Medición y diseño de investigación

Clase 2: Manipulación de datos

FCS-UdelaR - Martín Opertti y Fabricio Carneiro

June 27, 2023

Directorios de trabajo

Directorios de trabajo

• Para abrir en R un archivo guardado en tu computadora, debes especificar en qué carpeta está guardado. Hay muchas opciones, una de ellas es fijar un directorio por defecto (es decir, especificarle a R la carpeta en la que vamos a trabajar):

```
# Puedo fijar el directorio de trabajo con la función setwd()
# Fiiar la carpeta donde vamos a importar v exportar los archivos:
setwd("micompu/micarpeta")
getwd() # Con está función puedo consultar el directorio
# Ahora, si quiero leer un archivo que esté en "micompu/micarpeta" simplemente
# escribo su nombre dentro de la función. en el lugar del "path".
# Supongamos que tengo dentro de la carpeta "micarpeta" un excel con datos
# de desempleo en Uruguay:
library(readxl)
desempleo_uru <- read_excel("data/desempleo.xlsx")</pre>
head(desempleo_uru, 4)
## # A tibble: 4 × 2
     Year tasa
    <dbl> <dbl>
## 1 1990
           8.5
## 2 1991
           8.9
  3 1992
           8.3
## 4 1993
```

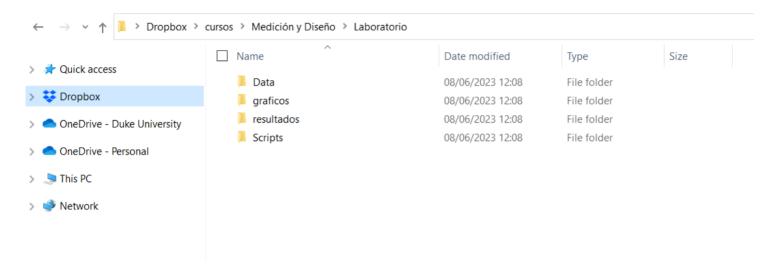
Crear una carpeta

En la computadora en la que estés trabajando debes crear una carpeta (dentro de la carpeta que prefieras o en el escritorio), con las siguientes carpetas dentro:

- Data Descargar de EVA la carpeta data dentro de la sección laboratorio y pegar el contenido aquí.
- Scripts Descargar los distintos scripts (archivos de código) del EVA y guardarlos en esta carpeta (código de la clase, ejercicios, etc.)
- graficos Crear una carpeta gráficos que por el momento esté vacía, vamos a ir incluyendo guardando archivos ahí
- resultados Crear una carpeta resultados que por el momento esté vacía, vamos a ir incluyendo guardando archivos ahí

Carpeta del curso

Deberían ver en su carpeta algo así:



Directorio de R

Al comienzo de cada script **deben** especificar el directorio donde está su carpeta del curso, de lo contrario los códigos les van a devolver errores.

En este caso, por ejemplo, creé la carpeta "cacrpeta_del_curso" dentro de una carpeta llamada "Medicion y diseño" dentro de "cursos". Para acceder al directorio completo vayan a donde esta su carpeta hagan click derecho en la carpeta, seleccionen "propiedades" y luego ahí bajo dirección pueden copiar el directorio.

```
setwd("C:/Usuario/Martin/Dropbox/cursos/Medicion y diseño/cacrpeta_del_curso")
```

De esta forma, por ejemplo, si queremos leer una base de datos llamada "datauru.xlsx" que está guardada en la carpeta data dentro de la carpeta laboratorio, simplemente tenemos que especificar la siguiente dirección (porque R ya lo va a buscar dentro de la carpeta laboratorio)

```
datauru <- read_excel("data/datauru.xlsx")
```

Importar y exportar datos

- Hasta ahora trabajamos principalmente con datos ingresados manualmente con las funciones c() y data.frame()
- Normalmente cuando trabajamos con datos solemos utilizar datos ya creados guardados en los formatos de otros programas (ej. Excel, Stata, SPSS)
- Existen varios paquetes que permiten importar y exportar datos desde distintos formatos. Algunos de los más utilizados son readr, haven, readxl y utils
- El primer paso es siempre identificar la extensión del archivo que queremos importar. Por ejemplo, las planillas excel (dependiendo de la versión) suelen tener extension .xlsx. Pueden consultar la extensión de un archivo con botón derecho + propiedades
- Luego deben identificar en qué carpeta está guardada esa base de datos.

Distintas funciones nos sirven para importar datos a R desde distintos formatos. Veamos algunos ejemplos:

```
# Con la función read_csv() del paquete readr importamos archivos .csv
library(tidyverse)
gapminder_csv <- read_csv("data/gapminder.csv")

# Con la función read_excel() del paquete readxl importamos archivos excel
library(readxl)
gapminder_excel <- read_excel("data/gapminder.xlsx")

# Vemos que los dataframes son iguales, tienen la mismas filas y columnas
dim(gapminder_csv)

## [1] 1704 6

dim(gapminder_excel)

## [1] 1704 6</pre>
```

Algunos paquetes incluyen datos, por ejemplo, gapminder. En la documentación del paquete se encuentra el nombre de los datos. Con una simple asignación los podemos cargar

```
#install.packages("gampminder")
library(gapminder)
data_gapminder <- gapminder</pre>
head(data_gapminder)
## # A tibble: 6 × 6
##
     country
                 continent year lifeExp
                                               pop gdpPercap
     <fct>
                 <fct>
                           <int>
                                    <dbl>
                                             <int>
                                                       <dbl>
##
## 1 Afghanistan Asia
                            1952
                                     28.8 8425333
                                                        779.
## 2 Afghanistan Asia
                            1957
                                     30.3 9240934
                                                        821.
## 3 Afghanistan Asia
                            1962
                                    32.0 10267083
                                                        853.
## 4 Afghanistan Asia
                            1967
                                    34.0 11537966
                                                        836.
## 5 Afghanistan Asia
                            1972
                                     36.1 13079460
                                                        740.
## 6 Afghanistan Asia
                            1977
                                     38.4 14880372
                                                         786.
```

También es posible importar datos guardados en los formatos de otros softwares estadísticos como SPSS o Stata. Para esto usaremos el paquete haven.

```
library(haven)
# SPSS
gapminder_spss <- read_spss("data/gapminder.sav")
# STATA
gapminder_stata <- read_stata("data/gapminder.dta")</pre>
```

O podríamos llamar a la función y paquete dado que generalmente solo utilizamos una función de los paquetes que cargan datos (depende del caso obviamente)

```
# SPSS
gapminder_spss <- haven::read_spss("data/gapminder.sav")
# STATA
gapminder_stata <- haven::read_stata("data/gapminder.dta")</pre>
```

R también cuenta con sus propios formatos de almacenamiento de datos (.rds y .Rdata o .rda). Este enfoque es poco práctico si queremos usar los datos almacenados en otro programa, pero muy útil si solamente usaremos R dado que mantiene la información tal cual estaba en R (por ej. tipos de variables o atributos):

Exportar datos

- También podemos guardar archivos desde R en otros formatos.
- Con readr podemos exportar archivos en formato .csv
- Con writexl podemos exportar directamente un excel.
- Con haven podemos exportar achivos en formato .dta (Stata) y .sav (SPSS)

```
# Guardar .csv
library(gapminder)
data_gapminder <- gapminder
write_excel_csv(data_gapminder, "resultados/gapminder.csv")

# Guardar excel
library(writexl)
write_xlsx(data_gapminder, "resultados/gapminder.xlsx")

# Guardar .dta (Stata)
library(haven)
write_dta(data_gapminder, "resultados/gapminder.dta")

# Guardar .sav (SPSS)
write_sav(data_gapminder, "resultados/gapminder.sav")

# Guardar .sas (SAS)
write_sas(data_gapminder, "resultados/gapminder.sas")</pre>
```

Explorar Dataframes

Resumen de un dataframe

```
dim(data_gapminder) # Número de filas y columnas
## [1] 1704
                6
names(data_gapminder) # Nombre de variables
## [1] "country" "continent" "year"
                                              "lifeExp"
                                                                         "gdpPercap"
                                                            "gog"
head(data_gapminder, 3) # Imprime primeras filas (3 en este caso)
## # A tibble: 3 × 6
                  continent year lifeExp
                                                  pop gdpPercap
     country
     <fct>
                  <fct>
                             <int>
                                      <dbl>
                                                <int>
                                                           <dbl>
## 1 Afghanistan Asia
## 2 Afghanistan Asia
## 3 Afghanistan Asia
                              1952
                                       28.8 8425333
                                                            779.
                              1957
                                       30.3 9240934
                                                            821.
                              1962
                                       32.0 10267083
                                                            853.
```

Resumen de un dataframe

Una de las funciones más utiles para resumir un dataframe es <code>glimpse()</code> del paquete dplyr o tidyverse. Es particularmente util debido a que permite un vistazo al nombre, tipo y primeros valores de **todos** las variables de un dataframe.

Tablas simples

En R Base la función para obtener frecuencias es table() junto con prop.table() y addmargins()

```
# Para obtener una tabla de frecuencias de una variable usamos la función
# table() de R Base
tabla_1 <- table(data_gapminder$continent) # Frecuencia simple
tabla_1
##
##
    Africa Americas
                                Europe Oceania
                         Asia
##
        624
                                   360
prop.table(tabla_1) # Proporciones
##
       Africa Americas
                               Asia
                                        Europe
## 0.36619718 0.17605634 0.23239437 0.21126761 0.01408451
addmargins(tabla_1) # Totales
##
##
                                Europe Oceania
    Africa Americas
                         Asia
                                                     Sum
##
        624
                          396
                                   360
                                                    1704
addmargins(prop.table(tabla_1)) # Proporciones y totales
       Africa
              Americas
                               Asia
                                        Europe
                                                  Oceania
                                                                 Sum
## 0.36619718 0.17605634 0.23239437 0.21126761 0.01408451 1.00000000
```

Estadística descriptiva

Medidas de tendencia central

```
mean(data_gapminder$lifeExp) # Media

## [1] 59.47444

median(data_gapminder$lifeExp) # Mediana

## [1] 60.7125

sd(data_gapminder$lifeExp) # Desvío estandar

## [1] 12.91711
```

Rangos

```
range(data_gapminder$lifeExp) # Rango

## [1] 23.599 82.603

max(data_gapminder$lifeExp)

## [1] 82.603

min(data_gapminder$lifeExp)

## [1] 23.599
```

Histogramas

También podemos graficar los datos rápidamente. Por ejemplo, un histograma:

```
hist(data_gapminder$lifeExp,
main = "Distribución de expectativa de vida (Gapminder)")
```

Distribución de expectativa de vida (Gapminder)

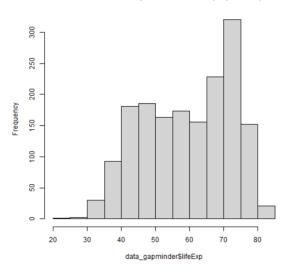
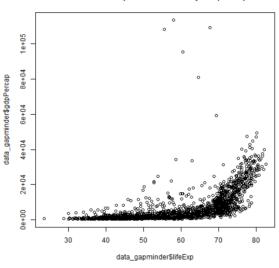


Gráfico de dispersión (scatterplot)

plot(data_gapminder\$lifeExp, data_gapminder\$gdpPercap,
main = "Relación entre expectativa de vida y PBI per cápita")

Relación entre expectativa de vida y PBI per cápita



Ejercicio

- (1) Importar el archivo excel en la carpeta data llamado "datauru"
- (2) Explorar las variables y el tipo de cada variable con la función glimpse()
- (3) Calcular la media de una variable numérica
- (4) Crear una tabla de proporciones con la distribución de la variable partido
- (5) Crear un gráfico de dispersión con las variables inflación (eje de las x) y aprobación (eje de las y)

Transformar datos

Transformar datos con dplyr

El paquete dplyr contiene funciones muy útiles para la transformación de dataframes (tibbles). Todas las funciones tienen en común que su primer argumento es un dataframe y que devuelven un dataframe. Algunas de las funciones que vamos a ver:

- filter(): filtrar observaciones en base a valores
- select(): filtrar variables
- mutate(): crear o recodificar variables
- group_by(): define grupos de valores utilizar las otras funciones
- summarise(): colapsa valores según alguna fórmula (sumar, número de casos, media, etc.)

Filtrar

Una de las tareas más comunes en el análisis de datos es filtrar observaciones en base a condiciones. Existen muchas maneras de filtrar datos en R, la función filter() de dplyr es una de las más sencillas de utilizar. El primer argumento es el dataframe y el segundo la condición por la que queremos filtrar.

Filtrar

Utilizando operadores lógicos podemos filtrar de formas más complejas:

Seleccionar variables

Con select() podemos seleccionar las variables (columnas) que queremos mantener en un dataframe. Podemos nombrarlas, seleccionar cuáles queremos eliminar y referirnos por su orden:

```
# Selccionar un conjunto de variables (país, año, población)
select(gapminder, country, year, pop)

# Selccionar todas las variables menos las especificadas
select(gapminder, -continent)

# Seleccionar un rango de variables según orden
select(gapminder, country:lifeExp)
select(gapminder, 1:3) # Orden numérico
```

Pipeline %>%

Cuando queremos realizar más de una operación a un dataframe podemos utilizar el pipeline. Como vimos, la mayoría de las funciones de dplyr que se aplican a un dataframe tienen como primer argumento el dataframe al que le queremos aplicar la función.

Con el pipeline especificamos el dataframe solamente una vez al principio, y luego todas las funciones que vamos utilizando no necesitan especificación. De esta forma nos enfocamos en la transformación y no en el objeto.

```
gapminder 07 america <- gapminder %>%
  filter(year == 2007 & continent == "Americas") %>%
  select(-continent)
print(gapminder_07_america)
## # A tibble: 25 × 5
      country
                          vear lifeExp
                                              pop gdpPercap
      <fct>
                         <int>
                                 <dbl>
##
                                            <int>
                                                      <dbl>
   1 Argentina
                          2007
                                  75.3 40301927
                                                     12779.
   2 Bolivia
                          2007
                                  65.6
                                         9119152
                                                      3822.
   3 Brazil
                          2007
                                  72.4 190010647
                                                      9066.
   4 Canada
                          2007
                                  80.7 33390141
                                                     36319.
   5 Chile
                          2007
                                  78.6 16284741
                                                     13172.
   6 Colombia
                          2007
                                  72.9 44227550
                                                      7007.
   7 Costa Rica
                          2007
                                  78.8
                                        4133884
                                                      9645.
   8 Cuba
                          2007
                                  78.3 11416987
                                                      8948.
   9 Dominican Republic
                         2007
                                  72.2 9319622
                                                      6025.
## 10 Ecuador
                          2007
                                  75.0 13755680
                                                      6873.
## # ... with 15 more rows
```

Pipeline %>%

- Una de las ventajas del Tidyverse es la facilidad con la que se puede leer e interpretar el código. Un elemento fundamental para esto es el pipeline (%>%). Es muy útil para expresar una secuencia de muchas operaciones.
- Habíamos visto varias formas de realizar esto: sobrescribir el mismo objeto, con objetos intermedios o anidando funciones.
- El pipeline del paquete magrittr hace más fácil modificar operaciones puntuales dentro de conjunto de operaciones, hace que sea más fácil leer (evitando leer de adentro hacia afuera) entre otras ventajas.
- Es recomendable evitar usar el pipeline cuando queremos trabajar más de un objeto a la vez
- x % > % f == f(x)
- Se puede leer como un "y entonces"

Otras funciones de dplyr muy útiles

- arrange() ordenar los datos según una o más variables
- rename() cambiar el nombre de las variables de un dataframe
- pull() y distinct(): con distinct() es posible identificar los valores distintos de una variable y con pull() los podemos extraer como un vector
- slice_min() y slice_max(): filtrar n observaciones de mayor o menor valor según variable. En general, la familia de funciones slice permite filtrar observaciones en función de su posición.
- count() contar observaciones por grupo
- relocate() cambiar el orden de columnas

Crear y recodificar variables

Crear variables con mutate()

El paquete dplyr contiene la función mutate() para crear nuevas variables. mutate() crea variables al final del dataframe.

```
data_gapminder <- gapminder</pre>
# Variable de caracteres
data gapminder <- mutate(data gapminder, var1 = "Valor fijo")</pre>
 # Variable numérica
data_gapminder <- mutate(data_gapminder, var2 = 7)</pre>
head(data gapminder, 3)
## # A tibble: 3 × 8
     country
                 continent year lifeExp
                                                  pop gdpPercap var1
                                                                               var2
                                      <dbl> < 111C
28.8 8425333
30.3 9240934
22.6 10267083</pre>
     <fct>
                  <fct>
                             <int>
                                      <dbl>
                                                <int>
                                                           <dbl> <chr>
                                                                              <dbl>
## 1 Afghanistan Asia
                              1952
                                                            779. Valor fiio
## 2 Afghanistan Asia
                              1957
                                                            821. Valor fijo
## 3 Afghanistan Asia
                              1962
                                                            853. Valor fijo
## Podemos escribir lo mismo de distinta manera:
data_gapminder <- mutate(data_gapminder, var1 = "Valor fijo",</pre>
                                              var2 = 7
```

Recodificar variables con mutate()

Con mutate() también podemos realizar operaciones sobre variables ya existentes:

```
## Podemos recodificar usando variables v operadores aritméticos
# Calculemos el pbi total (pbi per capita * población)
d_gap <- mutate(gapminder, gdp = gdpPercap * pop)</pre>
head(d_gap, 3)
## # A tibble: 3 × 7
     country
                 continent year lifeExp
                                               pop gdpPercap
     <fct>
                                   <dbl>
                                                       <dbl>
                 <fct>
                           <int>
                                             <int>
                                                                   <dbl>
## 1 Afghanistan Asia
                            1952
                                    28.8 8425333
                                                        779. 6567086330.
## 2 Afghanistan Asia
                            1957
                                    30.3 9240934
                                                        821, 7585448670.
## 3 Afghanistan Asia
                            1962
                                    32.0 10267083
                                                       853. 8758855797.
# Podemos calcular el logaritmo
d_gap <- mutate(d_gap, gdp_log = log(gdp))</pre>
head(d_gap, 2)
## # A tibble: 2 × 8
     country
                 continent vear lifeExp
                                             pop gdpPercap
                                                                    gdp gdp_log
     <fct>
                 <fct>
                           <int>
                                   <dbl>
                                          <int>
                                                      <dbl>
                                                                  <dbl>
                                                                          <dbl>
## 1 Afghanistan Asia
                            1952
                                                                           22.6
                                    28.8 8425333
                                                       779. 6567086330.
## 2 Afghanistan Asia
                            1957
                                    30.3 9240934
                                                       821. 7585448670.
                                                                           22.7
```

Transformaciones de tipo

Al igual que hacíamos con los vectores, podemos tranformar el tipo de una variable

```
# Exploro tipo de variables
  glimpse(d gap)
## Rows: 1,704
## Columns: 3
## $ continent <fct> Asia, ...
                                                        <int> 1952, 1957, 1962, 1967, 1972, 1977, 1982, 1987, 1992, 1997, ...
                                                        <dbl> 28.801, 30.332, 31.997, 34.020, 36.088, 38.438, 39.854, 40.8...
## $ lifeExp
  # Variable continente a caracteres v año a factor
  d gap <- d gap %>%
         _mutate(continent = as.character(continent),
                                    vear = as.factor(year))
  glimpse(d gap)
## Rows: 1,704
## Columns: 3
## $ continent <chr> "Asia", "
                                                        <fct> 1952, 1957, 1962, 1967, 1972, 1977, 1982, 1987, 1992, 1997, ...
## $ lifeExp
                                                        <dbl> 28.861, 30.332, 31.997, 34.020, 36.088, 38.438, 39.854, 40.8...
```

Recodificaciones condicionales

Recodificaciones condicionales

- Muchas veces transformar los datos implica recodificar una variable de forma condicional, esto es, asignar distintos valores en función de los valores de una o más variables.
- Para esto podemos utilizar las funciones; ifelse() (R Base), mutate(), recode() y case_when() (Tidyverse)
- Nosotros veremos recodificaciones condicionales con case_when() y mutate()

Podemos crear variables condicionales con <code>case_when()</code> del paquete dplyr. Esencialmente, con <code>ifelse()</code> (R Base) podemos lograr lo mismo que con <code>case_when()</code> (Tidyverse). <code>case_when()</code> puede resultar más sencilla de utilizar al no haber necesidad de anidar la función cuando establecemos múltiples condiciones.

Cuando trabajmos con dataframes <code>case_when()</code> se utiliza dentro de <code>mutate().case_when()</code> testea condiciones en orden (esto es importante cuando pasamos condiciones no excluyentes). <code>case_when()</code> lista condiciones para las que asigna un valor en caso de que sean verdaderas, y permite pasar múltiples condiciones. <code>TRUE</code> refiere a las condiciones no listadas. La estructura de <code>case_when()</code> es:

```
d_gap <- gapminder

# Creemos una variable que indique si el país es Uruguay o no
d_gap <- d_gap %>%
    mutate(uruono = case_when(
        country == "Uruguay" ~ "Si",
        TRUE ~ "No")
    )

table(d_gap$uruono)
```

```
## No Si
## 1692 12
```

Podemos establecer varias condiciones fácilmente:

```
## 0 1
## 1656 48
```

También podríamos usar operadores para simplificar esto:

```
d_gap <- d_gap %>%
  mutate(mercosur = case_when(
    country %in% c("Argentina", "Paraguay", "Brazil", "Uruguay") ~ 1,
  TRUE ~ 0)
)

d_gap <- d_gap %>%
  mutate(mercosur2 = case_when(
    country == "Argentina" | country == "Paraguay" |
    country == "Brazil" | country == "Uruguay" ~ 1,
  TRUE ~ 0)
)

identical(d_gap$mercosur, d_gap$mercosur2)
```

[1] TRUE

Recodificación con valores numéricos. Supongamos que queremos crear una nueva variable pob_rec, que clasifica a los países en población grande (más de 20 millones), mediana (entre 5 y 20) o pequeña (menos de 5)

```
d_gap <- d_gap %>%
    mutate(pob_rec = case_when(
        pop >= 20000000 ~ "Grande",
        pop >= 5000000 & pop < 20000000 ~ "Mediana",
        pop < 5000000 ~ "Pequeña",
        TRUE ~ "Error")
    )

table(d_gap$pob_rec)</pre>
##

##

Grande Mediana Pequeña
##

## 419 580 705
```

case_when() sirve también para recodificar una variable con condiciones basadas en múltiples variables.

Supongamos que queremos una variable que indique los países-año con expectativa de vida mayor a 75 o pbi per cápita mayor a 20.000

Ejercicio

(1) Abran un script nuevo y tomen el dataframe de gapminder (importarlo de la carpeta data o descargarlo desde el paquete gapminder como debajo, y filtrar para la base para quedarnos solamente con las observaciones América y Oceania

```
library(gapminder)
gapminder <- gapminder</pre>
```

- (2) En ese mismo dataframe con solamente las observaciones de América y Oceanía seleccionar solamente tres variables: country y lifeExp
- (3) En ese mismo dataframe, crear una nueva variable que divida la expectativa de vida en 3 categorías: "Alta" (mayor o igual a 75 años); "Media" (mayor o igual a 65 y menor a 75 y "Baja" (menor a 65 años)
- (4) Asegurarse de hacer los primeros 3 pasos en un mismo pipeline

Tablas cruzadas

Resumir datos: tablas simples

Con count() podemos hacer lo mismo que con table(), pero en el contexto del tidyverse. Con un simple mutate() podemos transformar la frecuencia simple en proporción o porcentaje

```
# Frecuencia simple
 d gap %>%
   count(continent)
## # A tibble: 5 × 2
## continent
## <fct>
               <int>
## 1 Africa
## 2 Americas
## 3 Asia
                     396
## 4 Europe
                     360
## 5 Oceania
                 24
 # Frecuencia proporción
 d_gap %>%
   count(continent) %>%
   mutate(per = n/sum(n)*100) %>% # Porcentaje
   mutate(prop = n/sum(n)) # Proporción
## # A tibble: 5 × 4
## continent n per prop
## <fct> <int> <dbl> <dbl>
## 1 Africa 624 36.6 0.366

## 2 Americas 300 17.6 0.176

## 3 Asia 396 23.2 0.232

## 4 Europe 360 21.1 0.211

## 5 Oceania 24 1.41 0.0141
```

Resumir datos: tablas cruzadas

Cuando usamos <code>count()</code> con dos variables vemos que la salida está en formato largo. Eso nos puede servir para graficar si usamos ggplot2 y para otros paquetes, pero no es como generalmente queremos leer una tabla para interpretarla.

```
# Tabla cruzada en formato largo
d gap %>%
  count(continent, pob_rec)
## # A tibble: 15 × 3
     continent pob_rec
      <fct>
               chr>
                       <int>
## 1 Africa
               Grande
   2 Africa
               Mediana
                         208
   3 Africa
               Pequeña
                         330
  4 Americas Grande
                          72
   5 Americas
               Mediana
                         130
   6 Americas
               Pequeña
                         168
               Grande
   7 Asia
   8 Asia
               Mediana
                         111
## 9 Asia
               Pequeña
                         117
               Grande
                          92
## 10 Europe
## 11 Europe
               Mediana
                         152
               Pequeña
                         116
## 12 Europe
## 13 Oceania
               Grande
## 14 Oceania
               Mediana
                          1\overline{1}
## 15 Oceania
               Pequeña
                          12
```

Resumir datos: tablas cruzadas

Para pasar a formato ancho podemos utilizar la función spread(). El primer argumento dentro de spread() es la variable que queremos que pase a ser columnas y el segundo argumento la variable que contiene los valores.

```
# Tabla cruzada en formato ancho
d_gap %>%
  count(continent, pob_rec) %>%
spread(pob_rec, n)
## # A tibble: 5 × 4
     continent Grande Mediana Pequeña
     <fct>
                <int> <int>
                                 <int>
## 1 Africa 86
## 2 Americas 72
                           208
                                    330
                                    130
                           98
## 3 Asia
                   168
                           111
                                    117
## 4 Europe
                  92
                           152
                                    116
## 5 Oceania
                           11
                                    12
```

Resumir datos: tablas cruzadas

Cuando analizamos tablas cruzadas, muchas veces queremos ver procentajes en lugar de frecuencias. Para ello podemos transformar la frecuencia en porcentaje.

```
# Porcentaje total
d_gap %>%
  count(continent, pob_rec) %>%
  mutate(n = n/sum(n)*100) %>%
  spread(pob_rec, n)
## # A tibble: 5 × 4
   continent Grande Mediana Pequeña
    <fct>
           <dbl> <dbl>
                               <dbl>
              5.05 12.2
## 1 Africa
                              19.4
## 2 Americas 4.23 5.75 7.63
## 3 Asia 9.86
                       6.51 6.87
## 4 Europe 5.40 8.92 6.81
## 5 Oceania 0.0587 0.646 0.704
```

Resumir datos: tablas cruzada

Cuando trabajamos con procentajes en tablas cruzadas, tenemos que considerar el total del %. En el ejemplo anterior el porcentaje era sobre el total, muchas veces queremos calcularlo sobre cada fila o cada columna

```
# % de paises en cada tamaño de población por continente
d_gap %>%
  count(continent, pob_rec) %>%
  mutate(n = n/sum(n)*100, .by = continent) %>%
  spread(pob_rec, n)
## # A tibble: 5 × 4
    continent Grande Mediana Pequeña
    <fct>
               <dbl>
                       <dbl>
                               <db1>
## 1 Africa
               13.8
                        33.3
                                52.9
                                43.3
## 2 Americas 24
                        32.7
## 3 Asia
               42.4
                        28.0
                                29.5
## 4 Europe
               25.6
                        42.2
                                32.2
             4.17
## 5 Oceania
                        45.8
                                50
# % de continente por tamaño de población
d_gap %>%
  count(continent, pob_rec) %>%
  mutate(n = n/sum(n) \times \overline{100}, .by = pob_rec) %>%
  spread(pob_rec, n)
## # A tibble: 5 × 4
    continent Grande Mediana Pequeña
    <fct>
               <dbl>
                       <dbl>
                               <dbl>
## 1 Africa
              20.5
                       35.9
                               46.8
## 2 Americas 17.2
                       16.9
                               18.4
## 3 Asia
              40.1
                       19.1
                               16.6
## 4 Europe
              22.0
                       26.2
                               16.5
             0.239
## 5 Oceania
                       1.90
                               1.70
```

Tablas con estadísticas descriptivas

Resumir datos con estadísticos descriptivos es una de las partes fundamentales del análisis de datos. Para ello utilizaremos la función summarise(), muchas veces en conjunto con group_by().

Escencialmente summarise() resume un dataframe en una fila según una estadística especificada. Por ejemplo, calculando la media de una variable

```
gapminder %>%
   summarise(media = mean(lifeExp, na.rm=T))

## # A tibble: 1 × 1
## media
## <dbl>
## 1 59.5

# Por ahora no hay mucha diferencia con
mean(gapminder$lifeExp, na.rm = TRUE)
```

[1] 59.47444

Hasta ahora summarise() no nos es de gran utilidad, la utilidad de summarise() es su uso conjunto con group_by(), para estimar diferentes estadísticas según grupos específicos.

Cuando utilizamos group_by() en un pipeline cambiamos la unidad de análisis desde todo el dataframe a niveles de una variable. Retomando el ejemplo, podemos ver el promedio de expectativa de vida según año:

```
gapminder %>%
  group_by(year) %>%
  summarise(media = mean(lifeExp, na.rm = T))
## # A tibble: 12 × 2
      year media
##
     <int> <dbl>
   1 1952 49.1
      1957
            51.5
   3 1962 53.6
      1967 55.7
      1972 57.6
   6 1977 59.6
      1982 61.5
      1987 63.2
   9
      1992 64.2
      1997 65.0
## 10
## 11
      2002 65.7
## 12
      2007 67.0
```

Algunas de las operaciones más utilizadas para resumir datos:

```
mean(): media
median(): mediana
sd(): desvío estandar
sum(): suma
n(): número de observaciones
n_distinct(): número de valores únicos
min() y max(): mínimo y máximo
first(): primer valor
```

Podemos utilizar más de una variable dentro de group_by(). Por ejemplo, calculemos la media de expectativa de vida por año comparando America y Europa para 1997, 2002 y 2007:

```
resumen_1 <- gapminder %>%
  filter(continent %in% c("Americas", "Europe")) %>%
   filter(year >= 1997) %>%
   group_by(continent, year) %>%
summarise(media = mean(lifeExp, na.rm = TRUE))
## `summarise()` has grouped output by 'continent'. You can override using the
## `.groups` argument.
resumen 1
## # A tibble: 6 × 3
## # Groups: continent [2]
## continent year media
## <fct> <int> <dbl>
## 1 Americas 1997 71.2
## 2 Americas 2002 72.4
## 3 Americas 2007 73.6
## 4 Europe
                 1997 75.5
                 2002 76.7
## 5 Europe
## 6 Europe
                 2007 77.6
```

Una de las grandes ventajas de summarise() es que podemos resumir muy fácilmente varias estadísticas en un solo dataframe.

```
resumen 2 <- gapminder %>%
   filter(continent %in% c("Americas", "Europe")) %>%
   filter(year == 2007) %>%
  group_by(continent)'%>%
  summarise(media = mean(gdpPercap),
             desvio = sd(gdpPercap),
             suma = sum(gdpPercap),
max = max(gdpPercap),
             min = min(gdpPercap),
             paises = n()
resumen_2
## # A tibble: 2 × 7
    continent media desvio
                                              min paises
                                suma
                                        max
     <fct>
                <dbl> <dbl>
                               <dbl> <dbl> <int>
## 1 Americas 11003. 9713. 275076. 42952. 1202.
                                                       25
## 2 Europe 25054, 11800, 751634, 49357, 5937.
                                                       30
```

Exportar tablas

Las tablas y resumenes de salida de tidyverse son dataframes. Como tales, los podemos exportar fácilmente a otros tipos de archivos. Veamos como exportar una tabla con la funcion write_xlsx() del paquete writexl. Ya habíamos creado la tabla "resumen_2", entonces con una sola línea de código la podemos guardar. La función write_xlsx() tiene dos argumentos principales, el dataframe a ser guardado y el directorio donde ser guardado junto con el nombre del archivo que vamos a crear. Tener en cuenta que si el directorio y nombre de un archivo coincide con el de otro archivo ya existente en la computadora, lo sobreeescribirá.

```
library(writexl)
writexl::write_xlsx(resumen_2, "resultados/mi_primera_tabla.xlsx")
```

Ejercicio

- (1) En el mismo script que el ejercicio anterior, utilizar count() para crear una tabla con el % de casos en cada categoría de la recodificación de expectativa de vida
- (2) Ahora crear una tabla cruzada entre country y la variable recodificada de expectativa de vida (solo con el número de casos, no %)
- (3) Hay algún país con observaciones en las tres categorías de nuestra variable?
- (4) Recrear la tabla debajo (tabla cruzada de continente y expectativa de vida recodificada, con % por fila):
- (5) Por último crear una tabla resumen con la media de la expectativa de vida y la cantidad de casos según continente