

Cuadro 9. Genes sobreexpresados en LMA respecto a los controles sanos. Se muestra la tabla de genes sobreexpresados obtenidos en el contraste experimental de LMA vs. Controles sanos (1472 genes).

<i>Identificador</i>	Nombre del gen	logFC	p-valor
ENSG00000225840.2	AC010970.1	11,29820417	6,7956E-10
ENSG00000203396.3	AL512646.1	8,686806882	1,34083E-08
ENSG00000283907.1	AD000090.1	8,619354568	5,55304E-11
ENSG00000248347.3	AC120036.1	8,203783635	1,71466E-10
ENSG00000225988.1	LAMP5-AS1	7,627850204	1,16566E-06
ENSG00000227706.4	AL713998.1	7,382209708	4,98522E-10
ENSG00000164853.9	UNCX	7,285990942	5,33924E-09
ENSG00000209082.1	MT-TL1	7,19841348	8,83747E-08
ENSG00000287083.1	AC108169.1	7,123386237	1,52604E-06
ENSG00000079102.16	RUNX1T1	7,098450943	7,63418E-09
ENSG00000280800.1	FP671120.6	7,059311621	1,59872E-08
ENSG00000080709.16	KCNN2	6,835793319	9,80386E-08
ENSG00000210077.1	MT-TV	6,728160496	1,89654E-06
ENSG00000259439.2	LINC01833	6,703141836	3,1051E-07
ENSG00000268940.5	CT45A1	6,68727415	5,91798E-06
ENSG00000182263.14	FIGN	6,649477036	4,30713E-07
ENSG00000287719.1	AP001531.1	6,576396123	3,30845E-07
ENSG00000143839.15	REN	6,491401556	9,58627E-09
ENSG00000176887.7	SOX11	6,464812637	4,63309E-06
ENSG00000236824.2	BCYRN1	6,435975135	8,15847E-12
ENSG00000150275.19	PCDH15	6,433087877	5,7127E-07
ENSG00000260182.1	AC120498.2	6,4064062	8,96723E-11
ENSG00000250986.1	LINC02600	6,383067514	2,67396E-08
ENSG00000138083.5	SIX3	6,330953131	8,38073E-08
ENSG00000102854.16	MSLN	6,305843474	2,26603E-09
ENSG00000287335.1	AL139351.3	6,30324233	6,96713E-07
ENSG00000102287.19	GABRE	6,300563234	9,79933E-08
ENSG00000005073.6	HOXA11	6,298051822	1,45332E-10
ENSG00000109158.11	GABRA4	6,282927353	2,24546E-06
ENSG00000182601.7	HS3ST4	6,229246382	1,52838E-06
ENSG00000286179.1	AL139351.2	6,214380662	2,2157E-07
ENSG00000257114.3	LINC02450	6,188788966	1,16051E-07
ENSG00000238194.2	PHACTR3-AS1	6,165567254	2,39006E-05
ENSG00000158258.16	CLSTN2	6,114847168	1,16743E-09
ENSG00000164825.4	DEFB1	6,023187098	4,71063E-09
ENSG00000170561.13	IRX2	6,01288226	9,47596E-05
ENSG00000060718.22	COL11A1	5,976836384	8,79693E-07
ENSG00000113100.10	CDH9	5,969796923	2,81405E-08
ENSG00000188393.9	CLEC2A	5,924193373	4,65059E-07
ENSG00000152192.8	POU4F1	5,897577538	4,73328E-07

ENSG00000185008.17	ROBO2	5,893012824	4,7755E-07
ENSG00000188620.11	HMX3	5,82781106	7,12068E-07
ENSG00000249072.1	AC114801.3	5,741716963	2,34863E-06
ENSG00000249797.2	LINC02147	5,67840129	8,90007E-08
ENSG00000147255.19	IGSF1	5,677510381	5,24607E-08
ENSG00000251381.8	LINC00958	5,670083234	2,66531E-08
ENSG00000205696.4	ADARB2-AS1	5,668091708	2,40323E-05
ENSG00000268388.6	FENDRR	5,643646951	2,95566E-06
ENSG00000064692.20	SNCAIP	5,63164396	2,86883E-07
ENSG00000274736.5	CCL23	5,596053307	4,5893E-10
ENSG00000078295.17	ADCY2	5,565389675	5,23117E-08
ENSG00000224968.2	LINC01645	5,564250719	2,96163E-06
ENSG00000135744.8	AGT	5,563752849	1,45366E-07
ENSG00000234717.2	TMEM212-AS1	5,560639639	4,14701E-05
ENSG00000176076.7	KCNE5	5,528716248	9,55211E-08
ENSG00000188816.3	HMX2	5,52051523	3,54472E-05
ENSG00000074047.22	GLI2	5,432722598	1,39214E-06
ENSG00000187772.8	LIN28B	5,42448986	4,91635E-05
ENSG00000145242.13	EPHA5	5,420906108	0,000259605
ENSG00000249297.2	LINC02174	5,410638482	1,01726E-06
ENSG00000249763.1	AC114786.1	5,40507064	6,31112E-07
ENSG00000185274.12	GALNT17	5,400068345	5,02357E-06
ENSG00000234373.1	SNX18P7	5,388532739	1,37968E-07
ENSG00000211459.2	MT-RNR1	5,382731505	5,78298E-11
ENSG00000250337.7	PURPL	5,36693952	3,1218E-06
ENSG00000137558.9	PI15	5,354512429	6,42718E-07
ENSG00000095917.14	TPSD1	5,342864864	3,45049E-08
ENSG00000182168.15	UNC5C	5,339830968	7,86902E-07
ENSG00000286934.1	AC027251.1	5,339532811	0,00029484
ENSG00000288536.1	AF222684.1	5,336653487	5,19311E-06
ENSG00000242985.3	RN7SL50P	5,321178876	6,76978E-05
ENSG00000168843.14	FSTL5	5,291229984	0,000140319
ENSG00000210144.1	MT-TY	5,285386463	1,29643E-07
ENSG00000079689.14	SCGN	5,270302913	1,20505E-05
ENSG00000137673.9	MMP7	5,261799449	1,61206E-07
ENSG00000125255.7	SLC10A2	5,258358422	3,05217E-05
ENSG00000129152.4	MYOD1	5,251929202	5,47474E-05
ENSG00000223601.2	EBLN1	5,246608008	2,47206E-05
ENSG00000101134.12	DOK5	5,243979747	7,13721E-05
ENSG00000162981.14	LRATD1	5,224605211	2,48972E-06
ENSG00000244514.3	RN7SL125P	5,21170483	3,59314E-08
ENSG00000271776.1	AL445209.1	5,205357354	2,59719E-05
ENSG00000253474.2	AC044893.1	5,198188413	1,38577E-05
ENSG00000234170.6	LINC02645	5,175910563	0,000103682
ENSG00000118523.6	CCN2	5,172877961	8,66604E-07

ENSG00000197503.4	LINC00477	5,168497745	8,00094E-06
ENSG00000199666.2	SNORD3G	5,109111621	0,000670022
ENSG00000197253.13	TPSB2	5,10326361	5,79771E-08
ENSG00000287785.1	AC103833.2	5,101347929	1,96306E-05
ENSG00000285882.1	AC093516.1	5,097381075	0,000203869
ENSG00000276713.1	Metazoa_SRP	5,093856379	7,62046E-06
ENSG00000153956.16	CACNA2D1	5,077409774	1,01693E-05
ENSG00000270182.1	AC004080.4	5,076960871	1,76861E-06
ENSG00000264169.2	RN7SL665P	5,052200233	8,70872E-10
ENSG00000146352.13	CLVS2	5,050551451	4,49202E-05
ENSG00000108702.4	CCL1	5,042399122	9,44135E-06
ENSG00000144820.8	ADGRG7	5,031465407	5,11822E-05
ENSG00000170893.4	TRH	5,026400999	1,0276E-06
ENSG00000250433.1	CLSTN2-AS1	5,025645443	1,4828E-05
ENSG00000242795.2	AC007849.1	5,022973973	8,76374E-05
ENSG00000112276.14	BVES	5,000755763	1,51332E-06
ENSG00000181433.9	SAGE1	4,999499549	6,84679E-07
ENSG00000237849.1	NFYAP1	4,994084325	0,000220646
ENSG00000144724.20	PTPRG	4,993997733	2,71046E-07
ENSG00000106031.9	HOXA13	4,977249818	2,2791E-06
ENSG00000266217.2	CTSLP2	4,965708639	7,30183E-06
ENSG00000205358.4	MT1H	4,960002842	0,000377251
ENSG00000280081.4	LINC01667	4,945554898	2,88765E-05
ENSG00000210082.2	MT-RNR2	4,94442499	2,10744E-11
ENSG00000005108.16	THSD7A	4,943580522	8,83757E-07
ENSG00000117114.20	ADGRL2	4,943103226	4,05938E-06
ENSG00000139915.21	MDGA2	4,931338732	1,4197E-05
ENSG00000132975.8	GPR12	4,928468942	1,68548E-07
ENSG00000271455.1	AC112187.2	4,92616457	2,91341E-05
ENSG00000249618.6	LINC02465	4,920182475	4,63632E-05
ENSG00000139329.5	LUM	4,912644518	2,07301E-06
ENSG00000281383.1	FP671120.7	4,911047657	5,4247E-08
ENSG00000260139.6	CSPG4P13	4,893366886	8,18034E-07
ENSG00000155052.14	CNTNAP5	4,893295025	0,00022497
ENSG00000128714.6	HOXD13	4,88379491	0,000151923
ENSG00000226562.4	CYP4F26P	4,883738708	3,12103E-08
ENSG00000151834.16	GABRA2	4,883162409	3,42745E-05
ENSG00000163497.3	FEV	4,876035354	0,000195648
ENSG00000125144.14	MT1G	4,87344025	2,03199E-06
ENSG00000260255.1	AC093524.1	4,862307357	0,0002146
ENSG00000242671.2	LINC02010	4,840350334	0,000318731
ENSG00000044524.11	EPHA3	4,827954229	8,44525E-05
ENSG00000077327.16	SPAG6	4,814404466	6,90031E-07
ENSG00000227121.2	LINC02672	4,813359805	0,000452813
ENSG00000287579.1	AC139491.8	4,800744653	6,36339E-05

ENSG00000279439.1	AC105114.1	4,80050672	5,22762E-07
ENSG00000234177.5	LINC01114	4,794485344	1,55815E-07
ENSG00000170370.12	EMX2	4,794159525	7,98938E-05
ENSG00000128709.13	HOXD9	4,788730838	0,000160342
ENSG00000278862.1	AC092724.1	4,779006726	4,12386E-06
ENSG00000264434.2	AC110603.1	4,776088579	2,40097E-07
ENSG00000229855.9	AC008568.1	4,772298588	1,01102E-05
ENSG00000241743.4	XACT	4,763898132	1,63727E-08
ENSG00000285662.2	FAM245B	4,75573073	1,54287E-08
ENSG00000219438.9	TAF4A5	4,754034089	4,66296E-05
ENSG00000180785.10	OR51E1	4,753491035	0,000137308
ENSG00000067798.16	NAV3	4,753356597	2,96338E-06
ENSG00000204706.14	MAMDC2-AS1	4,745790257	7,72732E-10
ENSG00000287281.1	AC012101.2	4,741947042	3,02734E-05
ENSG00000206195.11	DUXAP8	4,73168391	6,57047E-06
ENSG00000204682.8	MIR1915HG	4,727982954	5,85288E-09
ENSG00000266976.3	AC079466.1	4,727781464	1,00976E-05
ENSG00000172482.5	AGXT	4,723112476	1,19999E-06
ENSG00000112837.17	TBX18	4,72025977	2,20754E-05
ENSG00000102104.9	RS1	4,718878612	3,1939E-05
ENSG00000232431.3	AC055876.1	4,717619339	2,92501E-06
ENSG00000267453.7	CLEC4O	4,714834066	6,20665E-06
ENSG00000264582.2	RN7SL326P	4,709727558	1,9929E-06
ENSG00000225210.10	DUXAP9	4,701817291	8,23461E-05
ENSG00000224750.6	AL391704.1	4,696896352	0,000909671
ENSG00000176435.7	CLEC14A	4,693897628	2,50331E-06
ENSG00000271952.2	LINC01954	4,690842119	0,000145223
ENSG00000244112.3	RN7SL508P	4,690773559	5,57954E-06
ENSG00000286680.1	AL713998.3	4,688256324	0,001285484
ENSG00000109705.8	NKX3-2	4,686912035	9,60377E-05
ENSG00000133101.10	CCNA1	4,680487723	3,48769E-08
ENSG00000165072.10	MAMDC2	4,673936291	5,33563E-09
ENSG00000256797.1	KLRF2	4,666019999	2,71733E-05
ENSG00000275337.1	RN7SL680P	4,664100934	1,02995E-05
ENSG00000257654.1	AC125603.1	4,65031628	6,37923E-08
ENSG00000277128.2	AL589743.3	4,648574282	0,000143776
ENSG00000183242.12	WT1-AS	4,64829873	5,42405E-10
ENSG00000275427.1	AF067845.2	4,647854311	5,20275E-05
ENSG00000182676.5	PPP1R27	4,647267611	1,31114E-07
ENSG00000235492.1	LINC01221	4,647147149	0,000298918
ENSG00000101276.18	SLC52A3	4,641279986	5,70859E-09
ENSG00000227674.3	LINC00355	4,640727838	2,66944E-05
ENSG00000286500.1	AL512643.2	4,632545937	0,000259793
ENSG00000258168.6	AC025569.1	4,627971726	8,35137E-07
ENSG00000172236.18	TPSAB1	4,62656515	9,2396E-07

ENSG00000251691.2	AC114786.3	4,603868469	4,07598E-05
ENSG00000254369.6	HOXA-AS3	4,60223569	2,71102E-07
ENSG00000204603.7	LINC01257	4,597790688	1,59119E-06
ENSG00000230882.1	AC005077.4	4,593411967	9,44407E-06
ENSG00000257883.1	AC125603.2	4,589538771	1,52624E-07
ENSG00000280255.1	AC004947.2	4,584678526	2,39129E-05
ENSG00000137573.14	SULF1	4,583143396	2,58648E-05
ENSG00000242066.3	RN7SL214P	4,583140788	1,11248E-05
ENSG00000171509.16	RXFP1	4,580043784	7,23142E-08
ENSG00000230690.2	AC013402.1	4,57488027	9,52285E-05
ENSG00000280155.1	AL021408.2	4,563074807	5,54091E-05
ENSG00000173452.14	TMEM196	4,552823102	9,94581E-05
ENSG00000181195.11	PENK	4,552682316	9,35511E-06
ENSG00000240990.10	HOXA11-AS	4,546490944	1,55354E-06
ENSG00000283183.2	AC116565.1	4,53936852	4,45212E-05
ENSG00000248801.7	C8orf34-AS1	4,533304647	0,000793159
ENSG00000185686.18	PRAME	4,532743989	1,60799E-05
ENSG00000109738.11	GLRB	4,526379904	6,38144E-05
ENSG00000259200.2	AC068722.1	4,525634377	0,000132267
ENSG00000154864.13	PIEZO2	4,525424157	9,12831E-07
ENSG00000144619.15	CNTN4	4,517507517	1,11082E-05
ENSG00000285838.2	AL646090.2	4,509567659	0,000517571
ENSG00000163331.12	DAPL1	4,508965265	6,80023E-06
ENSG00000281181.1	FP236383.5	4,49727776	4,64828E-05
ENSG00000118733.17	OLFM3	4,497073096	0,000100357
ENSG00000145794.17	MEGF10	4,493269383	2,59248E-07
ENSG00000134138.20	MEIS2	4,486953256	7,07691E-06
ENSG00000250241.6	AC105383.1	4,480751321	0,000287001
ENSG00000205212.5	CCDC144NL	4,472738544	3,13134E-05
ENSG00000173546.7	CSPG4	4,471824547	7,6828E-08
ENSG00000233451.1	AL513128.1	4,468418036	2,61767E-05
ENSG00000163071.11	SPATA18	4,465737012	2,36667E-06
ENSG00000233098.9	CCDC144NL- AS1	4,461462006	2,11055E-05
ENSG00000235096.2	AC118555.1	4,45778685	2,8878E-11
ENSG00000242855.3	RN7SL496P	4,448906351	1,11794E-05
ENSG00000228842.3	PCDH9-AS2	4,437736982	0,001528838
ENSG00000285595.1	AC105114.2	4,436126711	5,78249E-07
ENSG00000287169.1	AC107050.1	4,434720044	0,00165369
ENSG00000113396.13	SLC27A6	4,428975743	3,98828E-07
ENSG00000096264.14	NCR2	4,421332465	2,46408E-05
ENSG00000271474.1	AC106881.1	4,418926213	1,56801E-05
ENSG00000136535.15	TBR1	4,418377524	1,88551E-05
ENSG00000124440.16	HIF3A	4,395914365	6,19777E-06
ENSG00000232192.1	KIF26B-AS1	4,38605387	3,48322E-06

ENSG00000180592.17	SKIDA1	4,385288683	2,90085E-08
ENSG00000145808.10	ADAMTS19	4,384963101	0,001448399
ENSG00000215808.4	LINC01139	4,383686236	0,000812868
ENSG00000184564.11	SLITRK6	4,377215797	0,000234254
ENSG00000233430.3	AC239798.1	4,376314943	0,000166625
ENSG00000164485.15	IL22RA2	4,375432821	0,000134212
ENSG00000285498.1	AC104389.7	4,37351523	4,57945E-05
ENSG00000226520.1	KIRREL1-IT1	4,37162541	0,000146198
ENSG00000269888.1	AC112491.1	4,370160277	0,00122514
ENSG00000166426.8	CRABP1	4,36648935	3,79411E-05
ENSG00000283273.1	AC138649.5	4,366209678	5,0231E-05
ENSG00000227579.6	AL136114.1	4,362090451	0,000720093
ENSG00000242341.3	RN7SL646P	4,356099493	5,86625E-08
ENSG00000137473.18	TTC29	4,353292165	0,000570951
ENSG00000006611.17	USH1C	4,350438587	0,000129647
ENSG00000241246.3	RN7SL302P	4,350365727	2,69555E-07
ENSG0000022355.18	GABRA1	4,347891544	0,0017845
ENSG00000244306.11	DUXAP10	4,341710421	2,89442E-05
ENSG00000278746.1	RN7SL660P	4,337820068	4,35711E-06
ENSG00000170703.15	TTLL6	4,328500905	4,63868E-08
ENSG00000266369.1	AC090774.2	4,328306601	0,000118117
ENSG00000266187.2	RN7SL480P	4,327625368	1,42562E-06
ENSG00000153993.13	SEMA3D	4,324947392	3,69366E-05
ENSG00000280913.2	CTSLP3	4,324179835	6,25465E-07
ENSG00000264940.5	SNORD3C	4,317840143	1,76751E-06
ENSG00000183798.5	EMILIN3	4,317249604	8,91406E-05
ENSG00000118946.12	PCDH17	4,316510573	8,17943E-05
ENSG00000250891.2	LINC02208	4,311143835	3,29851E-06
ENSG00000250423.2	KIAA1210	4,311044855	3,88682E-05
ENSG00000286212.2	AC097654.1	4,307816241	0,000147915
ENSG00000279091.1	AC026523.2	4,300233614	0,00027181
ENSG00000274383.1	AC103691.1	4,292554677	4,6423E-07
ENSG00000283647.1	AL512643.1	4,292131594	0,000799008
ENSG00000275110.1	AL928646.1	4,276681901	0,000276259
ENSG00000200959.1	SNORA74A	4,272532966	1,11893E-06
ENSG00000237816.1	RPL21P109	4,27029307	1,2081E-06
ENSG00000122592.8	HOXA7	4,266672548	1,45919E-06
ENSG00000223392.1	CLDN10-AS1	4,264345898	0,000129122
ENSG00000287407.1	AL596442.3	4,26317162	7,0649E-06
ENSG00000122585.8	NPY	4,261090621	0,000587775
ENSG00000114204.15	SERPINI2	4,252030504	2,447E-09
ENSG00000263381.1	MIR5584	4,247592003	1,72487E-09
ENSG00000138650.9	PCDH10	4,246600324	0,000491603
ENSG00000280443.1	AL136313.1	4,244409906	5,04418E-05
ENSG00000214548.18	MEG3	4,241114732	0,000113509

ENSG00000286816.1	AP005273.2	4,240961559	9,70496E-06
ENSG00000103241.7	FOXF1	4,237193064	8,76372E-05
ENSG00000259993.1	AC135731.1	4,23409611	1,08587E-05
ENSG00000125869.10	LAMP5	4,227095287	0,000175591
ENSG00000230749.5	MEIS1-AS2	4,221440161	2,32391E-07
ENSG00000185332.8	TMEM105	4,217599474	1,07832E-06
ENSG00000117407.17	ARTN	4,216208333	1,09477E-09
ENSG00000287804.1	Z98745.2	4,211974619	3,87629E-05
ENSG00000225172.6	AC096631.1	4,206998794	4,77458E-05
ENSG00000136352.19	NKX2-1	4,206810977	0,003150059
ENSG00000260918.1	AC107398.3	4,192193617	5,81885E-05
ENSG00000070193.5	FGF10	4,188430097	0,000471761
ENSG00000172752.14	COL6A5	4,174531596	4,5138E-05
ENSG00000275805.1	AC090206.1	4,174082715	2,6889E-06
ENSG00000285534.1	AL163541.1	4,169721251	6,68973E-08
ENSG00000263961.8	RHEX	4,166740284	2,45284E-08
ENSG00000203963.11	C1orf141	4,16412867	9,27212E-05
ENSG00000213956.4	AC112187.1	4,163413457	9,41078E-06
ENSG00000253116.1	AC027698.1	4,162934537	0,000327601
ENSG00000282692.1	AC129915.3	4,162614656	0,000318067
ENSG00000213759.10	UGT2B11	4,153360026	5,56882E-06
ENSG00000232675.7	AL121830.1	4,150454903	5,30725E-06
ENSG00000285108.1	AC103718.1	4,141789551	3,11821E-06
ENSG00000272235.1	AL590438.1	4,137747083	1,80219E-05
ENSG00000182632.15	CCNYL2	4,13036709	0,000722083
ENSG00000271113.1	AC079089.3	4,111597208	3,44438E-05
ENSG00000178568.15	ERBB4	4,107104767	0,00032706
ENSG00000172264.17	MACROD2	4,097545982	2,29543E-07
ENSG00000164946.20	FREM1	4,09320068	0,000266981
ENSG00000128422.17	KRT17	4,087057462	7,97319E-05
ENSG00000253523.1	AC104350.1	4,084855462	0,001160636
ENSG00000250696.5	AC111000.4	4,077723718	6,94556E-06
ENSG00000133105.8	RXFP2	4,06119833	4,01567E-07
ENSG00000230453.9	ANKRD18B	4,060669899	1,40402E-05
ENSG00000198842.10	STYXL2	4,058178361	6,76105E-06
ENSG00000087495.17	PHACTR3	4,057453236	8,4921E-05
ENSG00000263993.2	RN7SL786P	4,056173164	5,02193E-05
ENSG00000200156.1	RNU5B-1	4,056004497	4,84141E-07
ENSG00000064195.7	DLX3	4,052606522	0,000167321
ENSG00000263677.2	AC012588.1	4,05012965	3,99183E-06
ENSG00000142619.4	PADI3	4,049630935	7,24448E-05
ENSG00000145864.14	GABRB2	4,045762191	0,000694318
ENSG00000186329.9	TMEM212	4,045171101	7,56694E-05
ENSG00000288048.1	AC104088.3	4,044123662	7,45492E-06
ENSG00000253420.1	AC103853.1	4,034015747	0,002699973

ENSG00000234147.1	AL035446.1	4,024393981	3,05739E-05
ENSG00000165966.16	PDZRN4	4,024039226	0,000100069
ENSG00000235026.6	DPP10-AS1	4,020281395	0,00084153
ENSG00000261154.1	LINC02131	4,020215034	0,001648403
ENSG00000253217.1	AP001574.1	4,018662354	0,000235685
ENSG00000159217.10	IGF2BP1	4,018483698	9,9522E-05
ENSG00000212195.2	U3	4,01423854	3,85014E-10
ENSG00000237636.3	ANKRD26P3	4,012175283	0,000149698
ENSG00000103710.11	RASL12	4,010335858	0,00064822
ENSG00000198797.7	BRINP2	3,999766685	0,000817215
ENSG00000210112.1	MT-TM	3,999625924	0,001559418
ENSG00000253236.2	LINC02143	3,999595843	0,003075268
ENSG00000200997.1	RNVU1-34	3,997701424	5,21934E-05
ENSG00000009709.12	PAX7	3,994425403	0,001031378
ENSG00000163285.8	GABRG1	3,993861024	0,000704235
ENSG00000275803.1	RN7SL736P	3,990334285	4,81798E-06
ENSG00000111218.12	PRMT8	3,985113696	0,000460776
ENSG00000234854.1	LINC00676	3,983424283	9,95457E-07
ENSG00000287064.1	AL606500.1	3,974873422	6,15481E-05
ENSG00000145087.13	STXBP5L	3,972488946	1,67613E-05
ENSG00000262400.1	AL590084.3	3,972062855	2,5778E-05
ENSG00000163106.11	HPGDS	3,958917991	1,99733E-05
ENSG00000260599.1	AC011467.1	3,955029884	0,003781824
ENSG00000276545.1	PCDHGB9P	3,953510862	2,15055E-07
ENSG00000165164.14	CFAP47	3,952559707	2,41375E-05
ENSG00000128710.6	HOXD10	3,951067845	0,003738215
ENSG00000285588.1	AL160254.1	3,951043306	0,004550875
ENSG00000119547.6	ONECUT2	3,947502035	0,000152528
ENSG00000168952.15	STXBP6	3,945792291	7,54055E-05
ENSG00000185559.16	DLK1	3,942025916	0,000119261
ENSG00000253625.1	IGKV2-23	3,941241765	1,30029E-05
ENSG00000228496.1	AC106875.1	3,936855674	0,00101529
ENSG00000276956.1	RN7SL769P	3,936748849	5,02563E-06
ENSG00000113361.13	CDH6	3,930788249	0,000407001
ENSG00000106541.12	AGR2	3,920944311	3,72425E-05
ENSG00000235020.5	AL390783.1	3,91902678	0,000336217
ENSG00000288595.1	AC236668.1	3,914803379	3,3671E-05
ENSG00000232555.2	AC104088.1	3,914704975	2,50159E-05
ENSG00000266420.2	RN7SL118P	3,914451249	4,30344E-08
ENSG00000163792.6	TCF23	3,911690212	8,57818E-05
ENSG0000018236.15	CNTN1	3,910607378	0,000255779
ENSG00000154654.15	NCAM2	3,908237349	0,000146363
ENSG00000171724.3	VAT1L	3,90418587	0,001040553
ENSG00000244694.7	PTCHD4	3,902768148	0,000878386
ENSG00000287134.1	AC106845.1	3,901288907	8,55031E-05

ENSG00000279717.1	AC005336.3	3,899139147	4,31223E-05
ENSG00000185904.12	LINC00839	3,897899113	0,000234613
ENSG00000186472.20	PCLO	3,893796882	0,00038446
ENSG00000150471.16	ADGRL3	3,888764697	0,000233387
ENSG00000187955.12	COL14A1	3,874100255	5,43662E-05
ENSG00000130528.12	HRC	3,872235768	9,83994E-05
ENSG00000106006.6	HOXA6	3,870775541	2,76752E-05
ENSG00000225000.1	AC010082.1	3,860494558	1,52146E-06
ENSG00000187546.14	AGMO	3,856365522	0,000392523
ENSG00000217236.2	SP9	3,855241876	0,004148123
ENSG00000120068.7	HOXB8	3,845556507	0,000267872
ENSG00000253821.2	AC090796.1	3,845153904	0,00051739
ENSG00000078399.19	HOXA9	3,839744698	5,60058E-05
ENSG00000277062.1	RN7SL88P	3,838269521	0,000165357
ENSG00000147488.11	ST18	3,833399631	0,000172834
ENSG00000271026.1	KATNBL1P1	3,831659328	9,2756E-07
ENSG00000147206.17	NXF3	3,831225671	1,07316E-05
ENSG00000225930.4	LINC02249	3,830477562	1,67922E-05
ENSG00000253578.1	IGKV1-22	3,825331617	2,24404E-05
ENSG00000244227.7	LRRC77P	3,823152068	0,000224733
ENSG00000254109.6	RBPM5-AS1	3,822988172	3,23211E-05
ENSG00000233101.10	HOXB-AS3	3,822034125	9,46283E-05
ENSG00000198795.11	ZNF521	3,817409791	3,17868E-05
ENSG00000091181.20	IL5RA	3,814918622	4,70233E-06
ENSG00000253187.2	HOXA10-AS	3,8112727	3,41983E-06
ENSG00000287431.1	AC027601.5	3,806693602	5,5711E-06
ENSG00000163751.4	CPA3	3,8027019	2,21751E-05
ENSG00000240103.2	AC132825.1	3,79970865	0,000478257
ENSG00000175497.17	DPP10	3,795009611	0,000420092
ENSG00000225585.1	IPPKP1	3,793215797	8,2183E-06
ENSG00000214748.2	AL355309.1	3,793014301	0,000223918
ENSG00000239702.3	RN7SL507P	3,789149282	0,000103032
ENSG00000264714.1	KIAA0895LP1	3,788816995	7,75173E-05
ENSG00000112414.15	ADGRG6	3,779978434	0,000688451
ENSG00000224400.5	AC010880.1	3,776578947	3,57968E-05
ENSG00000233718.8	MYCNOS	3,775081418	7,83336E-06
ENSG00000222755.1	RN7SKP206	3,774442588	0,000272506
ENSG00000265369.3	PCAT18	3,771364499	2,05665E-05
ENSG00000122420.10	PTGFR	3,770975105	0,000194869
ENSG00000143340.6	FAM163A	3,770669322	0,000603139
ENSG00000106236.4	NPTX2	3,76631834	0,000171767
ENSG00000203808.12	BVES-AS1	3,76474576	0,002129589
ENSG00000287784.1	AC112482.2	3,763012827	0,000170447
ENSG00000101892.12	ATP1B4	3,76286521	0,000683181
ENSG00000132429.10	POPDC3	3,762643857	0,005928151

ENSG00000197905.10	TEAD4	3,760268394	4,00454E-05
ENSG00000222626.1	RNU2-48P	3,754664028	0,002372948
ENSG00000144331.20	ZNF385B	3,754159765	0,000103172
ENSG00000225222.2	CHCHD4P5	3,753497411	1,42374E-07
ENSG00000138395.17	CDK15	3,745853304	2,65568E-05
ENSG00000271945.2	AL355612.1	3,745101954	0,000298922
ENSG00000228742.11	LINC02577	3,743337967	0,000135827
ENSG00000241956.10	AC109466.1	3,741333973	0,000781724
ENSG00000125285.6	SOX21	3,739922266	0,000762026
ENSG00000253456.1	AC136424.1	3,739903159	4,85988E-05
ENSG00000233236.1	LINC02573	3,735293368	9,5375E-05
ENSG00000268659.2	AL589863.1	3,727741159	3,76335E-07
ENSG00000186493.13	C5orf38	3,727022099	0,010543849
ENSG00000226238.1	AC132807.1	3,719129113	0,000183083
ENSG00000237321.1	AL354936.1	3,709424577	0,000481604
ENSG00000275678.1	AL133320.2	3,706528147	0,000345278
ENSG00000134323.12	MYCN	3,704297413	1,02501E-05
ENSG00000285577.1	AC019127.1	3,70044811	4,86019E-05
ENSG00000174473.16	GALNTL6	3,699528017	3,99179E-05
ENSG00000128573.26	FOXP2	3,697993821	0,001804082
ENSG00000253796.2	AC104248.1	3,695099644	0,000142733
ENSG00000199477.1	SNORA31	3,69508691	8,50527E-13
ENSG00000145358.6	DDIT4L	3,688229788	0,000565104
ENSG00000226673.2	LINC01108	3,684469709	0,000142112
ENSG00000212556.1	Y_RNA	3,682289163	0,000510697
ENSG00000227038.3	GTF2IP7	3,671293144	0,000279967
ENSG00000256951.1	AC055876.3	3,670287731	0,001857206
ENSG00000224739.2	AC016735.1	3,668530488	0,000212011
ENSG00000221059.1	RNU6ATAC6P	3,663875517	5,98861E-05
ENSG00000243766.8	HOTTIP	3,663228632	0,001199495
ENSG00000210195.2	MT-TT	3,661326774	0,00191247
ENSG00000235244.4	DANT2	3,659598943	7,27798E-05
ENSG00000069011.16	PITX1	3,659159374	0,001561367
ENSG00000238825.1	RNVU1-2	3,65575717	2,59307E-06
ENSG00000174460.4	ZCCHC12	3,652021818	0,000892771
ENSG00000136531.18	SCN2A	3,651357583	0,00051584
ENSG00000187398.12	LUZP2	3,651147391	0,007066479
ENSG00000260701.2	AC025284.1	3,650596237	0,002067584
ENSG00000187773.8	DIPK1C	3,650096842	0,001866905
ENSG00000117791.16	MTARC2	3,646466273	3,42781E-05
ENSG00000187229.3	AC100800.1	3,645624033	0,000122573
ENSG00000154188.10	ANGPT1	3,643111668	4,46412E-06
ENSG00000285254.2	AL513128.2	3,640406329	0,000292505
ENSG00000179447.2	SLC24A3-AS1	3,639247416	2,45135E-05
ENSG00000266402.3	SNHG25	3,638748716	5,82247E-06

ENSG00000169306.10	IL1RAPL1	3,633443044	0,003690459
ENSG00000109576.14	AADAT	3,631243409	0,000201733
ENSG00000056998.20	GYG2	3,630673844	1,49125E-05
ENSG00000254557.1	AC091047.1	3,62905542	0,00039654
ENSG00000169851.15	PCDH7	3,626997635	0,001678448
ENSG00000135226.18	UGT2B28	3,626444341	0,000115753
ENSG00000286541.1	AC105941.1	3,626394323	0,000826853
ENSG00000237251.2	AC004987.2	3,624664531	0,004230122
ENSG00000272197.2	RN7SL803P	3,624396944	2,64239E-06
ENSG00000115705.22	TPO	3,622825254	0,000967284
ENSG00000280177.1	AC004408.2	3,616672342	0,000263323
ENSG00000003989.18	SLC7A2	3,616463139	0,000551072
ENSG00000243872.3	RN7SL464P	3,614748943	0,000457767
ENSG00000276600.5	RAB7B	3,610460342	6,8409E-06
ENSG00000236404.10	VLDLR-AS1	3,606456372	7,21229E-05
ENSG00000253552.8	HOXA-AS2	3,602830306	4,23646E-05
ENSG00000257178.5	AC103702.1	3,598798796	0,000169719
ENSG00000225746.13	MEG8	3,597503454	0,000386861
ENSG00000224099.2	AC104823.1	3,585211106	0,000297552
ENSG00000144355.15	DLX1	3,578512318	0,000345792
ENSG00000222724.1	RNU2-63P	3,57557997	2,03924E-06
ENSG00000197588.9	KLKP1	3,569945337	0,003311257
ENSG00000128040.11	SPINK2	3,569734902	0,000115948
ENSG00000225972.1	MTND1P23	3,566543414	0,001545876
ENSG00000253225.1	AC103833.1	3,565803898	0,002564552
ENSG00000231274.5	SBK3	3,565720884	0,000728471
ENSG00000228401.5	AL590226.1	3,559113606	0,000109314
ENSG00000164076.17	CAMKV	3,558191309	1,87141E-05
ENSG00000286051.1	AC244102.3	3,557622446	0,002499614
ENSG00000265486.2	RN7SL518P	3,556845874	2,63224E-05
ENSG00000163915.7	IGF2BP2-AS1	3,556762888	2,81176E-08
ENSG00000124212.6	PTGIS	3,555008798	0,000650198
ENSG00000167419.11	LPO	3,55454808	4,43317E-05
ENSG00000108511.10	HOXB6	3,554238314	0,000269911
ENSG00000258114.1	AC005871.2	3,543181268	0,00188838
ENSG00000166923.12	GREM1	3,542573691	0,000775083
ENSG00000128849.11	CGNL1	3,539863589	0,000231889
ENSG00000236703.1	MYB-AS1	3,538658547	8,2517E-08
ENSG00000105270.15	CLIP3	3,537240366	0,00013374
ENSG00000147145.12	LPAR4	3,532363173	1,1654E-06
ENSG00000125848.10	FLRT3	3,529542747	0,001308697
ENSG00000166106.3	ADAMTS15	3,52890658	0,000795205
ENSG00000285875.1	AL035446.2	3,52566795	0,001151052
ENSG00000142511.4	GPR32	3,519000982	0,000504072
ENSG00000222465.1	RNU2-5P	3,518408792	0,00025591

ENSG00000198576.4	ARC	3,516047544	0,000156528
ENSG00000251803.1	Y_RNA	3,514975463	0,000207714
ENSG00000187581.3	COX8C	3,502937969	0,002633666
ENSG00000213081.3	ARPC1BP1	3,50206566	3,81081E-06
ENSG00000169908.12	TM4SF1	3,500850851	0,000573975
ENSG00000188162.12	OTOG	3,497588921	0,001478333
ENSG00000207583.1	MIR606	3,492676285	1,48618E-05
ENSG00000165194.15	PCDH19	3,492386656	0,001475175
ENSG00000264322.2	RN7SL448P	3,491182386	1,86422E-05
ENSG00000251456.1	AC113398.2	3,487530769	0,000581928
ENSG00000214814.7	FER1L6	3,487467365	0,000225986
ENSG00000227430.1	H3P9	3,487381187	1,69332E-05
ENSG00000225479.1	PLCB1-IT1	3,487362821	3,36907E-05
ENSG00000253926.1	AC011257.1	3,486694529	0,000384195
ENSG00000206702.1	RNU1-11P	3,486425789	6,08661E-05
ENSG00000232197.3	AL596442.1	3,483866987	0,000392819
ENSG00000249112.1	AC112196.1	3,481747764	0,000276384
ENSG00000248125.2	AC008700.1	3,471606652	5,47047E-05
ENSG00000258583.7	LINC01500	3,470880654	9,16413E-05
ENSG00000256004.1	AC092490.3	3,467851114	0,002124481
ENSG00000229792.1	LINC00399	3,465659014	2,83703E-05
ENSG00000215208.3	KRT18P60	3,464097547	6,46411E-06
ENSG00000170891.11	CYTL1	3,46098668	0,000219812
ENSG00000222515.1	RN7SKP240	3,459754181	0,000434828
ENSG00000176406.23	RIMS2	3,459170428	0,002060174
ENSG00000260802.1	SERTM2	3,459014146	0,000376317
ENSG00000042781.14	USH2A	3,455739675	0,000436953
ENSG00000184160.8	ADRA2C	3,455551802	0,000856112
ENSG00000233968.7	AL157895.1	3,455447334	9,20588E-05
ENSG00000124159.15	MATN4	3,451807018	0,000439527
ENSG00000136944.19	LMX1B	3,451423663	0,001205015
ENSG00000228769.1	ABCF2P2	3,450712453	0,001801338
ENSG00000256331.1	NIFKP3	3,449572562	8,78362E-05
ENSG00000170627.11	GTSF1	3,449547974	4,66051E-05
ENSG00000131080.15	EDA2R	3,447362366	1,24084E-05
ENSG00000260372.7	AQP4-AS1	3,445549358	1,20944E-05
ENSG00000104055.16	TGM5	3,43816982	0,000358812
ENSG00000188626.6	GOLGA8M	3,435422524	0,000902661
ENSG00000242360.3	RN7SL272P	3,435169886	2,30629E-05
ENSG00000156140.10	ADAMTS3	3,433166039	0,000481285
ENSG00000264404.3	LINC02675	3,43238763	0,000779943
ENSG00000007350.17	TKTL1	3,431886336	0,001361383
ENSG00000287653.1	AL355597.1	3,424489315	0,003581091
ENSG00000261713.6	SSTR5-AS1	3,422968944	9,72635E-05
ENSG00000163638.13	ADAMTS9	3,419617926	0,001232746

ENSG00000106536.21	POU6F2	3,416336618	0,001959166
ENSG00000185565.12	LSAMP	3,407085902	0,002218255
ENSG00000225778.5	PROSER2-AS1	3,406101387	1,91888E-05
ENSG00000254330.1	AC104232.2	3,404556413	0,000865397
ENSG00000269586.7	CT45A10	3,403815807	0,004738114
ENSG00000225263.1	PCDH9-AS3	3,403250721	0,01174311
ENSG00000250305.9	TRMT9B	3,393105273	6,67278E-05
ENSG00000250280.2	AC026124.1	3,391622158	1,0328E-06
ENSG00000256721.1	CACNA1C-IT3	3,389414242	0,005443474
ENSG00000105997.22	HOXA3	3,389124763	0,00035587
ENSG00000253293.5	HOXA10	3,387448725	0,000381906
ENSG00000248100.2	AC087257.1	3,381412263	1,416E-05
ENSG00000120075.5	HOXB5	3,380940096	0,001019254
ENSG00000134569.10	LRP4	3,380131731	0,000170232
ENSG00000259188.6	AC025040.1	3,379022377	1,20447E-06
ENSG00000075461.6	CACNG4	3,376426594	0,001881223
ENSG00000245330.4	AP005717.1	3,372208121	4,68046E-07
ENSG00000266019.1	MIR3609	3,369207402	1,6946E-06
ENSG00000241828.2	AC006517.1	3,368313914	0,001291419
ENSG00000265584.1	MIR3978	3,36742428	3,04137E-06
ENSG00000196593.9	ANKRD20A19P	3,366549022	0,003625914
ENSG00000218281.1	H2AC9P	3,363340589	0,000281894
ENSG00000210049.1	MT-TF	3,363210595	0,000228472
ENSG00000260211.2	AC139426.1	3,358624818	0,000616579
ENSG00000228824.7	MIR4500HG	3,3547166	0,002285525
ENSG00000242810.1	MRPL42P6	3,354272187	0,000211334
ENSG00000286819.1	Z98745.1	3,353459171	0,00167868
ENSG00000160951.4	PTGER1	3,352942212	5,24779E-05
ENSG00000244356.3	RN7SL398P	3,349345922	0,000946862
ENSG00000242020.3	RN7SL68P	3,341664597	0,000185136
ENSG00000240238.1	AC092754.1	3,338833441	0,00054359
ENSG00000276014.1	RN7SL301P	3,332758876	0,000584933
ENSG00000244018.1	RPL35P6	3,330264979	0,002116687
ENSG00000065054.14	SLC9A3R2	3,330188804	2,97666E-05
ENSG00000206557.6	TRIM71	3,325043485	0,00030449
ENSG00000286403.1	AC010378.1	3,322789455	0,00098073
ENSG00000253485.2	PCDHGA5	3,32254252	0,000113321
ENSG00000233410.1	LINC01222	3,322449484	0,001686525
ENSG00000228429.1	AC004910.1	3,32232509	0,001070262
ENSG00000251273.4	LINC02228	3,318122224	0,002722971
ENSG00000223247.1	RNU2-64P	3,316174144	0,002247965
ENSG00000196632.10	WNK3	3,315582976	0,002822902
ENSG00000277867.1	AC138649.4	3,314083627	0,001522794
ENSG00000252266.1	Y_RNA	3,314010574	0,002333266
ENSG00000231292.6	IGKV1OR2-108	3,3128428	0,003323714

ENSG00000241789.3	RN7SL504P	3,311807171	0,002258777
ENSG00000170439.7	METTL7B	3,311653754	0,000514426
ENSG00000156687.11	UNC5D	3,311506814	0,015777571
ENSG00000248629.1	AC092608.1	3,309634258	0,00049204
ENSG00000152580.8	IGSF10	3,307940726	0,000347479
ENSG00000272075.2	RN7SL828P	3,30666119	0,000993032
ENSG00000179300.4	RTL3	3,306173478	0,000165969
ENSG00000228253.1	MT-ATP8	3,304657151	2,48851E-05
ENSG00000155792.10	DEPTOR	3,304334729	3,93988E-07
ENSG00000283402.1	AC087821.2	3,303793372	0,002542196
ENSG00000185585.20	OLFML2A	3,302493571	0,000575354
ENSG00000116833.14	NR5A2	3,301953799	0,002668702
ENSG00000251138.7	LINC02882	3,301782283	0,005599655
ENSG00000245688.1	AC008659.1	3,300291743	0,000431706
ENSG00000253335.1	AC009884.1	3,298832755	0,000639054
ENSG00000240409.1	MTATP8P1	3,297626415	0,001961289
ENSG00000106025.9	TSPAN12	3,297446613	0,004019166
ENSG00000130032.17	PRRG3	3,297328912	0,000202036
ENSG00000277561.5	GOLGA8IP	3,294654883	6,88915E-05
ENSG00000214745.2	GOT2P6	3,291828601	9,33977E-07
ENSG00000145147.20	SLIT2	3,290485217	0,002960512
ENSG00000162849.16	KIF26B	3,290324003	1,89859E-05
ENSG00000099998.18	GGT5	3,285062606	9,55658E-05
ENSG00000229415.10	SFTA3	3,283949935	0,019028809
ENSG00000233460.1	RPL35AP31	3,282543275	0,000296037
ENSG00000171951.5	SCG2	3,277465751	0,00217374
ENSG00000259042.3	AC244502.3	3,276499203	0,000614224
ENSG00000285417.1	BX571818.1	3,275477785	6,28949E-05
ENSG00000276047.1	RN7SL711P	3,269075852	0,002298889
ENSG00000184937.16	WT1	3,268644834	0,000149988
ENSG00000170689.10	HOXB9	3,259953028	0,004934432
ENSG00000263159.1	AC005736.1	3,258069039	0,0005924
ENSG00000248935.1	AC034234.1	3,257733083	0,000957827
ENSG00000277769.1	RBM22P4	3,254418689	0,000148762
ENSG00000147724.12	FAM135B	3,253083784	0,00792575
ENSG00000225156.2	AC012354.1	3,251783235	0,005025811
ENSG00000234906.11	APOC2	3,24942438	0,000666599
ENSG00000080031.10	PTPRH	3,246144534	9,3651E-05
ENSG00000265565.1	MIR3143	3,245913971	0,00085315
ENSG00000254141.1	AC103853.2	3,245258043	0,012172563
ENSG00000140873.16	ADAMTS18	3,244877533	0,003731644
ENSG00000182968.5	SOX1	3,244693395	0,004818783
ENSG00000284237.1	LINC02767	3,242760986	0,000165281
ENSG00000251692.8	PTX4	3,242744062	0,000909131
ENSG00000241172.3	RN7SL70P	3,241657083	0,00023809

ENSG00000143369.15	ECM1	3,239829265	2,20543E-05
ENSG00000206538.9	VGLL3	3,239383435	0,004791564
ENSG00000210191.1	MT-TL2	3,238314923	0,010732168
ENSG00000263763.1	MIR3686	3,235519439	0,003354044
ENSG00000146166.17	LGSN	3,228093044	0,001104445
ENSG00000286658.1	AC005153.1	3,226365984	0,000103686
ENSG00000287756.1	AL031293.1	3,22597296	0,000690926
ENSG00000179314.14	WSCD1	3,224217806	0,002058332
ENSG00000271765.1	RN7SKP299	3,220551033	0,000178725
ENSG00000287354.1	AL034351.4	3,214850077	0,000793257
ENSG00000255248.9	MIR100HG	3,213675172	0,001656133
ENSG00000198886.2	MT-ND4	3,211864533	1,05563E-05
ENSG00000183098.11	GPC6	3,210432467	0,007611963
ENSG00000197891.12	SLC22A12	3,209375182	0,00037074
ENSG00000241226.3	RN7SL836P	3,209372784	0,001852627
ENSG00000235248.3	OR13C1P	3,208042424	0,000452752
ENSG00000174059.17	CD34	3,207438536	0,00157184
ENSG00000275090.1	RN7SL296P	3,201983002	0,00052395
ENSG00000186326.4	RGS9BP	3,201913102	0,000339848
ENSG00000011465.18	DCN	3,200205106	0,002768831
ENSG00000172179.12	PRL	3,200089127	0,006703095
ENSG00000251799.1	Y_RNA	3,196056692	0,000842444
ENSG00000125726.11	CD70	3,194830898	0,00116172
ENSG00000212907.2	MT-ND4L	3,194461569	4,40173E-06
ENSG00000104369.5	JPH1	3,193963406	0,004747895
ENSG00000147852.16	VLDLR	3,193643439	0,000495443
ENSG00000143995.20	MEIS1	3,192898859	0,000683943
ENSG00000092377.15	TBL1Y	3,189993126	0,009799803
ENSG00000179055.7	OR13D1	3,186249788	0,000497329
ENSG00000219384.1	AL138880.1	3,185088043	0,000160909
ENSG00000273557.1	AC008781.2	3,18259911	0,000782918
ENSG00000206763.1	RNU6-10P	3,181695755	9,45966E-07
ENSG00000108176.15	DNAJC12	3,181432717	0,000646718
ENSG00000169515.8	CCDC8	3,180908265	0,001768568
ENSG00000251199.6	AC015631.1	3,179442442	0,004382805
ENSG00000169436.17	COL22A1	3,177871147	0,011917845
ENSG00000114279.13	FGF12	3,177236333	0,011536818
ENSG00000275896.6	PRSS2	3,175541327	0,007126991
ENSG00000242119.1	AC117454.1	3,174107201	0,002046703
ENSG00000198763.3	MT-ND2	3,166760789	3,72059E-05
ENSG00000256025.2	CACNA1C-AS4	3,161745986	0,010627045
ENSG00000256056.1	AC087257.2	3,160406271	6,16264E-05
ENSG00000262119.1	AL079343.1	3,159262291	0,018461228
ENSG00000230987.2	AL359976.1	3,157825134	0,001979861
ENSG00000145777.15	TSLP	3,156176239	0,0023197

ENSG00000142538.2	PTH2	3,155444775	0,022906742
ENSG00000257784.2	LINC02400	3,153007464	0,003709761
ENSG00000286553.1	AL357075.2	3,150840709	0,001819111
ENSG00000019991.18	HGF	3,150551676	0,0006422
ENSG00000256120.2	SOX5-AS1	3,150089614	0,001731667
ENSG00000160801.14	PTH1R	3,149538227	0,002122633
ENSG00000152104.12	PTPN14	3,146727346	0,000625082
ENSG00000267218.2	AC005336.2	3,143003131	0,001500238
ENSG00000253910.2	PCDHGB2	3,140879488	0,000299064
ENSG00000285722.1	AC207130.1	3,140406403	0,018335345
ENSG00000188517.16	COL25A1	3,140042927	0,002003608
ENSG00000229131.1	AC016710.1	3,139594812	0,010245519
ENSG00000122778.10	KIAA1549	3,139185768	7,73272E-06
ENSG00000244301.6	AOX3P	3,138886765	0,000848854
ENSG00000185518.12	SV2B	3,137834235	0,000419893
ENSG00000140538.16	NTRK3	3,137182064	0,004269952
ENSG00000244384.3	RN7SL359P	3,136310059	0,002920727
ENSG00000287882.1	AC134508.2	3,135652249	0,000990196
ENSG00000144366.16	GULP1	3,135404141	0,006067955
ENSG00000113657.13	DPYSL3	3,134436319	0,001268048
ENSG00000257128.1	AC006197.1	3,13349483	0,001827618
ENSG00000164604.13	GPR85	3,133045309	0,000639985
ENSG00000072657.9	TRHDE	3,13126346	0,005927086
ENSG00000240602.7	AADACP1	3,130838819	0,002298199
ENSG00000150893.11	FREM2	3,130345835	0,013876659
ENSG00000257464.1	AC125611.1	3,13022744	2,39473E-05
ENSG00000277720.1	H3C5P	3,129310362	0,007071066
ENSG00000151322.19	NPAS3	3,129161533	0,007051939
ENSG00000285719.2	AL356275.1	3,127821686	0,001005421
ENSG00000259072.2	AL355835.1	3,126337315	0,008591735
ENSG00000136378.15	ADAMTS7	3,126169384	0,000649004
ENSG00000279483.2	AC090498.1	3,123385907	0,000550836
ENSG00000240317.3	RN7SL764P	3,123156261	0,000566284
ENSG00000185168.5	LINC00482	3,122259032	0,001255261
ENSG00000173376.14	NDNF	3,121321485	0,00796269
ENSG00000113327.17	GABRG2	3,119830546	0,013536706
ENSG00000254186.3	AC113414.1	3,117257684	0,000390918
ENSG00000120332.16	TNN	3,117156491	0,001598026
ENSG00000177508.12	IRX3	3,11634917	0,004462914
ENSG00000100234.12	TIMP3	3,114977727	0,003485096
ENSG00000239211.3	RN7SL563P	3,112134122	0,003781805
ENSG00000223815.2	DIAPH3-AS2	3,110830493	0,00044013
ENSG00000250384.1	UBE2CP3	3,108188119	0,000201009
ENSG00000234928.1	LINC01659	3,107173758	0,003657129
ENSG00000280042.1	AC022336.3	3,104621969	0,000692165

ENSG00000176654.12	NANOGP1	3,103818171	0,002811162
ENSG00000277918.1	RNVU1-28	3,103434457	0,007386346
ENSG00000210140.1	MT-TC	3,102211416	0,00060721
ENSG00000258472.9	AC005726.1	3,101917389	0,001191762
ENSG00000144891.18	AGTR1	3,101350363	0,003910414
ENSG00000137825.11	ITPKA	3,100770927	0,000148031
ENSG00000110076.19	NRXN2	3,100389919	0,000197194
ENSG00000265470.1	MIR548AQ	3,099994886	4,80752E-05
ENSG00000202356.1	RNA5SP277	3,097161747	0,000930535
ENSG00000244139.3	RN7SL397P	3,09393841	0,002625633
ENSG00000136315.4	AL355922.1	3,09264547	0,001071158
ENSG00000259446.6	AC055874.1	3,089606458	0,008695699
ENSG00000201364.1	RN7SKP37	3,087567642	8,45939E-05
ENSG00000261559.1	FSCN1P1	3,085260306	0,002001703
ENSG00000174572.3	RPL10P2	3,084801895	0,000920808
ENSG00000235034.7	C19orf81	3,082589558	0,000485985
ENSG00000273727.1	U1	3,075717366	0,006431318
ENSG00000225953.3	SATB2-AS1	3,073058415	0,003017543
ENSG00000127329.16	PTPRB	3,070944127	0,002698032
ENSG00000258837.1	AL133370.1	3,070503397	5,71597E-05
ENSG00000206841.1	RNU6-409P	3,066945011	0,003497854
ENSG00000164199.18	ADGRV1	3,066922769	0,002210837
ENSG00000254343.2	AC091563.1	3,066710093	2,61518E-05
ENSG00000214324.5	C3orf56	3,066443937	0,007503975
ENSG00000286645.1	AC013267.1	3,065243946	0,0012251
ENSG00000158806.14	NPM2	3,063226039	7,07269E-05
ENSG00000225083.2	GRTP1-AS1	3,062443582	0,003711836
ENSG00000176842.15	IRX5	3,062390764	0,004452882
ENSG00000244040.7	IL12A-AS1	3,060471589	0,002395882
ENSG00000204832.10	ST8SIA6-AS1	3,059841003	0,000288413
ENSG00000205592.15	MUC19	3,059469351	0,000921021
ENSG00000287136.1	AC073578.5	3,058754936	0,002634694
ENSG00000175445.17	LPL	3,057433187	0,00330434
ENSG00000249923.1	AC007663.2	3,055584522	0,001151787
ENSG00000264978.2	RN7SL630P	3,055074563	0,000406436
ENSG00000197576.14	HOXA4	3,053742513	0,001063144
ENSG00000253811.1	AC136424.2	3,052087818	0,002005788
ENSG00000205927.5	OLIG2	3,051351798	0,002606373
ENSG00000278992.1	AC012048.1	3,049684297	0,001366193
ENSG00000222588.1	AL355598.1	3,048255556	1,25139E-08
ENSG00000184058.14	TBX1	3,046780804	0,000120737
ENSG00000281392.2	LINC00506	3,046490745	1,37157E-05
ENSG00000134769.21	DTNA	3,040238562	0,003843562
ENSG00000179796.12	LRRC3B	3,040226899	0,015321562
ENSG00000155011.9	DKK2	3,039533769	0,004458713

ENSG00000232444.1	AC010745.4	3,039244973	0,004472465
ENSG00000256209.2	AC073578.1	3,037363654	0,001476813
ENSG00000249545.1	MCTP1-AS1	3,036433738	0,000492605
ENSG00000254656.3	RTL1	3,035515437	0,005877198
ENSG00000185053.14	SGCZ	3,033901091	0,018605849
ENSG00000265327.2	RN7SL411P	3,033242707	0,000548769
ENSG00000253698.1	AC136601.1	3,032941492	0,002127596
ENSG00000163637.13	PRICKLE2	3,028954143	0,003407487
ENSG00000287828.1	AL354743.2	3,027836149	0,004999387
ENSG00000207347.1	RNU6-306P	3,026833503	0,000140354
ENSG00000241652.3	RN7SL253P	3,026751997	0,000935802
ENSG00000230490.3	AL139383.1	3,025625209	0,00045764
ENSG00000201737.1	RNU1-133P	3,025366966	0,007221879
ENSG00000226876.3	SMYD3-AS1	3,02498958	4,37716E-05
ENSG00000229140.11	CCDC26	3,021952773	0,000354038
ENSG00000236582.1	PRPF38AP2	3,020561639	0,001207295
ENSG00000234995.1	RPS3AP28	3,019444324	6,44339E-06
ENSG00000287899.1	AC055714.1	3,0161536	0,001073835
ENSG00000275232.1	AC073578.2	3,013406114	0,003155893
ENSG00000147481.17	SNTG1	3,012882289	0,012581076
ENSG00000249639.1	AC022092.1	3,011545534	0,006601426
ENSG00000162814.11	SPATA17	3,009645092	0,00087217
ENSG00000202014.1	Y_RNA	3,006717027	4,60942E-05
ENSG00000145824.13	CXCL14	3,005043405	0,003034314
ENSG00000196482.18	ESRRG	3,004610276	0,011801896
ENSG00000230333.6	AC004160.1	3,004102362	0,002783441
ENSG00000211665.3	IGLV3-16	3,003428265	0,008189721
ENSG00000198237.8	GUSBP13	3,002629593	2,08076E-06
ENSG00000133107.15	TRPC4	3,000319828	0,027192828
ENSG00000077942.19	FBLN1	2,996936543	0,009558838
ENSG00000260763.1	AC106799.3	2,995090853	0,020984461
ENSG00000103742.12	IGDCC4	2,99426723	0,003044652
ENSG00000223638.3	RFPL4A	2,993238778	0,014772212
ENSG00000256642.1	LINC00273	2,991803761	0,007122474
ENSG00000252233.1	RN7SKP253	2,991800919	0,000193048
ENSG00000253414.3	AC124067.2	2,990347771	0,008281883
ENSG00000229688.8	CRPPA-AS1	2,990018364	0,000335314
ENSG00000200795.1	RNU4-1	2,986030598	0,001828971
ENSG00000073734.10	ABCB11	2,985543617	0,006145338
ENSG00000048540.15	LMO3	2,98421391	0,001446174
ENSG00000256557.1	AC009509.3	2,982632318	0,001810821
ENSG00000262209.3	PCDHGB3	2,981547597	0,000240994
ENSG00000251680.6	AC008591.1	2,979888359	0,018491756
ENSG00000206938.1	RNU4-31P	2,978403978	0,000119393
ENSG00000109255.11	NMU	2,977562169	0,009855533

ENSG00000243621.1	AC003989.2	2,976029865	0,000557716
ENSG00000240652.1	AP001024.1	2,976025905	0,002166254
ENSG00000234232.7	AC243772.3	2,973814685	0,002130074
ENSG00000122025.15	FLT3	2,972648907	0,000126796
ENSG00000264707.1	L3MBTL4-AS1	2,971932243	0,003282358
ENSG00000197149.5	AC107956.1	2,971905254	2,04984E-06
ENSG00000176692.8	FOXC2	2,969638671	0,00992039
ENSG00000266533.1	MIR3619	2,965684774	0,001181811
ENSG00000106004.5	HOXA5	2,964870502	0,0058869
ENSG00000180172.7	RPS12P23	2,96230985	0,000949306
ENSG00000277587.1	AC008759.3	2,96119715	0,007631635
ENSG00000228065.11	LINC01515	2,95793681	0,002392388
ENSG00000286951.1	AL356113.1	2,957861929	0,019895466
ENSG00000187944.5	C2orf66	2,95740364	0,007044507
ENSG00000196917.6	HCAR1	2,957376921	0,002705173
ENSG00000166743.9	ACSM1	2,954380276	0,000782781
ENSG00000164007.11	CLDN19	2,951511265	0,000678089
ENSG00000183853.18	KIRREL1	2,951227374	0,005439527
ENSG00000270343.1	UNGP3	2,94991684	0,000970808
ENSG00000169760.17	NLGN1	2,949879639	0,012759395
ENSG00000253767.2	PCDHGA8	2,949082858	0,001014602
ENSG00000231905.2	SETP10	2,949078976	2,08151E-06
ENSG00000172969.7	FRG2C	2,949025684	0,013971413
ENSG00000183117.19	CSMD1	2,946928774	0,006253109
ENSG00000226051.8	ZNF503-AS1	2,946522992	0,00638357
ENSG00000054598.9	FOXC1	2,946376537	0,008373828
ENSG00000241472.7	PTPRG-AS1	2,944800086	0,006541011
ENSG00000252634.1	RN7SKP219	2,938687779	0,000127127
ENSG00000271270.7	TMCC1-AS1	2,938626286	7,64379E-06
ENSG00000243426.3	RN7SL454P	2,937398237	0,005786252
ENSG00000286633.1	AL160400.1	2,937076086	1,85701E-05
ENSG00000112559.15	MDFI	2,934602052	0,006141612
ENSG00000120669.16	SOHLH2	2,93415931	0,003723824
ENSG00000130508.11	PXDN	2,932551773	0,012069937
ENSG00000243422.2	RPL23AP49	2,932149189	0,006247765
ENSG00000139174.12	PRICKLE1	2,931732345	0,000196593
ENSG00000137571.11	SLCO5A1	2,93144306	0,005337228
ENSG00000286844.1	AC068688.1	2,931201603	0,026382663
ENSG00000247809.9	NR2F2-AS1	2,930897701	0,01656104
ENSG00000218819.6	TDRD15	2,930476689	0,012170933
ENSG00000161681.16	SHANK1	2,928786653	0,002251992
ENSG00000254813.5	AC123777.1	2,925079927	0,003355044
ENSG00000236081.1	ELFN1-AS1	2,92388754	0,008990741
ENSG00000133863.9	TEX15	2,923319138	0,012615413
ENSG00000106976.21	DNM1	2,922347101	5,84627E-05

ENSG00000165323.15	FAT3	2,921594801	0,01353119
ENSG00000183929.7	DUSP5P1	2,920407481	0,008001449
ENSG00000276031.1	RN7SL197P	2,920079071	0,004859792
ENSG00000251248.1	AC139720.2	2,915442555	0,009195795
ENSG00000265728.1	AP001099.1	2,914005942	0,005541511
ENSG00000234690.7	EPCAM-DT	2,913445676	0,003910307
ENSG00000243049.3	RN7SL33P	2,913255749	0,004470605
ENSG00000232046.7	LINC01798	2,910813435	0,002029949
ENSG00000257698.2	GIHCG	2,909762446	4,06994E-05
ENSG00000267311.1	AC007673.1	2,908567633	0,00466436
ENSG00000237483.1	RPS27AP8	2,906353325	9,16788E-05
ENSG00000279142.1	AC009108.4	2,906056861	0,022998058
ENSG00000162631.19	NTNG1	2,903742953	0,008105575
ENSG00000206987.1	U8	2,900921116	0,000589266
ENSG00000171243.8	SOSTDC1	2,900635971	0,006649541
ENSG00000286670.1	AL450467.1	2,89881605	0,005315911
ENSG00000265112.1	MIR3153	2,897162977	0,000249048
ENSG00000270409.1	AC090950.1	2,895880401	6,89775E-05
ENSG00000245857.3	GS1-24F4.2	2,89561942	0,003450939
ENSG00000158497.5	HMHB1	2,895456513	0,02648594
ENSG00000239039.1	SNORD13	2,891644371	0,000673291
ENSG00000286742.1	AC000065.1	2,888029074	3,20259E-05
ENSG00000286226.1	AC093849.3	2,886996368	0,002284725
ENSG00000169507.9	SLC38A11	2,884431575	0,003944974
ENSG00000249345.8	LINC02405	2,88406353	0,024065248
ENSG00000037280.16	FLT4	2,883959595	0,010421041
ENSG00000144407.9	PTH2R	2,882025875	0,001023894
ENSG00000115602.17	IL1RL1	2,88149315	0,006598954
ENSG00000201998.1	SNORA23	2,876474489	0,000925022
ENSG00000253642.6	AF279873.3	2,873652883	0,014202699
ENSG00000254066.2	LINC01938	2,873534449	0,024304826
ENSG00000223965.2	ZNF587P1	2,872923125	0,005746531
ENSG00000271681.1	AC136601.2	2,868616	0,006310384
ENSG00000115844.11	DLX2	2,866375908	0,009688274
ENSG00000130600.19	H19	2,865755821	0,008490108
ENSG00000276214.1	AC008833.1	2,864087148	0,004452463
ENSG00000264275.1	RN7SL753P	2,862851911	0,002141416
ENSG00000227929.4	SRGAP3-AS3	2,86154831	0,002171423
ENSG00000261970.1	AL391840.2	2,860986067	0,003172481
ENSG00000078328.22	RBFOX1	2,858778354	0,012682627
ENSG00000253537.3	PCDHGA7	2,858636994	0,001441181
ENSG00000235996.1	AL136090.1	2,858503132	0,006626873
ENSG00000123095.6	BHLHE41	2,856799525	0,006643064
ENSG00000162374.18	ELAVL4	2,856774392	0,013334
ENSG00000256546.2	AC156455.1	2,854243461	0,000456156

ENSG00000234546.4	LNCTAM34A	2,853471106	0,001131056
ENSG00000278886.1	AC087821.1	2,852393523	0,009927358
ENSG00000236138.4	DUX4L26	2,850735289	0,012633424
ENSG00000108947.5	EFNB3	2,849233665	0,011972586
ENSG00000288162.1	AL596442.4	2,847930325	0,01311199
ENSG00000234206.5	AL121957.1	2,847150095	0,017786799
ENSG00000270980.1	AC060764.1	2,847145425	0,017353868
ENSG00000287094.1	AL049552.2	2,845545846	8,13069E-05
ENSG00000254154.8	CRYZL2P- SEC16B	2,844380792	0,001043478
ENSG00000217159.2	LARP1P1	2,841780788	0,001492381
ENSG00000254730.1	AP002453.1	2,840182092	0,000398666
ENSG00000165300.7	SLITRK5	2,839497022	0,015244794
ENSG00000262966.2	AC005695.1	2,839181532	0,004330672
ENSG00000258716.1	AL139193.2	2,838767949	0,001504578
ENSG00000287552.1	AC109925.1	2,838118714	0,007522043
ENSG00000271893.1	AC064834.1	2,837316597	0,009027543
ENSG00000090932.11	DLL3	2,836438534	0,014477193
ENSG00000128322.7	IGLL1	2,83602129	0,009987906
ENSG00000287932.1	AC000065.2	2,834344014	7,84975E-05
ENSG00000138316.11	ADAMTS14	2,832753229	0,002383782
ENSG00000270421.1	AC022022.2	2,832193121	0,000186173
ENSG00000223001.1	RNU2-61P	2,831706462	0,009627544
ENSG00000183273.7	CCDC60	2,83118848	0,007593993
ENSG00000261649.6	GOLGA6L7	2,828867904	0,008166445
ENSG00000164741.15	DLC1	2,828088601	0,003066608
ENSG00000169218.14	RSPO1	2,827960069	0,009908443
ENSG00000251309.1	AP002075.1	2,827021684	0,002549546
ENSG00000184304.16	PRKD1	2,82700103	0,018937294
ENSG00000121440.15	PDZRN3	2,826649566	0,008743614
ENSG00000276156.1	AL138880.2	2,825269054	0,004912569
ENSG00000258632.2	AC135626.1	2,824367896	0,000703813
ENSG00000254122.3	PCDHGB7	2,823453624	0,002067839
ENSG00000206784.1	Y_RNA	2,823297911	0,001124002
ENSG00000253284.2	AC092828.1	2,82279967	0,000100617
ENSG00000105205.7	CLC	2,820346098	0,013652944
ENSG00000213083.3	VPS26CP1	2,820162017	0,008219784
ENSG00000187372.11	PCDHB13	2,816702538	0,007316493
ENSG00000198075.10	SULT1C4	2,815281941	0,001671287
ENSG00000253159.3	PCDHGA12	2,814184447	0,00260281
ENSG00000253731.3	PCDHGA6	2,813513313	0,00049236
ENSG00000277831.1	AL138960.1	2,812615652	0,010110336
ENSG00000267028.1	TCF4-AS1	2,809875537	0,004357606
ENSG00000285303.1	AC004381.4	2,809109028	0,003096983
ENSG00000170323.9	FABP4	2,807192983	0,020028521

ENSG00000224683.1	RPL36AP29	2,807026895	0,001825004
ENSG00000277559.1	AC018553.1	2,806686677	0,009239109
ENSG00000130529.16	TRPM4	2,804750226	0,011372978
ENSG00000251149.1	MTND5P5	2,804735095	0,00438348
ENSG00000251002.8	AC244502.1	2,804070334	0,005339675
ENSG00000283689.1	AC018553.2	2,803898436	0,010066549
ENSG00000286172.1	RNVU1-8	2,803796886	0,005097228
ENSG00000267557.1	AC008474.1	2,802174341	0,000193517
ENSG00000287277.1	AL392086.3	2,802018319	0,009687375
ENSG00000213726.5	RPS2P52	2,801742746	0,000911702
ENSG00000254535.4	PABPC4L	2,798927539	0,028026462
ENSG00000288266.1	AF064858.3	2,798302841	0,004742733
ENSG00000286320.1	AC108053.1	2,79733657	2,12129E-05
ENSG00000277233.1	Metazoa_SRP	2,797160655	0,000895795
ENSG00000263841.2	RN7SL44P	2,796895332	0,008959561
ENSG00000230575.1	AC013286.1	2,795418276	0,006293733
ENSG00000251468.2	AC135352.1	2,794468469	0,004589261
ENSG00000229847.9	EMX2OS	2,793534861	0,01507358
ENSG00000226900.2	AL451069.1	2,7935239	0,012100216
ENSG00000087116.16	ADAMTS2	2,789931048	0,014685005
ENSG00000138759.19	FRAS1	2,787708055	0,022843855
ENSG00000186417.14	GLDN	2,786355689	0,012811232
ENSG00000277695.1	AC097478.3	2,786139836	0,005331189
ENSG00000278965.1	AC122713.2	2,784208313	0,003831498
ENSG00000230569.1	AC114763.2	2,783705552	0,001074857
ENSG00000182771.19	GRID1	2,782786475	0,012967832
ENSG00000220515.2	PGAM1P10	2,782166853	0,001341002
ENSG00000269902.1	AC234772.1	2,78055706	0,00027702
ENSG00000174776.11	WDR49	2,779398245	0,001332098
ENSG00000249363.1	AC011411.1	2,777192268	0,003589758
ENSG00000240280.7	TCAM1P	2,776899684	0,014269495
ENSG00000279814.1	AC010997.6	2,776266344	0,001189764
ENSG00000232081.1	LARGE-IT1	2,775093471	0,011539335
ENSG00000243478.9	AOX2P	2,774580557	0,012212756
ENSG00000203527.2	SCUBE1-AS1	2,774392626	0,008206552
ENSG00000173641.18	HSPB7	2,77407511	0,008401777
ENSG00000201532.1	RNA5SP194	2,772313652	0,000688898
ENSG00000251171.1	AC096741.1	2,771265739	0,001403033
ENSG00000198758.11	EPS8L3	2,770939722	0,024636325
ENSG00000211655.3	IGLV1-36	2,770174828	0,014569099
ENSG00000147570.10	DNAJC5B	2,768910053	0,00948527
ENSG00000119865.9	CNRIP1	2,76835316	0,006210959
ENSG00000156049.7	GNA14	2,767489928	0,003171377
ENSG00000124721.18	DNAH8	2,76672407	0,012218025
ENSG00000285971.1	AC023095.1	2,765315978	0,036472251

ENSG00000154133.15	ROBO4	2,765274882	0,008242274
ENSG00000278677.2	H2AC17	2,763217881	0,002949756
ENSG00000244642.3	RN7SL396P	2,762965281	0,002465856
ENSG00000196866.3	H2AC7	2,762426809	0,003382823
ENSG00000224901.1	AL365258.1	2,761885425	0,000726303
ENSG00000286171.1	AC073140.1	2,759352053	0,019510874
ENSG00000266720.2	RN7SL14P	2,757841394	0,016074704
ENSG00000240606.3	RN7SL564P	2,756415349	0,010844391
ENSG00000268089.3	GABRQ	2,756060499	0,037680505
ENSG00000198400.12	NTRK1	2,755865186	0,008869006
ENSG00000152208.13	GRID2	2,755774393	0,032475683
ENSG00000184566.3	AC132216.1	2,755738664	0,000374103
ENSG00000206937.1	SNORA70B	2,753865205	1,94351E-05
ENSG00000239572.3	AC108749.1	2,751015569	0,012365509
ENSG00000259867.6	AC105411.1	2,750099531	0,006679702
ENSG00000236197.4	PPP1R9A-AS1	2,749660349	0,021325414
ENSG00000274238.1	AC097478.1	2,749509513	0,00862969
ENSG00000106484.16	MEST	2,748573774	0,00252828
ENSG00000163132.8	MSX1	2,748471815	0,019452115
ENSG00000226780.1	AC244035.1	2,747649507	0,007730774
ENSG00000119919.11	NKX2-3	2,746360922	0,024606993
ENSG00000156103.16	MMP16	2,743079569	0,028009289
ENSG00000274253.5	AC138649.1	2,742996998	0,011328683
ENSG00000206737.1	RNVU1-18	2,742889907	0,013218691
ENSG00000280004.1	AC005086.4	2,742571882	0,00019328
ENSG00000169083.18	AR	2,740233579	0,014708403
ENSG00000266100.1	AC007431.2	2,739167353	0,001534973
ENSG00000279839.1	AL512383.1	2,739046806	0,017501825
ENSG00000260188.1	AC002464.1	2,738626481	0,000754002
ENSG00000231453.1	LINC01305	2,738373893	0,021917636
ENSG00000286518.1	AL354743.1	2,737570059	0,018173552
ENSG00000158164.7	TMSB15A	2,737166524	0,03260664
ENSG00000235211.4	TMSB10P2	2,736963246	0,002849755
ENSG00000198108.4	CHSY3	2,736387354	0,014659785
ENSG00000256399.1	AC079866.1	2,735717088	0,010330106
ENSG00000117707.16	PROX1	2,735353927	0,024532996
ENSG00000153930.12	ANKFN1	2,734885537	0,018505947
ENSG00000287663.1	AL122020.2	2,733099342	0,00047413
ENSG00000198727.2	MT-CYB	2,732669155	0,001510478
ENSG00000177725.5	AC105206.1	2,731206057	0,003065582
ENSG00000205502.4	C2CD4B	2,730143126	0,029679878
ENSG00000181264.9	TLCD5	2,729291349	0,015213107
ENSG00000243398.3	RN7SL141P	2,729246847	0,002397146
ENSG00000251648.2	AC008958.1	2,72752714	0,002162575
ENSG00000239942.2	RN7SL394P	2,727360548	0,012232437

ENSG00000263494.1	AC004702.1	2,727221842	0,001294428
ENSG00000165762.3	OR4K2	2,726533668	0,039175978
ENSG00000250320.6	EDIL3-DT	2,726176621	0,032435314
ENSG00000287740.1	AC115485.1	2,726046165	0,015293522
ENSG00000230891.7	LINC00692	2,7243487	0,042178569
ENSG00000107562.16	CXCL12	2,720848509	0,020732555
ENSG00000287369.1	AC111197.1	2,720669448	0,000989649
ENSG00000266467.2	RN7SL220P	2,720604851	0,00066163
ENSG00000287509.1	AP001033.3	2,720287634	0,000311026
ENSG00000265190.7	ANXA8	2,719443291	0,016952706
ENSG00000077522.14	ACTN2	2,717756361	0,022708273
ENSG00000087245.13	MMP2	2,716906625	0,020310207
ENSG00000229010.1	AL161672.1	2,716155861	0,000801758
ENSG00000244618.3	RN7SL334P	2,714560249	0,000678164
ENSG00000157399.16	ARSL	2,712650952	0,009788934
ENSG00000115457.10	IGFBP2	2,712495544	0,016624302
ENSG00000124006.15	OBSL1	2,71143135	0,004517295
ENSG00000197479.7	PCDHB11	2,711194591	0,01610925
ENSG00000250771.2	AC106865.1	2,708662067	0,019354123
ENSG00000230400.3	LINC01747	2,708531691	0,026950749
ENSG00000267056.2	AC005336.1	2,708453058	0,018381435
ENSG00000279991.1	AC009044.1	2,707590552	0,004104303
ENSG00000225670.4	CADM3-AS1	2,707160757	0,013933133
ENSG00000219150.2	AL603914.1	2,705359426	0,00229918
ENSG00000254221.2	PCDHGB1	2,703933225	0,021177565
ENSG00000245864.3	MEF2C-AS2	2,7028147	0,001623277
ENSG00000136267.14	DGKB	2,702684641	0,036906741
ENSG00000237039.1	RPS28P4	2,701652896	0,001046306
ENSG00000242419.5	PCDHGC4	2,700341963	0,003435069
ENSG00000227738.1	PSMD14P1	2,70006569	0,023853216
ENSG00000277287.1	AL109976.1	2,698483305	0,002979622
ENSG00000287616.1	AL357522.1	2,698454263	0,028828102
ENSG00000201086.1	RNA5SP394	2,696492444	0,001708663
ENSG00000126878.13	AIF1L	2,694522617	0,013300041
ENSG00000242436.3	RN7SL789P	2,692726349	0,001709781
ENSG00000151276.23	MAGI1	2,691377905	0,030939633
ENSG00000258723.1	AF099810.1	2,690687267	0,028511794
ENSG00000217684.2	RPS3AP24	2,689981222	0,022445997
ENSG00000258710.8	LINC01193	2,689830797	0,026424983
ENSG00000250544.2	LINC02059	2,688767957	0,043743964
ENSG00000174403.16	MIR1-1HG-AS1	2,687399084	0,01852182
ENSG00000243193.4	PRKAR2B-AS1	2,683664351	0,005607
ENSG00000180044.5	C3orf80	2,681522455	0,019724278
ENSG00000188643.11	S100A16	2,680394822	0,033075637
ENSG00000236388.1	ITCH-AS1	2,680085598	0,000792707

ENSG00000230731.3	AL589745.1	2,679124415	0,018453628
ENSG00000286093.1	AC022267.1	2,67784082	0,012260268
ENSG00000270255.1	AC009884.2	2,676101373	0,015546965
ENSG00000261646.1	AC093849.1	2,675718908	0,004539417
ENSG00000159713.11	TPPP3	2,675038842	0,016084175
ENSG00000182585.10	EPGN	2,673872116	0,01258313
ENSG00000136931.10	NR5A1	2,672821114	0,016029054
ENSG00000286994.1	AC069243.1	2,671699689	0,003662484
ENSG00000241622.1	RARRES2P1	2,671242726	0,020058406
ENSG00000249055.1	TBCAP3	2,670755384	0,000263713
ENSG00000245526.11	LINC00461	2,667365371	0,0285108
ENSG00000227195.11	MIR663AHG	2,666488184	0,019543722
ENSG00000228950.1	AC023137.1	2,66574065	0,027983001
ENSG00000198840.2	MT-ND3	2,665600965	0,007435249
ENSG00000253953.3	PCDHGB4	2,664879454	0,009642701
ENSG00000264358.1	MIR3122	2,664462679	0,003291743
ENSG00000170549.4	IRX1	2,664390494	0,040550845
ENSG00000198010.13	DLGAP2	2,662800186	0,025952676
ENSG00000113389.16	NPR3	2,662499535	0,016674994
ENSG00000172967.7	XKR3	2,662363249	0,017117596
ENSG00000239317.1	RPL35AP17	2,659880154	0,012339526
ENSG00000227063.5	RPL41P1	2,659848959	0,018942608
ENSG00000138080.14	EMILIN1	2,659118681	0,009805477
ENSG00000172733.11	PURG	2,657701095	0,028891389
ENSG00000236283.5	AC019197.1	2,656975074	0,013827832
ENSG00000227640.3	SOX21-AS1	2,656500042	0,03194819
ENSG00000133115.12	STOML3	2,655483983	0,04370232
ENSG00000255350.1	MTCO1P15	2,654639037	0,008927324
ENSG00000174697.5	LEP	2,653662732	0,02767307
ENSG00000241911.1	TRBVB	2,652937409	0,01609061
ENSG00000252213.1	SNORA74D	2,650557083	0,006436122
ENSG00000159307.19	SCUBE1	2,649254877	0,019689958
ENSG00000167123.19	CERCAM	2,647791645	0,002442096
ENSG00000156234.7	CXCL13	2,646622819	0,042953785
ENSG00000147257.15	GPC3	2,644614847	0,031562984
ENSG00000128052.10	KDR	2,643896063	0,028069477
ENSG00000236939.2	BAALC-AS2	2,643889792	0,018293134
ENSG00000225630.1	MTND2P28	2,643107214	0,005135004
ENSG00000207175.1	RNU1-67P	2,64234907	0,006442116
ENSG00000272674.3	PCDHB16	2,641699625	0,035982227
ENSG00000287274.1	AL627232.1	2,640459374	0,0172799
ENSG00000206384.10	COL6A6	2,639329557	0,022680829
ENSG00000005187.12	ACSM3	2,638944368	0,003691391
ENSG00000265918.2	RN7SL543P	2,638189068	0,019513552
ENSG00000203797.12	DDO	2,638068916	0,009166027

ENSG00000236364.4	AL358115.1	2,637964658	0,000231199
ENSG00000279359.1	AL359195.2	2,636560907	0,021027175
ENSG00000272963.1	OR7A19P	2,63645628	0,004851611
ENSG00000255255.1	PPP1R1AP1	2,635198887	0,001992828
ENSG00000280115.1	AC136603.1	2,633845751	0,002348847
ENSG00000257582.5	LINC01475	2,633463603	0,025072104
ENSG00000259425.5	AC011767.1	2,633388061	0,018806986
ENSG00000198899.2	MT-ATP6	2,633312785	0,003722517
ENSG00000263893.2	AC080037.2	2,63319961	0,003322573
ENSG00000201390.1	RNU6-1141P	2,633143428	0,000743801
ENSG00000201801.1	RNU5E-4P	2,632823898	0,005537385
ENSG00000174607.11	UGT8	2,632666878	0,01388195
ENSG00000235816.3	PRELID1P3	2,631218371	0,003690128
ENSG00000120322.4	PCDHB8	2,63101337	0,04528397
ENSG00000244677.3	RN7SL706P	2,630042731	0,002979086
ENSG00000281128.2	PTENP1-AS	2,630034452	0,029802442
ENSG00000167646.14	DNAAF3	2,629879495	0,014422762
ENSG00000224895.1	VPS26BP1	2,624875594	0,001295524
ENSG00000119888.11	EPCAM	2,62434649	0,024210135
ENSG00000231533.2	AL391840.1	2,624230574	0,014751507
ENSG00000251209.9	LINC00923	2,623622382	0,025715136
ENSG00000220517.2	ASS1P1	2,623584664	0,000909473
ENSG00000188883.5	KLRG2	2,623452252	0,014311521
ENSG00000257239.1	AC090630.1	2,622238123	0,012361063
ENSG00000153531.13	ADPRHL1	2,621856196	0,008707134
ENSG00000278880.1	AC092608.2	2,620188425	0,022377912
ENSG00000254726.3	MEX3A	2,619255516	0,007695155
ENSG00000240457.3	RN7SL472P	2,618380158	0,01644814
ENSG00000277755.1	AC138649.3	2,617935359	0,035364646
ENSG00000236323.1	BMP6P1	2,616315128	0,032991523
ENSG00000241532.1	AGGF1P3	2,615973433	0,019020419
ENSG00000242715.8	CCDC169	2,615408341	0,00419712
ENSG00000141748.13	ARL5C	2,614959558	0,014073604
ENSG00000221083.1	AL096855.1	2,614411704	0,004275346
ENSG00000172137.19	CALB2	2,614293822	0,044521706
ENSG00000105472.13	CLEC11A	2,61319718	0,010405325
ENSG00000265894.2	RN7SL357P	2,613065393	0,008534513
ENSG00000275488.1	AC023509.5	2,611892549	0,000485553
ENSG00000232422.1	KNOP1P4	2,611824832	0,002913098
ENSG00000258437.1	AL139193.1	2,611266417	0,004469526
ENSG00000241175.3	RN7SL494P	2,609692386	0,014079485
ENSG00000231980.1	AC011899.1	2,609674283	0,026264132
ENSG00000182985.18	CADM1	2,608174326	0,032623068
ENSG00000283064.1	AL353759.1	2,607641897	0,002834732
ENSG00000188580.15	NKAIN2	2,606594776	0,037833105

ENSG00000165996.14	HACD1	2,604854	0,0014057
ENSG00000102996.5	MMP15	2,604135058	0,015630438
ENSG00000231560.1	CLEC12A-AS1	2,601296074	0,015692453
ENSG00000253873.6	PCDHGA11	2,597717991	0,007970983
ENSG00000165633.13	VSTM4	2,597552079	0,028835994
ENSG00000286954.1	AL033539.2	2,596784216	0,040377061
ENSG00000287318.1	AL353730.1	2,59600804	0,020568485
ENSG00000197496.6	SLC2A10	2,595897114	0,018349397
ENSG00000234881.1	PIGFP2	2,595327008	0,010267635
ENSG00000140285.12	FGF7	2,593345684	0,02552861
ENSG00000253945.1	AC024995.1	2,592606234	0,033094743
ENSG00000232915.1	RNF14P1	2,592443514	0,006249495
ENSG00000239398.3	RN7SL342P	2,591153424	0,030837154
ENSG00000182636.8	NDN	2,590491417	0,030748011
ENSG00000207975.1	MIR181B1	2,590473588	0,012058057
ENSG00000245067.7	IGFBP7-AS1	2,589826429	0,003432264
ENSG00000099864.18	PALM	2,589043656	0,018203746
ENSG00000231208.4	ZBTB46-AS1	2,588898564	0,01605077
ENSG00000121904.17	CSMD2	2,58394535	0,030620823
ENSG00000237642.1	HMGB3P5	2,583831449	0,047536846
ENSG00000224468.3	LAMC1-AS1	2,58261062	0,024504169
ENSG00000262074.7	SNORD3B-2	2,582031683	0,011814741
ENSG00000265078.2	RN7SL664P	2,581742478	0,018170289
ENSG00000120156.22	TEK	2,580375855	0,022765202
ENSG00000264151.6	AC090403.1	2,580264647	0,046673374
ENSG00000227948.4	AC003989.1	2,576185884	0,008703112
ENSG00000228198.3	OR2M3	2,575511835	0,025678872
ENSG00000241785.3	RN7SL390P	2,575229509	0,007536552
ENSG00000164929.17	BAALC	2,575134508	0,028446793
ENSG00000145113.22	MUC4	2,574843926	0,032161263
ENSG00000179403.12	VWA1	2,574075913	0,023517794
ENSG00000281772.1	AC019226.2	2,573808154	0,007328026
ENSG00000243845.3	RN7SL30P	2,572818185	0,00893294
ENSG00000171433.12	GLOD5	2,572051229	0,014307437
ENSG00000235888.3	AF064858.1	2,57179468	0,010142048
ENSG00000258337.1	AC130895.1	2,571673813	0,00115658
ENSG00000255804.2	OR6J1	2,567439972	0,020689791
ENSG00000108018.15	SORCS1	2,566354551	0,028198963
ENSG00000263745.7	AP005230.1	2,566217729	0,033187879
ENSG00000273338.1	AC103591.3	2,564762274	0,01242369
ENSG00000245694.10	CRNDE	2,562998155	0,009773391
ENSG00000239888.3	RN7SL792P	2,561988896	0,023154299
ENSG00000168077.14	SCARA3	2,561937272	0,033743445
ENSG00000201346.2	U3	2,561681369	0,004643411
ENSG00000201573.1	Y_RNA	2,561450882	0,002670443

ENSG00000182389.20	CACNB4	2,561068567	0,009237772
ENSG00000276127.1	AL589935.2	2,560950647	0,049542556
ENSG00000239552.2	HOXB-AS2	2,560419096	0,029975327
ENSG0000024422.12	EHD2	2,560191159	0,022899733
ENSG00000212186.1	RNU6-258P	2,559487873	0,008368946
ENSG00000066056.14	TIE1	2,558952222	0,007612068
ENSG00000259710.1	NUTF2P6	2,558708217	0,010376541
ENSG00000187720.14	THSD4	2,557128646	0,040295398
ENSG00000280916.2	FOXCUT	2,556699291	0,032784731
ENSG00000135245.10	HILPDA	2,556559753	0,006337115
ENSG00000281591.1	DBET	2,556087947	0,026243736
ENSG00000240759.1	RPS27P21	2,55596362	0,033305889
ENSG00000201315.1	RN7SKP227	2,554613634	0,033347173
ENSG00000253619.1	AC068413.1	2,554247365	0,022395378
ENSG00000128683.14	GAD1	2,553942028	0,037233315
ENSG00000198695.2	MT-ND6	2,552409103	0,006461064
ENSG00000106852.15	LHX6	2,551761288	0,03476043
ENSG00000169385.3	RNASE2	2,551159783	0,025476779
ENSG00000270823.1	AC007938.2	2,551109483	0,008928226
ENSG00000198128.4	OR2L3	2,550099996	0,022295066
ENSG00000238420.1	RNU6-437P	2,54760171	0,00229068
ENSG00000238266.2	LINC00707	2,545354727	0,034671795
ENSG00000237361.3	TUSC8	2,544639843	0,02446928
ENSG00000211933.2	IGHV6-1	2,542941768	0,038728443
ENSG00000272168.8	CASC15	2,542278012	0,020989405
ENSG00000177133.11	PRDM16-DT	2,538782188	0,045405394
ENSG00000265763.4	ZNF488	2,537232748	0,023283134
ENSG00000118513.19	MYB	2,536019579	0,000511585
ENSG00000243854.3	RN7SL67P	2,535860517	0,007004561
ENSG00000134874.18	DZIP1	2,529859096	0,040053828
ENSG00000249870.1	AC005920.2	2,528123948	0,002230178
ENSG00000286463.1	AP002755.1	2,527444146	0,017284292
ENSG00000228280.1	AL731568.1	2,526217292	0,017789805
ENSG00000267506.5	AC021683.2	2,525553258	0,041283639
ENSG00000226159.2	LINC01375	2,52495575	0,038873805
ENSG00000261934.2	PCDHGA9	2,524041122	0,01593607
ENSG00000007038.11	PRSS21	2,522752879	0,048382627
ENSG00000165078.13	CPA6	2,522681755	0,042053723
ENSG00000264196.1	AC011120.1	2,522213887	0,00305207
ENSG00000240553.1	AL031428.1	2,521817808	0,002580231
ENSG00000263934.5	SNORD3A	2,521496066	0,011596403
ENSG00000233723.9	LINC01122	2,52120367	0,029454542
ENSG00000000971.16	CFH	2,521171712	0,040131057
ENSG00000184838.15	PRR16	2,520549946	0,046167233
ENSG00000261377.5	PDCD6IPP2	2,518786006	0,042727867

ENSG00000261739.2	GOLGA8S	2,518363963	0,021642504
ENSG00000263793.1	MIR3115	2,514372478	0,005712174
ENSG00000142798.20	HSPG2	2,513050506	0,009519201
ENSG00000166104.15	AC126323.1	2,51205247	0,038097436
ENSG00000188712.4	OR13D3P	2,510904203	0,015169597
ENSG00000079841.18	RIMS1	2,509082633	0,049894893
ENSG00000257910.1	AC124784.1	2,508442405	0,028475663
ENSG00000198049.7	AVPR1B	2,507881329	0,018382164
ENSG00000253452.6	AC124290.1	2,507682	0,044106684
ENSG00000164621.5	SMAD5-AS1	2,507449675	0,007442802
ENSG00000120833.14	SOCS2	2,505951167	0,025015668
ENSG00000163701.19	IL17RE	2,504897532	0,03339922
ENSG00000132744.8	ACY3	2,502732666	0,036225911
ENSG00000169397.3	RNASE3	2,502631716	0,041604152
ENSG00000158955.11	WNT9B	2,502411662	0,019117421
ENSG00000120327.6	PCDHB14	2,502359921	0,03363098
ENSG00000287093.1	AC003093.1	2,501494801	0,020193609
ENSG00000237955.1	AC245884.4	2,500823469	0,020611437
ENSG00000239202.3	RN7SL499P	2,500034957	0,030880822
ENSG00000248449.2	PCDHGB8P	2,499699634	0,018545648
ENSG00000008394.13	MGST1	2,49936271	0,017121193
ENSG00000279652.1	Z82217.1	2,497777214	0,023326946
ENSG00000259776.1	AC093426.1	2,497115373	0,044467856
ENSG00000250501.3	AC093766.1	2,495927667	0,034241674
ENSG00000252975.1	Y_RNA	2,494539148	0,003526755
ENSG00000133958.13	UNC79	2,493287648	0,02555176
ENSG00000239221.3	RN7SL442P	2,493197095	0,009114177
ENSG00000237819.5	CDK6-AS1	2,491409851	0,018621008
ENSG00000232407.3	PPIAP70	2,489711553	0,014572411
ENSG00000242559.3	RN7SL144P	2,489408285	0,018974774
ENSG00000172037.14	LAMB2	2,489256644	0,039878074
ENSG00000226532.1	AL022718.1	2,487756602	0,041408619
ENSG00000130962.18	PRRG1	2,48641673	0,048838764
ENSG00000272970.3	AC107294.2	2,485683443	0,01694946
ENSG00000218565.2	AL592429.1	2,482877221	0,020628497
ENSG00000242971.3	RN7SL233P	2,482592392	0,013342559
ENSG00000105366.15	SIGLEC8	2,48186979	0,032119911
ENSG00000286993.1	AC035139.2	2,480078326	0,020228328
ENSG00000188130.14	MAPK12	2,478113413	0,006316395
ENSG00000179348.12	GATA2	2,477543306	0,017024237
ENSG00000250850.2	AL161781.2	2,477400063	0,02959445
ENSG00000153253.19	SCN3A	2,477307606	0,046867367
ENSG00000171388.12	APLN	2,477160824	0,042543018
ENSG00000245311.2	ARNTL2-AS1	2,476512704	0,018591896
ENSG00000199879.1	RNVU1-22	2,476319753	0,040395483

ENSG00000183463.6	URAD	2,475497466	0,025606152
ENSG00000269228.1	RPS27AP19	2,474226651	0,026194976
ENSG00000255081.1	AP003168.2	2,473832038	0,009662442
ENSG00000242321.1	RPL23AP40	2,473062501	0,007525753
ENSG00000135605.13	TEC	2,47221539	0,000361286
ENSG00000196277.16	GRM7	2,47132927	0,037215559
ENSG00000180264.11	ADGRD2	2,469533076	0,031978316
ENSG00000264354.1	MIR3134	2,469454153	0,010644819
ENSG00000224973.6	LARGE-AS1	2,468876734	0,033964019
ENSG00000279623.1	AL359697.1	2,465950706	0,007793936
ENSG00000240764.4	PCDHGC5	2,465419815	0,015406821
ENSG00000040608.14	RTN4R	2,465188715	0,028165594
ENSG00000161940.11	BCL6B	2,464610114	0,042689168
ENSG00000286939.1	U82671.1	2,464496448	0,019521647
ENSG00000282511.1	CLUHP10	2,4642684	0,041441135
ENSG00000268364.2	SMC5-AS1	2,464171383	0,015372853
ENSG00000250148.1	KRT8P31	2,464081097	0,046959062
ENSG00000244641.2	RPS26P43	2,463689169	0,036875075
ENSG00000158296.14	SLC13A3	2,462933553	0,037851768
ENSG00000232696.1	AC017006.2	2,461955071	0,011825972
ENSG00000164106.8	SCRG1	2,460927399	0,00969511
ENSG00000286715.1	AL589863.2	2,459505166	0,010855015
ENSG00000163453.11	IGFBP7	2,458428511	0,00721552
ENSG00000224315.2	RPL7P7	2,457217488	0,003596904
ENSG00000266371.1	AC079915.1	2,455308788	0,003315943
ENSG00000251655.6	PRB1	2,453043338	0,023631634
ENSG00000274317.2	LINC02334	2,452463032	0,020508767
ENSG00000206819.1	RNU6-260P	2,452089217	0,012805691
ENSG00000202184.1	RNU6-1283P	2,450881077	0,016125119
ENSG00000172817.4	CYP7B1	2,449397947	0,048711642
ENSG00000162390.18	ACOT11	2,449087004	0,007579007
ENSG00000158715.6	SLC45A3	2,448881951	0,0131513
ENSG00000215065.3	DUSP8P1	2,44672514	0,047223904
ENSG00000256403.1	AP003785.1	2,445315468	0,014777206
ENSG00000276542.1	AC097478.2	2,443893806	0,036353493
ENSG00000251322.9	SHANK3	2,443684116	0,036010896
ENSG00000271955.2	AC007100.1	2,442936099	0,032578046
ENSG00000207091.1	Y_RNA	2,442736582	0,016202041
ENSG00000258980.1	EIF1AXP2	2,442655442	0,025367976
ENSG00000225405.3	RPS15AP17	2,442093362	0,04723969
ENSG00000210196.2	MT-TP	2,4400568	0,025684537
ENSG00000275591.5	XKR5	2,439815461	0,028191124
ENSG00000133519.12	ZDHHC8P1	2,439385221	0,048972604
ENSG00000112290.13	WASF1	2,438109479	0,025743777
ENSG00000273035.1	AC007684.2	2,437942343	0,008050636

ENSG00000286559.1	AC099845.1	2,437044844	0,046019209
ENSG00000170374.6	SP7	2,436153342	0,045363404
ENSG00000279659.1	AL451064.2	2,435860735	0,032603744
ENSG00000246528.3	AC079089.1	2,435174493	0,038017276
ENSG00000249175.1	AC008534.1	2,432226271	0,027181069
ENSG00000177788.6	AL162595.1	2,430109454	0,005039178
ENSG00000287123.1	AC007880.1	2,429478559	0,033742854
ENSG00000212402.1	SNORA74B	2,426392956	0,026875821
ENSG00000086289.12	EPDR1	2,423964748	0,008484413
ENSG00000239819.2	IGKV1D-8	2,42272515	0,042267064
ENSG00000211692.1	TRGJP1	2,422406457	0,026062152
ENSG00000137819.14	PAQR5	2,419218695	0,045798446
ENSG00000248309.7	MEF2C-AS1	2,419162761	0,008570967
ENSG00000095981.11	KCNK16	2,418499936	0,046717428
ENSG00000211688.1	TRGJP2	2,413899475	0,035793099
ENSG00000144852.19	NR1I2	2,412444056	0,017119478
ENSG00000267886.1	AC074135.1	2,411965635	0,019163049
ENSG00000207988.1	MIR576	2,409508144	0,003461273
ENSG00000121690.11	DEPDC7	2,407207189	0,024445736
ENSG00000231612.1	AC104462.1	2,40668367	0,028819412
ENSG00000247081.8	BAALC-AS1	2,406311605	0,045811195
ENSG00000240521.1	AC092979.1	2,406174831	0,048761309
ENSG00000199405.1	SNORA1B	2,405064412	0,00819829
ENSG00000203392.3	AC105020.1	2,401446485	0,022293368
ENSG00000240233.3	RN7SL587P	2,399384129	0,004842334
ENSG00000238217.6	LINC01877	2,394811559	0,036807567
ENSG00000197061.5	H4C3	2,3946789	0,035269527
ENSG00000227879.2	PSPC1P1	2,39408639	0,03669917
ENSG00000287203.1	AC005592.2	2,393261225	0,043649961
ENSG00000230728.1	AL590093.1	2,39299309	0,029836859
ENSG00000283422.1	LINC02452	2,39154149	0,042509415
ENSG00000170396.9	ZNF804A	2,38997434	0,034754833
ENSG00000259244.1	AC048382.2	2,38836462	0,008846149
ENSG00000264365.1	AC023983.1	2,387264213	0,029932988
ENSG00000287623.1	AC037193.1	2,386265523	0,043025161
ENSG00000287430.1	AL136090.2	2,385866199	0,048581587
ENSG00000237693.4	IRGM	2,385457843	0,021420431
ENSG00000286460.1	AC006538.4	2,385208645	0,029553628
ENSG00000234215.3	CT66	2,384805019	0,024613025
ENSG00000222511.2	Y_RNA	2,383717658	0,016141877
ENSG00000184785.6	SMIM10	2,381776985	0,039439436
ENSG00000232125.5	DYTN	2,380561856	0,042070944
ENSG00000257979.1	SNRPGP18	2,378193295	0,009824371
ENSG00000234816.2	H2AC5P	2,375110005	0,048714353
ENSG00000166803.14	PCLAF	2,374308225	0,010675238

ENSG00000279465.1	AC090950.2	2,374214586	0,019430845
ENSG00000164116.17	GUCY1A1	2,373569884	0,034627464
ENSG00000207287.1	RNU6-1274P	2,372705243	0,046911705
ENSG00000254048.1	AC105150.1	2,372639696	0,043135684
ENSG00000223238.1	RNA5SP294	2,372313979	0,018842678
ENSG00000104043.15	ATP8B4	2,37069434	0,022602947
ENSG00000256282.1	AC112694.1	2,367751897	0,014981228
ENSG00000263593.1	MIR4804	2,367432462	0,021937241
ENSG00000228526.7	MIR34AHG	2,365677926	0,028675945
ENSG00000217646.1	H2BC16P	2,365228317	0,033083109
ENSG00000224063.6	AC007319.1	2,363458628	0,048759224
ENSG00000223584.1	TVP23CP1	2,363328872	0,047719998
ENSG00000287581.1	AC016549.1	2,363095868	0,028660673
ENSG00000252578.1	RNU6-135P	2,362691308	0,030598327
ENSG00000242493.3	RN7SL37P	2,359760405	0,013339577
ENSG00000230741.1	Z82173.1	2,359439408	0,037749627
ENSG00000277035.1	AC096552.1	2,358792199	0,031088121
ENSG00000198938.2	MT-CO3	2,358260076	0,03352361
ENSG00000267612.1	AC008759.2	2,357519736	0,040938289
ENSG00000242251.3	RN7SL20P	2,357500346	0,008956706
ENSG00000257658.1	AC004217.2	2,350382423	0,013507055
ENSG00000214870.9	AC004540.1	2,348525333	0,035646905
ENSG00000241162.3	RN7SL617P	2,345981801	0,021255934
ENSG00000163406.11	SLC15A2	2,343280101	0,013057311
ENSG00000199674.1	RNU6-862P	2,340991105	0,019786631
ENSG00000253056.1	RNU7-128P	2,340797976	0,040555487
ENSG00000230778.1	ANKRD63	2,340318057	0,040050528
ENSG00000198888.2	MT-ND1	2,338015259	0,037081496
ENSG00000237317.2	AL022400.1	2,33516788	0,035562168
ENSG00000273675.1	AL118556.2	2,332424719	0,018144422
ENSG00000227309.1	AC140076.1	2,331192114	0,021829026
ENSG00000105737.9	GRIK5	2,327482187	0,047039369
ENSG00000282988.2	AL031777.2	2,327005143	0,042105781
ENSG00000259396.1	AC087721.1	2,324481252	0,028358454
ENSG00000286524.1	AC092567.2	2,322857471	0,045045295
ENSG00000253846.2	PCDHGA10	2,320852648	0,047291097
ENSG00000215097.3	AL731733.1	2,317706647	0,047765437
ENSG00000100979.15	PLTP	2,315834648	0,026523337
ENSG00000184313.20	MROH7	2,313800736	0,035659825
ENSG00000280055.2	TMEM75	2,311832219	0,045623945
ENSG00000174233.11	ADCY6	2,311518787	0,039254691
ENSG00000220349.4	Z85996.1	2,310632527	0,035405213
ENSG00000230459.3	AC060773.1	2,309022649	0,038987878
ENSG00000237041.1	RPL27P8	2,308610689	0,024634205
ENSG00000217083.1	MTCO2P33	2,306932245	0,038012562

ENSG00000143545.10	RAB13	2,305069988	0,041726641
ENSG00000207633.3	MIR505	2,304260716	0,035667232
ENSG00000200597.1	RNVU1-33	2,303666625	0,035088724
ENSG00000207194.1	RNU6-1026P	2,303308611	0,030903302
ENSG00000206828.1	RNVU1-30	2,300687651	0,026915878
ENSG00000239079.1	AP002762.1	2,300455256	0,040810799
ENSG00000250574.1	AC112173.1	2,300314831	0,044136694
ENSG00000250698.1	AC131182.1	2,296617324	0,030858966
ENSG00000287422.1	AL442071.2	2,296471995	0,024299955
ENSG00000198786.2	MT-ND5	2,29628316	0,040305909
ENSG00000239316.3	RN7SL11P	2,296010327	0,044663406
ENSG00000279281.1	AC015883.1	2,293699853	0,031569579
ENSG00000270487.1	AL355297.1	2,292895892	0,026960845
ENSG00000260664.2	AC004158.1	2,290564608	0,029662061
ENSG00000221325.1	MIR1200	2,289849972	0,04471696
ENSG00000206935.1	RNU6-514P	2,286052008	0,047992226
ENSG00000257643.1	AC084824.2	2,285138326	0,023206786
ENSG00000140284.11	SLC27A2	2,2797301	0,04325268
ENSG00000176912.5	TYMSOS	2,274552877	0,031458471
ENSG00000225711.1	AL512326.3	2,270422735	0,0291145
ENSG00000257522.7	AL133166.1	2,2644953	0,044754557
ENSG00000207976.1	MIR607	2,259655794	0,049110659
ENSG00000236900.1	TIMM9P1	2,259215581	0,047954766
ENSG00000207052.1	RNU6-378P	2,258400252	0,048128296
ENSG00000271378.1	RBISP2	2,25709297	0,04745715
ENSG00000224751.2	SHMT1P1	2,256756954	0,049659914
ENSG00000236073.2	AL627311.1	2,247376103	0,045480597
ENSG00000204086.4	RPA4	2,247180419	0,042922693
ENSG00000207956.1	MIR579	2,246965649	0,026332572
ENSG00000233851.1	LATS2-AS1	2,241110165	0,047285929
ENSG00000252657.1	SNORA70	2,240807513	0,049009322
ENSG00000286894.1	AC009141.1	2,239246642	0,04559787
ENSG00000241179.1	AC010301.1	2,234315247	0,038992836
ENSG00000231564.1	EIF4A1P11	2,232499448	0,029230601
ENSG00000275562.1	AC104763.2	2,220888514	0,042558833
ENSG00000240385.1	RPS29P20	2,214162599	0,042619747
ENSG00000144792.9	ZNF660	2,203312359	0,04040629
ENSG00000259463.1	AC020661.2	2,193120499	0,047715826
ENSG00000240354.1	AC131211.1	1,942471391	0,038717862

Cuadro 10. Genes infraexpresados en LMA respecto a los controles sanos. Se muestra la tabla de genes infraexpresados obtenidos en el contraste experimental de LMA vs. Controles sanos (512 genes).

<i>Identificador</i>	Nombre del gen	logFC	p-valor
ENSG00000185479.6	KRT6B	-6,713643731	5,55629E-38
ENSG00000163216.7	SPRR2D	-6,578213306	2,89683E-30
ENSG00000275708.1	MIR3648-1	-5,837505127	2,03005E-31
ENSG00000277437.1	FP671120.2	-5,432309601	3,30964E-22
ENSG00000214684.2	ANKRD49P4	-5,301409028	2,72296E-21
ENSG00000228997.1	AL136452.1	-5,253059017	1,96611E-44
ENSG00000163347.6	CLDN1	-5,005581154	1,22861E-46
ENSG00000204936.10	CD177	-4,722246325	4,2183E-15
ENSG00000171345.13	KRT19	-4,681269326	3,36725E-39
ENSG00000186081.12	KRT5	-4,656056832	1,51469E-36
ENSG00000134216.19	CHIA	-4,555064949	7,81128E-35
ENSG00000228685.1	AL365356.2	-4,506071138	3,81138E-20
ENSG00000258903.2	AL390816.2	-4,505884677	2,50876E-22
ENSG00000204933.3	CD177P1	-4,488322835	1,65033E-25
ENSG00000145642.12	SHISAL2B	-4,40647479	1,18829E-31
ENSG00000182931.9	WFDC10B	-4,37552597	6,72558E-28
ENSG00000213205.3	STRADB1P1	-4,365692696	4,74964E-51
ENSG00000148346.12	LCN2	-4,279186976	3,15898E-12
ENSG00000177324.14	BEND2	-4,204888282	3,57645E-23
ENSG00000199883.1	RN7SKP90	-4,144876069	7,01938E-11
ENSG00000225206.10	MIR137HG	-4,096608539	3,52991E-22
ENSG00000115263.15	GCG	-4,016528198	7,80442E-16
ENSG00000102837.7	OLFM4	-3,932791385	1,78255E-08
ENSG00000169605.7	GKN1	-3,929635078	3,57922E-14
ENSG00000164047.6	CAMP	-3,903171291	3,08118E-09
ENSG00000278233.1	RNA5-8SN2	-3,890237909	3,65158E-18
ENSG00000100985.7	MMP9	-3,889230784	1,84368E-09
ENSG00000287217.1	AL355538.1	-3,878661411	7,54653E-15
ENSG00000133063.16	CHIT1	-3,875205579	1,02592E-16
ENSG00000242660.1	AC015911.1	-3,848346573	2,60824E-29
ENSG00000283005.1	CDC27P3	-3,82992584	9,65106E-28
ENSG00000254181.1	SLC25A51P3	-3,821189852	4,10945E-16
ENSG00000274423.1	SEC22B2P	-3,795255217	6,24064E-25
ENSG00000109272.4	PF4V1	-3,785468064	1,69816E-13
ENSG00000287980.1	AL391557.1	-3,785227883	9,74371E-16
ENSG00000253415.1	AC016877.2	-3,783314089	9,42051E-15
ENSG00000199620.1	RNA5SP258	-3,777274278	1,28558E-11
ENSG00000179412.11	HNRNPCL4	-3,774310311	4,1556E-16
ENSG00000188765.7	TMSB4XP2	-3,772499523	5,07269E-26
ENSG00000204010.3	IFIT1B	-3,76644778	1,45173E-08

ENSG00000228347.1	FTLP17	-3,749803641	3,15276E-22
ENSG00000237897.2	AL512844.2	-3,748450021	6,39808E-22
ENSG00000213177.3	PRDX2P4	-3,729821749	2,22257E-15
ENSG00000012223.13	LTF	-3,718597994	6,79076E-06
ENSG00000229465.1	ACTG1P11	-3,68910629	3,60915E-17
ENSG00000215834.10	FMO9P	-3,650709696	1,05631E-09
ENSG00000201901.1	RN7SKP48	-3,639870932	2,56137E-09
ENSG00000234975.6	FTH1P2	-3,626889101	4,99201E-19
ENSG00000205745.2	AC083864.1	-3,626336186	5,30987E-15
ENSG00000275691.2	MT1IP	-3,621346724	7,61133E-12
ENSG00000231766.1	MTCO2P5	-3,611666658	7,52611E-14
ENSG00000279081.2	AL356585.1	-3,587812502	1,05388E-22
ENSG00000277671.1	FP671120.3	-3,568428631	1,90687E-08
ENSG00000213772.3	EIF1P7	-3,563077277	6,8045E-29
ENSG00000146648.19	EGFR	-3,561383709	8,52762E-19
ENSG00000121742.19	GJB6	-3,539617232	1,0534E-08
ENSG00000253899.1	AC067904.2	-3,523439619	5,29718E-23
ENSG00000238222.3	MKRN4P	-3,5069243	1,25156E-25
ENSG00000286155.1	FP671120.10	-3,49090187	1,63605E-08
ENSG00000214132.4	AC094103.1	-3,47570779	5,51426E-18
ENSG00000236857.3	RAP1BP1	-3,459872683	3,009E-16
ENSG00000234801.3	MORF4	-3,432553012	2,55204E-20
ENSG00000255693.3	LINC02389	-3,432418283	6,17395E-14
ENSG00000224466.1	CDCA4P2	-3,426169972	1,62561E-09
ENSG00000253677.1	UBE2HP1	-3,424213999	6,6636E-14
ENSG00000111245.17	MYL2	-3,422493053	1,55785E-15
ENSG00000237264.4	FTH1P11	-3,418087858	2,53869E-17
ENSG00000227018.1	IL6STP1	-3,366292047	9,11674E-19
ENSG00000131746.13	TNS4	-3,360404832	9,36137E-19
ENSG00000275215.1	RNA5-8SN3	-3,359260981	4,99701E-11
ENSG00000255282.6	WTAPP1	-3,353297461	4,81E-11
ENSG00000231989.5	PPP1R2B	-3,337653113	3,24277E-21
ENSG00000229314.5	ORM1	-3,335438911	1,92061E-06
ENSG00000237415.2	NRBF2P3	-3,332697696	7,60733E-14
ENSG00000096006.12	CRISP3	-3,328150422	0,000241681
ENSG00000241456.1	AC005996.1	-3,327572259	8,63613E-12
ENSG00000229586.2	TNPO1P3	-3,326046104	9,74388E-16
ENSG00000273679.1	AC100757.1	-3,323251193	6,52824E-15
ENSG00000265296.1	FEM1AP2	-3,316512012	1,07383E-12
ENSG00000238201.1	AC114752.2	-3,314215301	1,11188E-11
ENSG00000206172.8	HBA1	-3,302933386	0,000443592
ENSG00000130558.20	OLFM1	-3,299601893	9,67978E-10
ENSG00000266213.1	AC107892.1	-3,296599278	1,23977E-06
ENSG00000250575.1	AL732372.3	-3,291762279	6,57373E-13
ENSG00000187172.15	BAGE2	-3,287606909	2,75708E-11

ENSG00000165496.5	RPL10L	-3,276676927	3,46992E-15
ENSG00000237456.3	ID2B	-3,268513078	1,73212E-11
ENSG00000230956.2	CAPZA1P1	-3,263191047	4,90241E-16
ENSG00000249680.2	TUBA3GP	-3,246116622	5,65831E-10
ENSG00000215179.5	MAPK6P4	-3,241369722	1,47077E-13
ENSG00000250144.1	AC104619.3	-3,221741819	9,27189E-13
ENSG00000258128.2	MKRN9P	-3,218896972	8,43477E-13
ENSG0000015568.13	RGPD5	-3,205833404	1,04926E-14
ENSG00000223427.1	RBM7P1	-3,199191302	2,54183E-14
ENSG00000249215.1	NCOA4P4	-3,19287777	2,12884E-17
ENSG00000254055.2	AC009597.1	-3,190482567	2,15145E-06
ENSG00000229129.1	ACTG1P2	-3,1882916	4,82839E-10
ENSG00000188219.14	POTEE	-3,186327587	9,38585E-14
ENSG00000236564.1	YWHAQP5	-3,181208082	3,53008E-11
ENSG00000126856.15	PRDM7	-3,171241148	5,2513E-13
ENSG00000240914.1	RPL15P2	-3,15227037	1,10491E-11
ENSG00000266365.1	AC053481.3	-3,130107372	3,2508E-08
ENSG00000222014.6	RAB6C	-3,120366246	1,56726E-09
ENSG00000248966.1	BCLAF1P1	-3,109802639	2,46617E-15
ENSG00000284618.1	AL391294.1	-3,108137882	2,28679E-12
ENSG00000284981.1	UPK3BL2	-3,10728585	5,92525E-09
ENSG00000228051.1	WBP11P3	-3,098874997	2,52366E-12
ENSG00000258282.2	BTF3P2	-3,087124158	7,50373E-14
ENSG00000224217.1	PRPF4BP1	-3,074498102	7,58194E-09
ENSG00000230756.1	RHOQP3	-3,066062167	1,73431E-15
ENSG00000236148.5	RPL23AP37	-3,056919533	6,84432E-10
ENSG00000133048.13	CHI3L1	-3,056085182	0,000211109
ENSG00000118113.12	MMP8	-3,054000506	0,001525562
ENSG00000105605.7	CACNG7	-3,050385299	6,22149E-10
ENSG00000016402.13	IL20RA	-3,045916927	1,11451E-06
ENSG00000196407.12	THEM5	-3,04369689	2,40437E-07
ENSG00000167680.17	SEMA6B	-3,033441099	0,00010242
ENSG00000243062.6	AL359853.2	-3,032243432	1,38067E-05
ENSG00000101162.4	TUBB1	-3,016254008	2,19129E-06
ENSG00000134765.10	DSC1	-3,007812734	1,48694E-07
ENSG00000142273.13	CBLC	-3,006004322	1,47742E-07
ENSG00000214108.4	TPT1P5	-3,004375925	3,44584E-10
ENSG00000248469.1	AC139491.1	-2,996510064	1,88788E-08
ENSG00000231246.2	LINC02884	-2,994911397	5,78579E-07
ENSG00000004939.15	SLC4A1	-2,992344594	0,001154522
ENSG00000226025.9	LGALS17A	-2,983789862	1,45413E-08
ENSG00000249667.1	LINC01259	-2,982529088	3,12549E-08
ENSG00000130226.17	DPP6	-2,981723504	2,76806E-06
ENSG00000158578.21	ALAS2	-2,961014771	0,002280949
ENSG00000232531.3	KMT5AP2	-2,960718177	7,58545E-12

ENSG00000188660.4	LINC00319	-2,95866188	1,2367E-07
ENSG00000230834.1	AC068580.2	-2,954545852	1,42986E-06
ENSG00000166926.8	MS4A6E	-2,952955722	5,8219E-08
ENSG00000213917.2	RPL5P8	-2,950714788	4,90323E-09
ENSG00000136929.13	HEMGN	-2,949275364	0,000490462
ENSG00000218586.3	AC006971.1	-2,948507504	2,12739E-07
ENSG00000204614.9	TRIM40	-2,947431308	4,98858E-08
ENSG00000148344.11	PTGES	-2,926449261	0,001212683
ENSG00000100558.9	PLEK2	-2,924784855	8,12576E-06
ENSG00000161911.11	TREML1	-2,915819084	3,50112E-05
ENSG00000254810.1	AP001189.3	-2,913850196	5,71773E-07
ENSG00000285774.3	AL133444.1	-2,911181366	3,37467E-07
ENSG00000257350.1	AC027287.1	-2,909329897	4,53916E-07
ENSG00000225486.1	AL663058.1	-2,905775583	1,28449E-08
ENSG00000127152.18	BCL11B	-2,901122581	5,46697E-05
ENSG00000260496.3	AC009041.1	-2,900874809	5,20185E-08
ENSG00000215817.7	ZC3H11B	-2,891441874	2,26859E-09
ENSG00000250334.6	LINC00989	-2,886308424	0,000180497
ENSG00000173391.9	OLR1	-2,886105166	0,001209493
ENSG00000104722.14	NEFM	-2,883756484	4,83928E-06
ENSG00000243915.1	THAP12P2	-2,88310822	2,59628E-07
ENSG00000251435.1	C1GALT1P2	-2,881703576	3,16186E-06
ENSG00000233543.1	CHTF8P1	-2,879886722	1,49183E-07
ENSG00000166396.13	SERPINB7	-2,878474301	0,000240165
ENSG00000159166.15	LAD1	-2,877863717	2,45508E-05
ENSG00000232801.1	SDCBPP3	-2,874068037	4,05789E-10
ENSG00000224733.1	AL034349.1	-2,87392896	2,38039E-05
ENSG00000275286.1	AC025253.1	-2,868292802	1,04556E-05
ENSG00000105507.3	CABP5	-2,867758282	1,81702E-05
ENSG00000235295.1	LINC01634	-2,86432139	6,56104E-08
ENSG00000130821.17	SLC6A8	-2,862132791	2,9929E-05
ENSG00000266989.1	FTLP5	-2,858653668	1,70973E-08
ENSG00000100012.12	SEC14L3	-2,848986014	8,92632E-06
ENSG00000219507.4	FTH1P8	-2,844618295	7,79347E-06
ENSG00000173432.12	SAA1	-2,84276852	1,15502E-09
ENSG00000230665.3	THAP12P1	-2,841091794	1,1023E-07
ENSG00000236304.1	AP001189.1	-2,833605954	0,000248064
ENSG00000178723.7	GLULP4	-2,83016023	1,42826E-06
ENSG00000285551.2	AC067752.1	-2,829854944	6,51371E-06
ENSG00000232391.1	RANP2	-2,82734939	3,33924E-06
ENSG00000108932.12	SLC16A6	-2,825394429	0,000256472
ENSG00000250182.3	EEF1A1P13	-2,824754894	1,30191E-07
ENSG00000239443.1	PABPC1P10	-2,819551325	4,87267E-08
ENSG00000249264.1	EEF1A1P9	-2,817072377	2,59533E-08
ENSG00000277914.1	DDX6P2	-2,816904424	1,84512E-10

ENSG00000183421.12	RIPK4	-2,816531813	0,000240505
ENSG00000235824.5	LINC00837	-2,814083628	4,99261E-06
ENSG00000275210.1	AC245884.11	-2,812253923	0,000444536
ENSG00000282431.1	TRBD1	-2,810728889	2,43847E-05
ENSG00000222685.1	RN7SKP119	-2,808487992	2,67674E-06
ENSG00000249992.2	TMEM158	-2,802975498	0,000539914
ENSG00000085733.16	CTTN	-2,793263302	0,000210434
ENSG00000226915.1	RPL19P4	-2,784892277	1,14741E-06
ENSG00000151023.17	ENKUR	-2,782821668	9,60652E-06
ENSG00000160339.16	FCN2	-2,782657241	3,02234E-06
ENSG00000167434.10	CA4	-2,779555573	0,001188862
ENSG00000259010.1	NUP50P1	-2,77642368	9,41046E-08
ENSG00000143416.21	SELENBP1	-2,775438586	0,005549868
ENSG00000173868.12	PHOSPHO1	-2,769753811	0,00073559
ENSG00000158856.18	DMTN	-2,76059473	0,001536946
ENSG00000256293.2	ATP6V1E1P3	-2,753684666	3,75467E-07
ENSG00000249109.1	AC140125.2	-2,753495875	4,08664E-06
ENSG00000128266.9	GNAZ	-2,753452812	0,000233164
ENSG00000283566.2	AC243725.1	-2,753271396	9,64707E-06
ENSG00000225938.1	AL109741.1	-2,750847278	6,94221E-07
ENSG00000224011.1	AC110602.1	-2,750844845	1,55586E-08
ENSG00000213816.3	CNN2P4	-2,74187429	3,56006E-06
ENSG00000175746.6	C15orf54	-2,740339272	0,000251428
ENSG00000107742.13	SPOCK2	-2,736156745	0,00016162
ENSG00000251545.2	AC136628.2	-2,736072995	7,86732E-06
ENSG00000172331.12	BPGM	-2,735494612	3,58897E-05
ENSG00000278943.1	AC079228.1	-2,73474742	9,98905E-07
ENSG00000163464.8	CXCR1	-2,734283162	0,002826151
ENSG00000259137.1	AL109766.1	-2,724587989	1,42918E-06
ENSG00000101842.14	VSIG1	-2,722611165	0,000115475
ENSG00000204352.4	C9orf129	-2,722047965	2,73509E-06
ENSG00000234589.4	AC125807.1	-2,713698947	1,38132E-05
ENSG00000250346.1	EEF1GP2	-2,709077058	1,38102E-05
ENSG00000232702.3	AL158050.1	-2,706720883	1,31944E-08
ENSG00000013725.14	CD6	-2,70174205	0,000487883
ENSG00000249031.1	SUMO2P6	-2,700967152	4,72288E-06
ENSG00000184613.11	NELL2	-2,700940024	0,001158471
ENSG00000175841.8	FAM172BP	-2,699474918	3,061E-05
ENSG00000250076.1	MAPRE1P2	-2,695984401	1,23459E-05
ENSG00000137801.11	THBS1	-2,69174392	0,015411408
ENSG00000273716.2	AC092670.1	-2,690585153	3,2546E-05
ENSG00000287860.1	AC079804.3	-2,690331994	0,000250409
ENSG00000175793.12	SFN	-2,689317444	1,51132E-06
ENSG00000265626.1	AC139085.1	-2,684502377	4,08221E-06
ENSG00000228218.1	ATF4P3	-2,683774928	1,6595E-06

ENSG00000230330.1	HMG2P3	-2,681744875	1,27498E-06
ENSG00000105976.16	MET	-2,679042423	0,009445942
ENSG00000166947.15	EPB42	-2,678408502	0,005997737
ENSG00000249646.2	OR7E94P	-2,678396671	0,000189225
ENSG00000214980.4	AC025538.1	-2,678310516	1,36618E-06
ENSG00000036565.15	SLC18A1	-2,678179176	4,72454E-05
ENSG00000214541.3	RPS4XP3	-2,671148029	5,93017E-06
ENSG00000213252.3	AP001282.1	-2,6688335	5,48842E-07
ENSG00000123689.6	G0S2	-2,661888975	0,011369225
ENSG00000205420.11	KRT6A	-2,661153054	0,000488746
ENSG00000124102.5	PI3	-2,65776436	0,003217018
ENSG00000167768.4	KRT1	-2,657314144	0,013088509
ENSG00000234322.1	ST13P18	-2,654384529	1,07156E-06
ENSG00000232869.2	TRBV29-1	-2,654235845	0,000511031
ENSG00000170074.19	FAM153A	-2,653400943	0,000291248
ENSG00000238269.9	PAGE2B	-2,652035918	5,55421E-05
ENSG00000226068.1	HNRNPA3P4	-2,648055629	2,76451E-05
ENSG00000172116.23	CD8B	-2,640153291	0,000618044
ENSG00000224177.8	LINC00570	-2,630673999	0,001811603
ENSG00000260239.2	LINC02533	-2,62953233	0,001170311
ENSG00000110448.11	CD5	-2,629525404	0,00070076
ENSG00000229961.3	AL357143.1	-2,627870171	0,001052409
ENSG00000119862.13	LGALS1	-2,622254248	0,00112842
ENSG00000255042.3	AC109635.2	-2,622162135	0,001670594
ENSG00000248684.1	BIN2P2	-2,621563216	8,71445E-06
ENSG00000235105.1	AL356968.2	-2,620691488	2,61006E-06
ENSG00000176183.8	AC233964.1	-2,616614364	8,22923E-05
ENSG00000213650.3	AC092447.2	-2,61430424	3,3517E-05
ENSG00000282780.1	TRBJ1-6	-2,613936539	0,00040372
ENSG00000154764.6	WNT7A	-2,603579604	0,000853162
ENSG00000255026.1	AC136475.3	-2,603508054	0,002566446
ENSG00000230362.1	ACTG1P23	-2,595447961	1,73961E-05
ENSG00000254126.8	CD8B2	-2,595069411	0,00032858
ENSG00000156453.14	PCDH1	-2,593426883	0,000281005
ENSG00000225530.1	SP3P	-2,591964205	8,27322E-05
ENSG00000181218.5	H2AW	-2,582688325	0,016026078
ENSG00000237928.6	NFIA-AS2	-2,581658046	0,002507263
ENSG00000260389.1	WBP11P1	-2,578485488	1,9967E-05
ENSG00000256081.2	AC243972.2	-2,57793012	0,000224414
ENSG00000242899.1	RPL7P16	-2,577026883	0,000198595
ENSG00000184792.16	OSBP2	-2,576490844	0,004340525
ENSG00000224334.1	AP000357.1	-2,576087521	3,42929E-06
ENSG00000262714.1	AC007342.5	-2,572721451	0,000757546
ENSG00000283361.2	CFAP97D2	-2,569091765	0,000588047
ENSG00000234176.1	HSPA8P1	-2,567888763	0,000176546

ENSG00000101665.9	SMAD7	-2,567384496	0,001075742
ENSG00000088726.16	TMEM40	-2,567321559	0,004861416
ENSG00000220472.1	AL139095.2	-2,564413633	5,80879E-05
ENSG00000285940.2	AC009899.1	-2,563454076	0,000797914
ENSG00000163600.13	ICOS	-2,563357744	0,006260059
ENSG00000124469.12	CEACAM8	-2,562133178	0,028136831
ENSG00000264462.1	MIR3648-2	-2,55950352	0,0348305
ENSG00000211786.3	TRAV8-2	-2,558984845	0,000532293
ENSG00000261804.2	AC007342.4	-2,558397887	0,000564926
ENSG00000226790.3	HNRNPA3P1	-2,557235144	3,38668E-05
ENSG00000276667.1	AL158077.1	-2,556983491	0,000125964
ENSG00000005102.14	MEOX1	-2,556889378	0,000158354
ENSG00000147676.14	MAL2	-2,553533809	0,00134795
ENSG00000183873.18	SCN5A	-2,546732626	0,008992251
ENSG00000197403.4	OR6N1	-2,545599253	0,00311329
ENSG00000196549.12	MME	-2,543286454	0,02289227
ENSG00000013588.9	GPRC5A	-2,535252311	0,002735314
ENSG00000060303.5	RPS17P5	-2,53519257	0,000569592
ENSG00000230183.4	CNOT6LP1	-2,533075131	9,69503E-06
ENSG00000260271.3	AL132996.1	-2,529507544	0,001982523
ENSG00000223972.5	DDX11L1	-2,528440906	0,000160973
ENSG00000153563.16	CD8A	-2,528029828	0,003602367
ENSG00000255500.2	AC109635.4	-2,524477142	0,000375933
ENSG00000234558.1	API5P1	-2,520061445	4,33391E-06
ENSG00000176318.8	FOXN3P1	-2,518558398	7,62215E-05
ENSG00000260809.1	VPS35P1	-2,512477139	0,000405894
ENSG00000178458.5	H3P16	-2,511539923	0,000211643
ENSG00000235095.1	AC099654.2	-2,510370102	6,58012E-06
ENSG00000253882.6	AC099548.2	-2,509196487	0,000368478
ENSG00000234743.1	EIF5AP4	-2,508880056	0,000474112
ENSG00000231369.1	Z97353.1	-2,507963775	9,37694E-05
ENSG00000232187.1	FTH1P7	-2,505868296	0,001691617
ENSG00000226423.1	AC093642.1	-2,505498789	0,002939174
ENSG00000276380.2	UBE2NL	-2,505334556	0,000183754
ENSG00000170956.17	CEACAM3	-2,502980737	0,016964723
ENSG00000206228.4	HNRNPA1P4	-2,49988172	0,001216352
ENSG00000213763.4	ACTBP2	-2,498882305	0,001160813
ENSG00000259097.2	AL163932.1	-2,497552753	0,004794583
ENSG00000279908.1	AC026748.3	-2,493319561	0,000679646
ENSG00000135094.11	SDS	-2,492573792	0,004229494
ENSG00000201010.1	RN7SKP224	-2,492053408	0,000981719
ENSG00000235532.1	LINC00402	-2,490814847	0,007664785
ENSG00000116983.13	HPCAL4	-2,490146332	0,005875845
ENSG00000168646.13	AXIN2	-2,489736773	0,004631236
ENSG00000226666.1	HSPA9P1	-2,48568761	5,61235E-05

ENSG00000224094.1	RPS24P8	-2,485154872	0,003240757
ENSG00000228217.1	PNRC2P1	-2,48404002	0,000358823
ENSG00000230979.3	AC079250.1	-2,480368078	0,005609382
ENSG00000160654.11	CD3G	-2,477671648	0,010126028
ENSG00000008438.5	PGLYRP1	-2,475689653	0,033247461
ENSG00000152495.11	CAMK4	-2,471929358	0,0119479
ENSG00000183508.5	TENT5C	-2,471440414	0,007166097
ENSG00000211782.2	TRAV8-1	-2,469635159	0,001370917
ENSG00000261549.2	AC107954.1	-2,468953612	0,000206181
ENSG00000176749.9	CDK5R1	-2,465995346	0,002514614
ENSG00000188611.16	ASAH2	-2,465355613	0,000664493
ENSG00000279980.1	GABARAPL3	-2,46516332	0,000607579
ENSG00000283871.1	MIR130B	-2,461589389	0,005702326
ENSG00000108688.11	CCL7	-2,460636026	0,031371515
ENSG00000100302.7	RASD2	-2,460634419	0,016908771
ENSG00000234785.1	EEF1GP5	-2,459504438	0,001797483
ENSG00000213867.4	AL049830.1	-2,456194361	0,003972766
ENSG00000153823.19	PID1	-2,45606366	0,034689349
ENSG00000188512.6	AF279873.1	-2,455622793	0,000487336
ENSG00000249478.1	AC010307.3	-2,455292858	0,002400322
ENSG00000278962.1	AC092645.1	-2,449549083	0,012416948
ENSG00000241061.3	RPL5P1	-2,446170149	0,000941691
ENSG00000203757.2	OR6K3	-2,444349201	0,00292262
ENSG00000226525.5	RPS7P10	-2,441862866	0,002330736
ENSG00000263887.7	AC053481.2	-2,441529087	0,001011973
ENSG00000213522.4	RAC1P5	-2,439308333	0,00071527
ENSG00000243910.8	TUBA4B	-2,436434525	0,000233936
ENSG00000196878.15	LAMB3	-2,43633893	0,021819827
ENSG00000144152.13	FBLN7	-2,435533647	0,012949852
ENSG00000282133.1	TRBJ1-3	-2,432779164	0,004802545
ENSG00000204613.11	TRIM10	-2,431173107	0,035815419
ENSG00000211788.2	TRAV13-1	-2,430067896	0,006627444
ENSG00000211780.3	TRAV6	-2,427580036	0,003965513
ENSG00000183054.11	RGPD6	-2,426246507	0,000424688
ENSG00000226660.2	TRBV2	-2,420270033	0,013530525
ENSG00000285476.1	AC139491.7	-2,419940035	0,004488917
ENSG00000198876.13	DCAF12	-2,419071195	0,004043891
ENSG00000204147.11	ASAH2B	-2,418784181	0,005754437
ENSG00000237702.2	TRBV3-1	-2,414789852	0,008240155
ENSG00000156564.9	LRFN2	-2,407474301	0,019979453
ENSG00000211792.2	TRAV14DV4	-2,407227933	0,003841785
ENSG00000173156.7	RHOD	-2,401753894	0,001716119
ENSG00000240048.1	DDX50P2	-2,401092091	0,001431377
ENSG00000135373.13	EHF	-2,397899679	0,006691306
ENSG00000151948.12	GLT1D1	-2,397022783	0,0464909

ENSG00000243064.8	ABCC13	-2,395500196	0,035610106
ENSG00000237506.3	RPSAP15	-2,394250513	0,005301852
ENSG00000224785.1	AC006026.1	-2,391602443	0,000455713
ENSG00000146070.17	PLA2G7	-2,391136365	0,030134911
ENSG00000151952.16	TMEM132D	-2,3905198	0,015537311
ENSG00000227339.1	THRAP3P1	-2,389950788	0,00069511
ENSG00000168685.15	IL7R	-2,388869408	0,018527402
ENSG00000242692.1	RPS27AP1	-2,387333269	0,006896883
ENSG00000198821.11	CD247	-2,387098663	0,014947298
ENSG00000126353.3	CCR7	-2,386475336	0,019124601
ENSG00000251431.1	AC245884.7	-2,386322995	0,006808473
ENSG00000079308.19	TNS1	-2,386230546	0,013728635
ENSG00000183762.13	KREMEN1	-2,38615433	0,028844857
ENSG00000186854.11	TRABD2A	-2,383853493	0,012584177
ENSG00000143502.15	SUSD4	-2,380686802	0,019155569
ENSG00000282416.1	AC092299.1	-2,380392323	0,002824354
ENSG00000182107.7	TMEM30B	-2,379097591	0,020213402
ENSG00000231414.1	RPL39P15	-2,378371239	0,008752347
ENSG00000227653.1	ISCA1P6	-2,378048443	0,003482449
ENSG00000236320.4	SLFN14	-2,376311459	0,013603813
ENSG00000233087.7	RAB6D	-2,375474439	0,001715557
ENSG00000116106.12	EPHA4	-2,373611575	0,026137587
ENSG00000269802.1	AC011491.3	-2,372643902	0,002871569
ENSG00000205922.5	ONECUT3	-2,370699269	0,011720796
ENSG00000168874.13	ATOH8	-2,368810528	0,027995997
ENSG00000167106.12	FAM102A	-2,36578579	0,009343563
ENSG00000176928.7	GCNT4	-2,365403213	0,02592364
ENSG00000137331.12	IER3	-2,364615249	0,037828227
ENSG00000211778.2	TRAV4	-2,364277004	0,00802054
ENSG00000235688.2	SNTG2-AS1	-2,363775795	0,020527744
ENSG00000227234.2	SPANXB1	-2,359868707	0,026668935
ENSG00000258919.1	AL049836.1	-2,357732641	0,012320798
ENSG00000112378.12	PERP	-2,357563779	0,019934398
ENSG00000281958.1	TRBJ1-4	-2,356810923	0,011509704
ENSG00000211790.2	TRAV8-4	-2,353483484	0,013714586
ENSG00000196834.13	POTEI	-2,352292776	0,0039779
ENSG00000102554.14	KLF5	-2,352122731	0,020877683
ENSG00000279741.1	AC007342.8	-2,351613704	0,010694059
ENSG00000239696.3	AC092104.1	-2,350816232	0,008295997
ENSG00000100346.18	CACNA1I	-2,348784573	0,025953046
ENSG00000237090.1	MKRN8P	-2,348304228	0,006220755
ENSG00000173210.20	ABLIM3	-2,347151275	0,04108007
ENSG00000178082.6	TWF1P1	-2,345438271	0,000988382
ENSG00000224971.1	SUMO2P3	-2,344085782	0,006258357
ENSG00000198934.5	MAGEE1	-2,341677665	0,021190109

ENSG00000206932.1	RNU6-4P	-2,340238339	0,010599694
ENSG00000184809.13	B3GALT5-AS1	-2,339899342	0,010082078
ENSG00000261612.1	SUB1P3	-2,33748879	0,00357849
ENSG00000226564.1	FTH1P20	-2,337138786	0,02080763
ENSG00000213820.3	RPL13P2	-2,336192422	0,008524295
ENSG00000211795.3	TRAV8-6	-2,334289297	0,012523342
ENSG00000268621.6	IGFL2-AS1	-2,333288735	0,008816449
ENSG00000211796.1	TRAV16	-2,32963507	0,013760622
ENSG00000140798.16	ABCC12	-2,329138198	0,01071291
ENSG00000247570.2	SDCBPP2	-2,325683243	0,003724308
ENSG00000145335.17	SNCA	-2,319894298	0,047525073
ENSG00000218069.2	RSL24D1P1	-2,317027343	0,008307895
ENSG00000170989.10	S1PR1	-2,316127334	0,028870395
ENSG00000249007.1	AL691482.3	-2,314352159	0,008691671
ENSG00000226070.1	AL139275.1	-2,312633065	0,023441764
ENSG00000228502.1	EEF1A1P11	-2,309292231	0,013317838
ENSG00000211787.1	TRAV8-3	-2,30928164	0,018393193
ENSG00000219451.3	RPL23P8	-2,3089312	0,023375399
ENSG00000134668.12	SPOCD1	-2,308798736	0,027765342
ENSG00000234782.3	TPT1P9	-2,308170377	0,015205017
ENSG00000138795.10	LEF1	-2,307612403	0,040686194
ENSG00000211884.1	TRAJ5	-2,307477412	0,024674166
ENSG00000228501.2	RPL15P18	-2,304986218	0,007412122
ENSG00000211734.3	TRBV5-1	-2,29869234	0,033517867
ENSG00000238241.2	CCR12P	-2,298070966	0,031157898
ENSG00000282420.1	TRBJ1-2	-2,294910163	0,017529887
ENSG00000239435.2	KCNMB3P1	-2,294507934	0,009204741
ENSG00000118402.6	ELOVL4	-2,290600491	0,032549153
ENSG00000133488.15	SEC14L4	-2,290404381	0,048729111
ENSG00000238116.2	RAD21P1	-2,28567259	0,005305915
ENSG00000161381.14	PLXDC1	-2,280408802	0,02962839
ENSG00000160185.15	UBASH3A	-2,278581078	0,043957627
ENSG00000174171.6	AC020659.1	-2,277279509	0,032315812
ENSG00000211807.3	TRAV26-1	-2,276675507	0,028835739
ENSG00000225720.6	AL031846.1	-2,276028323	0,033342822
ENSG00000276557.1	TRBV18	-2,275183669	0,031232251
ENSG00000276819.1	TRBV15	-2,274417661	0,016176877
ENSG00000201665.1	RN7SKP6	-2,273619546	0,027871452
ENSG00000205100.2	HSP90AA4P	-2,272586291	0,013360805
ENSG00000233111.1	RAB1C	-2,271756143	0,005294608
ENSG00000236992.2	RPL12P12	-2,271459271	0,023893311
ENSG00000103184.12	SEC14L5	-2,271237422	0,041965737
ENSG00000279806.1	AC018629.1	-2,269632582	0,015539427
ENSG00000229939.1	AL589880.1	-2,268910628	0,014824391
ENSG00000186676.3	EEF1GP1	-2,267547834	0,025095432

ENSG00000234851.4	RPL23AP42	-2,264492235	0,025436468
ENSG00000115363.14	EVA1A	-2,264070416	0,042797422
ENSG00000211784.2	TRAV10	-2,261460752	0,025242236
ENSG00000211886.1	TRAJ3	-2,260993525	0,034076215
ENSG00000213236.3	YWHAZP2	-2,260380562	0,010365056
ENSG00000233459.1	AC125238.2	-2,260379301	0,00628644
ENSG00000211745.3	TRBV4-2	-2,258049421	0,037665937
ENSG00000230383.1	AC009245.1	-2,257289363	0,033768265
ENSG00000256356.1	HSPA8P5	-2,254595206	0,015732445
ENSG00000122728.6	TAF1L	-2,253202815	0,005622231
ENSG00000280027.1	AC007342.9	-2,253183145	0,031633193
ENSG00000263006.6	ROCK1P1	-2,252852523	0,017738278
ENSG00000234568.3	BIN2P1	-2,251194499	0,007956821
ENSG00000163624.6	CDS1	-2,251157989	0,031170771
ENSG00000225031.1	EIF4BP7	-2,249710615	0,014605464
ENSG00000233850.1	AC103563.7	-2,248846699	0,042960619
ENSG00000233846.2	SELENOTP1	-2,247000884	0,007128458
ENSG00000211801.3	TRAV21	-2,246203777	0,038181649
ENSG00000100362.13	PVALB	-2,245969405	0,033280622
ENSG00000211791.2	TRAV13-2	-2,244564385	0,03341296
ENSG00000227347.1	HNRNPKP2	-2,244255938	0,011313238
ENSG00000211800.3	TRAV20	-2,241375919	0,025433882
ENSG00000214460.3	TPT1P6	-2,238514077	0,025948034
ENSG00000211798.3	TRAV18	-2,237857021	0,029501578
ENSG00000145423.5	SFRP2	-2,237237597	0,049817522
ENSG00000260231.2	KDM7A-DT	-2,235880306	0,026549479
ENSG00000253223.1	AC110998.1	-2,234917668	0,007721958
ENSG00000229817.1	AL133412.1	-2,227885156	0,026211721
ENSG00000239719.1	AC004890.1	-2,226122671	0,035298072
ENSG00000261588.1	AC093249.4	-2,224488418	0,009867149
ENSG00000132915.11	PDE6A	-2,222061635	0,040487509
ENSG00000104892.17	KLC3	-2,217940988	0,049019745
ENSG00000226723.2	AL513175.1	-2,217684113	0,015647478
ENSG00000234825.3	XRCC6P2	-2,216915421	0,023787141
ENSG00000287238.1	AP002954.2	-2,216539215	0,021365897
ENSG00000213358.3	AC092933.1	-2,21405725	0,023293261
ENSG00000124097.7	HMGB1P1	-2,213505117	0,044862604
ENSG00000217416.4	ISCA1P1	-2,213302705	0,021359907
ENSG00000217241.1	CBX3P9	-2,213097104	0,016349325
ENSG00000250746.1	AC105250.1	-2,211507033	0,041485517
ENSG00000267440.2	LINC02594	-2,211071818	0,031556738
ENSG00000249855.1	EEF1A1P19	-2,210767247	0,023194541
ENSG00000213305.3	HNRNPCP6	-2,209209682	0,01674059
ENSG00000129354.12	AP1M2	-2,204175716	0,037920316
ENSG00000140297.13	GCNT3	-2,203741211	0,02503218

ENSG00000215003.4	RPL15P20	-2,200718089	0,029908246
ENSG00000233503.1	HNRNPLP1	-2,196556582	0,018648626
ENSG00000248516.1	AC105415.1	-2,195764424	0,031114825
ENSG00000241899.1	TPT1P3	-2,194619471	0,033183361
ENSG00000225774.2	SIRPAP1	-2,192276966	0,049914759
ENSG00000279800.2	BCLAF1P2	-2,190046736	0,026763198
ENSG00000245205.3	EEF1A1P4	-2,188575925	0,017425473
ENSG00000234629.1	WDR82P1	-2,1870008	0,02295001
ENSG00000228612.2	HK2P1	-2,184586497	0,0403057
ENSG00000259299.1	AC061965.2	-2,183700652	0,029363274
ENSG00000149043.16	SYT8	-2,181905644	0,037581973
ENSG00000130545.16	CRB3	-2,181873013	0,028937732
ENSG00000237514.3	PTP4A1P7	-2,178053258	0,041418566
ENSG00000248113.2	AC067942.2	-2,174014665	0,027069227
ENSG00000265273.1	PGDP1	-2,173437086	0,040470286
ENSG00000232794.1	HNRNPDP1	-2,172175764	0,028789198
ENSG00000259000.1	DOCK11P1	-2,167975178	0,035795219
ENSG00000232389.1	AL583856.1	-2,166608413	0,03743229
ENSG00000163207.7	IVL	-2,157827281	0,006346868
ENSG00000183671.12	GPR1	-2,153633743	0,041004052
ENSG00000214003.2	ATP5PBP3	-2,130186678	0,040728775
ENSG00000169469.9	SPRR1B	-1,906574091	0,013441732