1	2,994539359	6,42139E-06
ENSG00000285278.1	TFAP2A-AS2	2,994356976	0,001231496
ENSG00000270361.1	AL451085.1	2,994350981	6,04475E-06
ENSG00000214357.9	NEURL1B	2,993687547	0,000320228
ENSG00000142748.13	FCN3	2,993073567	0,000152116
ENSG00000137101.13	CD72	2,992828128	1,42461E-05
ENSG00000200394.1	SNORA38B	2,989801317	6,59792E-07
ENSG00000206938.1	RNU4-31P	2,989109214	0,000233368
ENSG00000237605.2	DYRK3-AS1	2,988617372	2,03663E-05
ENSG00000237513.2	AC007384.1	2,987637737	3,99001E-07
ENSG00000242341.3	RN7SL646P	2,986867393	0,007271335
ENSG00000286923.1	AC004522.5	2,986398257	2,61697E-06
ENSG00000258837.1	AL133370.1	2,982297457	0,000330983
ENSG00000106536.21	POU6F2	2,97989629	0,017839935
ENSG00000231029.2	AL031733.1	2,979033668	0,000282662
ENSG00000282375.1	AC100797.4	2,976121718	0,002978258
ENSG00000183166.11	CALN1	2,975244027	0,00738728
ENSG00000164007.11	CLDN19	2,973994362	0,001126787
ENSG00000237401.8	LINC01304	2,972046987	0,001435327
ENSG00000286232.1	AL365229.1	2,970858564	0,005586088
ENSG00000286215.1	AL356534.1	2,970310316	0,000237371
ENSG00000255381.1	AP001258.1	2,970290932	7,76069E-06
ENSG00000117318.9	ID3	2,969605583	9,617E-05
ENSG00000138356.14	AOX1	2,968149294	0,001509079
ENSG00000179603.18	GRM8	2,968031797	0,00190648
ENSG00000198788.9	MUC2	2,967011915	0,000192993
ENSG00000162738.6	VANGL2	2,96689622	0,00227169
ENSG00000279319.1	AC105074.1	2,966545446	0,001124682
ENSG00000232002.2	LINC01880	2,964324829	0,00193792
ENSG00000228697.4	AL023755.1	2,963252218	0,000238942
ENSG00000253883.1	IGHV3-19	2,961783269	0,003524002
ENSG00000221643.1	SNORA77	2,961511197	4,75921E-06
ENSG00000200882.1	RNU6-681P	2,96088218	7,08169E-05
ENSG00000242512.9	LINC01206	2,960692238	0,000328357
ENSG00000252712.1	SCARNA14	2,960125747	0,000826869

ENSG00000163046.15	ANKRD30BL	2,959178623	0,004895539
ENSG00000172497.9	ACOT12	2,956015907	7,22493E-05
ENSG00000263413.2	MIR4538	2,955629416	0,001138759
ENSG00000106366.9	SERPINE1	2,955014365	0,001690877
ENSG00000248843.1	AL645949.2	2,954589213	0,000524539
ENSG00000278746.1	RN7SL660P	2,954533885	0,016979201
ENSG00000260368.1	AC027373.1	2,954085791	1,66607E-07
ENSG00000156103.16	MMP16	2,953509795	0,015612571
ENSG00000101871.16	MID1	2,951982995	0,001840403
ENSG00000124343.14	XG	2,951976716	4,32521E-05
ENSG00000186105.8	LRRC70	2,951349609	6,7498E-06
ENSG00000108231.14	LGI1	2,949654088	0,001828335
ENSG00000196628.20	TCF4	2,948355809	8,75915E-05
ENSG00000280117.1	AC122688.4	2,948155093	0,000739029
ENSG00000225000.1	AC010082.1	2,946815413	0,005272892
ENSG00000229010.1	AL161672.1	2,946703119	0,000149859
ENSG00000261633.1	AC018552.3	2,946253329	0,001159886
ENSG00000227150.1	AL669970.2	2,945633783	0,005369368
ENSG00000232192.1	KIF26B-AS1	2,94553372	0,018676154
ENSG00000237125.11	HAND2-AS1	2,945218357	0,000162483
ENSG00000253516.1	HMGB1P41	2,943641188	0,000884016
ENSG00000167535.8	CACNB3	2,942589007	1,71375E-06
ENSG00000189171.14	S100A13	2,94237185	1,82495E-06
ENSG00000236833.1	AC024560.1	2,941386456	8,84195E-06
ENSG00000187079.20	TEAD1	2,941181106	0,005069444
ENSG00000150510.17	FAM124A	2,940586607	0,003494402
ENSG00000284703.1	AL805961.1	2,93760191	0,000415463
ENSG00000112541.17	PDE10A	2,93527817	0,010955466
ENSG00000278473.1	IGHV3-41	2,934863517	0,001648514
ENSG00000286230.1	AC010327.7	2,934847908	1,92114E-05
ENSG00000229950.1	TFAP2A-AS1	2,934560004	0,001483244
ENSG00000165246.14	NLGN4Y	2,933378161	0,001456152
ENSG00000088386.17	SLC15A1	2,933080813	0,000808174
ENSG00000201573.1	Y_RNA	2,93263238	4,96581E-05
ENSG00000113739.10	STC2	2,932024699	0,003459739
ENSG00000283383.1	AC108477.1	2,930994727	0,015729775
ENSG00000253057.1	RN7SKP57	2,929874649	0,000401691
ENSG00000228980.4	LINC01205	2,929317048	0,002098678
ENSG00000226673.2	LINC01108	2,928784543	0,01373231
ENSG00000169507.9	SLC38A11	2,928627678	0,004471021
ENSG00000273216.1	AC002059.1	2,927556529	2,61307E-05
ENSG00000225442.2	MPRIP-AS1	2,92677002	1,66382E-05
ENSG00000211952.3	IGHV4-28	2,923402646	0,001883334
ENSG00000234854.1	LINC00676	2,923248556	0,007132975
ENSG00000161609.10	KASH5	2,922589412	0,000766505

ENSG00000233672.9	RNASEH2B-AS1	2,922469932	3,3819E-05
ENSG00000277587.1	AC008759.3	2,921314881	0,011617589
ENSG00000144230.16	GPR17	2,920849898	9,09707E-05
ENSG00000198237.8	GUSBP13	2,919550366	3,16513E-05
ENSG00000215878.3	MARCKSL1P2	2,919336911	0,000709949
ENSG00000264978.2	RN7SL630P	2,918224053	0,002078458
ENSG00000248122.1	APOOP4	2,917407145	0,001237063
ENSG00000254242.2	AC100849.2	2,916441335	0,004994372
ENSG00000184270.6	H2AC21	2,915755321	0,001309456
ENSG00000115461.5	IGFBP5	2,914783748	0,010887504
ENSG00000164929.17	BAALC	2,914598587	0,008529952
ENSG00000270178.1	AC007687.1	2,914289888	0,000716195
ENSG00000197241.3	SLC2A7	2,914157283	0,002780119
ENSG00000221968.9	FADS3	2,914046776	5,26129E-06
ENSG00000100593.18	ISM2	2,913265215	0,000141482
ENSG00000249267.7	LINC00939	2,911597396	0,003901081
ENSG00000228966.2	HOMER2P1	2,909970829	0,003814069
ENSG00000240720.9	LRRD1	2,907771339	7,36773E-05
ENSG00000171435.14	KSR2	2,907460021	6,61025E-05
ENSG00000272173.1	U47924.2	2,90692589	0,000234001
ENSG00000152670.19	DDX4	2,906394675	0,002574256
ENSG00000188992.11	LIPI	2,904753225	0,000827729
ENSG00000175093.5	SPSB4	2,904322223	0,007435926
ENSG00000215160.3	OR7E122P	2,903269766	0,000977141
ENSG00000210049.1	MT-TF	2,900904138	0,007887181
ENSG00000270182.1	AC004080.4	2,899839578	0,042672929
ENSG00000262488.1	AC133065.2	2,898995836	7,68932E-05
ENSG00000151967.18	SCHIP1	2,89862099	0,005057342
ENSG00000166862.7	CACNG2	2,898323953	0,000304031
ENSG00000277224.2	H2BC7	2,896775031	0,000870337
ENSG00000234593.3	KAZN-AS1	2,89265512	0,002776097
ENSG00000201793.1	RN7SKP9	2,891615946	0,000123293
ENSG00000214671.4	RPL6P12	2,891573025	0,000433595
ENSG00000274290.3	H2BC6	2,890479645	0,000123862
ENSG00000230631.1	AL353152.1	2,889771462	0,005823353
ENSG00000196933.5	RPS26P11	2,888769027	0,004956168
ENSG00000259685.3	IDH2-DT	2,888328775	0,000446069
ENSG00000204183.3	GDF5-AS1	2,886759718	0,001335049
ENSG00000207142.1	Y_RNA	2,886096484	0,001897337
ENSG00000225672.1	CCNT2P1	2,885826973	0,001181668
ENSG00000286633.1	AL160400.1	2,885331818	0,000129062
ENSG00000207091.1	Y_RNA	2,882174777	0,00045272
ENSG00000158373.8	H2BC5	2,882144277	4,05551E-05
ENSG00000257979.1	SNRPGP18	2,881200927	2,24085E-05
ENSG00000285719.2	AL356275.1	2,880513375	0,007829938

ENSG00000284391.1	AL139398.1	2,8793832	0,001208503
ENSG00000280335.1	AC016866.3	2,878957083	0,001124639
ENSG00000285095.2	AC025887.2	2,876629323	0,000765682
ENSG00000287085.1	AC012066.1	2,875934054	0,005921543
ENSG00000207357.1	RNU6-2	2,874683985	0,000377945
ENSG00000236197.4	PPP1R9A-AS1	2,873074857	0,015938718
ENSG00000256422.6	LINC02552	2,871420594	0,004415674
ENSG00000172179.12	PRL	2,87080767	0,029718858
ENSG00000005421.9	PON1	2,870481313	0,008946875
ENSG00000174226.9	SNX31	2,870279014	0,002015285
ENSG00000198576.4	ARC	2,86731587	0,012396382
ENSG00000163873.10	GRIK3	2,865353634	0,005345708
ENSG00000225637.1	AP001046.1	2,863101856	0,001099722
ENSG00000242889.3	RN7SL449P	2,86268893	0,000240014
ENSG00000189057.11	FAM111B	2,860961472	0,000218301
ENSG00000266371.1	AC079915.1	2,860471268	2,01933E-05
ENSG00000234995.1	RPS3AP28	2,859025794	0,000200136
ENSG00000203645.2	LINC00501	2,857867658	0,0001147
ENSG00000264322.2	RN7SL448P	2,85745023	0,005296187
ENSG00000228292.1	AL512604.1	2,855922283	1,78383E-05
ENSG00000230526.1	AC073370.1	2,855673356	0,001979456
ENSG00000259617.1	AC020661.3	2,850150726	4,60802E-07
ENSG00000280870.3	MIR325HG	2,850092661	0,011024605
ENSG00000118322.14	ATP10B	2,848472224	0,001757762
ENSG00000078328.22	RBFOX1	2,846972434	0,017617876
ENSG00000179242.16	CDH4	2,846706158	0,009220894
ENSG00000232197.3	AL596442.1	2,845230362	0,017787847
ENSG00000279993.1	AC078925.3	2,845045945	0,002038806
ENSG00000248599.2	FLJ42969	2,83998087	0,002149526
ENSG00000253284.2	AC092828.1	2,836052163	0,000260705
ENSG00000225930.4	LINC02249	2,834088853	0,01571871
ENSG00000234184.6	LINC01781	2,833975914	0,010246634
ENSG00000287649.1	AC093418.1	2,83320147	0,002168033
ENSG00000240553.1	AL031428.1	2,833105091	0,00010493
ENSG00000252213.1	SNORA74D	2,831188401	0,00272951
ENSG00000275091.1	AC022098.4	2,828771611	0,000125505
ENSG00000232190.3	LINC02181	2,82836253	0,004691837
ENSG00000167889.13	MGAT5B	2,828322453	0,005093623
ENSG00000267011.5	AC011498.1	2,828267862	5,8237E-05
ENSG00000211448.13	DIO2	2,826837398	0,007735598
ENSG00000250374.4	TRIM75P	2,826592338	0,003981994
ENSG00000287937.1	AC079753.2	2,82647236	0,000274948
ENSG00000201882.1	AL732366.2	2,825938005	1,23038E-06
ENSG00000235034.7	C19orf81	2,825010271	0,005718171
ENSG00000166450.13	PRTG	2,824468802	0,01970741



ENSG00000180172.7	RPS12P23	2,824076241	0,004811682
ENSG00000287979.1	AC253572.1	2,823887525	0,003945462
ENSG00000173157.17	ADAMTS20	2,823297716	0,015241795
ENSG00000206819.1	RNU6-260P	2,822167087	0,000589515
ENSG00000272733.1	AP000345.2	2,821433149	1,39448E-05
ENSG00000266979.1	LINC01180	2,820978256	0,0025681
ENSG00000223092.1	RNA5SP115	2,820531422	0,000439867
ENSG00000255492.1	H3P33	2,81916051	6,24902E-05
ENSG00000153930.12	ANKFN1	2,81720971	0,016961774
ENSG00000128710.6	HOXD10	2,816744192	0,044014558
ENSG00000275549.1	STPG3-AS1	2,816120791	0,000116895
ENSG00000104967.8	NOVA2	2,815279499	0,000248096
ENSG00000280924.1	LINC00628	2,81446294	0,001895677
ENSG00000174498.14	IGDCC3	2,81373438	2,61557E-05
ENSG00000250961.2	AC025470.2	2,813626417	0,005304014
ENSG00000286508.1	AC000050.2	2,813062889	0,005280466
ENSG00000115850.10	LCT	2,812623021	0,00283491
ENSG00000207344.1	SNORA22C	2,812545399	6,83884E-05
ENSG00000237111.1	IGHJ3P	2,812451502	0,000926352
ENSG00000099953.10	MMP11	2,812406082	0,000177159
ENSG00000114805.18	PLCH1	2,811040211	0,007539968
ENSG00000132465.12	JCHAIN	2,81061696	0,00433038
ENSG00000196208.14	GREB1	2,810413261	0,011625479
ENSG00000142149.9	HUNK	2,809876999	0,004993648
ENSG00000244021.4	AC093591.1	2,809567858	0,001651109
ENSG00000285820.1	AL157829.1	2,809095566	0,003380997
ENSG00000237976.1	RFX5-AS1	2,808602273	6,3052E-05
ENSG00000244356.3	RN7SL398P	2,808534603	0,018190381
ENSG00000102755.12	FLT1	2,808210818	0,000851678
ENSG00000232810.4	TNF	2,808129883	0,00342017
ENSG00000251655.6	PRB1	2,807568986	0,00267048
ENSG00000150938.10	CRIM1	2,80674232	6,86984E-05
ENSG00000259195.1	AC021739.1	2,805643841	0,000379434
ENSG00000250174.5	MYLK-AS2	2,804814928	0,002252729
ENSG00000271615.1	ACTG1P22	2,803236135	0,001595714
ENSG00000187472.4	AL589826.1	2,803219214	0,002249083
ENSG00000259905.7	PWRN1	2,803191331	0,007732505
ENSG00000235888.3	AF064858.1	2,80208691	0,003314243
ENSG00000131142.13	CCL25	2,799428829	0,002104694
ENSG00000277382.1	AC005837.4	2,798135089	0,001282533
ENSG00000207205.1	RNVU1-15	2,797666039	0,008670055
ENSG00000128510.12	CPA4	2,795515447	0,001108502
ENSG00000200997.1	RNVU1-34	2,794904418	0,03022547
ENSG00000207293.1	Y_RNA	2,794096027	0,003133918
ENSG00000176678.6	FOXL1	2,793639116	0,023839405

ENSG00000224414.1	AC010886.1	2,792389081	0,003636307
ENSG00000277270.2	AL160412.1	2,792328707	0,00788718
ENSG00000227308.2	LINC02832	2,790769843	0,009001851
ENSG00000139971.15	ARMH4	2,790050897	0,007962472
ENSG00000205837.7	LINC00487	2,789773514	0,002226544
ENSG00000162267.12	ITIH3	2,789496657	6,74773E-05
ENSG00000267723.1	AC011509.2	2,789091197	0,0005403
ENSG00000235688.2	SNTG2-AS1	2,787330362	0,000774923
ENSG00000178531.6	CTXN1	2,78694657	0,003250587
ENSG00000257060.7	AC091078.1	2,784927305	0,00084565
ENSG00000250579.2	CTD-2297D10.2	2,783457524	0,007046307
ENSG00000227195.11	MIR663AHG	2,782215261	0,016620224
ENSG00000172967.7	XKR3	2,78182143	0,011804657
ENSG00000244264.3	RN7SL597P	2,781176329	0,005339183
ENSG00000239532.1	AC108022.1	2,780455067	0,003750845
ENSG00000267568.6	AC016168.2	2,779513148	0,002292002
ENSG00000188959.9	C9orf152	2,779405475	0,000695795
ENSG00000201364.1	RN7SKP37	2,778496613	0,003363348
ENSG00000276147.1	MIR548AY	2,776981619	0,000522097
ENSG00000199366.1	Y_RNA	2,773363508	0,000215255
ENSG00000253364.2	COPDA1	2,772512378	0,008029355
ENSG00000284966.3	AL138689.2	2,771819019	0,000745216
ENSG00000138675.16	FGF5	2,771018195	0,004575159
ENSG00000228353.1	AL450322.1	2,768687345	0,00208316
ENSG00000203506.5	RBMS3-AS2	2,768544772	0,003013446
ENSG00000266846.2	AP001021.3	2,767113434	0,008742531
ENSG00000231439.4	WASIR2	2,767076571	0,002137793
ENSG00000285718.2	AL353072.2	2,764955346	0,006134206
ENSG00000171951.5	SCG2	2,764918146	0,030117776
ENSG00000259113.1	AL118556.1	2,761891518	0,000146218
ENSG00000240474.3	RN7SL116P	2,761689012	0,001831437
ENSG00000140398.14	NEIL1	2,761021612	1,3149E-05
ENSG00000236388.1	ITCH-AS1	2,760731341	0,000613085
ENSG00000233064.2	AL136307.1	2,758148659	0,000279337
ENSG00000286662.2	AC087894.3	2,757918811	0,014354367
ENSG00000267521.1	AC016168.1	2,7578643	0,002960763
ENSG00000222610.1	RNU6-402P	2,757322734	0,000457916
ENSG00000285616.1	AC114977.2	2,756142131	0,010784654
ENSG00000285773.1	AL161893.1	2,755314532	0,003241947
ENSG00000258980.1	EIF1AXP2	2,755191489	0,004247812
ENSG00000229276.1	REV3L-IT1	2,752502387	0,001309201
ENSG00000255804.2	OR6J1	2,751297472	0,009614127
ENSG00000243295.2	AC126121.3	2,751281686	0,000775873
ENSG00000223715.3	LINC01208	2,7505586	0,003378999
ENSG00000157315.5	TMED6	2,750150017	7,42845E-07

ENSG00000236188.1	PRKX-AS1	2,749412664	0,000192179
ENSG00000128918.15	ALDH1A2	2,747775563	0,003808391
ENSG00000231207.1	FO393419.1	2,747574953	0,004682801
ENSG00000254252.1	RPL7P20	2,747336444	0,005518589
ENSG00000236501.6	AC074286.1	2,747184947	0,003282185
ENSG00000211898.7	IGHD	2,746554523	0,006093932
ENSG00000081189.16	MEF2C	2,745425891	0,000290286
ENSG00000275714.2	H3C1	2,74502248	0,000613201
ENSG00000176842.15	IRX5	2,74404532	0,027335944
ENSG00000146426.18	TIAM2	2,743272303	8,47953E-07
ENSG00000247081.8	BAALC-AS1	2,740499045	0,011276622
ENSG00000228643.1	AC079779.2	2,739930582	0,000313457
ENSG00000105737.9	GRIK5	2,739253754	0,004317745
ENSG00000216813.1	AL358178.1	2,738453935	9,80426E-05
ENSG00000228590.2	MIR4432HG	2,73828867	0,005975863
ENSG00000241388.5	HNF1A-AS1	2,736162052	0,000216272
ENSG00000258694.1	LINC02319	2,735927985	0,009649015
ENSG00000166736.11	HTR3A	2,735164538	0,002719155
ENSG00000261226.1	AC092384.3	2,734803795	0,000885717
ENSG00000207233.1	SNORA37	2,734680352	8,59366E-05
ENSG00000270842.1	AC073413.2	2,734618737	0,008949445
ENSG00000099617.4	EFNA2	2,734602308	0,00353404
ENSG00000188467.11	SLC24A5	2,734577282	0,008239552
ENSG00000105290.13	APLP1	2,734104667	0,002572627
ENSG00000255193.1	LINC02726	2,73184308	0,022826871
ENSG00000255650.6	FAM222A-AS1	2,728985368	0,000774726
ENSG00000117519.16	CNN3	2,728755082	0,008370765
ENSG00000251898.1	SCARNA11	2,728635955	0,000690207
ENSG00000254395.1	IGHV4-55	2,727689644	0,011041797
ENSG00000247381.3	PLUT	2,726174566	0,031721776
ENSG00000172201.12	ID4	2,726064877	0,025917534
ENSG00000121211.8	MND1	2,725540932	0,000540829
ENSG00000287134.1	AC106845.1	2,724192357	0,03653997
ENSG00000222378.1	RNA5SP44	2,721833519	0,001695765
ENSG00000249647.2	C5orf66-AS2	2,72096483	0,005925169
ENSG00000157060.16	SHCBP1L	2,719645405	0,004281382
ENSG00000228308.2	LINC01209	2,719308359	0,005485262
ENSG00000101004.15	NINL	2,718266969	0,004460318
ENSG00000074211.14	PPP2R2C	2,715734128	0,002722994
ENSG00000270164.1	LINC01480	2,71505717	0,000488825
ENSG00000128602.11	SMO	2,713717157	0,002564079
ENSG00000279951.1	AL138688.2	2,713673811	0,001993159
ENSG00000263527.1	MIR4526	2,713663676	0,000453757
ENSG00000040608.14	RTN4R	2,713591727	0,009683724
ENSG00000271218.1	AL033384.2	2,713302801	0,003266831

ENSG00000143494.15	VASH2	2,712904424	0,002365625
ENSG00000287274.1	AL627232.1	2,711845718	0,014937003
ENSG00000275291.1	RNVU1-26	2,711638212	0,025190102
ENSG00000249089.1	AIG1P1	2,710462335	0,001217465
ENSG00000252233.1	RN7SKP253	2,709177073	0,004533366
ENSG00000149451.18	ADAM33	2,708425084	0,00192342
ENSG00000205544.4	TMEM256	2,707111214	0,000680429
ENSG00000281383.1	FP671120.7	2,706079981	0,039104925
ENSG00000279551.1	AC025263.3	2,705257126	0,0076823
ENSG00000184185.10	KCNJ12	2,705058212	0,013839208
ENSG00000158406.5	H4C8	2,70186764	0,000167578
ENSG00000039139.9	DNAH5	2,701587452	0,006756516
ENSG00000286643.1	AP000248.1	2,700851427	0,019941615
ENSG00000125514.9	LINC00029	2,700831802	0,004631773
ENSG00000147905.18	ZCCHC7	2,699208425	4,16402E-07
ENSG00000128262.8	POM121L9P	2,698946107	0,000438058
ENSG00000224431.1	AC063976.2	2,698900461	0,001256003
ENSG00000239398.3	RN7SL342P	2,697505507	0,023733722
ENSG00000198719.9	DLL1	2,697425062	0,008974708
ENSG00000263499.1	AC007431.1	2,696357391	0,001868957
ENSG00000200237.1	SNORA70	2,69550635	0,000969784
ENSG00000228386.2	AL031668.1	2,695473991	0,000157921
ENSG00000288077.1	AC027129.1	2,694685472	0,002496262
ENSG00000125378.16	BMP4	2,694648208	0,021640069
ENSG00000145934.16	TENM2	2,693584203	0,009809365
ENSG00000286339.1	Z99496.1	2,693333437	0,003417481
ENSG00000184012.13	TMPRSS2	2,692313578	0,001604392
ENSG00000272070.1	AC005618.1	2,691975825	0,000998797
ENSG00000257698.2	GIHCG	2,690315789	0,001736096
ENSG00000236863.2	RPL23AP23	2,690276192	0,000581029
ENSG00000279128.1	AC078925.2	2,689201268	0,008904379
ENSG00000253361.3	AC069120.1	2,688783134	0,005009276
ENSG00000253298.2	LINC01845	2,687906165	0,009423864
ENSG00000196503.5	ARL9	2,687206777	0,000976695
ENSG00000110987.9	BCL7A	2,687056135	0,000469445
ENSG00000148798.11	INA	2,686652323	0,017952156
ENSG00000274422.1	AC245060.5	2,685186185	0,002106512
ENSG00000240280.7	TCAM1P	2,68494592	0,026970872
ENSG00000267325.2	LINC01415	2,683648665	0,018851787
ENSG00000253440.1	IGHV3-33-2	2,683575399	0,011811523
ENSG00000231749.3	ABCA9-AS1	2,683320925	0,010805302
ENSG00000258104.1	HIGD1AP9	2,68325035	0,008378178
ENSG00000227879.2	PSPC1P1	2,681992699	0,00782272
ENSG00000228824.7	MIR4500HG	2,681821551	0,04498349
ENSG00000287175.1	AL513303.1	2,681184195	0,004694404

ENSG00000253301.6	LINC01606	2,679260599	0,024981456
ENSG00000146001.5	PCDHB18P	2,678288972	0,004762579
ENSG00000243770.3	RN7SL65P	2,677953554	0,001731683
ENSG00000252590.1	RNU7-143P	2,677840488	0,006821351
ENSG00000198947.16	DMD	2,676747469	0,008081764
ENSG00000260260.1	SNHG19	2,676339541	0,001729857
ENSG00000231494.1	RPL21P35	2,675705984	0,003276517
ENSG00000261572.1	AC097639.1	2,675514061	0,001719852
ENSG00000224800.1	RPS27AP6	2,675277979	0,004316518
ENSG00000265814.2	RN7SL376P	2,674872842	0,001550747
ENSG00000287466.1	AL355531.1	2,674068779	0,002589215
ENSG00000203930.12	LINC00632	2,672650268	0,00158257
ENSG00000272468.1	AL021807.1	2,672586114	0,003868446
ENSG00000106648.14	GALNTL5	2,671524955	0,014173058
ENSG00000229608.1	GOLGA2P4	2,67112468	0,002315143
ENSG00000172146.3	OR1A1	2,670978338	0,007526561
ENSG00000254649.1	AP003086.2	2,670774964	0,001105612
ENSG00000207292.1	Y_RNA	2,670547354	0,000937457
ENSG00000176533.13	GNG7	2,66854174	0,000258769
ENSG00000256372.1	AC023050.3	2,666634178	0,009181003
ENSG00000209042.1	SNORD12C	2,66644096	0,000239713
ENSG00000132938.21	MTUS2	2,665547434	0,008668016
ENSG00000102221.14	JADE3	2,665245413	1,61143E-06
ENSG00000244604.1	AC025518.1	2,664997134	0,005028385
ENSG00000241745.3	RN7SL788P	2,664370239	0,007745461
ENSG00000273542.2	H4C12	2,6628151	0,000827791
ENSG00000130368.7	MAS1	2,660973484	0,010379848
ENSG00000281591.1	DBET	2,660488045	0,020905095
ENSG00000232739.1	AL607028.1	2,660016099	0,024772081
ENSG00000159200.18	RCAN1	2,659766357	0,000946293
ENSG00000257345.2	LINC02413	2,659086335	0,002040646
ENSG00000253234.1	IGLV2-5	2,655958303	0,017801677
ENSG00000262096.2	PCDHB19P	2,655163488	0,008275273
ENSG00000206687.1	RNU1-109P	2,654895922	0,003692319
ENSG00000226238.1	AC132807.1	2,654654833	0,040945306
ENSG00000224794.2	AL022326.1	2,654099975	0,00780842
ENSG00000254295.1	AC008429.3	2,653314466	0,001086748
ENSG00000082929.8	LINC01587	2,65292439	0,008233663
ENSG00000254205.1	AC009686.1	2,651869527	0,003681181
ENSG00000233775.1	AL109945.1	2,651427949	0,00193279
ENSG00000207493.1	SNORA46	2,650993751	0,001273041
ENSG00000276831.1	AC020922.4	2,65016461	0,001763735
ENSG00000267503.1	AP005131.3	2,649928274	0,000430164
ENSG00000188822.8	CNR2	2,64902263	0,001399886
ENSG00000224905.7	AP001347.1	2,648034059	0,001525792



ENSG00000167617.3	CDC42EP5	2,647529665	0,003548445
ENSG00000170500.13	LONRF2	2,645527444	0,018296562
ENSG00000287581.1	AC016549.1	2,64544337	0,004379072
ENSG00000224157.1	HCG14	2,64494177	0,001071767
ENSG00000206633.1	SNORA80B	2,642962959	0,000712112
ENSG00000126016.16	AMOT	2,641855632	0,001909131
ENSG00000285244.1	DINOL	2,641752334	0,00289364
ENSG00000286320.1	AC108053.1	2,640600702	0,000761224
ENSG00000239819.2	IGKV1D-8	2,639459578	0,01701219
ENSG00000205625.2	AL591499.1	2,638447916	0,026357134
ENSG00000211956.2	IGHV4-34	2,6382561	0,009624142
ENSG00000174607.11	UGT8	2,637569309	0,018895004
ENSG00000169783.13	LINGO1	2,636518711	0,01015255
ENSG00000230408.3	BZW1-AS1	2,636195066	0,007751288
ENSG00000105392.16	CRX	2,634739165	0,004250189
ENSG00000268442.1	AC073534.1	2,634204071	0,002863188
ENSG00000135355.4	GJA10	2,633905483	0,003780461
ENSG00000144834.14	TAGLN3	2,63221281	0,003290021
ENSG00000123975.5	CKS2	2,632018867	0,000579886
ENSG00000280227.1	AC079416.4	2,631220239	0,002567716
ENSG00000170801.10	HTRA3	2,630658638	0,031854247
ENSG00000180998.12	GPR137C	2,630549191	0,000630014
ENSG00000280115.1	AC136603.1	2,629948512	0,003877491
ENSG00000242405.2	AC007537.1	2,629409612	0,005871814
ENSG00000197238.5	H4C11	2,628421422	0,001901925
ENSG00000146147.15	MLIP	2,628226837	0,006773958
ENSG00000287509.1	AP001033.3	2,628127493	0,001945309
ENSG00000227517.7	LINC01483	2,628094269	0,001652672
ENSG00000248636.7	AC002070.1	2,627576823	0,005648686
ENSG00000125861.16	GFRA4	2,627314893	0,011685732
ENSG00000266456.1	AP001178.3	2,627126291	0,002018152
ENSG00000178075.20	GRAMD1C	2,62561855	0,002270319
ENSG00000233154.6	LINC01762	2,625504822	0,004422293
ENSG00000280381.1	AC026362.2	2,624886417	0,001000524
ENSG00000266720.2	RN7SL14P	2,624736494	0,03325641
ENSG00000275014.1	RN7SL166P	2,624628528	0,005145653
ENSG00000286619.1	AC119673.2	2,624549554	0,017529266
ENSG00000207633.3	MIR505	2,623333068	0,003647028
ENSG00000205704.7	LINC00634	2,622806062	0,00336465
ENSG00000287879.1	AC114341.2	2,622639333	0,001184884
ENSG00000113721.14	PDGFRB	2,621600575	0,017527768
ENSG00000110427.17	KIAA1549L	2,621170963	0,037268397
ENSG00000285521.1	AC119673.1	2,620215908	0,002407675
ENSG00000243049.3	RN7SL33P	2,619777437	0,023618378
ENSG00000286891.1	AC080132.1	2,61963177	0,0252086

ENSG00000207988.1	MIR576	2,619044203	0,000299695
ENSG00000174572.3	RPL10P2	2,618349258	0,020646992
ENSG00000279735.2	AC124312.4	2,617762148	0,007982666
ENSG00000167964.13	RAB26	2,617646063	0,001682949
ENSG00000240405.7	SAMMSON	2,617164768	0,015205703
ENSG00000201863.1	AC098591.1	2,615327741	0,000675111
ENSG00000287422.1	AL442071.2	2,615167041	0,001122709
ENSG00000165507.9	DEPP1	2,614151378	0,003489929
ENSG00000139973.16	SYT16	2,613584722	0,004696831
ENSG00000249234.1	AC108063.1	2,613358678	0,000110159
ENSG00000272381.2	LINC02664	2,613047308	0,011319722
ENSG00000235816.3	PRELID1P3	2,612200282	0,007248166
ENSG00000270296.1	STX8P1	2,612167361	0,007793425
ENSG00000169169.15	CPT1C	2,611774685	0,00668732
ENSG00000177303.10	CASKIN2	2,610443971	0,004088641
ENSG00000176912.5	TYMSOS	2,609493228	0,001404514
ENSG00000066735.14	KIF26A	2,609395739	0,027662669
ENSG00000125845.7	BMP2	2,608440285	0,030208433
ENSG00000264616.1	MIR4755	2,608319793	0,000340511
ENSG00000220793.5	RPL21P119	2,606950002	0,007979098
ENSG00000203987.3	AL772363.1	2,606922076	0,004080066
ENSG00000279217.1	Z95114.1	2,604768044	0,001250736
ENSG00000225071.1	RPS26P58	2,60293367	0,015894498
ENSG00000229654.1	LINC02526	2,602724917	0,002261935
ENSG00000274328.1	AC007551.2	2,602627422	0,003704402
ENSG00000243103.3	RN7SL452P	2,602616284	0,002093449
ENSG00000183242.12	WT1-AS	2,602347397	0,030037076
ENSG00000270773.1	AC137695.2	2,601389181	0,00600936
ENSG00000256120.2	SOX5-AS1	2,60032554	0,033432719
ENSG00000125266.8	EFNB2	2,600169225	0,010367657
ENSG00000252657.1	SNORA70	2,598416428	0,002914642
ENSG00000182175.14	RGMA	2,597647116	0,015916851
ENSG00000259664.3	LINC02254	2,596328213	0,026856378
ENSG00000074317.11	SNCB	2,595490898	0,005718128
ENSG00000203811.1	H3C14	2,594637665	0,012739032
ENSG00000122012.14	SV2C	2,594338607	0,003474707
ENSG00000225706.2	PTPRD-AS1	2,593711931	0,010821832
ENSG00000274428.1	RNVU1-25	2,593258336	0,04361026
ENSG00000224584.2	UBE2V1P13	2,592654042	0,006905239
ENSG00000148468.17	FAM171A1	2,592583442	0,044641553
ENSG00000168917.9	SLC35G2	2,591668962	0,006347517
ENSG00000285621.1	AL138999.2	2,591337375	0,017321624
ENSG00000122025.15	FLT3	2,591079136	0,00980844
ENSG00000064886.14	CHI3L2	2,590131463	0,003970513
ENSG00000270480.1	AC073413.1	2,589857714	0,011865356

ENSG00000229618.3	AC011287.1	2,589404952	0,012224796
ENSG00000127990.19	SGCE	2,586233841	0,005502301
ENSG00000170927.15	PKHD1	2,58444788	0,014137888
ENSG00000135917.16	SLC19A3	2,584047615	0,006526424
ENSG00000196832.4	OR11G2	2,583459746	0,017136096
ENSG00000249574.1	AC226118.1	2,582006685	0,01335546
ENSG00000237971.1	AL445523.1	2,581166526	0,013656964
ENSG00000113231.14	PDE8B	2,581162111	0,000336646
ENSG00000266959.1	AC005786.1	2,580600147	0,008790871
ENSG00000236107.10	SCN1A-AS1	2,58013397	0,041828677
ENSG00000244593.1	AC025062.1	2,578886822	0,01479179
ENSG00000156564.9	LRFN2	2,577969635	0,009531668
ENSG00000225937.3	PCA3	2,57793806	0,008673173
ENSG00000235021.1	AL591848.1	2,577202648	0,013391405
ENSG00000006704.11	GTF2IRD1	2,577168808	0,008210686
ENSG00000187730.9	GABRD	2,576576357	0,016485069
ENSG00000164621.5	SMAD5-AS1	2,576303692	0,005897306
ENSG00000225612.2	AC099552.2	2,576019116	0,012335177
ENSG00000196932.12	TMEM26	2,575400358	0,013059333
ENSG00000251869.1	SCARNA23	2,574009484	0,00771901
ENSG00000150676.13	CCDC83	2,57374573	0,002887798
ENSG00000277229.1	AC084781.1	2,573315409	0,011525641
ENSG00000258449.1	AC023510.1	2,573184857	0,001575651
ENSG00000134160.14	TRPM1	2,572666709	0,005959919
ENSG00000272075.2	RN7SL828P	2,571797047	0,042022604
ENSG00000287382.1	AC110611.2	2,569513468	0,004004424
ENSG00000224709.2	OR11M1P	2,569224394	0,00623918
ENSG00000241625.3	RN7SL18P	2,569164355	0,032202397
ENSG00000280004.1	AC005086.4	2,567706941	0,003067011
ENSG00000279991.1	AC009044.1	2,567395657	0,015733014
ENSG00000167011.9	NAT16	2,567170401	0,006076808
ENSG00000287756.1	AL031293.1	2,56571724	0,03709749
ENSG00000279024.1	AC112255.1	2,565538777	0,006458768
ENSG00000276842.1	AC023510.2	2,565412216	0,001975904
ENSG00000243426.3	RN7SL454P	2,564447108	0,035767384
ENSG00000230131.6	LINC02641	2,564309807	0,009934298
ENSG00000183850.14	ZNF730	2,560802467	0,003573969
ENSG00000275265.1	AC127002.2	2,559226069	0,000572805
ENSG00000186439.14	TRDN	2,558676453	0,042087202
ENSG00000164418.21	GRIK2	2,557729757	0,025771461
ENSG00000273416.1	AL732292.2	2,557386395	0,001398014
ENSG00000244065.1	MARK2P17	2,557340352	0,006799637
ENSG00000204388.7	HSPA1B	2,555530085	0,016376803
ENSG00000087303.18	NID2	2,555470899	0,004437184
ENSG00000244131.2	RPSAP51	2,554952131	0,003036218

ENSG00000219150.2	AL603914.1	2,554944302	0,011911785
ENSG00000257542.5	OR7E47P	2,554800166	0,006821354
ENSG00000145687.16	SSBP2	2,554736912	0,000523291
ENSG00000271882.1	AP001330.4	2,5547088	0,00170224
ENSG00000286888.1	AC006427.2	2,553325148	0,014078345
ENSG00000075043.19	KCNQ2	2,553002956	0,016032819
ENSG00000227791.3	RPS10P9	2,552996607	0,007259858
ENSG00000166532.16	RIMKLB	2,551009002	0,000432597
ENSG00000231605.6	LINC01363	2,548891147	0,016135535
ENSG00000128833.13	MYO5C	2,547708479	0,011268338
ENSG00000279663.2	AC104623.2	2,547001373	0,008306885
ENSG00000207088.1	SNORA7B	2,546957002	0,000475303
ENSG00000259276.1	AC087286.1	2,546789749	0,005000535
ENSG00000187678.10	SPRY4	2,546069683	0,025233603
ENSG00000276180.1	H4C9	2,545657607	0,001077269
ENSG00000117632.23	STMN1	2,545515276	0,000809728
ENSG00000174473.16	GALNTL6	2,544650941	0,048540876
ENSG00000232778.1	RPL23AP50	2,543408059	0,001529831
ENSG00000211645.2	IGLV1-50	2,543023906	0,0064479
ENSG00000278743.1	AC087239.1	2,542424693	0,002954643
ENSG00000163359.16	COL6A3	2,541552354	0,027375675
ENSG00000171105.14	INSR	2,541103445	0,001338196
ENSG00000235904.3	RBMS3-AS3	2,540556292	0,010697256
ENSG00000188011.5	RTP5	2,540357158	0,02715502
ENSG00000259196.1	HMBX1-IT1	2,540017841	0,00372781
ENSG00000170044.8	ZPLD1	2,538573801	0,031597072
ENSG00000206634.1	SNORA22	2,53796473	0,00203752
ENSG00000185271.9	KLHL33	2,536913172	0,020480516
ENSG00000283442.1	U4	2,536486339	0,003066765
ENSG00000252128.1	SNORD27	2,534572944	0,006986993
ENSG00000110841.14	PPFIBP1	2,53298086	0,002006502
ENSG00000277550.1	AL031651.1	2,530895927	0,018526755
ENSG00000241469.9	LINC00635	2,530442647	0,014072243
ENSG00000228938.3	SNRPD2P1	2,529893549	0,008499224
ENSG00000269246.1	AC011445.1	2,529798459	0,020861057
ENSG00000163689.20	CFAP20DC	2,529729162	0,012623344
ENSG00000255008.3	LINC02739	2,529499765	0,001192694
ENSG00000101438.4	SLC32A1	2,529131649	0,008718683
ENSG00000106211.10	HSPB1	2,528820396	0,015493576
ENSG00000226957.1	AL358075.1	2,528590551	0,0071184
ENSG00000204290.10	BTNL2	2,528316436	0,013534469
ENSG00000267717.1	SRSF10P1	2,528109555	0,002687548
ENSG00000212418.1	RNY4P36	2,528035251	0,00977012
ENSG00000233893.2	EZR-AS1	2,527972387	0,004129465
ENSG00000271098.1	IMMP1LP3	2,526954254	0,006596719

ENSG00000117461.15	PIK3R3	2,526371263	0,004425968
ENSG00000234270.1	RPL36P20	2,525588999	0,007664067
ENSG00000225285.1	LINC01770	2,525425238	0,0327699
ENSG00000275488.1	AC023509.5	2,525376246	0,003175901
ENSG00000279885.1	AP005060.1	2,524591307	0,035562706
ENSG00000211728.2	TRBV5-6	2,524468895	0,0115324
ENSG00000260865.1	AC010287.1	2,524396708	0,008583352
ENSG00000110076.19	NRXN2	2,523831621	0,026155125
ENSG00000280809.4	LINC00836	2,523240092	0,018011581
ENSG00000254911.3	SCARNA9	2,520660488	0,002164401
ENSG00000142319.18	SLC6A3	2,520136669	0,007989265
ENSG00000171587.15	DSCAM	2,519008311	0,024549918
ENSG00000231475.3	IGHV4-31	2,518952242	0,02503254
ENSG00000272582.1	AL031587.3	2,518409106	0,001101955
ENSG00000198939.8	ZFP2	2,517234934	0,002794307
ENSG00000273675.1	AL118556.2	2,517139024	0,003971778
ENSG00000249481.7	SPATS1	2,515954912	0,009803807
ENSG00000285717.1	AL162719.1	2,5153687	0,018453316
ENSG00000255255.1	PPP1R1AP1	2,513936737	0,009613247
ENSG00000214526.3	AP000343.1	2,512553124	0,004038253
ENSG00000241226.3	RN7SL836P	2,512065909	0,044947225
ENSG00000268355.1	AC243960.3	2,511872382	0,00375628
ENSG00000272677.1	AC124016.1	2,510345525	0,000733195
ENSG00000286269.1	AC092661.1	2,509382349	0,021788615
ENSG00000239211.3	RN7SL563P	2,509005106	0,042001832
ENSG00000240184.7	PCDHGC3	2,508409651	0,020340405
ENSG00000125046.15	SSUH2	2,506070571	0,007231148
ENSG00000174502.19	SLC26A9	2,505245559	0,044748234
ENSG00000237807.4	AC022034.1	2,50455053	0,025507068
ENSG00000263793.1	MIR3115	2,504018557	0,008568303
ENSG00000227755.1	AP000344.1	2,502615325	0,030085653
ENSG00000280365.1	AC021766.1	2,502576322	0,023573661
ENSG00000279724.1	AC005086.3	2,502304374	0,001952857
ENSG00000267275.1	AC020911.2	2,502157984	0,00703949
ENSG00000151079.7	KCNA6	2,501717595	0,026780066
ENSG00000202300.1	RNU6-487P	2,50164006	0,011670449
ENSG00000248629.1	AC092608.1	2,501154375	0,048607678
ENSG00000200597.1	RNVU1-33	2,50041333	0,009493903
ENSG00000257658.1	AC004217.2	2,49910817	0,004021042
ENSG00000168126.3	OR2W6P	2,497303154	0,027182329
ENSG00000286316.1	Z93020.1	2,495429712	0,003747389
ENSG00000284716.1	AL034417.3	2,494672809	0,011223441
ENSG00000258553.5	AL157911.1	2,49427378	0,007794277
ENSG00000171561.4	OR2AT4	2,494062456	0,024789108
ENSG00000215297.3	AL354941.1	2,493010688	0,009029985



ENSG00000207052.1	RNU6-378P	2,493001276	0,010030362
ENSG00000180287.17	PLD5	2,4925774	0,015066595
ENSG00000211899.10	IGHM	2,492414223	0,016476573
ENSG00000169258.7	GPRIN1	2,492389244	0,016666337
ENSG00000279714.1	Z95114.2	2,492203196	0,015092831
ENSG00000273710.1	Metazoa_SRP	2,491878756	0,007951763
ENSG00000241785.3	RN7SL390P	2,489620915	0,018253855
ENSG00000278200.1	LINC01971	2,488742719	0,016900492
ENSG00000199032.1	MIR425	2,488178827	0,01321316
ENSG00000269971.1	AL020997.2	2,487274623	0,00130475
ENSG00000256810.2	AC078925.1	2,487216664	0,023578133
ENSG00000196361.10	ELAVL3	2,487075752	0,00333522
ENSG00000135248.15	FAM71F1	2,486821326	0,022410759
ENSG00000118137.10	APOA1	2,486807544	0,028294699
ENSG00000143473.13	KCNH1	2,485228016	0,012618702
ENSG00000286993.1	AC035139.2	2,484421648	0,025235581
ENSG00000276547.1	PCDHGB5	2,484384895	0,026644151
ENSG00000279390.1	AF127577.6	2,48373929	0,027967751
ENSG00000229190.1	AC069542.1	2,483584075	0,007689391
ENSG00000198812.5	LRRC10	2,483086356	0,010271309
ENSG00000207605.3	MIR191	2,483000463	0,010905565
ENSG00000271983.1	AC023302.1	2,482124678	0,026146263
ENSG00000287242.1	AC073593.2	2,48135069	0,018290957
ENSG00000232884.9	AF127936.1	2,481170053	0,028642229
ENSG00000208772.1	SNORD94	2,481135287	0,000458103
ENSG00000229664.1	AL137186.1	2,481068751	0,017427862
ENSG00000260188.1	AC002464.1	2,480860154	0,015800957
ENSG00000220517.2	ASS1P1	2,480072908	0,009113402
ENSG00000252933.1	RNU6-1223P	2,479998159	0,000291281
ENSG00000227769.7	AC072062.1	2,477766202	0,021097866
ENSG00000270405.1	AC104692.2	2,47647481	0,006651437
ENSG00000276272.1	AC024884.2	2,475165747	0,007983298
ENSG00000144452.15	ABCA12	2,474644773	0,014231301
ENSG00000109654.16	TRIM2	2,473908884	0,012193025
ENSG00000202273.1	Y_RNA	2,47354137	0,01450622
ENSG00000164362.21	TERT	2,473492891	0,019493877
ENSG00000261248.1	AC009120.4	2,472602311	0,009529798
ENSG00000104140.7	RHOV	2,472556123	0,013869901
ENSG00000120658.13	ENOX1	2,472497802	0,032608961
ENSG00000102781.14	KATNAL1	2,472103709	0,000167687
ENSG00000258820.5	AF111167.1	2,471927864	0,012877161
ENSG00000270421.1	AC022022.2	2,470818886	0,014047013
ENSG00000171551.12	ECEL1	2,468634133	0,04343336
ENSG00000168453.15	HR	2,46845536	0,027279058
ENSG00000278002.1	AL627171.1	2,467329956	0,004543347

ENSG00000242493.3	RN7SL37P	2,466614221	0,006405972
ENSG00000258216.7	AC009522.1	2,466564415	0,00963135
ENSG00000254726.3	MEX3A	2,466165318	0,031387504
ENSG00000259793.1	AC013726.1	2,465357221	0,007975971
ENSG00000143590.14	EFNA3	2,465104877	0,007670904
ENSG00000232756.1	AC004990.1	2,464504941	0,015260257
ENSG00000008311.15	AASS	2,463385768	0,047511587
ENSG00000247193.3	AC104078.1	2,462652181	0,014457878
ENSG00000094661.3	OR1I1	2,462079363	0,008115237
ENSG00000228665.2	BX679664.1	2,461999699	0,007354589
ENSG00000258111.1	AC079316.1	2,461799027	0,011273564
ENSG00000235731.3	LINC02250	2,461459587	0,016018156
ENSG00000179284.5	DAND5	2,461447156	0,010526027
ENSG00000214711.10	CAPN14	2,461351002	0,010675446
ENSG00000204580.13	DDR1	2,461086191	0,015287656
ENSG00000240317.3	RN7SL764P	2,460968389	0,038398561
ENSG00000137809.17	ITGA11	2,460641861	0,008838425
ENSG00000241211.1	IQCJ-SCHIP1-AS1	2,45908558	0,032363704
ENSG00000187054.16	TMPRSS11A	2,45873184	0,037639707
ENSG00000224593.1	AC092427.1	2,457791532	0,026076887
ENSG00000266420.2	RN7SL118P	2,457651832	0,041378368
ENSG00000270282.1	AL096855.2	2,457378249	0,011310776
ENSG00000279393.1	AL139005.1	2,457011701	0,032395066
ENSG00000277655.1	AC245407.1	2,455030605	0,032759007
ENSG00000170293.9	CMTM8	2,454383697	0,01848312
ENSG00000242360.3	RN7SL272P	2,454262831	0,041549943
ENSG00000135144.7	DTX1	2,454193343	0,029135121
ENSG00000173801.17	JUP	2,453542547	0,023587872
ENSG00000106538.10	RARRES2	2,453167551	0,041150331
ENSG00000254852.8	NPIPA2	2,453119688	0,020302754
ENSG00000244677.3	RN7SL706P	2,452987497	0,017394164
ENSG00000216775.3	AL109918.1	2,452018131	0,021097953
ENSG00000265485.7	LINC01915	2,450865844	0,020078089
ENSG00000065057.9	NTHL1	2,450198277	0,007980965
ENSG00000260025.1	CRIM1-DT	2,449807044	0,026897243
ENSG00000231927.1	AC093734.1	2,448231524	0,01058578
ENSG00000117016.10	RIMS3	2,447287769	0,006446778
ENSG00000243621.1	AC003989.2	2,447111907	0,033784778
ENSG00000273233.1	AC097724.1	2,446527115	0,014354328
ENSG00000267529.3	AP005131.4	2,446253091	0,008633191
ENSG00000146839.19	ZAN	2,445668686	0,017114253
ENSG00000254730.1	AP002453.1	2,44502996	0,020173184
ENSG00000215467.2	RPL27AP	2,443441653	0,026401524
ENSG00000228221.6	LINC00578	2,443197667	0,035890092

ENSG00000110848.8	CD69	2,441065942	0,017661072
ENSG00000287626.1	AL021978.1	2,441037707	0,001911614
ENSG00000137825.11	ITPKA	2,44061771	0,038446415
ENSG00000229672.3	AL450322.2	2,438603917	0,031679441
ENSG00000013297.12	CLDN11	2,438275937	0,019812863
ENSG00000279354.1	AC090373.1	2,437976989	0,01449212
ENSG00000260714.1	AC133552.1	2,437479919	0,007099441
ENSG00000128641.19	MYO1B	2,435461528	0,038674975
ENSG00000112964.14	GHR	2,434223387	0,042232761
ENSG00000169208.3	OR10G3	2,432545605	0,023393407
ENSG00000136918.8	WDR38	2,430830162	0,007117513
ENSG00000275512.1	AC007998.4	2,430615549	0,008401133
ENSG00000171992.13	SYNPO	2,430199855	0,015683785
ENSG00000137285.10	TUBB2B	2,430058377	0,041695775
ENSG00000227006.2	AL136988.2	2,429773917	0,003272142
ENSG00000172971.7	UNC93B3	2,428589107	0,019852385
ENSG00000085741.13	WNT11	2,427958971	0,044942564
ENSG00000284491.2	THSD8	2,427845248	0,023113029
ENSG00000267886.1	AC074135.1	2,42780975	0,024092184
ENSG00000202400.1	SNORD82	2,427412044	0,017271509
ENSG00000244139.3	RN7SL397P	2,427349414	0,045545231
ENSG00000206746.1	RNU6-142P	2,427085549	0,009014469
ENSG00000201665.1	RN7SKP6	2,426812643	0,01886608
ENSG00000183775.11	KCTD16	2,426544191	0,021261272
ENSG00000199674.1	RNU6-862P	2,426347963	0,01244416
ENSG00000244710.3	RN7SL47P	2,424108408	0,020100847
ENSG00000284791.2	SMIM41	2,42289012	0,013125303
ENSG00000124766.7	SOX4	2,422721165	0,010503981
ENSG00000234913.1	AC016027.2	2,422360885	0,020286088
ENSG00000218313.1	AL139274.1	2,420646824	0,0140651
ENSG00000253579.1	SUMO2P16	2,420574132	0,013252575
ENSG00000235701.1	PCBP2P1	2,42033211	0,01051181
ENSG00000276216.1	AC245014.3	2,420252991	0,031150921
ENSG00000241652.3	RN7SL253P	2,42011314	0,044679359
ENSG00000260806.1	AL163051.1	2,418930569	0,005312138
ENSG00000253088.1	Y_RNA	2,418904129	0,011511464
ENSG00000280162.1	AL136531.3	2,418878418	0,010278167
ENSG00000225499.1	RPL15P4	2,417821232	0,012542079
ENSG00000283498.1	MIR1244-2	2,417366367	0,019546153
ENSG00000181378.14	CFAP65	2,414677296	0,016806744
ENSG00000286991.1	AC012157.3	2,414037214	0,032834642
ENSG00000170412.18	GPRC5C	2,41274084	0,0428733
ENSG00000286618.1	AC131944.1	2,412607768	0,012872159
ENSG00000267612.1	AC008759.2	2,412564175	0,035350944
ENSG00000140015.20	KCNH5	2,410996409	0,038457077

ENSG00000238482.1	RNU6-1208P	2,410791105	0,018840654
ENSG00000228126.1	FALEC	2,410294767	0,003226
ENSG00000255520.1	AC090589.2	2,410039246	0,005384981
ENSG00000224020.1	MIR181A2HG	2,409769562	0,012424414
ENSG00000234667.2	ACTBP13	2,409002817	0,028181984
ENSG00000201654.1	RNU6-7	2,408637221	0,013639683
ENSG00000200879.1	SNORD14E	2,407664301	0,028447736
ENSG00000199415.1	RNA5SP370	2,406354727	0,024269927
ENSG00000233237.8	LINC00472	2,406248248	0,039308848
ENSG00000229267.3	SNHG31	2,405586268	0,01556699
ENSG00000233829.1	RPL26P15	2,405139894	0,013904551
ENSG00000211941.3	IGHV3-11	2,404634453	0,04804823
ENSG00000162641.20	AKNAD1	2,403308793	0,009463939
ENSG00000277287.1	AL109976.1	2,4024843	0,036238775
ENSG00000215478.8	CES5AP1	2,401316445	0,043816599
ENSG00000242971.3	RN7SL233P	2,400560275	0,02863765
ENSG00000280079.1	AC011447.7	2,400410805	0,019715706
ENSG00000235480.1	AC013270.1	2,400019073	0,026090417
ENSG00000287446.1	AC007731.5	2,399635689	0,047246834
ENSG00000256061.7	DNAAF4	2,398904657	0,026757927
ENSG00000213468.7	FIRRE	2,397941403	0,014840616
ENSG00000227722.2	AL022100.1	2,397770088	0,020052854
ENSG00000134121.10	CHL1	2,397577205	0,049469334
ENSG00000165338.17	HECTD2	2,396673504	0,021761962
ENSG00000229339.1	AC093414.1	2,395559479	0,012720421
ENSG00000204296.11	TSBP1	2,394690894	0,038871486
ENSG00000237166.2	LINC01792	2,394089226	0,040155141
ENSG00000285871.1	AL359844.1	2,393053778	0,01691457
ENSG00000244671.3	RN7SL280P	2,393017266	0,014400715
ENSG00000277562.1	AC010320.5	2,392549383	0,017050237
ENSG00000121895.8	TMEM156	2,392154793	0,008951011
ENSG00000233242.3	AL512604.2	2,391757708	0,01188129
ENSG00000263895.1	AC100778.1	2,391754782	0,014778894
ENSG00000104044.16	OCA2	2,390891197	0,033001376
ENSG00000256982.2	AC135782.1	2,388980106	0,048954796
ENSG00000250329.1	KDELC1P1	2,38693883	0,018431431
ENSG00000146005.4	PSD2	2,386768681	0,024667163
ENSG00000078018.20	MAP2	2,386548868	0,041361499
ENSG00000233421.4	LINC01783	2,38643846	0,032757153
ENSG00000274750.2	H3C6	2,385755268	0,033144683
ENSG00000274421.1	AL162390.1	2,385429885	0,005493936
ENSG00000137269.15	LRRC1	2,384565479	0,006992117
ENSG00000288393.1	AP003086.3	2,382989323	0,021489336
ENSG00000176244.7	ACBD7	2,382721755	0,014086259
ENSG00000258790.1	AL121594.1	2,382393127	0,007718023

ENSG00000232234.4	AL355499.1	2,381897382	0,025727859
ENSG00000271344.1	AC018638.6	2,380915569	0,015797475
ENSG00000256458.1	AC080075.1	2,37875933	0,020068074
ENSG00000213190.4	MLLT11	2,378655305	0,016512155
ENSG00000207009.1	Y_RNA	2,378498945	0,016573989
ENSG00000254519.5	AC044839.1	2,378136649	0,028284475
ENSG00000106665.16	CLIP2	2,378101702	0,019759266
ENSG00000201078.1	RN7SKP214	2,378077555	0,025347241
ENSG00000226622.6	AC092155.1	2,377646184	0,049417485
ENSG00000142182.9	DNMT3L	2,377428172	0,023444421
ENSG00000278828.1	H3C10	2,376977435	0,028080355
ENSG00000233117.4	LINC00702	2,374920035	0,047233444
ENSG00000174776.11	WDR49	2,374707639	0,045286476
ENSG00000288603.1	SNORA74C-2	2,374695047	0,010331599
ENSG00000234737.1	KRT18P15	2,374625386	0,036710226
ENSG00000276746.1	Metazoa_SRP	2,374144316	0,013744123
ENSG00000268864.4	AC011487.2	2,373316322	0,03112538
ENSG00000270533.2	CR382285.1	2,371691759	0,029591353
ENSG00000238959.1	RNU7-19P	2,371212899	0,027489673
ENSG00000280422.1	AC115284.2	2,370454638	0,01955549
ENSG00000224950.2	AL390066.1	2,369763782	0,028068117
ENSG00000279499.1	AL157770.1	2,369565936	0,011781882
ENSG00000268469.1	BNIP3P38	2,36951512	0,015167634
ENSG00000266097.1	MIR5192	2,368243587	0,021838625
ENSG00000285091.1	AL109840.2	2,366541755	0,012624352
ENSG00000240505.9	TNFRSF13B	2,365303057	0,036009152
ENSG00000213997.3	PGAM1P7	2,362944571	0,011182158
ENSG00000200243.1	RN7SKP79	2,362816708	0,038308789
ENSG00000283945.1	LINC00032	2,362803483	0,030806325
ENSG00000284640.1	AL590434.1	2,362384157	0,017300198
ENSG00000240160.3	RN7SL263P	2,362023904	0,013418241
ENSG00000228862.4	AC068389.1	2,361708004	0,02139298
ENSG00000247675.7	LRP4-AS1	2,361617019	0,037091781
ENSG00000082556.14	OPRK1	2,36161135	0,048584649
ENSG00000145284.12	SCD5	2,361353021	0,041559747
ENSG00000165566.12	AMER2	2,35963293	0,033353044
ENSG00000263882.2	RN7SL774P	2,358435166	0,040531349
ENSG00000223592.2	FNDC3CP	2,358051402	0,036342764
ENSG00000241657.1	TRBV11-2	2,358035617	0,038197991
ENSG00000262492.1	AC104581.1	2,356658102	0,029912587
ENSG00000172071.14	EIF2AK3	2,354200148	0,002861407
ENSG00000260264.1	LINC02194	2,3539655	0,043853359
ENSG00000258722.2	CKAP2P1	2,353511921	0,039621512
ENSG00000106823.12	ECM2	2,353139277	0,010820169
ENSG00000186452.11	TMPRSS12	2,346726851	0,023696782



ENSG00000230831.1	AC007349.2	2,346508784	0,033791022
ENSG00000196781.16	TLE1	2,345465612	0,037875806
ENSG00000005471.19	ABCB4	2,344869603	0,034045775
ENSG00000279317.2	AC006994.1	2,343598893	0,026596788
ENSG00000258177.1	AC008149.1	2,343419138	0,012106318
ENSG00000249850.1	KRT18P31	2,342765152	0,026992617
ENSG00000235445.1	AC016027.3	2,342706994	0,031420099
ENSG00000196166.5	C8orf86	2,340549402	0,049244111
ENSG00000234136.1	AC055764.1	2,33988901	0,018928722
ENSG00000285827.1	AP001267.5	2,338420384	0,023051699
ENSG00000254997.4	KRTAP5-9	2,338323721	0,023211716
ENSG00000287518.1	AC100778.4	2,338081817	0,029312172
ENSG00000271046.1	AL512631.1	2,337529419	0,022488484
ENSG00000256590.2	TRDV3	2,334924173	0,032739896
ENSG00000162068.2	NTN3	2,334267589	0,040251298
ENSG00000167291.16	TBC1D16	2,334106837	0,042789829
ENSG00000216990.2	HSPD1P10	2,333910977	0,020228581
ENSG00000172519.9	OR10H5	2,333578485	0,039741631
ENSG00000260350.1	AC012173.1	2,330554374	0,016775225
ENSG00000200554.1	RNU6-1020P	2,330139645	0,017731014
ENSG00000274656.1	RN7SL625P	2,329287495	0,044402884
ENSG00000206659.1	Y_RNA	2,328364185	0,021754141
ENSG00000128886.12	ELL3	2,327971917	0,017010405
ENSG00000267924.1	AC139769.2	2,327850928	0,044332243
ENSG00000273391.1	AC083880.1	2,325716188	0,018205139
ENSG00000248340.2	PIMREGP4	2,323410414	0,027276882
ENSG00000227309.1	AC140076.1	2,322357165	0,030523779
ENSG00000163817.16	SLC6A20	2,320900427	0,031753911
ENSG00000237039.1	RPS28P4	2,320346863	0,047076991
ENSG00000174343.6	CHRNA9	2,319970559	0,020112372
ENSG00000264916.2	RN7SL230P	2,318310139	0,035185284
ENSG00000164393.8	ADGRF2	2,31811798	0,040770529
ENSG00000241959.3	RN7SL76P	2,317241376	0,029862443
ENSG00000272514.6	CFAP206	2,31719084	0,036515085
ENSG00000198153.8	ZNF849P	2,315867901	0,045086155
ENSG00000109758.9	HGFAC	2,315156253	0,028152491
ENSG00000119866.22	BCL11A	2,314806922	0,017149832
ENSG00000143479.17	DYRK3	2,314627573	0,037760267
ENSG00000251400.1	ALDH7A1P1	2,312996777	0,029259757
ENSG00000179342.4	AC008267.1	2,312212601	0,024144558
ENSG00000264354.1	MIR3134	2,31191737	0,043167564
ENSG00000233845.1	AC093732.1	2,311916939	0,017912211
ENSG00000238531.1	SNORD105B	2,310105566	0,03888266
ENSG00000204091.8	TDRG1	2,30877664	0,044935429
ENSG00000270479.1	BNIP3P37	2,307212272	0,039145936

ENSG00000221500.1	SNORD100	2,307032386	0,006711982
ENSG00000270900.1	NUDT19P4	2,306998584	0,038577147
ENSG00000251186.1	AC105345.2	2,306640605	0,027933287
ENSG00000266569.2	RN7SL377P	2,306568476	0,031124535
ENSG00000257272.1	AL162311.1	2,305971862	0,031966294
ENSG00000244618.3	RN7SL334P	2,303853214	0,047876795
ENSG00000108255.8	CRYBA1	2,302646852	0,022426956
ENSG00000279467.1	AP000350.8	2,301880674	0,00875352
ENSG00000252879.1	RN7SKP98	2,3015455	0,038389538
ENSG00000234155.1	LINC02535	2,297818398	0,044377067
ENSG00000258245.1	RPL10P13	2,29720747	0,045282687
ENSG00000197768.10	STPG3	2,296827152	0,030825311
ENSG00000243022.1	MARK3P3	2,294385874	0,038028656
ENSG00000267136.1	AP005131.1	2,293308295	0,044932159
ENSG00000256723.1	AP003717.3	2,292879558	0,02935053
ENSG00000267127.7	AC090360.1	2,292824405	0,028866065
ENSG00000276043.5	UHRF1	2,290170842	0,024212057
ENSG00000279555.1	AC091181.1	2,288045841	0,047556454
ENSG00000269893.8	SNHG8	2,287827367	0,036790274
ENSG00000118972.3	FGF23	2,287426283	0,046586584
ENSG00000287620.1	AC092053.4	2,286881701	0,034479834
ENSG00000255847.5	AP003717.1	2,285914772	0,038227233
ENSG00000206448.3	PPIAP30	2,285127898	0,038867418
ENSG00000280036.1	AC020661.4	2,284187891	0,02434962
ENSG00000200922.1	Y_RNA	2,283201112	0,037923661
ENSG00000206605.1	RNU6-946P	2,278922198	0,036622061
ENSG00000118307.20	CFAP94	2,276120776	0,017338172
ENSG00000152076.19	CCDC74B	2,274400735	0,042554989
ENSG00000264421.1	AC007448.3	2,274339407	0,034666463
ENSG00000207194.1	RNU6-1026P	2,274213912	0,04516762
ENSG00000251497.2	PITPNM2-AS1	2,273992524	0,043317653
ENSG00000253238.3	AC034114.2	2,273589575	0,025557055
ENSG00000287599.1	AL157813.2	2,272900269	0,049133462
ENSG00000278135.1	U2	2,270893974	0,043341711
ENSG00000286417.1	AL133334.1	2,270752196	0,043490035
ENSG00000131650.14	KREMEN2	2,269690335	0,031766564
ENSG00000235967.1	COX5BP3	2,269543663	0,044001418
ENSG00000271410.1	AC020728.1	2,269031732	0,049283658
ENSG00000265942.2	RN7SL577P	2,267012745	0,028647204
ENSG00000122711.9	SPINK4	2,264874835	0,048994757
ENSG00000107362.14	ABHD17B	2,264478471	0,014207352
ENSG00000154447.15	SH3RF1	2,263649887	0,036773397
ENSG00000272426.1	BX284668.6	2,262498917	0,042593309
ENSG00000221539.1	SNORD99	2,262148121	0,019760773
ENSG00000233822.4	H2BC15	2,261912721	0,037753636

ENSG00000240270.1	RPL12P37	2,261011913	0,043574099
ENSG00000066923.17	STAG3	2,259100401	0,017090236
ENSG00000197149.5	AC107956.1	2,259048806	0,04941835
ENSG00000279176.1	AC079316.2	2,258838815	0,047500312
ENSG00000272622.2	AC010735.2	2,258806895	0,047815595
ENSG00000274066.1	MIR6514	2,258578906	0,032288161
ENSG00000235109.7	ZSCAN31	2,257278293	0,038640971
ENSG00000117450.15	PRDX1	2,256812139	0,040973111
ENSG00000260278.1	AC098818.2	2,256153837	0,040305873
ENSG00000274191.1	AC026333.4	2,255856227	0,038331576
ENSG00000280274.1	AC009145.4	2,255782222	0,039631653
ENSG00000254208.1	AC011773.1	2,254463899	0,043800471
ENSG00000164938.14	TP53INP1	2,254181729	0,037171624
ENSG00000143552.9	NUP210L	2,253726397	0,024032923
ENSG00000214756.8	CSKMT	2,251381381	0,013665239
ENSG00000284607.1	AL121936.1	2,249450906	0,048587166
ENSG00000231905.2	SETP10	2,249053982	0,044954821
ENSG00000255467.1	AP002433.1	2,246690685	0,046600105
ENSG00000176601.13	MAP3K19	2,236563577	0,044367271
ENSG00000228981.3	AC097658.1	2,236131855	0,027714218
ENSG00000222604.2	AC007956.1	2,232999256	0,049887587
ENSG00000260317.1	AC009812.4	2,232424696	0,037632567
ENSG00000206775.1	SNORD37	2,230413538	0,046965065
ENSG00000254856.1	NDUFA3P2	2,226013078	0,041322533
ENSG00000203711.14	C6orf99	2,225531339	0,048189332
ENSG00000266969.1	AP002449.1	2,220733956	0,044935848
ENSG00000256826.1	ATP5MFP4	2,220481162	0,044909333
ENSG00000265123.2	RN7SL200P	2,21965248	0,032305852
ENSG00000260441.5	AC020978.2	2,219249094	0,044827484
ENSG00000266913.1	LINC01841	2,207913889	0,038662888

**Cuadro 8.** Listado de genes infraexpresados en LLA respecto a los controles sanos. Se muestra el listado de genes infraexpresados obtenidos para la comparación de controles sanos vs. LLA (1021 genes). Se muestra el identificador ENSEMBL del gen, el nombre de este, el LogFC obtenido y el p-valor asociado. Los genes se encuentran organizados de menor LogFC a mayor LogFC.

<i>Identificador</i>	<b>Nombre del gen</b>	<b>logFC</b>	<b>p-valor</b>
ENSG00000204936.10	CD177	-8,044744313	1,83632E-25
ENSG00000102837.7	OLFM4	-7,650874519	2,57298E-23
ENSG00000096006.12	CRISP3	-7,405480252	2,62043E-18
ENSG00000118113.12	MMP8	-6,986595259	6,6332E-19
ENSG00000100985.7	MMP9	-6,69904511	9,6298E-23
ENSG00000162747.12	FCGR3B	-6,604320639	3,69358E-17
ENSG00000012223.13	LTF	-6,408320588	1,81133E-14
ENSG00000163464.8	CXCR1	-6,393753296	6,26839E-24
ENSG00000148346.12	LCN2	-6,32902326	5,07562E-19
ENSG00000124469.12	CEACAM8	-6,169566172	4,12274E-16
ENSG00000180871.8	CXCR2	-6,113699897	3,64126E-25
ENSG00000133048.13	CHI3L1	-6,032554145	1,20728E-19
ENSG00000204933.3	CD177P1	-5,948697645	2,07825E-23
ENSG00000164047.6	CAMP	-5,812833964	3,90049E-16
ENSG00000277437.1	FP671120.2	-5,807516867	1,62351E-13
ENSG00000134827.8	TCN1	-5,684551716	1,43631E-13
ENSG00000163216.7	SPRR2D	-5,679485169	1,09085E-13
ENSG00000101425.14	BPI	-5,595890573	1,91088E-14
ENSG00000177575.13	CD163	-5,585747667	1,70566E-11
ENSG00000164821.5	DEFA4	-5,529402173	7,91424E-10
ENSG00000171236.10	LRG1	-5,350148634	6,65552E-28
ENSG00000276107.1	AC037198.1	-5,329198107	1,42775E-12
ENSG00000163739.5	CXCL1	-5,321260022	6,34156E-17
ENSG00000163221.9	S100A12	-5,321121388	3,79042E-11
ENSG00000171345.13	KRT19	-5,255846308	1,50088E-25
ENSG00000159189.12	C1QC	-5,241150514	8,53695E-10
ENSG00000008438.5	PGLYRP1	-5,241059497	1,59558E-13
ENSG00000286155.1	FP671120.10	-5,231904258	5,19344E-11
ENSG00000239839.7	DEFA3	-5,193164055	1,86977E-08
ENSG00000173535.15	TNFRSF10C	-5,175474111	1,49888E-20
ENSG00000170837.3	GPR27	-5,164471298	1,09444E-16
ENSG00000184292.7	TACSTD2	-5,15946053	2,57365E-09
ENSG00000235568.7	NFAM1	-5,127216441	5,40087E-20
ENSG00000186081.12	KRT5	-5,12690806	8,83745E-24
ENSG00000275708.1	MIR3648-1	-5,123580571	7,00671E-12
ENSG00000229754.1	CXCR2P1	-5,11659467	1,63181E-14
ENSG00000185479.6	KRT6B	-5,110655224	3,19323E-14
ENSG00000163563.8	MNDA	-5,109904917	2,04001E-18

ENSG00000257017.9	HP	-5,042031045	2,20017E-16
ENSG00000120708.17	TGFB1	-5,039100366	2,89688E-12
ENSG00000173210.20	ABLIM3	-5,004947019	1,1863E-15
ENSG00000171051.9	FPR1	-4,999408557	4,78604E-13
ENSG00000167434.10	CA4	-4,98816668	8,53033E-15
ENSG00000171049.9	FPR2	-4,985718903	1,62132E-13
ENSG00000124102.5	PI3	-4,966553337	1,3947E-12
ENSG00000165655.17	ZNF503	-4,952324148	1,26306E-15
ENSG00000103313.13	MEFV	-4,933987189	2,65025E-15
ENSG00000229314.5	ORM1	-4,929154659	2,21036E-13
ENSG00000124107.5	SLPI	-4,916785303	2,09509E-08
ENSG00000115590.14	IL1R2	-4,905599937	5,73994E-09
ENSG00000121316.11	PLBD1	-4,844453025	2,7797E-11
ENSG00000139970.17	RTN1	-4,82857154	5,39481E-09
ENSG00000250575.1	AL732372.3	-4,80521438	1,50299E-18
ENSG00000137801.11	THBS1	-4,805060041	4,38403E-09
ENSG00000163347.6	CLDN1	-4,792322329	5,60824E-22
ENSG00000170956.17	CEACAM3	-4,789601517	2,69261E-13
ENSG00000111052.7	LIN7A	-4,78689455	1,23086E-09
ENSG00000136869.16	TLR4	-4,776837518	1,9813E-17
ENSG00000275210.1	AC245884.11	-4,762686439	6,66148E-15
ENSG00000175591.12	P2RY2	-4,753129826	6,71061E-17
ENSG00000127954.13	STEAP4	-4,746959913	3,20575E-12
ENSG00000196878.15	LAMB3	-4,735643192	9,93078E-15
ENSG00000123689.6	G0S2	-4,712706659	2,71669E-10
ENSG00000138061.12	CYP1B1	-4,685319465	1,6365E-09
ENSG00000169403.12	PTAFR	-4,680842456	3,92979E-17
ENSG00000143546.10	S100A8	-4,675575123	1,03116E-09
ENSG00000198848.13	CES1	-4,666284013	1,70927E-06
ENSG00000073756.12	PTGS2	-4,630444399	9,61639E-14
ENSG00000168497.5	CAVIN2	-4,568441537	8,81054E-11
ENSG00000160883.11	HK3	-4,544785347	1,23465E-10
ENSG00000158825.6	CDA	-4,540032829	1,19973E-10
ENSG00000100292.18	HMOX1	-4,539360089	9,28179E-12
ENSG00000093134.15	VNN3	-4,528832736	2,4469E-10
ENSG00000164125.16	GASK1B	-4,507150626	5,08237E-10
ENSG00000189068.11	VSTM1	-4,49881083	6,43804E-10
ENSG00000004939.15	SLC4A1	-4,483217554	1,45816E-08
ENSG00000146070.17	PLA2G7	-4,474885508	5,07682E-11
ENSG00000163993.7	S100P	-4,469030889	4,30364E-10
ENSG00000257335.8	MGAM	-4,451301519	1,19061E-10
ENSG00000038427.16	VCAN	-4,443716405	5,35313E-08
ENSG00000198734.12	F5	-4,433120925	2,67765E-12
ENSG00000204010.3	IFIT1B	-4,430618166	4,1557E-09
ENSG00000221869.5	CEBPD	-4,421853345	1,78791E-14



ENSG00000120885.22	CLU	-4,418786888	2,13839E-10
ENSG00000197405.8	C5AR1	-4,408687327	1,56856E-10
ENSG00000140090.18	SLC24A4	-4,404820595	1,64345E-15
ENSG00000179277.9	MEIS3P1	-4,400610029	3,75257E-09
ENSG00000116990.11	MYCL	-4,399248498	8,15674E-12
ENSG00000085265.11	FCN1	-4,3989246	2,13296E-09
ENSG00000249992.2	TMEM158	-4,395781669	3,63027E-12
ENSG00000187116.14	LILRA5	-4,382034509	1,06178E-09
ENSG00000238152.2	OR7E140P	-4,366310987	3,22275E-09
ENSG00000249835.2	VCAN-AS1	-4,36448887	7,95358E-08
ENSG00000109272.4	PF4V1	-4,35301348	1,5003E-12
ENSG00000173391.9	OLR1	-4,342878828	4,93744E-09
ENSG00000014257.16	ACP3	-4,338292004	2,39794E-16
ENSG00000101307.16	SIRPB1	-4,318914599	5,28073E-11
ENSG00000186431.19	FCAR	-4,311039824	3,40881E-10
ENSG00000108244.17	KRT23	-4,310557079	4,22436E-07
ENSG00000116729.14	WLS	-4,299499584	2,15187E-08
ENSG00000163737.4	PF4	-4,296952592	1,56399E-07
ENSG00000115828.17	QPCT	-4,294077457	3,756E-11
ENSG00000228347.1	FTLP17	-4,289321978	3,39472E-18
ENSG00000196209.13	SIRPB2	-4,276803005	8,52533E-14
ENSG00000121742.19	GJB6	-4,275363642	3,17709E-10
ENSG00000143416.21	SELENBP1	-4,260697461	8,8274E-08
ENSG00000242324.1	AL049634.1	-4,259006792	1,88826E-09
ENSG00000160339.16	FCN2	-4,256897995	1,77579E-14
ENSG00000062282.15	DGAT2	-4,251098619	4,82423E-13
ENSG00000123384.14	LRP1	-4,244695286	3,35418E-09
ENSG00000173372.17	C1QA	-4,233016149	4,72811E-06
ENSG00000225101.6	OR52K3P	-4,229648823	3,79234E-09
ENSG00000127951.8	FGL2	-4,226608769	2,34098E-10
ENSG00000163735.7	CXCL5	-4,216206056	1,12317E-07
ENSG00000105352.10	CEACAM4	-4,210471103	8,20653E-12
ENSG00000173369.17	C1QB	-4,202436276	1,60584E-05
ENSG00000158856.18	DMTN	-4,197410556	2,75439E-10
ENSG00000163220.11	S100A9	-4,194726086	2,6313E-07
ENSG00000225774.2	SIRPAP1	-4,191311001	9,5001E-17
ENSG00000125900.13	SIRPD	-4,188425869	1,74025E-07
ENSG00000163736.4	PPBP	-4,186100308	1,91171E-07
ENSG00000138772.13	ANXA3	-4,184210337	2,5577E-09
ENSG00000108932.12	SLC16A6	-4,1701275	1,05326E-11
ENSG00000143067.5	ZNF697	-4,163708844	2,08641E-14
ENSG00000227825.4	SLC9A7P1	-4,146678855	6,46631E-10
ENSG00000018280.17	SLC11A1	-4,145981004	4,44884E-10
ENSG00000198478.8	SH3BGRL2	-4,127465399	3,50857E-10
ENSG00000181409.14	AATK	-4,120975561	1,13853E-16

ENSG00000102010.15	BMX	-4,117521323	5,12585E-08
ENSG00000105976.16	MET	-4,116317285	4,86145E-07
ENSG00000148411.8	NACC2	-4,115185306	5,72277E-16
ENSG00000238201.1	AC114752.2	-4,106187582	1,20438E-12
ENSG00000166527.8	CLEC4D	-4,099280925	1,39654E-07
ENSG00000265531.3	FCGR1CP	-4,097244491	1,27307E-08
ENSG00000242498.8	ARPIN	-4,09633289	5,25134E-11
ENSG00000128383.13	APOBEC3A	-4,091647636	1,37296E-08
ENSG00000213205.3	STRADBP1	-4,082395344	5,02641E-23
ENSG00000177324.14	BEND2	-4,063942579	1,62506E-12
ENSG00000254415.3	SIGLEC14	-4,061745015	1,92716E-11
ENSG00000090382.7	LYZ	-4,050016401	2,42937E-08
ENSG00000101916.12	TLR8	-4,038268425	8,11293E-08
ENSG00000129450.8	SIGLEC9	-4,037733849	6,65095E-10
ENSG00000196407.12	THEM5	-4,036333128	9,05729E-13
ENSG00000119535.18	CSF3R	-4,03266758	2,27787E-18
ENSG00000198142.5	SOWAHC	-4,029721371	1,30637E-08
ENSG00000101162.4	TUBB1	-4,026737245	1,1359E-12
ENSG00000197249.14	SERPINA1	-4,022924519	1,5142E-07
ENSG00000163823.4	CCR1	-4,017794368	2,13123E-09
ENSG00000232801.1	SDCBPP3	-4,015589122	3,54863E-21
ENSG00000002726.21	AOC1	-4,014911015	3,90848E-07
ENSG00000187164.20	SHTN1	-4,014625832	2,02683E-07
ENSG00000204103.4	MAFB	-4,01391705	6,90584E-07
ENSG00000121807.6	CCR2	-4,002639412	1,83904E-07
ENSG00000242550.6	SERPINB10	-3,999705136	2,2169E-07
ENSG00000146122.17	DAAM2	-3,989597349	4,86635E-06
ENSG00000182931.9	WFDC10B	-3,980824274	8,29247E-12
ENSG00000159339.13	PADI4	-3,978913845	1,41513E-10
ENSG00000259207.9	ITGB3	-3,969095101	2,67496E-07
ENSG00000187017.17	ESPN	-3,967438291	7,4144E-09
ENSG00000256751.6	PLBD1-AS1	-3,964686545	3,6815E-08
ENSG00000162444.12	RBP7	-3,964532895	1,07046E-08
ENSG00000136842.14	TMOD1	-3,962112282	2,55075E-10
ENSG00000198959.12	TGM2	-3,962098326	4,87501E-08
ENSG00000154146.13	NRGN	-3,961423146	7,40368E-11
ENSG00000198948.12	MFAP3L	-3,954871298	1,92786E-10
ENSG00000167680.17	SEMA6B	-3,953790488	4,37243E-08
ENSG00000188906.16	LRRK2	-3,951394661	4,41446E-08
ENSG00000234436.1	AC245884.2	-3,950189641	2,54081E-09
ENSG00000166947.15	EPB42	-3,9379383	1,78408E-07
ENSG00000196188.12	CTSE	-3,932387427	1,352E-07
ENSG00000162551.14	ALPL	-3,927014886	3,06781E-06
ENSG00000136689.19	IL1RN	-3,924971291	6,85196E-08
ENSG00000070182.21	SPTB	-3,923591123	3,00623E-07

ENSG00000111261.14	MANSC1	-3,918191927	1,45893E-11
ENSG00000283839.1	AC096667.1	-3,913235398	3,31522E-10
ENSG00000277671.1	FP671120.3	-3,905896366	4,44243E-07
ENSG00000250334.6	LINC00989	-3,900613407	1,6361E-08
ENSG00000140678.17	ITGAX	-3,900050149	4,55747E-12
ENSG00000170909.13	OSCAR	-3,888389668	1,64167E-09
ENSG00000197629.6	MPEG1	-3,88675419	4,48338E-07
ENSG00000158578.21	ALAS2	-3,884016788	1,53806E-05
ENSG00000112303.14	VNN2	-3,883621716	1,29195E-07
ENSG00000008516.17	MMP25	-3,881811585	6,72976E-10
ENSG00000198178.11	CLEC4C	-3,872035873	3,94999E-07
ENSG00000163191.6	S100A11	-3,865891557	5,96083E-09
ENSG00000178789.9	CD300LB	-3,864662101	1,41925E-07
ENSG00000069535.14	MAOB	-3,862055977	4,63819E-05
ENSG00000204613.11	TRIM10	-3,858541179	8,04754E-07
ENSG00000283378.1	CNTNAP3C	-3,85410429	1,91681E-06
ENSG00000133216.17	EPHB2	-3,835779627	3,04959E-07
ENSG00000267990.1	AC063977.2	-3,835371715	2,57569E-08
ENSG00000165140.11	FBP1	-3,833205871	2,35076E-07
ENSG00000168461.13	RAB31	-3,827825349	5,29734E-09
ENSG00000162722.9	TRIM58	-3,824970162	1,98992E-11
ENSG00000231412.2	AC005392.2	-3,820358307	3,59627E-06
ENSG00000255801.1	AC092746.1	-3,820280214	9,21975E-05
ENSG00000000938.13	FGR	-3,815847021	2,77264E-09
ENSG00000115594.12	IL1R1	-3,815053114	8,10625E-08
ENSG00000233013.10	FAM157B	-3,814277212	1,31337E-08
ENSG00000186407.7	CD300E	-3,810465647	2,11332E-05
ENSG00000117115.13	PADI2	-3,8030309	9,16427E-08
ENSG00000102962.5	CCL22	-3,786686942	7,09707E-07
ENSG00000143226.15	FCGR2A	-3,786296361	1,45813E-10
ENSG00000047597.7	XK	-3,783615657	3,50388E-07
ENSG00000175489.10	LRRC25	-3,768156802	1,71062E-08
ENSG00000186529.16	CYP4F3	-3,756982905	5,56152E-06
ENSG00000128422.17	KRT17	-3,752038639	0,00243132
ENSG00000199883.1	RN7SKP90	-3,751543794	2,04643E-05
ENSG00000204136.11	GGTA1	-3,748533665	4,11616E-08
ENSG00000025708.14	TYMP	-3,738334816	8,2785E-10
ENSG00000172243.18	CLEC7A	-3,735797624	1,54482E-06
ENSG00000264230.9	ANXA8L1	-3,735532428	0,000515436
ENSG00000149516.14	MS4A3	-3,731379055	4,9393E-06
ENSG00000172232.10	AZU1	-3,727939738	2,71181E-06
ENSG00000274173.1	AL035661.1	-3,726528997	2,90987E-07
ENSG00000152766.6	ANKRD22	-3,725296345	2,33337E-07
ENSG00000133317.16	LGALS12	-3,716620611	5,56268E-07
ENSG00000161911.11	TREML1	-3,707469417	7,65411E-09

ENSG00000134755.17	DSC2	-3,705849882	3,62286E-05
ENSG00000274536.7	MIR223HG	-3,700456703	1,29631E-09
ENSG00000184792.16	OSBP2	-3,696978199	1,33565E-08
ENSG00000176788.9	BASP1	-3,694036329	7,90775E-07
ENSG00000198053.12	SIRPA	-3,693420882	3,69871E-11
ENSG00000167850.4	CD300C	-3,6929901	1,5692E-07
ENSG00000088827.12	SIGLEC1	-3,689315992	5,37224E-05
ENSG00000281162.2	LINC01127	-3,686999626	4,13374E-06
ENSG00000134830.6	C5AR2	-3,68652755	7,42627E-09
ENSG00000100558.9	PLEK2	-3,674609654	2,62632E-09
ENSG00000181631.7	P2RY13	-3,668971411	3,6095E-08
ENSG00000166091.21	CMTM5	-3,66888468	1,46712E-05
ENSG00000187554.14	TLR5	-3,66737523	4,46714E-07
ENSG00000133063.16	CHIT1	-3,66072035	4,10374E-09
ENSG00000135047.16	CTSL	-3,657878249	5,64722E-06
ENSG00000224307.2	AL161785.1	-3,655843661	2,69324E-07
ENSG00000137198.10	GMPR	-3,648357139	8,60382E-10
ENSG00000198736.12	MSRB1	-3,648286197	7,66457E-14
ENSG00000168995.13	SIGLEC7	-3,646297989	2,72675E-06
ENSG00000182885.17	ADGRG3	-3,643888536	1,40586E-08
ENSG00000029534.21	ANK1	-3,636607223	7,4599E-06
ENSG00000229644.6	NAMPTP1	-3,636096059	1,04583E-09
ENSG00000133069.17	TMCC2	-3,630930487	8,23764E-07
ENSG00000134256.12	CD101	-3,630476245	7,64567E-08
ENSG00000184730.11	APOBR	-3,629798985	1,18243E-12
ENSG00000185052.12	SLC24A3	-3,626688366	2,00968E-05
ENSG00000170689.10	HOXB9	-3,626253519	0,004731668
ENSG00000130821.17	SLC6A8	-3,625168417	2,19292E-09
ENSG00000126262.5	FFAR2	-3,625115694	1,83039E-06
ENSG00000157551.19	KCNJ15	-3,621557695	2,0754E-05
ENSG00000085733.16	CTTN	-3,61132461	2,75538E-08
ENSG00000131355.15	ADGRE3	-3,61088419	5,88827E-06
ENSG00000103196.12	CRISPLD2	-3,605343202	1,04886E-07
ENSG00000082397.17	EPB41L3	-3,603131011	6,7267E-05
ENSG00000230956.2	CAPZA1P1	-3,601652383	2,17091E-13
ENSG00000116962.15	NID1	-3,599755692	2,25986E-06
ENSG00000105610.6	KLF1	-3,598365237	9,21911E-07
ENSG00000010610.10	CD4	-3,589716316	5,91854E-08
ENSG00000188158.16	NHS	-3,588821349	4,63678E-08
ENSG00000005961.19	ITGA2B	-3,584524647	3,57787E-06
ENSG00000228974.5	AC006483.1	-3,581587529	4,09248E-08
ENSG00000213816.3	CNN2P4	-3,580315202	1,92413E-10
ENSG00000108688.11	CCL7	-3,579006194	9,27219E-05
ENSG00000172594.13	SMPDL3A	-3,578922314	2,17155E-05
ENSG00000282572.2	AC215522.2	-3,577069535	1,94272E-06

ENSG00000274256.1	AL391903.2	-3,57391811	6,02445E-07
ENSG00000189221.10	MAOA	-3,571881014	9,52183E-06
ENSG00000229961.3	AL357143.1	-3,569599829	1,86116E-07
ENSG00000119862.13	LGALSL	-3,566753762	6,79098E-09
ENSG00000161944.16	ASGR2	-3,562033769	9,59881E-06
ENSG00000248684.1	BIN2P2	-3,558044272	2,94803E-11
ENSG00000163421.9	PROK2	-3,550558742	1,05477E-05
ENSG00000279741.1	AC007342.8	-3,546790834	8,89672E-08
ENSG00000105825.14	TFPI2	-3,545443976	3,90304E-05
ENSG00000183762.13	KREMEN1	-3,545068549	5,38732E-07
ENSG00000273112.1	AL590385.2	-3,541281592	1,59088E-07
ENSG00000082781.12	ITGB5	-3,540108196	7,97466E-08
ENSG00000198019.13	FCGR1B	-3,540079552	3,94657E-07
ENSG00000174175.17	SELP	-3,536484694	1,68551E-06
ENSG00000269981.1	AL627309.7	-3,53283956	1,04977E-06
ENSG00000213763.4	ACTBP2	-3,532673762	5,61117E-12
ENSG00000100504.17	PYGL	-3,526108864	1,15147E-13
ENSG00000184106.8	TREML3P	-3,521171876	6,82995E-08
ENSG00000254006.5	AC104232.1	-3,519657282	0,000429871
ENSG00000166033.13	HTRA1	-3,510478859	2,48764E-06
ENSG00000229465.1	ACTG1P11	-3,50886305	9,32541E-09
ENSG00000236304.1	AP001189.1	-3,507288403	1,32756E-06
ENSG00000242651.3	RN7SL862P	-3,503007547	9,22144E-06
ENSG00000106565.18	TMEM176B	-3,502742736	0,000202947
ENSG00000242193.11	CRYZL2P	-3,498916656	9,63702E-08
ENSG00000261804.2	AC007342.4	-3,491694502	9,14067E-09
ENSG00000254810.1	AP001189.3	-3,491192449	3,13195E-08
ENSG00000271303.2	SRXN1	-3,488524072	6,63454E-09
ENSG00000150540.14	HNMT	-3,48636026	0,000136718
ENSG00000282122.1	IGHV7-4-1	-3,486336171	7,99712E-05
ENSG00000108846.16	ABCC3	-3,486286955	1,75764E-06
ENSG00000238243.3	OR2W3	-3,47921043	3,95106E-08
ENSG00000237264.4	FTH1P11	-3,474910072	2,99909E-12
ENSG00000136929.13	HEMGN	-3,467999338	3,19431E-05
ENSG00000130558.20	OLFM1	-3,460559851	1,45338E-07
ENSG00000173868.12	PHOSPHO1	-3,459686399	1,83581E-06
ENSG00000133488.15	SEC14L4	-3,459634019	2,22992E-06
ENSG00000111424.12	VDR	-3,454593387	1,55087E-08
ENSG00000235105.1	AL356968.2	-3,453159836	1,52953E-14
ENSG00000172322.14	CLEC12A	-3,450139788	1,53264E-07
ENSG00000244482.10	LILRA6	-3,447918189	1,25877E-05
ENSG00000179914.5	ITLN1	-3,44543282	5,77926E-06
ENSG00000224397.7	PELATON	-3,444311898	4,99982E-05
ENSG00000198121.13	LPAR1	-3,444050371	2,00213E-05
ENSG00000166825.15	ANPEP	-3,441612467	1,91566E-07



ENSG00000241721.1	SUMO1P1	-3,438063523	0,000190404
ENSG00000160593.19	JAML	-3,436648255	4,78351E-06
ENSG00000275215.1	RNA5-8SN3	-3,432574549	2,30925E-07
ENSG00000233029.3	AC244453.2	-3,426758757	1,25095E-06
ENSG00000283273.1	AC138649.5	-3,419716206	0,032765116
ENSG00000008394.13	MGST1	-3,41970496	4,65186E-06
ENSG00000284981.1	UPK3BL2	-3,419549333	3,16273E-07
ENSG00000228612.2	HK2P1	-3,415018003	3,22421E-11
ENSG00000163393.13	SLC22A15	-3,411591309	1,3866E-05
ENSG00000224177.8	LINC00570	-3,411343143	3,01396E-06
ENSG00000233101.10	HOXB-AS3	-3,4108433	0,008852818
ENSG00000103569.10	AQP9	-3,408560939	0,000222692
ENSG00000002933.9	TMEM176A	-3,407793728	0,000278839
ENSG00000234975.6	FTH1P2	-3,40557672	3,64743E-10
ENSG00000255163.1	HSPE1P18	-3,404770145	3,57787E-06
ENSG00000135838.13	NPL	-3,401252259	6,91586E-07
ENSG00000152315.5	KCNK13	-3,400932775	5,68251E-06
ENSG00000141574.8	SECTM1	-3,40055234	4,19735E-05
ENSG00000187098.17	MITF	-3,399002296	1,83517E-08
ENSG00000134489.7	HRH4	-3,393845103	2,1422E-06
ENSG00000272632.1	AC097504.2	-3,390931951	0,000463497
ENSG00000278775.1	FP236383.2	-3,384192564	0,000676174
ENSG00000275325.4	PDCD6IPP1	-3,379923541	0,002547763
ENSG00000260078.3	AC007342.3	-3,378314795	4,29991E-05
ENSG00000173597.9	SULT1B1	-3,36587208	4,38064E-07
ENSG00000135929.9	CYP27A1	-3,364629759	0,00026732
ENSG00000183508.5	TENT5C	-3,363284442	1,79396E-07
ENSG00000277349.1	CICP25	-3,363029083	4,51176E-07
ENSG00000236438.7	FAM157A	-3,359398933	5,18997E-07
ENSG00000214684.2	ANKRD49P4	-3,359112879	5,465E-05
ENSG00000171999.7	OR52P2P	-3,357932497	0,001317859
ENSG00000272636.4	DOC2B	-3,353901313	0,000368549
ENSG00000135378.4	PRRG4	-3,353878712	1,31463E-08
ENSG00000263674.1	AC026620.1	-3,346764761	0,000210889
ENSG00000285557.1	AC069410.1	-3,334067292	6,78661E-05
ENSG00000135709.12	KIAA0513	-3,323700119	3,40382E-08
ENSG00000203999.9	LINC01270	-3,320382504	5,51111E-06
ENSG00000124731.13	TREM1	-3,320030597	3,48995E-05
ENSG00000145335.17	SNCA	-3,317060261	1,09838E-05
ENSG00000249667.1	LINC01259	-3,316628736	2,83309E-08
ENSG00000169122.11	FAM110B	-3,315979868	0,000297028
ENSG00000188013.6	MEIS3P2	-3,313790097	3,11232E-05
ENSG00000249646.2	OR7E94P	-3,307122209	6,51862E-06
ENSG00000113494.17	PRLR	-3,296051322	0,000861158
ENSG00000271736.2	LINC02772	-3,295568269	0,000659801

ENSG00000088726.16	TMEM40	-3,292912508	1,53988E-05
ENSG000000180537.13	RNF182	-3,289195008	0,000566774
ENSG000000135604.10	STX11	-3,288278591	1,59368E-07
ENSG000000265273.1	PGDP1	-3,287533186	3,03293E-11
ENSG000000148655.15	LRMDA	-3,286023906	6,00573E-07
ENSG000000246082.2	NUDT16P1	-3,284463895	4,55063E-05
ENSG000000182487.12	NCF1B	-3,283885934	2,04546E-05
ENSG000000262714.1	AC007342.5	-3,280683031	8,08579E-07
ENSG000000223723.1	TFDP1P2	-3,277154687	7,26347E-08
ENSG000000180767.10	CHST13	-3,276163954	2,05111E-05
ENSG000000274423.1	SEC22B2P	-3,275665543	5,22393E-09
ENSG000000105205.7	CLC	-3,271836824	0,002077038
ENSG000000165685.8	TMEM52B	-3,271780764	2,04993E-05
ENSG000000091106.19	NLRC4	-3,268419017	3,03086E-06
ENSG000000198876.13	DCAF12	-3,26670292	2,98147E-09
ENSG000000235033.7	DAAM2-AS1	-3,266477942	0,000338281
ENSG000000233614.6	DDX11L10	-3,264767821	2,00784E-05
ENSG000000160791.13	CCR5	-3,264309562	3,73276E-05
ENSG000000120075.5	HOXB5	-3,264136198	0,008562527
ENSG000000160963.14	COL26A1	-3,263829728	9,5312E-06
ENSG000000119686.10	FLVCR2	-3,258646393	6,19517E-08
ENSG000000236403.2	AL353611.1	-3,254684967	4,0004E-05
ENSG000000179331.3	RAB39A	-3,254366982	1,30209E-05
ENSG000000162873.15	KLHDC8A	-3,248236132	7,89154E-05
ENSG000000172216.6	CEBPB	-3,245739371	7,50453E-07
ENSG000000286236.1	AC018755.5	-3,241166956	6,74964E-05
ENSG000000168874.13	ATOH8	-3,240757573	1,92355E-05
ENSG000000197561.7	ELANE	-3,240115824	0,001808038
ENSG000000213876.4	RPL7AP64	-3,239704125	0,000166088
ENSG000000147454.14	SLC25A37	-3,232777784	1,99541E-09
ENSG000000177133.11	PRDM16-DT	-3,23214245	0,00789547
ENSG000000167994.13	RAB3IL1	-3,230755671	4,74198E-05
ENSG000000113303.12	BTNL8	-3,230248702	4,02125E-05
ENSG000000206249.3	AL359555.1	-3,228460459	3,5916E-05
ENSG000000142405.22	NLRP12	-3,228062335	0,000126814
ENSG000000130487.9	KLHDC7B	-3,225176323	7,56465E-06
ENSG000000237272.2	OR51R1P	-3,224233344	0,00201511
ENSG000000265519.1	AC015922.2	-3,223049163	0,000198238
ENSG000000103184.12	SEC14L5	-3,221350976	5,63893E-06
ENSG000000131398.15	KCNC3	-3,218803532	0,000188768
ENSG000000100448.4	CTSG	-3,216835603	0,001566601
ENSG000000234484.1	AL032821.1	-3,214369939	6,30771E-05
ENSG000000169896.18	ITGAM	-3,213757721	4,79613E-06
ENSG000000186350.12	RXRA	-3,21126205	1,90773E-08
ENSG000000163710.9	PCOLCE2	-3,210119151	0,000959579

ENSG00000204577.11	LILRB3	-3,208383782	1,06932E-05
ENSG00000105501.12	SIGLEC5	-3,199955447	4,02517E-06
ENSG00000102145.15	GATA1	-3,199849238	0,000174196
ENSG00000233392.5	UICLM	-3,199220742	0,002983469
ENSG00000178726.7	THBD	-3,19867181	4,83156E-05
ENSG00000134765.10	DSC1	-3,189957343	1,17477E-06
ENSG00000260528.5	FAM157C	-3,187175766	1,32157E-05
ENSG00000133742.14	CA1	-3,18548017	0,001920218
ENSG00000214456.8	PLIN5	-3,18432829	3,8484E-07
ENSG00000178723.7	GLULP4	-3,179038021	3,48866E-07
ENSG00000204020.6	LIPN	-3,178335669	0,000130113
ENSG00000105520.10	PLPPR2	-3,175027214	3,5006E-09
ENSG00000180921.7	FAM83H	-3,174288484	4,00231E-06
ENSG00000170458.14	CD14	-3,173365567	0,00174212
ENSG00000119121.22	TRPM6	-3,173201321	0,00034709
ENSG00000238222.3	MKRN4P	-3,170698397	9,67182E-11
ENSG00000150337.13	FCGR1A	-3,169918034	1,30079E-05
ENSG00000135094.11	SDS	-3,165666437	3,0188E-06
ENSG00000188175.10	HEPACAM2	-3,158187884	0,003372373
ENSG00000166926.8	MS4A6E	-3,157926199	2,40788E-06
ENSG00000269586.7	CT45A10	-3,150853691	0,046396465
ENSG00000197766.8	CFD	-3,149779845	0,000298661
ENSG00000133816.17	MICAL2	-3,148454541	1,1328E-07
ENSG00000250361.9	GYPB	-3,148132231	0,000858956
ENSG00000171777.16	RASGRP4	-3,142875128	3,30572E-08
ENSG00000141497.14	ZMYND15	-3,140141385	4,10406E-05
ENSG00000066926.12	FECH	-3,137510443	7,18137E-09
ENSG00000168062.10	BATF2	-3,137302887	2,42818E-05
ENSG00000229129.1	ACTG1P2	-3,134200308	4,78637E-06
ENSG00000053918.18	KCNQ1	-3,133242842	7,27029E-06
ENSG00000239443.1	PABPC1P10	-3,132737652	2,59445E-08
ENSG00000249437.8	NAIP	-3,130146445	5,38964E-06
ENSG00000163235.16	TGFA	-3,128427586	4,29632E-05
ENSG00000116675.16	DNAJC6	-3,122824403	0,000283713
ENSG00000111961.18	SASH1	-3,12110847	0,001479794
ENSG00000186074.19	CD300LF	-3,120974713	9,0156E-07
ENSG00000180155.20	LYNX1	-3,120547205	0,00019494
ENSG00000176183.8	AC233964.1	-3,117376265	2,77528E-07
ENSG00000188219.14	POTEE	-3,116936834	1,42058E-08
ENSG00000108239.9	TBC1D12	-3,116297012	0,000450536
ENSG00000039068.19	CDH1	-3,115716692	0,00013345
ENSG00000122641.11	INHBA	-3,114614233	0,001060441
ENSG00000011600.12	TYROBP	-3,114386128	4,65035E-05
ENSG00000152078.10	TLCD4	-3,113450833	0,0009789
ENSG00000156381.9	ANKRD9	-3,110344992	1,04431E-06

ENSG00000164023.14	SGMS2	-3,110344624	0,000269908
ENSG00000134780.10	DAGLA	-3,109821531	3,48815E-05
ENSG00000110446.11	SLC15A3	-3,104111298	0,000119785
ENSG00000187037.8	GPR141	-3,102537042	1,56332E-05
ENSG00000234389.1	AC007278.1	-3,0957781	0,000183086
ENSG00000115602.17	IL1RL1	-3,091088013	0,004358559
ENSG00000281969.1	AL592158.1	-3,088941121	0,002520062
ENSG00000283005.1	CDC27P3	-3,081874774	7,58376E-08
ENSG00000278233.1	RNA5-8SN2	-3,081047059	1,74394E-05
ENSG00000141469.18	SLC14A1	-3,079552082	5,65313E-05
ENSG00000249215.1	NCOA4P4	-3,077410984	9,19335E-10
ENSG00000147459.18	DOCK5	-3,076285798	5,80831E-09
ENSG00000168546.11	GFRA2	-3,076106847	2,82288E-05
ENSG00000280027.1	AC007342.9	-3,074949667	5,09676E-05
ENSG00000188460.4	ACTBP11	-3,073505791	4,2431E-08
ENSG00000145569.6	OTULINL	-3,072403629	2,29001E-06
ENSG00000214108.4	TPT1P5	-3,071585152	1,15817E-07
ENSG00000232528.3	AL109809.1	-3,070909404	2,03131E-05
ENSG00000235027.1	AC068580.3	-3,068763917	0,000154523
ENSG00000138449.11	SLC40A1	-3,062191462	0,00021832
ENSG00000213177.3	PRDX2P4	-3,05726372	3,03058E-05
ENSG00000180316.12	PNPLA1	-3,05606382	8,60738E-05
ENSG00000213088.12	ACKR1	-3,05512992	0,001155846
ENSG00000253677.1	UBE2HP1	-3,054221153	6,87554E-06
ENSG00000255042.3	AC109635.2	-3,05398395	0,000386606
ENSG00000171631.15	P2RY6	-3,053836295	8,28205E-05
ENSG0000030582.18	GRN	-3,053785312	1,54099E-05
ENSG00000219507.4	FTH1P8	-3,051486713	6,13303E-06
ENSG00000183773.15	AIFM3	-3,049847088	3,18138E-05
ENSG00000158874.11	APOA2	-3,048923332	8,03045E-05
ENSG00000124882.4	EREG	-3,044625849	0,006578487
ENSG00000125810.10	CD93	-3,043562153	0,000147808
ENSG00000134955.12	SLC37A2	-3,043229537	7,60061E-05
ENSG00000261222.3	AC064805.1	-3,042625767	0,001418806
ENSG00000119919.11	NKX2-3	-3,040259813	0,017991402
ENSG00000121053.6	EPX	-3,039762244	0,003029605
ENSG00000240093.1	AC093627.3	-3,036396748	0,000892511
ENSG00000205846.4	CLEC6A	-3,031730117	0,000439192
ENSG00000197721.17	CR1L	-3,03103339	0,000901254
ENSG00000174600.14	CMKLR1	-3,029951788	0,000374295
ENSG00000109743.11	BST1	-3,028272863	1,48165E-05
ENSG00000158470.5	B4GALT5	-3,021646212	2,7562E-10
ENSG00000248469.1	AC139491.1	-3,016226963	1,37815E-05
ENSG00000162366.8	PDZK1IP1	-3,014321474	0,001010213
ENSG00000137393.10	RNF144B	-3,01018522	2,86441E-05

ENSG00000286154.1	AC009974.2	-3,009829505	0,001225414
ENSG00000188056.12	TREML4	-3,009811105	0,000608462
ENSG00000102595.20	UGGT2	-3,002877473	0,002610101
ENSG00000213772.3	EIF1P7	-3,001638005	1,46992E-09
ENSG00000160712.13	IL6R	-3,001403282	2,61688E-07
ENSG00000188282.12	RUFY4	-2,996973211	0,001368399
ENSG00000101842.14	VSIG1	-2,996213935	2,54627E-05
ENSG00000121297.8	TSHZ3	-2,995005258	0,000712786
ENSG00000285653.1	AC006238.2	-2,993617844	0,000339576
ENSG00000138738.11	PRDM5	-2,988197966	0,00186322
ENSG00000148175.13	STOM	-2,987755717	1,89717E-08
ENSG00000283646.2	LINC02009	-2,987255782	0,000853492
ENSG00000198223.17	CSF2RA	-2,987087449	5,3039E-06
ENSG00000176463.14	SLCO3A1	-2,985346357	4,07725E-09
ENSG00000248810.2	LINC02432	-2,984593312	0,002861461
ENSG00000254521.7	SIGLEC12	-2,983382641	0,003343689
ENSG00000233608.4	TWIST2	-2,98051432	0,00078288
ENSG00000177989.13	ODF3B	-2,979916048	5,03205E-05
ENSG00000198336.9	MYL4	-2,979445842	0,005547545
ENSG00000108511.10	HOXB6	-2,976878938	0,024368087
ENSG00000236857.3	RAP1BP1	-2,976734772	5,63383E-06
ENSG00000124145.6	SDC4	-2,976624437	0,000627324
ENSG00000234568.3	BIN2P1	-2,97621488	2,37527E-09
ENSG00000264764.1	MIR4772	-2,973574221	0,000430343
ENSG00000137462.9	TLR2	-2,973232119	3,55647E-06
ENSG00000103187.8	COTL1	-2,972371378	8,4167E-06
ENSG00000049130.16	KITLG	-2,971770241	0,001416734
ENSG00000270120.1	AC007728.3	-2,971637023	0,000220662
ENSG00000074964.17	ARHGEF10L	-2,971434124	0,002928985
ENSG00000214297.3	ALDOAP2	-2,969090801	9,87526E-07
ENSG00000158473.8	CD1D	-2,96767285	0,001722612
ENSG00000111275.13	ALDH2	-2,962506977	0,000120452
ENSG00000260496.3	AC009041.1	-2,962034869	5,37263E-06
ENSG00000223972.5	DDX11L1	-2,961358345	4,26256E-06
ENSG00000188153.14	COL4A5	-2,959500027	0,014978526
ENSG00000215326.3	GPX1P2	-2,959297419	1,05127E-05
ENSG00000124098.10	FAM210B	-2,958698495	8,22309E-07
ENSG00000131981.16	LGALS3	-2,958347856	0,000600108
ENSG00000160255.18	ITGB2	-2,956813207	1,24424E-05
ENSG00000237476.1	LINC01637	-2,956146944	0,000129518
ENSG00000265296.1	FEM1AP2	-2,954226652	2,15477E-05
ENSG00000197993.9	KEL	-2,953636708	0,002951907
ENSG00000244682.7	FCGR2C	-2,953561604	0,001735401
ENSG00000284194.3	SCO2	-2,951897859	2,30141E-05
ENSG00000165496.5	RPL10L	-2,948933224	1,2426E-06



ENSG00000010327.10	STAB1	-2,948613956	0,00493547
ENSG000000154764.6	WNT7A	-2,942847057	7,81111E-05
ENSG000000181963.5	OR52K2	-2,940317709	0,00640566
ENSG00000079393.20	DUSP13	-2,933419729	0,000322622
ENSG000000105991.10	HOXA1	-2,931052996	0,000456373
ENSG000000249109.1	AC140125.2	-2,930771165	2,77149E-05
ENSG000000183160.9	TMEM119	-2,926483501	6,82115E-05
ENSG000000101160.14	CTSZ	-2,925486569	3,07559E-05
ENSG000000145850.9	TIMD4	-2,923467529	0,001300445
ENSG000000115271.11	GCA	-2,921073318	8,68829E-07
ENSG000000140379.9	BCL2A1	-2,918857673	0,001844938
ENSG000000136250.12	AOAH	-2,917735974	7,83422E-05
ENSG000000120318.16	ARAP3	-2,915206934	0,000158207
ENSG000000275691.2	MT1IP	-2,913902007	0,000439477
ENSG000000179639.10	FCER1A	-2,910134941	0,005270006
ENSG00000079385.23	CEACAM1	-2,909487333	0,000366867
ENSG000000184221.13	OLIG1	-2,906593427	0,001846075
ENSG000000201444.1	RNU6-1082P	-2,905608202	0,003169719
ENSG000000256660.6	CLEC12B	-2,8976359	0,000312337
ENSG000000242756.2	RHOT1P3	-2,896663602	4,4321E-05
ENSG000000148344.11	PTGES	-2,895413906	0,005887889
ENSG000000232004.1	CAP1P2	-2,89331861	3,99783E-08
ENSG00000033627.17	ATP6V0A1	-2,893174867	9,61761E-07
ENSG000000175746.6	C15orf54	-2,89115135	0,000752326
ENSG000000177706.9	FAM20C	-2,890785485	0,002174759
ENSG000000123643.13	SLC36A1	-2,887721851	9,97601E-07
ENSG000000151948.12	GLT1D1	-2,887627814	0,004751101
ENSG000000182578.14	CSF1R	-2,887627493	0,000356616
ENSG000000226321.5	CROCC2	-2,886504821	0,009022873
ENSG000000228695.10	CES1P1	-2,885162522	0,0075281
ENSG000000165682.14	CLEC1B	-2,883230792	0,000108998
ENSG000000086548.9	CEACAM6	-2,881898237	0,012023349
ENSG000000165168.8	CYBB	-2,874623246	0,001481123
ENSG000000152377.14	SPOCK1	-2,872442574	0,007781508
ENSG000000205269.6	TMEM170B	-2,872153817	0,000113942
ENSG000000236320.4	SLFN14	-2,871066978	0,000107691
ENSG000000197403.4	OR6N1	-2,869831414	0,001149413
ENSG000000169704.5	GP9	-2,867714765	0,00351036
ENSG00000075223.14	SEMA3C	-2,866148533	0,006290551
ENSG000000225217.1	HSPA7	-2,865935215	0,004426802
ENSG000000249790.3	AC092490.1	-2,864757868	0,010793244
ENSG000000135636.14	DYSF	-2,863882109	0,00097028
ENSG000000236525.1	AC007278.2	-2,863212417	0,002581955
ENSG000000112378.12	PERP	-2,860719431	0,00033091
ENSG000000214888.3	AL772337.1	-2,859000226	0,009244769

ENSG00000179869.15	ABCA13	-2,858744766	0,005332989
ENSG00000237914.5	SIRPG-AS1	-2,85728152	0,000461552
ENSG00000154928.18	EPHB1	-2,8553675	0,001340275
ENSG00000133246.12	PRAM1	-2,853707548	2,89808E-05
ENSG00000256347.1	OR8R1P	-2,851110792	0,002897873
ENSG00000139572.4	GPR84	-2,848014102	0,001650762
ENSG00000287860.1	AC079804.3	-2,847426733	0,000450252
ENSG00000273837.1	AC018755.4	-2,846410558	0,001085347
ENSG00000105514.8	RAB3D	-2,845113186	5,51363E-06
ENSG00000123342.16	MMP19	-2,843714013	0,002216861
ENSG00000180044.5	C3orf80	-2,842214148	0,016195729
ENSG00000266891.1	AP000902.1	-2,841665638	0,000445899
ENSG00000100033.16	PRODH	-2,841425196	0,014988948
ENSG00000254826.1	AP001922.3	-2,835830485	0,002722006
ENSG00000133687.16	TMTC1	-2,833504185	0,009720791
ENSG00000199620.1	RNA5SP258	-2,830760255	0,001641183
ENSG00000235532.1	LINC00402	-2,829683814	0,000939033
ENSG00000183625.15	CCR3	-2,829556617	0,001360703
ENSG00000131831.18	RAI2	-2,829458402	0,004629392
ENSG00000239906.1	AL627309.2	-2,829164698	0,000812581
ENSG00000142627.13	EPHA2	-2,827797175	0,002423824
ENSG00000197506.8	SLC28A3	-2,826501651	0,009948454
ENSG00000109321.11	AREG	-2,82526834	0,013602773
ENSG00000049323.16	LTBP1	-2,824880791	0,008115269
ENSG00000261172.1	AC133919.2	-2,824820853	0,001734022
ENSG00000102554.14	KLF5	-2,821587428	0,000359802
ENSG00000090013.11	BLVRB	-2,819082559	0,000383785
ENSG00000260507.1	AC133919.1	-2,817739972	0,002152517
ENSG00000276855.1	AC015922.3	-2,817419185	0,00204028
ENSG00000248429.5	FAM198B-AS1	-2,811282074	0,00728824
ENSG00000161921.17	CXCL16	-2,810743871	0,004624307
ENSG00000184500.16	PROS1	-2,807374706	0,005635514
ENSG00000175084.12	DES	-2,806502166	0,018701767
ENSG00000237897.2	AL512844.2	-2,804109027	6,37412E-05
ENSG00000139832.5	RAB20	-2,800493313	0,000341335
ENSG00000162512.16	SDC3	-2,796565068	0,004488886
ENSG00000206172.8	HBA1	-2,795941316	0,026301144
ENSG00000214980.4	AC025538.1	-2,794461283	2,05622E-05
ENSG00000277739.1	5_8S_rRNA	-2,794402698	0,018454003
ENSG00000158163.15	DZIP1L	-2,792829631	0,00114668
ENSG00000230257.5	NFE4	-2,789695815	0,00791677
ENSG00000178996.14	SNX18	-2,788662579	2,28353E-06
ENSG00000255197.6	AC090559.1	-2,787089224	4,75814E-05
ENSG00000100012.12	SEC14L3	-2,785576009	0,000451397
ENSG00000226091.7	LINC00937	-2,783740529	0,000564114

ENSG00000057294.15	PKP2	-2,783349277	0,012437129
ENSG00000204352.4	C9orf129	-2,781886504	8,59496E-05
ENSG00000237861.1	AL513325.1	-2,780759208	7,19049E-06
ENSG00000283871.1	MIR130B	-2,780122003	0,005095327
ENSG00000254639.1	AC116021.1	-2,780068395	0,002451484
ENSG00000266989.1	FTLP5	-2,779894941	2,98255E-05
ENSG00000230362.1	ACTG1P23	-2,777844477	1,21946E-05
ENSG00000136026.14	CKAP4	-2,775234469	0,001904781
ENSG00000179593.16	ALOX15B	-2,772041124	0,029105437
ENSG00000261594.4	TPBGL	-2,768885579	0,000231994
ENSG00000214132.4	AC094103.1	-2,768728294	6,64365E-05
ENSG00000248385.8	TARM1	-2,766596832	0,009441309
ENSG00000278745.1	AL391903.3	-2,763807174	0,005798472
ENSG00000101439.9	CST3	-2,763520567	0,004108435
ENSG00000276649.1	AL117335.1	-2,763328996	0,000529105
ENSG00000284690.3	CD300H	-2,761482885	0,011649025
ENSG00000278943.1	AC079228.1	-2,761186884	5,58384E-05
ENSG00000170128.5	GPR25	-2,758393909	0,020329821
ENSG00000105835.12	NAMPT	-2,757390261	0,000844527
ENSG00000251129.2	LINC02506	-2,757378728	0,038172619
ENSG00000019169.10	MARCO	-2,757251531	0,019496686
ENSG00000189420.8	ZFP92	-2,756824789	0,000496539
ENSG00000254126.8	CD8B2	-2,755855435	0,000345489
ENSG00000205038.12	PKHD1L1	-2,755150665	0,00712487
ENSG00000184557.4	SOCS3	-2,754892714	0,00098866
ENSG00000247570.2	SDCBPP2	-2,754859406	3,60789E-05
ENSG00000189127.8	ANKRD34B	-2,753437398	0,007316612
ENSG00000213252.3	AP001282.1	-2,752477632	1,38491E-05
ENSG00000156453.14	PCDH1	-2,75239326	0,000228869
ENSG00000224334.1	AP000357.1	-2,750762953	4,06759E-06
ENSG00000124875.10	CXCL6	-2,748686545	0,00167876
ENSG00000129538.14	RNASE1	-2,746332501	0,019632423
ENSG00000283486.2	FAM95C	-2,74332948	0,02476722
ENSG00000110203.9	FOLR3	-2,742944661	0,015548073
ENSG00000265190.7	ANXA8	-2,742635838	0,036501108
ENSG00000232531.3	KMT5AP2	-2,736504716	1,07513E-05
ENSG00000287642.1	AC093599.2	-2,733435407	0,002223503
ENSG00000272555.1	AC009974.1	-2,732807869	0,007043901
ENSG00000163734.4	CXCL3	-2,730740827	0,012173392
ENSG00000100302.7	RASD2	-2,729970984	0,005535747
ENSG00000116711.10	PLA2G4A	-2,727184756	0,000627383
ENSG00000242082.2	SLC5A4-AS1	-2,726670178	0,00898644
ENSG00000167207.14	NOD2	-2,725582311	0,002288614
ENSG00000054598.9	FOXC1	-2,725469677	0,032077746
ENSG00000169385.3	RNASE2	-2,725440478	0,012877237

ENSG00000113763.12	UNC5A	-2,725422642	0,01064326
ENSG00000105855.10	ITGB8	-2,725069651	0,008371464
ENSG00000138678.11	GPAT3	-2,723658608	0,00368732
ENSG00000267632.1	AC067852.3	-2,723184386	0,00012888
ENSG0000028137.19	TNFRSF1B	-2,719875654	0,001567743
ENSG00000250138.4	AC139495.2	-2,71788046	0,000383656
ENSG00000132821.12	VSTM2L	-2,717043376	0,004745953
ENSG00000286555.1	AP003065.1	-2,713032591	2,78836E-05
ENSG00000082014.17	SMARCD3	-2,712453164	0,000450301
ENSG00000172331.12	BPGM	-2,710223956	0,000496597
ENSG00000118231.5	CRYGD	-2,709275462	0,030388114
ENSG00000173930.9	SLCO4C1	-2,709218437	0,002219551
ENSG00000158517.15	NCF1	-2,708493882	0,006623444
ENSG00000142611.17	PRDM16	-2,708436356	0,03850728
ENSG00000165178.9	NCF1C	-2,70825716	0,005629123
ENSG00000169026.13	SLC49A3	-2,707245568	0,000191763
ENSG00000107738.20	VSIR	-2,705389436	0,000798039
ENSG00000276644.5	DACH1	-2,702890504	0,011564569
ENSG00000255693.3	LINC02389	-2,700600911	0,00063754
ENSG00000108691.9	CCL2	-2,700474545	0,031596183
ENSG00000149177.13	PTPRJ	-2,699264794	0,000547992
ENSG00000120594.17	PLXDC2	-2,694680836	0,002321136
ENSG00000232543.2	IGHD4-11	-2,693302577	0,01449017
ENSG00000089169.15	RPH3A	-2,691534625	0,021504145
ENSG00000225345.3	SNX18P3	-2,688954533	0,035026206
ENSG00000173432.12	SAA1	-2,686704413	3,52875E-05
ENSG00000087085.16	ACHE	-2,6859445	0,005365518
ENSG00000145423.5	SFRP2	-2,681352837	0,002648468
ENSG00000228217.1	PNRC2P1	-2,681004467	0,000109844
ENSG00000280136.2	AC240565.2	-2,679872901	0,000297382
ENSG00000226745.2	OAZ1P1	-2,677221622	0,001136076
ENSG00000112773.16	TENT5A	-2,675921646	0,000799529
ENSG00000229586.2	TNPO1P3	-2,674270451	0,000203083
ENSG00000287217.1	AL355538.1	-2,673941641	0,002508337
ENSG00000005381.8	MPO	-2,672376636	0,027359155
ENSG00000163599.17	CTLA4	-2,670882438	0,003612208
ENSG00000250746.1	AC105250.1	-2,670377778	0,000399127
ENSG00000084110.11	HAL	-2,670006466	0,002615821
ENSG00000122862.5	SRGN	-2,669987062	0,003237597
ENSG00000230834.1	AC068580.2	-2,669848849	0,002686993
ENSG00000180061.10	TMEM150B	-2,668698554	0,005561963
ENSG00000232973.13	CYP1B1-AS1	-2,668311693	0,004461653
ENSG00000231123.1	SPATA20P1	-2,667640096	0,013340935
ENSG00000110876.10	SELPLG	-2,666358932	0,000650156
ENSG00000168329.14	CX3CR1	-2,662962112	0,017825579

ENSG00000149573.9	MPZL2	-2,66240692	0,007216666
ENSG00000138119.17	MYOF	-2,657505113	0,013101728
ENSG00000268758.7	ADGRE4P	-2,657378726	0,011259394
ENSG00000178695.6	KCTD12	-2,655975319	0,01281517
ENSG00000091129.21	NRCAM	-2,652847651	0,008982644
ENSG00000287736.1	PTCSC1	-2,649245453	0,001931167
ENSG00000128512.23	DOCK4	-2,648413082	0,003035602
ENSG00000284948.1	AC107959.4	-2,647198996	0,00284403
ENSG00000178860.8	MSC	-2,641367117	0,010471422
ENSG00000233038.6	PTPRN2-AS1	-2,636610607	0,003557137
ENSG00000286715.1	AL589863.2	-2,635980883	0,008164861
ENSG00000230756.1	RHOQP3	-2,634373136	3,19011E-05
ENSG00000164181.14	ELOVL7	-2,633716523	0,013059334
ENSG00000115414.21	FN1	-2,632968661	0,02126556
ENSG00000165886.5	UBTD1	-2,630943196	0,00121776
ENSG00000109099.16	PMP22	-2,627080204	0,021873626
ENSG0000006555.11	TTC22	-2,622119388	0,001339668
ENSG00000169397.3	RNASE3	-2,621753107	0,031163786
ENSG00000258227.7	CLEC5A	-2,621285714	0,021850344
ENSG00000233111.1	RAB1C	-2,620881523	3,97439E-05
ENSG00000086288.12	NME8	-2,619899748	0,003953975
ENSG00000204860.5	FAM201A	-2,61771029	0,037816662
ENSG00000101335.10	MYL9	-2,616957316	0,003523751
ENSG00000226286.1	AL008733.1	-2,616094863	0,039607994
ENSG00000205745.2	AC083864.1	-2,61548494	0,0022124
ENSG00000215895.4	HSPA5P1	-2,615075034	0,000997099
ENSG00000157168.20	NRG1	-2,614260881	0,018837942
ENSG00000125735.11	TNFSF14	-2,611817055	0,003868462
ENSG00000180071.20	ANKRD18A	-2,611120222	0,040279333
ENSG00000140287.11	HDC	-2,610894688	0,033489219
ENSG00000186205.13	MTARC1	-2,609001513	0,016746478
ENSG00000115107.20	STEAP3	-2,60866298	0,002259889
ENSG00000103381.12	CPPED1	-2,607710761	0,000374961
ENSG00000172159.16	FRMD3	-2,607462051	0,00396299
ENSG00000214212.9	C19orf38	-2,607230006	0,006360117
ENSG00000232368.1	FTLP2	-2,604986318	0,002484256
ENSG00000213946.3	DNAJB1P1	-2,601666879	0,003297065
ENSG00000168903.9	BTNL3	-2,601661405	0,012843471
ENSG00000265658.6	MIR3690	-2,600983699	0,003757646
ENSG00000235996.1	AL136090.1	-2,600817492	0,04910291
ENSG00000268903.1	AL627309.6	-2,599795615	0,013617387
ENSG00000227018.1	IL6STP1	-2,59749964	0,000266761
ENSG00000142347.19	MYO1F	-2,597118312	0,000181377
ENSG00000268581.1	SIGLEC18P	-2,594869756	0,008459458
ENSG00000138829.12	FBN2	-2,59313434	0,023125771



ENSG00000082146.13	STRADB	-2,591582234	0,000696788
ENSG000000183542.5	KLRC4	-2,591189053	0,008362059
ENSG000000155926.14	SLA	-2,58910071	0,001660397
ENSG000000259125.1	LRP1-AS	-2,588403664	0,009028323
ENSG000000151176.8	PLBD2	-2,587283767	0,000576799
ENSG000000136830.12	NIBAN2	-2,584229907	0,006393898
ENSG000000233901.6	LINC01503	-2,581633828	0,005874116
ENSG000000171401.15	KRT13	-2,579528035	0,007814399
ENSG000000019102.12	VSIG2	-2,577900708	0,004258651
ENSG000000204614.9	TRIM40	-2,577749545	0,002090425
ENSG000000150681.10	RGS18	-2,577133654	0,002613196
ENSG000000223427.1	RBM7P1	-2,576008112	0,000580865
ENSG000000041353.10	RAB27B	-2,574822237	0,011161387
ENSG000000189067.13	LITAF	-2,573068867	0,000330506
ENSG000000204345.1	CD300LD	-2,572995622	0,010078776
ENSG000000152672.8	CLEC4F	-2,571067938	0,02191557
ENSG000000157404.16	KIT	-2,570544793	0,011642583
ENSG000000130147.16	SH3BP4	-2,569072625	0,03299449
ENSG000000102524.11	TNFSF13B	-2,568609025	0,00396036
ENSG000000126759.14	CFP	-2,568425253	0,002600265
ENSG000000283566.2	AC243725.1	-2,566085884	0,002972011
ENSG000000180138.7	CSNK1A1L	-2,566021658	0,007338217
ENSG000000179082.3	C9orf106	-2,565436808	0,005918532
ENSG000000258987.2	AL132642.1	-2,56426213	0,004403753
ENSG000000279081.2	AL356585.1	-2,563721379	0,00066273
ENSG000000104722.14	NEFM	-2,562659589	0,005843561
ENSG000000140403.12	DNAJA4	-2,562022307	0,003138402
ENSG000000235169.11	SMIM1	-2,560742638	0,010245877
ENSG000000260549.2	MT1L	-2,560442926	0,022195782
ENSG000000169564.7	PCBP1	-2,559625022	0,000376552
ENSG000000263167.1	AC115099.1	-2,557819034	0,009693412
ENSG000000115607.9	IL18RAP	-2,554999424	0,017105048
ENSG000000146648.19	EGFR	-2,549410906	0,001636595
ENSG000000251431.1	AC245884.7	-2,549264143	0,007875827
ENSG000000267259.1	ERVE-1	-2,548214255	0,044239418
ENSG000000151718.16	WWC2	-2,547475864	0,022263804
ENSG000000100311.17	PDGFB	-2,547138987	0,009252871
ENSG000000235095.1	AC099654.2	-2,543423088	0,000103836
ENSG000000233355.7	CHRM3-AS2	-2,542307976	0,018711296
ENSG000000255649.2	AC008114.1	-2,540844536	0,014306986
ENSG000000141337.12	ARSG	-2,539816459	0,001363293
ENSG000000119457.8	SLC46A2	-2,53611034	0,00784633
ENSG000000231766.1	MTCO2P5	-2,535947205	0,006909121
ENSG000000145642.12	SHISAL2B	-2,535925599	0,005627162
ENSG000000186522.15	SEPTIN10	-2,535738298	0,010056335

ENSG00000118520.15	ARG1	-2,535002808	0,008258311
ENSG00000241399.7	CD302	-2,530072845	0,00135145
ENSG00000237803.6	LINC00211	-2,527564867	0,020048178
ENSG00000225486.1	AL663058.1	-2,525895237	0,001986327
ENSG00000135218.19	CD36	-2,522940068	0,0299103
ENSG00000103154.9	NECAB2	-2,520382227	0,009534391
ENSG00000174837.15	ADGRE1	-2,518010487	0,012798969
ENSG00000211917.1	IGHD3-16	-2,513918938	0,037211648
ENSG00000184060.11	ADAP2	-2,513904887	0,014801204
ENSG00000274180.1	NATD1	-2,512324028	0,000704925
ENSG00000151023.17	ENKUR	-2,511132289	0,005521831
ENSG00000269887.1	AL391001.1	-2,509252035	0,034286724
ENSG00000132825.7	PPP1R3D	-2,508682027	1,83057E-05
ENSG00000089012.14	SIRPG	-2,507536422	0,013579664
ENSG00000288611.1	NPBWR1	-2,506502908	0,045152853
ENSG00000278189.1	RNA5-8SN1	-2,506419131	0,033119831
ENSG00000104974.12	LILRA1	-2,506341857	0,023369312
ENSG00000226012.1	AP001434.1	-2,505012597	0,035702144
ENSG00000140332.17	TLE3	-2,504936966	0,000665159
ENSG00000223750.1	SIRPB3P	-2,504066428	0,028557913
ENSG00000267385.1	AC011498.4	-2,499646342	0,003844448
ENSG00000047648.23	ARHGAP6	-2,499271104	0,023691958
ENSG00000243064.8	ABCC13	-2,49813624	0,032131802
ENSG00000178146.9	GK4P	-2,497467726	0,001805279
ENSG00000073737.17	DHRS9	-2,497151463	0,035957307
ENSG00000100346.18	CACNA1I	-2,497111789	0,01382924
ENSG00000237020.1	IGHD1-20	-2,496268974	0,034472652
ENSG00000259671.1	MTCYBP23	-2,495065612	0,039439037
ENSG00000173083.15	HPSE	-2,494015591	0,014228529
ENSG00000231528.3	FAM225A	-2,493722245	0,016114791
ENSG00000226790.3	HNRNPA3P1	-2,493305704	0,001646419
ENSG00000177191.2	B3GNT8	-2,493138263	0,001698031
ENSG00000057704.13	TMCC3	-2,491223445	0,022412635
ENSG00000239975.2	IGKV1D-33	-2,489604591	0,013943715
ENSG00000266920.1	ACTBP9	-2,489517046	0,002813707
ENSG00000116260.17	QSOX1	-2,489496267	0,001266252
ENSG00000170180.22	GYPA	-2,48892497	0,04880672
ENSG00000230330.1	HMG2P3	-2,48795996	0,001301114
ENSG00000172116.23	CD8B	-2,486307512	0,011557075
ENSG00000213522.4	RAC1P5	-2,485279909	0,003153268
ENSG00000263926.1	MIR4462	-2,48392387	0,017894407
ENSG00000237514.3	PTP4A1P7	-2,483674397	0,009196177
ENSG00000084234.18	APLP2	-2,483326723	0,002186378
ENSG00000163131.11	CTSS	-2,483272182	0,013287892
ENSG00000251435.1	C1GALT1P2	-2,482863565	0,010637583

ENSG00000187566.6	NHLRC1	-2,482330174	0,009556699
ENSG00000261549.2	AC107954.1	-2,480496875	0,001852573
ENSG00000142549.9	IGLON5	-2,480095896	0,045170044
ENSG00000214402.7	LCNL1	-2,478993679	0,047241322
ENSG00000225936.1	AL731557.1	-2,477428293	0,035687747
ENSG00000105971.15	CAV2	-2,476941148	0,041879816
ENSG00000284977.2	AL160272.1	-2,476152744	0,023185935
ENSG00000178458.5	H3P16	-2,473035707	0,002140102
ENSG00000259626.2	MTND3P12	-2,469462771	0,036672642
ENSG00000197272.2	IL27	-2,469161918	0,00998038
ENSG00000287198.1	AC092979.2	-2,46886753	0,020310621
ENSG00000164398.15	ACSL6	-2,468201815	0,020763901
ENSG00000268849.5	SIGLEC22P	-2,468096054	0,017707608
ENSG00000121552.4	CSTA	-2,467766069	0,047518708
ENSG00000150867.14	PIP4K2A	-2,466439602	0,000132525
ENSG00000229647.2	MYOSLID	-2,465405886	0,010175327
ENSG00000216490.4	IFI30	-2,463209329	0,03195093
ENSG00000162367.11	TAL1	-2,462942857	0,041025307
ENSG00000234558.1	API5P1	-2,462563757	0,000465785
ENSG00000089159.16	PXN	-2,461792857	0,0024645
ENSG00000255422.3	AP002954.1	-2,461571086	0,031602962
ENSG00000211778.2	TRAV4	-2,460824064	0,007937585
ENSG00000069482.7	GAL	-2,459998351	0,031556091
ENSG00000099985.4	OSM	-2,459351387	0,018276501
ENSG00000185215.11	TNFAIP2	-2,458680295	0,013978175
ENSG00000142494.13	SLC47A1	-2,458599305	0,039958023
ENSG00000005102.14	MEOX1	-2,456621684	0,005029331
ENSG00000269802.1	AC011491.3	-2,456175339	0,004750941
ENSG00000198018.7	ENTPD7	-2,455968135	0,000698416
ENSG00000129038.16	LOXL1	-2,454174415	0,033759357
ENSG00000163661.4	PTX3	-2,453222459	0,028504451
ENSG00000137460.9	FHDC1	-2,452217747	0,034701896
ENSG00000255587.9	RAB44	-2,449848461	0,015669598
ENSG00000234801.3	MORF4	-2,447883876	0,002853247
ENSG00000234743.1	EIF5AP4	-2,447649396	0,005389867
ENSG00000110324.11	IL10RA	-2,447107098	0,011546425
ENSG00000110077.14	MS4A6A	-2,447060813	0,047391598
ENSG00000073008.15	PVR	-2,446342537	0,013797346
ENSG00000241860.7	AL627309.5	-2,445274555	0,007013688
ENSG00000106178.7	CCL24	-2,443548687	0,045337733
ENSG00000256293.2	ATP6V1E1P3	-2,442651083	0,004210525
ENSG00000211787.1	TRAV8-3	-2,440397814	0,01000163
ENSG00000158186.13	MRAS	-2,43643386	0,042009311
ENSG00000203757.2	OR6K3	-2,435561873	0,013457587
ENSG00000126822.17	PLEKHG3	-2,435367494	0,019321944

ENSG00000155265.11	GOLGA7B	-2,435075085	0,018159301
ENSG00000014914.21	MTMR11	-2,432880988	0,04723286
ENSG00000162711.18	NLRP3	-2,43157469	0,012457296
ENSG00000151846.8	PABPC3	-2,431273133	0,001625309
ENSG00000188582.10	PAQR9	-2,430703284	0,043187052
ENSG00000207561.1	MIR635	-2,428080892	0,004854309
ENSG00000242609.1	CCDC137P	-2,425766642	0,021907603
ENSG00000238241.2	CCR12P	-2,424985056	0,018068098
ENSG00000242660.1	AC015911.1	-2,424377335	0,004990936
ENSG00000180230.6	NACAP2	-2,424335031	0,00534469
ENSG00000213362.3	FTH1P12	-2,424170688	0,009871377
ENSG00000120262.10	CCDC170	-2,422436764	0,046959783
ENSG00000124256.15	ZBP1	-2,419497861	0,015681046
ENSG00000220267.1	ACTBP8	-2,419188199	0,015992079
ENSG00000115604.11	IL18R1	-2,417964278	0,036582547
ENSG00000198216.12	CACNA1E	-2,417651563	0,036185702
ENSG00000090530.10	P3H2	-2,415844268	0,037174217
ENSG00000197208.6	SLC22A4	-2,407639652	0,006630552
ENSG00000254893.6	AC113404.3	-2,406841868	0,002249914
ENSG00000149292.17	TTC12	-2,404206257	0,014051339
ENSG00000187244.12	BCAM	-2,404029051	0,035990584
ENSG00000276961.1	MIR7848	-2,403209815	0,021172823
ENSG00000170271.11	FAXDC2	-2,402808128	0,004864726
ENSG00000070540.13	WIPI1	-2,402692993	0,006572576
ENSG00000134278.15	SPIRE1	-2,402692572	0,027821341
ENSG00000151651.16	ADAM8	-2,401490792	0,017959866
ENSG00000260174.1	SYNGR2P1	-2,399811408	0,002712505
ENSG00000237415.2	NRBF2P3	-2,399111562	0,010127147
ENSG00000065618.21	COL17A1	-2,396468733	0,02305856
ENSG00000213820.3	RPL13P2	-2,393222635	0,011184847
ENSG00000255642.1	PABPC1P4	-2,39295854	0,003445173
ENSG00000117984.15	CTSD	-2,391225055	0,024004888
ENSG00000286055.1	AC093890.2	-2,390977408	0,032227786
ENSG00000204131.9	NHSL2	-2,390904122	0,03731858
ENSG00000255367.3	AC127526.2	-2,39016148	0,033323364
ENSG00000273679.1	AC100757.1	-2,390105052	0,008209475
ENSG00000288658.1	AC010980.1	-2,389991367	0,039985192
ENSG00000088992.18	TESC	-2,389548669	0,027924805
ENSG00000266401.2	AP002478.1	-2,387057251	0,022472751
ENSG00000253415.1	AC016877.2	-2,384534352	0,022040782
ENSG00000228685.1	AL365356.2	-2,384167178	0,025360865
ENSG00000170074.19	FAM153A	-2,382373734	0,022994418
ENSG00000255571.9	MIR9-3HG	-2,382301957	0,038042575
ENSG00000254477.2	AP000640.1	-2,382157974	0,019232511
ENSG00000196329.11	GIMAP5	-2,380173565	0,036195546

ENSG00000254470.3	AP5B1	-2,379425503	0,010843913
ENSG00000231246.2	LINC02884	-2,378974079	0,025903378
ENSG00000230469.1	RPL5P26	-2,378110196	0,013954115
ENSG00000251429.1	AIDAP2	-2,377298819	0,030084483
ENSG00000197415.12	VEPH1	-2,37678938	0,016597503
ENSG00000270390.1	SFXN4P1	-2,375834671	0,040181617
ENSG00000244071.1	RPL9P33	-2,373045224	0,040431888
ENSG00000263155.6	MYZAP	-2,37255069	0,045689772
ENSG00000226025.9	LGALS17A	-2,371276851	0,016253848
ENSG00000147036.12	LANCL3	-2,371187106	0,034905445
ENSG00000236562.4	IFITM3P1	-2,368426484	0,014968595
ENSG00000198416.9	ZNF658B	-2,365870339	0,014933036
ENSG00000259010.1	NUP50P1	-2,365840018	0,009145082
ENSG00000180113.16	TDRD6	-2,364074992	0,039173873
ENSG00000166664.14	CHRFAM7A	-2,361456561	0,033006458
ENSG00000036565.15	SLC18A1	-2,360616319	0,020854787
ENSG00000171860.5	C3AR1	-2,359369926	0,043725129
ENSG00000284618.1	AL391294.1	-2,356479651	0,01170119
ENSG00000273812.3	BX640514.2	-2,355296364	0,021584032
ENSG00000260231.2	KDM7A-DT	-2,353471421	0,011610775
ENSG00000080561.14	MID2	-2,350272962	0,048575491
ENSG00000282416.1	AC092299.1	-2,349115655	0,016921563
ENSG00000177374.13	HIC1	-2,347782369	0,021173418
ENSG00000233429.9	HOTAIRM1	-2,34771264	0,032884353
ENSG00000231989.5	PPP1R2B	-2,345220625	0,006919226
ENSG00000230113.1	AC138207.1	-2,345141347	0,03570269
ENSG00000258903.2	AL390816.2	-2,344663354	0,032662191
ENSG00000117560.8	FASLG	-2,344559917	0,03720343
ENSG00000249007.1	AL691482.3	-2,342276695	0,023864457
ENSG00000170209.5	ANKK1	-2,340555648	0,019325049
ENSG00000233543.1	CHTF8P1	-2,339681626	0,018864346
ENSG00000169605.7	GKN1	-2,338691739	0,036404013
ENSG00000100368.14	CSF2RB	-2,33856659	0,030274493
ENSG00000117298.16	ECE1	-2,334139328	0,033186513
ENSG00000226964.1	RHEBP2	-2,333975484	0,015783729
ENSG00000175538.11	KCNE3	-2,331953118	0,03538202
ENSG00000211788.2	TRAV13-1	-2,328726947	0,036391002
ENSG00000249026.2	CTNNA1P1	-2,32519961	0,015925236
ENSG00000249031.1	SUMO2P6	-2,315850495	0,020797028
ENSG00000211795.3	TRAV8-6	-2,31394013	0,030913695
ENSG00000283787.2	PRR33	-2,313676008	0,039770964
ENSG00000211734.3	TRBV5-1	-2,311701813	0,046715022
ENSG00000253213.1	USP12P1	-2,311310386	0,027753833
ENSG00000281958.1	TRBJ1-4	-2,309506773	0,036616221
ENSG00000120306.11	CYSTM1	-2,309484119	0,03866912



ENSG00000229781.1	RRN3P4	-2,304455741	0,047680692
ENSG00000117643.14	MAN1C1	-2,297677652	0,047811705
ENSG00000259904.1	ACTG1P15	-2,297183736	0,027991106
ENSG00000125084.12	WNT1	-2,296696624	0,049027506
ENSG00000211803.2	TRAV23DV6	-2,295457478	0,040094248
ENSG00000242068.1	AC108734.3	-2,295115881	0,041013613
ENSG00000260953.1	AC009093.4	-2,292875157	0,022275331
ENSG00000237456.3	ID2B	-2,289304601	0,034419624
ENSG00000136040.9	PLXNC1	-2,286442925	0,041411836
ENSG00000250076.1	MAPRE1P2	-2,286072037	0,029234448
ENSG00000111245.17	MYL2	-2,280479395	0,029475683
ENSG00000277914.1	DDX6P2	-2,275112903	0,013579
ENSG00000168758.11	SEMA4C	-2,271080346	0,038624856
ENSG00000143382.15	ADAMTSL4	-2,270979627	0,040925804
ENSG00000251333.3	RTN3P1	-2,268068632	0,020101136
ENSG00000175841.8	FAM172BP	-2,265704078	0,043141184
ENSG00000265626.1	AC139085.1	-2,264655738	0,029520742
ENSG00000211799.3	TRAV19	-2,262003794	0,04628027
ENSG00000211750.2	TRBV24-1	-2,254799166	0,04330101
ENSG00000101493.11	ZNF516	-2,252813286	0,036985763
ENSG00000232391.1	RANP2	-2,252085797	0,035469387
ENSG00000177311.11	ZBTB38	-2,251290695	0,042097409
ENSG00000186676.3	EEF1GP1	-2,250034842	0,048583975
ENSG00000211800.3	TRAV20	-2,249001442	0,044322555
ENSG00000059728.11	MXD1	-2,242380702	0,032057117
ENSG00000130545.16	CRB3	-2,237999932	0,026275973
ENSG00000240914.1	RPL15P2	-2,237109095	0,049670778
ENSG00000228051.1	WBP11P3	-2,230061535	0,0371828
ENSG00000241839.10	PLEKHO2	-2,226235875	0,036180878
ENSG00000270978.1	AC091982.2	-2,223376732	0,047625712
ENSG00000241456.1	AC005996.1	-2,22287457	0,048675121
ENSG00000253899.1	AC067904.2	-2,22190915	0,040820738
ENSG00000259516.2	ANP32AP1	-2,220521262	0,031313594
ENSG00000269378.1	ITGB1P1	-2,20462074	0,032235396
ENSG00000259144.2	RANBP20P	-2,202359829	0,02717883
ENSG00000204434.6	POTEKP	-2,196297415	0,043414812
ENSG00000213260.3	YWHAZP5	-2,193741179	0,044538494
ENSG00000258895.1	AC104390.1	-2,17825439	0,049734727