# 4 jeux de données

#### Les indicateurs

- tracer le nuage de points et la droite ajustée pour examiner la linéarité.
- utiliser la fonction acf pour exmainer la baisse de l'autocorrélation des résidus.
- tracer les résidus en fonction de l'ordre de x .
- tracer un histogramme des résidus et vérifier qu'il est gaussien autour de 0 et un Q-Q plot marche aussi.

```
# creates a data frame named datum from imported csv file
datum=read.csv(file.choose())
# check data was imported properly
# column headers of data file plus first 6 rows of data
head(datum)
# summary statistics for datum
summary(datum)
# runs a linear regression, calls results 'results'
results=lm(datum[,2]~datum[,1],data=datum)
summary(results) # prints a summary of 'results'
```

#### Hypothèse non-vérifiée par jeu de données

```
+ data1.csv : problème d'homoscédasticité.
+ data2.csv : corrélation des erreurs.
+ data3.csv : normalité des résidus.
+ data4.csv : relation linéaire.
```

## Sélection de modèle et prédiction

Dans cette partie, on s'intéresse au jeu de données du cancer de la prostate disponible dans le package lasso2 de R. Nous avons besoin d'installer le package lasso2 et charger le jeu de données comme suit

```
install.packages("lasso2", dep=TRUE)
require(lasso2)
data("Prostate")
?Prostate
```

Nous allons construire un modèle linéaire multiple pour prédire la variable 1cavol en fonction des autres variables. Le jeu de données est constitué de 97 observations. Nous allons le diviser en deux parties : un jeu de données apprentissage constitué des 70 premières observations et un jeu de données test constitué des 27 dernières observations du tableau.

Sur le jeu de données apprentissage et à l'aide de la fonction step de R

1. Mettre en oeuvre trois procédures de choix de modèle, forward, backward et dans les deux sens (forward et backward) pour sélectionner le meilleur modèle au sens du critère AIC.

```
require(lasso2)
data("Prostate")
n <- nrow(Prostate)
Prostate.train <- Prostate[1:70,]
Prostate.test <- Prostate[71:97,]
#### AIC</pre>
```

```
## forward
lm0 <- lm(lcavol ~ 1, data = Prostate.train)
lm1 <- formula(lm(lcavol~ ., data = Prostate.train))
slm.for.aic <- step(lm0, direction = "forward", scope=lm1)
## backward
lm1 <- lm(lcavol ~ ., data = Prostate.train)
slm.back.aic <- step(lm1, direction = "backward")
##both
slm.both.aic <- step(lm1, direction = "both", scope = list(lm1, lm0))</pre>
```

2. Modifier les trois procédures précédentes pour sélectionner le meilleur modèle au sens du critère BIC.

```
#### BIC
## forward
lm0 <- lm(lcavol ~ 1, data = Prostate.train)
lm1 <- formula(lm(lcavol ~ ., data = Prostate.train))
slm.for.bic <- step(lm0, direction = "forward", scope=lm1, k=log(n))
## backward
lm1 <- lm(lcavol ~ ., data = Prostate.train)
slm.back.bic <- step(lm1, direction = "backward", k=log(n))
##both
slm.both.bic <- step(lm1, direction = "both", scope = list(lm1, lm0),k=log(n))</pre>
```

3. Quel est le modèle préférable ? Justifier.

#### réponse

On préfère le modèle correspondant au critère bic car plus parcimonieux.

Nous allons maintenant comparer les erreurs de prédiction des trois modèles : le modèle sélectionné par critère AIC, le modèle sélectionné par le critère BIC et le modèle complet. Pour cela nous allons faire appel à la fonction predict de R. Pour calculer une erreur de prédiction, il suffit d'utiliser la quantité

```
mean((x-y)**2)
```

où x et y sont deux vecteurs de tailles égales. On peut assimiler y au vecteur des vraies valeurs observées d'une certaine variables et x les prédictions de ces différentes valeurs.

## Comparaison des erreurs de prédiction sur le jeu de données apprentissage

• Calculer cette erreur pour les trois modèles (AIC, BIC et modèle complet).

```
mean((predict(slm.both.bic)-Prostate.train[,"lcavol"])**2)
mean((predict(slm.both.aic)-Prostate.train[,"lcavol"])**2)
mean((predict(lm1)-Prostate.train[,"lcavol"])**2)
```

• Expliquer la hiérarchie observée ?

# réponse

La hiérarchie observée s'explique essentiellement par le nombre de variables incluses dans le modèle.

#### Comparaison des erreurs de prédiction sur le jeu de données test

• Conserver les modèles sélectionnés avec le jeu de données apprentissage et calculer l'erreur de prédiction des trois modèles (AIC, BIC et modèle complet) sur le jeu de données test.

## réponse

```
mean((predict(slm.both.bic, newdata = Prostate.test)-Prostate.test[,"lcavol"])**2)
mean((predict(slm.both.aic, newdata = Prostate.test)-Prostate.test[,"lcavol"])**2)
mean((predict(lm1, newdata = Prostate.test)-Prostate.test[,"lcavol"])**2)
```

• Quel modèle peut-on recommander pour une meilleure prédiction ?

## réponse

On remarque que le modèle sélectionné par le critère BIC possède la meilleure de prédiction de plus, il fait appel à un nombre minimal de covariables.