

Projetos de Software no Contexto de Filogenética

```
graph TD; Root[Projetos de Software no Contexto de Filogenética] --- A[Alinhamento de Sequências]; Root --- B[Inferência Filogenética]; Root --- C[Pacotes e Portais]; Root --- D[Seleção de Modelos]; B --- B1[Inferência Bayesiana]; B --- B2[Matrizes de Distâncias]; B --- B3[Máxima Parcimônia]; B --- B4[Máxima Verossimilhança]; B4 --- B4a[Elaboração de Árvores Filogenéticas]; B4 --- B4b[Outras Finalidades]; B4a --- B4a1[com Heurísticas];
```

Alinhamento de Sequências

Inferência Filogenética

Inferência Bayesiana

Matrizes de Distâncias

Máxima Parcimônia

Máxima Verossimilhança

Elaboração de Árvores Filogenéticas

com Heurísticas

Outras Finalidades

Pacotes e Portais

Seleção de Modelos