

# Epidemiologické modely - modely na makroúrovni

Modelovania a simulácie 2020/2021

7. decembra 2020

Autori: Martin Fekete (xfeket00@stud.fit.vutbr.cz)

Jakub Sekula (xsekul01@stud.fit.vutbr.cz)

# Obsah

1	Úvo	$\mathbf{d}$		1	
	1.1	Autor	ri a zdroje informácií	1	
		1.1.1	Kooperácia	1	
	1.2	Overe	enie validity	1	
2	Rozbor témy a použitých metód/technológií				
	2.1	Model	l SIDARTHE	2	
	2.2	Popis	použitých technológií	2	
3	Koı	Koncepcia modelu			
4	Architektúra simulačného modelu/simulátoru				
	4.1	Výstu	ıp programu	5	
5	Podstata simulačných experimentov a ich použitie				
	5.1	Postu	p experimentovania	6	
	5.2	Dokur	mentácia experimentov	6	
		5.2.1	Experiment 1	7	
		5.2.2	Experiment 2	8	
		5.2.3	Experiment 3	9	
		5.2.4	Experiment 4	10	
		5.2.5	Experiment 5	11	
		5.2.6	Experiment 6	12	
		5.2.7	Experiment 7	13	
6	Zhr	nutie s	simulačných experimentov a záver	14	

# 1 Úvod

Táto simulačná štúdia je súčasťou projektu do predmetu Modelovanie a simulácie. Téma projektu je modelovanie epidémií na makroúrovni. Cieľom projektu je demonštrácia dôležitosti včasných vládnych opatrení, konkrétne testovania a obmedzenia pohybu, v boji proti šíreniu vírusu COVID-19. V práci je po úvodnej kapitole popísaná myšlienka stojaca za modelom [3, strana 7], na ktorom boli vykonávané experimenty [3, strana 9]. Ďalšia kapitola popisuje model matematickými rovnicami a vysvetľuje jeho parametre. Zvyšné kapitoly sa venujú experimentom a záverom vyvodených z experimentov.

## 1.1 Autori a zdroje informácií

Autormi práce sú:

- Martin Fekete (xfeket00@stud.fit.vutbr.cz)
- Jakub Sekula (xsekul01@stud.fit.vutbr.cz)

Zdroje informácií pochádzajú z literatúry uvedenej na konci simulačnej štúdie. Hlavný zdroj bol najmä [2]. Takisto by sme sa chceli poďakovať skupine BISOP za poskytnuté dáta <sup>1</sup>, konkrétne p. Bercovi.

#### 1.1.1 Kooperácia

O dáta získané vďaka skupine BISOP sme sa podelili s:

- Oliver Kuník (xkunik00@stud.fit.vutbr.cz)
- Ondřej Krejčí (xkrejc69@stud.fit.vutbr.cz)

## 1.2 Overenie validity

Parametre modelu [3, strana 7], ktoré ovplyvňujú simuláciu [3, strana 33] sú popísané v kapitole 1 a pochádzajú z [2]. V tejto štúdii boli parametre nastavené a v čase menené tak, aby korelovali s reálnym vývojom situácie v Taliansku. Porovnanie simulačných experimentov s výsledkami práce [2] je možné vidieť v 5.

# 2 Rozbor témy a použitých metód/technológií

Jeden zo spôsobov modelovania epidémií na veľkých územiach je použitie kompartmentových modelov. Základný kompartmentový model používaný na simulácie šírenia epidémií je model SIR [1]. V tomto modeli je celá populácia rozdelená do troch kategórií a veľkosť populácie sa v čase nemení [1]. Model tiež predpokladá, že po prekonaní nákazy sa jednotlivec nemôže nakaziť druhý raz.

Jednotlivci v populácii môžu patriť do jednej z troch kategórií:

• S (suspectible). Jednotlivci, ktorí ešte neboli nakazení a sú v ohrození nákazy.

<sup>1</sup>https://www.bisop.eu/

- I (infected): Infikovaní jednotlivci, môžu ďalej šíriť nákazu medzi jednotlivcami z kategórie S.
- R (recovered alebo removed). Jednotlivci, ktorí prekonali nákazu.

#### 2.1 Model SIDARTHE

V práci je na modelovanie epidémie COVID-19 použitá modifikácia modelu SIR, a to model SIDARTHE [2]. Model rozlišuje medzi nedetekovanými a detekovanými jednotlivcami a serióznosťou ochorenia u jednotlivcov. Rozdelenie populácie do viacerých kompartmentov umožňuje napríklad presnejšie modelovať rozdiely medzi jednotlivcami, ktorí o svojom ochorení nevedia a sú teda náchylnejší ho šíriť ďalej.

Celková populácia je rozdelená do ôsmych kompartmentov, a to:

- S (suspectible). Podobne ako v SIR modeli, sú to jednotlivci, ktorí ešte neboli nakazení.
- I (infected). Asymptomatickí alebo minimálne symptomatickí infikovaní jednotlivci, ktorí nie sú detekovaní.
- D (diagnosed). Asymptomatickí infikovaní jednotlivci, ktorí boli vďaka testovaniu detekovaní.
- A (ailing). Symptomatickí, infikovaní a nedetekovaní jednotlivci.
- R (recognised). Symptomatickí, infikovaní a detekovaní jednotlivci.
- T (threatened). Infikovaní a detekovaní jednotlivci so život ohrozujúcimi symptómami.
- H (healed). Uzdravení jednotlivci, ktorí ďalej nemôžu šíriť nákazu (obdoba kompartmentu R v modeli SIR).
- E (extinct). Jednotlivci, ktorí podľahli ochoreniu.

## 2.2 Popis použitých technológií

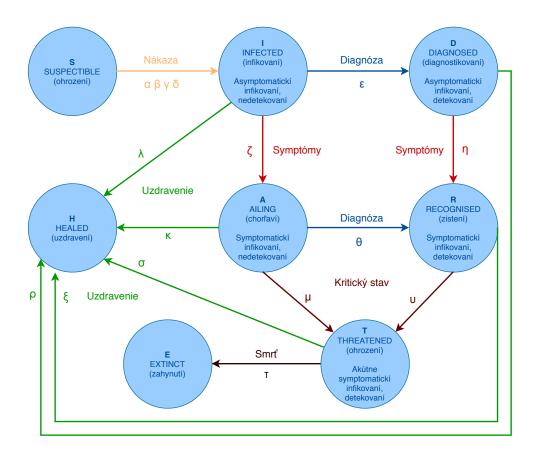
Pre implementáciu bol použitý programovací jazyk C++. Na riešenie diferenciálnych rovníc bola knižnica odeint zo sady knižníc boost. Vzhľadom k tomu, že program sa skladá hlavne z výpočtu diferenciálnych rovníc nebolo potrebné použiť iné externé knižnice.

## 3 Koncepcia modelu

V tejto kapitole je popísaný simulačný model, na ktorom boli vykonávané experimenty.

Model SIDARTHE je popísaný sústavou ôsmych diferenciálnych rovníc, ktoré popisujú evolúciu populácie v čase:

$$\frac{dS}{dt} = -S(\alpha I + \beta D + \gamma A + \delta R) \tag{1}$$



Obr. 1: Grafická reprezentácia SIDARTHE modelu [2]

$$\frac{dI}{dt} = S(\alpha I + \beta D + \gamma A + \delta R) - (\varepsilon + \zeta + \lambda)I \tag{2}$$

$$\frac{dD}{dt} = \varepsilon I - (\eta + \rho)D\tag{3}$$

$$\frac{dA}{dt} = \zeta I - (\theta + \mu + \kappa)A \tag{4}$$

$$\frac{dR}{dt} = \eta D + \theta A - (\nu + \xi)R\tag{5}$$

$$\frac{dT}{dt} = \mu A + \nu R - (\sigma + \tau)T \tag{6}$$

$$\frac{dH}{dt} = \lambda I + \rho D + \kappa A + \xi R + \sigma T \tag{7}$$

$$\frac{dE}{dt} = \tau T \tag{8}$$

Veľké latinské písmená v rovniciach značia časť populácie a malé grécke písmená, kladné konštanty, sú prechodové parametre medzi rôznymi časťami populácie. Grafickú podobu modelu a prechodov v ňom je možné nájsť na 1.

Prechodové parametre sú definované nasledovne:

- α, β, γ a δ označujú prenosovú rýchlosť medzi ohrozeným jednotlivcom a infikovaným (I), diagnostikovaným (D), chorľavým (A) a zisteným (R) jednotlivcom (v tomto poradí).
- $\varepsilon$  a  $\theta$  označujú pravdepodobnosť detekcie asymptomatických a symptomatických jednotlivcov. Tieto parametre reflektujú pozornosť zameriavanú na epidémiu a mieru testovania; pri modelovaní zvýšenej miery testovania sú zväčšené aj tieto parametre. Parameter  $\theta$  je typicky vyšší ako  $\varepsilon$ , keďže pacienti so symptómami sú testovaní s vyššou pravdepodobnosťou.
- $\zeta$  a  $\eta$  označujú pravdepodobnosť, že sú infikovaného jednotlivca, nevedomého alebo vedomého o svojej infekcii, vyvinuté klinické symptómy ochorenia. Parametre závisia od ochorenia a čiastočne môžu byť zredukované zdravotnou starostlivosťou alebo imunitou voči vírusu.
- $\mu$  a  $\nu$  vyjadrujú tempo, ktorým si nedetekovaný alebo detekovaný jednotlivec vyvinie život-ohrozujúce symptómy. Paramatre majú takmer rovnakú hodnotu v prípade, že nie je známa špecifická liečba. Parametre môžu byť zredukované zdravotnou starostlivosťou alebo vývinom imunity voči vírusu.
- $\bullet$   $\tau$ vyjadruje tempo úmrtí. Môže byť zredukovaný kvalitnou zdravotnou starostlivosťou.
- λ, κ, ξ, ρ a δ vyjadrujú tempo uzdravenia pre všetky skupiny nakazených jednotlivcov (popísané na 1). Môžu byť medzi nimi podstatné rozdiely, ak je vyvinutá efektívna liečba pre detekovaných pacientov.

# 4 Architektúra simulačného modelu/simulátoru

Model je implementovaný v jazyku C++. Na riešenie diferenciálnych rovníc bola využitá knižnica odeint zo sady knižníc Boost.

Po spracovaní vstupných argumentov program vstupuje do cyklu, v ktorom je vykonávané riešenie diferenciálnych rovníc v časovom rozpätí a reštrikciami zadanými argumentom.

Preklad programu je vykonávaný príkazom make. Program je možné spustiť nasledovne:

./ims [-d dni] [-r reštrikcie] [-e koniec] [-f formát\_výpisu] pričom:

- -d dni: je argument vo formáte d1,d2,...,d\_n, kde d\_k je deň, počas ktorého boli zavedené nové reštrikcie. Dni musia byť zoradené od vzostupne.
- -r reštrikcie: je argument vo formáte r1,r2,...,r\_n, kde r\_k číslo reštrikcie zavedenej v deň d\_k. Počet reštrickií musí súhlasiť s počtom dní v argumente -d.
- -e koniec: posledný deň simulácie
- -f vypis: formát výpisu na štandardný výstup

Povolené hodnoty v argumente -r sú:

- 0 : nijaké opatrenia
- 1 : povedomie o pandémii, sociálny odstup, hygienické a sociálne odporúčania
- 2 : testovanie je zamerané iba na symptomatických pacientov
- 3 : polovičný lockdown, pohyb ľudí zo severu na juh Talianska, kde nebol lockdown zavedený
- 4 : celoplošný lockdown
- 5 : zvýšené testovanie a trasovanie kontaktov
- 6 : ešte prísnejší celoplošný lockdown, ako v bode 4
- 7 : oslabený celoplošný lockdown v porovnaní s bodom 4
- 8 : celoplošné testovanie a trasovanie kontaktov
- 9 : oslabený celoplošný lockdown, no zavedené celoplošné testovanie a trasovanie kontaktov

Príklad spustenia programu je:

```
./ims -d 4,12,22,28,38 -r 1,2,3,4,5 -e 350 -f 1
```

V tomto príklade sú zavádzané opatrenia 1, 2, 3, 4, 5 v dňoch 4, 12, 22, 28 a 38. Simulácia končí dňom 350.

# 4.1 Výstup programu

Výstup programu je vypísaný na **stdout**, pričom ako prvý je vypísaný čas a parametrom **-f** je možné špecifikovať formát zvyšku výstupu:

- 1 : kumulované štatistiky. Za časom je vypísaný kumulovaný relatívny počet infikovaných, aktuálny počet nakazených, počet zotavených, počet mŕtvych, počet diagnostikovaných kumulovaných, počet aktuálne infikovaných a zotavených.
- 2 : za časom je vypísaný aktuálny relatívny počet infikovaných v jednotlivých podpopuláciách v nasledujúcom poradí: nediagnotikovaní asymptomatickí, diagnostikovaní asymptomatickí, nediagnostikovaní symptomatickí, diagnostikovaných symptomatickí a diagnostikovaní so život-ohrozujúcimi symptomami.
- 3 : celkový počet mŕtvych a kumulovaný počet nakazených.
- iná hodnota : celkový počet mŕtvych.

# 5 Podstata simulačných experimentov a ich použitie

Cieľom experimentovania je zistiť, aké majú vládne opatrenia ako obmedzenie pohybu alebo testovanie vplyv na vývoj pandémie. Výsledky experimentov sú zobrazené na relatívnej škále, kde y-osa zobrazuje hodnoty zlomku populácie.

## 5.1 Postup experimentovania

Najprv boli zreprodukované experimenty z práce [2] a porovnané výsledky (experimenty 1-4). Všetky experimenty mali totožné výsledky s výsledkami spomenutej práce. Ďalej boli vykonané experimenty, ktoré ukazujú, ako protipandemické ovplyvnia opatrenia počty nakazených a počty obetí.

## 5.2 Dokumentácia experimentov

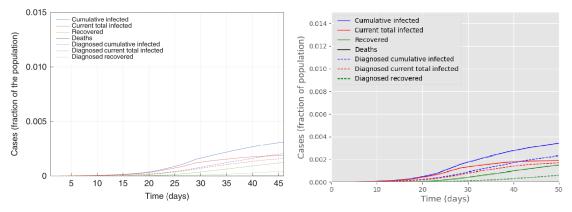
Grafy v experimentoch 1 až 4 na pravej strane sú výsledkom našej simulácie, grafy naľavo sú prevzaté z [2] pre porovnanie.

Ku každému experimentu je taktiež uvedený príkaz make, ktorým sa dá experiment spustiť.

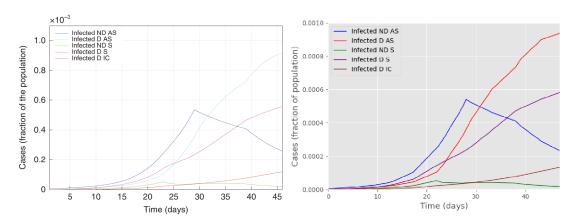
#### 5.2.1 Experiment 1

- make 2a spustenie experimentu na prvom grafe
- make 2b spustenie experimentu na druhom grafe.

Prvý experiment simuluje situáciu na základe dostupných dát z Talianska v krátkodobom horizonte 50 dní. Počas týchto 50 dní sa postupne sprísňovali opatrenia. Najviac pozorovateľná zmena je vidieť po dni 28, kedy bol zavedený celoštátny lockdown a drasticky tak začal klesať počet nediagnostikovaných asymptomatických pacientov 3.



Obr. 2: Porovnanie skutočných a diagnostikovaných pacientov

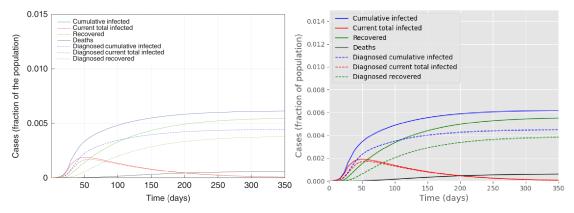


Obr. 3: Šírenie vírusu v rôznych podpopuláciách

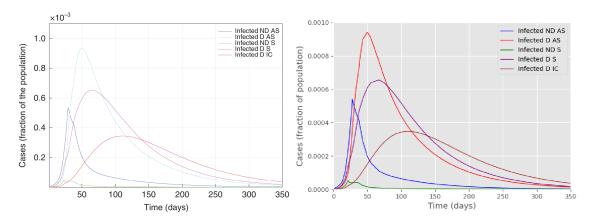
### 5.2.2 Experiment 2

V druhom experimente bolo pozorované, aký bude vývoj situácie z experimentu 1 po zvyšok roka. Môžeme pozorovať, že počet aktívnych prípadov postupne klesá, najmä vďaka zavedenému lockdownu.

- make 2c spustenie experimentu na prvom grafe
- make 2d spustenie experimentu na druhom grafe.



Obr. 4: Porovnanie skutočných a diagnostikovaných pacientov

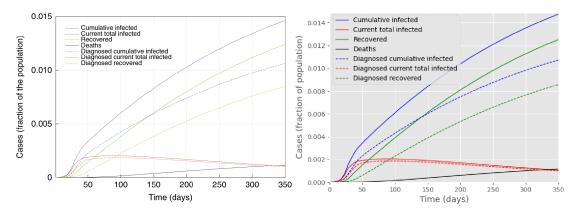


Obr. 5: Šírenie vírusu v rôznych podpopuláciách

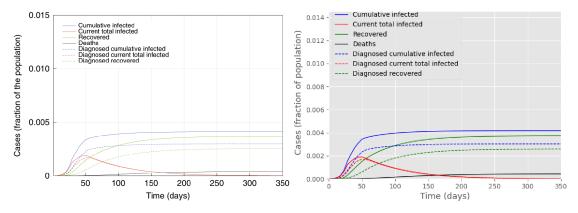
#### 5.2.3 Experiment 3

Experiment 3 porovnáva vývoj situácie, kedy by boli po 50. dni opatrenia buď uvoľnené 6, alebo na opačnej strane bol zavedený ešte prísnejší lockdown 7. Môžeme pozorovať, že prísny lockdown má výrazný efekt na vývoj situácie, počet úmrtí je o 1/3 menší ako pri uvoľnených opatreniach - 0.12% vs 0.04%.

- make 3a spustenie experimentu na prvom grafe
- make 3c spustenie experimentu na druhom grafe.



Obr. 6: Uvoľnenie opatrení po 50. dni

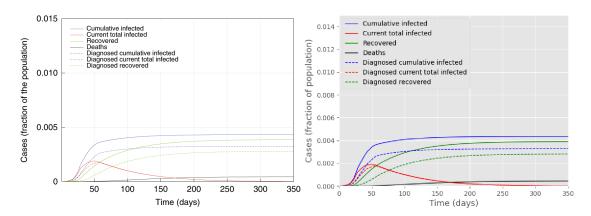


Obr. 7: Zavedenie ešte tvrdšieho lockdownu po 50. dni

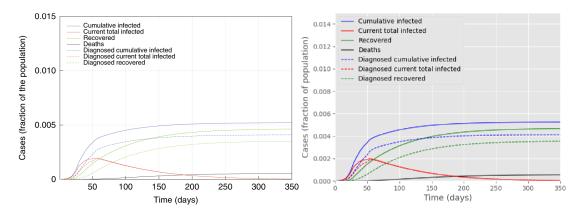
#### 5.2.4 Experiment 4

V tomto experimente zobrazený efekt testovania a trasovania kontaktov na vývoj situácie. V prvom grafe je zobrazený vývoj, kde by bolo po 50. dni nasadené celoplošné testovanie a trasovanie kontaktov bez ďalšej zmeny (v porovnaní s 4). Na druhom grafe bol zavedený jemnejší lockdown a taktiež testovanie a trasovanie kontaktov. Môžeme pozorovať, že medzi týmito scenármi je minimálny rozdiel. Počet úmrtí ostáva na rovnakej hladine  $\sim 0.05\%$  a počet celkových nakazených by bol v prvom prípade vyšší iba o 0.09%.

- make 4a spustenie experimentu na prvom grafe
- make 4c spustenie experimentu na druhom grafe.



Obr. 8: Zavedenie testovania a trasovania po 50. dni



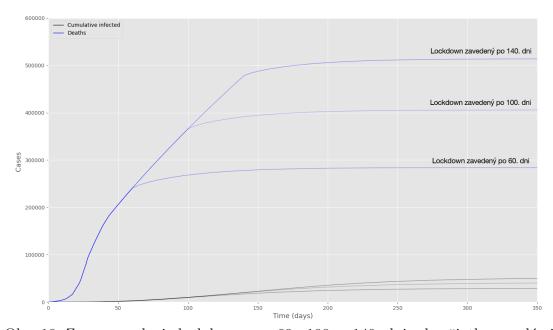
Obr. 9: Zavedenie testovania, trasovania a jemnejšieho lockdownu

#### 5.2.5 Experiment 5

Experiment vychádza z experimentu zobrazeného na grafe 6, kde boli po 50. dni rozvoľnené opatrenia až do konca simulácie. V tomto experimente bol prísny lockdown po 50. dni nasadený v 3 rozdielnych časoch. V prvom prípade bol nasadený 60. deň, teda 10 dní po rozvoľnení, čo viedlo ku celkovým 28 766 mŕtvym. V druhom prípade bol lockdown nasadený po dni 100 s celkovým počtom mŕtvych 39 995. V poslednom prípade trvalo rozvoľnenie až po deň 140 a celkový počet obetí stúpol na 49 635.

Počet nakazených pri zavedení prísnejších pravidiel po 100 dňoch je oproti zavedeniu pravidiel po 60. dni väčší o 39.0% väčší, pri zavedení pravideliel po 140. dni je oproti 60. dňu väčší dokonca o 72.5%.

- make exp5-60 prísny lockdown po dni 60
- make exp5-100 prísny lockdown po dni 100
- make exp5-140 prísny lockdown po dni 140



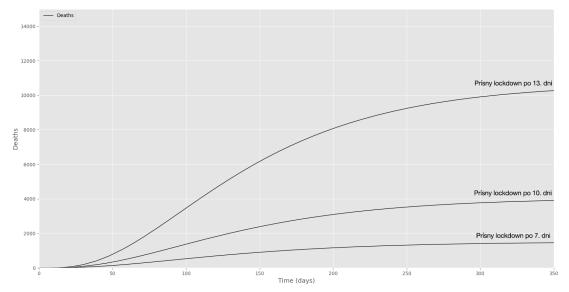
Obr. 10: Znovuzavedenie lockdownu po 60., 100. a 140. dni od začiatku pandémie

#### 5.2.6 Experiment 6

V tomto experimente bolo testované, aký efekt má zavedenie prísneho lockdownu (obdoby lockdownu zavedeného 50. deň na 7) v ranej fáze pandémie.

Na výsledných grafoch môžme pozorovať, že zavedenie lockdownu o 3 dni skôr môže viesť k dramatickému poklesu mŕtvych, a to 1457 vs 3904. Naopak, lockdown zavedený o 3 dni neskôr vedie k vyše 10269 mŕtvym v priebehu roku.

- make exp6-7 lockdown po dni 7
- make exp6-10 lockdown po dni 10
- make exp6-13 lockdown po dni 13



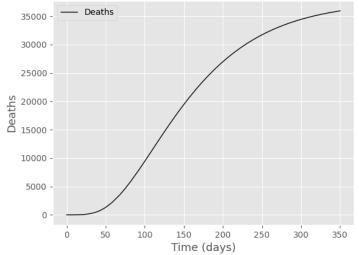
Obr. 11: Zavedenie prísneho lockdownu po 7., 10. a 13. dni od začiatku pandémie

#### 5.2.7 Experiment 7

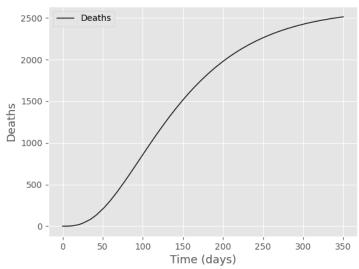
Experiment testuje, aký by bol rozdiel, ak by sa opatrenia zavádzané v experimente 2 zavádzali o polovicu rýchlejšie, teda napr. opatrenie zavedené v 38. deň je v tomto experimente zavedené už 19. deň.

Na grafoch je zobrazený počet obetí. Môžeme pozorovať, že včasné opatrenia majú na ich počet veľmi výrazný vplyv - počet obetí klesol viac ako 10-násobne, keď boli opatrenia zavádzané 2-krát rýchlejšie.

- make exp7-full opatrenia zavádzané ako v experimente 2
- make exp6-half opatrenia zavádzané v polovičnom čase



Obr. 12: Zavedenie opatrení ako v experimente 2



Obr. 13: Zavedenie opatrení v polovičnom čase

# 6 Zhrnutie simulačných experimentov a záver

Z vykonaných simulačných experimentov sme zistili, že na spomalenie šírenia epidémie má veľký vplyv prísny lockdown. Podobne efektívny však je aj uvoľnenejší lockdown v kombinácii s čo najmenším počtom sociálnych stykov. Najviac efektívne však je včasné zavádzanie opatrení, ktoré môže znížiť počet obetí viac, ako by sa dalo intuitívne očakávať. Z dostupných dát [5] vyplýva, že pre zníženie úmrtnosti je kľúčové chrániť najmä časť populácie nad 60 rokov.

Experimenty počítajú s tým, že zdravotná starostlivosť bude v čase konštantná a nepočíta sa s nákazou zdravotníkov. V realite by túto úroveň zdravotníctva pri veľmi vysokých číslach nebolo možné udržiavať a počet úmrtí by bol podstatne vyšší.

Ako je možné vidieť v experimente 5 a 6, kľúčové je reagovať a zavádzať opatrenia čo najskôr. Najevidentnejšie to je v experimente 6, kde je vidieť rozdiely medzi krivkami zobrazujúcimi počet mŕtvych po zavedení lockdownu po 7., 10. a 13. dni od začiatku pandémie. Toto tvrdenie podporuje aj experiment 7, kde bolo ukázané, že počet obetí je radikálne menší v prípade skôr zavedených opatrení.

## Literatúra

- [1] Ross Beckley, Cametria Weatherspoon, Michael Alexander, Marissa Chandler, Anthony Johnson, and Ghan S Bhatt. Modeling epidemics with differential equation, 2013.
- [2] Giulia Giordano, Franco Blanchini, Raffaele Bruno, Patrizio Colaneri, Alessandro Di Filippo, Angela Di Matteo, and Marta Colaneri. Modelling the covid-19 epidemic and implementation of population-wide interventions in italy. *Nature Medicine*, pages 1–6, 2020.
- [3] Petr Peringer and Martin Hrubý. Modelování a simulace, Text k prednáškam kurzu Modelování a simulace na FIT VUT v Brne. [online], 21.9.2020.
- [4] Guoqing Qian, Naibin Yang, Ada Hoi Yan Ma, Liping Wang, Guoxiang Li, Xueqin Chen, and Xiaomin Chen. COVID-19 Transmission Within a Family Cluster by Presymptomatic Carriers in China. *Clinical Infectious Diseases*, 71(15):861–862, 03 2020.
- [5] Conor Stewart. Italy: coronavirus death rate by age, Dec 2020.