

Guide Complet des Commandes Geneweb

Date de création : 10 septembre 2025

Version analysée : Master branch

Description : Documentation complète de toutes les commandes et outils Geneweb

Table des Matières

1. Vue d'ensemble des outils
 2. Serveur Web - gwd
 3. Compilateur - gwc
 4. Export/Import
 5. Maintenance et réparation
 6. Outils d'analyse
 7. Utilitaires système
 8. Exemples d'utilisation
-

Vue d'ensemble des outils

Geneweb fournit un ensemble complet d'outils en ligne de commande pour gérer les bases de données généalogiques :

Classification des outils

Outils principaux

gwd	# Serveur web principal
gwc	# Compilateur de bases .gw → .gwb
gwu	# Export base → .gw
gwsetup	# Interface de configuration

Import/Export

ged2gwb	# Import GEDCOM → Geneweb
gwb2ged	# Export Geneweb → GEDCOM

Maintenance

gwfibase	# Réparation et optimisation
consang	# Calcul de consanguinité
connex	# Analyse de connexité

Utilitaires

gwdiff	# Comparaison de bases
cache_files	# Génération de caches

update_nldb # Mise à jour NLDB

Serveur Web - gwd

Fonction : Serveur web principal de Geneweb pour interface utilisateur

Syntaxe

gwd [options]

Options principales

Configuration réseau

-a <ADDRESS>	# Adresse IP spécifique (défaut: toutes)
-p <PORT>	# Port d'écoute (défaut: 2317)
-daemon	# Mode daemon Unix
-cgi	# Mode CGI forcé

Répertoires et fichiers

-bd <DIR>	# Répertoire des bases (défaut: "bases")
-hd <DIR>	# Répertoire etc/images/lang (défaut: "gw")
-etc_prefix <DIR>	# Répertoire etc spécifique
-images_prefix <DIR>	# Répertoire images spécifique
-images_dir <DIR>	# Nom relatif du répertoire images

Sécurité et authentification

-auth <FILE>	# Fichier d'autorisation "user:password"
-digest	# Schéma d'autorisation Digest (plus sécurisé)
-friend <PASSWD>	# Mot de passe "ami"
-cgi_secret_salt <STRING>	# Sel secret pour les digests de formulaire

Performance et gestion

-n_workers <NUM>	# Nombre de workers (défaut: 20)
-max_pending_requests <NUM>	# Requêtes en attente max (défaut: 150)
-conn_tmout <SEC>	# Timeout connexion (défaut: 120s)
-login_tmout <SEC>	# Timeout login CGI (défaut: 1800s)
-cache-in-memory <DATABASE>	# Précharger base en mémoire

Langue et localisation

-lang <LANG>	# Langue par défaut (défaut: fr)
-blang	# Détecter langue navigateur

```
-add_lexicon <FILE>      # Ajouter fichier lexique
-cache_langs             # Langues lexique à mettre en cache
```

Debug et logging

```
-debug                  # Mode debug activé
-log <FILE>             # Fichier de log ("- pour stdout)
-log_level <N>         # Niveau syslog (défaut: 6)
-min_disp_req          # Nb min requêtes trace robot (défaut: 6)
```

Options avancées

```
-allowed_tags <FILE>    # Tags HTML autorisés
-no-images <HOST>       # Pas d'images pour cet hôte
-only <FILE>            # Seules adresses autorisées
-redirected_addr <URL>  # Redirection d'adresse
-robot_xcl <FILE>       # Exclusion robots
-setup_link             # Lien vers page setup
-trace_failed_passwd    # Tracer échecs mot de passe
-wizard_passwd <PASSWD> # Mot de passe sorcier
```

Exemples d'utilisation

Démarrage basique

```
gwd
```

Serveur sur port spécifique avec authentification

```
gwd -p 8080 -auth users.txt
```

Mode daemon avec log

```
gwd -daemon -log /var/log/geneweb.log
```

Configuration complète

```
gwd -bd /var/geneweb/bases -hd /usr/share/geneweb \
    -auth auth.txt -friend secret123 -lang en -p 2317
```

Compilateur - gwc

Fonction : Compile les fichiers sources .gw en bases de données .gwb

Syntaxe

```
gwc [options] [files]
```

Types de fichiers

- Fichiers source : Extension .gw
- Fichiers objet : Extension .gwo
- Base de données : Extension .gwb

Options principales

Compilation et sortie

```
-o <file>          # Base de sortie (défaut: <input>.gwb)
-c                # Compilation seulement (pas de base)
-gwo              # Supprimer .gwo après création base
-f               # Forcer (supprimer base existante)
```

Répertoires

```
-bd <DIR>          # Répertoire des bases (défaut: ".")
```

Traitement des données

```
-cg                # Calculer consanguinité
-ds <str>          # Source par défaut pour personnes/familles
-nc               # Pas de vérification cohérence
-nofail           # Pas d'échec en cas d'erreur
-nopicture        # Pas de photos associatives
```

Gestion mémoire

```
-mem              # Économiser mémoire (plus lent)
-nolock           # Pas de verrouillage base
```

Notes de base

```
-bnotes [drop|erase|first|merge]
# Comportement notes de base
# drop: supprimées
# erase: effacer contenu actuel
# first: supprimer si contenu non vide
# merge: concaténer (défaut)
```

Exemples d'utilisation

```
# Compilation simple
gwc famille.gw
```

```
# Compilation avec nom de base spécifique
gwc -o ma_famille famille.gw
```

```

# Compilation avec calcul de consanguinité
gwc -cg -o famille_complete famille.gw

# Compilation multiple avec gestion mémoire
gwc -mem -f famille1.gw famille2.gw -o base_complete

# Compilation avec source par défaut
gwc -ds "État civil de Paris" -o paris famille_paris.gw

```

Export/Import

gwu - Export vers format .gw

Fonction : Exporte une base .gwb vers format texte .gw

Syntaxe

gwu <BASE> [OPTIONS]

Options de sélection

-key <KEY>	# Personne racine (format: "Prénom.occ NOM")
-a <N>	# Générations d'ascendants max
-d <N>	# Générations de descendants max
-ad <N>	# Générations ascendants-descendants max
-isolated	# Exporter personnes isolées
-parentship	# Sélection par parenté entre paires de clés

Options de contenu

-c <NUM>	# Censure si né < NUM années (sauf Public)
-nn	# Pas de notes base
-nnn	# Pas de notes du tout
-nopicture	# Pas d'extraction photos
-picture-path	# Extraire chemins photos
-all_files	# Tout le contenu notes_d dans .gw

Options techniques

-o <FILE>	# Fichier sortie (défaut: stdout)
-odir <dir>	# Créer fichiers par nom original
-charset [ASCII ANSEL ANSI UTF-8]	# Jeu caractères
-mem	# Économiser mémoire
-raw	# Sortie brute (pas conversion UTF-8)
-old_gw	# Pas de champs additionnels (compatibilité < 7.00)

Exemples

```
# Export complet
gwu ma_base -o export_complet.gw

# Export ascendants/descendants d'une personne
gwu ma_base -key "Pierre.0 MARTIN" -a 5 -d 3 -o martin_famille.gw

# Export avec censure (personnes < 100 ans)
gwu ma_base -c 100 -o export_public.gw

# Export parenté entre deux personnes
gwu ma_base -key "Jean.0 DUPONT" -key "Marie.0 DURAND" -parentship -o parente.gw
```

gwb2ged - Export vers GEDCOM

Fonction : Exporte une base .gwb vers format GEDCOM standard

Syntaxe

```
gwb2ged <BASE> [OPTIONS]
```

Options (identiques à gwu plus)

```
-indexes           # Exporter index dans GEDCOM
-s <SN>            # Sélectionner ce nom (utilisable plusieurs fois)
-source <SRC>      # Remplacer sources individus/familles
-v                # Mode verbeux
```

Exemples

```
# Export GEDCOM complet
gwb2ged ma_base -o export.ged

# Export avec index
gwb2ged ma_base -indexes -o export_index.ged

# Export famille spécifique
gwb2ged ma_base -s "MARTIN" -s "BERNARD" -o martin_bernard.ged
```

ged2gwb - Import depuis GEDCOM

Fonction : Importe un fichier GEDCOM vers base Geneweb

Syntaxe (script Python détecté)

```
ged2gwb [-h] [-o OUTPUT] [-f FILE] [--options] [input]
```

Options détectées

```
-o OUTPUT, --output OUTPUT # Base Geneweb de sortie
-f FILE, --file FILE      # Fichier GEDCOM (méthode alternative)
-fne, --first-names-not-extracted # Pas extraction prénoms
--lower-first-names       # Prénoms en minuscules
--charset {ansel,ansi,ascii,msdos,macintosh,utf8} # Encodage
--alive ALIVE             # Années pour être vivant
--dead DEAD               # Années pour être mort
--no-check                # Pas de vérification base
```

Maintenance et réparation

gwfibase - Réparation et optimisation

Fonction : Répare, optimise et reconstruit les index d'une base

Syntaxe

gwfibase [OPTION] base

Options principales

```
-dry-run          # Ne pas appliquer (seulement afficher)
-index            # Reconstruire index (activé par autres options)
-fast            # Mode rapide (plus de mémoire)
-o               # Dump personnes dans fichier
```

Vérifications et réparations

```
-dump            # Lister personnes
-families-children # Enfants des familles
-families-parents # Parents des familles
-fevents-witnesses # Témoins événements familiaux
-invalid-utf8     # UTF-8 invalide
-marriage-divorce # Mariages/divorces
-person-key       # Clés personnes
-persons-NBDS     # Personnes NBDS
-persons-families # Familles des personnes
-persons-parents  # Parents des personnes
-pevents-witnesses # Témoins événements personnels
```

Mode silencieux

```
-q             # Mode silencieux
-qq           # Mode très silencieux
```

Exemples

```
# Reconstruction index simple
gwfixbase ma_base

# Vérification sans modification
gwfixbase -dry-run ma_base

# Réparation complète avec toutes vérifications
gwfixbase -index -families-children -persons-families ma_base

# Mode rapide pour grandes bases
gwfixbase -fast -index ma_base
```

consang - Calcul de consanguinité

Fonction : Calcule les coefficients de consanguinité dans la base

Syntaxe

```
consang [options] <base>
```

Options

-fast	<i># Plus rapide (plus de mémoire)</i>
-mem	<i># Économiser mémoire (plus lent réécriture)</i>
-nolock	<i># Pas de verrouillage base</i>
-scratch	<i># Recalcul depuis zéro</i>
-q	<i># Mode silencieux</i>
-qq	<i># Mode très silencieux</i>

Exemples

```
# Calcul standard
consang ma_base

# Calcul rapide (pour grandes bases)
consang -fast ma_base

# Recalcul complet
consang -scratch ma_base

# Mode silencieux
consang -q ma_base
```

Outils d'analyse

connex - Analyse de connexité

Fonction : Analyse les composantes connexes de la base

Syntaxe

```
connex <base> [options]
```

Options d'analyse

```
-a                # Toutes composantes connexes
-bf              # Par fichiers d'origine
-s              # Produire statistiques
-d <int>         # Détail pour cette longueur
```

Options de nettoyage

```
-del <int>        # Supprimer branches taille <= valeur
-cnt <int>        # Supprimer cnt branches taille <= -del
-exact           # Supprimer seulement taille = -del exactement
```

Options de sortie

```
-o <file>         # Sortie vers fichier
-i <file>         # Ignorer ce fichier
```

Connexion serveur

```
-server <string>  # Nom serveur (défaut: 127.0.0.1)
-gwd_p <number>  # Port gwd (défaut: 2317)
```

Exemples

```
# Analyse statistiques
connex ma_base -s
```

```
# Toutes composantes connexes
connex ma_base -a -o connexes.txt
```

```
# Nettoyage branches <= 5 personnes
connex ma_base -del 5
```

```
# Analyse par fichiers origine
connex ma_base -bf -o analyse_origine.txt
```

gwdiff - Comparaison de bases

Fonction : Compare deux bases de données généalogiques

Syntaxe

```
gwdiff [options] base1 base2
```

Options obligatoires

```
-1 <fn> <occ> <sn>          # Personne départ base1 (obligatoire)
-2 <fn> <occ> <sn>          # Personne départ base2 (obligatoire)
```

Options de comparaison

```
-d                          # Vérifier descendants (défaut)
-ad                         # Vérifier descendants de tous ascendants
```

Options de sortie

```
-html <root>                # Format HTML pour rapport
-mem                        # Économiser mémoire (plus lent)
```

Exemples

```
# Comparaison simple
gwdiff -1 "Pierre" 0 "MARTIN" -2 "Pierre" 0 "MARTIN" base1 base2

# Comparaison avec descendants des ascendants
gwdiff -1 "Jean" 0 "DUPONT" -2 "Jean" 0 "DUPONT" -ad base1 base2

# Rapport HTML
gwdiff -1 "Marie" 0 "BERNARD" -2 "Marie" 0 "BERNARD" \
      -html /tmp/rapport base_old base_new
```

Utilitaires système

gwsetup - Configuration système

Fonction : Interface de configuration pour Geneweb

Syntaxe

```
gwsetup [options]
```

Options

```
-bd <dir>                # Répertoire bases installées
-bindir <string>         # Répertoire binaires (défaut: -gd)
-daemon                  # Mode daemon Unix
-gd <string>             # Répertoire gwsetup
-gwd_p <number>          # Port gwd (défaut: 2317)
-lang <string>           # Langue par défaut
-only <file>             # Fichier adresses autorisées seules
-p <number>              # Port gwsetup (défaut: 2316)
```

Exemples

```
# Démarrage standard
gwsetup
```

```
# Configuration personnalisée
gwsetup -bd /var/geneweb -p 8080 -lang fr
```

```
# Mode daemon
gwsetup -daemon -gwd_p 2317 -p 2316
```

update_nldb - Mise à jour NLDB

Fonction : Met à jour la base de données de liens naturels

Syntaxe

```
update_nldb [options] <base>
```

Options

```
-bd <DIR>                # Répertoire bases (défaut: ".")
-debug                  # Mode debug
```

cache_files - Génération de caches

Fonction : Génère les fichiers de cache pour accélération

Syntaxe

```
cache_files [options] base
```

Options de cache

```
-al                      # Alias
-all                    # Tout
-es                      # Domaines
```

```

-fn                # Prénoms
-fna               # Ajouter alias prénoms
-oc               # Professions
-pl               # Lieux
-pu               # Noms publics
-qu               # Qualificatifs
-sn               # Noms de famille
-sna              # Ajouter alias noms

```

Options système

```

-bd <DIR>          # Répertoire bases
-prog              # Barre de progression

```

Exemples

```

# Cache complet
cache_files -all ma_base

# Cache noms et lieux
cache_files -sn -fn -pl ma_base

# Cache avec barre de progression
cache_files -all -prog ma_base

```

Exemples d'utilisation

Workflow complet : GEDCOM → Geneweb → Web

```

# 1. Import GEDCOM
ged2gwb famille.ged -o ma_famille

# 2. Compilation en base Geneweb
gwc -cg -o ma_famille famille.gw

# 3. Calcul consanguinité
consang ma_famille

# 4. Réparation et optimisation
gwfixbase -index ma_famille

# 5. Génération caches
cache_files -all ma_famille

```

```
# 6. Démarrage serveur web  
gwd -bd . -p 2317 -auth users.txt
```

Maintenance régulière

```
# Vérification intégrité  
gwfibase -dry-run ma_base
```

```
# Nettoyage connexité  
connex ma_base -s -del 2
```

```
# Mise à jour consanguinité  
consang -fast ma_base
```

```
# Reconstruction index  
gwfibase -index ma_base
```

Export sélectif

```
# Export famille complète (5 générations)  
gwu ma_base -key "Jean.0 MARTIN" -a 5 -d 5 -o martin_famille.gw
```

```
# Export GEDCOM public (censure < 100 ans)  
gwb2ged ma_base -c 100 -o export_public.ged
```

```
# Export par nom de famille  
gwb2ged ma_base -s "MARTIN" -s "BERNARD" -o martin_bernard.ged
```

Configuration serveur production

```
# Serveur sécurisé avec logs  
gwd -daemon \  
-bd /var/geneweb/bases \  
-hd /usr/share/geneweb \  
-auth /etc/geneweb/users.txt \  
-digest \  
-log /var/log/geneweb.log \  
-p 2317 \  
-n_workers 50 \  
-max_pending_requests 200
```

Comparaison et synchronisation

```
# Comparaison deux versions base  
gwdiff -1 "Pierre" 0 "MARTIN" -2 "Pierre" 0 "MARTIN" \  
-html /tmp/diff base_v1 base_v2
```

```
# Analyse différences connectivité
connex base_v1 -a -o v1_connex.txt
connex base_v2 -a -o v2_connex.txt
diff v1_connex.txt v2_connex.txt
```

Résumé des bonnes pratiques

Workflow recommandé

1. **Import** : `ged2gwb` ou création `.gw`
2. **Compilation** : `gwc -cg` avec consanguinité
3. **Vérification** : `gwfibase -dry-run`
4. **Optimisation** : `gwfibase -index`
5. **Cache** : `cache_files -all`
6. **Serveur** : `gwd` avec configuration sécurisée

Précautions importantes

- Toujours sauvegarder avant `gwfibase` sans `-dry-run`
- Tester avec `-dry-run` avant modifications
- Utiliser `-mem` pour économiser mémoire sur grandes bases
- Configurer **authentification** pour serveur public
- Monitorer logs en production

Optimisations performance

- `-fast` pour calculs sur grandes bases
 - `cache_files` pour accélération interface
 - `-n_workers` ajusté selon CPU
 - `-cache-in-memory` pour bases fréquemment consultées
-

Document généré le 10 septembre 2025

Basé sur l'analyse des commandes Geneweb disponibles