

## מודלים סטטיסטיים ויישומיהם 52518 תשע"ח – פתרון בוחן בית 3

להגשה עד 24.1.18 בשעה 23:55

1. הרעיון של ANOVA דו-בוני ניתן להכללה ל-ANOVA רב בוני. למשל, מודל ANOVA תלת-בוני נתון לפי

$$Y_{ijkl} = \mu_{ijk} + \epsilon_{ijkl}$$

באשר  $\epsilon_{ijkl} \sim N(0,1)$  ויבול להרשם בצורה

$$Y_{ijkl} = \mu + \alpha_i + \beta_j + \gamma_k + \delta_{ij} + \zeta_{ik} + \eta_{jk} + \theta_{ijk} + \epsilon_{ijkl}$$

עם המשקלות  $\{\pi_i\}, \{\tau_j\}, \{v_k\}$ . תהי  $H_0$  ההשערה כי כל גורמי האינטראקציות הדו-בוניות והתלת-בוניות הן 0.

א. הוכחו כי אם  $H_0$  מתקיימת עבור סט משקלות מסוים, היא מתקיימת לכל סט משקלות.

ב. כתבו תכנית R המקבלת נתונים ומפיקה  $H_0$ -k Value-k עבור ההשערה  $H_0$ . תוכלו לשימוש בעולות מובנות על

וקטוריים\מטריצות אך אסור לכם להשתמש בפונקציות סטטיסטיות מובנות. כתבו הסבר (באורק 2-1 דפים)

הסביר את אופן הפעולה של התכנית שבכתבם. הריצו את התכנית על הנתונים בקובץ popcorn.csv (הסביר  
מצוי בקובץ popcorn.txt).

א. יהיו משקלות בלשון  $\{\pi_i\}, \{\tau_j\}, \{v_k\}$ . מתקיים:

$$\begin{aligned} \bar{\mu}_{i..} &= \sum_j \sum_k \tau_j v_k \mu_{ijk}, & \bar{\mu}_{.j.} &= \sum_i \sum_k \pi_i v_k \mu_{ijk}, & \bar{\mu}_{..k} &= \sum_i \sum_j \pi_i \tau_j \mu_{ijk}, & \bar{\mu}_{ij.} &= \sum_k v_k \mu_{ijk}, \\ \bar{\mu}_{i.k} &= \sum_j \tau_j \mu_{ijk}, & \bar{\mu}_{.jk} &= \sum_i \pi_i \mu_{ijk}, & \mu &= \sum_i \sum_j \sum_k \pi_i \tau_j v_k \mu_{ijk} \\ \alpha_i &= \bar{\mu}_{i..} - \mu, & \beta_j &= \bar{\mu}_{.j.} - \mu, & \gamma_k &= \bar{\mu}_{..k} - \mu \\ \delta_{ij} &= \bar{\mu}_{ij.} - (\mu + \alpha_i + \beta_j), & \zeta_{ik} &= \bar{\mu}_{i.k} - (\mu + \alpha_i + \gamma_k), & \eta_{jk} &= \bar{\mu}_{.jk} - (\mu + \beta_j + \gamma_k), \\ \theta_{ijk} &= \mu_{ijk} - (\mu + \alpha_i + \beta_j + \gamma_k + \delta_{ij} + \zeta_{ik} + \eta_{jk}) \end{aligned}$$

לפי השערת האפס, מתקיים  $\mu_{ijk} = \mu + \alpha_i + \beta_j + \gamma_k$  עבור המשקלות  $\{\pi_i\}, \{\tau_j\}, \{v_k\}$ . נראה בעת כי זה מתקיים גם עבור המשקלות  $\{\pi_i^*\}, \{\tau_j^*\}, \{v_k^*\}$

$$\mu^* = \sum_i \sum_j \sum_k \pi_i^* \tau_j^* v_k^* \mu_{ijk} = \sum_i \sum_j \sum_k \pi_i^* \tau_j^* v_k^* (\mu + \alpha_i + \beta_j + \gamma_k) = \mu + \bar{\alpha}^* + \bar{\beta}^* + \bar{\gamma}^*$$

באשר

$$\bar{\alpha}^* = \sum_i \pi_i^* \alpha_i, \quad \bar{\beta}^* = \sum_j \tau_j^* \beta_j, \quad \bar{\gamma}^* = \sum_k v_k^* \gamma_k$$

באופן דומה,

$$\bar{\mu}_{i..}^* = \mu + \alpha_i + \bar{\beta}^* + \bar{\gamma}^*, \quad \bar{\mu}_{.j.}^* = \mu + \bar{\alpha}^* + \beta_j + \bar{\gamma}^*, \quad \bar{\mu}_{..k}^* = \mu + \bar{\alpha}^* + \bar{\beta}^* + \gamma_k$$

ומתקבלים:

$$\alpha_i^* = \alpha_i - \bar{\alpha}^*, \quad \beta_j^* = \beta_j - \bar{\beta}^*, \quad \gamma_k^* = \gamma_k - \bar{\gamma}^*$$

בעת נסמן:

$$\begin{aligned} \bar{\mu}_{ij.}^* &= \sum_k v_k^* \mu_{ijk} = \mu + \alpha_i + \beta_j + \bar{\gamma}^* \\ \bar{\mu}_{i.k}^* &= \sum_k \tau_j^* \mu_{ijk} = \mu + \alpha_i + \bar{\beta}^* + \gamma_k \\ \bar{\mu}_{.jk}^* &= \sum_k \pi_i^* \mu_{ijk} = \mu + \bar{\alpha}^* + \beta_j + \gamma_k \end{aligned}$$

ולבן:

$$\begin{aligned} \delta_{ij}^* &= \bar{\mu}_{ij.}^* - (\mu^* + \alpha_i^* + \beta_j^*) = (\mu + \alpha_i + \beta_j + \bar{\gamma}^*) - (\mu + \bar{\alpha}^* + \bar{\beta}^* + \bar{\gamma}^* + \alpha_i - \bar{\alpha}^* + \beta_j - \bar{\beta}^*) \\ &= (\mu + \alpha_i + \beta_j + \bar{\gamma}^*) - (\mu + \bar{\gamma}^* + \alpha_i + \beta_j) = 0 \end{aligned}$$

$$\begin{aligned} \zeta_{ik}^* &= \bar{\mu}_{i.k}^* - (\mu^* + \alpha_i^* + \gamma_k^*) = (\mu + \alpha_i + \bar{\beta}^* + \gamma_k) - (\mu + \bar{\alpha}^* + \bar{\beta}^* + \bar{\gamma}^* + \alpha_i - \bar{\alpha}^* + \gamma_k - \bar{\gamma}^*) \\ &= (\mu + \alpha_i + \bar{\beta}^* + \gamma_k) - (\mu + \bar{\beta}^* + \alpha_i + \gamma_k) = 0 \end{aligned}$$

$$\begin{aligned}\eta_{jk}^* &= \bar{\mu}_{jk}^* - (\mu^* + \beta_j^* + \gamma_k^*) = (\mu + \bar{\alpha}_j^* + \beta_j + \gamma_k) - (\mu + \bar{\alpha}_j^* + \bar{\beta}_j^* + \bar{\gamma}_k^* + \beta_j - \bar{\beta}_j^* + \gamma_k - \bar{\gamma}_k^*) \\ &= (\mu + \bar{\alpha}_j^* + \beta_j + \gamma_k) - (\mu + \bar{\alpha}_j^* + \beta_j + \gamma_k) = 0\end{aligned}$$

בלומר גם תחת המשקלות  $\{\pi_i^*\}, \{\tau_j^*\}, \{\eta_k^*\}$  גורמי האינטראקציה הזוגית מתאפסים (ובהתאם גם האינטראקציה המשולשת).

ב. הפונקציה מקבלת `data frame` וARBעה אינדקסים – המציגנים את מספרי העמודות של ב"א מהגורמים וכן את מספר העמודה של המשתנה התלוי. ביוון שהוכחנו בסעיף הקודם כי חוסר תלות אינה קשורה לבחירת משקלות, השתמש בסט משקלות אחידים (אשר ערביתם במטריצה  $X$  יצטמצמו לבודי  $\pm 1$ ).

קוד R:

```
threeaway <- function(data, A_idx, B_idx, C_idx, y_idx) {
  # יצירת וקטורי הגורמים והמשתנה התלוי
  A <- factor(data[, A_idx])
  B <- factor(data[, B_idx])
  C <- factor(data[, C_idx])
  y <- as.numeric(data[, y_idx])

  # מציאת הערכבים
  I <- nlevels(A)
  J <- nlevels(B)
  K <- nlevels(C)
  N <- nrow(data)

  # יצירת תתי מטריצות אשר ירכיבו יחד את המודל המלא
  Xm <- matrix(1, ncol = 1, nrow = N)
  XA <- matrix(0, ncol = I - 1, nrow = N)
  XB <- matrix(0, ncol = J - 1, nrow = N)
  XC <- matrix(0, ncol = K - 1, nrow = N)
  XAB <- matrix(0, ncol = (I - 1) * (J - 1), nrow = N)
  XAC <- matrix(0, ncol = (I - 1) * (K - 1), nrow = N)
  XBC <- matrix(0, ncol = (J - 1) * (K - 1), nrow = N)
  XABC <- matrix(0, ncol = (I - 1) * (J - 1) * (K - 1), nrow = N)

  # עבור כל שורה, שומרים את הרמה של כל גורם
  for(n in 1:N) {
    i <- as.numeric(A[n])
    j <- as.numeric(B[n])
    k <- as.numeric(C[n])

    # טיפול גורמים בודדים
    if(i <= I - 1) { #Y_i
      XA[n,i] <- 1
    } else { #Y_I
      XA[n,] <- rep(-1, ncol(XA))
    }
    if(j <= J - 1) { #Y_j
      XB[n,j] <- 1
    } else { #Y_J
      XB[n,] <- rep(-1, ncol(XB))
    }
    if(k <= K - 1) { #Y_k
      XC[n,k] <- 1
    } else { #Y_K
      XC[n,] <- rep(-1, ncol(XC))
    }

    # טיפול באינטראקציות זוגיות
    if(i <= I - 1) {
      if(j <= J - 1) { #Y_ij
        XAB[n,(i-1)*J+j] <- 1
      }
    }
  }
}
```

```

XAB[n, i + j - 1] <- 1
}
else{ #Y_ij
  XAB[n, ] <- rep(-1, ncol(XAB))
}
if(k <= K - 1){ #Y_ik
  XAC[n, i + k - 1] <- 1
}
else{ #Y_iK
  XAC[n, ] <- rep(-1, ncol(XAC))
}
}
else{
  if(j <= J - 1){ #Y_Ij
    XAB[n, ] <- rep(-1, ncol(XAB))
  }
  else{ #Y_IJ
    XAB[n, ] <- rep(1, ncol(XAB))
  }
  if(k <= K - 1){ #Y_Ik
    XAC[n, ] <- rep(-1, ncol(XAC))
  }
  else{ #Y_IK
    XAC[n, ] <- rep(1, ncol(XAC))
  }
}
if(j <= J - 1){
  if(k <= K - 1){ #Y_jk
    XBC[n, j + k - 1] <- 1
  }
  else{ #Y_jK
    XBC[n, ] <- rep(-1, ncol(XBC))
  }
}
else{
  if(k <= K - 1){ #Y_Jk
    XBC[n, ] <- rep(-1, ncol(XBC))
  }
  else{ #Y_JK
    XBC[n, ] <- rep(1, ncol(XBC))
  }
}

# טיפול באינטראקציה משולשת
if((i <= I - 1) && (j <= J - 1) && (k <= K - 1)){ #Y_jk
  XABC[n, i + j + k - 2] <- 1
}
else{

```

נשים לב כי אם רק אחד מהגורמים בערך מקסימלי אז שמים 1-, אם שני גורמים אז 1 ואם שלושת הגורמים שוב # 1- ולבן נובל לשים פשוט 1- בחזקת מספר הגורמים שערם מקסימלי

```

t <- ((i == I) + (j == J) + (k == K))
XABC[n, ] <- rep((-1)^t, ncol(XABC))
}
}
```

**בנייה המטריצות למודל החלקי והמלא #**

```

X0 <- cbind(Xm, XA, XB, XC)
X <- cbind(X0, XAB, XAC, XBC, XABC)
```

**חישוב האומדיים למודלים #**

```

tau_hat_0 <- solve(t(X0) %*% X0) %*% t(X0) %*% y
tau_hat <- solve(t(X) %*% X) %*% t(X) %*% y
```

**חישוב דרגות החופש #**

```

df <- N - length(tau_hat)
d <- length(tau_hat) - length(tau_hat_0)
# חישוב וקטורי התוצאות
y_hat <- X %*% tau_hat
y_hat_0 <- X0 %*% tau_hat_0
# חישוב וקטורי השגיאות
e <- y - y_hat
e_0 <- y_hat - y_hat_0
# חישוב המונה והמבנה של סטטיסטי F
MSE_0 <- sum(e_0^2) / d
MSE <- sum(e^2) / df

# חישוב הסטטיסטי ומיציאת p-val
F_stat <- MSE_0 / MSE
pval <- pf(q = F_stat, df1 = d, df2 = df, lower.tail = F)
return(pval)
}

> D <- read.csv("popcorn.csv")
> threeway(data = D, A_idx = 1, B_idx = 2, C_idx = 3, y_idx = 4)
[1] 2.12123e-15

```

בלומר נדחה את השערת חוסר האינטראקציה בנתוני הקובץ popcorn.

2. במודל לוג-ליינארי עם 4 משתנים A, B, C, AB, AC, AD, BC, D, בchner את המודל המוביל את גורמי λ הבאים: BD, CD, ABC, BCD

$$\psi_{jk}^{AD}(i, i', l, l') = \frac{\pi_{ijkl}\pi_{i'jkl'}}{\pi_{ijkl'}\pi_{i'jkl}}$$

הוכחו כי עבור  $i, i', l, l'$  נתונים,  $\psi_{jk}^{AD}(i, i', l, l')$  אינו תלוי ב- $j$  או  $k$ .

$$\theta_{ijkl} = \bar{\theta}_{...} + \lambda_i^A + \lambda_j^B + \lambda_k^C + \lambda_l^D + \lambda_{ij}^{AB} + \lambda_{ik}^{AC} + \lambda_{il}^{AD} + \lambda_{jk}^{BC} + \lambda_{jl}^{BD} + \lambda_{kl}^{CD} + \lambda_{ijk}^{ABC} + \lambda_{jkl}^{BCD}, \quad \pi_{ijkl} = e^{\theta_{ijkl}}$$

$$\psi_{jk}^{AD}(i, i', l, l') = \frac{\pi_{ijkl}\pi_{i'jkl'}}{\pi_{ijkl'}\pi_{i'jkl}} = \frac{e^{\theta_{ijkl}}e^{\theta_{i'jkl'}}}{e^{\theta_{ijkl'}}e^{\theta_{i'jkl}}} = \frac{e^{\theta_{ijkl}+\theta_{i'jkl'}}}{e^{\theta_{ijkl'}+\theta_{i'jkl}}} = e^{\theta_{ijkl}+\theta_{i'jkl'}-\theta_{ijkl'}-\theta_{i'jkl}}$$

$$\begin{aligned} \theta_{ijkl} + \theta_{i'jkl'} - \theta_{ijkl'} - \theta_{i'jkl} \\ &= (\bar{\theta}_{...} + \lambda_i^A + \lambda_j^B + \lambda_k^C + \lambda_l^D + \lambda_{ij}^{AB} + \lambda_{ik}^{AC} + \lambda_{il}^{AD} + \lambda_{jk}^{BC} + \lambda_{jl}^{BD} + \lambda_{kl}^{CD} + \lambda_{ijk}^{ABC} + \lambda_{jkl}^{BCD}) \\ &\quad + (\bar{\theta}_{...} + \lambda_{i'}^A + \lambda_j^B + \lambda_k^C + \lambda_{l'}^D + \lambda_{i'l'}^{AB} + \lambda_{i'k}^{AC} + \lambda_{i'l'}^{AD} + \lambda_{jk}^{BC} + \lambda_{jl'}^{BD} + \lambda_{kl'}^{CD} + \lambda_{i'jk}^{ABC} + \lambda_{jkl'}^{BCD}) \\ &\quad - (\bar{\theta}_{...} + \lambda_i^A + \lambda_j^B + \lambda_k^C + \lambda_{l'}^D + \lambda_{ij}^{AB} + \lambda_{ik}^{AC} + \lambda_{il'}^{AD} + \lambda_{jk}^{BC} + \lambda_{jl'}^{BD} + \lambda_{kl'}^{CD} + \lambda_{ijk}^{ABC} + \lambda_{jkl'}^{BCD}) \\ &\quad - (\bar{\theta}_{...} + \lambda_{i'}^A + \lambda_j^B + \lambda_k^C + \lambda_l^D + \lambda_{i'j}^{AB} + \lambda_{i'k}^{AC} + \lambda_{i'l}^{AD} + \lambda_{jk}^{BC} + \lambda_{jl}^{BD} + \lambda_{kl}^{CD} + \lambda_{i'jk}^{ABC} + \lambda_{jkl}^{BCD}) \end{aligned}$$

בשים לב כי האברים הבאים מצטמצמים:

$$\bar{\theta}_{...}, \lambda_i^A, \lambda_{i'}^A, \lambda_j^B, \lambda_k^C, \lambda_l^D, \lambda_{l'}^D, \lambda_{ij}^{AB}, \lambda_{i'j}^{AB}, \lambda_{ik}^{AC}, \lambda_{i'k}^{AC}, \lambda_{il}^{AD}, \lambda_{jl}^{BD}, \lambda_{jl'}^{BD}, \lambda_{kl}^{CD}, \lambda_{kl'}^{CD}, \lambda_{ijk}^{ABC}, \lambda_{i'jk}^{ABC}, \lambda_{jkl}^{BCD}, \lambda_{jkl'}^{BCD}$$

ונקבל:

$$\theta_{ijkl} + \theta_{i'jkl'} - \theta_{ijkl'} - \theta_{i'jkl} = (\lambda_{il}^{AD} + \lambda_{i'l'}^{AD} - \lambda_{il'}^{AD} - \lambda_{i'l}^{AD})$$

בלומר מתקיים:

$$\psi_{jk}^{AD}(i, i', l, l') = e^{\theta_{ijkl}+\theta_{i'jkl'}-\theta_{ijkl'}-\theta_{i'jkl}} = e^{\lambda_{il}^{AD}+\lambda_{i'l'}^{AD}-\lambda_{il'}^{AD}-\lambda_{i'l}^{AD}}$$

וזה ביטוי שאינו תלוי ב- $k, j$ , בנדראה.

3. בקובץ `titanic.csv` נמצאים פרטי הנוסעים על ספינת הטיטאניק, بما שמוסבר בקובץ `titanic.txt`. משטנה התגובה הוא `Survived` ויתר המשתנים הם המניבאים.

א. קראו את הנתונים ב-R והסירו עמודות בהן לא תשמשו. הסבירו את בחירתם. לאחר הסרת העמודות הללו, הסירו שורות עם ערבים חסרים.

**אזהרה:** בחיים האמיתיים, מחיקת רשומות עם מידע חסר אינה גישה מקובלת וישנן שיטות להתחמಡות עם מצבים כאלה, אולם הן אינן חלק מהחומר בקורס זה.

ב. בנו מודל וגרסיה לוגיסטיבית מתאים. מהם המשתנים בעלי רמת המובהקות הגבוהה יותר?

ג. הריצו את כדי בדיקת המודל בהם השתמשו בקורס ונסו לשפר את המודל ע"י הוספה טרנספורמציה על המשתנה `age` או גורם לא-lienari של המשתנה `age`. הוספה של גורם טרנספורמציה אחת תספק, דברו לבול את כל הגורמים הרלוונטיים.

ד. הוסיפו עמודה חדשה לנוטונים בשם `child`, משתנה ביןארי המציין האם הנוסע צעיר מ-15 שנים או לא. הסירו את העמודה `age` ואת העמודות שהוסਪתח בעניף ג'.

ה. בנו מודל וגרסיה לוגיסטיבית תחת אוסף הנתונים המעודכנים. האם ניבר שינוי (בהקשר של מובהקות משתנים)?

באשר נתונים ברגסיה ליאנארית ובANOVA, שיטה נפוצה להשוואה בין מודלים היא מבחן F. במקרה של ורגסיה לוגיסטיבית, איננו יכולים להשתמש בה ביוון שמתקיים  $\{e_i \in \{0,1\} | y_i = \hat{y}_i\}$ . במקומו, השתמש בכליה הקרוי Analysis of Deviance (ניתוח שיטה, AoD), שהוא למעשה מבחן יחס נראות. פונקציית R הרלוונטיות משווה בין שני מודלים באמצעות מבחן נתון, עליום לקרוא לה באופן

`anova(reduced,full,test = "Chisq")`

באשר `reduced` ו-`full` הם שני אובייקטי `lm` המייצגים את שני המודלים. סטטיסטי המבחן הוא הפרש בין פונקציות הנראות של המודלים (MOVED ב-2) וההתפלגות המקורבת שלו, לפי משפט Wilks, הוא  $\chi^2$  עם מספר דרגות חופש השווה להפרש במספר הפרמטרים בין שני המודלים.

1. נרצה לבדוק את ההשערה הפופולרית 'נשים וילדים קודם'. נסחו את  $H_1, H_0$  בהתאם.  
ד. בנו שני מודלי ורגסיה לוגיסטיבית אשר ייצגו את השערותיכם ובחנו את  $-Value-p$  של בדיקת ההשערות הנ"ל באמצעות הפונקציה `library(AoD)`.

3

## a + b

Passenger ID and name mean nothing for the prediction, as well as the ticket and cabin codes (which is a sparse vector). We shall also remove rows with missing data.

```
D <- read.csv("titanic.csv")
D <- D[,-c(1,4,9,11)]
D <- D[-which(is.na(D$Age) | D$Embarked == ""),]
l <- glm(data = D, Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"))
summary(l)

##
## Call:
## glm(formula = Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"),
##      data = D)
##
## Deviance Residuals:
##       Min        1Q     Median        3Q       Max
## -2.7233  -0.6447  -0.3799   0.6326   2.4457
##
## Coefficients:
##             Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept) 5.637407  0.634550  8.884 < 2e-16 ***
## Pclass      -1.199251  0.164619 -7.285 3.22e-13 ***
## Sexmale     -2.638476  0.222256 -11.871 < 2e-16 ***
## Age         -0.043350  0.008232 -5.266 1.39e-07 ***
## SibSp       -0.363208  0.129017 -2.815  0.00487 **
## Parch       -0.060270  0.123900 -0.486  0.62666
## Fare        0.001432  0.002531  0.566  0.57165
## EmbarkedQ   -0.823545  0.600229 -1.372  0.17005
## EmbarkedS   -0.401213  0.270283 -1.484  0.13770
##
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
## Null deviance: 960.90 on 711 degrees of freedom
## Residual deviance: 632.34 on 703 degrees of freedom
## AIC: 650.34
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 5
```

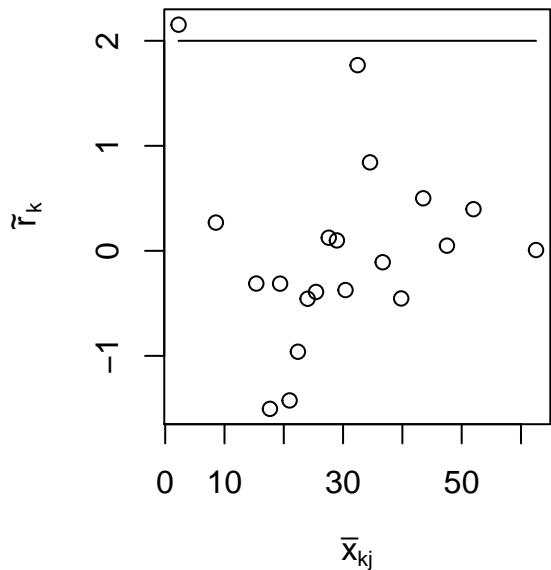
We can see that the more significant predictors are a passenger's class, sex and age. The number of siblings / spouses aboard (*SibSp*) is of lesser significance level.

## c

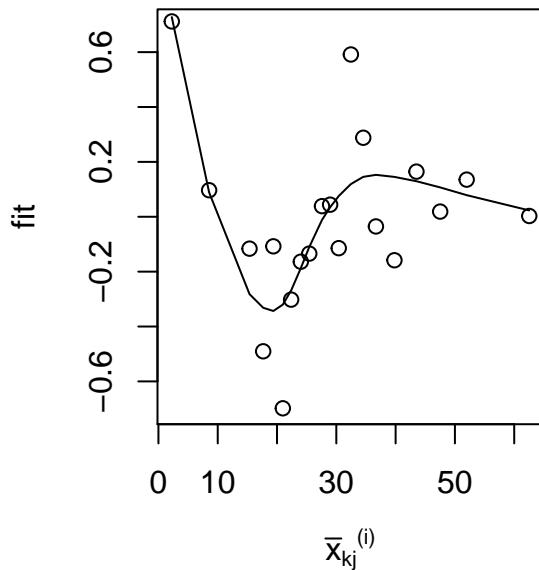
The file “logcheck.R” contains the r function specified in “logcheck1.pdf”, with modifications to handle empty bins and print the plots instead of creating pdf files.

```
source("logcheck.R")
par(mfrow=c(1,2))
resid_anal(D$Age, D$Survived, l$fitted, 20, "Age")
```

## Norm. Res. for Age



## Fit vs. Ordered Res. for Age

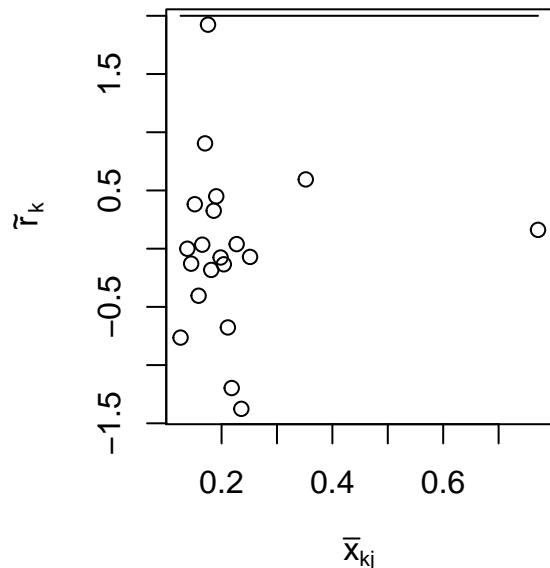


We can see an apparent outlier. Adding  $\frac{1}{\sqrt{age}}$  solves this:

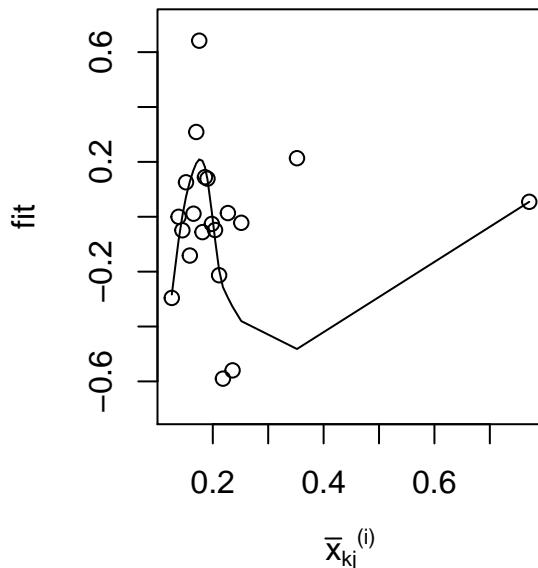
```
par(mfrow=c(1,2))
D$k <- (D$Age)^-0.5
12 <- glm(data = D, Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"))
summary(12)
```

```
##
## Call:
## glm(formula = Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"),
##      data = D)
##
## Deviance Residuals:
##    Min      1Q   Median      3Q     Max 
## -3.0586 -0.6428 -0.3867  0.5991  2.3634 
##
## Coefficients:
##             Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)    
## (Intercept) 3.945119  0.767011  5.143  2.7e-07 ***
## Pclass      -1.108503  0.167237 -6.628  3.4e-11 ***
## Sexmale     -2.755470  0.228354 -12.067 < 2e-16 ***
## Age        -0.018152  0.010442 -1.738  0.082160  
## SibSp       -0.452604  0.136767 -3.309  0.000935 ***
## Parch      -0.165629  0.130908 -1.265  0.205788  
## Fare        0.002594  0.002672  0.971  0.331538  
## EmbarkedQ  -0.746019  0.602144 -1.239  0.215369  
## EmbarkedS  -0.347314  0.277438 -1.252  0.210620  
## k          3.685336  1.119622  3.292  0.000996 ***
## ---      
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Dispersion parameter for binomial family taken to be 1
##
## Null deviance: 960.90 on 711 degrees of freedom
## Residual deviance: 617.51 on 702 degrees of freedom
## AIC: 637.51
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 5
resid_anal(D$k, D$Survived, 12$fitted, 20, "1/sqrt(age)")
```

### Norm. Res. for 1/sqrt(age)



### Fit vs. Ordered Res. for 1/sqrt(ag)



$d + e$

```
D$child <- 0 + (D$Age < 15)
D <- D[,-c(4,9)]
12 <- glm(data = D, Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"))
summary(12)
```

```
##
## Call:
## glm(formula = Survived ~ . , family = binomial(link = "logit"),
##      data = D)
##
## Deviance Residuals:
##      Min        1Q        Median         3Q        Max 
## -2.8293   -0.6952   -0.4498    0.6528    2.3601 
## 
## Coefficients:
##             Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)    
## (Intercept) 3.603481  0.470370  7.661 1.85e-14 ***
## Pclass      -0.931146  0.149618 -6.223 4.86e-10 ***
## Sexmale     -2.724419  0.223967 -12.164 < 2e-16 ***
## SibSp       -0.483550  0.140726 -3.436  0.00059 ***
## Parch       -0.197221  0.127801 -1.543  0.12279  
## Fare        0.003529  0.002736  1.290  0.19716  
## EmbarkedQ   -0.665405  0.575758 -1.156  0.24780  
## EmbarkedS   -0.350747  0.271973 -1.290  0.19718  
## child       2.005549  0.398121  5.038 4.72e-07 ***
## ---      
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## 
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
## 
## Null deviance: 960.90 on 711 degrees of freedom
## Residual deviance: 634.12 on 703 degrees of freedom
## AIC: 652.12
## 
## Number of Fisher Scoring iterations: 5
```

Changing the *Age* predictor into a Boolean one resulted in the same significance level for itself and a higher significance level for *SibSp*.

$f + g$

For the hypothesis ‘Women and children first’, the proper hypotheses are  $H_0 : \hat{\beta}_{sex} = \hat{\beta}_{child} = 0$ ;  $H_1 : (\hat{\beta}_{sex} \neq 0) \vee (\hat{\beta}_{child} \neq 0)$ .

```
reduced <- glm(data = D, Survived ~ Pclass + SibSp + Parch +
  Fare + Embarked, family = binomial(link = "logit"))
full <- glm(data = D, Survived ~ Pclass + SibSp + Parch +
  Fare + Embarked + Sex + child, family = binomial(link = "logit"))
anova(reduced, full, test = "Chisq")
```

```
## Analysis of Deviance Table
```

```
##
## Model 1: Survived ~ Pclass + SibSp + Parch + Fare + Embarked
## Model 2: Survived ~ Pclass + SibSp + Parch + Fare + Embarked + Sex + child
##   Resid. Df Resid. Dev Df Deviance Pr(>Chi)
## 1      705     850.22
## 2      703     634.12  2    216.1 < 2.2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

As the p-value of the AoD result is  $< 2.2 \cdot 10^{-16}$ , we’ll reject the null hypothesis for practically any given significance level.