

Os Laboratórios devem ser desenvolvidos em equipes , utilizando a linguagem de programação C. No arquivo deve constar o nome dos integrantes da equipe. Estudar a ferramenta graphviz: <http://www.graphviz.org/>

Os laboratórios serão disponibilizados como tarefas no moodle. Para cada laboratório será definido um período para ser desenvolvido pela equipe. Não serão aceitos trabalhos enviados por e-mail !!! todos devem ser submetidos via moodle !!!

Os arquivos quando submetidos no moodle devem ser identificados pelo nome de cada equipe, seguido pela identificação do algoritmo que estiver sendo implementado. Por exemplo:

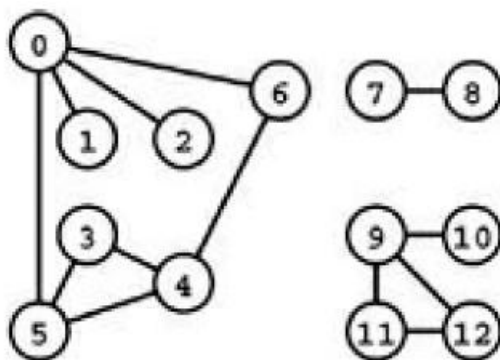
Joao_Maria_Jose_dijkstra.c

Todos os algoritmos devem ser implementados como funções de um único programa. O nome dado a cada função deve ser associado ao algoritmo que está sendo implementado. Por exemplo: Dijkstra, Bellman-Ford, centralidade, Fleury, dentre outros.

No cabeçalho de cada **função** (algoritmo) deve constar um resumo do que o código da função implementa.

Entrada de dados: a entrada de dados (grafo) deve ser padronizada em um arquivo .txt:

Por exemplo, dado o grafo da figura abaixo:



Este grafo pode ser representado através da seguinte entrada de dados via arquivo .txt:

```
0:  1  2  5  6
1:  0
2:  0
3:  4  5
4:  3  5  6
5:  0  3  4
6:  0  4
7:  8
8:  7
9: 10 11 12
10:  9
11:  9 12
12:  9 11
```

Interface com o usuário: Cada equipe deve gerar uma interface gráfica, onde através desta interface é possível seleccionar o algoritmo/função que deseja-se executar.

Saida de dados: utilizar a ferramenta graphviz para gerar saídas no formato de grafos.

<http://www.graphviz.org/>

Atenção: Os códigos desenvolvidos devem ser comentados adequadamente.